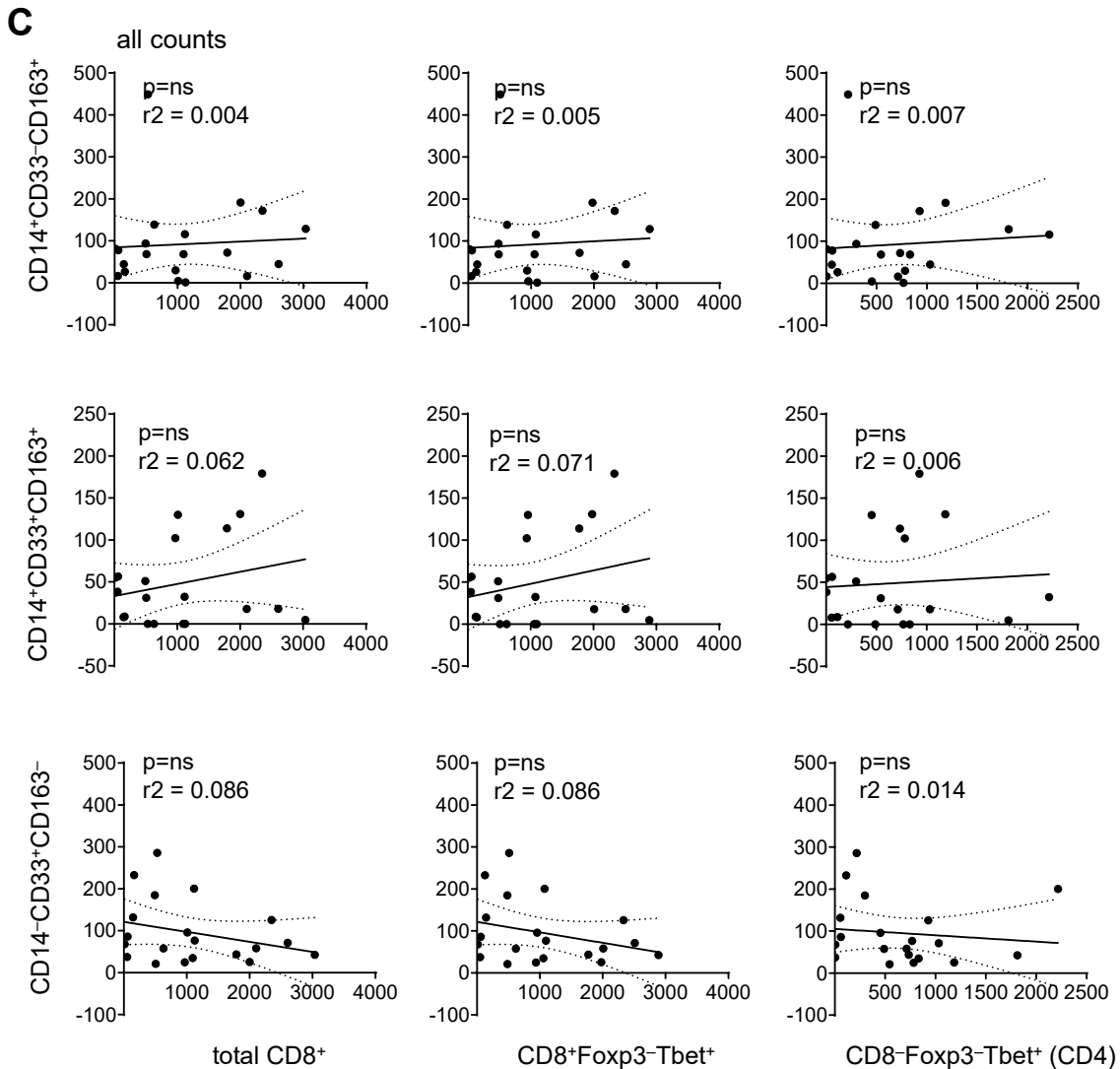
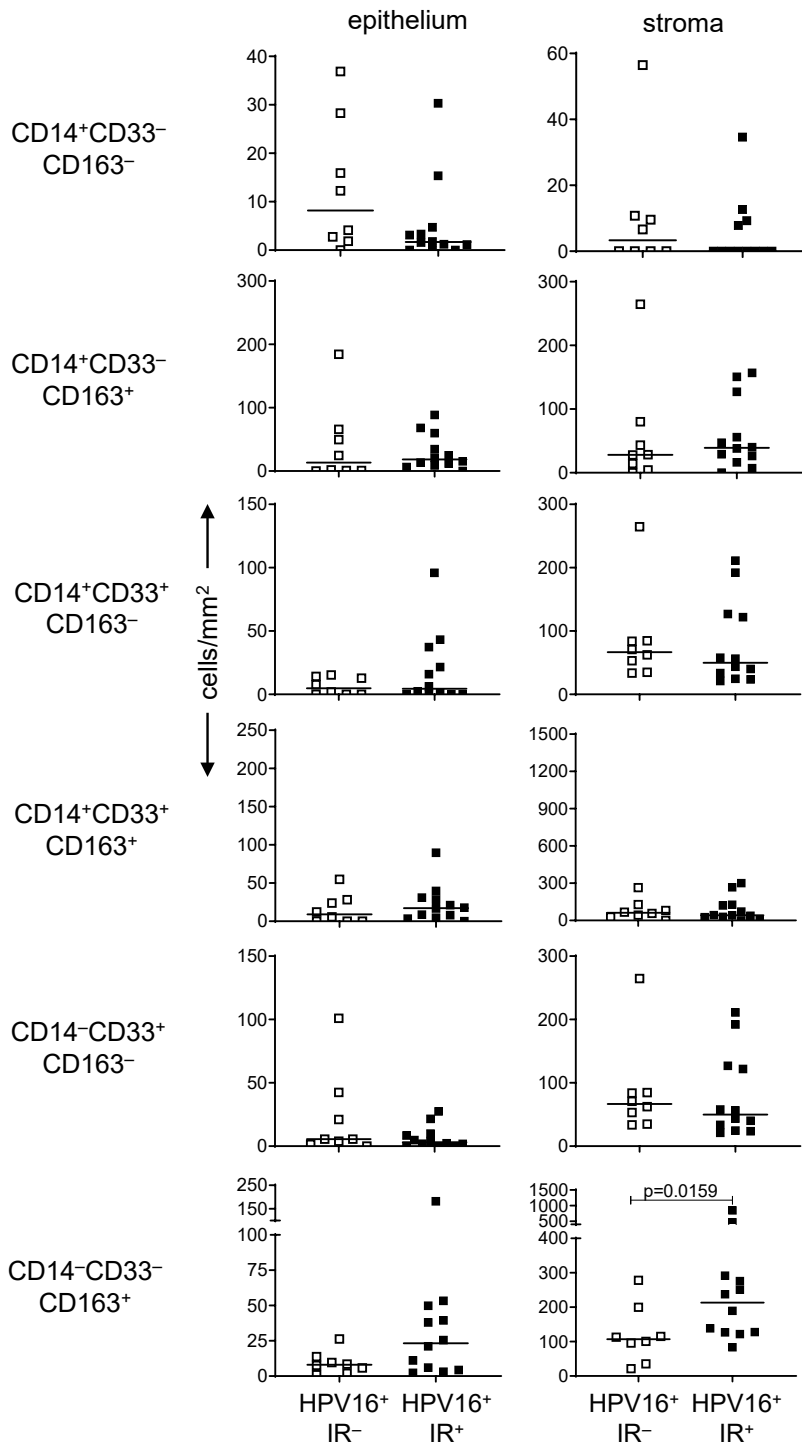


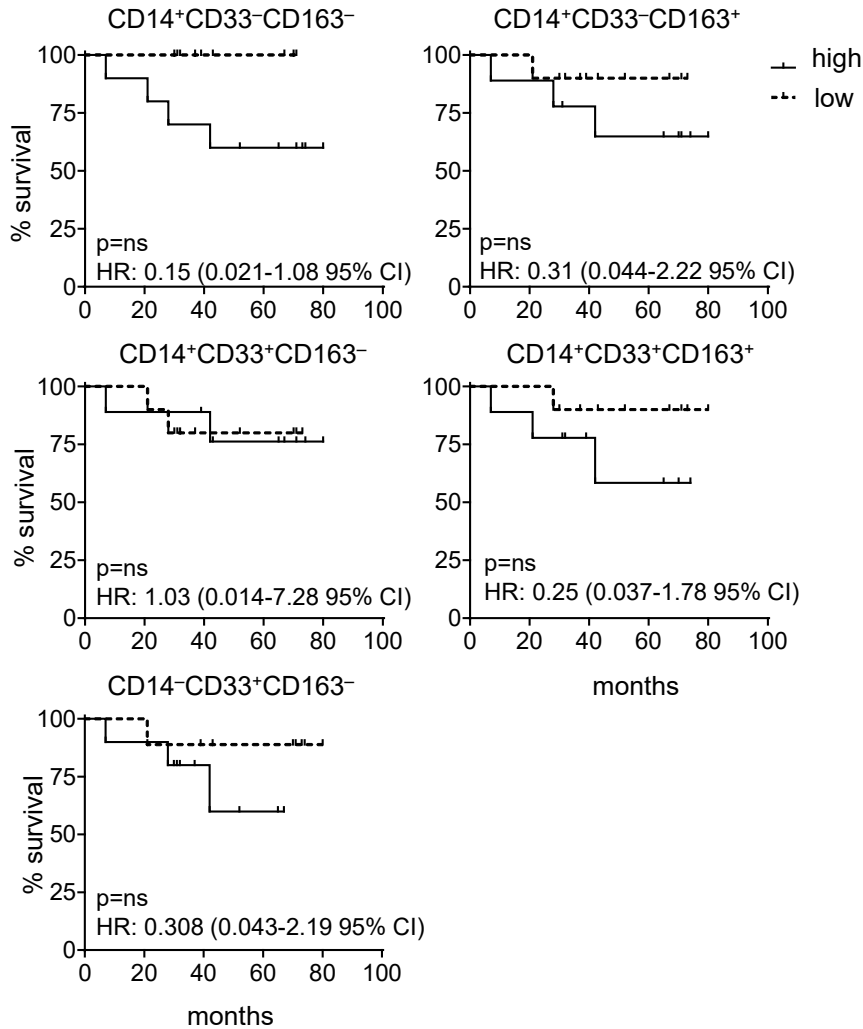
Supplementary figure S1 (continuous on next page)



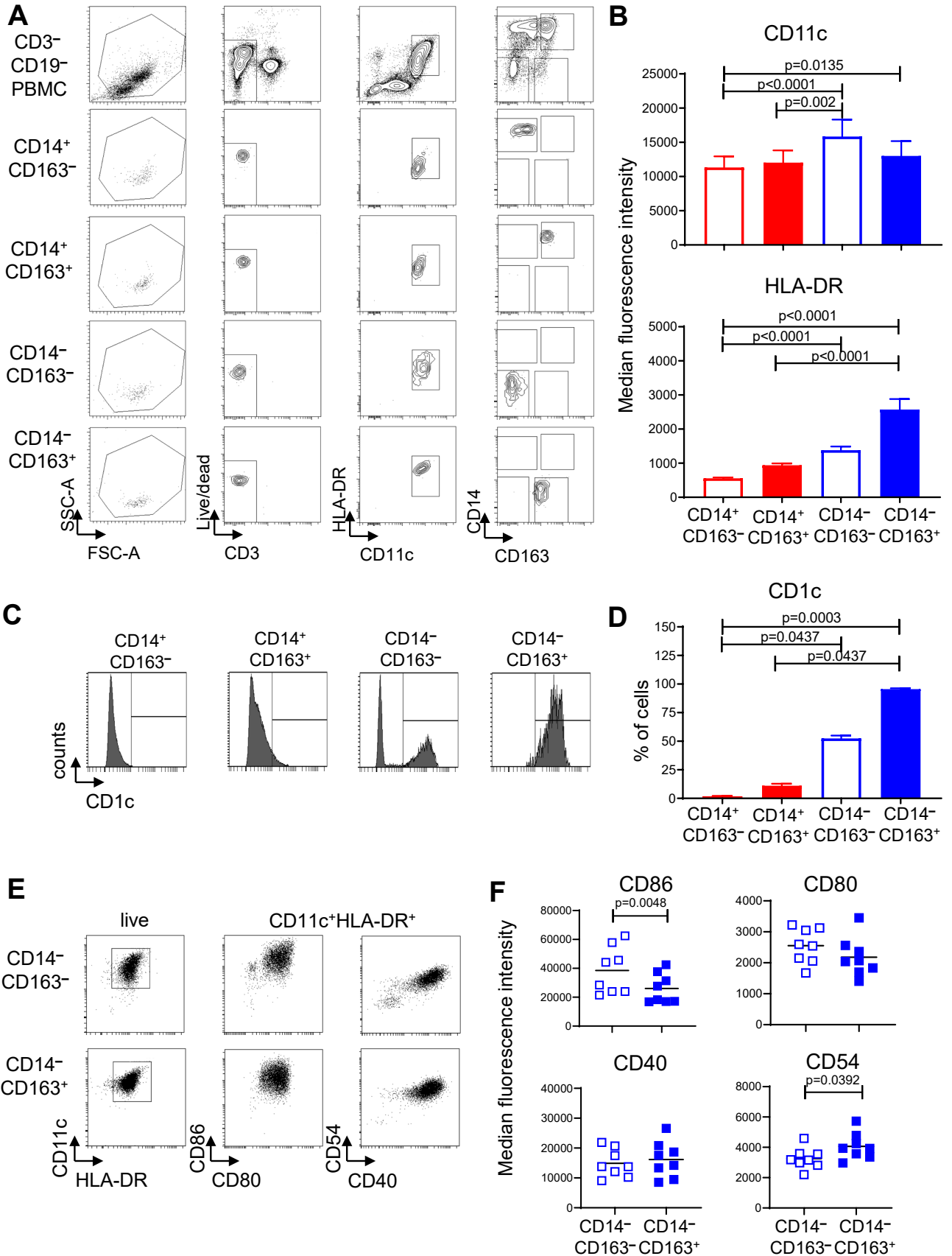
Supplementary figure S1. The numbers of epithelial and stromal CD14-CD33-CD163⁺ cells are highly correlated and both are significantly correlated with infiltration of T cells. Scatter plots and correlation analysis between (A) the number of cells/mm² in epithelium (Y-axis) and stroma (X-axis) for indicated myeloid cells and (B) the number of CD14-CD33-CD163⁺ cells/mm² (Y-axis) and indicated T cells at the horizontal axis for epithelial (top) and stromal infiltrates (bottom) and (C) the number of total CD14⁺CD33-CD163⁺, CD14⁺CD33⁺CD163⁺ and CD14-CD33⁺CD163⁻ cells/mm² (epithelium + stroma; Y-axis) and total CD8⁺, CD8⁺Foxp3-Tbet⁺ and CD4-Foxp3-Tbet⁺ (CD4) (from left to right; X-axis) cells/mm² (n=20). Pearson's correlation with the coefficient of determination (r^2) and p-value is depicted for each correlation analysis. The dotted lines represent the 95% confidence interval. Data for total CD8⁺, CD8⁺Foxp3-Tbet⁺ and CD8-Foxp3-Tbet⁺ (CD4) have been described before [3].



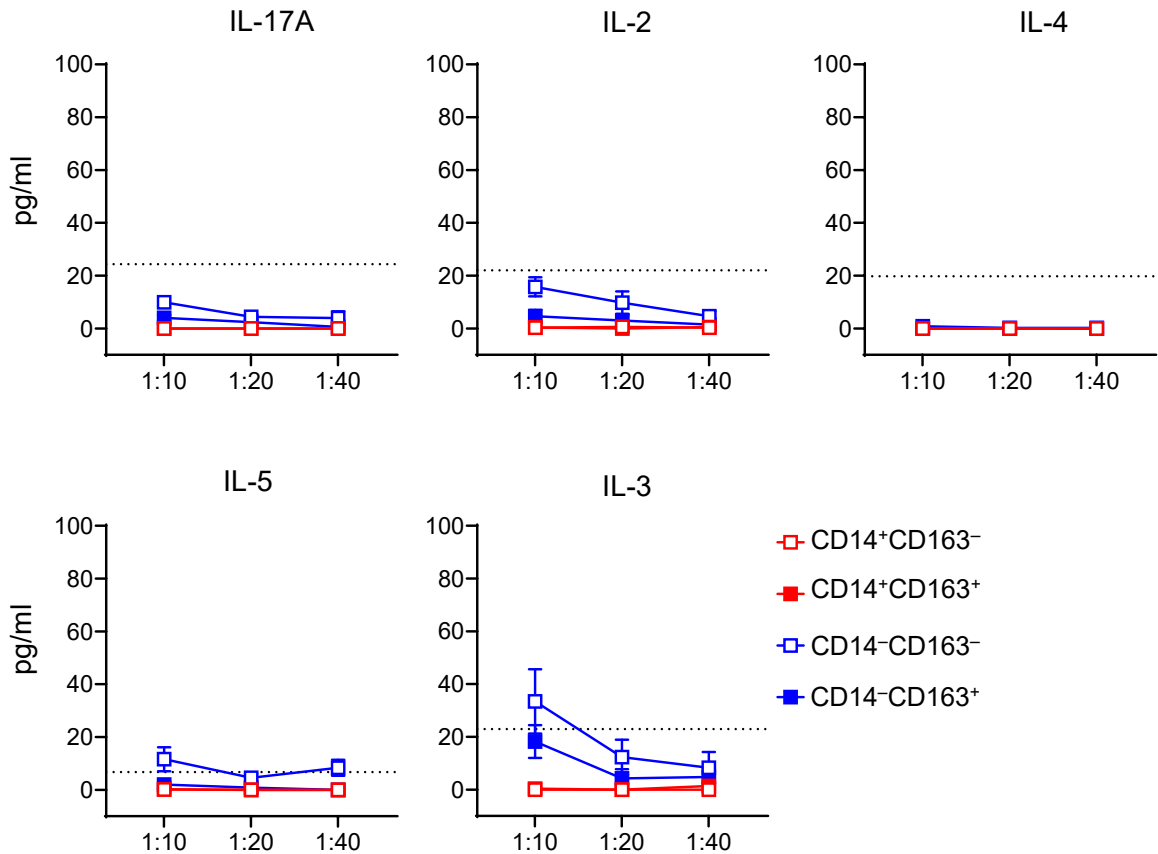
Supplementary figure S2. The numbers of epithelial and stromal CD14-CD33-CD163⁺ cells are higher in HPV16⁺ and immune response (IR)⁺ OPSCC. Scatter plots depicting (from top to bottom) the indicated different types of myeloid cells as cells/mm² in the epithelium (left) and stroma (right) in eight HPV16⁺IR⁻ (open squares) and 12 HPV16⁺IR⁺ (closed squares) OPSCC patients.



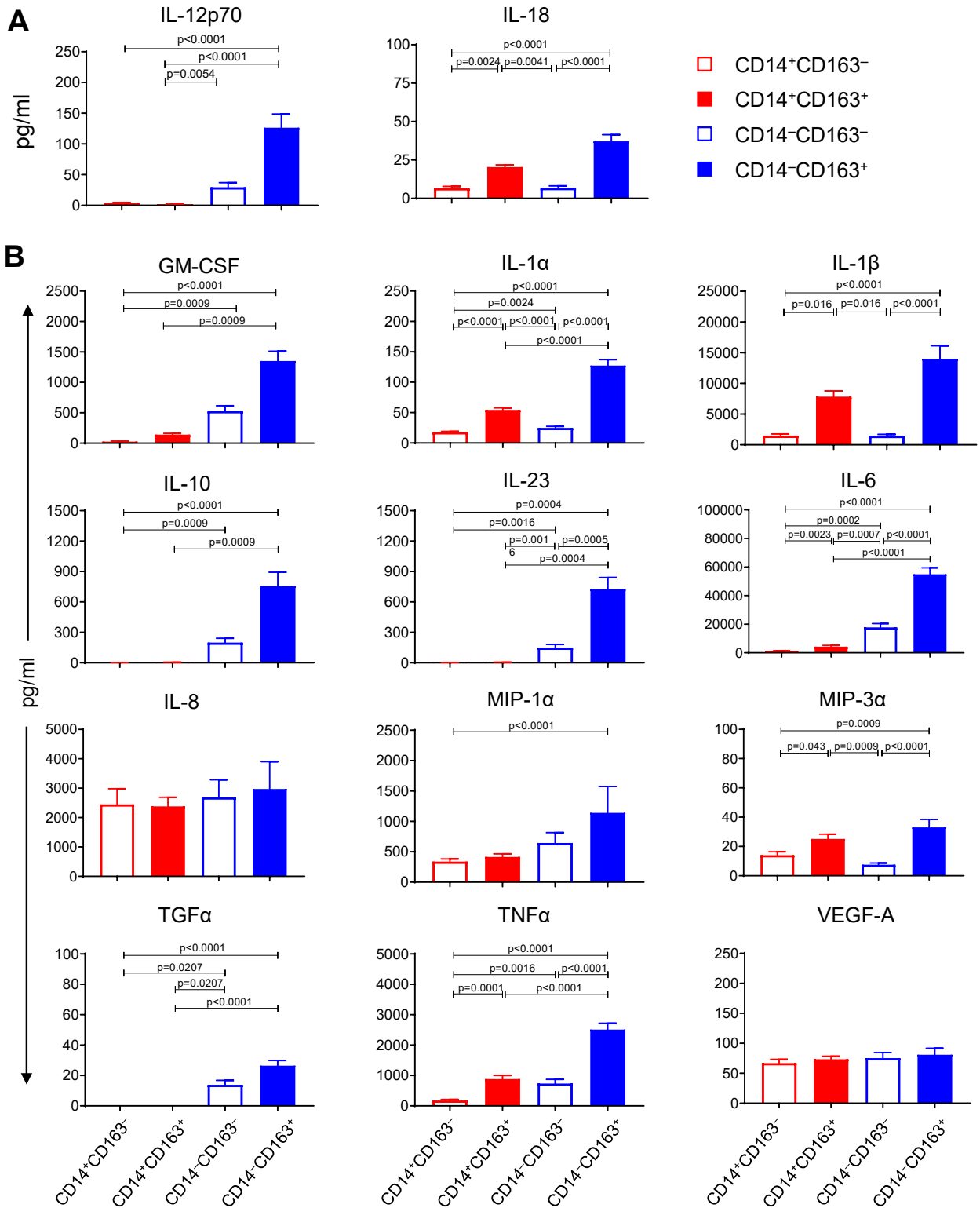
Supplementary figure S3. Infiltration of CD14⁺CD33⁻CD163⁻, CD14⁺CD33⁻CD163⁺, CD14⁺CD33⁺CD163⁻, CD14⁺CD33⁺CD163⁺ and CD14⁻CD33⁺CD163⁻ cells is not correlated to survival. Kaplan-Meier survival curves showing the survival outcome of 19 OPSCC patients with high (above the median) and low (below the median) numbers of indicated myeloid cells/mm².



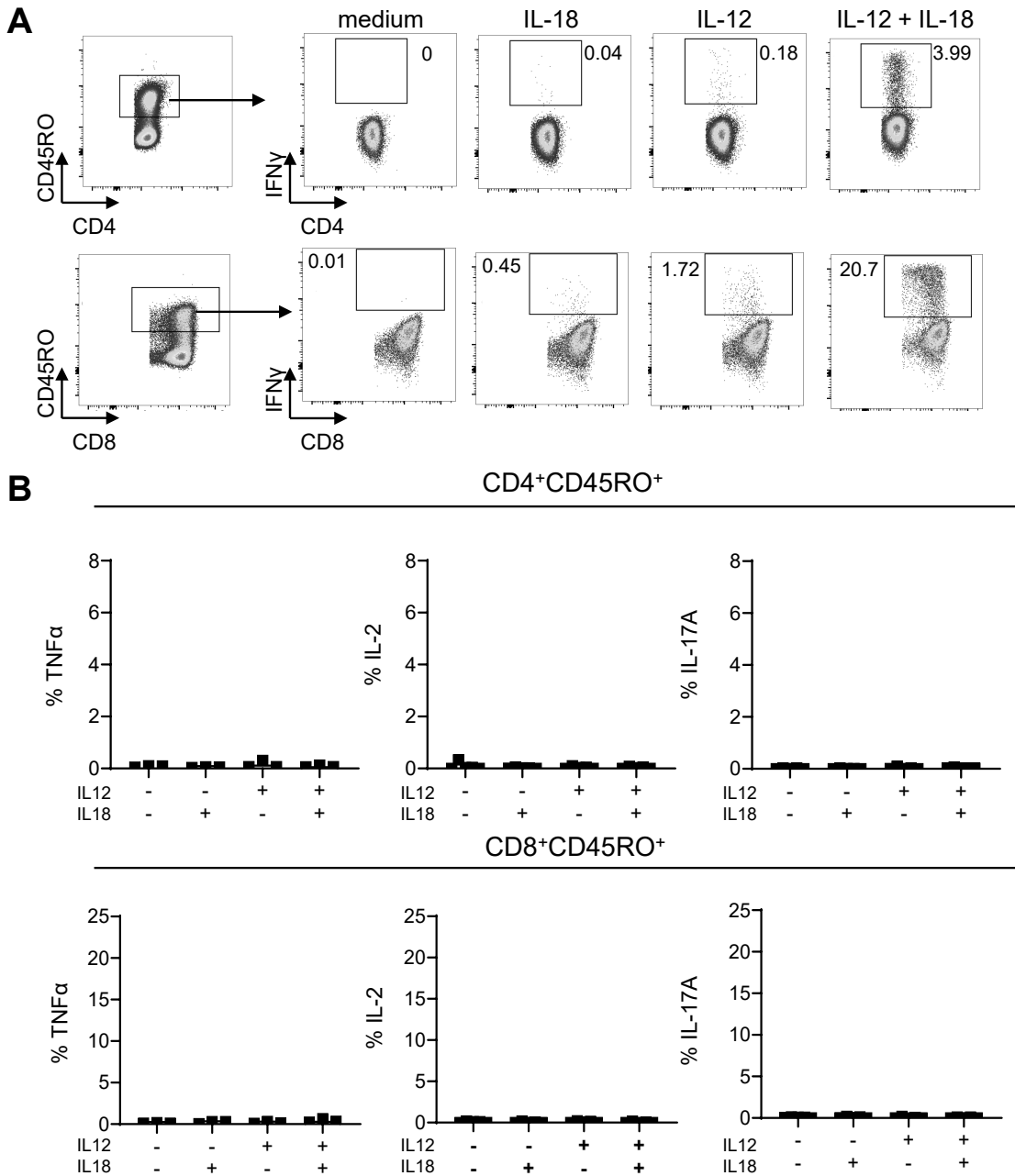
Supplementary figure S4. Characterization of CD163⁺ and CD163⁻ DCs and macrophages from blood. CD3⁻ and CD19⁻ depleted PBMC from buffy coats were stained with live/dead near IR dye and antibodies directed against CD11c, HLA-DR, CD14 and CD163, after which live CD11c⁺HLA-DR⁺ and CD14⁺CD163⁻, CD14⁺CD163⁺, CD14⁻CD163⁻ and CD14⁻CD163⁺ myeloid cells were sorted by using a BD FACS Aria III. **(A)** Representative example of the FSC-A/SSC-A, live-dead/CD3, CD11c/HLA-DR and CD14/CD163 properties (from left to right) of CD3⁻CD19⁻ PBMC, and sorted CD14⁺CD163⁻, CD14⁺CD163⁺, CD14⁻CD163⁻ and CD14⁻CD163⁺ (from top to bottom) populations. **(B)** Bar graph of the median fluorescence intensity of CD11c (top) and HLA-DR (bottom) of FACS-sorted CD14⁺CD163⁻ (open red), CD14⁺CD163⁺ (closed red), CD14⁻CD163⁻ (open blue) and CD14⁻CD163⁺ (closed blue) populations for 17 donors. **(C, D)** CD1c expression within the FACS-sorted CD163⁺ and CD163⁻ myeloid populations is depicted for a representative donor **(c)** and the six donors **(D)**. **(E, F)** CD80, CD86, CD54 and CD40 expression on CD14⁻CD163⁻ and CD14⁻CD163⁺ DC subsets that were stimulated overnight with 100 ng/ml LPS and 2,5 µg/ml R848 is depicted for a representative donor **(E)** and the eight donors **(F)**.



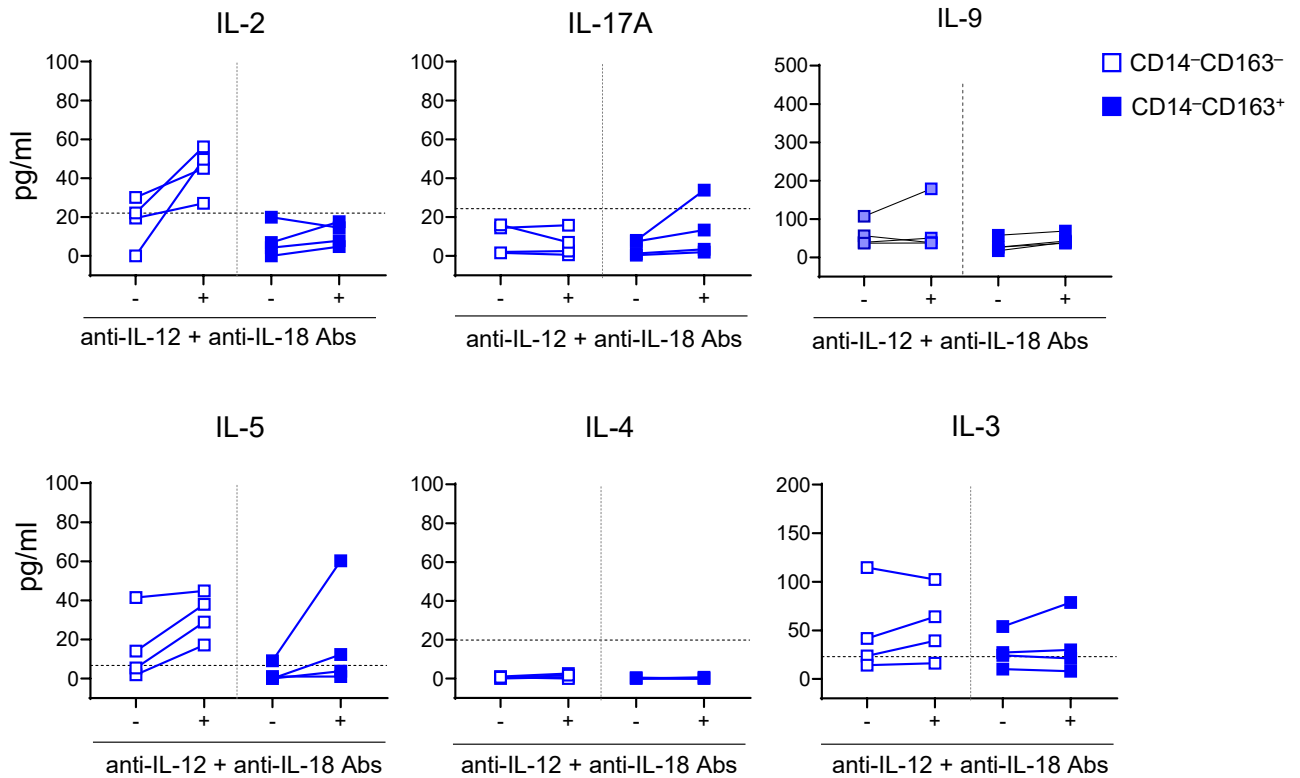
Supplementary figure S5. Cytokine profile of CD163⁻ and CD163⁺ myeloid cell stimulated allogeneic T cells. Graphs depict the IL-17A, IL-2, IL-4, IL-5 and IL-3 production in pg/ml (mean \pm SEM) of the total allogeneic PBMC when stimulated with CD163⁻ or CD163⁺ myeloid cells (n=8), as determined by multiplex T cell cytokine assay. The dotted line indicates the lower limit of detection of each of the cytokines.



Supplementary figure S6. Cytokine profile of CD163⁻ and CD163⁺ myeloid cells. Graphs depict the production of indicated cytokines as mean \pm SEM in the supernatants of (A) for $n=15$ and (B) for $n=12$ TLR-agonist stimulated CD14⁺CD163⁻, CD14⁺CD163⁺, CD14⁻CD163⁻ and CD14⁻CD163⁺ myeloid cells cultures. Cytokines were determined by ELISA (A) and multiplex cytokine assay (B) and given in pg/ml.



Supplementary figure S7. Intracellular cytokine production within CD4⁺CD45RO⁺ and CD8⁺CD45RO⁺ T cells following IL-12/IL-18 exposure. Healthy donor-derived PBMC were after cultured in the presence or absence of 50 ng/ml IL-12 and/or IL18 for 24 hours, after which the cells were analyzed by intracellular cytokine staining (ICS). **A**) Gating strategy depicted for a representative experiment. Singlets were gated on FSC-H/FSC-A followed by dead cell removal through gating on SSC-A/FSC-A and yellow amine reactive dye-negative cells. Next, CD3⁺CD4⁺CD45RO⁺ or CD3⁺CD8⁺CD45RO⁺ T cells were selected and subsequently analyzed for IFN γ , TNF α , IL-2 and IL-17A production by ICS. **B**) Graphs depicting % TNF α , IL-2⁺ and IL-17A⁺ cells within CD4⁺CD45RO⁺ (top) and CD8⁺CD45RO⁺ (bottom) T cells.



Supplementary figure S8. Effect of IL12/IL18 blocking on the production of Th1/Th2/Th17 cytokines. To test the effect of IL-12 and IL-18 blockade in the allogeneic stimulatory setting, cytokine production of total PBMC was assessed after stimulation for 4 days with CD14-CD163⁻ DCs (open blue) and CD14-CD163⁺ DCs (closed blue) in the presence or absence of 10 µg/ml anti-IL-12 and anti-IL-18 antibodies. Graphs depict IL-2, IL-17A, IL-9, IL-5, IL-4 and IL-3 (from left to right, top to bottom) in pg/ml by total PBMC.

Supplementary table S1. Patient characteristics

ID*	Sex	Age	Tumor location	pTNM stage	HPV16 status	p16 status	Immune response status [§]
H59	F	64	Tongue base	T3-N2c-M0	+	+	-
H61	F	65	Tonsil	T2-N1-M0	+	+	+
H62	M	62	Tongue base	T4a-N2c-M0	+	-	-
H63	F	61	Tonsil	T3-N2c-M0	+	-	-
H64	M	60	Tongue base	T4a-N2b-M0	+	-	-
H66	M	53	Tongue base	T1-N2a-M0	+	+	+
H67	F	51	Tonsil	T2-N1-M0	+	+	+
H68	F	65	Tonsil	T3-N2b-M0	+	+	+
H70	M	65	Tongue base	T1-N1-M0	+	+	+
H71	F	63	Tongue base	T2-N2c-M0	+	+	+
H80	M	54	Tonsil	T3-N0-M0	+	+	+
H93	M	57	Tongue base	T1-N2b-M0	+	+	+
H95	M	59	Tongue base	T3-N1-M0	+	-	-
H96	F	56	Tongue base	T3-N2c-M0	+	-	-
H133	M	53	Tonsillar Fossa	T2-N0-M0	+	+	+
H138	M	75	Tongue base	T2-N0-M0	+	+	+
H139	M	57	Tongue base	T2-N3-M0	+	+	-
H141	M	68	Tongue base	T3-N2b-M0	+	+	+
H147	M	57	Tonsil	T2-N3-M0	+	+	-
H148	F	65	Tonsil	T2-N2b-M0	+	+	+
H149	F	48	Tonsil	T2-N2a-M0	+	+	-
H176	M	53	Tongue base	T3-N0-M0	+	+	+
H180	M	59	Tonsil	T2-N2a-M0	+	+	+
H182	M	66	Tongue base	T4-N3-M0	+	+	-
H191	M	39	Tonsil	T2-N2b-M0	+	+	-
H202	M	81	Tongue base	T3-N3-M0	+	+	+
H206	M	58	Tonsil	T2-N2b-M0	+	+	+

*“H” indicate OPSCC patients included in the P07-112 head and neck cancer study.

[§] Immune response status of OPSCC tumors was determined by analyzing cultured tumor infiltrating lymphocyte (TIL) batches for the presence of HPV16-specific T cells using a 5-day [3H]-thymidine-based proliferation assay and antigen-specific cytokine production assay as described and previously reported for most of these patients

Abbreviations: F: female; M: male; pTNM: pathological Tumor, lymph Nodes, Metastasis;

Supplementary table S2. Antibody panels for multiplex immunofluorescent staining

	Antibody	Antigen	Detection	Fluorochrome	Clone	Supplier
Multiplex antibody panels	Panel 1					
	1	CD14	Indirect	Alexa 488	C7	Novacastra
	2	CD33	Indirect	Alexa 546	PWS44	Novacastra
	3	CD163	Indirect	Alexa 647	10D6	Novacastra
	4	DAPI				
	Panel 2					
	1	CD14/CD68	Indirect	CF680	D7A2T/D4B9C	Cell signaling Technology
	2	CD11c	Direct	Alexa 546	EP1347Y	Abcam
	3	HLA-DR	Direct	Alexa 594	TAL 1B5	Thermo Fisher scientific
4	CD163	Indirect	CF633	10D6	Thermo Fisher scientific	
5	DAPI					

Supplementary table S3. Antibody panels for flow cytometry

	Antibody	Antigen	Fluorochrome	Clone	Supplier
Flow cytometry antibody panels	Panel 1 (ex vivo DC analysis)				
	1	CD3	FITC	SK7	BD Biosciences
	2	CD19	FITC	4G7	BD Biosciences
	3	CD20	FITC	L27	BD Biosciences
	4	CD56	FITC	NCAM16.2	BD Biosciences
	5	CD163	PerCPCy5.5	GHI/61	BD Biosciences
	6	CD11c	BV650	B-ly6	BD Biosciences
	7	HLA-DR	V500	G46-6	BD Biosciences
	8	CD14	PE-Cy7	M5E2	BD Biosciences
	9	CLEC9A	PE	8F9	Biologend
	10	CD141	APC	Ad5-14H12	Miltenyi Biotec
	11	CD1c	BV421	L161	Biologend
	12	CD16	PE-CF594	3G8	BD Biosciences
	13	CD123	BV605	9F5	BD Biosciences
	14	CD36	APC-Cy7	5-271	Biologend
	15	CD32B	AlexaFluor700	190723	R&D systems
16	Live/dead	Fixable yellow	-	Thermo Fisher scientific	
Flow cytometry antibody panels	Panel 2 (DC sorting)				
	1	CD3	V450	UCHT1	BD Biosciences
	2	CD11c	PE	B-ly6	BD Biosciences
	3	HLA-DR	V500	G46-6	BD Biosciences
	4	CD14	PE-Cy7	M5E2	BD Biosciences
	5	CD163	APC	215427	R&D systems
6	Live/dead	Fixable near-IR	-	Thermo Fisher scientific	
Flow cytometry antibody panels	Panel 3 (proliferation and IFN γ ICS)				
	1	CD3	APC	SK7	BD Biosciences
	2	CD4	PE-CF594	RPA-T4	BD Biosciences
	3	CD8	APC-Cy7	SK1	BD Biosciences
	4	CD45RO	PE-Cy7	UCHL1	BD Biosciences
	5	IFN γ	AlexaFluor700	B27	BD Biosciences
	6	TNF α	BV605	Mab11	Biologend
7	CellTrace dye	Violet (V450)	-	Thermo Fisher scientific	
Flow cytometry antibody panels	Panel 4 (ICS PBMC)				
	1	CD3	BV510	UCHT1	Biologend
	2	CD4	PE-CF594	RPA-T4	BD Biosciences
	3	CD8	FITC	SK1	BD Biosciences
	4	CD45RA	PERCP-Cy5.5	HI100	BD Biosciences
	5	IFN γ	AlexaFluor700	B27	BD Biosciences
	6	TNF α	BV421	Mab11	Biologend
	7	IL-17	BV605	BL168	Biologend
	8	GM-CSF	APC	BVD2-21C11	Biologend
	9	IL-2	PE-Cy7	MQ1-17H12	Biologend
10	Live/dead	Fixable near-IR	-	Thermo Fisher scientific	
Flow cytometry antibody panels	Panel 5 (ICS T cell clones)				
	1	CD3	BV510	UCHT1	Biologend
	2	CD4	FITC	RPA-T4	BD Biosciences
	3	CD8	BB700	HIT8a	BD Biosciences
	4	CD137	BV605	4B4-1	Biologend
	5	CD154	PE-CF594	TRAP1	BD Biosciences
6	IFN γ	AlexaFluor700	B27	BD Biosciences	

7	TNF α	BV421	Mab11	Biologend
8	GM-CSF	APC	BVD2-21C11	Biologend
9	IL-2	PE-Cy7	MQ1-17H12	Biologend
10	Live/dead	Fixable near-IR	-	Thermo Fisher scientific

Supplementary Table 4						
A	B	C	D	E	F	G
geneSymbol	CD5+	CD5- CD163-	CD5- CD163+ CD14-	CD5- CD163+ CD14+	ANOVA pvalue	padj
CALN1	0,10	2,26	0,08	0,17	1,915E-49	4,26E-45
S100A9	8,60	11,18	11,33	13,01	4,846E-47	5,38E-43
S100A8	5,37	9,76	9,01	11,39	1,238E-39	9,17E-36
CDH7	0,05	2,34	0,04	0,20	1,559E-38	8,66E-35
PTGIS	0,32	0,94	0,32	0,27	4,837E-37	2,15E-33
IGHA1	1,64	6,48	2,54	2,25	1,01E-34	3,74E-31
RP11-467L19.14	0,00	4,20	0,17	0,07	5,821E-26	1,85E-22
HCST	6,19	8,19	7,59	8,72	2,319E-25	6,44E-22
CD74	14,47	12,76	13,36	12,30	3,948E-25	9,75E-22
VCAN	4,83	7,29	7,15	8,07	1,748E-24	3,89E-21
ABCB5	0,05	3,96	0,08	0,14	4,352E-24	8,79E-21
AC010468.1	0,70	1,45	0,61	0,68	8,901E-24	1,65E-20
RP11-353H3.1	0,59	1,78	0,76	1,31	1,759E-23	3,01E-20
OR2AT4	1,78	3,06	1,62	1,37	2,543E-23	4,04E-20
FCN1	6,92	7,78	8,68	8,61	7,047E-23	1,04E-19
S100A12	3,26	7,17	5,69	7,87	1,123E-22	1,56E-19
CASR	0,45	1,44	0,47	0,53	2,574E-22	3,37E-19
RP11-31L22.5	5,20	7,06	7,12	7,46	4,411E-22	5,45E-19
CELF4	0,26	0,60	0,45	0,79	1,011E-21	1,18E-18
MAGI2	1,04	6,87	1,38	1,52	2,882E-21	3,2E-18
HRG	0,03	4,34	0,08	0,50	3,134E-21	3,32E-18
TNR	0,08	0,09	0,13	0,85	5,449E-21	5,36E-18
CTSD	4,92	5,65	6,33	7,48	5,547E-21	5,36E-18
BTG1	5,50	6,35	6,53	6,89	1,129E-20	1,05E-17
LANCL3	0,06	0,24	0,07	0,06	1,629E-20	1,45E-17
FAXC	0,05	1,16	0,11	0,29	5,052E-20	4,32E-17
CH17-373J23.1	6,52	8,02	7,47	8,51	6,023E-20	4,96E-17
SYT13	0,00	0,26	0,03	0,09	3,49E-19	2,77E-16
C1orf158	0,21	0,52	0,42	1,02	6,482E-19	4,97E-16
HLA-DPA1	12,50	10,79	11,49	10,16	6,829E-19	5,06E-16
DDX25	0,10	0,12	0,22	0,45	1,626E-18	1,17E-15
ENAH	0,09	3,70	0,18	0,95	1,957E-18	1,36E-15
SLC4A3	3,56	2,22	2,76	0,11	2,065E-18	1,39E-15
CLIC2	6,14	6,15	4,90	2,43	2,395E-18	1,57E-15
RP11-255B23.3	1,61	5,43	2,33	2,56	6,114E-18	3,88E-15
ABCA8	0,15	1,59	0,34	0,18	7,096E-18	4,38E-15
MIXL1	0,56	0,89	0,82	0,93	8,996E-18	5,4E-15
DPP6	0,29	0,35	0,39	0,37	2,77E-17	1,61E-14
SNORD3A	5,61	7,30	7,18	7,77	2,826E-17	1,61E-14
KIAA1671	0,09	0,16	0,12	0,19	3,401E-17	1,89E-14
COLCA1	0,26	0,53	0,24	0,31	3,65E-17	1,98E-14
SLFNL1-AS1	0,24	0,33	0,24	0,40	6,22E-17	3,29E-14
OR4F17	1,92	4,62	1,87	2,63	1,125E-16	5,82E-14
ADAM28	7,43	4,61	6,23	4,31	1,427E-16	7,14E-14
AGBL4	0,03	0,13	0,04	0,38	1,445E-16	7,14E-14
HLA-DRA	14,42	12,87	13,44	12,07	1,885E-16	9,11E-14
SLAMF7	6,07	2,87	2,38	1,11	2,234E-16	1,04E-13
GPM6A	0,71	2,00	1,44	2,07	2,257E-16	1,04E-13
S1PR3	0,08	2,54	0,12	0,44	2,923E-16	1,33E-13
RGS22	0,31	3,80	0,32	1,49	3,864E-16	1,72E-13

Columns B to E display gene expression measured by RNA-seq in the sorted cell subsets as median over replicates of log₂ transformed TPM values (precisely, log₂(TPM + 1.0), with a pseudocount of 1.0 added to avoid log-zero)

Columns F and G show nominal and multiple testing corrected p-values generated using DESeq2 in an ANOVA-like analysis to find genes that vary between the sorted cell subsets. The p-values are "NA" for very low expressed genes such as IL6, IL10, CSF2 where in many of the samples zero reads were observed

MLXIPL	0,36	2,88	0,26	0,44	4,553E-16	1,98E-13
HSPB9	0,28	0,39	0,36	0,09	4,855E-16	2,08E-13
SIGLEC11	0,26	0,28	0,24	1,83	5,025E-16	2,11E-13
OR10K1	0,38	2,17	0,45	0,25	6,979E-16	2,87E-13
SASH1	0,00	0,03	0,00	0,64	8,414E-16	3,4E-13
CTD-2561B21.5	0,07	0,84	0,08	0,05	9,863E-16	3,91E-13
BTLA	3,42	0,30	0,23	0,24	1,146E-15	4,47E-13
MURC	0,00	0,22	0,02	0,00	3,081E-15	1,18E-12
CHDH	0,16	0,53	0,11	0,19	3,487E-15	1,31E-12
INTS2	1,60	2,33	1,65	1,07	3,595E-15	1,33E-12
LMNA	4,05	6,10	6,32	5,55	3,939E-15	1,44E-12
MIOX	0,16	0,40	0,35	0,65	4,138E-15	1,48E-12
ZNF843	0,19	0,70	0,12	0,24	4,689E-15	1,65E-12
RP11-66B24.2	0,23	2,86	0,83	0,74	6,494E-15	2,26E-12
MAP3K9	0,04	0,06	0,07	0,04	9,368E-15	3,2E-12
APO03068.18	0,42	1,22	0,71	1,02	1,243E-14	4,18E-12
DMKN	0,46	1,63	0,98	1,39	1,581E-14	5,25E-12
MT-ND1	11,12	11,95	11,96	12,87	1,668E-14	5,45E-12
TSPO	8,87	9,24	9,61	9,74	1,841E-14	5,93E-12
DAND5	0,46	3,17	0,53	0,45	1,913E-14	6E-12
RP11-591N1.1	4,19	5,44	5,30	5,42	1,916E-14	6E-12
SV2C	0,04	0,06	0,05	1,18	2,088E-14	6,45E-12
CTD-2230D16.1	0,17	0,40	0,16	0,97	2,712E-14	8,26E-12
ACTG1	10,92	9,95	10,16	9,22	3,081E-14	9,25E-12
CD14	3,87	7,06	6,51	8,54	3,121E-14	9,25E-12
TNFRSF1B	4,22	5,29	5,97	6,39	3,172E-14	9,28E-12
ACSS3	0,00	0,24	0,06	0,53	3,523E-14	1,02E-11
RP11-311P8.1	1,34	1,76	1,70	1,53	4,009E-14	1,14E-11
PLEKHG5	0,03	0,26	0,14	0,29	4,346E-14	1,22E-11
PTPRH	0,07	0,34	0,11	0,29	4,906E-14	1,35E-11
JCHAIN	1,98	4,07	2,89	2,50	4,927E-14	1,35E-11
RP11-46C20.1	0,13	0,14	0,12	0,52	5,243E-14	1,42E-11
CHCHD10	1,40	3,60	3,87	5,71	5,384E-14	1,44E-11
SYP	0,35	0,46	0,44	0,37	6,231E-14	1,65E-11
RP11-217O12.1	9,41	10,89	10,43	11,27	6,612E-14	1,73E-11
CEBPB	1,34	2,72	3,17	4,00	6,718E-14	1,74E-11
RP11-189E14.4	0,03	0,40	0,27	0,17	6,885E-14	1,76E-11
NFIB	0,20	0,36	0,22	0,54	8,679E-14	2,19E-11
AC007392.3	0,00	1,50	0,00	0,62	9,476E-14	2,37E-11
CNR2	0,31	1,24	0,43	1,04	1,026E-13	2,53E-11
S100A6	9,32	10,12	10,16	10,65	1,085E-13	2,65E-11
CACNA1G	0,28	3,02	0,56	0,45	1,129E-13	2,73E-11
ELAVL3	0,00	2,66	0,03	0,02	1,152E-13	2,75E-11
DZIP1	0,04	0,26	0,03	0,43	1,3E-13	3,07E-11
C1orf162	10,37	9,27	9,33	8,22	1,575E-13	3,68E-11
STAB1	1,65	5,89	4,89	7,16	2,043E-13	4,73E-11
MT-ATP6	12,04	12,90	12,78	13,58	2,165E-13	4,94E-11
BMPR1A	0,38	0,97	0,48	0,60	2,177E-13	4,94E-11
CTC-260F20.3	0,12	0,32	0,21	0,59	5,39E-13	1,21E-10
TYROBP	10,14	10,51	10,54	11,11	6,259E-13	1,39E-10
ARHGAP28	1,19	1,25	1,55	2,31	6,483E-13	1,43E-10
CSTA	5,86	6,51	6,52	6,77	8,02E-13	1,75E-10
APLP2	6,82	6,72	7,46	7,84	8,307E-13	1,79E-10
MT-CYB	13,46	14,52	14,28	14,84	8,632E-13	1,84E-10
CEACAM19	0,50	1,87	0,57	0,90	9,249E-13	1,96E-10

LYL1	0,87	0,94	1,32	2,73	1,764E-12	3,7E-10
IGSF1	0,07	0,02	0,05	0,20	1,836E-12	3,8E-10
GLRA3	0,09	1,16	0,09	0,08	1,845E-12	3,8E-10
CD63	7,27	7,97	8,19	8,64	2,239E-12	4,57E-10
PGAM5	1,31	2,80	1,80	1,06	2,541E-12	5,13E-10
PDLIM3	0,10	0,20	0,15	0,33	2,789E-12	5,57E-10
LGSN	0,13	0,37	0,34	0,27	2,809E-12	5,57E-10
DPF1	0,29	0,23	0,22	0,55	3,17E-12	6,24E-10
MYL12A	10,92	9,75	10,04	9,27	3,213E-12	6,26E-10
RP4-598P13.1	2,29	3,56	2,10	2,03	3,942E-12	7,62E-10
MT-ND2	10,98	11,70	11,50	12,54	4,366E-12	8,31E-10
EHBP1L1	1,84	5,49	4,19	5,94	4,376E-12	8,31E-10
INMT	0,06	0,30	0,31	2,12	4,531E-12	8,53E-10
MIPOL1	2,19	3,94	2,00	2,57	4,828E-12	9,02E-10
HOMER3	0,06	1,92	0,25	0,83	5,464E-12	1,01E-09
FHDC1	0,09	2,99	0,19	0,12	5,903E-12	1,08E-09
RABAC1	6,61	7,50	7,29	7,33	6,464E-12	1,18E-09
RP11-544D21.2	0,34	0,53	0,39	0,61	7,342E-12	1,33E-09
RP5-857K21.10	8,96	9,61	9,78	10,62	7,833E-12	1,4E-09
RP11-431K24.1	0,61	2,56	0,78	1,23	8,114E-12	1,44E-09
PLXND1	2,01	5,24	4,21	5,45	8,252E-12	1,46E-09
RP1-17K7.2	1,66	3,39	2,43	3,13	8,554E-12	1,5E-09
RP11-230F18.5	0,04	0,50	0,08	0,08	8,872E-12	1,54E-09
IGKV3-15	0,51	3,33	0,30	0,51	1,005E-11	1,72E-09
COMMD3-BMI1	4,21	0,00	2,64	0,00	1,007E-11	1,72E-09
KIF5C	0,03	0,35	0,02	0,46	1,07E-11	1,81E-09
MT-TR	3,33	6,40	4,90	7,11	1,158E-11	1,95E-09
GADD45GIP1	4,22	5,41	5,43	5,92	1,356E-11	2,27E-09
NMNAT2	0,07	0,03	0,03	0,05	1,444E-11	2,4E-09
ACVR2B	0,09	0,10	0,12	0,32	1,588E-11	2,6E-09
C2CD3	2,95	4,04	2,53	3,00	1,597E-11	2,6E-09
HRH1	0,03	0,09	0,04	0,10	1,602E-11	2,6E-09
OR56A1	0,71	1,75	0,67	0,80	1,747E-11	2,81E-09
CLEC7A	6,85	7,72	7,50	8,08	1,897E-11	3,03E-09
OR6C4	0,05	0,21	0,05	0,20	1,93E-11	3,06E-09
ATP5D	5,63	6,11	7,31	8,09	2,358E-11	3,72E-09
GRID1	0,02	0,07	0,04	0,25	2,499E-11	3,91E-09
MT-CO2	13,36	13,96	13,91	14,74	2,85E-11	4,43E-09
PARVA	0,17	0,05	0,14	0,85	3,264E-11	5,04E-09
DIO2	0,00	1,12	0,00	0,00	3,386E-11	5,19E-09
RP11-284P20.2	0,33	2,14	0,45	0,92	3,426E-11	5,21E-09
CLEC3A	0,53	0,63	1,48	0,84	3,477E-11	5,26E-09
FAM129B	0,52	4,95	1,91	2,53	3,715E-11	5,58E-09
MT-TL1	5,40	6,81	6,30	7,48	4,614E-11	6,88E-09
APBB2	0,27	1,37	0,52	1,08	5,035E-11	7,43E-09
RP11-578F5.1	0,47	1,00	0,58	0,00	5,045E-11	7,43E-09
TMEM108	0,02	0,09	0,02	0,05	5,106E-11	7,47E-09
GCNT4	0,04	0,05	0,05	0,13	5,374E-11	7,81E-09
CD160	0,30	1,87	0,39	0,36	5,588E-11	8,06E-09
ABCC8	0,00	1,37	0,06	0,11	5,952E-11	8,53E-09
AC136007.2	5,19	5,88	6,66	6,24	6,126E-11	8,73E-09
NAA38	5,49	6,45	6,23	6,81	6,366E-11	9,01E-09
EFR3B	0,23	3,66	0,28	0,50	6,846E-11	9,63E-09
RP5-857K21.8	3,77	4,10	4,26	5,23	7,069E-11	9,87E-09
MAFB	0,43	1,25	3,09	4,32	7,106E-11	9,87E-09

SYT16	0,20	0,66	0,17	0,09	7,357E-11	1,02E-08
CD300LD	0,84	1,80	0,93	0,89	8,091E-11	1,11E-08
SYNPO2	0,05	0,07	0,09	1,72	8,105E-11	1,11E-08
FGF13	0,89	2,74	0,94	1,09	9,192E-11	1,25E-08
FREM2	0,00	0,01	0,00	0,01	1,042E-10	1,4E-08
GPSM3	6,71	7,73	7,22	7,48	1,082E-10	1,45E-08
WT1AS	0,13	0,47	0,21	0,20	1,087E-10	1,45E-08
CDK17	4,94	3,48	3,32	2,03	1,105E-10	1,46E-08
ERN2	0,36	0,45	0,33	0,96	1,119E-10	1,47E-08
GDI2	8,24	7,25	7,59	6,69	1,129E-10	1,47E-08
PON2	7,93	3,40	6,65	4,20	1,131E-10	1,47E-08
KLF6	8,36	9,15	8,99	9,20	1,18E-10	1,52E-08
FAUP1	0,88	3,06	1,25	1,37	1,211E-10	1,56E-08
HLA-DPB1	12,14	10,77	11,34	9,65	1,223E-10	1,56E-08
RP11-325F22.4	4,31	5,63	5,40	5,82	1,35E-10	1,71E-08
TMEM45B	0,42	1,00	0,80	1,00	1,577E-10	1,99E-08
POU2F3	0,08	0,37	0,12	0,09	1,608E-10	2,02E-08
CAMK2B	1,37	2,47	1,72	2,38	1,706E-10	2,13E-08
RP1-14N1.2	2,32	4,13	2,41	3,43	1,883E-10	2,34E-08
CORO2A	0,19	0,50	0,34	0,86	2,18E-10	2,69E-08
MT-CO3	12,77	13,11	13,39	14,09	2,243E-10	2,75E-08
SNORD3B-2	3,39	1,74	4,88	5,41	2,304E-10	2,81E-08
MT-ATP8	10,93	11,77	11,94	12,69	2,373E-10	2,88E-08
CFL1	11,04	10,41	10,25	9,24	2,441E-10	2,95E-08
SCN1A	0,37	0,20	0,36	1,18	2,645E-10	3,14E-08
TUBA1B	10,14	8,90	9,04	6,78	2,658E-10	3,14E-08
ADORA2A-AS1	0,37	0,60	0,59	0,72	2,659E-10	3,14E-08
AXL	5,70	0,84	3,20	1,78	2,66E-10	3,14E-08
LCP1	8,45	7,21	7,74	7,12	2,683E-10	3,16E-08
HOXB13	0,16	2,95	0,16	1,04	2,753E-10	3,22E-08
ARPC2	10,31	9,27	9,56	8,78	3,029E-10	3,52E-08
CYP2B6	0,44	2,62	0,49	0,76	3,054E-10	3,53E-08
PXN	3,81	5,78	4,51	4,70	3,118E-10	3,58E-08
KLF2	2,86	5,32	4,58	5,19	3,126E-10	3,58E-08
PFDN5	10,07	10,56	10,37	10,60	3,227E-10	3,66E-08
PNPLA6	4,90	6,00	6,43	6,53	3,227E-10	3,66E-08
DLG5	0,03	0,28	0,02	0,02	3,709E-10	4,18E-08
TANC1	0,07	0,09	0,11	0,20	4,257E-10	4,78E-08
A1CF	0,02	0,20	0,04	0,16	4,524E-10	5,05E-08
MT-TV	4,07	5,05	4,89	6,97	4,574E-10	5,08E-08
ANKRD30B	0,06	0,28	0,04	1,19	4,721E-10	5,22E-08
CTA-243E7.4	0,31	0,83	0,59	0,98	4,775E-10	5,25E-08
MT-ND4	12,68	13,71	13,28	14,31	4,851E-10	5,31E-08
NRGN	1,06	1,47	2,46	3,62	5,039E-10	5,49E-08
RP5-1171110.5	1,94	3,23	2,90	3,91	5,317E-10	5,76E-08
MCTP2	0,11	1,46	0,14	1,08	5,411E-10	5,84E-08
ADPRHL1	0,02	0,07	0,03	0,03	5,634E-10	6,05E-08
RP11-215I23.4	0,85	2,23	1,06	1,23	5,961E-10	6,37E-08
CKAP4	0,15	0,72	1,31	2,44	6,224E-10	6,62E-08
CTD-2313F11.1	0,23	0,91	0,41	0,31	6,703E-10	7,09E-08
FBXW12	0,12	1,06	0,48	0,98	6,827E-10	7,19E-08
CTD-2547E10.6	0,52	0,96	0,51	1,11	7,068E-10	7,41E-08
COL4A5	0,15	0,96	0,35	0,31	7,148E-10	7,45E-08
SORBS2	0,07	1,20	0,18	0,35	7,172E-10	7,45E-08
NTRK3	0,09	1,27	0,10	0,34	7,457E-10	7,71E-08

SOX5	0,29	1,36	0,45	0,38	8,116E-10	8,35E-08
DISP2	0,13	0,27	0,15	0,34	9,388E-10	9,61E-08
BR13	5,21	6,03	6,44	7,34	9,578E-10	9,76E-08
ZNF286B	0,28	0,61	0,39	0,65	1,009E-09	1,02E-07
NENF	1,49	2,47	3,87	3,82	1,13E-09	1,14E-07
RP11-465B22.6	0,00	0,62	0,02	0,03	1,232E-09	1,23E-07
NR5A2	0,59	0,91	0,65	2,09	1,233E-09	1,23E-07
RP11-10J21.2	0,08	0,38	0,09	0,21	1,238E-09	1,23E-07
RP11-182N22.9	0,13	0,50	0,27	1,55	1,325E-09	1,31E-07
KLK7	0,08	1,30	0,11	0,08	1,374E-09	1,36E-07
HLA-DOB	6,36	0,48	4,03	2,73	1,38E-09	1,36E-07
KCNG1	0,06	0,15	0,09	0,32	1,418E-09	1,39E-07
AIF1	9,48	9,28	9,82	10,18	1,457E-09	1,42E-07
CROCC2	0,00	1,25	0,00	0,14	1,501E-09	1,46E-07
RP1-228P16.4	0,06	0,27	0,04	0,61	1,76E-09	1,7E-07
RP11-341A22.2	0,23	1,20	0,15	0,24	1,924E-09	1,85E-07
ATP8B2	0,73	2,16	0,62	1,90	1,938E-09	1,86E-07
RP4-749H3.1	0,23	1,20	0,12	0,05	2,106E-09	2,01E-07
ATG3	8,08	7,02	7,11	6,12	2,156E-09	2,04E-07
AC096655.2	5,97	6,88	6,60	6,65	2,164E-09	2,04E-07
RP11-513G11.1	0,25	0,33	0,42	0,93	2,169E-09	2,04E-07
PDE11A	0,10	0,27	0,28	0,61	2,229E-09	2,09E-07
LGMN	5,80	3,57	5,18	1,74	2,346E-09	2,19E-07
AC004053.1	0,10	0,36	0,18	0,07	2,411E-09	2,24E-07
LITAF	7,73	7,68	6,55	5,20	2,562E-09	2,37E-07
FAM213A	0,20	2,00	0,76	0,61	2,669E-09	2,46E-07
CRB1	0,10	0,17	0,13	0,24	2,695E-09	2,47E-07
CFD	4,33	5,56	5,19	7,81	2,746E-09	2,5E-07
LAMC2	0,04	0,06	0,04	0,32	2,749E-09	2,5E-07
FOSB	7,56	9,34	8,69	8,53	2,792E-09	2,53E-07
RP11-629G13.1	0,17	0,47	0,17	0,25	2,947E-09	2,66E-07
ZNF556	0,32	1,08	0,46	0,46	3,182E-09	2,86E-07
SLC1A2	1,31	4,72	1,53	2,21	3,314E-09	2,97E-07
RP4-530I15.9	0,00	0,90	0,01	0,03	3,423E-09	3,06E-07
CEBPD	4,05	5,34	5,39	5,36	3,508E-09	3,12E-07
SLC41A1	0,00	1,79	0,00	0,00	3,571E-09	3,16E-07
RP11-88H9.2	0,17	0,58	0,63	1,08	3,579E-09	3,16E-07
MT-ND5	10,24	11,30	10,97	11,57	3,605E-09	3,17E-07
CD1C	10,31	9,31	9,34	7,24	3,833E-09	3,35E-07
NEUROD2	0,48	1,29	0,88	1,35	4,279E-09	3,73E-07
TYMP	5,82	6,00	7,40	8,62	4,387E-09	3,81E-07
TRIM65	0,36	0,91	1,08	2,21	4,426E-09	3,83E-07
RNF152	0,09	0,22	0,09	0,29	4,508E-09	3,88E-07
RAB7A	7,52	6,24	6,65	5,66	4,539E-09	3,9E-07
RAC1	6,85	7,84	8,05	7,83	4,746E-09	4,06E-07
NCF1	5,21	5,80	5,30	7,00	4,791E-09	4,08E-07
MT-TM	5,06	6,47	6,15	8,24	5,074E-09	4,3E-07
FUT9	0,03	0,29	0,04	0,05	5,144E-09	4,35E-07
ASGR1	3,34	3,55	4,87	5,99	5,294E-09	4,46E-07
PRR5	0,26	3,75	0,14	0,37	5,397E-09	4,53E-07
PCSK5	6,11	10,78	5,99	8,21	5,726E-09	4,78E-07
HEPACAM	0,25	0,65	0,41	0,63	5,997E-09	4,99E-07
MYD88	7,51	5,30	6,28	4,83	6,023E-09	5E-07
ALDOA	9,63	9,72	9,87	10,13	6,078E-09	5,02E-07
RPLP1	10,05	10,74	10,69	11,07	6,143E-09	5,06E-07

EMP3	7,04	7,74	8,02	8,44	6,549E-09	5,37E-07
CHD7	1,40	1,32	1,91	3,05	7,124E-09	5,82E-07
RP11-192P3.4	0,34	1,02	0,41	0,30	7,183E-09	5,83E-07
VWA5B1	1,18	1,81	1,69	2,30	7,196E-09	5,83E-07
C1orf210	0,00	0,84	0,00	0,18	7,212E-09	5,83E-07
PRKCSH	3,06	3,83	3,34	3,25	7,29E-09	5,87E-07
CAT	7,58	6,35	6,30	5,36	7,342E-09	5,89E-07
RP11-71G12.1	0,02	0,39	0,05	0,07	7,615E-09	6,09E-07
KCNH6	0,04	0,14	0,09	0,05	8,168E-09	6,51E-07
ZNF688	2,69	5,51	3,66	4,16	8,889E-09	7,06E-07
GRIN2A	0,01	0,03	0,02	0,03	9,622E-09	7,61E-07
AC092669.3	2,98	4,50	3,80	3,51	9,976E-09	7,86E-07
RPL28	7,72	8,49	8,35	8,84	1,001E-08	7,86E-07
ADGRD2	0,25	1,09	0,43	0,35	1,038E-08	8,13E-07
CRIP1	8,03	9,44	9,15	9,65	1,093E-08	8,52E-07
CTD-2540F13.2	0,28	1,11	0,48	0,18	1,188E-08	9,23E-07
MPLKIP	6,01	0,85	5,38	4,56	1,195E-08	9,23E-07
WISP2	0,39	0,48	0,50	0,63	1,196E-08	9,23E-07
INTU	2,10	2,70	2,05	3,62	1,216E-08	9,35E-07
KIAA1210	0,06	0,05	0,03	0,01	1,292E-08	9,9E-07
SLITRK5	0,07	0,14	0,07	0,11	1,302E-08	9,94E-07
RP11-715J22.6	0,53	1,42	0,85	1,37	1,371E-08	1,04E-06
BMP7	0,02	0,28	0,05	0,06	1,473E-08	1,12E-06
MGAT4C	0,10	0,73	0,07	0,27	1,486E-08	1,12E-06
RP11-145G20.1	0,62	2,18	0,75	1,14	1,487E-08	1,12E-06
FCAR	0,58	1,10	0,58	2,19	1,522E-08	1,14E-06
RP11-117L5.1	0,02	0,06	0,06	0,12	1,525E-08	1,14E-06
HIF3A	0,50	0,62	0,98	1,08	1,544E-08	1,15E-06
FRRS1L	0,99	2,77	1,26	1,45	1,571E-08	1,17E-06
HNF1B	0,08	0,12	0,10	0,11	1,622E-08	1,2E-06
C4orf48	4,23	5,47	6,07	7,16	1,637E-08	1,21E-06
MYLK	2,20	1,44	1,14	1,04	1,842E-08	1,36E-06
CTD-2540B15.11	4,18	5,29	5,40	6,17	1,894E-08	1,39E-06
ACTB	13,16	12,04	12,70	12,17	1,919E-08	1,4E-06
RP11-696N14.1	0,16	4,30	0,12	1,84	1,926E-08	1,4E-06
CTNNA2	0,04	0,11	0,13	0,38	1,935E-08	1,41E-06
LAMTOR4	8,93	9,63	9,56	9,96	1,953E-08	1,41E-06
CTD-2349P21.11	1,14	1,89	0,76	1,76	2,003E-08	1,45E-06
RPLP2	8,89	10,10	9,83	10,31	2,026E-08	1,46E-06
PCDH7	0,01	0,05	0,00	0,02	2,055E-08	1,47E-06
RP13-262C2.4	0,10	0,00	0,09	1,02	2,124E-08	1,52E-06
GHET1	1,60	3,51	1,80	2,79	2,214E-08	1,58E-06
CTD-2031P19.3	0,20	2,01	0,35	0,40	2,289E-08	1,63E-06
CHRD	0,04	0,09	0,05	0,14	2,358E-08	1,67E-06
HLA-DRB1	11,63	10,71	11,26	10,18	2,431E-08	1,71E-06
AC004941.3	0,13	0,81	0,34	0,26	2,453E-08	1,73E-06
QSOX1	3,28	4,31	4,82	5,51	2,477E-08	1,74E-06
PPA1	8,28	6,81	7,56	6,28	2,523E-08	1,76E-06
RP1-228P16.3	0,00	1,42	0,00	0,37	2,578E-08	1,8E-06
RP11-559N14.5	0,11	0,28	0,17	0,23	2,671E-08	1,86E-06
ZBTB7A	0,21	0,86	0,59	0,90	2,714E-08	1,88E-06
RP11-597K23.2	0,14	0,60	0,28	0,68	2,918E-08	2,01E-06
SCYL3	1,48	4,75	0,99	1,30	3,081E-08	2,11E-06
NTNG1	0,14	0,28	0,17	0,81	3,085E-08	2,11E-06
CES1	4,26	7,10	6,26	6,38	3,09E-08	2,11E-06

IFI27L2	4,81	5,32	5,25	6,66	3,118E-08	2,13E-06
RP11-89M16.1	0,99	1,21	1,22	1,67	3,28E-08	2,23E-06
AC005086.4	0,04	3,61	2,44	3,17	3,414E-08	2,31E-06
RP11-679C8.2	0,90	1,88	1,40	2,35	3,496E-08	2,36E-06
RP11-298J20.3	1,22	1,27	1,42	1,16	3,507E-08	2,36E-06
HK3	2,76	5,12	3,87	6,08	3,563E-08	2,39E-06
SH3BP2	3,87	4,70	4,39	5,28	3,564E-08	2,39E-06
ZEB2	6,75	7,49	7,26	7,56	3,691E-08	2,46E-06
FTL	12,41	12,56	12,74	13,20	3,762E-08	2,5E-06
ADTRP	0,00	4,32	0,14	0,88	3,767E-08	2,5E-06
RP11-358M11.2	0,39	5,71	1,77	2,21	3,913E-08	2,59E-06
IL2RG	7,99	7,45	6,69	5,65	3,948E-08	2,6E-06
POU2F2	3,89	4,87	4,98	6,11	3,988E-08	2,62E-06
CAMK4	0,02	0,82	0,01	0,52	3,991E-08	2,62E-06
RP11-87N24.3	4,34	5,99	5,44	6,65	4,205E-08	2,75E-06
ATP1B4	0,03	0,07	0,07	0,27	4,372E-08	2,85E-06
CCDC141	0,15	0,45	0,31	0,33	4,44E-08	2,89E-06
GTF2IP18	0,11	1,28	0,37	1,04	4,5E-08	2,92E-06
CADM1	0,09	0,16	0,40	0,68	4,592E-08	2,97E-06
SPIN3	1,09	3,45	1,01	0,81	4,679E-08	3,01E-06
POMT2	1,18	6,65	2,20	1,73	4,734E-08	3,04E-06
MRPL9	6,93	6,17	5,47	3,58	4,805E-08	3,08E-06
FLT3	6,09	3,38	5,15	3,62	4,999E-08	3,19E-06
CFAP74	0,81	1,50	1,39	1,57	5,22E-08	3,32E-06
H2AFJ	5,75	6,66	6,53	6,88	5,339E-08	3,39E-06
ZNF704	0,01	0,25	0,03	0,06	5,407E-08	3,42E-06
MT-ND4L	12,75	13,66	13,47	14,28	5,679E-08	3,59E-06
HLA-DQA1	9,92	8,25	8,66	6,92	5,904E-08	3,72E-06
CHRN4	0,41	3,41	0,39	0,48	6,125E-08	3,85E-06
SF3A3	5,81	4,82	4,39	3,12	6,146E-08	3,85E-06
TMA7	7,73	8,19	8,17	8,26	6,262E-08	3,91E-06
RP11-169F17.1	0,48	0,82	0,54	1,08	6,338E-08	3,94E-06
PAK1	7,67	6,27	6,64	5,83	6,358E-08	3,94E-06
AC079630.2	0,24	0,90	0,11	1,10	6,364E-08	3,94E-06
GPX1	9,29	9,80	9,91	10,18	6,607E-08	4,08E-06
SPINT2	7,35	7,57	7,07	4,72	6,984E-08	4,3E-06
RP4-562J12.2	0,05	0,60	0,17	0,28	7,049E-08	4,33E-06
CLEC4E	1,06	3,06	3,13	5,86	7,275E-08	4,45E-06
PIGT	6,65	7,68	6,44	6,90	7,3E-08	4,46E-06
SPRYD4	0,75	0,56	0,31	1,06	7,319E-08	4,46E-06
CD24	0,04	2,42	0,06	0,11	7,89E-08	4,79E-06
DGKZ	2,24	4,64	4,13	3,23	8,202E-08	4,97E-06
SDF4	1,08	0,60	2,91	3,24	8,229E-08	4,97E-06
RP11-136K7.2	0,11	3,35	0,16	0,06	8,841E-08	5,33E-06
RN7SL163P	0,00	1,59	2,22	4,37	9,063E-08	5,44E-06
CDK5RAP3	6,64	7,66	7,37	7,43	9,225E-08	5,53E-06
TXNL4B	3,87	0,40	2,23	0,59	9,298E-08	5,56E-06
SCN9A	2,95	1,88	0,98	0,57	9,38E-08	5,59E-06
EML2	0,78	5,39	0,48	0,65	9,498E-08	5,64E-06
RP11-110L15.1	1,35	1,52	4,13	3,94	9,55E-08	5,66E-06
FLG2	0,01	0,20	0,03	0,07	9,934E-08	5,87E-06
HLA-DMB	10,27	9,29	9,46	8,36	1,024E-07	6,04E-06
PDZD7	0,77	1,08	1,39	1,40	1,034E-07	6,08E-06
ZNF483	0,68	1,66	1,06	1,75	1,04E-07	6,1E-06
FGFR2	0,14	0,50	0,32	0,57	1,056E-07	6,18E-06

DAZAP2	9,34	8,18	8,06	7,32	1,081E-07	6,3E-06
GYPA	0,90	0,16	1,13	2,23	1,094E-07	6,36E-06
RGS16	0,19	0,52	0,37	0,75	1,104E-07	6,41E-06
MRPL52	4,95	6,10	5,68	5,89	1,121E-07	6,49E-06
CYBB	5,02	4,80	5,27	6,40	1,13E-07	6,53E-06
AC020956.3	0,95	1,87	1,79	2,73	1,151E-07	6,61E-06
CLEC4A	8,36	8,00	7,63	5,87	1,152E-07	6,61E-06
SALRNA1	0,39	1,57	0,28	0,58	1,288E-07	7,38E-06
KCNT1	0,03	1,58	0,03	0,03	1,305E-07	7,45E-06
IGBP1	6,12	2,40	6,08	4,70	1,352E-07	7,71E-06
CLMN	0,79	1,52	2,16	2,20	1,373E-07	7,8E-06
TMEM258	6,49	7,35	6,75	7,38	1,387E-07	7,86E-06
ARHGFE39	0,47	1,16	0,78	0,18	1,411E-07	7,98E-06
RP3-410C9.1	2,11	6,02	3,76	4,78	1,42E-07	8,01E-06
H3F3B	10,98	10,34	10,18	9,45	1,479E-07	8,32E-06
FGF23	1,71	2,96	2,21	2,52	1,485E-07	8,33E-06
ACADVL	6,54	8,16	7,11	7,65	1,545E-07	8,65E-06
CD5	4,42	1,67	0,21	0,07	1,557E-07	8,7E-06
AOC1	0,00	0,12	0,24	0,55	1,593E-07	8,87E-06
AC147651.3	0,00	0,00	0,27	1,08	1,615E-07	8,97E-06
TMPRSS12	0,03	0,62	0,12	0,40	1,63E-07	9,03E-06
ABCA13	0,05	2,00	0,08	0,19	1,659E-07	9,17E-06
SH2B3	6,09	4,88	5,17	3,64	1,676E-07	9,24E-06
SEC14L4	0,11	1,44	0,21	0,22	1,684E-07	9,26E-06
RP11-90C4.1	1,52	4,46	1,43	2,83	1,691E-07	9,28E-06
RP11-512C24.2	0,00	2,13	0,46	0,20	1,703E-07	9,32E-06
DNAAF1	1,07	1,75	1,91	3,69	1,737E-07	9,48E-06
ELOVL5	6,63	4,93	5,36	4,44	1,817E-07	9,9E-06
TDRD1	0,06	0,06	0,10	0,09	1,828E-07	9,93E-06
RP11-96M12.1	0,10	0,58	0,21	0,30	1,831E-07	9,93E-06
LAMP1	0,48	1,90	1,99	3,67	1,977E-07	1,07E-05
CD163	4,96	6,59	6,61	6,38	2,027E-07	1,09E-05
NOS2P1	0,05	0,32	0,07	0,29	2,029E-07	1,09E-05
BCL11A	8,04	6,97	7,05	4,84	2,041E-07	1,1E-05
TMEM205	6,38	7,19	7,20	7,50	2,094E-07	1,12E-05
PTPRC	8,73	8,13	8,09	7,16	2,099E-07	1,12E-05
EYS	0,86	1,38	0,83	0,46	2,155E-07	1,15E-05
SNW1	5,70	2,63	5,20	3,37	2,184E-07	1,16E-05
RP11-707G18.1	2,51	4,31	3,94	5,13	2,233E-07	1,18E-05
PAK3	0,08	0,17	0,15	0,44	2,241E-07	1,19E-05
HIGD1A	6,33	6,09	5,62	2,92	2,269E-07	1,2E-05
RPL37A	9,35	10,10	10,07	10,60	2,306E-07	1,21E-05
RPL36	8,68	9,43	9,32	9,62	2,321E-07	1,22E-05
KIAA0664L3	0,18	1,39	0,26	1,14	2,371E-07	1,24E-05
SLC47A1	0,65	1,07	1,17	1,32	2,399E-07	1,25E-05
C6orf227	0,74	1,55	0,91	0,98	2,406E-07	1,26E-05
CTA-414D7.1	0,19	0,40	0,73	0,36	2,446E-07	1,27E-05
MT-RNR2	13,83	14,22	14,28	14,78	2,503E-07	1,3E-05
CH507-154B10.1	0,07	0,11	0,07	0,11	2,528E-07	1,31E-05
RP5-1014D13.2	0,79	0,83	0,97	1,19	2,534E-07	1,31E-05
AFF3	5,50	4,54	4,37	2,63	2,55E-07	1,31E-05
CTD-2319I12.1	6,28	0,87	2,69	0,90	2,583E-07	1,33E-05
PRLR	0,00	0,08	0,00	0,17	2,669E-07	1,37E-05
MCF2L2	0,66	2,02	0,86	0,53	2,71E-07	1,39E-05
MACROD2	0,85	1,29	1,16	1,25	2,819E-07	1,44E-05

RP4-644F6.3	0,76	1,61	1,53	2,03	2,869E-07	1,46E-05
HNFI1A	0,00	0,28	0,00	0,00	2,934E-07	1,49E-05
MFSD11	4,23	6,24	3,52	1,96	2,94E-07	1,49E-05
HULC	2,68	4,48	2,34	3,56	3,089E-07	1,56E-05
ZNF555	1,49	1,19	1,02	1,57	3,119E-07	1,58E-05
H1FX	2,26	3,39	4,38	5,31	3,162E-07	1,59E-05
RIC3	0,65	1,56	0,44	1,90	3,163E-07	1,59E-05
GFOD2	0,76	1,79	1,20	1,95	3,19E-07	1,6E-05
MBNL1	7,29	6,68	6,58	5,96	3,225E-07	1,61E-05
RP11-42B7.1	0,62	1,03	2,11	2,35	3,472E-07	1,73E-05
CXCL14	0,46	1,20	0,92	1,19	3,481E-07	1,73E-05
PDIA3	7,71	6,64	6,94	6,12	3,515E-07	1,75E-05
LETM1	3,31	3,78	3,41	3,02	3,522E-07	1,75E-05
PID1	4,44	6,59	6,59	7,05	3,559E-07	1,76E-05
TRIM7	0,02	0,15	0,09	0,72	3,662E-07	1,81E-05
CHRM3	0,00	0,00	0,00	0,05	3,712E-07	1,83E-05
VDAC2	7,77	7,25	6,96	5,81	3,75E-07	1,84E-05
PLD5	0,20	0,20	0,09	0,24	3,809E-07	1,87E-05
SLC11A1	1,16	1,77	2,84	4,73	3,953E-07	1,94E-05
MIR1248	3,15	6,22	5,36	7,61	4,006E-07	1,96E-05
IGHV3-21	0,00	2,20	0,00	0,00	4,018E-07	1,96E-05
RP11-567L7.3	0,00	0,31	0,00	0,29	4,054E-07	1,97E-05
CTA-747E2.11	0,31	1,52	0,34	0,43	4,068E-07	1,97E-05
PATJ	1,73	1,91	2,17	2,10	4,089E-07	1,98E-05
C21orf2	2,66	5,97	3,84	4,88	4,111E-07	1,99E-05
STK4	7,41	5,95	6,52	5,20	4,152E-07	2E-05
MPIG6B	0,09	0,26	0,16	2,20	4,175E-07	2,01E-05
HMGNA4	6,09	3,64	4,87	2,42	4,268E-07	2,05E-05
RP11-275D4.1	0,49	2,15	1,31	3,00	4,307E-07	2,06E-05
RP11-48O20.4	0,23	0,30	0,75	1,79	4,351E-07	2,08E-05
PPP1R14A	4,49	1,96	1,70	0,26	4,362E-07	2,08E-05
KPNA2	5,67	3,91	5,11	1,60	4,377E-07	2,08E-05
ABC89	1,15	1,28	1,30	2,03	4,557E-07	2,16E-05
CAP1	8,30	7,00	7,46	6,87	4,56E-07	2,16E-05
RP11-329L6.2	2,95	4,96	4,78	5,49	4,607E-07	2,18E-05
RPS28	8,63	9,98	9,65	10,57	4,652E-07	2,2E-05
SSBP4	3,59	6,00	4,97	5,49	4,805E-07	2,26E-05
SLC13A5	0,17	0,29	0,41	0,46	4,834E-07	2,27E-05
EMCN	0,07	0,07	0,43	0,88	4,871E-07	2,28E-05
TCF25	6,29	7,84	7,14	7,57	4,905E-07	2,29E-05
AGTRAP	6,72	7,08	7,22	8,32	4,921E-07	2,3E-05
PPP6R1	3,05	2,47	4,03	5,27	4,972E-07	2,32E-05
RP11-419117.1	2,45	3,63	2,80	3,09	4,988E-07	2,32E-05
MT-ND3	8,25	9,87	9,29	10,58	5,003E-07	2,32E-05
BLK	0,00	4,01	0,06	0,67	5,023E-07	2,33E-05
CHMP4A	7,54	7,18	7,05	4,85	5,037E-07	2,33E-05
TMEM233	0,00	0,52	0,00	0,00	5,163E-07	2,38E-05
PLK1	0,07	0,00	0,06	0,20	5,212E-07	2,4E-05
RP11-411H5.1	0,66	0,00	0,35	0,14	5,244E-07	2,41E-05
SIM2	0,37	0,52	0,53	1,59	5,325E-07	2,44E-05
CREG2	0,21	1,00	0,22	0,57	5,346E-07	2,44E-05
NEUROD1	0,19	0,25	0,39	0,54	5,379E-07	2,45E-05
MBD6	2,19	2,97	3,69	4,58	5,469E-07	2,49E-05
NONO	7,21	6,63	6,64	5,50	5,485E-07	2,49E-05
AC007292.4	0,72	3,14	0,00	1,05	5,672E-07	2,57E-05

SRL	0,01	0,11	0,00	0,07	5,769E-07	2,61E-05
RP13-93L13.2	0,66	1,37	0,86	1,42	5,786E-07	2,61E-05
RP3-499B10.3	0,97	1,41	1,41	2,06	5,843E-07	2,63E-05
MAPK1IP1L	6,09	3,77	5,31	4,13	5,896E-07	2,65E-05
RP11-177H13.2	0,32	0,77	0,59	0,45	5,932E-07	2,66E-05
RP11-63G10.4	0,28	1,61	0,34	1,01	6,223E-07	2,79E-05
RP11-731C17.2	0,14	0,41	0,18	2,37	6,287E-07	2,81E-05
STX12	4,85	0,85	5,19	4,91	6,481E-07	2,89E-05
RP11-374M1.2	0,18	1,16	0,20	0,18	6,503E-07	2,9E-05
DOPEY1	3,17	2,12	3,80	0,85	6,547E-07	2,91E-05
RP4-794H19.4	1,93	3,95	2,61	2,45	6,615E-07	2,93E-05
SCARNA22	2,15	3,00	4,49	4,86	6,689E-07	2,96E-05
IGHG2	0,27	1,14	0,44	1,16	6,704E-07	2,96E-05
KLHDC10	3,49	6,17	2,99	3,10	6,942E-07	3,06E-05
MEIS3	0,24	1,63	0,20	0,14	7,02E-07	3,09E-05
RP11-90E5.1	0,14	0,79	0,16	0,17	7,086E-07	3,11E-05
FCGBP	0,00	0,11	0,20	1,30	7,142E-07	3,13E-05
NDUFS2	7,07	3,16	6,36	5,44	7,175E-07	3,14E-05
CTA-992D9.10	0,19	0,34	0,31	0,33	7,189E-07	3,14E-05
RNVU1-15	3,89	5,78	3,77	6,10	7,364E-07	3,21E-05
HLA-DQB1	11,69	10,36	11,07	9,98	7,395E-07	3,21E-05
SDC3	0,67	1,10	1,07	1,33	7,4E-07	3,21E-05
CTC-436K13.6	0,22	1,53	0,00	0,00	7,514E-07	3,26E-05
C12orf45	5,93	6,49	5,21	3,96	7,53E-07	3,26E-05
ADCK4	2,91	4,89	1,09	4,59	7,575E-07	3,27E-05
RASSF5	5,87	4,61	5,53	3,03	7,616E-07	3,28E-05
UBXN11	4,59	5,25	5,33	5,73	7,623E-07	3,28E-05
ANKRD13D	5,11	5,42	6,13	6,94	7,8E-07	3,34E-05
LLNLR-246C6.1	0,76	1,38	1,02	1,56	7,808E-07	3,34E-05
TMEM131	4,66	1,47	3,84	2,79	7,903E-07	3,38E-05
RP11-700A24.1	0,49	1,03	0,79	1,02	7,937E-07	3,39E-05
ACO16582.2	0,00	1,39	0,00	0,00	7,997E-07	3,4E-05
RP11-659E9.6	1,09	2,29	1,43	2,41	8,085E-07	3,44E-05
SARAF	8,63	7,34	7,83	6,96	8,129E-07	3,45E-05
TNNT1	0,00	2,66	2,12	4,46	8,259E-07	3,5E-05
HMGB1P39	0,89	1,46	0,99	0,57	8,315E-07	3,51E-05
CXXC5	2,86	5,21	3,36	3,42	8,51E-07	3,58E-05
SERPINA1	6,91	7,33	7,33	8,45	8,517E-07	3,58E-05
RF00004	9,73	9,52	10,78	11,17	8,587E-07	3,6E-05
RNF157	0,28	0,63	0,37	1,10	8,592E-07	3,6E-05
STEAP4	0,51	0,71	0,28	2,62	8,745E-07	3,66E-05
RP3-368B9.1	0,00	0,51	0,00	0,00	8,794E-07	3,67E-05
CGN	0,12	2,37	0,00	0,00	8,837E-07	3,68E-05
EGR1	3,31	5,59	5,33	5,36	8,88E-07	3,7E-05
RP11-867G23.8	0,00	0,24	0,24	2,23	8,958E-07	3,72E-05
RPS6KA4	1,36	2,30	2,61	3,55	9,006E-07	3,73E-05
SMIM5	0,03	0,10	0,09	0,14	9,046E-07	3,74E-05
AC005197.2	0,00	1,97	0,12	0,00	9,047E-07	3,74E-05
AC109642.1	0,38	0,96	0,64	0,75	9,154E-07	3,77E-05
DNAH9	0,00	0,23	0,05	0,01	9,197E-07	3,79E-05
RP11-141M3.6	0,09	0,11	0,08	0,10	9,425E-07	3,87E-05
PLVAP	0,00	3,21	0,00	0,00	9,47E-07	3,88E-05
EPN1	0,74	3,09	1,29	1,00	9,604E-07	3,93E-05
RP11-366L20.2	0,06	0,09	0,14	0,46	9,635E-07	3,94E-05
CNBP	9,13	8,33	8,07	7,49	9,739E-07	3,97E-05

NCRNA00211	0,65	0,72	0,59	1,91	9,854E-07	4,01E-05
IGLL5	0,52	1,41	0,25	0,62	9,869E-07	4,01E-05
C12orf75	5,48	4,77	4,08	1,25	9,89E-07	4,01E-05
SNX2	6,74	3,86	6,34	5,89	9,994E-07	4,05E-05
PPP1R9A	0,00	0,00	0,01	0,28	1,009E-06	4,08E-05
RP11-627K11.1	0,47	0,81	0,54	1,10	1,019E-06	4,11E-05
SLC35F2	3,58	0,39	1,24	0,18	1,02E-06	4,11E-05
NANOG	0,25	1,16	0,59	0,77	1,03E-06	4,14E-05
ZBTB8A	0,42	0,77	0,78	0,52	1,037E-06	4,16E-05
FOXP4	0,02	1,09	0,13	0,31	1,041E-06	4,17E-05
RP3-455J7.4	0,25	0,52	0,39	1,37	1,065E-06	4,26E-05
CD209	0,12	1,25	0,34	1,09	1,077E-06	4,3E-05
LLNLF-187D8.1	0,07	0,14	0,09	0,16	1,102E-06	4,38E-05
UQCR11	7,12	7,83	7,50	8,01	1,105E-06	4,38E-05
RP11-304L19.11	0,87	2,38	1,74	1,31	1,105E-06	4,38E-05
PYGL	2,61	4,03	4,52	3,83	1,106E-06	4,38E-05
GAS7	3,37	5,19	4,29	4,00	1,121E-06	4,43E-05
AC034110.1	0,67	0,84	1,04	1,61	1,165E-06	4,6E-05
AC010970.2	14,28	15,34	14,99	15,78	1,167E-06	4,6E-05
TFEB	3,14	3,03	4,68	5,37	1,193E-06	4,69E-05
SSX7	0,34	0,00	0,29	0,28	1,22E-06	4,79E-05
ALDH5A1	0,12	0,49	0,15	0,53	1,224E-06	4,8E-05
KSR2	0,05	0,65	0,09	0,04	1,236E-06	4,84E-05
RP11-69P2.1	1,03	1,59	1,58	2,65	1,247E-06	4,87E-05
CTA-398F10.2	1,62	2,12	1,86	3,44	1,255E-06	4,89E-05
RP11-214C8.2	0,43	0,50	0,98	1,06	1,263E-06	4,91E-05
AKIP1	4,53	1,48	3,73	0,99	1,304E-06	5,06E-05
FECH	3,36	0,59	3,06	0,14	1,304E-06	5,06E-05
RNA5SP151	6,65	0,00	6,47	0,00	1,313E-06	5,08E-05
OR52K1	1,06	1,26	1,55	1,66	1,317E-06	5,09E-05
RP5-1024G6.7	1,41	3,99	1,98	3,41	1,351E-06	5,21E-05
DDX5	9,95	9,25	9,09	8,52	1,384E-06	5,33E-05
RP11-21M24.1	0,98	2,89	1,77	0,81	1,398E-06	5,37E-05
OST4	7,56	7,71	7,67	8,14	1,426E-06	5,47E-05
RP5-857K21.11	3,25	3,68	3,88	4,41	1,44E-06	5,52E-05
RP11-16L21.8	0,54	0,97	0,41	0,99	1,444E-06	5,52E-05
ARHGEF1	5,31	7,09	6,36	6,90	1,451E-06	5,54E-05
ELOB	6,54	7,07	6,83	7,58	1,459E-06	5,56E-05
PTP4A1	5,27	5,87	4,67	2,80	1,461E-06	5,56E-05
CTD-2509G16.2	0,73	1,39	0,45	0,41	1,469E-06	5,58E-05
ANKRD49	3,86	4,75	2,39	2,04	1,472E-06	5,58E-05
RP11-193J6.1	0,03	0,12	0,04	0,10	1,486E-06	5,63E-05
AC006509.7	4,91	5,92	5,59	6,07	1,521E-06	5,75E-05
MKRN3	0,11	1,00	0,29	0,54	1,525E-06	5,75E-05
TTYH1	0,28	0,21	0,47	1,02	1,539E-06	5,8E-05
OTUD7B	0,25	0,70	0,25	0,64	1,542E-06	5,8E-05
PNMA2	0,17	0,96	0,65	0,23	1,576E-06	5,92E-05
MT-TQ	6,13	8,14	7,16	8,29	1,581E-06	5,92E-05
CD27	0,24	0,30	0,14	1,16	1,593E-06	5,96E-05
RP11-290L7.5	0,25	0,49	0,29	1,05	1,596E-06	5,96E-05
RF00012	6,60	7,30	7,54	8,16	1,598E-06	5,96E-05
RP3-522J7.7	0,58	1,33	0,75	0,94	1,603E-06	5,97E-05
RP11-685M7.3	0,38	0,86	0,33	0,61	1,607E-06	5,97E-05
CTB-92J24.3	0,00	2,24	0,13	0,93	1,61E-06	5,98E-05
TMEM14C	7,62	5,63	6,88	5,91	1,621E-06	6E-05

NCMAP	0,20	0,95	0,32	0,63	1,624E-06	6,01E-05
WASHC1	1,32	1,45	2,51	3,51	1,638E-06	6,05E-05
EPPK1	0,00	0,05	0,00	0,01	1,695E-06	6,25E-05
MRPS35	5,16	1,88	4,96	4,24	1,737E-06	6,39E-05
RP11-295D4.3	0,23	0,08	0,82	0,79	1,739E-06	6,39E-05
CST3	12,91	12,03	12,53	11,52	1,742E-06	6,39E-05
COX19	3,53	4,19	4,28	4,86	1,748E-06	6,4E-05
RP11-47J17.1	0,00	1,23	0,00	0,63	1,754E-06	6,41E-05
SCAND1	6,71	7,38	7,45	7,81	1,756E-06	6,41E-05
GIPR	4,43	1,80	2,66	0,69	1,78E-06	6,48E-05
PRCP	7,72	6,49	6,95	5,54	1,794E-06	6,53E-05
ZBTB33	2,87	0,71	2,29	0,16	1,798E-06	6,53E-05
NUP35	3,65	5,29	0,57	0,66	1,81E-06	6,56E-05
AC012668.1	0,49	2,42	0,54	0,35	1,813E-06	6,56E-05
KCNE1	0,48	0,97	1,02	1,34	1,826E-06	6,6E-05
HECW1	0,02	0,65	0,01	0,05	1,833E-06	6,61E-05
SH3BP1	0,61	0,61	1,53	2,36	1,844E-06	6,64E-05
CLSPN	0,08	0,10	0,21	0,39	1,865E-06	6,71E-05
NDUFA11	7,36	7,69	7,83	8,18	1,876E-06	6,74E-05
SNRNP40	6,00	6,53	4,90	2,96	1,895E-06	6,79E-05
CTC-459F4.1	0,05	0,84	0,09	0,07	1,907E-06	6,82E-05
RP11-429J17.8	0,18	1,30	0,56	0,77	1,909E-06	6,82E-05
SPRY2	3,92	1,91	2,05	0,21	1,916E-06	6,83E-05
WIPF3	0,10	0,53	0,18	0,41	1,947E-06	6,93E-05
MECOM	1,97	3,14	2,87	3,55	1,966E-06	6,99E-05
CACNA1D	0,55	1,79	0,38	1,18	1,995E-06	7,08E-05
ZNF471	1,99	3,11	2,40	2,92	2,014E-06	7,14E-05
ROR1	0,00	0,18	0,00	0,06	2,022E-06	7,15E-05
RPS14	11,25	12,04	11,64	11,70	2,027E-06	7,16E-05
RP11-1100L3.8	6,32	8,60	8,05	7,37	2,039E-06	7,19E-05
KRTAP9-6	0,00	0,00	0,00	0,37	2,044E-06	7,2E-05
ARHGDI1	10,88	9,70	9,93	9,38	2,074E-06	7,29E-05
SHISA2	0,80	2,05	1,11	1,52	2,077E-06	7,29E-05
SYTL2	0,24	1,69	0,40	1,60	2,114E-06	7,41E-05
CLNK	0,98	1,04	0,38	0,72	2,138E-06	7,48E-05
BDP1	4,40	5,19	4,32	4,74	2,145E-06	7,5E-05
MT-TD	3,88	5,72	4,47	5,90	2,172E-06	7,58E-05
DACT3	1,01	1,22	1,02	1,05	2,182E-06	7,6E-05
RPS17	9,17	9,78	9,71	9,78	2,191E-06	7,61E-05
PPP1R13B	1,01	1,10	1,15	2,10	2,192E-06	7,61E-05
ADRBK1	4,49	5,57	5,91	6,35	2,22E-06	7,7E-05
GINS1	0,49	0,53	0,46	0,53	2,253E-06	7,8E-05
ZNF37B	1,58	2,97	1,31	1,91	2,29E-06	7,91E-05
SCUBE1	0,13	1,01	0,48	1,14	2,387E-06	8,24E-05
C19orf70	5,49	6,15	6,27	6,53	2,395E-06	8,25E-05
ITM2C	3,70	2,01	2,67	0,65	2,447E-06	8,41E-05
EMILIN2	5,09	5,59	5,82	6,14	2,448E-06	8,41E-05
GMFG	8,58	8,93	8,55	8,92	2,47E-06	8,47E-05
SLC7A7	4,98	3,26	5,53	6,66	2,489E-06	8,52E-05
UBL5	7,58	8,27	7,99	8,54	2,514E-06	8,6E-05
UNC93B1	2,83	3,86	4,09	5,31	2,556E-06	8,72E-05
PITX1	0,29	0,48	0,47	0,68	2,558E-06	8,72E-05
BTNL8	0,21	0,25	0,40	0,52	2,627E-06	8,94E-05
RP11-42O15.3	0,49	0,00	1,36	1,99	2,634E-06	8,95E-05
PTPN2	7,59	7,20	6,79	6,14	2,658E-06	9,01E-05

PPIAL4G	0,64	2,03	0,72	0,99	2,662E-06	9,01E-05
TRERF1	2,81	2,36	1,84	1,32	2,665E-06	9,01E-05
ZIM3	0,03	0,28	0,05	0,09	2,678E-06	9,04E-05
RP11-1112C15.1	0,13	0,16	0,07	0,18	2,68E-06	9,04E-05
NDUFA13	7,32	7,99	7,77	8,09	2,762E-06	9,3E-05
SPNS1	4,93	6,28	6,01	6,47	2,857E-06	9,61E-05
RNU2-1	6,37	6,22	7,44	7,79	2,875E-06	9,65E-05
RP11-203J24.8	0,00	3,02	0,33	0,41	2,911E-06	9,76E-05
UBE2N	6,46	6,39	5,77	3,53	2,915E-06	9,76E-05
MARCKS	4,17	4,17	4,39	5,30	2,924E-06	9,77E-05
SLC25A5	9,42	9,36	8,69	7,08	2,927E-06	9,77E-05
TIGD5	0,08	0,05	0,25	0,22	2,931E-06	9,77E-05
TBCD	4,92	4,52	5,64	7,06	2,945E-06	9,8E-05
DOCK6	0,10	2,75	1,04	0,34	2,954E-06	9,8E-05
TRIM56	2,22	1,48	2,63	3,38	2,955E-06	9,8E-05
DMBX1	0,14	0,33	0,18	0,08	2,992E-06	9,91E-05
ZNF787	0,24	1,73	0,83	0,61	3,013E-06	9,96E-05
RP11-573M3.2	0,00	3,75	0,00	2,14	3,022E-06	9,98E-05
AKNAD1	0,00	0,15	0,00	0,00	3,053E-06	0,000101
WWC2	0,02	0,81	1,37	0,35	3,148E-06	0,000104
RP11-1078H9.6	0,00	0,20	0,11	0,13	3,18E-06	0,000105
RF00017	9,36	10,14	9,91	10,03	3,185E-06	0,000105
DPP4	1,90	0,48	0,03	0,29	3,209E-06	0,000105
PLOD3	3,76	3,91	4,86	4,79	3,222E-06	0,000105
WDR60	2,40	4,31	3,19	4,34	3,278E-06	0,000107
SPIB	4,36	2,49	3,05	1,16	3,287E-06	0,000107
RP11-372E1.6	1,09	2,41	1,58	1,67	3,296E-06	0,000107
RP11-515E23.1	0,88	1,33	1,00	1,15	3,297E-06	0,000107
RP5-857K21.9	2,66	3,22	3,20	4,23	3,448E-06	0,000112
ZNF557	1,89	2,50	2,67	3,48	3,48E-06	0,000113
RP11-326A13.2	0,33	0,36	0,47	1,10	3,483E-06	0,000113
LA16c-4G1.3	1,43	3,02	1,72	1,79	3,524E-06	0,000114
C14orf132	0,02	0,04	0,02	0,03	3,538E-06	0,000114
DMBT1P1	0,02	0,36	0,05	0,36	3,576E-06	0,000115
HLA-B	9,59	10,22	10,18	10,56	3,58E-06	0,000115
DEAF1	3,23	6,00	4,30	4,63	3,606E-06	0,000116
MT-ND6	10,20	10,61	10,54	10,97	3,612E-06	0,000116
RHD	0,37	0,49	0,49	1,68	3,637E-06	0,000117
RP11-118G23.3	1,07	0,33	0,84	0,49	3,641E-06	0,000117
SRRM2	4,86	6,59	5,97	6,63	3,647E-06	0,000117
CNN2	7,24	6,46	6,35	4,66	3,669E-06	0,000117
TRAC	1,25	5,65	0,62	0,93	3,795E-06	0,000121
AC003665.1	0,17	0,31	0,20	1,33	3,853E-06	0,000123
PRR16	0,00	0,08	0,00	0,10	3,861E-06	0,000123
PTGDR	0,00	0,00	0,00	0,30	3,885E-06	0,000123
RP11-552F3.12	0,14	0,00	0,45	0,19	3,895E-06	0,000123
HLA-A	7,87	8,31	8,34	8,66	3,93E-06	0,000124
RP1-217P22.2	0,19	0,30	0,20	0,88	4,03E-06	0,000127
RPL36A	8,77	9,35	9,30	9,78	4,033E-06	0,000127
RNU1-28P	4,01	5,06	5,16	5,99	4,124E-06	0,00013
MAST2	1,56	3,55	1,81	2,25	4,134E-06	0,00013
NEAT1	5,12	5,42	6,05	6,03	4,173E-06	0,00013
RNU1-1	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013
RNU1-2	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013
RNU1-27P	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013

RNU1-3	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013
RNU1-4	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013
RNVU1-18	4,01	5,06	5,16	5,99	4,181E-06	0,00013
NOSTRIN	0,14	1,28	0,14	0,44	4,227E-06	0,000132
CTD-2313J23.1	0,48	1,71	0,59	0,95	4,235E-06	0,000132
KCNJ3	0,29	0,70	0,41	0,52	4,258E-06	0,000132
SEC31A	6,27	4,43	5,31	5,90	4,266E-06	0,000132
RP4-726N20.2	0,67	0,18	0,19	1,63	4,375E-06	0,000135
CCL3	6,67	8,53	7,63	8,53	4,43E-06	0,000137
PNPLA1	0,05	0,00	0,00	0,46	4,462E-06	0,000138
CHST12	3,39	2,30	2,33	0,92	4,47E-06	0,000138
MIR193BHG	0,61	2,01	0,86	1,17	4,535E-06	0,00014
ARHGDI4	4,36	6,12	5,69	6,44	4,554E-06	0,00014
MAPRE1	5,77	2,82	4,84	4,58	4,599E-06	0,000141
PDP2	0,25	0,50	0,83	0,75	4,6E-06	0,000141
RP5-1125A11.1	0,76	0,52	0,99	1,97	4,662E-06	0,000143
IGLV2-14	0,71	4,27	0,00	0,00	4,704E-06	0,000144
THEM4	4,41	3,26	2,55	1,55	4,718E-06	0,000144
SERF2	9,23	9,67	9,67	10,05	4,73E-06	0,000144
LLNLF-96A1.1	10,50	11,05	11,17	12,89	4,842E-06	0,000147
ARHGAP44	0,11	1,32	0,12	0,13	4,902E-06	0,000149
ANAPC11	6,84	7,62	7,40	7,97	4,955E-06	0,00015
CD300E	3,73	3,31	4,52	5,37	4,989E-06	0,000151
PRKACA	1,74	3,17	3,57	3,30	5,041E-06	0,000153
MDGA1	0,00	0,37	0,00	0,01	5,057E-06	0,000153
TMEM144	2,49	0,46	1,75	4,22	5,101E-06	0,000154
TMEM120A	4,18	5,31	4,87	5,72	5,109E-06	0,000154
RP1-283E3.8	0,46	0,51	1,11	1,39	5,112E-06	0,000154
DAPP1	6,86	5,46	5,63	4,71	5,18E-06	0,000156
EFHD2	4,81	4,98	5,49	5,43	5,252E-06	0,000158
ELMO1	7,56	5,89	6,75	6,39	5,269E-06	0,000158
RP11-362F19.2	0,07	0,14	0,11	1,57	5,275E-06	0,000158
TSHR	1,55	3,81	1,55	2,33	5,28E-06	0,000158
RAB3GAP2	3,84	3,05	2,65	3,12	5,29E-06	0,000158
RPS8	8,86	9,37	9,33	9,39	5,299E-06	0,000158
RP11-213H15.3	0,31	0,32	1,68	2,07	5,299E-06	0,000158
ZDHHHC18	2,86	4,00	2,41	1,76	5,304E-06	0,000158
RPL41	11,45	11,95	11,78	12,01	5,306E-06	0,000158
GAK	5,04	6,45	6,14	6,60	5,329E-06	0,000158
MYO6	0,10	0,29	0,10	0,11	5,406E-06	0,00016
RNF113A	4,83	0,78	4,64	3,32	5,48E-06	0,000162
SYNPO2L	0,31	0,47	0,32	0,46	5,575E-06	0,000164
RP1-59D14.9	5,17	5,85	5,64	5,57	5,576E-06	0,000164
RP11-118A1.2	5,17	5,85	5,64	5,57	5,576E-06	0,000164
RP11-294N21.2	5,17	5,85	5,64	5,57	5,576E-06	0,000164
AP000437.3	0,37	1,50	1,08	0,80	5,66E-06	0,000166
LPIN3	0,30	0,86	0,57	1,08	5,665E-06	0,000166
CCDC64	0,59	0,68	0,77	1,20	5,676E-06	0,000166
CDK5R1	0,00	0,57	0,00	0,15	5,676E-06	0,000166
KLRD1	1,21	1,93	1,05	1,82	5,684E-06	0,000166
B3GAT2	0,17	0,44	0,13	0,41	5,706E-06	0,000167
KCNQ1OT1	1,13	1,63	1,16	1,38	5,721E-06	0,000167
ATP5E	4,71	5,18	5,06	5,66	5,764E-06	0,000168
ADCY2	0,47	0,74	0,95	1,51	5,853E-06	0,00017
RPUSD4	3,25	4,01	3,17	5,32	5,924E-06	0,000172

CHST3	0,03	0,72	0,06	0,29	5,926E-06	0,000172
TUBB3	0,00	1,54	0,28	1,11	5,933E-06	0,000172
LMX1B	0,08	0,24	0,07	0,07	5,934E-06	0,000172
GRIN2B	0,01	0,00	0,01	0,05	5,941E-06	0,000172
USP7	4,57	5,54	4,69	4,12	6,006E-06	0,000173
DAPK2	0,79	1,35	1,20	1,76	6,021E-06	0,000174
RP11-375O18.2	0,37	0,53	0,69	0,79	6,069E-06	0,000175
C5orf28	2,78	1,85	1,31	0,65	6,207E-06	0,000178
TINCR	0,12	1,69	1,18	2,39	6,28E-06	0,00018
OTOA	0,20	0,26	0,36	0,67	6,331E-06	0,000182
NDST3	0,03	0,27	0,04	0,07	6,342E-06	0,000182
FAM169B	0,11	0,27	0,85	0,21	6,371E-06	0,000182
FBN1	0,01	0,30	0,05	0,01	6,509E-06	0,000186
CDC42SE2	6,77	6,41	5,98	5,63	6,592E-06	0,000188
CD1E	6,10	2,52	5,25	0,94	6,612E-06	0,000188
RP1-78B3.1	0,38	0,49	0,43	0,66	6,697E-06	0,000191
NLRP12	0,87	3,63	2,58	3,70	6,71E-06	0,000191
CHCHD3	5,56	2,49	4,67	3,34	6,737E-06	0,000191
GS1-122H1.2	0,16	1,47	0,22	0,30	6,743E-06	0,000191
RP11-725C19.1	0,19	0,13	0,17	2,16	6,804E-06	0,000193
AKT2	1,85	2,37	2,19	2,12	6,989E-06	0,000198
IGHM	0,87	6,31	1,44	1,90	7,014E-06	0,000198
NHLRC2	2,14	1,40	1,01	1,35	7,049E-06	0,000199
RN7SL431P	0,00	2,28	0,00	0,72	7,073E-06	0,000199
WDR70	4,78	3,99	4,74	5,09	7,139E-06	0,000201
ESR2	0,17	0,85	0,20	0,33	7,159E-06	0,000201
ARHGAP4	4,76	4,71	5,69	6,34	7,286E-06	0,000204
TRIM58	0,27	2,31	0,26	0,51	7,308E-06	0,000205
RP3-412A9.17	0,61	1,01	0,72	1,07	7,331E-06	0,000205
CTB-50L17.10	0,76	2,63	0,81	1,94	7,337E-06	0,000205
ATP2A3	2,56	4,30	1,75	2,03	7,388E-06	0,000206
ADAM15	3,76	5,91	5,49	5,97	7,401E-06	0,000206
RAB5A	5,64	1,38	4,21	2,43	7,403E-06	0,000206
NOG	0,59	1,16	0,86	1,41	7,411E-06	0,000206
PIPOX	1,57	0,63	0,88	0,12	7,516E-06	0,000209
DUSP1	8,87	9,21	9,38	9,06	7,541E-06	0,000209
RP11-392O17.1	1,30	1,58	2,03	2,50	7,562E-06	0,00021
LAMB4	0,10	1,05	0,21	0,16	7,675E-06	0,000212
PTPRG	0,03	0,68	0,10	0,12	7,698E-06	0,000213
TMEM212	2,42	3,71	2,61	3,74	7,701E-06	0,000213
SSPN	0,06	0,03	0,00	0,03	7,712E-06	0,000213
CTC-242N15.1	2,39	3,48	2,91	3,09	7,722E-06	0,000213
CTB-12A17.2	0,40	0,56	0,38	2,12	7,865E-06	0,000216
HDHD2	4,04	1,00	2,90	0,31	7,881E-06	0,000217
ARHGAP5	4,97	3,99	4,05	2,00	7,907E-06	0,000217
FCER1A	11,32	10,47	10,81	8,79	7,988E-06	0,000219
CTD-2246P4.1	0,44	0,67	0,50	1,74	8,007E-06	0,000219
LSM7	6,72	7,59	7,26	7,50	8,161E-06	0,000223
PLXNC1	5,66	5,47	4,73	3,95	8,207E-06	0,000224
RPL35	8,95	9,59	9,52	9,89	8,264E-06	0,000225
SLCO1A2	0,13	1,85	0,18	0,18	8,296E-06	0,000226
RN7SL388P	0,00	0,76	1,86	2,50	8,336E-06	0,000227
TRIM45	0,11	0,28	0,32	0,11	8,341E-06	0,000227
NDUFB1	6,24	6,77	6,94	7,45	8,465E-06	0,00023
SNX3	7,78	7,02	6,93	6,54	8,49E-06	0,00023

VENTX	2,36	2,32	3,18	4,12	8,568E-06	0,000232
RP11-113I24.1	1,77	2,49	2,29	2,70	8,741E-06	0,000236
LSP1	8,66	7,35	7,93	6,74	8,787E-06	0,000237
RP11-189E14.3	0,00	0,34	0,00	0,39	8,851E-06	0,000239
PRKCQ	0,00	0,73	0,00	1,27	8,905E-06	0,00024
CYP8B1	0,02	0,17	0,04	0,07	9,001E-06	0,000242
ACAP3	0,70	0,96	1,73	2,42	9,032E-06	0,000243
ZNF486	0,65	2,42	0,57	0,82	9,111E-06	0,000245
CYP2E1	3,44	0,19	0,35	0,25	9,205E-06	0,000247
PIK3R1	4,66	4,12	4,54	4,72	9,226E-06	0,000247
AC112229.4	0,00	0,00	0,00	0,18	9,342E-06	0,00025
COX8A	8,27	8,76	8,74	9,01	9,348E-06	0,00025
PXYLP1	1,08	1,04	1,36	1,54	9,379E-06	0,00025
CAPN15	1,49	3,43	2,40	2,05	9,486E-06	0,000253
APC2	0,00	0,67	0,06	0,06	9,493E-06	0,000253
IER3	1,86	6,29	4,26	5,83	9,555E-06	0,000254
RP11-429E11.3	0,08	1,26	0,10	0,15	9,56E-06	0,000254
ZSWIM8-AS1	2,29	0,00	0,00	0,00	9,584E-06	0,000254
SLC27A3	4,13	3,48	5,58	6,07	9,601E-06	0,000254
DNASE2	0,37	1,07	0,66	2,67	9,751E-06	0,000258
FFAR2	1,61	2,59	2,23	3,55	9,779E-06	0,000258
B3GNT6	0,00	0,20	0,00	0,10	1,008E-05	0,000266
SMYD5	0,58	1,78	0,71	2,51	1,02E-05	0,000269
C14orf145	3,98	2,76	2,47	0,64	1,026E-05	0,00027
PTK2B	4,04	5,38	4,33	3,93	1,055E-05	0,000278
TTC16	0,27	0,38	0,32	0,58	1,061E-05	0,000278
ABCC13	0,10	0,52	0,19	0,18	1,061E-05	0,000278
MT-TK	4,41	5,69	4,69	6,76	1,063E-05	0,000278
CYP3A5	1,67	2,51	1,92	2,46	1,069E-05	0,00028
PTCH2	1,54	2,03	2,24	2,83	1,074E-05	0,000281
A1BG	4,04	5,43	5,25	6,08	1,075E-05	0,000281
ZER1	1,47	1,95	1,48	0,73	1,085E-05	0,000283
RAVER2	3,00	0,30	1,29	0,13	1,092E-05	0,000284
GPR137C	0,84	3,48	0,85	1,29	1,094E-05	0,000285
OR2V1	0,02	1,66	0,45	0,38	1,098E-05	0,000286
KALRN	0,62	0,03	0,69	0,86	1,108E-05	0,000288
RP11-389C8.2	4,12	1,82	1,01	0,10	1,111E-05	0,000288
PRAM1	4,51	4,67	5,57	5,85	1,115E-05	0,000289
MRPL43	6,23	1,63	5,89	5,81	1,127E-05	0,000291
ZFAND3	2,64	0,18	3,46	2,97	1,127E-05	0,000291
MTMR1	3,56	2,97	2,42	2,70	1,133E-05	0,000292
CCDC6	5,25	1,16	4,35	3,72	1,133E-05	0,000292
RPS12	9,52	9,93	9,78	10,32	1,139E-05	0,000293
ADNP	5,83	3,17	4,74	2,84	1,147E-05	0,000295
MNT	1,64	2,27	2,89	2,20	1,153E-05	0,000296
DMXL2	2,41	4,28	4,27	5,06	1,166E-05	0,000299
JUND	3,74	5,15	5,12	5,95	1,197E-05	0,000307
C14orf2	7,52	8,12	7,74	8,33	1,201E-05	0,000307
TPI1	10,05	9,36	9,52	8,21	1,225E-05	0,000313
CTD-2369P2.4	0,00	1,68	0,26	3,36	1,236E-05	0,000316
CTB-127C13.1	1,72	0,85	1,45	1,85	1,262E-05	0,000322
OR5AS1	1,76	2,97	2,03	2,44	1,281E-05	0,000326
LGALS9	7,57	5,61	6,99	5,95	1,288E-05	0,000328
OGFR	1,09	2,11	2,13	3,41	1,31E-05	0,000333
CTD-2081K17.2	0,32	1,63	0,76	0,40	1,311E-05	0,000333

S100A4	11,44	11,82	11,96	12,03	1,327E-05	0,000337
AL035610.2	1,88	2,89	2,36	3,12	1,336E-05	0,000339
TNIP3	0,32	0,58	0,30	0,48	1,345E-05	0,00034
HAVCR2	6,41	5,02	5,78	4,27	1,348E-05	0,000341
FCGR1B	0,50	0,00	0,32	3,54	1,372E-05	0,000346
IKZF1	5,92	6,03	5,35	4,90	1,391E-05	0,000351
EIF3M	8,58	6,83	7,88	6,98	1,409E-05	0,000355
RUSC2	0,00	0,07	0,00	1,31	1,422E-05	0,000358
LINC01272	1,66	0,75	2,14	4,49	1,434E-05	0,00036
TGM5	0,12	1,39	0,27	0,32	1,446E-05	0,000363
FAM83F	0,22	0,39	0,47	0,68	1,448E-05	0,000363
FAM228B	4,04	4,71	4,24	4,20	1,456E-05	0,000365
BRK1	8,37	7,48	7,79	6,58	1,478E-05	0,00037
PTCHD4	0,21	0,05	0,41	1,57	1,481E-05	0,00037
RP11-7209.4	2,21	2,94	3,67	4,73	1,488E-05	0,000372
NDUFA7	6,12	7,03	6,56	7,14	1,498E-05	0,000374
YWHAZ	8,46	7,60	7,92	7,04	1,507E-05	0,000376
YPEL3	5,30	6,74	6,23	7,04	1,53E-05	0,000381
TRMT112	7,34	7,76	7,48	7,85	1,533E-05	0,000381
TCIRG1	6,86	8,14	7,49	8,19	1,536E-05	0,000382
FAM131A	0,32	3,47	0,80	0,68	1,538E-05	0,000382
FTHL11	0,43	0,00	0,00	0,84	1,547E-05	0,000383
LRP6	0,00	0,00	0,07	0,18	1,568E-05	0,000388
PEA15	5,68	4,16	5,50	4,84	1,576E-05	0,00039
PPIP5K2	5,71	3,71	5,16	3,81	1,578E-05	0,00039
GPRC5A	0,38	0,52	0,55	0,87	1,587E-05	0,000392
MORC4	2,17	3,74	2,64	2,54	1,59E-05	0,000392
RP11-484D2.2	0,68	1,49	1,05	1,40	1,604E-05	0,000395
ARF6	5,87	3,44	4,98	4,49	1,611E-05	0,000396
RP11-360A9.2	0,21	0,62	0,45	0,10	1,612E-05	0,000396
CISD3	3,70	5,46	4,43	5,28	1,623E-05	0,000398
RP11-579O24.3	1,00	1,20	1,52	2,44	1,635E-05	0,000401
EIF2B1	5,61	3,75	4,55	2,83	1,641E-05	0,000402
AC073055.2	0,07	0,17	0,18	0,17	1,65E-05	0,000404
CDK2AP2	6,76	6,63	6,21	5,00	1,655E-05	0,000404
AC003102.3	0,57	1,98	0,64	0,66	1,658E-05	0,000405
C17orf89	4,93	5,33	5,98	5,64	1,664E-05	0,000405
TTN	0,67	2,63	0,50	2,41	1,666E-05	0,000405
ATG16L2	5,92	6,07	6,55	7,45	1,674E-05	0,000407
XPO1	5,77	4,09	5,20	5,57	1,676E-05	0,000407
CCDC162P	0,61	0,62	0,32	2,41	1,686E-05	0,000409
ALDH18A1	1,75	0,23	0,15	0,04	1,688E-05	0,000409
MAPK10	3,24	4,50	3,31	3,56	1,694E-05	0,00041
RP11-473M20.5	0,03	0,27	0,05	0,05	1,712E-05	0,000414
PYGO1	0,04	0,26	0,03	0,12	1,732E-05	0,000418
PABPC1	11,11	10,48	10,59	10,18	1,763E-05	0,000426
SAFB2	4,41	5,81	4,96	5,25	1,794E-05	0,000432
CARD19	5,52	4,46	6,79	6,58	1,809E-05	0,000435
KIF6	0,64	1,46	1,22	2,16	1,811E-05	0,000435
CTH	0,84	3,46	0,94	2,57	1,815E-05	0,000436
LILRA6	2,13	0,90	2,92	3,64	1,822E-05	0,000437
PMPCB	5,61	1,71	5,05	3,62	1,825E-05	0,000437
C19orf24	4,64	6,23	5,81	6,21	1,84E-05	0,000441
FAM57B	0,48	0,24	0,53	1,39	1,852E-05	0,000443
RP11-366K18.3	0,63	2,51	0,97	1,83	1,858E-05	0,000444

LGALS1	10,18	10,76	10,72	10,73	1,859E-05	0,000444
GJD2	0,18	0,39	0,32	0,51	1,861E-05	0,000444
RHOC	7,21	5,04	6,52	6,07	1,862E-05	0,000444
SGSM1	0,07	0,43	0,17	0,19	1,871E-05	0,000445
TRAPPC5	7,34	7,98	7,77	7,68	1,878E-05	0,000446
CCDC149	0,16	0,21	1,05	3,46	1,909E-05	0,000453
RP11-458K10.3	0,00	0,76	0,00	0,23	1,919E-05	0,000455
THUMPD1	5,50	5,61	4,54	3,47	1,924E-05	0,000456
TMTC1	0,08	0,65	0,06	1,22	1,946E-05	0,000461
RP11-315A17.1	0,00	1,77	0,35	0,00	1,954E-05	0,000462
RP11-154D6.2	1,30	2,05	1,38	2,11	2,003E-05	0,000473
AP1S2	8,48	7,23	7,55	7,26	2,021E-05	0,000477
RP11-75C9.1	0,38	0,44	0,34	0,47	2,024E-05	0,000477
KIFC3	3,33	4,07	3,60	5,06	2,03E-05	0,000478
RP11-344B2.3	0,00	2,02	0,37	0,39	2,039E-05	0,00048
FO XK1	1,03	1,12	1,29	2,84	2,061E-05	0,000484
ZNF395	1,96	3,08	2,69	4,15	2,067E-05	0,000485
AP003068.9	3,26	5,11	5,07	5,79	2,073E-05	0,000486
PGGT1B	4,78	3,43	3,06	1,60	2,088E-05	0,000489
ATP5F1	9,22	8,34	8,28	7,30	2,106E-05	0,000492
XRCC3	0,00	2,77	0,12	0,27	2,108E-05	0,000492
RP11-374N7.2	2,22	4,13	2,57	2,66	2,108E-05	0,000492
LL22NC03-86G7.1	0,40	1,32	0,44	0,33	2,126E-05	0,000496
RP11-1018N14.5	1,32	3,35	1,38	3,04	2,128E-05	0,000496
VCL	5,39	4,47	4,42	3,62	2,13E-05	0,000496
RP1-6209.3	0,45	0,74	0,92	1,02	2,135E-05	0,000496
DENND3	4,61	3,16	5,38	4,99	2,14E-05	0,000496
RP11-285A1.1	0,06	0,24	0,19	0,69	2,14E-05	0,000496
RP11-153M7.3	0,39	1,35	0,59	1,26	2,158E-05	0,0005
CAPZA1	8,31	6,75	7,53	7,32	2,16E-05	0,0005
CD207	3,63	0,00	0,00	0,00	2,166E-05	0,000501
RNASEK	9,36	9,32	9,86	9,41	2,205E-05	0,000509
SOX2-OT	2,98	4,45	3,55	4,51	2,215E-05	0,000511
NEIL1	0,90	2,01	1,56	4,19	2,278E-05	0,000525
DHRS3	5,33	3,67	3,12	0,88	2,293E-05	0,000528
RP11-523O18.5	1,27	1,84	1,66	2,13	2,305E-05	0,00053
HHIP	0,07	0,73	0,12	0,09	2,325E-05	0,000534
RP11-604N13.1	0,72	2,37	0,94	0,89	2,334E-05	0,000536
MGST3	5,65	6,50	6,13	5,89	2,359E-05	0,000541
FAM184B	0,06	0,18	0,09	0,27	2,371E-05	0,000543
DUSP2	5,40	7,95	7,00	4,66	2,376E-05	0,000544
MCOLN2	5,50	3,67	3,57	3,10	2,384E-05	0,000545
RP11-499E14.1	0,40	0,00	0,12	0,30	2,392E-05	0,000546
RGS1	8,74	8,09	7,71	5,45	2,422E-05	0,000553
HELLPAR	1,08	2,06	1,12	1,38	2,434E-05	0,000555
GOLGA1	1,94	0,06	2,25	4,27	2,442E-05	0,000556
HMGA2	0,19	0,40	0,22	0,13	2,457E-05	0,000558
KIRREL3	0,15	0,74	0,00	0,21	2,457E-05	0,000558
TMRSS13	0,20	2,25	0,05	0,07	2,484E-05	0,000564
SCOC	4,51	0,28	2,44	1,46	2,508E-05	0,000569
RAB3D	0,96	1,20	2,17	2,72	2,523E-05	0,000572
MT-TE	7,76	10,07	8,44	9,61	2,529E-05	0,000572
KLF13	5,24	5,74	6,05	6,83	2,554E-05	0,000577
NAP1L4	4,86	5,91	5,31	4,88	2,561E-05	0,000579
PPP1R37	0,20	0,33	0,26	0,64	2,579E-05	0,000581

RP5-940J5.9	2,46	2,70	2,53	3,49	2,582E-05	0,000581
MAPK14	4,71	2,90	4,57	4,99	2,585E-05	0,000581
EPC1	6,25	6,96	5,92	4,25	2,586E-05	0,000581
SLC38A7	1,10	1,80	2,32	2,68	2,587E-05	0,000581
TMEM138	4,75	5,63	4,16	5,62	2,642E-05	0,000593
PLAG1	0,21	0,27	0,29	0,64	2,695E-05	0,000604
RYR2	0,00	2,25	0,00	0,02	2,728E-05	0,000611
CRISPLD2	1,28	1,13	1,33	3,07	2,73E-05	0,000611
TEPP	0,00	0,22	0,05	0,00	2,794E-05	0,000625
RBPJ	7,76	7,08	7,14	6,28	2,797E-05	0,000625
DDX11L9	0,00	2,27	0,00	0,31	2,838E-05	0,000633
RGS18	6,26	2,93	4,73	5,30	2,871E-05	0,00064
NPY1R	0,19	0,00	0,11	0,15	2,905E-05	0,000647
GABRG2	1,26	2,43	1,29	1,27	2,911E-05	0,000648
TPRXL	2,10	4,56	2,27	4,66	2,923E-05	0,00065
AC022311.1	0,06	2,48	0,00	0,42	2,936E-05	0,000651
CSF2RA	8,28	6,75	7,76	6,78	2,936E-05	0,000651
AP000281.1	0,78	1,35	0,85	1,13	2,941E-05	0,000652
PLEC	2,34	3,03	3,10	3,34	2,946E-05	0,000652
TGIF1	6,97	6,76	6,13	5,26	2,988E-05	0,000661
RP11-813C7.1	0,00	0,25	0,00	0,16	3,006E-05	0,000664
RP11-325O24.5	0,42	0,78	0,53	1,22	3,042E-05	0,000671
EDEM1	5,30	4,97	4,64	3,08	3,055E-05	0,000674
SLC6A2	0,00	0,00	0,00	0,04	3,094E-05	0,000681
SLC7A9	0,15	0,48	0,21	0,26	3,115E-05	0,000686
C12orf65	3,40	4,83	3,49	4,95	3,131E-05	0,000688
AC013400.2	0,32	3,06	0,56	0,62	3,142E-05	0,00069
MIF4GD	6,58	2,79	6,02	0,94	3,174E-05	0,000696
LINC00670	2,09	3,87	2,48	2,64	3,176E-05	0,000696
RP11-176H8.1	2,23	4,90	1,16	1,08	3,178E-05	0,000696
PCDH9	0,15	0,46	0,36	0,60	3,194E-05	0,000698
AGPHD1	1,05	2,08	1,20	2,47	3,195E-05	0,000698
C15orf41	1,39	1,24	0,76	1,34	3,215E-05	0,000701
AP000432.3	3,81	5,60	4,21	5,29	3,216E-05	0,000701
CTD-2196E14.8	1,32	1,52	1,08	2,18	3,235E-05	0,000705
SRFBP1	3,38	0,90	2,31	2,93	3,24E-05	0,000705
SEMA5A	0,12	0,38	0,11	0,06	3,242E-05	0,000705
RP11-428G5.7	0,47	2,20	0,75	0,93	3,251E-05	0,000706
CD48	9,15	7,62	8,16	7,60	3,261E-05	0,000708
FRY	3,12	5,49	3,25	4,56	3,271E-05	0,000709
RP11-416I2.1	0,07	0,49	0,08	0,12	3,277E-05	0,00071
RABL6	1,43	2,60	2,84	3,77	3,279E-05	0,00071
RETN	2,67	4,71	4,72	6,44	3,29E-05	0,000711
PPP1CB	7,94	6,65	7,61	5,83	3,299E-05	0,000713
PITHD1	5,33	1,66	4,47	2,65	3,312E-05	0,000715
RGPD4	0,00	0,00	0,00	0,05	3,332E-05	0,000718
CD109	1,58	0,52	1,79	0,25	3,333E-05	0,000718
KDM5C	1,65	2,37	2,29	1,25	3,368E-05	0,000725
ADAM32	2,41	3,22	2,45	3,64	3,381E-05	0,000727
RPS15	10,66	11,23	10,92	11,18	3,39E-05	0,000728
DEC1	1,92	3,69	2,21	1,72	3,396E-05	0,000729
PLEKHG4B	0,05	0,11	0,07	0,19	3,416E-05	0,000731
RP13-104F24.1	4,80	1,66	4,63	0,70	3,416E-05	0,000731
CTD-2001J20.1	0,46	0,71	0,53	0,55	3,425E-05	0,000733
FRAS1	0,00	0,04	0,00	0,53	3,433E-05	0,000734

BEAN1	0,08	0,91	0,39	0,29	3,442E-05	0,000735
LPA	0,00	0,51	0,00	0,00	3,462E-05	0,000738
AP004782.1	0,03	0,09	0,09	0,44	3,471E-05	0,00074
MCM10	0,04	3,20	0,04	0,03	3,517E-05	0,000749
DECR1	8,28	7,30	7,72	6,30	3,567E-05	0,000758
CTC-510F12.6	3,33	2,71	4,75	5,43	3,569E-05	0,000758
TRMU	3,59	5,74	3,83	4,64	3,577E-05	0,000759
PATL2	3,20	4,34	2,53	6,57	3,585E-05	0,00076
IL18	6,84	6,33	5,82	3,44	3,659E-05	0,000775
SHC4	1,11	4,57	0,74	1,23	3,678E-05	0,000778
WDR13	4,14	6,02	5,16	6,52	3,691E-05	0,000781
P2RY11	0,12	0,71	1,52	2,07	3,697E-05	0,000781
AC005281.1	0,15	0,10	0,13	0,25	3,698E-05	0,000781
RP11-242D8.1	2,90	4,96	4,22	3,95	3,722E-05	0,000785
TECPR1	1,84	3,44	2,65	2,22	3,765E-05	0,000793
CHST9-AS1	0,03	0,13	0,04	0,25	3,798E-05	0,000799
AP001057.1	0,27	0,47	1,11	0,73	3,8E-05	0,000799
UGCG	4,55	3,20	3,99	2,13	3,822E-05	0,000803
KCNA2	0,02	0,09	0,01	0,12	3,881E-05	0,000814
MZT2B	3,45	6,06	5,07	5,11	3,893E-05	0,000816
MYEOV2	5,47	6,29	6,16	6,94	3,908E-05	0,000818
RPL34	10,25	10,84	10,54	11,15	3,909E-05	0,000818
RP11-219E24.1	2,41	3,47	3,12	3,41	3,914E-05	0,000818
SLC14A1	0,44	0,29	0,36	0,90	3,924E-05	0,00082
CAST	6,27	6,36	6,71	6,62	3,95E-05	0,000824
RP5-1044O17.1	2,52	4,90	3,12	3,92	3,978E-05	0,000829
CENPB	1,11	1,80	1,27	2,28	3,999E-05	0,000833
VAT1	0,41	0,00	2,57	2,06	4,01E-05	0,000834
RDH16	0,92	1,91	1,39	1,14	4,021E-05	0,000836
RAF1	5,44	2,93	5,13	3,76	4,023E-05	0,000836
RP11-316M24.1	0,47	0,70	0,63	1,18	4,038E-05	0,000838
SCARB2	3,90	3,93	4,54	5,04	4,052E-05	0,000839
SDHD	7,65	6,95	6,87	5,57	4,052E-05	0,000839
MYO9B	5,22	7,44	5,89	6,07	4,07E-05	0,000842
PDE1C	0,08	0,08	0,02	0,52	4,085E-05	0,000845
RP11-297C4.3	0,75	4,10	1,32	1,77	4,127E-05	0,000853
RASA4B	2,60	3,42	3,65	3,84	4,154E-05	0,000857
SHROOM1	0,03	0,04	0,04	0,46	4,184E-05	0,000863
OR7C1	0,52	1,68	0,85	1,26	4,192E-05	0,000863
KDM4B	1,73	3,08	2,42	1,53	4,23E-05	0,00087
MTSS1	2,30	5,79	4,00	5,34	4,278E-05	0,000879
GABRA1	0,00	1,04	0,16	0,52	4,282E-05	0,000879
STK10	5,21	6,15	6,09	6,53	4,327E-05	0,000888
GSDMA	0,20	0,29	0,40	0,64	4,351E-05	0,000892
PSAP	8,76	8,17	9,03	9,43	4,365E-05	0,000894
TUBGCP2	5,42	6,43	6,43	6,56	4,425E-05	0,000906
RPPH1	4,54	5,86	5,48	5,53	4,432E-05	0,000906
CTC-347C20.2	0,19	0,84	0,34	0,97	4,445E-05	0,000908
TMEM156	4,00	0,82	2,54	1,17	4,498E-05	0,000918
VSIG2	0,00	0,14	0,81	1,85	4,529E-05	0,000923
RP11-650J17.1	0,00	3,41	0,00	0,15	4,54E-05	0,000925
GABRA3	0,08	0,41	0,16	0,03	4,553E-05	0,000927
NOL3	0,29	0,59	0,50	1,12	4,591E-05	0,000934
FKBP1A	8,37	6,55	7,40	6,73	4,661E-05	0,000946
PKNOX2	0,05	0,54	0,03	0,20	4,665E-05	0,000946

VWFP1	0,00	2,06	0,00	0,00	4,665E-05	0,000946
TXN2	7,36	7,21	7,06	5,68	4,687E-05	0,000949
CNKSR2	1,19	2,47	1,16	1,96	4,688E-05	0,000949
NOTCH3	0,40	2,71	0,70	0,66	4,69E-05	0,000949
OR9K1P	0,10	0,32	0,39	0,42	4,701E-05	0,00095
KIR3DX1	0,61	1,48	0,73	1,01	4,738E-05	0,000956
USP1	4,81	4,42	3,49	2,31	4,74E-05	0,000956
PAEP	0,00	0,35	0,00	0,85	4,754E-05	0,000958
RP11-120E11.2	0,00	1,59	0,00	1,75	4,818E-05	0,00097
GOLGA8Q	0,27	2,52	0,00	0,00	4,833E-05	0,000972
C2	0,33	0,78	0,61	2,22	4,87E-05	0,000979
KCTD19	1,05	0,20	1,28	2,18	4,914E-05	0,000986
TCEA3	2,96	0,10	1,25	0,25	4,946E-05	0,000992
RP11-60A8.1	0,76	0,00	0,19	0,79	4,954E-05	0,000993
AL022476.2	0,03	0,14	0,21	0,35	4,961E-05	0,000993
ZNF382	0,66	0,60	1,16	1,47	4,972E-05	0,000994
ZNF716	0,09	0,24	0,11	0,17	4,977E-05	0,000994
SOWAHC	0,12	0,86	0,16	0,15	4,978E-05	0,000994
MET	0,01	0,04	0,04	0,07	4,986E-05	0,000995
RP11-338N10.1	0,07	0,36	0,17	0,64	4,992E-05	0,000995
AC073987.1	0,00	0,55	0,00	0,56	4,995E-05	0,000995
GRN	9,01	9,12	9,44	9,52	5,009E-05	0,000997
ADAM29	0,12	0,56	0,37	0,65	5,022E-05	0,000998
CSF3R	6,30	6,81	6,87	7,16	5,032E-05	0,000999
NPM1	9,27	7,50	8,64	7,86	5,067E-05	0,001005
AGRN	0,24	0,55	0,52	0,48	5,102E-05	0,001011
RPL35A	8,95	9,39	9,20	9,50	5,15E-05	0,00102
EEF2	6,38	7,29	7,06	7,30	5,194E-05	0,001028
RP11-315H15.3	0,00	0,19	0,00	0,00	5,204E-05	0,001028
IKBKE	0,07	0,17	2,22	5,18	5,205E-05	0,001028
TMEM50B	5,47	5,30	4,74	3,40	5,239E-05	0,001034
SLC14A2	0,33	0,59	0,50	1,27	5,262E-05	0,001037
RP11-47I22.3	2,19	3,34	2,58	3,09	5,263E-05	0,001037
COPG2	0,87	3,85	0,08	0,36	5,27E-05	0,001037
RP5-892K4.1	0,20	0,59	0,33	0,22	5,273E-05	0,001037
ARAP1	4,67	5,88	5,66	5,73	5,302E-05	0,001042
UBALD1	0,49	0,72	1,12	1,36	5,328E-05	0,001046
MLKL	3,17	3,79	4,36	5,17	5,331E-05	0,001046
CXADR	0,04	0,18	0,06	0,14	5,34E-05	0,001046
MS4A4E	6,02	2,40	5,57	3,70	5,341E-05	0,001046
UBB	10,45	9,40	9,92	9,32	5,348E-05	0,001046
CTD-2311B13.7	1,32	3,64	1,05	1,49	5,353E-05	0,001046
RP11-143A12.3	0,18	1,88	0,26	0,00	5,358E-05	0,001046
EP400NL	2,60	1,04	1,82	3,70	5,369E-05	0,001048
CDKN2B-AS1	0,63	1,63	0,76	0,94	5,387E-05	0,00105
CYP2C19	0,00	0,24	0,07	0,05	5,416E-05	0,001055
LA16c-390E6.5	1,51	0,00	3,75	5,39	5,487E-05	0,001068
RN7SL698P	0,00	0,81	3,52	2,54	5,56E-05	0,001081
LRP1	2,13	3,08	2,98	3,60	5,637E-05	0,001095
RP11-418I22.2	0,00	5,29	0,00	0,00	5,642E-05	0,001095
CTB-25B13.5	0,00	2,00	0,15	0,13	5,664E-05	0,001098
RP11-20I23.10	0,33	1,62	1,02	0,99	5,705E-05	0,001105
RP11-624A21.1	2,12	3,12	2,26	2,37	5,708E-05	0,001105
SNHG5	7,93	9,05	8,52	8,14	5,719E-05	0,001106
RP11-268J15.5	2,51	1,91	2,06	0,38	5,74E-05	0,001109

RP11-159F24.1	1,99	3,03	2,68	2,55	5,784E-05	0,001117
ODF3B	5,50	5,61	6,37	6,73	5,787E-05	0,001117
TRDC	0,00	0,24	0,17	2,09	5,894E-05	0,001136
RP11-455O6.5	0,06	0,15	0,09	0,12	5,929E-05	0,001142
GPR85	1,27	2,80	1,59	2,26	5,989E-05	0,001152
DCDC2	0,00	0,33	0,03	0,07	6,024E-05	0,001158
FCGR1A	2,16	3,97	4,08	5,72	6,028E-05	0,001158
MKNK1	4,80	2,51	5,26	5,71	6,049E-05	0,001161
SAE1	4,69	1,54	4,26	2,69	6,069E-05	0,001164
PLEKHG2	3,87	5,71	5,44	4,19	6,138E-05	0,001176
RP11-680E19.1	0,28	0,19	0,15	0,46	6,209E-05	0,001189
RP11-429J17.7	0,30	1,19	0,28	0,46	6,251E-05	0,001196
LINC01002	1,30	3,94	2,01	2,60	6,282E-05	0,0012
CHMP7	3,31	4,57	3,26	2,34	6,299E-05	0,001203
LILRB2	4,08	4,95	4,85	4,73	6,383E-05	0,001218
RP4-539M6.14	0,50	0,95	1,40	1,80	6,417E-05	0,001223
COMMD9	7,18	5,86	6,52	5,40	6,454E-05	0,001229
RP11-280K24.4	0,28	1,40	0,39	1,11	6,492E-05	0,001235
RP11-1152H15.1	2,04	3,49	2,55	3,75	6,505E-05	0,001237
ECH1	7,63	7,72	6,86	6,35	6,547E-05	0,001244
PIK3R3	0,14	2,04	0,36	0,35	6,611E-05	0,001254
CSMD1	0,05	1,55	0,04	0,72	6,619E-05	0,001254
UCP2	8,45	7,21	7,76	6,44	6,622E-05	0,001254
RPL38	8,05	8,82	8,69	9,23	6,623E-05	0,001254
LL22NC01-81G9.3	0,00	0,30	0,20	1,22	6,644E-05	0,001257
RP11-476C8.1	0,00	0,16	0,00	0,18	6,652E-05	0,001257
PNRC1	5,48	5,93	5,98	6,04	6,666E-05	0,001259
RP11-43F13.3	0,85	3,08	0,97	1,48	6,713E-05	0,001266
C1orf106	1,76	2,27	2,14	3,43	6,738E-05	0,00127
RP11-508N22.2	0,64	2,71	0,32	0,19	6,804E-05	0,001281
RSPH10B2	0,34	2,66	0,55	0,38	6,83E-05	0,001285
GLYATL1	0,00	0,72	0,00	0,37	6,847E-05	0,001288
XXbac-BPG181B23.4	0,36	1,63	0,35	0,45	6,857E-05	0,001288
PLPP2	0,25	0,70	0,48	0,37	6,864E-05	0,001288
RP11-723O4.2	0,25	1,52	0,33	0,54	6,885E-05	0,001291
TMEM160	5,05	5,87	5,91	6,89	6,929E-05	0,001298
MAN2B1	5,18	5,04	6,07	6,14	7,006E-05	0,001312
CTC-232P5.3	0,00	2,21	1,24	2,06	7,053E-05	0,001319
SLC5A12	0,73	1,02	0,29	2,06	7,058E-05	0,001319
RPL22	6,67	6,85	6,94	6,80	7,226E-05	0,00135
RP11-284E20.1	0,84	1,33	1,97	2,09	7,234E-05	0,00135
RP4-568F9.6	1,30	1,85	2,12	2,42	7,253E-05	0,001352
HLA-DPB2	4,70	0,87	2,87	0,53	7,257E-05	0,001352
TOB1	7,51	5,92	6,50	5,29	7,271E-05	0,001353
LRRC1	0,29	2,02	0,13	0,25	7,284E-05	0,001355
GPR183	9,30	8,96	9,12	6,92	7,323E-05	0,001361
SCML4	0,84	1,81	0,13	2,66	7,342E-05	0,001363
C3orf65	1,00	2,40	1,48	1,39	7,416E-05	0,001376
MCHR2	0,00	0,00	0,00	0,11	7,456E-05	0,001381
RP11-693J15.5	0,06	0,26	0,10	0,19	7,46E-05	0,001381
PHLDA1	0,09	0,42	0,86	0,32	7,464E-05	0,001381
CTB-50E14.6	3,40	3,31	3,61	5,46	7,506E-05	0,001388
RF00003	8,37	8,80	8,89	9,16	7,602E-05	0,001404
RP11-104F15.9	0,00	0,37	0,04	0,73	7,605E-05	0,001404
ARHGGEF28	0,74	4,70	0,72	1,01	7,619E-05	0,001405

EHHADH	0,38	0,65	0,39	0,40	7,649E-05	0,00141
HNRNPH2	6,14	4,85	4,93	3,37	7,662E-05	0,00141
MIRS48AJ2	0,00	7,36	2,40	6,53	7,663E-05	0,00141
TAX1BP1	6,36	6,09	6,05	5,10	7,727E-05	0,00142
LRRC36	0,20	0,24	0,47	0,68	7,731E-05	0,00142
RP4-682C21.5	1,65	4,28	1,86	3,21	7,745E-05	0,001421
PLXNA3	0,20	3,48	0,40	0,33	7,76E-05	0,001423
ARPC4	7,34	7,44	7,60	7,68	7,851E-05	0,001439
RP11-108B14.5	0,16	0,36	0,25	0,81	7,86E-05	0,001439
SEMA3D	0,28	1,76	0,17	0,32	7,904E-05	0,001446
CCDC85B	3,13	3,96	4,31	4,19	7,919E-05	0,001447
SHKBP1	6,27	7,83	6,99	7,33	7,967E-05	0,001455
PREP	2,68	5,59	2,08	1,18	7,982E-05	0,001456
UBA52	9,80	10,16	10,15	10,42	7,985E-05	0,001456
GRK5	0,07	0,46	0,81	0,13	7,995E-05	0,001456
SLC15A3	6,34	7,61	6,98	6,93	8,012E-05	0,001458
RP11-39K24.14	4,38	0,00	3,29	1,25	8,032E-05	0,00146
MT-TG	2,52	5,26	2,60	5,44	8,036E-05	0,00146
MRPL23	5,48	6,87	6,23	6,56	8,044E-05	0,001461
MT-TF	5,54	5,99	6,28	7,49	8,071E-05	0,001464
TPT1	10,27	10,74	10,56	10,37	8,09E-05	0,001467
FUCA2	5,32	2,79	4,31	2,91	8,104E-05	0,001468
SETD5	5,54	4,05	5,11	5,56	8,147E-05	0,001474
VAMP5	5,93	6,70	5,95	7,29	8,184E-05	0,00148
RP5-1021I20.5	0,74	1,86	1,38	1,14	8,271E-05	0,001494
RPL21	9,84	10,39	10,00	10,12	8,279E-05	0,001495
B2M	14,80	13,97	14,15	13,84	8,288E-05	0,001495
RP11-23E10.4	0,30	0,66	0,31	1,11	8,365E-05	NA
RP4-794I6.4	0,60	1,20	0,73	0,89	8,37E-05	0,001509
TREML1	0,00	0,00	0,00	0,32	8,402E-05	0,001513
RP11-381N20.2	0,00	0,41	0,29	0,93	8,405E-05	0,001513
TMEM104	3,00	3,90	3,31	2,17	8,412E-05	0,001513
SLC5A5	0,09	0,26	0,22	0,31	8,465E-05	0,001521
ARMC8	5,51	2,89	4,33	4,08	8,471E-05	0,001521
VOPP1	5,75	2,90	5,32	4,26	8,551E-05	0,001534
RFNG	1,09	4,23	2,32	3,81	8,587E-05	0,001539
TACC2	1,13	2,13	1,33	1,70	8,628E-05	0,001545
RPS18	11,21	11,92	11,56	11,63	8,65E-05	0,001547
ACACB	4,40	5,01	5,21	4,95	8,654E-05	0,001547
RP11-545A16.1	0,06	0,24	0,07	0,18	8,662E-05	0,001547
RP11-574F21.3	2,95	1,12	3,54	2,47	8,675E-05	0,001547
PLA2G2C	0,07	0,23	0,09	0,28	8,675E-05	0,001547
ADGRG5	1,40	4,76	0,41	0,09	8,678E-05	0,001547
AQP9	0,00	0,60	0,20	0,04	8,698E-05	0,001548
PPP1R3G	0,00	0,00	0,01	0,16	8,699E-05	0,001548
CYBA	7,70	7,92	8,34	8,63	8,724E-05	0,001551
RP4-575N6.5	0,63	2,84	0,58	0,92	8,841E-05	0,001571
C19orf79	5,25	4,93	5,74	6,62	8,855E-05	0,001572
RP11-252C24.3	1,22	0,48	1,79	1,82	8,868E-05	0,001573
RPL37	8,52	9,20	8,86	9,16	9,031E-05	0,001601
MSL3	5,64	3,76	5,10	3,90	9,038E-05	0,001601
RP11-328D5.4	0,01	0,31	0,00	0,00	9,052E-05	0,001602
SNAP23	5,87	3,97	5,11	4,53	9,101E-05	0,001609
SLC9A7	2,95	1,60	3,88	1,64	9,175E-05	0,001621
RP11-275I4.1	0,13	0,39	1,09	0,61	9,242E-05	0,001632

SUPT5H	4,77	5,66	6,19	6,52	9,255E-05	0,001632
PNPLA2	3,47	4,84	4,31	4,51	9,284E-05	0,001636
EML1	1,29	3,43	1,82	1,77	9,334E-05	0,001644
MATK	1,16	2,35	1,88	2,97	9,359E-05	0,001647
RP11-620A17.2	0,00	0,21	0,00	0,00	9,368E-05	0,001647
MARVELD3	0,38	1,55	0,50	1,03	9,442E-05	0,001657
CTC-483L24.2	6,00	2,47	6,21	6,26	9,446E-05	0,001657
TCAF2	0,80	2,77	0,90	1,93	9,448E-05	0,001657
HKDC1	0,00	0,04	0,00	1,13	9,459E-05	0,001658
FAAP20	3,89	4,59	4,60	5,07	9,58E-05	0,001678
TXN	6,45	6,55	6,88	6,82	9,586E-05	0,001678
ROCK1P1	2,64	5,19	1,40	1,68	9,609E-05	0,00168
RF01518	0,00	3,89	0,00	2,26	9,698E-05	0,001694
GABRB3	0,25	0,17	0,44	0,89	9,703E-05	0,001694
NCRNA00107	1,93	3,93	3,86	4,24	9,781E-05	0,001706
RF01241	2,42	4,63	2,74	0,15	9,793E-05	0,001707
PHYHD1	1,09	0,97	0,39	0,24	9,823E-05	0,00171
AC092159.2	0,21	3,08	0,65	0,48	9,824E-05	0,00171
ABR	3,82	3,94	4,78	4,59	9,851E-05	0,001713
RP11-326111.3	0,10	0,22	0,31	0,38	9,917E-05	0,001723
CTD-2339F6.1	0,00	0,11	0,02	0,32	9,944E-05	0,001726
CTD-2553L13.4	0,22	0,95	0,38	3,06	9,952E-05	0,001726
PIGR	0,25	0,69	0,17	0,42	9,955E-05	0,001726
RP11-421L10.1	0,71	0,52	0,72	1,38	0,0001002	0,001736
AC104809.4	0,00	0,00	0,00	1,87	0,0001017	0,001761
P2RY14	5,04	4,31	3,00	0,27	0,000102	0,001764
IGKV3-20	0,47	2,84	0,62	0,95	0,0001025	0,001771
AC004019.13	0,67	1,89	0,63	0,63	0,0001029	0,001775
AC011288.2	2,64	4,57	2,21	0,99	0,0001029	0,001775
AC000095.6	0,10	1,73	0,28	0,04	0,0001033	0,00178
PLEKHG1	0,46	0,41	0,58	0,77	0,0001038	0,001788
RPS20	9,22	9,98	9,49	9,70	0,0001039	0,001789
IL23R	0,00	0,07	0,05	0,08	0,000104	0,001789
IRAK2	0,21	0,61	0,45	0,46	0,0001041	0,00179
RNASE1	0,00	0,00	3,98	4,92	0,0001043	0,001792
RP11-452D2.2	0,98	1,40	1,08	1,11	0,0001054	0,00181
RP11-769N22.1	0,41	1,47	0,29	0,15	0,0001057	0,001811
SH3BGRL2	0,00	0,03	0,00	0,03	0,0001057	0,001811
PABPN1	3,66	4,84	4,50	4,21	0,0001073	0,001837
WDR88	0,00	4,33	0,00	0,00	0,0001075	0,001838
AC068499.10	0,33	1,58	0,11	0,42	0,0001076	0,001839
RP13-317D12.3	0,58	2,82	1,03	0,83	0,0001078	0,001842
SMPDL3B	0,55	0,00	0,00	0,43	0,0001087	0,001855
RP5-902P8.10	0,70	0,34	0,00	0,83	0,0001101	0,001876
FAM49B	8,33	7,89	7,60	6,94	0,0001101	0,001876
LAPTM4A	7,05	5,14	6,31	4,65	0,0001105	0,001882
RP13-27G4.2	0,46	0,43	0,23	0,96	0,0001107	0,001885
MYO1B	0,06	0,39	0,20	0,00	0,0001109	0,001885
ELOC	5,27	3,24	4,77	6,22	0,0001111	0,001888
LINC00511	2,43	3,58	2,83	3,78	0,0001118	0,001897
SNORA73B	1,70	2,35	1,15	4,03	0,0001123	0,001905
SSR1	7,35	6,58	6,54	5,38	0,0001124	0,001905
HNRNPL	5,88	6,94	6,74	6,55	0,0001125	0,001906
PYCARD	7,84	7,83	8,05	8,37	0,0001134	0,001918
RP11-651E20.2	0,70	0,00	0,74	0,00	0,0001134	0,001918

PYGB	2,04	3,95	2,81	3,83	0,0001137	0,001921
IRS2	0,59	0,45	1,91	2,44	0,0001147	0,001937
MXD1	4,67	5,16	6,21	5,82	0,0001152	0,001943
ARV1	3,74	0,50	3,09	0,90	0,0001152	0,001943
LINC00668	0,56	3,10	1,14	1,86	0,0001162	0,001957
AC144450.2	0,83	3,03	1,13	1,99	0,0001168	0,001967
TMSB10	12,22	12,48	12,56	12,61	0,0001179	0,001984
BASP1	5,15	3,78	4,46	2,86	0,000119	0,002
ZNF37A	2,25	3,68	2,34	2,44	0,0001192	0,002002
FLT3LG	1,93	3,63	2,29	2,65	0,0001199	0,002013
STAT2	6,07	4,95	6,36	7,02	0,0001211	0,002029
ROMO1	6,39	7,33	6,82	7,42	0,0001211	0,002029
CTC-490E21.11	3,08	4,02	3,10	3,47	0,0001219	0,002042
LILRB1	3,45	1,14	3,29	3,84	0,0001222	0,002045
SARM1	0,43	0,15	0,30	0,64	0,0001228	0,002054
RP11-115D19.4	0,15	0,39	0,41	0,72	0,0001233	0,002061
RP11-382B18.1	3,03	4,33	3,18	3,49	0,0001237	0,002066
EXTL3	1,90	3,22	2,88	2,44	0,0001239	0,002067
NPLOC4	3,89	4,62	4,13	5,29	0,0001243	0,002073
COTL1	9,39	9,76	9,82	9,51	0,0001262	0,002102
CTA-113A6.1	0,42	1,85	1,80	1,86	0,0001275	0,002122
RP11-123O10.3	0,97	3,27	1,15	3,25	0,0001276	0,002122
BTA1F1	4,45	3,45	3,96	1,99	0,0001277	0,002123
AC009196.1	3,95	0,00	1,38	0,00	0,0001281	0,002128
AC011753.3	4,21	4,46	4,91	5,74	0,0001291	0,002143
RP11-46H11.3	0,37	0,77	0,51	0,92	0,0001296	0,00215
GUK1	7,74	7,71	8,02	8,25	0,0001298	0,00215
IL18R1	4,60	1,58	3,47	0,93	0,0001298	0,00215
MCAM	0,27	0,60	0,44	0,54	0,0001307	0,002161
GLTSCR2	4,50	5,45	5,22	5,80	0,0001307	0,002161
UTF1	0,00	0,00	0,16	0,23	0,0001311	0,002165
TMC2	1,42	3,12	1,65	1,87	0,0001311	0,002165
CTB-167G5.6	0,00	0,67	0,20	0,64	0,0001318	0,002173
RP11-252B20.1	0,06	0,13	0,00	0,12	0,0001318	0,002173
FAM89B	3,56	5,57	4,24	4,19	0,0001324	0,002181
RP11-17M16.2	0,17	0,00	0,38	0,34	0,0001326	0,002183
OR2M3	2,78	4,00	2,54	3,68	0,0001331	0,00219
NACC2	1,42	1,84	1,88	2,66	0,0001338	0,0022
RP11-57C13.3	0,26	0,64	0,70	0,87	0,0001342	0,002203
POU2AF1	0,68	2,06	0,80	1,25	0,0001342	0,002203
DUXAP10	0,31	5,98	0,82	1,21	0,0001345	0,002207
KCNV1	0,73	2,10	0,63	1,04	0,0001355	0,002221
HLA-DOA	5,73	5,29	5,07	2,89	0,0001356	0,002221
MEX3B	0,04	0,11	0,34	0,00	0,0001357	0,002221
RP5-916L7.1	0,64	2,00	0,96	1,86	0,0001365	0,002232
SLC26A8	0,26	0,35	0,19	0,93	0,0001366	0,002233
TLR4	2,04	2,80	3,41	3,99	0,0001368	0,002233
POGLUT1	4,69	1,46	3,62	2,65	0,0001369	0,002233
RP11-74M13.4	0,13	1,04	0,06	0,25	0,0001376	0,002244
C5orf17	0,99	3,76	1,38	1,12	0,0001377	0,002244
HELQ	3,63	0,34	3,11	1,09	0,000138	0,002247
WBSCR22	7,32	6,19	6,70	5,00	0,0001381	0,002247
TSPYL1	5,06	3,58	4,22	4,04	0,0001385	0,002251
SLC44A2	3,00	6,10	1,70	3,61	0,0001405	0,002283
EGFL8	0,09	1,27	0,08	0,19	0,0001407	0,002284

ARL4C	7,09	7,24	6,75	5,06	0,0001415	0,002296
RP11-492E3.1	3,07	2,89	3,77	4,24	0,0001421	0,002304
LDHA	8,52	8,00	7,60	6,68	0,0001433	0,002321
RP11-433N2.1	0,05	0,98	0,05	0,00	0,0001434	0,002321
KIF22	4,13	4,49	4,67	5,11	0,0001436	0,002323
CSDE1	7,13	5,50	6,56	6,17	0,0001441	0,002329
MREG	0,00	0,49	0,00	0,00	0,0001442	0,002329
MOBP	0,12	0,42	0,26	0,53	0,0001454	0,002346
USP54	0,69	0,90	0,89	1,97	0,0001455	0,002347
RP11-140I9.2	0,07	0,22	0,40	0,81	0,0001459	0,002351
GNAQ	5,04	3,07	4,70	3,82	0,000146	0,002351
SYDE2	0,04	0,12	0,07	0,02	0,0001463	0,002353
RPL13P12	1,29	4,25	2,32	2,13	0,0001464	0,002353
ZBTB16	0,27	0,68	0,47	3,81	0,0001464	0,002353
RP5-1011O1.3	1,16	0,94	0,89	0,38	0,0001472	0,002364
BLVRB	7,69	8,31	7,91	8,38	0,0001501	0,002408
SEMA4D	3,52	3,47	3,58	4,17	0,0001514	0,002427
PLEK	7,52	5,37	6,85	5,90	0,0001522	0,002439
RP11-73G16.1	0,32	0,76	0,38	0,51	0,0001537	0,00246
RP11-28G8.1	0,11	0,35	0,29	0,28	0,0001538	0,00246
PCBP2	8,02	7,14	7,54	6,73	0,000154	0,002463
RP11-281P23.1	1,10	1,04	1,41	2,06	0,000155	0,002477
TET2	5,75	3,85	5,52	3,71	0,0001556	0,002485
RN7SL785P	3,61	4,53	4,60	5,44	0,0001559	0,002487
RP11-138J23.1	0,00	0,00	0,00	1,18	0,0001564	NA
RP11-160E2.6	2,46	2,89	3,11	4,46	0,0001567	0,002497
RBBP4	6,33	4,35	5,30	2,93	0,0001567	0,002497
KYNU	6,11	6,33	5,74	3,36	0,0001576	0,002508
ZACN	0,32	3,50	1,65	0,31	0,0001576	0,002508
PTPN22	5,08	4,40	4,17	3,26	0,0001582	0,002514
GNB2	6,23	6,47	7,03	6,09	0,0001585	0,002519
RP11-242F24.1	0,57	1,77	0,64	0,43	0,000161	0,002555
RP11-1028N23.4	0,79	2,05	0,72	2,85	0,0001613	0,002559
C4orf26	0,51	0,42	1,24	2,30	0,0001626	0,002576
PPP1R14B	1,78	4,67	2,99	3,38	0,0001626	0,002576
KIT	0,97	0,07	0,21	0,00	0,0001629	0,002576
CCDC57	4,40	5,08	5,20	5,78	0,0001629	0,002576
PAF1	2,96	0,61	3,31	4,72	0,0001647	0,002603
UMPS	4,45	1,23	1,39	2,36	0,000165	0,002607
GATS	0,24	0,89	0,52	0,18	0,0001652	0,002608
MRVI1	0,00	0,53	0,03	0,56	0,0001654	0,002609
HMG1	7,77	6,30	7,08	6,03	0,0001663	0,002621
FCRL1	0,78	1,47	0,87	1,02	0,0001667	0,002624
WTIP	0,45	1,53	0,54	0,85	0,0001668	0,002624
TTC33	1,38	1,36	0,43	0,37	0,0001669	0,002624
AC092171.2	0,00	0,24	0,25	1,08	0,000167	0,002624
RP11-214O1.3	0,46	1,48	0,74	0,33	0,000167	0,002624
KLHL26	0,50	2,64	1,70	2,38	0,0001672	0,002624
RP11-138I1.4	9,23	8,44	8,76	8,17	0,0001682	0,002638
TCAIM	4,24	0,77	3,49	2,76	0,0001688	0,002645
RP11-40H19.1	4,35	0,00	0,00	0,00	0,0001689	0,002645
RN7SL1	4,94	6,35	6,00	6,85	0,0001694	0,002652
CMAHP	6,97	2,64	6,35	4,85	0,0001704	0,002663
CH507-528H12.1	1,36	4,07	1,70	3,38	0,0001704	0,002663
LA16c-60D12.1	0,62	0,89	0,69	1,09	0,0001706	0,002665

AP003068.23	0,34	2,42	0,52	1,09	0,0001708	0,002666
TEDDM1	0,00	0,17	0,04	0,00	0,0001711	0,002667
GADL1	1,17	1,78	1,44	2,00	0,0001711	0,002667
RNU4ATAC	6,17	5,40	6,49	7,45	0,0001713	0,002668
RP11-267C16.1	1,67	2,35	2,14	2,83	0,0001716	0,002671
CH507-513H4.1	1,36	4,07	1,70	3,38	0,0001718	0,002671
LAMA1	0,09	0,18	0,12	0,03	0,0001721	0,002674
C6orf141	2,94	2,69	3,94	3,37	0,0001732	0,002689
ADRA1A	0,11	1,05	0,25	0,36	0,0001737	0,002696
FAM171B	0,08	0,19	0,10	0,08	0,0001746	0,002708
TACC3	4,10	1,65	4,53	4,78	0,0001748	0,002709
COX5B	7,90	8,17	8,21	8,42	0,0001758	0,002723
RN7SL492P	2,61	4,48	2,94	3,08	0,0001773	0,002744
FCRL2	0,80	2,82	0,95	0,93	0,0001777	0,002746
RP5-977L11.2	0,12	0,05	0,20	0,60	0,0001777	0,002746
RP11-609N14.4	1,38	1,66	1,22	2,24	0,000179	0,002762
CSAD	2,19	3,59	2,60	3,78	0,000179	0,002762
RP11-96P7.1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0001796	0,00277
FDXACB1	1,98	0,14	0,53	0,17	0,0001799	0,002772
RP11-540A21.3	2,81	4,01	2,23	4,19	0,0001811	0,002789
RNASE2	3,68	4,68	5,93	6,45	0,0001814	0,002791
ITGA8	0,01	0,02	0,02	0,13	0,0001815	0,002791
TARS2	2,94	6,00	3,54	3,37	0,0001816	0,002791
PHEX	0,02	0,36	0,04	0,02	0,0001821	0,002796
HTN1	1,17	1,32	1,45	1,91	0,0001826	0,002802
STAG1	3,56	1,89	3,38	1,18	0,000183	0,002807
SCRIB	0,83	4,53	2,70	3,99	0,0001837	0,002813
GABRA2	0,09	0,49	0,06	0,19	0,0001838	0,002813
MALL	0,14	1,44	0,38	0,17	0,0001838	0,002813
RP11-131H24.5	0,20	1,41	0,21	0,36	0,000185	0,002829
MEPCE	3,42	5,51	4,02	4,38	0,0001854	0,002833
CCDC62	0,05	0,21	0,12	0,13	0,0001855	0,002833
B3GAT1	0,28	0,27	0,14	1,14	0,0001857	0,002835
UCKL1-AS1	0,26	0,65	0,50	0,50	0,0001869	0,002851
UBL7	7,00	6,30	5,83	4,55	0,000187	0,002851
DUT	6,54	6,80	6,07	4,58	0,0001873	0,002854
PDGFRA	0,29	2,85	0,33	0,38	0,0001883	0,002867
SELL	8,13	7,28	7,19	6,11	0,0001887	0,00287
KBTBD12	0,06	0,27	0,08	0,06	0,0001891	0,002875
JUNB	7,74	8,79	8,58	8,22	0,0001893	0,002876
GOLGA8S	0,00	0,28	0,00	0,00	0,0001897	0,00288
SLC27A1	1,43	2,34	2,95	2,37	0,0001902	0,002884
IDH2	6,36	4,63	5,94	4,23	0,0001902	0,002884
C11orf49	5,11	6,25	4,81	5,15	0,0001904	0,002885
IGHA2	0,14	1,42	0,28	0,55	0,0001907	0,002887
AL136419.6	1,90	0,49	2,51	3,08	0,0001911	0,002891
ANKRD13B	0,00	2,63	0,00	0,00	0,0001913	0,002892
RHBG	0,13	1,05	0,39	0,59	0,0001923	0,002906
RP4-669H2.1	0,19	0,88	0,22	0,95	0,0001927	0,002909
FPR2	0,00	0,55	0,06	1,61	0,0001941	0,002928
MTRNR2L6	0,16	0,29	0,40	0,43	0,0001943	0,002928
RD3	0,07	0,14	0,17	0,23	0,0001943	0,002928
AC011747.4	0,35	0,69	0,36	0,98	0,0001947	0,002932
ANXA5	9,16	8,05	8,41	7,78	0,0001949	0,002932
DDRKG1	3,62	2,73	4,84	5,07	0,0001952	0,002933

CYP3A43	0,13	1,83	0,24	0,64	0,0001953	0,002933
RP11-387D10.3	0,69	2,30	1,45	0,67	0,0001953	0,002933
AC007246.3	4,05	6,27	4,69	4,01	0,0001957	0,002936
PSTPIP1	5,79	6,01	6,48	7,12	0,0001968	0,002952
RP11-143O10.1	0,00	0,23	0,07	0,45	0,0001984	0,002973
NUMBL	0,24	0,23	0,59	0,24	0,0001985	0,002973
FLCN	1,45	2,35	1,80	1,91	0,0001987	0,002973
RP11-69I8.2	2,40	2,96	2,33	3,63	0,0001994	0,002983
RP11-252A24.2	1,38	0,43	1,76	2,03	0,0001996	0,002983
RNU5F-1	4,84	4,39	6,46	7,12	0,0001999	0,002985
VAPA	7,34	7,82	6,82	5,05	0,0002005	0,002991
PCDH11X	0,36	0,51	0,49	0,44	0,0002005	0,002991
CARM1L	0,73	1,11	2,04	2,37	0,0002038	0,003036
CSNK1G2-AS1	0,00	0,00	0,90	0,15	0,0002038	0,003036
ZP3	2,28	1,97	3,26	4,08	0,000204	0,003036
RP5-1187M17.7	0,00	0,00	0,18	0,00	0,0002051	0,003051
RPS19BP1	5,97	6,89	6,29	6,58	0,0002054	0,003053
SPATA6L	1,52	2,66	1,63	2,78	0,0002056	0,003054
OR1D2	1,90	2,77	1,75	3,14	0,0002062	0,00306
GPR1-AS	0,04	0,39	0,18	0,20	0,0002063	0,00306
CCNJL	0,14	1,08	0,47	0,96	0,0002064	0,00306
RYBP	3,48	1,50	3,02	2,42	0,0002067	0,003063
SSR4	8,57	8,87	9,01	9,07	0,0002069	0,003064
RP11-158H5.7	0,05	0,36	0,10	1,32	0,0002079	0,003076
RP11-648L3.2	1,04	3,52	1,44	1,47	0,0002082	0,003078
ZNF442	0,27	0,38	0,21	0,22	0,0002084	0,003079
IL5RA	0,12	0,85	0,19	0,53	0,0002095	0,003092
RP11-346D14.1	3,58	4,91	3,58	3,95	0,0002096	0,003092
WWP2	4,51	4,23	4,52	4,79	0,0002096	0,003092
RPL32	9,55	9,91	9,90	9,87	0,0002101	0,003097
DST	5,57	5,31	5,17	3,77	0,000211	0,003107
RP11-1B20.1	0,00	2,11	0,00	0,19	0,0002117	0,003116
RP11-747H7.3	0,27	0,76	0,14	0,57	0,0002123	0,003123
RP13-198D9.5	0,19	0,58	0,25	0,59	0,0002138	0,003143
EIF3H	8,34	8,07	7,58	7,18	0,0002141	0,003145
SRSF3	8,37	7,65	7,88	7,03	0,0002144	0,003147
RP11-383I23.2	0,49	1,77	0,50	2,00	0,0002145	0,003147
ST8SIA4	4,79	2,39	4,52	3,38	0,0002147	0,003147
SLC23A3	0,12	0,14	0,48	0,07	0,0002154	0,003156
RP11-465I4.2	0,51	0,76	1,60	1,67	0,0002159	0,003161
CTD-2309M13.1	1,07	0,28	0,72	0,47	0,0002161	0,003161
RP11-433M22.2	0,45	0,54	0,90	1,00	0,0002162	0,003162
BEST1	4,95	5,39	5,36	5,17	0,0002166	0,003165
GOLGA3	2,71	3,16	3,14	3,26	0,0002177	0,003178
MIDN	1,46	2,18	2,81	2,83	0,0002183	0,003186
IKBKG	2,56	5,30	3,57	3,74	0,0002197	0,003204
TMEM39A	4,20	1,70	3,00	2,30	0,0002203	0,003211
RP11-742N3.1	5,94	6,88	6,81	7,38	0,0002207	0,003214
LRP12	0,25	0,33	0,48	0,46	0,0002226	0,003239
ALDH2	6,95	6,07	6,17	4,00	0,0002246	0,003267
MUL1	3,06	0,11	2,85	1,31	0,0002255	0,003278
SEPN1	2,55	1,40	3,70	4,07	0,0002263	0,003288
RP11-286N22.8	4,90	1,47	4,12	1,97	0,0002269	0,003294
ITGAE	6,26	3,86	6,33	5,81	0,0002273	0,003298
CTA-992D9.8	0,34	1,95	0,62	1,06	0,0002281	0,003307

RORA	0,44	4,40	0,28	3,07	0,0002282	0,003307
MYO1G	3,13	4,67	4,48	4,69	0,0002288	0,003312
RP11-167H9.3	0,00	0,00	0,00	0,27	0,0002289	0,003313
BUB1B	0,03	0,24	0,00	0,77	0,0002306	0,003334
TECR	6,67	6,14	5,65	4,97	0,0002314	0,003343
NOP9	1,13	0,13	0,76	1,60	0,0002325	0,003354
MEG3	0,23	1,11	0,25	0,32	0,0002325	0,003354
MBD3	3,31	4,88	4,98	4,33	0,0002327	0,003354
RP11-364L4.1	0,34	0,24	0,90	0,58	0,0002327	0,003354
PLCG2	4,96	4,47	4,79	1,75	0,0002339	0,003368
DHDDS	3,44	5,23	2,94	4,27	0,0002341	0,00337
DIXDC1	0,17	0,74	0,29	0,30	0,0002355	0,003387
CCDC64B	0,00	1,36	0,00	0,00	0,0002358	0,00339
ADAMTS5	0,00	0,01	0,00	0,11	0,0002367	0,0034
MPP7	4,46	1,92	3,41	3,72	0,0002393	0,003436
GZMK	0,00	0,00	0,00	0,27	0,0002395	0,003437
JAKMIP1	0,08	2,49	0,04	0,11	0,0002401	0,003443
VWTR1	0,22	0,35	0,32	0,43	0,000241	0,003454
BST1	1,40	3,27	3,49	5,77	0,0002425	0,003472
RP11-371I20.2	0,29	1,64	0,61	0,49	0,0002427	0,003472
ZNF326	3,49	1,91	3,11	1,82	0,0002428	0,003472
AC012594.1	2,63	2,66	2,86	2,63	0,0002444	0,003494
CTPS1	5,32	3,26	4,23	2,55	0,0002457	0,003509
MT-TS2	5,01	7,26	5,19	6,88	0,0002458	0,003509
RP11-90D4.2	3,04	4,98	3,33	6,32	0,0002463	0,003513
PAPPA2	0,00	0,14	0,00	0,00	0,0002468	0,003518
FRG1HP	3,87	3,39	4,64	5,59	0,0002469	0,003518
CAV2	0,19	0,18	0,25	0,31	0,000248	0,003531
RP11-245J9.5	2,02	2,30	1,82	3,77	0,0002482	0,003531
C6orf62	7,30	5,47	5,94	4,96	0,0002485	0,003534
RPL18A	11,53	11,87	11,69	11,81	0,0002491	0,00354
UBE2W	4,61	2,85	3,95	2,84	0,0002505	0,003557
GAREM2	0,14	0,05	0,22	0,23	0,0002513	0,003566
BRAF	4,77	5,67	3,67	2,60	0,0002521	0,003575
NDUFC1	5,07	5,60	5,59	6,23	0,0002526	0,00358
AC009120.6	1,60	0,08	3,14	2,43	0,0002561	0,003627
LPAR5	0,22	0,45	0,05	0,30	0,0002567	0,003633
KCNE4	2,07	2,12	2,33	3,06	0,0002581	0,003651
OR2M4	0,22	0,57	0,37	0,66	0,0002584	0,003653
RP11-64C12.3	0,00	0,74	0,17	0,41	0,0002588	0,003656
RP11-447J13.3	0,55	2,21	0,71	0,69	0,0002597	0,003666
CPEB1	0,51	0,62	0,64	1,28	0,0002606	0,003675
TMEM169	0,08	0,28	0,06	0,11	0,0002607	0,003675
DNM1L	5,89	3,35	5,16	4,59	0,000261	0,003675
PILRA	5,74	5,74	6,37	5,97	0,000261	0,003675
MYL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0002611	0,003675
SLC24A2	0,18	0,36	0,30	0,34	0,0002617	0,003681
BRWD3	3,50	0,76	2,76	2,43	0,000263	0,003697
RP11-300M24.1	0,29	0,33	0,34	1,70	0,0002652	0,003726
RBM3	8,50	7,60	7,66	6,71	0,0002657	0,00373
EPG5	2,45	4,95	2,47	1,38	0,0002663	0,003734
PAQR5	0,29	0,14	0,24	0,79	0,0002663	0,003734
CTDSP1	4,01	4,22	4,73	5,24	0,0002668	0,003738
PPP2R2C	0,12	0,49	0,23	0,19	0,0002671	0,003739
SYMPK	2,42	3,67	3,37	4,56	0,0002671	0,003739

ACER3	5,97	4,60	5,37	3,77	0,0002683	0,003753
MIF	7,00	7,96	7,48	7,58	0,0002706	0,003782
PRKAG2	4,92	5,54	5,08	5,34	0,0002708	0,003783
TMEM109	7,61	7,63	7,22	5,99	0,0002711	0,003784
AC000123.2	1,49	0,05	0,39	0,03	0,0002728	0,003805
CALHM1	0,08	0,18	0,05	0,54	0,0002732	0,003809
GPX3	4,52	2,48	1,86	0,30	0,0002743	0,003822
IKZF3	0,39	1,42	0,46	1,59	0,0002744	0,003822
AJ239322.1	0,06	0,44	0,13	0,50	0,0002757	0,003836
BAG6	6,48	7,35	6,86	7,05	0,0002766	0,003847
RP11-1103G16.1	1,31	3,28	2,03	1,54	0,0002786	0,003873
C3orf18	0,21	0,88	0,33	0,00	0,0002792	0,003878
BEGAIN	0,00	0,16	0,02	0,04	0,0002796	0,003881
DUSP4	0,68	0,84	0,22	0,02	0,0002799	0,003883
PPP1CA	8,48	7,86	7,80	7,33	0,0002809	0,003894
GTF3C4	1,37	2,45	1,57	0,60	0,0002811	0,003895
FLNA	7,70	7,67	8,35	8,32	0,0002815	0,003898
COMMD4	5,80	3,15	5,40	5,67	0,0002826	0,003908
CITF22-92A6.2	0,07	0,19	0,09	0,26	0,0002827	0,003908
NYAP2	0,08	0,44	0,12	0,29	0,0002827	0,003908
GHc-857G6.7	0,00	0,00	0,00	0,13	0,0002829	0,003908
PIP5K1	1,18	1,65	0,90	0,70	0,0002834	0,003912
ARHGAP6	0,00	0,53	0,00	0,22	0,0002849	0,00393
FILIP1	0,37	0,22	0,46	0,34	0,0002868	0,003954
RPL23	9,74	10,37	10,15	10,29	0,000287	0,003954
CTD-2291D10.1	0,03	0,32	0,03	0,20	0,0002871	0,003954
RP11-114N19.3	1,36	2,65	1,59	2,35	0,000288	0,003964
TSPEAR-AS2	0,23	0,16	0,11	0,06	0,0002891	0,003976
GTF3C3	5,67	1,65	4,45	4,70	0,0002897	0,003981
ADAMTS10	0,00	0,95	0,05	0,29	0,0002918	0,004008
PTBP3	4,68	4,50	4,27	3,18	0,0002921	0,004011
FBXL2	1,76	3,44	1,34	1,66	0,000293	0,004015
SPIN1	3,98	0,99	2,90	2,34	0,000293	0,004015
ATP7B	0,00	0,07	0,02	0,10	0,000293	0,004015
C1S	1,32	1,42	2,54	2,45	0,0002933	0,004017
AL928654.7	0,01	0,70	1,23	2,86	0,0002951	0,004038
HIST1H4H	0,10	0,74	0,06	0,47	0,0002954	0,00404
AP5Z1	3,09	5,16	4,19	4,85	0,0002959	0,004045
STXBP2	5,70	6,77	6,36	6,17	0,0002968	0,004054
RP11-10L12.5	0,00	0,00	0,10	0,00	0,0002984	0,004072
RASGRP2	4,91	5,64	5,37	6,26	0,0002985	0,004072
RP11-16C1.2	0,08	0,22	0,31	0,36	0,0002993	0,00408
RPL18	10,53	10,85	10,83	10,80	0,0002997	0,004082
MICAL2	4,11	4,79	5,28	4,58	0,0002998	0,004082
OSTF1	7,26	5,51	6,12	5,66	0,0003008	0,004092
RP11-362K2.2	0,28	1,70	0,43	0,20	0,0003008	0,004092
YIPF6	3,68	5,02	2,87	1,69	0,0003011	0,004093
RP1-23E21.2	0,00	0,09	0,24	0,29	0,0003013	0,004093
MORF4L2	6,23	4,53	5,10	2,91	0,0003025	0,004107
ABHD1	0,13	0,53	0,22	0,12	0,0003031	0,004112
EIF3L	9,04	8,76	8,43	7,85	0,0003038	0,00412
SCP2	7,34	5,60	6,57	5,46	0,0003042	0,004123
RP11-749H20.6	0,29	0,50	0,33	0,53	0,0003056	0,004138
ARFGEF3	0,02	0,03	0,03	0,06	0,0003061	0,004143
PCA3	0,65	1,40	0,89	1,08	0,0003076	0,004161

AJUBA	0,15	0,83	0,14	0,00	0,0003078	0,004161
SRP9	7,77	6,38	6,94	6,57	0,0003088	0,004172
RBM39	9,14	8,73	8,83	8,02	0,0003106	0,004194
FERMT3	6,18	6,67	6,73	6,54	0,0003115	0,004204
RP11-342C24.8	0,48	1,21	1,06	0,58	0,0003146	0,004242
FAM159A	0,84	2,67	0,96	1,20	0,0003155	0,004252
RPL27	9,31	9,73	9,64	9,82	0,0003161	0,004258
CLCN7	0,70	3,15	3,07	2,09	0,0003168	0,004263
RCAN1	3,47	3,43	1,94	2,65	0,0003168	0,004263
HPSE	0,40	1,10	0,55	2,00	0,0003179	0,004274
IL7R	2,04	4,40	1,20	3,34	0,0003204	0,004306
BMPRI1B	0,04	0,24	0,05	0,11	0,0003223	0,004328
HLA-DMA	10,77	10,25	10,51	9,57	0,0003228	0,004332
SLBP	5,28	4,70	3,94	2,39	0,0003233	0,004337
RASSF3	3,62	3,68	3,82	4,54	0,0003265	0,004376
SPG7	4,77	5,72	5,71	5,76	0,0003267	0,004377
COBLL1	0,22	1,70	0,23	0,74	0,0003271	0,004379
CHCHD5	4,95	4,72	5,16	6,16	0,0003279	0,004387
RP11-96O20.5	0,53	0,00	0,70	1,74	0,0003296	0,004403
ZNF517	0,19	1,16	0,52	1,02	0,0003296	0,004403
HYDIN	0,61	5,26	0,76	0,94	0,0003298	0,004403
PLK5	0,26	0,77	0,47	0,91	0,0003299	0,004403
TCF20	0,36	0,92	1,18	2,14	0,0003304	0,004408
TRUB2	3,51	1,18	3,39	1,11	0,0003311	0,004413
CTD-2083E4.4	0,57	1,30	0,61	0,45	0,0003312	0,004413
AC007228.9	0,00	0,12	0,00	0,19	0,0003318	0,004419
REL	5,46	3,34	5,30	3,55	0,0003342	0,004447
AP000330.8	0,00	0,23	0,05	0,48	0,0003346	0,004449
ZSCAN26	2,17	0,07	0,44	1,55	0,0003347	0,004449
G2E3	5,28	3,07	4,22	4,20	0,0003359	0,004461
RP11-383F6.1	6,02	4,68	0,96	0,35	0,0003361	0,004461
RPS21	8,57	9,74	9,15	9,61	0,0003362	0,004461
OAZ3	0,10	0,93	0,20	0,49	0,0003379	0,004481
KB-1980E6.2	0,65	0,73	1,10	0,64	0,0003385	0,004486
RP3-508I15.18	3,09	3,55	4,25	4,80	0,0003388	0,004487
LINC01348	0,09	0,52	0,26	0,53	0,0003409	0,004512
RP11-478H13.2	0,00	0,03	0,24	1,51	0,0003412	0,004513
FBLIM1	0,30	0,65	0,50	1,22	0,0003418	0,004518
RP11-57A19.2	0,36	0,60	0,65	0,67	0,0003428	0,004529
AC008691.1	0,14	0,28	0,29	0,16	0,0003434	0,004534
RP11-227H15.4	0,00	0,38	0,07	0,00	0,0003449	0,004552
SEMA4B	1,42	1,30	2,27	1,74	0,0003456	0,004558
ENPP6	0,23	0,77	0,45	0,53	0,0003479	0,004586
RP11-181C3.4	0,00	0,41	0,17	1,95	0,0003483	0,004587
PLXNA4	0,05	0,46	0,03	0,01	0,0003484	0,004587
OAS3	4,93	1,07	4,13	3,22	0,0003495	0,004599
RP11-587D21.5	0,21	0,52	0,20	0,79	0,0003505	0,004609
APEX1	7,48	6,32	6,69	5,97	0,0003523	0,004629
ZNF540	0,14	0,14	0,26	0,57	0,0003524	0,004629
PBXIP1	1,55	3,07	1,98	2,24	0,0003526	0,004629
RASGEF1A	1,58	0,06	0,64	0,34	0,000353	0,004631
RP11-274H24.2	1,06	2,70	1,61	1,87	0,0003539	0,004638
HAMP	0,63	1,08	0,73	1,50	0,000354	0,004638
PDLIM5	5,18	2,63	4,39	5,04	0,0003551	0,004651
PLCE1	0,53	1,94	0,85	0,54	0,0003577	0,004682

RP11-9G1.3	0,33	0,49	0,15	0,18	0,0003586	0,004691
C5orf15	4,61	2,24	3,75	3,92	0,0003592	0,004696
RP11-303E16.9	2,14	2,39	2,51	2,66	0,0003603	0,004708
CD99	7,12	7,46	7,75	7,64	0,0003613	0,004717
SNRPF	4,14	4,35	4,40	4,94	0,0003637	0,004746
IDO1	4,33	0,99	0,64	0,51	0,0003644	0,004753
OTULIN	4,40	0,97	3,56	2,68	0,0003647	0,004754
RP11-245J9.8	1,19	3,01	1,45	2,06	0,000365	0,004755
RP11-210M15.2	0,04	0,41	0,11	0,14	0,0003677	0,004787
CH17-132F21.5	0,00	0,13	0,00	0,58	0,0003679	0,004787
RP11-58O9.2	0,75	2,20	0,89	0,73	0,00037	0,004812
PTMA	9,68	9,77	9,83	9,49	0,0003703	0,004812
SKAP1	0,34	1,17	0,61	2,02	0,0003704	0,004812
KIF14	0,05	0,03	0,14	0,21	0,0003709	0,004816
PTP4A2	9,06	8,88	8,73	7,46	0,0003715	0,00482
LPP-AS2	0,34	0,16	0,32	0,59	0,0003723	0,004827
DGKD	3,39	5,36	4,60	3,93	0,0003725	0,004827
ACBD7	0,30	2,83	0,39	1,13	0,0003728	0,004829
PTPRJ	2,75	2,15	2,81	3,64	0,0003732	0,004831
ZEB1	4,13	3,96	2,09	0,19	0,0003743	0,004842
RP3-422G23.2	0,85	1,58	0,89	1,79	0,0003749	0,004844
NKPD1	0,00	0,20	0,01	0,05	0,0003751	0,004844
RP11-95I16.4	0,25	0,67	1,06	1,72	0,0003751	0,004844
KIAA0513	1,39	0,94	1,46	2,73	0,000376	0,004853
EEF1G	10,80	10,45	10,15	9,49	0,0003766	0,004858
IL17RC	0,15	0,40	0,96	1,34	0,0003774	0,004866
STX10	5,81	4,37	6,39	6,60	0,0003795	0,004889
SSR3	7,10	5,67	7,08	7,08	0,0003796	0,004889
CCT5	6,91	5,98	6,49	5,32	0,0003812	0,004903
CTD-2058B24.2	0,00	1,00	0,00	1,51	0,0003812	0,004903
RPL29	10,08	10,47	10,40	10,40	0,0003816	0,004905
PTGS2	5,16	5,28	5,01	2,39	0,0003826	0,004915
RP11-498C9.3	0,92	3,85	3,67	3,23	0,0003831	0,004919
AASDHPPT	4,36	0,62	4,23	3,02	0,000385	0,00494
IER3IP1	3,86	4,94	3,17	3,52	0,0003857	0,004947
HSPB1	2,59	3,44	3,56	3,76	0,0003868	0,004957
MCMD2	0,04	0,05	0,07	0,12	0,000387	0,004957
EIF5AL1	0,33	0,62	0,54	1,03	0,0003889	0,004979
RP11-148K14.2	2,37	4,20	2,50	3,46	0,0003899	0,004987
ATP5I	6,99	7,98	7,76	8,27	0,00039	0,004987
TXK	1,06	3,87	1,69	3,22	0,0003904	0,004989
LL22NC03-2H8.5	2,94	4,72	3,93	4,13	0,0003908	0,004989
AC008982.2	2,98	5,00	4,28	3,97	0,0003909	0,004989
LYPD2	0,00	1,02	0,00	3,75	0,0003911	0,004989
EEF1A1	12,61	12,27	12,14	11,29	0,0003925	0,005002
PLEKHA2	3,59	5,35	3,37	3,16	0,0003925	0,005002
RP11-426J5.3	0,00	0,40	0,03	0,00	0,000395	0,005029
AC020743.2	0,95	1,18	1,10	1,47	0,0003951	0,005029
FAM153B	0,33	1,54	0,20	0,45	0,0003961	0,005039
RN7SL726P	0,69	2,00	1,49	1,57	0,0003963	0,005039
LTB4R	3,44	5,07	4,26	3,55	0,000397	0,005045
NET1	3,95	0,84	2,79	1,03	0,0004002	0,005083
C2CD4A	0,08	0,57	0,12	0,17	0,0004019	0,0051
OCIAD2	4,38	1,46	2,68	0,73	0,0004021	0,0051
ATE1	4,54	5,01	3,79	1,92	0,0004031	0,005108

RP11-345K9.2	0,74	1,31	0,88	1,68	0,0004031	0,005108
HPGD	0,00	0,00	0,40	0,00	0,0004042	0,005117
RP11-527L4.5	2,23	0,00	0,27	0,00	0,0004043	0,005117
OR7E25P	0,54	0,98	0,77	0,52	0,0004058	0,005133
RP5-1091N2.12	1,52	0,00	0,02	0,00	0,0004088	0,005168
CLEC10A	7,98	8,41	8,80	7,02	0,0004096	0,005173
SEPT7	7,93	7,78	7,19	6,19	0,0004097	0,005173
NKG7	4,68	8,14	5,86	7,73	0,0004101	0,005176
CCBE1	0,21	0,54	0,27	0,38	0,0004113	0,005188
AHCYL1	4,61	2,62	3,89	4,56	0,0004118	0,005191
MYO3B	0,18	0,23	0,29	0,23	0,0004126	0,005198
RP11-436J20.2	3,64	0,00	2,48	0,00	0,000413	0,0052
FAT3	0,09	0,16	0,05	0,07	0,0004132	0,0052
LECT2	2,12	3,78	2,26	4,61	0,0004139	0,005206
RP11-1143G9.5	0,42	1,61	0,59	1,13	0,0004143	0,005209
ZNF770	3,26	0,10	1,45	0,56	0,0004157	0,005223
LRR1	4,22	0,32	2,44	0,74	0,0004164	0,005229
ZNF620	0,66	1,92	1,14	0,72	0,0004177	0,005241
RP11-342C20.3	0,69	1,12	0,98	1,13	0,0004179	0,005242
RP11-15H20.7	0,00	0,92	0,00	0,40	0,0004189	0,005251
NRP1	0,81	2,39	1,09	2,20	0,0004195	0,005256
COL19A1	0,62	0,90	0,61	0,44	0,0004204	0,005261
RAPGEF4	0,11	0,07	0,13	0,25	0,0004204	0,005261
SF3B4	3,93	3,71	3,17	1,50	0,000421	0,005263
RPS16	9,88	10,12	10,21	10,21	0,000421	0,005263
ACO16757.3	0,73	0,00	0,00	0,00	0,0004222	0,005274
UFC1	7,70	6,87	7,21	5,89	0,0004228	0,005276
GIMAP7	5,13	5,76	5,53	7,13	0,0004228	0,005276
RP11-775C24.3	0,19	0,30	0,45	0,80	0,0004234	0,005281
ZC3H12B	0,08	0,04	0,14	0,07	0,0004243	0,005289
RPRD2	2,43	0,50	1,92	0,95	0,0004246	0,00529
ACO16722.4	0,74	0,82	0,63	0,90	0,0004259	0,005303
PARVG	7,45	6,60	7,11	6,07	0,0004265	0,005307
RND2	0,09	0,17	0,14	0,18	0,0004288	0,005333
NOTCH4	0,33	1,69	1,44	2,37	0,0004291	0,005334
FAM50A	3,36	4,94	4,61	4,99	0,00043	0,005342
ABCC6	0,33	0,70	0,85	2,76	0,0004317	0,00536
MAPKAP1	4,48	4,05	4,98	5,13	0,0004337	0,005382
LURAP1	0,09	0,38	0,42	0,42	0,0004349	0,005394
TUBA1A	9,06	8,25	8,70	7,70	0,000436	0,005404
RP11-670E13.6	3,51	6,65	5,38	6,10	0,0004363	0,005405
MRC1	1,49	3,12	4,28	2,53	0,0004372	0,00541
GTF2H4	0,36	0,00	1,62	0,32	0,0004372	0,00541
CSNK2B	7,94	7,63	7,42	6,34	0,0004382	0,00542
DSTN	5,28	5,41	4,14	3,84	0,0004399	0,005433
RP11-83B20.3	0,00	0,30	0,13	0,21	0,00044	0,005433
TRNT1	4,01	5,27	3,94	4,72	0,00044	0,005433
CH17-12M21.1	0,00	0,29	0,00	0,00	0,0004436	0,005474
SCTR	0,00	2,36	0,38	1,89	0,0004444	0,005481
ZNF583	0,33	0,47	0,83	0,23	0,0004451	0,005487
CCDC152	0,22	0,36	0,17	0,41	0,000446	0,005495
SACS	2,69	1,83	2,15	0,25	0,0004475	0,00551
RP11-556O5.3	1,08	3,32	1,59	0,93	0,0004478	0,00551
SNORA12	1,30	2,30	2,80	3,72	0,0004481	0,00551
KDM6B	3,40	2,26	3,92	4,80	0,0004483	0,00551

MYBBP1A	2,07	2,04	2,71	3,22	0,0004493	0,00552
CMTM6	7,35	6,05	6,42	5,37	0,0004498	0,005524
ADGRE5	5,68	7,07	7,18	7,35	0,0004509	0,005532
RP11-767N6.7	0,00	1,55	0,00	0,00	0,0004511	0,005532
SLC13A3	0,00	0,10	0,09	0,15	0,0004513	0,005532
FXR2	2,05	6,02	2,15	3,61	0,0004518	0,005535
PLD3	5,19	5,20	5,78	5,84	0,0004527	0,005542
RP11-346L1.2	0,14	0,86	0,19	0,19	0,0004529	0,005542
AC064853.3	0,55	1,29	0,36	0,64	0,0004533	0,005544
RERG	0,98	0,00	1,53	2,85	0,0004542	0,005553
PRDM9	0,66	0,62	0,21	0,19	0,0004548	0,005556
TMEM52B	1,06	1,73	5,20	5,28	0,000455	0,005556
KMT2E	7,45	6,37	6,52	5,89	0,0004586	0,005597
HAND2-AS1	2,07	3,26	2,46	3,17	0,0004602	0,005614
LRP1B	1,73	0,05	0,32	0,22	0,0004609	0,005619
TMEM256	5,27	5,59	5,60	6,45	0,0004622	0,005631
PSG7	0,00	0,00	0,00	0,46	0,000463	0,005639
AC002429.5	0,07	0,00	0,18	0,23	0,0004641	0,005648
LAMA4	1,22	1,42	1,13	2,09	0,0004643	0,005648
LLGL2	0,61	3,18	1,60	2,89	0,0004657	0,005661
ECI1	2,16	2,56	4,05	3,12	0,000466	0,005661
PTEN	6,42	5,91	6,02	4,87	0,0004661	0,005661
PTGES3L	0,58	1,14	1,20	1,56	0,0004666	0,005663
HSPA4L	0,22	0,19	0,30	0,31	0,0004678	0,005675
CREM	6,24	5,92	6,21	2,78	0,0004681	0,005675
D2HGDH	0,57	3,30	0,82	0,77	0,0004683	0,005675
RP11-21I4.1	0,00	0,32	0,23	0,32	0,0004688	0,005678
CYP46A1	1,88	3,01	1,83	2,39	0,0004695	0,005679
CTC-510F12.3	1,04	1,74	1,79	2,02	0,0004695	0,005679
APPL2	4,06	3,29	2,85	4,62	0,0004697	0,005679
SGTA	3,73	5,40	4,44	4,48	0,0004746	0,005735
DDX39B	6,76	6,29	7,23	7,50	0,0004768	0,005758
ENAM	0,00	1,92	1,05	1,26	0,000477	0,005758
RP6-91H8.5	0,81	1,31	1,39	1,63	0,0004775	0,005759
LINC00471	0,66	1,76	0,69	2,34	0,0004776	0,005759
DNAH2	0,35	1,04	0,59	0,97	0,0004787	0,00577
SLC25A39	6,13	5,98	6,10	4,35	0,0004821	0,005807
RAC2	8,13	6,35	7,21	6,58	0,0004824	0,005808
RP11-205M3.3	0,46	1,63	0,12	0,58	0,0004844	0,005829
CTB-96E2.6	0,59	3,84	0,98	0,96	0,0004868	0,005854
RPL34-AS1	0,50	1,68	0,43	1,07	0,0004875	0,005858
KCNN1	0,06	0,11	0,10	0,13	0,0004876	0,005858
IL1RAP	4,56	4,19	5,23	5,33	0,0004893	0,005873
ZDBF2	0,00	0,30	0,02	0,03	0,0004896	0,005873
MINK1	1,94	2,43	2,40	1,65	0,0004896	0,005873
RP4-640H8.2	0,16	0,49	0,35	0,26	0,0004914	0,00589
CTB-131B5.4	1,08	2,59	1,66	2,42	0,0004916	0,00589
RP1-18D14.3	2,83	4,97	3,01	2,29	0,0004974	0,005956
GREB1L	0,15	0,00	0,02	1,37	0,0004977	0,005957
ZDHH17	4,78	3,68	4,45	2,25	0,000498	0,005957
RP11-384K6.8	0,17	1,78	0,11	0,30	0,0004986	0,005961
SLC25A25	0,69	0,09	1,05	0,91	0,0004994	0,005965
CENPF	1,73	2,79	1,70	1,63	0,0004995	0,005965
RP9	3,72	2,56	3,84	4,69	0,0005002	0,00597
YPEL5	7,79	7,01	7,17	6,15	0,0005006	0,005972

C5orf64	0,31	0,54	0,46	1,53	0,0005009	0,005973
C1orf228	1,08	2,21	3,68	5,41	0,0005025	0,005988
C14orf142	4,47	3,20	2,28	0,85	0,0005045	0,006009
RTBDN	0,00	0,07	0,00	0,17	0,0005054	NA
BBC3	0,00	0,00	0,91	0,42	0,0005062	0,006026
DNAJC22	0,24	0,49	0,20	0,45	0,0005068	0,00603
LRRC19	0,10	0,04	0,25	0,47	0,0005088	0,006049
AC004490.1	0,00	0,11	0,00	0,00	0,0005089	0,006049
RP11-83A24.2	2,48	3,85	2,57	3,66	0,0005094	0,006051
RP11-1079K10.5	0,11	0,23	0,32	0,97	0,0005119	0,006078
GNLY	1,14	7,45	1,75	6,67	0,0005127	0,006084
SEPT4	0,67	3,63	1,74	2,83	0,0005133	0,006087
RP11-553A21.3	0,00	0,29	0,15	0,30	0,0005162	0,006119
TNFRSF14	5,32	6,23	6,17	6,62	0,0005165	0,006119
FASTKD5	3,45	1,02	2,43	0,29	0,0005183	0,006137
TTC19	5,27	3,58	4,84	2,80	0,0005186	0,006137
SNORD63	6,02	6,95	7,86	5,08	0,0005214	0,006168
PPT1	8,15	6,54	7,58	6,80	0,0005223	0,006174
PDE3B	0,50	4,48	1,27	2,04	0,0005226	0,006174
FRK	1,49	2,58	1,59	1,85	0,0005228	0,006174
MFGE8	0,00	0,06	0,05	0,95	0,0005271	0,006221
LARS2	1,66	4,50	0,64	0,72	0,0005276	0,006223
RDH13	1,87	2,31	2,57	3,05	0,0005278	0,006223
DPP7	5,33	6,15	6,26	6,71	0,0005286	0,006229
HNFA4	0,05	0,26	0,11	0,18	0,0005316	0,006261
RP11-291L22.9	0,10	0,14	0,17	0,49	0,0005336	0,006281
RP11-323P17.2	1,99	4,19	2,55	3,43	0,0005342	0,006285
YTHDC1	4,95	4,18	5,14	5,15	0,0005374	0,006319
CTC-429P9.2	0,25	0,00	0,30	1,69	0,0005396	0,006342
RP11-23D24.2	0,03	0,70	0,11	0,14	0,0005401	0,006343
SP140	5,45	2,78	4,40	2,65	0,0005402	0,006343
NEXMIF	0,00	0,02	0,01	0,32	0,0005413	0,00635
PARVB	2,79	2,94	3,15	1,75	0,0005414	0,00635
RP11-977G19.5	3,44	4,14	4,17	4,48	0,0005437	0,006374
RP11-44M6.3	0,12	0,68	0,22	0,38	0,0005502	0,006446
PRKAA2	0,02	0,01	0,01	0,04	0,0005523	0,006467
DLG2	0,00	0,05	0,00	0,27	0,0005531	0,006472
RPS15A	8,92	9,34	9,30	9,34	0,0005533	0,006472
TPP1	6,81	5,79	6,48	5,56	0,0005544	0,006481
ADCY9	0,42	5,25	0,84	1,45	0,0005598	0,006536
PTPRD	0,00	2,10	0,00	1,56	0,0005598	0,006536
CNTLN	2,72	1,45	2,70	1,38	0,00056	0,006536
SIGLEC8	0,73	1,07	0,74	0,80	0,0005603	0,006536
RELA	3,82	5,51	4,26	4,03	0,0005622	0,006555
LINC00997	0,04	0,00	0,00	0,05	0,0005673	0,006612
GPX4	8,23	8,91	8,35	8,44	0,0005713	0,006655
TAB2	5,38	4,68	4,80	3,16	0,0005742	0,006682
ABCC11	0,62	0,00	0,96	0,00	0,0005742	0,006682
BNC2	0,19	0,20	0,11	0,23	0,0005748	0,006685
RP11-566K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0005774	0,006711
BTG2	5,47	6,76	6,01	5,60	0,0005778	0,006713
ZNF703	0,35	0,20	1,66	2,05	0,0005784	0,006716
RP11-558N14.1	0,09	0,38	0,11	0,29	0,0005806	0,006734
LDLR	2,77	3,70	4,61	3,93	0,0005808	0,006734
SLC43A2	2,08	1,83	3,29	3,00	0,0005808	0,006734

RP11-538D16.2	2,54	3,97	2,64	3,36	0,0005816	0,006739
RP11-239E10.3	0,73	1,11	1,47	0,42	0,0005825	0,006746
MYH11	0,78	3,50	0,65	1,13	0,0005832	0,006751
ATOX1	6,18	6,14	6,33	6,96	0,0005837	0,006753
RP11-167J8.1	0,17	0,24	0,10	0,00	0,0005846	0,00676
ADAM19	3,06	1,57	2,36	0,30	0,0005851	0,006762
AC073257.1	2,33	5,20	2,61	3,73	0,0005865	0,006775
MAP2K6	3,99	0,75	2,83	1,40	0,0005884	0,006794
MARCH7	5,11	3,63	4,58	3,37	0,00059	0,006807
RP11-575A19.2	3,14	0,00	1,53	3,36	0,0005903	0,006807
CYTIP	7,05	5,96	6,38	5,70	0,0005908	0,006807
CAPZB	7,90	6,13	7,51	6,15	0,0005908	0,006807
RASSF8	0,39	2,90	0,42	0,90	0,0005914	0,00681
PARP4	4,50	1,97	4,38	3,11	0,0005924	0,006818
RP1L1	1,20	2,54	0,52	1,79	0,0005926	0,006818
CLCN1	0,00	0,04	0,00	1,38	0,0005936	0,006825
RP13-15E13.1	0,19	0,79	0,32	0,77	0,0005939	0,006825
TMEM176B	0,00	0,35	0,20	5,27	0,0005955	0,00684
AC009952.3	0,06	0,72	0,00	0,00	0,0005968	NA
RP11-691G17.1	3,40	4,33	3,46	4,04	0,0005973	0,006857
RP1-56K13.3	0,25	0,00	3,15	4,44	0,0005978	0,006859
KCNMB4	0,04	3,67	0,10	0,17	0,000599	0,006869
SMAD9	0,14	0,11	0,09	1,07	0,0006003	0,006881
HSF5	0,00	0,03	0,00	0,09	0,0006007	0,006882
RP11-713P17.4	0,12	0,08	0,25	0,48	0,0006015	0,006882
NUDT19	4,21	2,44	4,08	1,45	0,0006016	0,006882
RP11-447D11.3	0,13	0,24	0,08	0,21	0,0006017	0,006882
CLSTN2	0,05	0,00	0,03	0,08	0,000602	0,006882
RP11-264L1.1	0,16	0,41	0,38	0,56	0,0006026	0,006886
CTD-3193K9.7	0,69	0,85	0,85	0,94	0,0006061	0,006922
GAB4	0,00	4,01	0,00	0,08	0,0006124	0,00699
TNPO2	1,20	3,12	1,59	1,99	0,0006129	0,006993
RFX5	4,50	1,27	3,45	2,17	0,0006132	0,006993
SLC28A2	0,61	0,59	0,63	0,53	0,000618	0,007042
CTF1	0,22	1,81	0,21	0,66	0,0006182	0,007042
RNVU1-19	4,01	4,45	4,33	5,62	0,000619	0,007048
CELP	0,09	0,11	0,18	0,15	0,0006197	0,007052
CTD-2351A16.1	0,50	1,55	0,57	0,58	0,0006253	0,007112
HHLA3	0,80	1,03	0,14	0,25	0,0006266	0,007123
RP13-212L9.1	2,06	3,31	1,92	3,05	0,0006278	0,007132
ADGRD1	0,48	0,73	0,98	1,89	0,000628	0,007132
CSF1R	4,79	5,64	5,75	5,29	0,0006291	0,007141
NOS2P3	0,12	0,30	0,11	0,86	0,0006338	0,007188
RP11-1069G10.1	0,68	1,47	0,79	1,35	0,0006339	0,007188
GINS4	1,12	0,77	1,18	2,46	0,0006349	0,007195
AC005517.3	2,59	3,40	2,91	0,74	0,0006366	0,007208
CTIF	0,01	0,00	1,46	0,15	0,0006367	0,007208
RP11-730A19.6	0,42	1,05	0,93	0,82	0,0006381	0,007221
EXTL3-AS1	0,22	0,95	1,46	0,16	0,0006391	0,007229
ZNF148	3,52	0,88	3,54	3,67	0,0006419	0,007256
CRNDE	0,57	0,37	0,78	3,05	0,0006431	0,007267
EPHB2	0,03	0,07	0,14	0,35	0,0006438	0,007271
MAP1LC3B2	1,30	5,22	2,86	2,06	0,0006449	0,007278
PLSCR1	8,36	6,98	7,36	5,93	0,0006451	0,007278
OR8B9P	0,30	0,43	0,50	0,80	0,0006462	0,007284

TKT	6,71	6,49	6,86	7,19	0,0006463	0,007284
MRPL33	6,85	6,90	7,15	7,45	0,0006467	0,007285
B4GALNT3	0,00	2,16	0,00	0,80	0,0006501	0,007313
TMEM14B	7,35	6,51	6,73	6,02	0,0006504	0,007313
Z97634.3	1,65	2,30	1,55	0,89	0,0006505	0,007313
AC007743.1	1,71	3,00	1,67	1,41	0,0006505	0,007313
NUP214	4,89	6,08	5,84	6,04	0,0006519	0,007325
CTA-331P3.1	0,10	0,09	0,10	1,32	0,0006567	0,007375
C7orf49	5,31	0,52	3,50	3,39	0,0006576	0,007381
CYP27C1	0,39	0,71	0,46	0,82	0,000658	0,007382
RPL13	11,61	12,05	11,84	11,73	0,0006604	0,007406
RP11-487E13.1	5,37	4,88	6,42	5,57	0,0006617	0,007416
UBE2L6	8,32	7,27	7,68	6,66	0,0006632	0,00743
TLR3	0,73	0,07	0,23	0,11	0,0006662	0,007459
NEXN	1,26	0,31	2,18	3,21	0,0006698	0,007495
AL035610.1	2,82	4,05	3,27	4,61	0,0006713	0,007507
TSIX	1,03	2,11	1,40	1,58	0,0006715	0,007507
SAMD4A	1,05	1,31	2,17	2,53	0,0006741	0,007532
MUC21	0,00	0,15	0,04	0,10	0,0006789	0,007582
EIF35SP1	0,00	1,67	0,00	0,00	0,000681	0,007602
S100PBP	3,42	3,06	3,00	3,96	0,0006828	0,007618
IDO2	1,67	1,00	0,15	0,30	0,0006841	0,007629
RP11-486O12.2	0,99	1,51	1,23	1,61	0,0006853	0,007639
RP11-17M16.1	0,00	0,07	0,16	0,00	0,0006859	0,007642
RP3-522J7.6	0,12	0,13	0,13	0,32	0,0006876	0,007654
RP11-407G23.5	0,16	0,34	0,36	0,45	0,0006878	0,007654
IFNL1	1,35	0,00	0,00	0,00	0,0006899	0,007675
HEATR5B	5,16	3,56	4,16	2,84	0,0006931	0,007706
RP4-813D12.3	0,11	0,26	0,06	0,21	0,0006953	0,007727
AC083899.1	0,34	1,62	0,32	0,31	0,0007	0,007774
DLX6-AS1	0,76	2,37	1,34	1,98	0,0007025	0,007798
ITGA2	0,17	0,04	0,15	0,10	0,0007034	0,007805
CXCR4	9,27	8,24	8,26	6,98	0,0007052	0,007821
EEF1D	8,89	9,18	9,36	9,29	0,0007063	0,007829
NXPE3	1,61	1,33	3,49	2,13	0,000707	0,007833
FOS	11,33	10,55	10,73	10,06	0,0007081	0,007838
RP11-55K13.1	0,12	0,18	0,27	0,68	0,0007082	0,007838
MYL12B	9,20	7,79	8,46	8,22	0,0007105	0,007856
LRRC59	3,24	0,41	3,34	3,43	0,0007105	0,007856
EGR3	1,22	2,81	2,95	1,37	0,0007161	0,007915
RP11-63B13.1	2,70	3,83	2,54	3,83	0,0007184	0,007935
CLN6	2,85	1,97	3,11	4,16	0,0007201	0,007951
C12orf77	0,54	1,25	0,78	0,97	0,0007205	0,007951
KIAA1755	0,01	0,05	0,07	0,02	0,0007228	0,007972
TMEM148	0,09	0,31	0,25	0,09	0,0007232	0,007973
ILVBL	1,93	2,89	0,81	1,93	0,0007237	0,007974
GTF2H1	4,26	3,25	2,93	3,22	0,0007267	0,008003
ATP5A1	8,45	7,78	7,68	6,11	0,0007286	0,00802
XRN1	5,22	3,37	5,29	4,30	0,0007305	0,008037
CLEC18A	0,10	2,74	0,11	0,70	0,000732	0,00805
GRINA	4,40	5,92	5,14	5,98	0,0007324	0,008051
PRPF18	4,43	0,22	3,77	2,12	0,0007337	0,008061
CORIN	0,67	0,70	0,94	1,42	0,0007357	0,008079
RP11-478P10.1	0,34	1,75	0,91	1,91	0,0007368	0,008084
MCM5	4,70	1,92	3,86	2,71	0,0007369	0,008084

RP11-379B18.5	3,37	5,10	3,59	3,28	0,0007395	0,008108
AACS	3,27	3,61	4,34	4,11	0,0007409	0,00812
MTA1	0,66	1,03	1,64	0,52	0,0007424	0,008132
RN7SL397P	0,00	0,85	2,67	4,05	0,0007444	0,00815
RP3-508I15.10	0,69	1,34	0,62	0,30	0,0007475	0,008178
RP11-56G10.2	3,48	4,01	4,72	4,01	0,0007477	0,008178
CCDC122	2,98	4,34	3,10	3,66	0,0007491	0,008189
RP11-259O2.3	3,59	4,23	3,43	3,40	0,0007496	0,008191
HNRNP11	3,86	5,69	3,42	1,25	0,0007536	0,00823
FLVCR1-AS1	0,98	5,24	0,72	2,59	0,0007547	0,008235
IFI35	6,55	2,93	5,85	6,09	0,0007548	0,008235
ENPP1	0,07	0,18	0,10	0,31	0,0007555	0,008239
APMAP	5,70	4,02	5,24	3,26	0,0007567	0,008247
RP11-120K18.2	0,32	1,15	0,52	0,62	0,000757	0,008247
CAPN10	4,11	4,95	4,11	5,29	0,0007592	0,008267
GNAS	8,23	7,50	8,03	7,09	0,0007603	0,008275
ZNF410	5,11	2,71	4,53	2,74	0,0007625	0,008295
ACADS	0,34	1,92	2,57	1,68	0,000763	0,008296
RPL39	9,73	10,47	10,20	10,80	0,0007663	0,008328
AAK1	3,43	4,76	3,49	4,34	0,0007676	0,008338
ANKS4B	0,10	0,32	0,24	0,20	0,0007685	0,008343
SLITRK2	0,09	0,19	0,23	0,20	0,0007703	0,008359
RP11-20I23.8	0,14	0,90	0,61	0,93	0,0007725	0,008379
TNS1	0,30	4,86	0,54	2,83	0,000773	0,00838
CLDN4	0,49	0,76	0,99	2,37	0,0007734	0,00838
RP11-481G8.2	0,24	0,36	0,65	1,28	0,0007758	0,008403
GRK6	2,88	4,68	3,42	4,07	0,000778	0,008419
TRABD2A	3,09	3,33	1,29	2,24	0,0007783	0,008419
USF2	4,31	5,47	5,38	5,09	0,0007784	0,008419
OR8B8	0,18	0,65	0,14	0,20	0,0007799	0,00843
DTX3L	3,84	1,31	3,70	4,11	0,0007823	0,008452
RP11-148B18.4	0,00	0,00	0,32	0,73	0,0007828	0,008453
APOC1	1,51	1,22	0,33	0,00	0,0007831	0,008453
PER1	4,51	5,17	5,45	5,71	0,0007835	0,008453
RN7SL25P	0,75	3,07	2,02	1,44	0,0007867	0,008481
RP11-793H13.10	0,88	0,41	1,25	3,15	0,0007869	0,008481
RP11-543H23.1	0,06	0,40	0,10	0,28	0,0007879	0,008488
MTHFD1L	2,87	1,17	1,89	0,45	0,0007882	0,008488
SLC35F3	0,00	0,23	0,00	0,05	0,0007899	0,008501
PPP2R2B	0,28	4,09	0,21	1,97	0,0007905	0,008501
RP11-397E7.5	0,74	1,48	1,44	1,31	0,0007906	0,008501
AP4B1	4,36	1,02	3,96	4,18	0,0007924	0,008516
ZNF445	1,10	1,38	1,63	1,21	0,0007928	0,008516
RP11-734K23.9	0,73	2,58	0,93	0,88	0,0007943	0,008528
MROH6	2,78	1,06	3,73	4,83	0,000795	0,008532
INO80	2,77	1,27	3,73	1,84	0,0008004	0,008583
RP11-22N19.2	2,53	2,57	4,05	3,25	0,0008006	0,008583
CTD-2626G11.2	0,16	1,44	0,47	0,14	0,000805	0,008617
GTPBP1	2,19	3,39	3,50	2,42	0,0008053	0,008617
SMARCC2	4,72	2,87	4,36	2,78	0,0008053	0,008617
NRIP2	0,56	0,25	0,81	0,17	0,0008053	0,008617
SIRPG	0,00	4,90	0,00	0,17	0,0008059	0,008619
TMEM33	4,71	2,26	4,57	2,86	0,0008106	0,008666
RP11-473P24.2	0,56	0,87	0,27	0,37	0,0008113	0,008669
CYCS	7,23	6,98	6,20	5,64	0,0008127	0,00868

ABHD17A	1,57	2,64	2,72	3,44	0,0008147	0,008697
RPS6KA3	5,56	5,56	5,34	4,63	0,0008156	0,008702
LRCH4	4,87	5,68	5,56	6,13	0,000816	0,008702
CTC-559E9.4	0,39	2,64	0,23	0,81	0,0008167	0,008706
NGEF	0,00	0,00	0,00	0,29	0,0008173	0,008708
SLC17A5	0,65	1,10	1,90	1,90	0,0008181	0,008713
TSTD1	5,73	7,28	4,19	5,42	0,000819	0,008718
RP5-1067M6.6	0,80	2,11	0,94	1,58	0,0008218	0,008743
RP11-440I14.4	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0008237	0,008759
PPIP5K1	1,65	5,86	1,66	2,79	0,0008245	0,008764
SMIM4	2,67	3,33	3,78	5,25	0,0008261	0,008774
UNK	0,99	5,92	0,58	0,78	0,0008264	0,008774
GYPC	5,15	2,79	4,28	2,01	0,0008266	0,008774
RP5-908M14.10	0,00	0,17	0,17	0,13	0,0008298	0,008803
CXCL16	5,95	4,47	5,51	2,83	0,0008304	0,008805
C7orf13	0,00	0,28	0,00	0,00	0,000832	0,008818
RP3-404F18.5	0,51	1,74	0,85	0,91	0,0008341	0,008831
L1CAM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0008344	0,008831
HK2	2,73	3,82	3,43	2,51	0,0008344	0,008831
AC096669.3	0,24	0,35	0,37	1,28	0,0008365	0,008849
CCP110	2,37	1,09	1,69	4,26	0,0008437	0,008918
DTHD1	0,00	0,85	0,00	0,00	0,0008439	0,008918
MOB1A	6,70	5,65	5,80	5,40	0,0008446	0,008921
SFMBT1	0,63	0,60	0,42	0,73	0,0008449	0,008921
RP6-1107.2	0,24	0,23	0,00	0,20	0,0008456	0,008923
RBM14	4,30	4,55	5,17	5,28	0,0008467	0,008931
CTD-2561J22.4	0,29	0,38	0,59	0,64	0,0008487	0,008948
RP11-165E7.1	0,84	2,32	0,81	1,22	0,0008581	0,009042
COL17A1	0,00	2,84	0,00	0,05	0,0008585	0,009042
TMOD3	3,73	2,44	3,82	3,88	0,0008594	0,009047
ZNF207	6,95	7,16	6,21	5,23	0,000861	0,009061
PDHB	7,09	5,37	6,35	4,90	0,0008615	0,009061
RP11-44F14.1	0,80	0,77	1,27	1,34	0,0008655	0,009099
PRRG1	0,10	0,33	0,21	0,66	0,0008659	0,009099
OR11G2	0,11	0,15	0,09	0,34	0,0008715	0,009154
CTD-2619J13.14	0,56	0,87	0,62	1,19	0,0008741	0,009177
PLCH2	0,00	0,08	0,00	0,00	0,0008749	0,009181
SAMD12	0,05	0,40	0,07	0,06	0,0008822	0,009251
ORC3	3,15	0,11	1,05	0,34	0,0008828	0,009251
ERBB3	1,12	1,94	1,44	2,02	0,0008828	0,009251
TSPAN4	3,33	5,37	4,05	4,75	0,0008842	0,009261
RP11-470M1.2	1,40	3,35	1,43	2,73	0,0008863	0,009279
PTPN14	0,40	1,32	0,57	0,67	0,0008889	0,009301
RP11-797H7.3	0,00	3,45	0,00	0,00	0,0008931	0,009341
UBTF	2,37	4,11	3,17	3,21	0,0008962	0,009369
RN7SKP4	0,77	0,00	0,82	1,45	0,0008969	0,009372
FAM46C	2,94	1,41	0,67	0,05	0,0008979	0,009378
RP11-461G12.3	0,00	2,47	0,00	0,00	0,0009003	0,009399
RP11-727A23.4	0,41	1,74	0,52	0,71	0,0009014	0,009405
YBX3	5,88	6,68	7,06	7,31	0,0009058	0,009447
SRCIN1	0,02	0,26	0,07	0,20	0,0009101	0,009487
MAN1C1	0,50	4,02	1,01	0,81	0,0009127	0,009502
PCSK2	0,05	0,10	0,05	0,24	0,0009128	0,009502
ACTL6A	4,34	0,94	4,41	2,34	0,0009128	0,009502
RP11-46B11.5	0,04	0,00	0,00	0,04	0,0009148	0,009519

RP11-34P13.13	1,42	2,51	1,73	1,69	0,0009204	0,009572
RP11-421L21.2	0,00	0,00	0,00	0,65	0,0009212	0,009576
NXT1	5,58	3,07	5,80	3,18	0,00093	0,009663
RP11-439E19.10	0,48	0,58	0,31	0,96	0,0009324	0,009684
RAD1	3,81	4,48	2,30	0,77	0,0009331	0,009686
MUC6	0,00	0,95	0,00	0,11	0,0009361	0,009713
RP11-63E5.8	0,07	0,10	0,04	0,32	0,0009375	0,009723
NANOGP4	0,00	1,77	0,00	0,00	0,0009389	0,009729
RP11-289F5.1	0,08	0,40	0,26	0,35	0,000939	0,009729
RAB8B	3,91	2,80	4,01	4,79	0,0009407	0,009742
RP5-1041C10.3	0,00	0,17	0,25	0,25	0,0009463	0,009796
NLRC3	0,23	1,02	0,12	0,62	0,0009496	0,009825
AK4	0,00	0,14	0,16	0,73	0,0009504	0,009829
CTA-280A3.2	0,04	0,01	0,02	0,10	0,0009511	0,009832
DVL1	0,17	2,22	0,95	2,18	0,0009536	0,009853
FAM181B	0,00	0,03	0,15	0,07	0,0009558	0,009871
RP11-109G23.3	1,21	0,27	1,27	0,87	0,000957	0,009879
RP11-47I22.2	0,03	0,56	0,01	0,02	0,0009587	0,009892
RP11-262H14.1	4,72	5,53	4,49	5,88	0,0009593	0,009893
VPS26A	5,07	2,26	4,22	3,98	0,0009597	0,009893
RBP1	0,08	0,14	0,15	0,17	0,0009607	0,009899
FOLR2	0,00	0,59	0,27	5,36	0,000964	0,009929
ZNF655	5,65	4,49	4,73	3,65	0,000965	0,009934
RP11-100I7.1	0,44	1,37	0,54	1,14	0,0009675	0,009955
RP11-73M11.3	0,00	1,17	0,83	0,91	0,0009743	0,01002
MYO15B	6,31	6,52	7,12	7,37	0,0009763	0,010036
DFFB	0,40	0,55	2,18	1,31	0,0009819	0,010089
ZNF630	0,68	2,55	0,43	1,09	0,0009836	0,010102
KB-1460A1.5	0,09	0,35	0,17	0,98	0,0009861	0,010123
LYPD3	3,10	0,08	2,16	0,10	0,0009865	0,010123
PGM5P2	0,50	0,51	0,60	1,33	0,0009902	0,010154
RP11-573D15.2	0,18	0,49	0,24	0,41	0,0009907	0,010154
SNX1	5,41	2,57	4,70	4,81	0,000991	0,010154
RP11-527H14.2	0,14	0,28	0,16	0,21	0,0009932	0,010173
AKAP2	3,69	2,70	3,14	1,31	0,0009952	0,010188
MPC1	6,91	5,51	6,05	5,46	0,0009969	0,0102
DLST	1,92	2,10	3,46	3,01	0,0009973	0,0102
RP11-463O12.5	0,31	1,73	0,88	1,23	0,0009997	0,01022
LRRC37B	3,45	4,45	2,76	4,64	0,0010003	0,010221
RAX2	0,17	0,68	0,13	0,59	0,0010022	0,010236
PPP1R11	5,17	4,98	3,95	1,47	0,0010059	0,010269
KIAA1257	1,78	3,36	1,70	1,14	0,0010066	0,010271
CYP4F12	0,00	4,22	0,00	0,27	0,0010076	0,010277
LCK	0,68	3,45	0,43	3,17	0,0010082	0,010278
CASP2	3,73	1,29	3,94	2,98	0,0010127	0,01031
CCL4	3,39	8,54	3,06	5,90	0,001013	0,01031
PTGES3	6,59	6,30	6,43	4,94	0,001013	0,01031
ATCAY	0,20	1,77	0,34	0,31	0,0010131	0,01031
PLCB1	2,58	5,72	2,84	3,93	0,0010147	0,010321
RP11-631B21.1	2,06	3,33	2,64	3,38	0,0010166	0,010336
DHRS7	7,08	5,82	5,83	5,39	0,0010184	0,010349
RP11-618G20.1	0,00	0,00	0,53	0,00	0,0010201	0,010361
AC015849.13	1,53	2,79	1,00	1,81	0,001021	0,010366
AP000705.7	1,65	3,05	2,54	3,26	0,001029	0,010442
CTC-448F2.7	1,51	2,68	2,15	2,85	0,0010323	0,010472

PNLIPRP1	0,79	2,67	1,09	2,51	0,001033	0,010473
TMEM98	0,08	0,38	0,16	0,30	0,0010377	0,010516
RP11-334C17.3	0,19	0,45	0,26	0,55	0,0010386	0,010521
F3	0,06	0,15	0,13	0,13	0,0010408	0,010538
RP11-108O10.2	0,70	1,56	1,61	1,27	0,001042	0,010545
WI2-1959D15.3	0,00	0,09	0,16	0,34	0,0010427	0,010548
RP11-500M8.4	2,26	1,79	3,34	3,97	0,0010433	0,010549
TRIP13	0,10	0,15	0,10	0,10	0,0010474	0,010586
MTRR	4,21	5,09	2,45	2,54	0,0010485	0,010592
LEMD2	1,07	1,45	2,60	2,01	0,00105	0,010603
NDUFB7	7,15	7,26	7,40	8,13	0,0010524	0,010622
RP11-378I6.1	0,05	0,07	0,28	0,00	0,001058	0,010671
TRAPPC2L	5,64	7,43	6,00	5,20	0,0010587	0,010671
STMN1	5,05	2,30	3,96	1,80	0,0010587	0,010671
CTC-339O9.1	0,21	0,23	0,40	0,80	0,0010614	0,010694
RP11-723D22.3	0,81	2,15	1,80	1,13	0,0010635	0,01071
RP11-146E13.4	1,78	3,49	2,12	2,89	0,0010646	0,010716
PDZD11	4,97	0,82	4,68	1,68	0,0010676	0,010741
RP11-423H2.3	1,77	3,19	2,43	1,92	0,0010692	0,010748
AC004076.7	1,24	1,88	1,46	2,93	0,0010693	0,010748
AGAP3	3,35	1,36	4,62	4,22	0,0010701	0,010752
NAPA-AS1	0,15	0,77	0,32	3,08	0,0010709	0,010755
LINC00466	1,09	0,58	1,43	1,90	0,0010718	0,010756
RP11-294O2.1	0,85	1,28	1,51	1,73	0,0010719	0,010756
STOML2	6,15	6,84	5,23	5,36	0,0010735	0,010766
LIX1	0,09	0,45	0,29	0,18	0,0010784	0,010811
RP11-106M3.2	0,03	0,62	0,10	0,10	0,0010789	0,010811
ARFGEF2	2,97	1,44	2,87	2,35	0,0010808	0,010825
SCARNA9	2,85	3,91	3,88	4,51	0,0010849	0,010861
AF011889.2	2,73	0,00	3,00	0,00	0,001086	0,010867
SLC31A1	2,90	2,33	3,57	3,47	0,0010866	0,010869
FAAP100	1,89	4,66	3,50	4,03	0,0010881	0,010878
NDUF55	7,11	7,39	7,39	7,96	0,0010891	0,010883
CFL1P1	1,49	3,14	1,19	2,17	0,0010897	0,010885
PSORS1C1	0,04	0,44	0,05	0,27	0,0010988	0,010971
KDSR	4,33	3,32	4,43	1,38	0,0011037	0,011014
PARP11	3,51	1,22	2,46	1,07	0,0011042	0,011014
SPG11	6,58	4,12	6,29	6,33	0,0011046	0,011014
ALDH6A1	1,29	0,87	2,00	2,07	0,0011073	0,011036
EFHD1	0,00	0,46	0,60	0,31	0,0011085	0,011042
RP11-697E22.2	0,00	0,39	0,00	0,34	0,0011141	0,011089
GXYLT2	0,12	0,27	0,13	0,21	0,0011142	0,011089
KB-1410C5.2	0,24	0,18	0,31	0,43	0,0011222	0,011162
CIRBP-AS1	0,26	0,00	1,38	1,39	0,0011229	0,011162
CTSC	7,31	5,35	6,35	5,52	0,0011235	0,011162
RP3-324O17.5	0,68	4,92	1,15	1,41	0,0011238	0,011162
RP11-792D21.2	0,11	1,19	0,28	0,06	0,0011241	0,011162
CFTR	3,89	6,72	3,48	3,16	0,0011245	0,011162
SCG3	0,03	0,68	0,00	0,07	0,0011272	0,011181
CTDSPL	1,43	1,28	1,45	3,04	0,0011276	0,011181
GHITM	7,71	6,40	6,53	5,71	0,0011279	0,011181
ANKH	2,94	2,93	3,57	2,16	0,0011285	0,011182
POTEC	0,88	1,48	0,90	1,73	0,0011294	0,011184
SPIRE2	0,74	0,93	1,16	2,01	0,0011297	0,011184
RP11-481J8.3	0,07	0,40	0,92	0,91	0,0011309	0,011191

FAM83G	0,02	0,16	0,09	0,03	0,0011314	0,011191
PIAS2	2,75	1,29	2,54	3,00	0,0011328	0,011195
HIST4H4	1,92	1,80	1,94	4,61	0,001133	0,011195
NRXN1	0,55	0,86	0,41	0,41	0,0011337	0,011195
RP11-1109M24.5	1,04	2,54	1,02	2,17	0,0011339	0,011195
RP11-91H12.1	0,00	0,00	0,00	1,85	0,00114	0,011251
SFTPD-AS1	1,61	2,15	1,67	1,70	0,0011447	0,011292
PFN1	11,29	10,83	10,87	10,11	0,0011488	0,011327
CD151	1,33	2,89	2,36	2,95	0,0011498	0,011327
CXorf36	0,16	0,36	0,44	1,35	0,0011502	0,011327
TMEM53	0,30	0,66	1,41	0,51	0,0011504	0,011327
FUS	4,92	4,23	5,52	5,40	0,0011508	0,011327
PDE8B	0,13	0,00	0,05	0,00	0,0011537	0,011351
CTD-3247F14.2	0,02	1,04	0,38	0,02	0,0011542	0,011351
RP11-313F23.4	0,00	0,36	0,00	0,00	0,001156	0,011363
IL2RA	0,19	0,45	0,26	0,09	0,001157	0,011368
CTD-2194D22.4	0,08	0,29	0,06	0,15	0,0011636	0,011428
AC073065.3	0,19	0,62	0,32	0,62	0,0011649	0,011435
OR5A2	0,47	1,56	0,86	1,22	0,0011669	0,01145
HRK	0,04	0,05	0,02	0,07	0,0011675	0,011451
RP11-522B15.4	0,47	0,00	1,15	0,69	0,0011684	0,011455
ACOT13	3,05	0,68	2,87	0,53	0,0011692	0,011457
COX6B1	7,85	8,05	8,31	8,50	0,0011759	0,011518
RP11-322L20.1	0,03	1,29	0,20	0,08	0,0011792	0,011545
RP5-916O11.2	1,48	3,83	1,42	0,77	0,0011823	0,01157
FAM103A1	5,00	1,76	3,93	2,34	0,0011829	0,011571
KCNE3	2,32	3,43	2,98	3,62	0,0011904	0,01164
RP11-556O5.7	0,22	2,21	0,31	0,87	0,0011926	0,011656
PCED1A	3,88	5,39	4,96	5,97	0,0011977	0,0117
NHLRC1	0,00	0,06	0,06	0,15	0,0012006	0,011724
MT-TN	5,95	6,90	6,27	6,78	0,0012048	0,011758
ATG2B	1,66	1,44	2,48	0,40	0,0012052	0,011758
PSMD14	5,64	1,10	4,30	2,00	0,0012141	0,01184
MBOAT4	0,49	0,00	0,24	0,00	0,0012156	0,011845
ANKRD44	7,05	4,96	6,34	5,94	0,0012159	0,011845
SRSF2	7,74	7,04	7,21	6,45	0,0012162	0,011845
CTD-2047H16.3	0,84	1,84	1,28	1,24	0,0012187	0,011861
VPS13D	3,66	2,88	3,26	2,24	0,0012193	0,011861
TFEC	4,04	5,71	4,06	5,15	0,0012195	0,011861
XXbac-B476C20.13	0,07	0,16	0,06	0,27	0,0012212	0,011873
ANO1	0,00	0,85	0,00	0,00	0,0012218	0,011874
CECR1	6,46	4,90	6,38	5,89	0,0012228	0,011877
HLA-F	6,53	6,11	6,68	7,14	0,0012232	0,011877
ZNF257	2,27	0,89	0,51	0,05	0,0012255	0,011894
CD96	0,15	3,30	0,34	2,15	0,0012325	0,011956
CH507-42P11.8	4,04	5,26	4,24	2,37	0,0012356	0,011981
RP11-114H23.3	0,00	1,45	0,87	0,00	0,0012362	0,011982
RP4-738P15.6	3,07	4,53	5,28	5,56	0,0012369	0,011984
METTL21EP	0,13	0,28	0,16	0,41	0,00124	0,012008
TNK2	2,47	4,88	3,75	4,17	0,0012434	0,012036
UPRT	4,17	0,99	3,29	0,50	0,0012478	0,012074
SPIRE1	0,00	0,00	0,05	0,03	0,0012503	0,012092
PPM1N	1,72	2,40	2,40	2,95	0,0012569	0,01215
PELP1	0,36	0,51	1,09	0,79	0,0012592	0,012168
TSG101	6,36	5,30	5,25	3,21	0,0012599	0,01217

RP11-6N17.10	0,26	3,14	1,79	2,20	0,0012609	0,012174
ABHD18	3,48	1,37	2,81	0,71	0,0012616	0,012175
DBN1	0,16	0,78	0,27	0,24	0,0012737	0,012287
ACO04156.3	0,58	1,78	0,88	1,18	0,0012753	0,012297
RPL30	10,24	10,56	10,46	10,38	0,0012782	0,012319
FADS3	0,56	3,71	0,80	1,16	0,0012822	0,012351
RP11-356N1.2	1,64	0,99	1,62	3,77	0,0012826	0,012351
GGPS1	5,09	0,66	2,77	3,30	0,0012838	0,012357
AD000092.3	0,19	0,23	0,27	0,00	0,0012852	0,012365
PGLS	7,06	7,97	7,38	6,57	0,001287	0,012377
RP11-561B11.6	1,69	5,22	2,49	2,40	0,0012885	0,012386
IGFBP7	4,26	6,40	4,45	4,54	0,0013004	0,012496
FBRSL1	1,28	2,98	1,45	0,98	0,0013028	0,012513
CCDC155	0,82	2,32	0,34	0,34	0,001307	0,012543
RP11-58E21.1	0,32	1,97	1,34	0,78	0,0013072	0,012543
UGT2B15	0,00	1,02	0,00	0,15	0,0013077	0,012543
CSMD3	0,35	1,38	0,75	1,43	0,0013095	0,012556
HEBP2	3,00	3,23	3,85	4,44	0,0013112	0,012566
RPS27A	9,42	9,92	9,63	9,83	0,0013143	0,012588
KIF1C	0,92	1,14	1,01	1,01	0,0013146	0,012588
GNAS-AS1	0,18	1,09	0,20	0,31	0,0013159	0,012595
CPD	2,94	3,04	3,27	4,99	0,0013175	0,012605
VAV3	5,27	3,58	4,24	3,33	0,0013197	0,012621
TMEM255B	0,00	0,04	0,07	0,68	0,0013238	0,012654
RNF166	4,56	5,02	5,28	5,50	0,0013256	0,012666
EEF1A1P30	0,21	0,11	0,00	0,11	0,0013282	0,012685
ACO05754.8	0,20	0,42	0,46	0,56	0,0013321	0,012717
RMND5A	3,04	2,87	3,43	1,77	0,0013328	0,012718
KLC1	4,87	5,22	5,71	6,05	0,0013371	0,012754
TBK1	4,47	1,99	4,42	3,95	0,0013435	0,012809
RP11-573E11.2	0,93	4,63	2,13	2,35	0,001346	0,012828
EDF1	7,86	8,33	8,13	8,04	0,0013502	0,012863
RPS6KB1	4,19	3,90	3,22	4,88	0,0013514	0,012867
C1orf27	3,27	2,13	3,69	1,12	0,0013518	0,012867
MBNL2	2,60	0,85	2,20	2,75	0,0013537	0,012879
RP11-1348G14.1	0,00	1,33	0,42	0,81	0,0013554	0,01289
AJ003147.11	1,14	0,06	0,43	0,50	0,001359	0,012918
RP11-461O14.1	0,00	0,34	0,00	0,29	0,0013608	0,012931
CTD-3113P16.11	0,28	0,65	0,16	0,08	0,0013619	0,012936
RAP2C	4,06	4,41	3,07	3,47	0,0013648	0,012957
XYLB	1,65	0,60	1,01	1,26	0,0013664	0,012963
HSPA8	9,11	7,59	8,22	7,83	0,0013666	0,012963
AF011889.4	2,18	0,32	3,96	0,73	0,0013673	0,012964
RAD17	3,89	0,81	2,60	2,70	0,0013688	0,012969
CECR2	0,06	0,15	0,10	0,06	0,001369	0,012969
POLR2L	5,24	6,05	5,66	6,07	0,0013706	0,012979
KIF21A	0,23	2,25	0,64	2,06	0,0013723	0,01299
TRAT1	0,00	0,26	0,00	0,00	0,0013818	0,013071
ACO08074.3	0,00	0,00	0,03	1,28	0,0013821	0,013071
GSTM2	5,26	5,89	4,00	1,98	0,0013834	0,013073
RP11-498C9.17	0,70	0,93	0,83	1,07	0,0013835	0,013073
NCOA6	3,69	5,05	3,35	4,24	0,0013875	0,013106
CTD-2541M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0013953	0,013173
ACO17048.3	1,02	2,43	1,06	3,23	0,0013977	0,013191
SLC44A4	1,06	0,84	0,49	3,90	0,0014045	0,013249

AC123023.1	0,00	0,97	0,74	0,35	0,001406	0,013254
LILRB4	5,63	5,00	5,04	3,01	0,0014062	0,013254
FAM186A	0,25	2,91	0,85	1,40	0,0014071	0,013257
VAMP7	4,91	1,91	3,01	2,94	0,0014089	0,013268
RP11-158L12.4	0,09	0,59	0,10	0,07	0,0014104	0,013276
PRSS27	0,35	1,82	0,48	1,30	0,0014109	0,013276
ZHX3	0,07	0,48	0,64	1,11	0,0014124	0,013284
STK17B	8,41	6,96	7,90	7,51	0,0014139	0,013293
SIMC1	3,22	5,61	3,32	3,38	0,0014206	0,01335
RP11-661P17.1	0,26	1,49	0,59	0,20	0,0014215	0,013353
CHST13	0,00	0,16	0,94	1,60	0,0014229	0,013355
ANO6	3,32	3,63	2,99	3,55	0,0014229	0,013355
SEPT3	0,16	0,06	0,06	0,07	0,0014249	0,013368
AC009299.4	2,94	5,79	1,09	3,76	0,001427	0,013382
NLRP1	4,35	5,99	5,00	4,84	0,0014317	0,013414
ZNF518B	2,79	0,26	1,22	0,67	0,0014322	0,013414
TMOD2	0,83	0,39	1,97	2,05	0,0014322	0,013414
EFL1	2,12	5,05	1,86	3,36	0,0014371	0,013454
FOXH1	1,68	3,58	2,71	2,17	0,0014386	0,013459
MIR34AHG	0,20	0,31	0,16	0,49	0,0014388	0,013459
RP11-760H22.2	1,63	1,43	2,31	0,49	0,0014405	0,013462
RP11-2E17.1	0,01	0,07	0,04	0,04	0,0014407	0,013462
RP11-95D17.1	0,50	0,87	1,21	0,47	0,001441	0,013462
ATXN1L	2,78	0,91	1,64	2,16	0,0014466	0,013508
AP001066.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0014474	0,013511
RF00100	2,99	4,05	3,97	5,48	0,0014521	0,013548
NEK2	0,40	1,15	0,39	0,58	0,0014538	0,013559
RP5-859M6.1	0,27	0,00	0,31	0,83	0,0014546	0,01356
SLC4A5	1,12	0,56	0,46	2,67	0,0014552	0,01356
MAST3	3,23	4,29	2,23	1,99	0,00146	0,013599
HLA-C	7,56	8,14	8,01	7,88	0,0014616	0,013608
CNGB1	0,19	0,23	0,35	0,58	0,0014667	0,01365
ASGR2	5,14	5,75	5,50	6,32	0,0014674	0,013652
RP11-288I21.1	0,39	0,91	0,52	1,28	0,0014696	0,013666
PRDM14	0,08	1,03	0,08	1,15	0,0014703	0,013667
VAMP8	8,75	8,71	8,83	9,12	0,0014738	0,013693
CPEB2	2,92	1,56	2,75	1,12	0,001477	0,013717
GRIP1	3,25	0,20	1,80	0,35	0,0014776	0,013717
RP11-77C3.3	0,04	0,19	0,00	0,08	0,0014782	0,013717
PPP1R18	5,72	3,66	5,95	5,25	0,0014815	0,013742
RP11-982M15.8	0,47	1,47	0,74	0,62	0,0014865	0,013783
PRELP	0,15	0,77	0,24	0,48	0,0014877	0,013789
RP11-259K5.1	0,00	0,00	0,00	0,87	0,0014896	0,0138
CLK3	5,97	7,35	5,50	4,35	0,0014906	0,013803
AC015971.2	1,51	0,00	1,99	0,41	0,0014923	0,013812
RP11-158H5.2	1,53	5,12	0,21	0,00	0,0014927	0,013812
PRORY	0,00	0,00	0,00	1,01	0,0014953	NA
ZNF280D	4,23	3,66	2,73	3,61	0,0014954	0,01383
RASEF	1,25	1,38	1,70	1,19	0,0014959	0,01383
CTD-2527I21.11	0,14	1,42	0,20	0,00	0,0014966	0,01383
RPLPOP2	0,36	0,32	0,42	0,30	0,0014971	0,01383
SALRNA3	0,68	1,89	0,68	1,29	0,0014985	0,013836
UBE2E2	6,43	2,71	5,14	4,25	0,0015021	0,013864
ARF5	8,19	8,93	8,56	7,88	0,0015036	0,013872
YPEL2	2,15	0,56	2,63	2,46	0,0015054	0,013883

TTC24	0,00	3,86	0,00	0,00	0,0015063	0,013885
PNPT1	3,99	4,34	3,39	1,46	0,0015086	0,013901
KLHL6	3,18	3,19	2,15	2,18	0,0015159	0,013962
MTFMT	4,12	1,66	3,39	1,74	0,0015205	0,013999
CTC-591M7.1	0,45	1,85	0,49	1,15	0,0015242	0,014027
HNMT	3,97	4,49	4,42	5,44	0,0015253	0,014032
RN7SL32P	0,00	1,75	1,46	2,56	0,0015289	0,014058
WDR1	5,95	5,96	5,55	4,55	0,0015341	0,014094
NIPBL	5,76	5,30	5,34	4,15	0,0015345	0,014094
RP11-212D3.4	1,01	2,58	1,24	2,31	0,0015354	0,014094
JUN	3,91	4,83	4,77	4,88	0,0015356	0,014094
RP11-166N6.2	0,28	0,00	0,00	0,00	0,0015364	0,014094
BLOC1S1	7,27	7,04	7,52	7,52	0,0015365	0,014094
RN7SL284P	2,33	0,00	2,88	2,00	0,0015384	0,014105
ICAM2	7,15	6,81	6,54	7,69	0,0015413	0,014126
CNPY4	0,61	4,40	0,47	0,57	0,0015428	0,014133
TIAM2	1,96	2,74	1,45	4,24	0,0015505	0,014198
ANKRD10	7,87	6,06	6,98	6,94	0,0015516	0,014203
SPEG	0,02	0,05	0,10	1,17	0,0015533	0,014212
RP3-406M12.1	2,34	1,97	1,80	3,33	0,0015558	0,014229
PAFAH1B3	5,64	6,17	4,92	1,89	0,0015558	0,014244
CYB561A3	5,08	5,43	4,47	2,21	0,0015595	0,014252
FDFT1	6,53	4,34	5,53	5,42	0,0015614	0,014263
RP11-513O17.2	0,28	3,64	0,50	0,57	0,0015635	0,014276
PGM5	0,50	0,83	0,67	1,40	0,0015665	0,014298
VKORC1L1	1,14	0,23	0,57	0,43	0,0015679	0,014305
ATHL1	0,33	2,72	2,41	4,01	0,0015685	0,014305
RP11-274B18.2	0,00	5,10	1,28	3,17	0,0015722	0,014333
S100A10	9,96	9,50	10,42	9,80	0,0015757	0,014359
CSE1L	4,66	1,91	3,30	1,70	0,0015784	0,014377
AC124789.1	0,26	0,58	0,12	0,30	0,0015808	0,014393
TDRD6	0,00	0,00	0,00	0,02	0,0015937	0,014504
HS3ST1	0,23	0,35	0,24	0,64	0,0015947	0,014508
GDF15	0,00	0,64	0,46	1,56	0,0015998	0,014548
RP11-550E22.3	3,36	5,26	3,78	3,45	0,0016054	0,014593
S100A13	2,99	0,00	3,15	5,74	0,0016086	0,014615
OR11A1	0,56	2,14	0,42	0,47	0,0016092	0,014615
DNAAF5	1,68	3,07	1,35	0,64	0,0016103	0,01462
ABCA17P	0,00	0,00	0,03	0,48	0,0016115	0,014625
RP11-114G22.1	0,97	4,56	1,32	0,68	0,0016127	0,014629
ZNF462	0,09	0,34	0,12	0,14	0,0016163	0,014656
RP11-284F21.8	0,15	0,25	0,29	0,16	0,0016192	0,014676
PRMT9	2,12	2,54	1,52	1,36	0,0016199	0,014677
SYNE4	0,04	0,24	0,20	0,10	0,0016235	0,014703
CR1	0,69	3,55	1,10	1,67	0,0016263	0,014722
EPS8	3,16	3,01	3,74	5,36	0,0016414	0,014854
NR1H3	1,97	5,19	2,64	3,55	0,0016452	0,014882
AC003973.6	0,44	1,62	0,87	0,83	0,0016478	0,014895
SHMT2	4,40	1,94	4,58	3,79	0,001648	0,014895
TXNRD2	3,28	2,61	4,56	5,17	0,001649	0,014898
RNASEH1	4,14	2,94	3,54	1,29	0,0016547	0,014943
CDHR1	0,00	0,76	0,00	0,47	0,0016562	0,014951
DOHH	0,00	0,52	0,00	0,00	0,0016573	0,014955
PLXNB2	5,18	5,95	5,92	6,23	0,001661	0,014982
MTDH	5,84	6,59	6,18	5,58	0,001664	0,015003

RNU11	3,55	0,00	3,45	4,97	0,0016696	0,015047
CHTOP	5,44	3,13	4,89	5,86	0,0016705	0,015049
RP3-508115.9	1,08	1,46	1,46	1,12	0,001673	0,015061
KATNAL1	0,61	0,53	0,38	0,39	0,0016731	0,015061
STYXL1	6,08	6,18	4,88	4,41	0,0016749	0,015071
AC072062.1	3,17	5,50	2,97	3,51	0,0016764	0,015078
AC009120.11	0,96	0,62	1,34	1,60	0,0016842	0,015142
FAU	9,79	10,22	10,06	10,13	0,0016882	0,015167
CTB-175P5.4	0,15	1,82	0,46	0,43	0,0016883	0,015167
MEF2C	7,37	6,23	6,85	5,98	0,0016902	0,015178
IGFL2	0,99	2,10	1,12	1,48	0,0016918	0,015185
SLC25A42	0,55	1,19	0,31	1,67	0,0016926	0,015187
ZNF626	1,72	1,58	0,97	1,56	0,001695	0,015199
KLHL12	4,05	0,12	3,00	2,47	0,0016953	0,015199
RP11-31312.11	0,43	1,88	0,46	0,98	0,0016969	0,015203
FANCA	1,41	6,27	1,46	2,58	0,0016971	0,015203
MAN2C1	5,33	6,27	6,00	5,89	0,0016992	0,01521
MGP	0,48	0,33	0,58	0,77	0,0016993	0,01521
TK2	4,11	3,19	2,98	4,82	0,0017007	0,015217
OLR1	1,28	2,53	2,62	1,97	0,0017047	0,015246
HTN3	1,72	2,98	1,90	1,96	0,0017103	0,01529
B3GALNT1	0,97	2,25	0,42	0,14	0,0017135	0,015312
MEMO1	6,19	4,97	4,85	3,98	0,001721	0,01537
AC005017.1	0,08	0,53	0,27	0,06	0,0017213	0,01537
MT-RNR1	13,45	14,11	13,78	13,92	0,001725	0,015394
HNRNPA1	9,65	8,86	9,16	8,20	0,0017253	0,015394
GABRB1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,0017279	0,01541
PTGDS	2,15	1,03	1,07	1,67	0,001732	0,015441
CTD-2001C12.1	0,06	1,63	0,09	1,34	0,0017424	0,015525
DOCK2	5,97	3,80	5,84	5,39	0,0017428	0,015525
SLC43A3	4,00	5,21	4,65	5,24	0,0017477	0,015562
AP000997.1	0,00	2,50	0,00	0,00	0,0017486	0,015564
RP11-166P13.4	0,23	0,24	0,21	0,50	0,0017508	0,015577
MAP2K7	1,16	1,81	1,93	1,18	0,001759	0,015644
CD300C	6,67	0,91	5,61	3,98	0,0017612	0,015651
AC010148.1	1,61	4,16	0,93	0,54	0,0017612	0,015651
CTC-281B15.1	1,01	0,94	1,29	2,74	0,0017645	0,015674
RP4-798A10.2	0,42	1,43	0,44	1,14	0,0017657	0,015678
LRRC37A2	4,04	1,06	4,13	2,08	0,0017678	0,015691
COL27A1	0,16	0,25	0,23	0,22	0,0017715	0,015713
AC004158.3	0,14	0,20	0,35	0,49	0,0017728	0,015713
RP11-519G16.3	1,04	2,35	1,31	2,57	0,001773	0,015713
CTD-2306M5.1	1,31	1,49	1,79	1,31	0,0017732	0,015713
RP11-364P22.1	0,00	3,31	0,00	0,18	0,0017786	0,015753
OSMR	0,93	0,85	0,29	0,33	0,0017791	0,015753
ATP6VOA1	4,23	4,90	5,33	5,71	0,0017801	0,015756
KIF13B	1,78	0,79	2,17	3,61	0,0017811	0,015759
RP11-662G23.1	0,00	0,15	0,00	1,17	0,0017911	NA
RP4-758J18.13	1,11	1,39	1,24	1,22	0,0017925	0,015853
RSRP1	7,24	8,01	7,02	6,96	0,0017963	0,015879
CTD-2313N18.2	0,00	4,14	0,10	0,11	0,0017976	0,015879
OR56B2P	0,00	1,92	0,00	0,00	0,0017976	0,015879
OTUB1	7,54	7,13	6,93	6,14	0,0017983	0,015879
RP11-17A4.2	1,06	2,81	1,25	1,39	0,0018002	0,015889
FAM151B	2,44	3,98	3,81	2,96	0,001801	0,01589

HNRNPC	8,45	7,55	7,96	7,03	0,0018019	0,015891
MAP3K11	4,22	5,39	5,02	5,06	0,0018044	0,015907
AP003419.16	0,00	3,38	2,64	3,56	0,0018007	0,015924
RPS27	11,38	12,24	11,56	12,17	0,0018088	0,01593
ANKRD45	0,59	0,16	0,49	1,56	0,0018091	0,01593
WDR66	1,51	2,71	1,80	2,16	0,0018116	0,015945
TIGAR	4,92	4,36	3,87	0,50	0,0018122	0,015945
DPYSL2	6,43	5,67	5,71	5,05	0,001813	0,015945
CTD-2515A14.1	0,56	0,89	0,49	1,56	0,0018157	0,015963
SRP54	5,13	3,52	4,85	4,74	0,0018195	0,01599
RP11-25H12.1	0,00	0,00	0,00	0,05	0,0018242	0,016025
GIMAP1	0,32	1,67	1,98	2,67	0,0018251	0,016026
RP11-356J5.12	2,63	2,42	1,68	1,11	0,0018273	0,016039
RP11-229D13.3	0,39	0,96	0,56	0,90	0,0018317	0,016072
RP11-511P7.2	0,38	0,82	0,48	1,37	0,001833	0,016072
ISPD	0,12	0,51	0,10	0,45	0,0018332	0,016072
MPZL2	3,08	0,31	2,15	1,21	0,0018416	0,016139
RP11-323N12.5	0,00	0,00	0,00	4,06	0,0018447	0,01616
FAM213B	0,09	0,00	0,21	0,31	0,0018588	0,016278
CORO7	3,76	3,93	4,82	5,07	0,0018674	0,016346
GDE1	4,42	1,12	3,15	4,19	0,0018711	0,016369
RP11-34P13.10	0,84	1,61	1,65	1,86	0,0018715	0,016369
CPM	2,69	5,11	3,87	3,93	0,0018734	0,016379
PRELID1	8,92	7,84	8,35	7,95	0,0018788	0,01642
ZDHC22	0,06	0,00	0,03	0,29	0,0018819	0,016441
TPH1	0,18	0,08	0,27	0,07	0,0018838	0,016448
RP11-266K22.2	0,00	0,49	0,00	0,75	0,0018843	0,016448
MR1	2,73	1,51	3,64	1,77	0,0018884	0,016478
CTD-2270P14.1	1,82	1,01	2,23	2,70	0,0018932	0,016513
AC073283.4	2,26	2,71	2,12	2,65	0,0018963	0,016534
TMEM150B	0,00	0,00	0,07	0,73	0,0019067	0,016612
PROX1	0,06	0,00	0,63	0,65	0,0019068	0,016612
NUF2	0,00	0,08	0,00	0,20	0,001908	0,016617
PSIP1	4,27	4,43	3,90	5,08	0,0019178	0,016692
RP11-521B24.3	0,17	0,55	0,27	0,55	0,0019182	0,016692
RP11-64C12.1	0,15	0,36	0,40	0,40	0,0019223	0,016721
FGFRL1	0,72	0,32	0,19	0,53	0,0019253	0,016741
RP11-1C1.7	0,84	1,00	1,26	2,26	0,0019266	0,016746
GTPBP3	0,61	1,60	1,58	1,17	0,0019319	0,016785
CTNS	2,91	0,48	2,05	4,35	0,0019407	0,016855
SEC14L2	0,00	0,43	0,03	0,08	0,0019444	0,01688
AC011816.4	0,42	1,12	0,70	1,16	0,0019451	0,01688
FNBP4	6,02	4,08	5,49	5,10	0,0019465	0,016886
RP11-115H13.1	0,18	1,46	0,34	0,34	0,0019543	0,016942
MARC1	0,31	0,17	0,21	0,20	0,0019546	0,016942
GAA	3,16	3,23	4,70	4,01	0,0019568	0,016955
FUT3	0,00	0,98	0,15	0,28	0,0019643	0,01701
GULP1	0,08	0,00	0,08	0,18	0,0019647	0,01701
RP11-717H13.1	0,04	0,05	0,08	0,03	0,0019677	0,017024
AKAP1	4,08	2,41	2,83	1,00	0,0019678	0,017024
ZNF830	2,90	4,57	2,59	1,53	0,0019688	0,017026
SLC39A7	0,00	0,54	0,24	0,66	0,0019707	0,017036
MIER1	4,54	5,08	4,92	4,40	0,0019912	0,017201
RP11-177N22.3	0,00	1,02	0,00	0,76	0,0019914	0,017201
PRRG4	0,54	0,40	0,53	2,38	0,0019959	0,017233

CMKLR1	0,00	0,00	0,00	0,62	0,0019978	0,017243
RP11-843P14.1	0,00	0,00	0,36	0,44	0,0020002	0,017257
RP11-135N5.3	1,06	0,54	0,67	1,19	0,002006	0,0173
GAB2	2,97	0,62	3,83	3,05	0,0020187	0,017404
NOCT	1,44	2,23	2,22	2,66	0,002024	0,017443
CBFA2T3	3,55	2,87	2,63	1,31	0,0020261	0,017454
HNRNPF	6,46	5,47	5,67	4,25	0,0020305	0,017485
IDUA	0,45	1,10	1,92	0,50	0,0020353	0,017519
PI4KAP2	1,78	0,89	2,82	2,26	0,0020412	0,017563
OR4P4	0,20	0,14	0,49	0,22	0,0020482	0,017616
GTF2IRD1	0,19	2,54	0,33	0,11	0,0020489	0,017616
RP11-22H5.2	0,03	0,24	0,07	0,18	0,002051	0,017626
AZIN1	5,20	2,60	4,11	3,85	0,0020517	0,017626
RAB29	5,46	4,63	4,32	3,78	0,0020562	0,017658
RPS3A	12,01	12,21	11,67	11,02	0,0020571	0,017659
RALGPS2	1,76	0,21	1,06	1,81	0,0020622	0,017696
SLC22A9	0,09	0,21	0,19	0,23	0,0020637	0,017702
CTD-2012K14.5	1,18	1,61	1,51	1,90	0,0020672	0,017725
DDX60	3,62	0,41	2,84	3,59	0,0020693	0,017736
CTD-3035K23.7	0,28	0,36	0,33	0,00	0,0020769	0,017795
CECR7	0,34	2,01	0,58	0,69	0,0020802	0,017808
LACC1	2,12	0,26	1,13	0,49	0,0020808	0,017808
OR6C75	1,40	2,08	1,27	2,68	0,0020809	0,017808
DFNB31	0,22	1,66	0,47	0,00	0,0020896	0,017876
RP11-107E5.3	3,56	3,35	4,68	4,63	0,0020925	0,017894
RP1-257A7.5	6,59	6,35	6,39	2,44	0,002094	0,0179
RP11-282K24.3	0,11	1,15	0,16	0,34	0,0020957	0,017907
MPHOSPH10	4,62	3,06	3,85	1,96	0,0020969	0,017911
CTA-212A2.2	1,16	1,37	1,55	1,57	0,002106	0,017982
ITSN2	6,24	5,12	5,57	4,88	0,0021086	0,017994
OR10H5	0,50	1,17	0,81	0,71	0,0021091	0,017994
RP11-262H14.3	0,00	3,10	0,00	0,28	0,0021152	0,018039
RF00560	1,99	0,00	0,00	0,00	0,0021193	0,018059
NKTR	6,54	5,70	6,51	5,13	0,00212	0,018059
SLC7A1	1,04	0,65	0,67	0,03	0,0021204	0,018059
DDHD1	6,00	4,48	5,17	3,41	0,0021208	0,018059
ADGRF3	0,47	0,32	0,00	0,10	0,0021234	0,018074
HECTD1	6,40	7,02	6,31	4,14	0,0021259	0,018089
DEK	6,11	5,95	6,46	6,37	0,002127	0,018092
CDH6	0,05	0,12	0,10	0,13	0,0021283	0,018096
KDELRL2	5,70	4,85	5,03	5,21	0,0021293	0,018097
E2F5	0,57	0,13	0,25	0,06	0,0021327	0,018119
UBALD2	2,13	4,41	3,18	3,75	0,0021354	0,018135
SUV39H2	2,93	0,78	0,78	0,75	0,0021371	0,018142
RBM48	3,35	0,69	2,89	2,94	0,0021382	0,018145
RP11-541F9.2	2,22	1,74	2,66	0,35	0,0021393	0,018147
SEC14L5	0,05	0,27	0,09	0,12	0,0021434	0,018175
FOCAD	2,60	5,19	3,14	2,17	0,0021452	0,018183
PLLP	0,72	0,96	1,07	1,13	0,0021466	0,018188
MYO1D	1,55	0,04	0,72	0,02	0,0021485	0,018198
RP4-756H11.3	4,41	3,40	4,58	5,02	0,0021499	0,018203
ULK4P1	4,58	0,00	3,74	0,89	0,0021512	0,018207
ARRDC2	4,72	5,74	5,18	5,07	0,0021553	0,018234
RP4-617C6.1	1,20	2,31	0,83	1,51	0,0021636	0,018298
CCL5	3,19	5,57	3,32	5,96	0,0021653	0,018305

RP5-827C21.4	1,45	5,43	1,84	4,41	0,0021674	0,018316
MCM3	2,52	4,84	2,55	0,72	0,0021709	0,018339
RP11-410C4.5	1,91	2,58	1,72	3,02	0,0021719	0,01834
NAPRT	5,61	5,96	6,18	6,87	0,0021799	0,0184
VDAC1	6,77	6,53	6,32	4,91	0,0021812	0,018405
THRAP3	5,47	5,31	5,14	3,95	0,0021847	0,018421
FKBP3	5,67	6,55	5,20	4,44	0,0021848	0,018421
LLNLR-304A6.1	0,61	1,94	1,32	1,20	0,002187	0,018427
SMCR5	0,14	0,08	0,37	0,32	0,0021897	0,018427
VTRNA1-3	0,00	0,00	1,99	5,08	0,0021897	0,018427
DGAT1	4,25	4,81	4,80	5,08	0,00219	0,018427
MUC3A	0,00	1,28	0,00	0,09	0,0021901	0,018427
IGKC	3,97	6,87	4,35	4,40	0,0021906	0,018427
RP5-1184F4.7	0,28	0,93	0,35	0,82	0,0021919	0,018431
ACTR3	7,21	6,12	6,31	5,32	0,0021975	0,018472
AGGF1	3,81	1,52	2,91	2,71	0,0022006	0,018485
ETNK2	0,32	0,00	0,21	0,36	0,0022007	0,018485
RP11-563J2.3	0,18	1,79	0,25	0,16	0,0022078	0,018536
ZBTB26	0,22	0,00	0,06	0,08	0,0022085	0,018536
ELK4	3,52	1,31	2,75	3,10	0,0022144	0,018569
RP11-886P16.3	0,96	2,39	0,87	2,37	0,0022144	0,018569
HARS	5,00	5,75	4,12	2,53	0,002215	0,018569
VPS37B	0,30	0,26	2,15	3,12	0,0022159	0,01857
FRMPD3	0,05	0,04	0,00	0,16	0,0022189	0,018588
RP11-615I16.2	0,00	0,00	0,00	0,68	0,002224	NA
KIAA1328	3,14	4,60	3,59	3,46	0,0022259	0,018638
FKBP9	0,87	1,72	2,01	2,92	0,0022265	0,018638
PLA2G4D	0,40	0,47	0,42	0,64	0,0022279	0,018642
ANGPT1	0,16	0,00	0,42	0,18	0,0022287	0,018642
TRMT44	2,14	5,59	2,37	1,19	0,0022373	0,018707
PPCS	6,93	6,51	5,85	5,44	0,0022384	0,01871
TTC7A	3,74	2,49	4,30	4,28	0,002241	0,018724
DYNLL2	0,34	1,54	0,56	0,61	0,0022441	0,018741
PCDHB1	0,23	0,77	0,31	0,33	0,0022447	0,018741
ZNF264	0,95	0,43	0,78	0,92	0,0022473	0,018756
PLA2G2D	0,16	0,33	0,34	0,42	0,0022526	0,018793
DCUN1D4	2,44	1,24	1,24	2,71	0,0022555	0,01881
WDR75	4,54	2,71	3,53	1,93	0,0022608	0,018845
AC006116.25	1,32	3,68	1,30	1,77	0,0022615	0,018845
CMIP	1,67	2,08	2,88	3,57	0,0022661	0,018877
TRIM36	1,82	0,35	1,40	0,06	0,0022705	0,018899
CLP1	3,64	0,00	1,12	0,24	0,0022712	0,018899
RP11-540B6.6	0,26	2,01	1,28	0,43	0,0022713	0,018899
TRIML2	2,03	2,00	2,77	3,34	0,0022724	0,018901
ZC3H11A	4,58	3,53	3,97	4,96	0,0022756	0,01892
HIST3H2BB	0,53	0,72	1,14	1,03	0,0022789	0,018941
CYC1	8,03	7,53	7,94	6,84	0,0022829	0,018964
CALM3	5,19	6,70	5,87	6,94	0,0022834	0,018964
SEP15	7,39	5,94	6,55	6,35	0,0022918	0,019021
MOB2	1,25	1,28	2,34	1,37	0,0022919	0,019021
PBX1	2,28	3,99	2,13	2,82	0,0023008	0,019087
FARS2	5,00	0,78	3,56	0,93	0,0023016	0,019087
GYG2P1	1,64	1,05	1,58	2,83	0,0023034	0,019091
TMEM259	2,75	2,74	3,48	3,85	0,0023037	0,019091
RP11-344E13.4	0,00	0,39	0,00	0,00	0,0023066	0,019107

NRAS	3,61	1,21	2,82	2,39	0,0023081	0,01911
RP11-157B13.7	0,00	0,07	0,09	0,24	0,0023087	0,01911
AC022182.1	0,00	2,09	0,84	1,01	0,0023167	0,019169
RP11-762H8.2	2,72	3,83	3,85	4,13	0,0023184	0,019176
PIEZO1	5,80	7,18	6,70	6,25	0,002323	0,019207
APOBEC3C	4,80	6,43	4,80	4,01	0,0023246	0,019213
MYO10	0,40	0,58	0,44	0,52	0,0023259	0,019217
RP11-615I2.6	0,70	1,04	1,24	1,46	0,0023288	0,019234
HAS3	0,00	0,57	0,00	0,00	0,0023382	0,019303
PPP1R2	5,95	4,14	5,40	4,75	0,002339	0,019303
C8orf86	0,07	0,29	0,23	0,10	0,0023535	0,019416
OR6Y1	0,80	2,22	0,99	1,87	0,0023566	0,01943
ARL5C	0,21	1,19	0,00	0,00	0,0023569	0,01943
RP11-217E22.2	1,43	3,01	1,64	2,12	0,0023625	0,019468
THBS1	0,22	4,14	2,31	0,49	0,0023685	0,019511
RP11-295K3.1	0,00	0,25	0,00	0,16	0,002371	0,019517
SLC1A6	1,04	2,03	1,15	1,23	0,002371	0,019517
SUSD3	5,61	0,78	4,27	0,69	0,0023745	0,019538
ZBTB25	2,47	2,46	2,09	1,08	0,0023788	0,01956
BNIP1	0,14	0,52	0,52	0,21	0,0023789	0,01956
C10orf128	7,29	6,29	6,00	5,43	0,0023837	0,019592
AC079466.1	0,16	0,68	0,08	0,23	0,0023859	0,019603
RP1-228P16.9	0,82	2,60	1,49	1,80	0,0023877	0,019611
LA16c-60D12.2	0,72	1,56	0,89	1,18	0,0023887	0,019612
SPTLC3	3,27	4,31	3,10	4,45	0,0024	0,019697
CYP4F11	0,43	0,52	0,25	0,27	0,0024015	0,019703
OR10J1	0,14	0,04	0,19	0,30	0,0024037	0,019713
SMARCA4	3,15	0,24	2,56	2,42	0,002405	0,019714
RP11-43N16.4	0,21	0,00	0,69	0,42	0,0024056	0,019714
CTSH	9,45	8,23	8,67	8,20	0,0024137	0,019769
CTD-2554C21.2	3,53	4,92	2,51	1,69	0,0024142	0,019769
DNMBP	0,13	0,00	0,24	0,18	0,002415	0,019769
MRPS15	6,69	5,56	6,51	5,23	0,0024162	0,019772
TNKS2	3,76	2,47	3,49	2,55	0,0024171	0,019772
RP11-65J3.1	1,33	2,66	1,20	4,02	0,0024235	0,019817
NDUFA8	5,92	1,91	5,79	5,35	0,0024284	0,019848
SCPEP1	4,96	6,16	5,72	5,42	0,0024291	0,019848
RP11-96K19.4	3,10	4,12	2,49	3,68	0,0024315	0,019855
P2RY1	1,26	0,14	0,48	0,49	0,0024317	0,019855
CMAS	3,98	5,92	3,61	4,03	0,0024343	0,019868
RP11-5N23.2	0,67	1,32	1,59	3,09	0,0024386	0,01989
OPA1	4,77	2,07	4,86	4,45	0,0024386	0,01989
H2AFZ	8,84	8,38	8,15	7,54	0,0024415	0,019905
RP3-405J10.3	0,20	0,42	0,34	0,31	0,0024435	0,019915
RP11-290F5.1	0,21	2,47	0,23	0,00	0,0024509	0,019968
MTF2	6,36	5,84	5,54	4,86	0,0024606	0,020039
PPM1L	1,40	1,70	1,20	1,69	0,0024686	0,020097
INTS11	4,02	5,46	4,16	5,10	0,0024711	0,02011
TRMT10A	1,92	0,08	1,12	0,21	0,0024737	0,020124
MED9	0,69	3,66	2,01	0,29	0,0024756	0,020131
CAMTA1	5,88	5,82	5,19	4,53	0,0024789	0,020147
EPN2	2,41	4,09	2,48	1,91	0,0024793	0,020147
RP11-252K23.2	2,61	0,30	3,12	2,56	0,0024809	0,020149
FAM81A	1,63	0,04	1,67	0,04	0,0024813	0,020149
NFKB2	2,21	3,55	3,04	3,16	0,0024875	0,020192

CTD-2651B20.3	0,30	0,78	1,14	0,46	0,0024941	0,020238
RP5-881P19.7	0,05	0,61	0,36	0,26	0,0024962	0,020247
CHD9	6,46	5,28	5,62	5,55	0,0024971	0,020247
SPDYE1	0,47	0,21	0,22	0,19	0,0024985	0,020251
DYNC1H1	5,61	5,91	6,11	6,08	0,0025008	0,020263
RP11-265M18.2	4,37	1,70	4,66	3,76	0,002505	0,020289
OR6J1	0,34	0,38	0,37	0,69	0,002514	0,020355
RP11-328J2.1	0,06	0,35	0,01	0,56	0,002525	0,020436
ZFP41	0,00	0,08	0,01	0,00	0,0025288	0,02046
RP1-212G6.7	0,35	1,34	0,54	2,38	0,00254	0,020543
KB-1572G7.1	2,69	5,52	2,94	2,68	0,0025417	0,020549
CTC-510F12.2	0,00	0,62	0,31	0,42	0,002544	0,020555
WSB1	7,47	5,23	7,11	6,60	0,0025443	0,020555
TMEM68	3,02	2,17	2,33	4,01	0,0025515	0,020606
PTPN18	5,31	5,86	5,89	5,24	0,0025685	0,020736
RP11-93B14.9	0,00	0,00	0,00	0,28	0,0025695	0,020736
DNAJC6	0,02	0,14	0,00	0,02	0,0025709	0,02074
CDC42BPB	0,48	1,61	1,57	2,39	0,002577	0,020781
CERK	4,01	4,60	4,38	3,09	0,0025806	0,020803
RAB41	0,00	4,99	0,00	0,00	0,0025817	0,020804
SESN3	2,73	2,07	1,56	1,34	0,0025882	0,020849
MTHFD2	5,66	4,25	5,35	3,84	0,0026052	0,020977
CCDC169	1,14	1,61	1,40	2,08	0,0026059	0,020977
SRSF7	8,53	8,10	7,99	7,25	0,0026085	0,02099
ZNF439	2,81	0,37	1,98	2,37	0,0026109	0,021002
INPP5J	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0026138	0,021017
LINC00506	2,60	3,44	2,61	2,77	0,0026197	0,021057
SULT1C4	0,18	1,21	0,19	0,77	0,0026252	0,021091
INTS1	3,82	5,07	4,18	5,18	0,0026259	0,021091
KIAA1324	0,15	0,31	0,25	0,48	0,0026268	0,021091
FAM129C	1,02	1,86	1,27	1,33	0,0026286	0,021098
AC137932.4	1,06	1,45	0,98	2,14	0,0026349	0,021141
AC003029.4	0,00	0,14	0,15	0,07	0,0026384	0,021141
YTHDF2	5,79	5,75	4,68	4,37	0,0026385	0,021141
NAT10	3,73	1,13	3,80	3,38	0,0026385	0,021141
PIGK	3,39	0,26	1,95	0,34	0,0026397	0,021141
AC011139.1	0,67	0,99	1,13	1,05	0,0026403	0,021141
NCAPG	1,31	0,00	0,43	0,12	0,0026406	0,021141
RNU5D-1	6,15	4,40	6,40	7,53	0,002642	0,021145
PLPPR2	1,24	2,41	2,93	4,19	0,0026445	0,021157
RP11-7F17.5	0,11	0,35	0,19	0,17	0,0026467	0,021167
NSFL1C	5,58	5,79	4,72	4,09	0,0026529	0,021209
F13A1	1,55	5,80	4,95	5,19	0,0026563	0,021228
AC000036.4	0,00	0,07	0,00	0,13	0,0026621	0,021265
AC104820.2	0,44	1,24	0,88	1,57	0,0026629	0,021265
ITGAM	3,05	2,10	4,20	4,96	0,0026644	0,021265
C11orf72	0,94	3,19	0,89	1,19	0,002665	0,021265
GLB1	7,31	5,93	6,45	5,98	0,0026658	0,021265
TECRL	0,98	2,24	0,76	1,23	0,0026684	0,021265
SPATS2	3,82	1,12	3,74	2,67	0,0026685	0,021265
RP11-468E2.10	0,45	1,37	0,61	0,78	0,0026688	0,021265
CCNT2	5,13	3,88	3,48	2,12	0,0026695	0,021265
AC114730.2	0,00	0,00	0,40	0,00	0,0026771	0,021318
PHF8	2,88	0,40	2,24	3,66	0,0026862	0,021382
VSNL1	0,59	1,66	0,50	0,54	0,0026972	0,021463

DDX59	3,16	0,67	3,55	3,05	0,0027068	0,021525
ATPIF1	7,40	7,39	7,70	7,54	0,0027085	0,021525
RP11-170K4.2	0,06	0,31	0,10	0,17	0,0027088	0,021525
RPAP2	3,04	2,99	2,47	3,06	0,0027106	0,021525
FAM195A	3,89	6,43	4,21	4,58	0,0027107	0,021525
SLC25A4	0,05	0,09	0,04	0,12	0,0027118	0,021525
RP11-97O12.2	0,53	1,28	0,25	1,83	0,0027119	0,021525
GAGE1	0,16	1,52	0,17	0,73	0,0027132	0,021529
CTD-2143L24.1	1,17	3,92	1,23	3,40	0,002724	0,021599
MLF2	6,75	5,59	6,04	5,23	0,0027241	0,021599
CTD-3184A7.4	3,21	3,24	3,85	4,85	0,0027262	0,021609
ATP5C1	8,47	7,75	8,06	7,11	0,0027346	0,021667
ATF4	7,86	7,76	8,28	8,14	0,0027359	0,02167
RP11-322E11.2	2,40	3,46	2,42	2,69	0,0027406	0,0217
TADA1	4,09	0,24	2,60	1,96	0,0027449	0,021721
EIF2S3	7,47	6,66	6,79	6,29	0,0027453	0,021721
RN7SL301P	2,59	1,56	2,55	2,73	0,0027475	0,021731
DDX19B	4,52	0,95	4,76	3,50	0,0027512	0,021752
PHAX	4,97	5,90	4,28	1,82	0,0027562	0,021784
AC139100.4	0,41	0,90	0,00	0,27	0,0027655	0,02185
LARP4B	4,81	4,96	4,67	3,75	0,0027677	0,02185
RP5-915N17.11	0,58	0,19	0,95	0,66	0,0027683	0,02185
GZMB	1,64	5,87	1,69	5,41	0,0027685	0,02185
NSD2	3,15	5,19	4,17	4,15	0,0027695	0,02185
COPS4	5,44	1,48	4,18	5,11	0,0027719	0,021859
TRIM66	1,98	0,30	1,66	1,26	0,0027726	0,021859
GTF3C6	6,90	5,31	6,79	6,15	0,0027805	0,021913
PLPP1	1,50	0,26	0,37	0,17	0,0027814	0,021913
UROD	5,95	3,74	6,28	5,29	0,0027827	0,021916
SACM1L	4,66	1,97	4,06	2,31	0,0027886	0,021942
SAMMSON	1,66	2,82	1,22	1,26	0,0027893	0,021942
ESYT2	4,79	2,76	4,62	3,55	0,0027894	0,021942
CTD-2026K11.2	0,13	1,09	0,54	0,69	0,00279	0,021942
OVCH1-AS1	0,07	0,05	0,13	0,46	0,0027917	0,021947
HERC2P4	0,16	0,30	0,47	0,97	0,0027927	0,021948
NEIL3	0,05	0,11	0,11	0,30	0,0027938	0,021948
PLA2G12A	3,15	1,22	1,80	1,49	0,0027967	0,021963
VSIG4	1,49	0,00	3,75	5,18	0,0027995	0,021978
CACYBP	6,59	5,44	5,70	3,92	0,0028005	0,021978
OR2A9P	0,14	2,48	0,33	0,44	0,0028073	0,022024
GPS2	6,08	3,48	5,00	4,55	0,0028103	0,022034
RP11-221J22.2	0,00	0,69	0,05	0,86	0,0028107	0,022034
RP11-327P2.5	0,73	0,15	1,22	0,00	0,0028118	0,022035
C1orf159	0,54	3,19	1,66	1,73	0,0028145	0,022047
HERC2P5	1,25	2,24	0,93	2,11	0,0028153	0,022047
EBF1	0,35	0,72	0,37	0,49	0,0028194	0,02207
CIDECP	5,23	2,10	3,92	1,17	0,0028202	0,02207
RAD54L2	2,25	0,93	1,83	1,35	0,0028283	0,022126
NUGGC	0,38	0,38	0,56	0,84	0,0028293	0,022126
RP5-832C2.5	1,28	0,26	1,74	2,16	0,0028339	0,022154
ACYP2	4,93	2,14	4,56	2,91	0,002836	0,022162
RP11-491F9.2	0,08	0,16	0,11	0,32	0,0028374	0,022166
RARRES3	5,85	4,54	5,84	7,16	0,0028389	0,022169
DUX4L34	0,00	0,14	0,00	0,12	0,0028398	NA
CDH8	0,35	1,75	0,65	1,25	0,0028404	0,022173

AC005786.7	1,26	2,21	3,32	3,63	0,0028428	0,022182
TIMM23	5,42	2,09	4,57	1,95	0,0028435	0,022182
NCKAP5	0,73	0,30	0,61	0,00	0,0028509	0,022232
RP11-308K2.1	0,00	0,37	0,00	0,33	0,0028524	NA
RAB42	0,28	0,04	0,12	0,37	0,0028528	0,022239
RP11-175B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0028545	0,022244
IMP4	6,99	1,49	6,13	6,36	0,0028664	0,022329
PGK1	8,21	8,12	7,67	6,78	0,0028697	0,022347
KCNJ14	0,26	0,38	0,48	0,31	0,0028734	0,022369
E2F7	0,00	0,02	0,19	0,00	0,002877	0,022388
RP11-26J3.3	3,10	5,06	3,84	4,13	0,0028826	0,022424
PER3	0,39	0,00	0,03	0,97	0,0028894	0,022469
TRAPPC1	6,60	5,74	6,17	5,58	0,0028939	0,022496
DNAH3	0,12	1,59	0,23	1,17	0,0028961	0,022506
ANKRD30BP2	0,04	0,05	0,11	0,20	0,0029004	0,022531
NACAP1	0,18	0,33	0,43	0,51	0,0029016	0,022533
TLR2	4,86	3,35	5,71	5,40	0,0029035	0,02254
PDGFA	2,35	3,30	2,96	3,55	0,0029055	0,022547
AC013402.2	0,86	0,97	1,37	1,66	0,0029114	0,022585
SVOP	0,10	0,08	0,18	0,50	0,0029149	0,022604
RP11-542P2.2	0,34	0,97	0,46	0,33	0,002916	0,022605
FUCA1	2,34	0,37	2,30	0,40	0,0029171	0,022605
NXF1	6,49	7,08	7,18	6,79	0,0029191	0,022613
RP11-265O12.1	0,39	0,36	0,19	0,85	0,0029228	0,022625
SEC61G	6,33	6,63	6,52	7,05	0,0029235	0,022625
ITGA4	6,82	5,70	6,11	6,32	0,0029237	0,022625
SAMD9	3,72	1,20	3,22	3,47	0,0029292	0,022659
SUZ12P	3,93	3,96	3,71	2,44	0,0029348	0,022691
RP11-558F24.4	0,22	1,61	0,72	0,38	0,0029352	0,022691
RP11-489E7.1	0,95	1,87	0,81	2,08	0,0029383	0,022706
RP11-315E17.1	0,09	0,25	0,00	0,00	0,0029397	0,022709
RP11-18H21.1	0,13	0,09	0,00	0,24	0,0029424	0,022723
BTBD9	1,94	1,13	2,03	0,90	0,0029444	0,02273
ANXA13	0,49	0,64	0,67	1,38	0,0029508	0,022771
C16orf70	3,40	2,45	3,94	4,00	0,0029524	0,022776
RP11-1000B6.3	4,60	1,79	5,00	5,58	0,0029548	0,02278
DNLZ	1,00	3,34	2,17	3,81	0,002955	0,02278
CXCR3	0,69	0,17	0,10	0,24	0,0029586	0,0228
RP11-344E13.3	1,10	0,98	0,48	1,02	0,0029675	0,022853
CD37	8,19	6,64	7,57	6,98	0,0029676	0,022853
CTB-12A17.3	0,00	0,00	0,40	2,07	0,0029728	0,022882
RN7SL823P	0,00	3,06	0,00	0,00	0,0029734	0,022882
ALPP	0,07	0,00	0,00	0,00	0,0029797	0,022923
PAQR7	2,59	3,43	3,10	3,21	0,0029821	0,022927
DPM3	4,21	4,90	4,70	5,42	0,0029823	0,022927
RNU7-181P	0,00	5,10	4,37	2,31	0,0029888	0,022969
PRF1	0,62	5,35	1,70	4,70	0,0029977	0,023026
PKD1L2	0,43	0,75	0,45	0,62	0,0029986	0,023026
MASP1	0,10	0,02	0,14	0,29	0,0029993	0,023026
NECTIN2	0,12	0,00	1,54	1,50	0,0030026	0,023043
DNAH5	0,24	0,02	0,27	0,22	0,0030052	0,023055
KLHL30	0,02	0,04	0,04	0,10	0,0030066	0,023058
PLEKHH3	0,20	0,37	0,18	0,20	0,0030093	0,02307
NDUFB9	7,32	8,13	7,74	7,98	0,0030157	0,023111
PPP1R16B	2,51	0,17	0,99	0,72	0,0030224	0,023148

RP11-425L10.1	0,00	0,00	0,59	0,00	0,0030225	0,023148
RP11-9L18.3	1,86	3,48	2,48	3,61	0,0030258	0,023165
HELB	3,42	1,64	2,14	1,01	0,0030287	0,023174
KARS	6,37	6,61	5,80	4,71	0,003029	0,023174
AC002303.5	0,32	0,22	0,08	0,06	0,0030305	0,023177
ZNF441	0,64	2,14	0,69	1,14	0,0030329	0,023187
LRRC56	0,10	0,42	0,15	0,16	0,0030339	0,023187
ATAD3A	0,68	2,52	1,46	1,20	0,0030385	0,023214
STK11	1,24	1,87	2,33	2,60	0,0030441	0,023249
AC004951.6	0,30	2,98	1,04	0,95	0,0030486	0,023275
SOX9-AS1	1,31	1,79	0,22	2,52	0,0030498	0,023277
WBP2	4,47	4,91	4,89	5,23	0,0030546	0,023297
VT11B	6,04	3,64	5,67	4,76	0,003056	0,023297
MT2A	4,60	5,37	5,50	5,46	0,0030564	0,023297
PYURF	7,65	7,14	6,65	5,96	0,0030566	0,023297
GID8	3,78	2,71	4,08	3,98	0,0030603	0,023317
CTBP1-AS1	0,50	1,48	1,01	0,55	0,003067	0,023336
STAU1	4,02	4,75	4,02	4,76	0,0030701	0,023373
RP11-140I24.1	2,84	3,93	3,26	3,22	0,0030708	0,023373
PTOV1	3,44	4,64	4,37	4,84	0,0030722	0,023376
PSMD12	4,94	0,92	4,71	3,06	0,0030824	0,023445
TFG	5,51	3,21	4,54	5,57	0,0030856	0,023461
TNFAIP3	4,96	6,18	5,54	4,89	0,003088	0,023472
ZNF18	2,49	0,00	1,12	1,16	0,0030907	0,023484
RP11-233H19.2	0,09	0,34	0,24	0,26	0,0030939	0,0235
MCM2	1,10	2,63	0,09	0,07	0,0030971	0,023517
CXorf65	1,09	0,00	1,13	0,00	0,0030991	0,023524
MID1IP1	0,48	0,96	1,15	1,72	0,003107	0,023576
SMIM12	5,30	5,89	5,65	1,63	0,003109	0,023582
ATP6V0A2	2,77	2,80	2,81	4,25	0,0031099	0,023582
RP11-708J19.1	0,11	2,36	0,29	0,41	0,0031181	0,02363
ATP2B4	4,44	4,86	3,30	2,56	0,00312	0,02363
FAM200B	2,97	3,52	4,16	4,66	0,0031203	0,02363
RP11-462B18.1	0,00	0,00	0,00	1,50	0,0031225	0,02363
SPRED1	0,07	0,40	1,04	0,57	0,0031225	0,02363
RP4-673M15.1	1,85	0,66	1,75	2,77	0,0031227	0,02363
RP11-1078H9.5	0,11	0,13	0,28	0,29	0,0031354	0,023718
BABAM1	6,59	5,13	5,60	5,43	0,0031401	0,023746
PRDX5	7,54	7,89	7,67	7,53	0,0031424	0,023755
NAALADL2	0,43	0,28	0,46	0,89	0,003144	0,023759
GPR171	4,22	1,21	0,19	0,31	0,0031464	0,023762
IGHG3	0,00	0,33	0,00	0,11	0,0031465	0,023762
ANKRD17	4,74	5,68	4,24	3,96	0,0031507	0,023786
RIN1	0,10	0,28	0,69	1,00	0,0031521	0,023788
SLC2A5	0,13	0,53	0,30	0,28	0,0031609	0,023847
ALCAM	5,14	2,99	4,48	4,50	0,0031632	0,02385
UBA7	4,98	5,44	5,43	5,64	0,0031636	0,02385
MCOLN1	4,34	3,87	4,65	5,61	0,0031648	0,023852
C14orf1	3,81	1,47	2,57	1,43	0,00317	0,023883
HEMK1	3,39	0,34	4,25	4,29	0,0031721	0,02389
RP3-395P12.2	1,01	2,84	0,44	1,78	0,0031745	0,0239
CHMP2B	5,88	4,95	4,85	3,29	0,0031788	0,02392
RP11-134G8.7	0,37	0,00	0,08	0,09	0,0031794	0,02392
JAK1	6,22	5,41	5,47	4,86	0,0031804	0,02392
SPOCK2	0,00	0,21	0,07	0,24	0,0031849	0,023946

JAK2	5,90	4,05	5,25	4,46	0,0031861	0,023947
RP11-546B8.5	0,00	0,00	0,00	1,15	0,0031881	NA
DNAJC28	0,21	0,15	0,10	0,11	0,0031927	0,023988
RP11-546D6.3	3,18	0,00	0,19	0,79	0,0031967	0,024011
RP11-22C11.2	0,17	0,95	0,32	0,21	0,0031982	0,024014
RP11-664I21.5	0,00	0,25	0,29	0,00	0,0032048	0,024055
DIO3OS	0,00	2,08	0,00	0,00	0,0032067	0,024061
RIF1	3,82	4,66	3,05	2,04	0,0032091	0,024069
SH2D3A	0,88	0,58	1,01	1,08	0,00321	0,024069
RP11-583M2.2	1,05	1,70	1,29	1,73	0,0032124	0,02408
PROSER3	1,35	1,16	1,72	2,62	0,003215	0,02409
BAIAP2L1	0,00	0,00	0,48	0,69	0,003216	0,02409
XXyac-YM21GA2.7	0,06	1,08	0,06	0,06	0,0032236	0,024139
TIE1	0,04	0,00	0,05	0,26	0,0032342	0,02421
RINL	1,45	3,25	1,45	1,63	0,0032353	0,02421
RP11-77K12.9	0,17	0,00	0,06	0,06	0,0032369	0,024214
CLIP4	0,05	0,33	1,21	2,57	0,0032384	0,024217
TBCA	6,35	6,42	6,17	4,95	0,0032417	0,02423
TMEM236	0,46	0,87	0,57	0,81	0,0032422	0,02423
LINC00173	3,54	0,18	4,14	1,94	0,0032477	0,024262
PSMA2	8,24	6,76	7,72	6,81	0,0032543	0,024303
RP11-81A22.4	1,00	1,16	1,45	1,00	0,0032593	0,024332
FAM133B	5,35	4,83	5,68	6,13	0,0032672	0,024383
CTA-286B10.7	0,00	2,08	0,44	1,35	0,0032712	0,024405
CYFIP1	4,22	2,20	3,98	3,26	0,0032742	0,024419
RP11-736K20.4	0,46	1,01	0,88	0,89	0,0032775	0,024435
RP11-735B13.2	2,36	3,92	2,77	1,83	0,0032796	0,024443
RP4-724E16.2	0,16	0,40	0,44	0,66	0,0032838	0,024466
SLC38A2	6,17	5,57	5,28	4,64	0,0032855	0,024471
GOLGA7	5,49	3,00	4,07	4,66	0,0032894	0,024492
RP11-638I2.2	2,32	3,21	3,37	3,15	0,0032933	0,024507
LDB3	0,17	0,75	0,24	0,22	0,0032947	0,024507
CAPN5	0,15	1,04	0,19	0,13	0,0032954	0,024507
CH17-195P21.2	1,06	1,30	1,84	2,87	0,0032962	0,024507
USP6	0,46	1,06	0,29	0,28	0,003297	0,024507
NIPAL2	3,69	0,76	2,71	2,32	0,0033004	0,024524
SREBF2	2,98	1,64	3,34	3,33	0,0033048	0,024549
LACTB2	4,59	0,53	3,09	1,84	0,0033086	0,024568
RHOB	3,55	3,09	4,36	4,84	0,0033099	0,02457
RP11-830F9.6	0,13	0,50	0,05	0,00	0,0033129	0,024584
HERPUD1	8,74	8,06	7,97	7,03	0,0033148	0,024584
C5orf60	0,27	0,39	0,30	0,33	0,0033151	0,024584
TSPAN17	0,18	2,26	2,22	2,30	0,0033177	0,024595
RP11-197K6.1	0,21	2,02	0,33	0,23	0,0033221	0,024619
GNRHR2	2,81	3,78	3,01	4,41	0,0033232	0,024619
RP11-196E1.3	0,34	0,27	0,76	0,25	0,003332	0,024676
AP000580.1	0,00	0,00	0,00	3,86	0,0033351	0,024691
WNT5A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0033468	0,024765
NDUFA2	6,41	6,45	6,69	6,79	0,0033473	0,024765
ME2	4,88	2,60	3,85	3,07	0,0033487	0,024767
IFIH1	3,43	1,16	3,24	4,06	0,0033594	0,024835
EXOSC6	2,76	3,03	2,92	3,34	0,0033601	0,024835
RP11-266L9.2	0,05	0,72	0,19	1,49	0,0033625	0,024844
LINC00294	0,26	0,54	1,28	1,64	0,0033664	0,024864
SSTR2	0,64	0,80	0,82	0,80	0,0033679	0,024864

CTD-2095E4.3	0,96	1,83	0,88	2,31	0,0033688	0,024864
ARL6IP6	4,60	0,44	3,50	2,17	0,0033696	0,024864
ERVW-1	3,11	4,89	3,85	3,60	0,0033757	0,0249
SCAF1	0,34	0,33	0,76	0,41	0,0033777	0,024907
CTD-2008P7.1	0,59	1,64	0,75	1,39	0,0034095	0,025124
RP11-752G15.3	0,12	0,28	0,14	0,37	0,0034095	0,025124
SPARC	0,00	2,03	0,00	0,09	0,0034169	0,025171
CTA-390C10.10	0,52	1,13	0,40	0,81	0,003418	0,025171
PPIF	6,66	6,35	6,17	4,07	0,0034279	0,025235
SRSF6	6,13	4,80	5,60	5,44	0,003432	0,025257
SCIN	0,97	2,02	1,46	1,86	0,0034339	0,025263
ANKRD6	2,32	3,72	3,80	0,63	0,0034384	0,025288
ZNF385A	2,81	1,51	3,31	2,78	0,0034431	0,025314
AC105339.1	0,00	0,06	0,05	0,23	0,0034514	0,025367
NUDT6	2,00	1,29	1,37	0,44	0,0034536	0,025374
CASA	0,50	1,62	0,91	1,00	0,0034768	0,025536
LAMB2	0,00	0,54	1,42	0,00	0,0034883	0,025612
UNC80	1,23	2,75	1,16	2,19	0,0034908	0,025622
RP4-736L20.5	2,89	3,35	3,49	5,04	0,0034939	0,025636
RP11-1136L8.1	0,00	0,26	0,28	0,25	0,0034979	0,025657
NEBL	0,13	0,51	0,96	3,07	0,0035096	0,025734
IGLV3-19	0,00	0,61	0,00	0,69	0,0035114	0,025739
TRBV6-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0035148	0,025752
GPN3	4,02	2,16	4,41	1,46	0,0035154	0,025752
CTD-3076M17.1	0,03	0,08	0,00	0,49	0,0035187	0,025767
CD226	3,36	3,37	1,83	0,84	0,0035202	0,02577
PIK3CA	3,08	4,93	2,14	2,67	0,003535	0,025869
BAZ2A	3,86	4,77	4,70	4,93	0,0035362	0,02587
TNFRSF10C	0,00	0,94	0,03	0,00	0,0035401	0,02589
HNRNPA1L2	1,91	0,10	0,40	0,13	0,0035416	0,025892
NIP2	5,49	2,41	4,84	3,21	0,0035453	0,025901
AC006115.7	1,47	2,11	1,35	2,82	0,0035455	0,025901
ZNF785	0,90	1,67	1,49	0,91	0,0035463	0,025901
SELT	7,27	7,89	6,55	5,50	0,0035512	0,025928
DMC1	0,28	0,43	0,26	0,50	0,0035712	0,026065
B3GNTL1	5,00	1,98	4,48	3,69	0,0035743	0,02608
CTD-2323K18.1	1,28	0,00	0,00	0,00	0,0035771	0,026089
RP13-104F24.3	5,98	2,67	4,72	2,71	0,0035779	0,026089
EXO5	1,82	0,45	0,28	0,19	0,0035798	0,026094
SCN2A	1,05	1,80	1,15	1,52	0,0035818	0,026095
SEM1	6,30	6,17	6,24	6,60	0,0035822	0,026095
CTD-3014M21.4	2,59	3,30	3,40	2,86	0,0035874	0,026124
RAB2B	3,61	5,49	2,45	1,81	0,0035895	0,026131
MRE11A	4,13	2,16	3,08	2,71	0,0035975	0,02618
SAT2	5,54	6,39	6,26	6,34	0,0036031	0,026206
DDX11	2,86	4,63	2,73	2,99	0,0036034	0,026206
FAM193B	4,44	5,53	5,33	5,91	0,0036079	0,026219
GNG4	0,17	0,62	0,27	0,28	0,0036082	0,026219
SEPT13	4,42	1,45	3,76	3,71	0,0036091	0,026219
FYCO1	1,29	0,06	0,38	0,70	0,0036099	0,026219
GALNT2	3,13	3,14	2,54	4,49	0,0036113	0,026221
CTC-260E6.4	0,08	3,46	0,04	0,08	0,0036192	0,026265
CTD-2233K9.1	0,66	1,57	0,73	0,55	0,0036197	0,026265
OR111	1,11	1,92	1,10	1,30	0,0036269	0,026308
RBMX2	2,74	3,40	2,18	3,17	0,0036289	0,026314

OR8G1	0,34	0,89	0,21	0,32	0,0036374	0,026364
GPAT3	6,84	4,44	6,86	4,30	0,0036382	0,026364
AC010733.4	0,00	0,44	0,10	0,57	0,0036421	0,026384
PAX6	1,50	2,66	1,48	1,20	0,0036448	0,026395
AC131056.5	0,00	1,08	0,00	0,00	0,0036483	NA
SLC36A1	1,66	0,04	2,33	3,31	0,0036508	0,026427
CTC-439O9.1	0,12	0,08	0,28	0,42	0,0036516	0,026427
PAPD4	6,21	4,77	5,24	4,71	0,003654	0,026435
CTD-2192J16.22	5,64	6,56	6,36	6,11	0,0036587	0,02646
UBE2V2	5,95	2,15	4,99	3,33	0,0036609	0,02646
SELPLG	6,75	4,89	6,14	6,27	0,003661	0,02646
CITED4	0,00	0,65	0,29	0,45	0,0036704	0,02652
RP11-199O14.1	0,00	0,00	0,09	0,00	0,0036726	0,026527
SMN1	5,02	3,52	4,25	2,96	0,0036759	0,026536
RP11-727A23.5	0,77	5,20	2,38	1,77	0,0036763	0,026536
FNIP2	4,23	1,91	3,69	2,14	0,0036799	0,026554
RP11-541P9.3	0,31	2,49	0,85	1,41	0,0036885	0,0266
HIF1AN	1,96	2,47	1,28	1,61	0,0036891	0,0266
C17orf49	8,25	7,74	7,77	6,68	0,0036908	0,0266
IMPAD1	2,67	0,79	2,87	1,01	0,0036911	0,0266
ELOA	3,82	2,27	3,61	0,76	0,0036944	0,026615
SYBU	0,03	0,05	0,00	0,00	0,0037002	NA
RP11-97E7.1	0,39	1,51	1,12	0,00	0,0037028	0,026667
RP11-613F22.5	0,00	1,96	0,00	0,00	0,0037102	0,026711
RP11-178C10.3	0,20	0,41	0,22	0,30	0,0037141	0,026725
UBR4	5,34	3,49	5,61	6,04	0,0037144	0,026725
RPL17	10,71	11,08	10,86	10,70	0,0037212	0,026765
RP11-107N7.1	0,00	1,81	0,60	0,00	0,003724	0,026776
JUP	2,84	1,17	3,19	4,42	0,0037331	0,026833
RP11-134K1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0037368	NA
TANGO6	3,23	5,38	3,10	2,00	0,0037402	0,026875
NABP2	3,15	0,96	2,92	3,75	0,0037502	0,026939
RP11-83B20.1	0,26	1,13	0,52	1,03	0,0037552	0,026966
PADI4	1,39	2,26	2,25	2,69	0,0037647	0,027021
SPPL2A	5,96	2,62	4,91	3,54	0,0037654	0,027021
FADS2	0,90	2,55	1,11	0,71	0,0037713	0,027056
KIAA1024L	0,11	0,17	0,20	0,53	0,0037751	0,027073
B3GALT5-AS1	0,65	1,86	0,85	0,96	0,003781	0,027107
RP11-893F2.5	0,00	0,23	0,00	0,18	0,0037883	0,027151
CTB-186H2.3	0,00	0,00	0,03	0,04	0,0037972	0,027206
FAM168B	3,38	1,31	3,03	0,43	0,0037987	0,027208
TSR3	2,54	3,93	4,24	3,95	0,0038042	0,027238
ADAMTS20	0,00	0,14	0,00	0,00	0,0038069	0,027248
RSRC2	6,20	5,07	6,41	5,88	0,003808	0,027248
RP11-86H7.1	0,79	1,69	0,68	2,83	0,0038125	0,027263
RP11-33B1.3	0,61	3,12	0,37	0,21	0,0038125	0,027263
CERS6	1,91	0,39	2,14	2,75	0,0038154	0,027267
ALDH16A1	2,17	3,36	3,88	3,01	0,0038156	0,027267
RP11-18H7.1	2,77	3,23	3,55	3,98	0,0038183	0,027278
ADA	5,03	1,77	2,92	2,86	0,003823	0,027303
GTF3A	7,67	7,40	7,01	7,05	0,003825	0,027309
AC097467.2	0,36	1,12	0,47	0,85	0,0038273	0,027316
ARHGEF26	0,35	1,09	0,69	0,65	0,0038397	0,027395
AC004237.1	2,15	1,90	2,29	2,47	0,0038409	0,027396
HSPA6	2,43	0,73	3,48	3,61	0,0038517	0,027461

AC004862.6	0,00	0,00	0,46	0,00	0,0038525	0,027461
PCLAF	3,29	1,45	2,30	1,18	0,0038543	0,027465
ZBTB37	1,41	0,40	0,71	1,16	0,003857	0,027475
CYSLTR2	1,16	0,17	1,85	1,60	0,0038605	0,027488
ASCL2	0,17	2,19	1,02	0,69	0,0038613	0,027488
CIR1	5,07	5,35	4,45	4,89	0,0038647	0,027496
NOTCH2NL	7,59	6,84	6,53	6,35	0,003865	0,027496
RP11-624L4.1	4,44	6,05	4,46	4,60	0,0038707	0,027528
POT1	3,37	5,06	1,21	0,54	0,0038735	0,027532
ACO06369.3	0,00	1,43	0,27	0,57	0,0038737	0,027532
GPR89B	3,55	2,64	1,30	1,42	0,0038781	0,027555
S100B	3,74	1,59	0,69	0,33	0,0038798	0,027558
RP11-415F23.2	0,00	0,37	0,00	0,00	0,0038827	0,027566
NFKBIA	9,76	9,76	10,31	9,59	0,0038835	0,027566
YARS	4,89	3,16	4,89	4,81	0,0038891	0,027597
RPS19	10,68	11,25	11,14	11,43	0,0039012	0,027675
RP11-196G11.6	0,44	0,76	0,70	0,43	0,0039031	0,027676
LLNLR-276H7.1	0,00	0,00	0,00	0,45	0,0039037	NA
KLF16	0,35	2,20	1,01	0,92	0,0039039	0,027676
RP11-736N17.2	0,11	0,20	0,16	0,44	0,0039149	0,027735
RP11-571I7.4	0,71	0,00	0,96	1,03	0,0039164	0,027735
ACO07241.4	0,02	0,05	0,05	0,07	0,0039166	0,027735
RPL31	10,40	10,79	10,59	10,74	0,0039172	0,027735
RP11-568K15.1	1,50	1,73	2,05	1,71	0,003921	0,027753
STK33	1,28	1,57	1,70	2,11	0,0039226	0,027753
RP11-84A14.7	0,18	0,72	0,26	0,44	0,0039235	0,027753
NDUFS6	5,21	4,73	5,91	6,17	0,0039261	0,027761
DCTPP1	6,12	6,25	5,48	1,57	0,0039271	0,027761
RP11-240O9.2	0,12	0,45	0,07	0,04	0,0039294	0,027768
DLEU1	4,50	4,57	2,69	2,77	0,003931	0,027769
MAP3K8	8,32	7,30	7,63	6,90	0,003932	0,027769
OGFOD1	3,13	0,83	2,39	1,53	0,0039353	0,027783
ERCC4	2,53	5,48	1,85	1,19	0,0039424	0,027825
XXbac-BPG283O16.9	2,41	2,89	2,11	2,56	0,0039488	0,027861
BLOC1S2	6,80	5,68	5,98	4,82	0,0039589	0,027923
CTD-3049M7.1	0,90	1,89	0,76	1,57	0,0039645	0,027954
CD3D	2,63	5,83	0,54	5,31	0,0039686	0,027974
EPHB1	0,02	2,76	0,05	0,47	0,0039781	0,028021
GALNT10	2,87	3,99	2,25	2,82	0,0039783	0,028021
PTRF	0,30	0,47	0,38	0,30	0,003979	0,028021
PRMT1	5,90	4,27	5,40	3,89	0,0039858	0,02806
LINC00891	2,28	3,40	2,04	2,51	0,0040074	0,028203
GIGYF1	1,20	2,39	1,77	1,76	0,0040104	0,028215
CACNA2D3	6,14	4,30	5,39	3,91	0,004012	0,028217
SEPT2	7,12	6,39	6,20	5,82	0,0040139	0,028222
TSC2	4,44	5,48	4,38	5,38	0,0040247	0,028288
NPEPL1	3,14	4,79	4,14	4,17	0,004028	0,028303
RP11-448G4.1	3,45	0,00	2,29	0,25	0,0040339	0,028335
TULP4	1,68	2,09	2,17	1,62	0,0040371	0,028349
NRK	0,04	0,03	0,11	0,44	0,0040498	0,028429
SOX13	0,35	0,46	0,59	0,53	0,0040511	0,028429
FANCL	5,29	1,28	4,23	3,71	0,0040568	0,028458
RP11-702F3.3	0,00	0,18	0,00	0,00	0,0040578	0,028458
SLC16A12	0,08	0,00	0,03	0,09	0,0040602	0,028466
SCO1	3,64	1,09	3,44	4,29	0,0040692	0,028512

TRPM7	3,75	2,53	3,13	3,84	0,0040692	0,028512
WDR87	0,00	0,26	0,00	0,00	0,0040733	0,028523
OR6K1P	0,00	0,24	0,46	0,15	0,0040735	0,028523
MGMT	4,38	5,07	4,32	5,13	0,0040804	0,028563
CTD-2256P15.4	0,07	0,00	0,00	0,00	0,004083	0,028565
EIF4H	6,39	4,50	6,04	4,86	0,0040832	0,028565
SLC25A6	8,12	7,80	7,93	6,69	0,0040866	0,028579
AC008697.1	0,00	0,87	0,03	0,56	0,0040889	0,028587
RP11-778D9.4	0,22	0,51	0,51	0,44	0,0040903	0,028587
C11orf24	3,41	0,86	3,53	3,00	0,0040994	0,028642
MCTP1	6,22	5,96	5,63	4,87	0,0041073	0,028688
MKL1	5,52	4,72	4,61	4,05	0,00411	0,028694
CTA-282F2.3	0,00	0,36	0,12	0,00	0,0041108	0,028694
DDX56	5,41	5,24	5,01	5,95	0,0041219	0,028747
AL161668.5	0,42	0,46	0,23	0,00	0,004122	0,028747
LINC01452	0,10	0,37	0,07	0,08	0,0041222	0,028747
MED23	4,12	3,14	3,39	1,68	0,0041254	0,028756
SNORD3B-1	3,04	2,32	3,29	4,11	0,004127	0,028756
ZNF451	5,03	6,49	4,07	3,97	0,0041277	0,028756
TREM1	4,60	5,98	5,81	5,63	0,0041287	0,028756
ZBTB1	5,07	4,92	3,78	3,55	0,0041486	0,028884
SLC25A38	4,02	0,71	3,38	4,78	0,0041496	0,028884
RP11-184I16.2	0,00	0,71	0,53	1,14	0,0041527	0,028896
MYO16	0,05	0,04	0,04	0,48	0,0041672	0,028982
RN7SL592P	1,37	1,16	2,31	2,08	0,0041682	0,028982
PLA2G15	1,18	1,26	2,63	3,82	0,004169	0,028982
PCSK1	0,00	0,00	0,00	0,16	0,004174	0,029008
PMS2L3	1,19	0,28	1,59	0,00	0,0041775	0,029023
RP11-574F11.3	0,16	0,00	0,25	1,05	0,0041834	0,029048
GZMH	0,12	3,52	0,39	5,00	0,004184	0,029048
PDE4A	1,92	2,95	3,12	3,76	0,004185	0,029048
RP11-202K23.1	0,22	4,02	0,33	2,66	0,0041924	0,02909
ANKHD1	6,66	5,90	6,19	4,80	0,0041977	0,029118
RP11-128A6.2	0,08	0,72	0,01	0,00	0,0042059	0,029166
BET1	4,02	3,46	3,10	3,30	0,0042119	0,029198
SRM	4,51	5,12	5,03	5,72	0,0042193	0,02924
NDUFB2	7,72	7,95	7,98	7,93	0,0042216	0,029247
RP11-872I21.3	0,09	0,00	0,09	0,09	0,0042329	0,029317
KRT15	0,30	0,54	0,36	0,68	0,0042466	0,029402
SMG9	3,40	4,12	4,16	4,65	0,0042488	0,029408
OR1L8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0042589	NA
EFCAB14	4,85	4,85	4,64	2,44	0,0042615	0,029487
ZNF800	4,84	3,15	4,26	3,93	0,0042636	0,029489
RP11-341I3.1	3,49	5,15	4,10	4,30	0,0042647	0,029489
MAPK8IP2	0,09	0,17	0,14	0,28	0,0042657	0,029489
COPE	7,92	7,45	7,27	6,84	0,0042689	0,029501
LRRFIP1	7,63	7,30	7,64	6,68	0,0042782	0,029556
SFSWAP	3,49	3,69	4,26	3,63	0,0042854	0,029597
TP53RK	3,17	1,19	1,38	2,16	0,0042902	0,029621
GALR1	0,28	0,96	0,25	0,49	0,0042967	0,029657
ZNF74	0,30	0,46	0,34	0,51	0,0043017	0,029673
CREB3L1	0,83	1,96	1,00	0,99	0,0043018	0,029673
MIB2	0,75	2,60	2,44	3,65	0,0043038	0,029678
FAM167A	0,06	2,08	0,06	0,05	0,0043064	0,029681
RP11-272L14.3	0,05	0,04	0,11	0,10	0,0043069	0,029681

RP11-178H8.2	0,96	1,58	1,33	1,08	0,0043095	0,02969
POTEI	0,57	1,75	0,47	0,59	0,0043164	0,029728
CATSPERB	0,33	0,91	0,91	0,72	0,0043285	0,029802
RP11-212P7.2	0,69	1,13	1,14	0,69	0,004332	0,02981
RP11-439K3.3	0,37	1,60	1,07	1,18	0,0043323	0,02981
ZNF507	0,05	0,29	0,11	0,35	0,0043343	0,029814
ZBTB3	0,81	0,96	0,90	1,58	0,00435	0,029913
EHD3	0,03	0,03	0,06	0,46	0,0043524	0,02992
RP11-77H9.2	2,05	1,04	1,91	0,62	0,0043562	0,029937
SEC61A1	4,28	3,08	4,95	5,16	0,004362	0,029968
MPHOSPH8	3,55	3,74	3,96	4,11	0,0043693	0,029994
PDCD6IP	6,00	4,94	4,96	4,79	0,0043694	0,029994
LRRC3	0,15	0,21	0,23	0,18	0,00437	0,029994
BTNL9	1,12	0,95	1,10	1,19	0,0043782	0,030042
MVP	4,14	5,83	4,75	5,44	0,0043833	0,030067
TBC1D3L	1,82	1,68	1,84	0,00	0,0043894	0,0301
ANKRA2	4,47	1,51	3,31	0,93	0,0043965	0,030122
PRRC2A	4,17	5,44	5,04	4,59	0,0043965	0,030122
RP11-3B12.1	2,03	3,45	1,69	1,80	0,0043967	0,030122
UBR1	4,02	2,21	3,80	2,26	0,0044011	0,030143
SCN1B	0,36	0,98	0,94	1,15	0,0044074	0,030177
ARPC5	8,60	7,80	7,93	7,98	0,004413	0,030206
ZNF593	4,54	4,29	5,19	5,29	0,0044189	0,030237
TIMM17A	6,06	5,54	5,94	3,42	0,0044204	0,030238
CTC-250I14.3	0,00	1,11	0,37	1,34	0,004429	NA
JHDM1D-AS1	1,68	3,50	2,35	3,46	0,0044402	0,030364
RP11-175P13.3	0,00	0,52	0,25	0,43	0,004442	0,030367
RP11-804H8.6	2,58	0,13	0,97	0,54	0,0044512	0,030418
SMEK1	6,04	3,54	5,82	4,49	0,0044521	0,030418
KDM2A	5,32	3,98	6,07	4,75	0,004455	0,030428
RP11-379K17.4	0,07	0,46	0,12	0,16	0,0044635	0,030462
P2RX4	4,26	5,90	4,71	4,96	0,004464	0,030462
RP11-396B14.2	0,00	0,17	0,00	0,00	0,0044641	0,030462
KCNH5	0,10	0,07	0,27	0,01	0,004475	0,030527
CYP1A2	0,74	1,12	0,89	1,47	0,004486	0,03059
RP11-749H20.3	3,61	5,91	3,31	3,98	0,004487	0,03059
C1orf127	0,30	0,17	0,28	2,28	0,0044978	0,030654
VMA21	4,22	1,96	4,73	5,16	0,0044999	0,030659
C17orf105	0,63	0,50	0,72	0,90	0,0045074	0,030701
TOMM7	6,16	6,81	6,65	7,11	0,0045138	0,030735
EEF1E1	7,24	5,53	6,22	5,09	0,0045165	0,030744
KIF20B	2,81	0,36	1,55	0,89	0,0045195	0,030754
RP11-166O4.6	1,07	1,92	1,77	2,08	0,0045208	0,030754
TMBIM4	8,80	8,50	8,35	7,35	0,0045281	0,030794
RP1-90L6.2	0,42	1,21	0,77	1,21	0,0045371	0,030846
RP11-326N17.2	2,46	2,56	2,48	2,35	0,0045432	0,030879
C5orf51	3,73	0,61	2,81	0,51	0,00455	0,030915
PLEKHD1	0,67	1,65	0,54	1,35	0,0045522	0,03092
CYB5R2	0,16	0,18	0,26	0,30	0,0045583	0,030953
NR4A3	5,17	3,85	5,18	2,37	0,0045632	0,030968
TMEM150C	0,18	1,32	0,12	0,04	0,0045633	0,030968
RP11-982M15.7	0,00	1,86	0,89	1,23	0,0045675	0,030987
RP11-583F2.1	1,24	6,21	2,13	2,59	0,0045739	0,031012
ACADM	5,18	2,67	4,46	5,22	0,0045746	0,031012
TMEM154	4,46	1,80	3,49	2,45	0,0045754	0,031012

CTD-2235C13.3	0,00	0,00	0,58	3,39	0,0045896	0,031099
RP11-749I16.3	0,11	0,29	0,16	0,17	0,0045941	0,03112
CFAP43	0,00	3,07	0,00	0,03	0,0045963	0,031125
CLECL1	5,08	0,47	3,93	3,32	0,0046109	0,031215
IIFT122	2,82	1,98	2,49	1,38	0,0046134	0,031222
MRPL41	4,12	4,61	4,61	4,38	0,0046195	0,031254
PCLO	0,00	0,01	0,00	0,06	0,0046214	0,031257
RP11-651L5.3	0,54	0,55	0,74	1,47	0,0046256	0,031276
RN7SL600P	3,57	0,00	4,21	2,78	0,0046287	0,03128
RP11-39K24.8	1,30	0,00	0,11	0,00	0,004629	0,03128
PNPLA8	4,96	2,46	5,03	5,42	0,0046313	0,03128
RP11-631M6.2	2,84	3,87	4,00	5,02	0,0046333	0,03128
MIR3153	0,00	0,00	1,07	0,00	0,0046333	0,03128
CTD-2378E12.1	1,11	0,45	1,09	1,68	0,0046379	0,031302
RP11-572C15.5	0,08	0,28	0,21	0,46	0,0046428	0,031325
PRR11	2,25	1,94	2,88	1,97	0,0046477	0,031338
GNAI3	3,24	2,53	2,35	1,46	0,0046483	0,031338
ZNF549	1,57	2,19	0,42	0,34	0,0046489	0,031338
RP11-747D18.1	0,05	0,22	0,07	0,16	0,0046553	0,031372
RP11-406A20.4	0,00	0,00	0,03	0,00	0,0046591	0,031388
AP000662.4	0,80	0,63	1,93	1,59	0,0046608	0,03139
BACH2	1,26	0,83	1,94	0,56	0,0046704	0,03144
AC074117.12	0,60	0,85	0,77	0,85	0,0046711	0,03144
ZSCAN10	0,23	0,98	0,31	0,78	0,0046788	0,031483
RP11-196G18.23	0,00	0,82	0,00	1,29	0,004682	0,031487
AP001053.11	1,93	0,00	4,24	2,70	0,0046823	0,031487
RP11-509E10.1	0,77	3,12	0,68	1,52	0,0046859	0,031502
FAHD2A	4,84	4,03	2,40	0,39	0,0046906	0,031524
RPL12P1	0,00	1,02	0,00	0,00	0,0046938	NA
PEX5	0,19	0,40	0,20	0,04	0,0046941	0,031537
CTD-2185K10.1	0,10	0,27	0,26	0,70	0,0046978	0,031553
NCF2	7,20	5,30	7,16	6,96	0,0047021	0,03157
SLC52A1	0,17	0,26	0,34	0,42	0,0047032	0,03157
KIAA0907	3,27	1,48	3,41	4,18	0,0047077	0,03159
CGNL1	0,26	2,94	0,27	1,15	0,0047098	0,031595
L3HYPDH	3,94	0,68	2,29	3,93	0,0047118	0,031599
POU6F1	0,60	2,57	0,78	1,13	0,0047148	0,03161
C19orf66	3,80	1,35	4,10	2,64	0,0047175	0,031618
IGLV1-47	0,70	0,60	0,38	0,47	0,0047224	0,031641
GPR81	0,34	0,80	0,44	0,50	0,0047269	0,031662
ZNF624	1,55	2,06	1,21	2,20	0,0047303	0,031668
ZMAT5	4,91	1,58	4,65	4,96	0,0047317	0,031668
GSK3B	3,79	3,32	3,30	3,77	0,0047329	0,031668
SORT1	3,34	5,19	3,37	3,36	0,0047335	0,031668
MYNN	3,24	1,57	1,73	1,81	0,0047374	0,031685
RP11-216L13.19	0,03	0,09	0,14	0,13	0,0047421	0,031706
SMURF2P1	0,44	0,00	0,00	0,00	0,0047517	0,031745
QSER1	2,73	4,42	2,06	1,44	0,0047521	0,031745
RP1-101G11.3	0,12	0,53	0,18	0,41	0,0047531	0,031745
CNTN4	0,01	0,05	0,03	0,14	0,0047535	0,031745
TOM1	3,11	4,71	4,56	5,06	0,0047611	0,031786
TLR5	2,76	1,74	3,65	4,09	0,0047633	0,031791
CROCCP3	0,70	0,93	0,68	0,52	0,004772	0,031839
RP11-848P1.4	4,66	4,95	4,97	5,52	0,0047765	0,03186
JTB	6,75	6,74	7,37	7,21	0,0047819	0,031887

MAP3K7	4,20	0,81	2,41	1,88	0,0047851	0,031898
CTC-548K16.2	0,62	0,00	0,37	2,31	0,0047886	0,031912
DEGS1	6,28	3,76	4,86	3,89	0,004801	0,031979
RP11-536K7.3	0,38	0,50	0,62	0,62	0,0048016	0,031979
BCLAF1	7,06	7,12	6,56	6,35	0,0048032	0,03198
ZNF724P	0,73	0,36	1,32	1,69	0,0048081	0,032
RP11-266C7.3	0,30	1,83	0,13	0,19	0,0048089	0,032
PDE4DIP	4,02	3,70	4,32	5,36	0,0048112	0,032005
ZNF200	0,94	0,54	0,85	1,97	0,0048168	0,032033
G6PD	2,90	3,52	1,84	0,85	0,0048267	0,032089
CTD-3099C6.11	0,44	1,18	0,96	1,75	0,0048442	0,032196
RPS10	9,41	9,64	9,77	9,70	0,0048463	0,0322
RP11-462G12.4	0,00	2,04	1,11	1,11	0,0048519	NA
RPS24	9,89	10,30	10,04	10,05	0,0048755	0,032375
RP5-828K20.2	0,71	1,23	0,68	0,90	0,0048756	0,032375
UBQLN1	3,54	2,14	3,83	2,30	0,004878	0,032381
ACY1	3,56	4,29	3,61	1,34	0,0048882	0,03244
PRDM16	0,53	1,39	0,78	0,73	0,0048924	0,032458
ZEB2-AS1	1,99	3,33	3,53	4,10	0,0048947	0,032463
RP11-53B2.4	2,77	0,27	0,77	0,86	0,0048962	0,032463
PIGH	4,69	2,46	3,25	3,42	0,0048976	0,032463
BEX3	0,00	0,00	0,28	0,95	0,0048999	0,032469
RFC2	4,51	4,21	3,84	0,80	0,0049157	0,032564
PHLDB3	1,59	3,65	2,28	4,31	0,0049198	0,032581
GAS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0049303	0,032632
RP11-69C17.1	0,05	0,07	0,11	0,17	0,0049305	0,032632
TMEM14A	3,71	0,17	0,70	0,00	0,0049397	0,032684
PIK3IP1	0,95	4,78	1,51	3,18	0,0049504	0,032745
RP11-93G5.1	1,11	1,86	1,37	1,12	0,0049559	0,032772
RPS11	11,06	11,47	11,25	11,43	0,0049591	0,032783
RP11-503C24.4	0,19	0,80	0,23	0,35	0,0049611	0,032786
RP11-20D14.6	1,62	2,50	2,21	4,62	0,0049737	0,03286
RPL27A	10,17	11,00	10,70	10,31	0,0049766	0,032864
TLL4	2,70	0,14	3,85	2,65	0,0049772	0,032864
DHRS1	4,84	5,83	4,48	6,65	0,0049954	0,032956
MBOAT2	2,74	0,70	1,60	2,64	0,0049956	0,032956
GNE	1,07	3,63	1,07	2,26	0,0049957	0,032956
C19orf47	0,34	2,56	1,08	1,76	0,0050057	0,033009
NARFL	2,50	1,58	2,84	4,32	0,0050067	0,033009
ITIH6	0,00	0,00	0,00	0,26	0,0050106	0,03302
PPM1F	3,35	4,67	4,12	3,20	0,0050114	0,03302
RP11-515O17.2	0,00	0,30	0,00	0,00	0,0050175	NA
TNFRSF13C	0,13	1,60	0,29	0,28	0,0050247	0,033089
WBSCR17	0,03	0,48	0,00	0,83	0,0050248	0,033089
TMX4	4,58	5,30	4,86	3,27	0,0050412	0,033179
RP11-246E12.2	0,18	0,39	0,37	0,70	0,0050414	0,033179
HIST2H2BE	3,19	0,29	2,98	1,33	0,0050439	0,033186
DDX54	3,65	1,34	3,90	4,45	0,0050504	0,033219
G6PC2	0,00	0,19	0,06	0,11	0,0050544	0,033221
U95743.1	0,00	0,00	0,00	1,64	0,0050552	0,033221
CTB-152G17.6	1,25	1,22	1,75	1,57	0,0050553	0,033221
RP11-338N10.2	0,94	0,35	0,54	0,52	0,0050622	0,033257
BLNK	5,09	3,12	2,83	3,45	0,0050651	0,033266
SNX19	3,54	0,48	2,71	1,25	0,0050696	0,033276
RN7SL279P	0,00	0,59	1,00	1,68	0,005071	0,033276

CTB-129P6.7	0,69	1,04	0,78	0,87	0,0050724	0,033276
ANKRD9	0,09	0,30	0,21	0,20	0,005074	0,033276
GRAMD1B	2,15	1,99	3,43	2,11	0,0050741	0,033276
MIR100HG	1,57	3,52	2,01	2,97	0,005081	0,03331
DLGAP5	0,00	0,00	0,00	0,04	0,0050828	0,03331
STK24	4,79	4,68	5,11	4,00	0,0050838	0,03331
CCZ1B	5,43	6,16	5,26	4,46	0,0050892	0,03333
RP11-10E18.4	0,51	0,00	0,06	0,00	0,0050905	0,03333
MAPK8	3,46	0,74	3,75	2,49	0,0050914	0,03333
PSMB4	9,33	8,11	8,92	8,36	0,0050929	0,03333
RP11-73O6.3	0,00	4,92	0,00	0,00	0,0050966	0,033345
ESCO2	0,73	0,68	0,72	0,77	0,0051001	0,033357
RP11-21F16.1	0,71	2,71	1,13	1,29	0,0051015	0,033357
ACSM2A	2,62	2,31	2,26	3,27	0,0051068	0,033382
PIF1	0,25	0,54	0,43	0,55	0,0051118	0,033397
CATSPER1	0,05	0,46	3,10	3,23	0,0051121	0,033397
WI2-85898F10.1	3,15	3,27	3,79	3,71	0,005124	0,033465
RP11-436K8.1	0,55	1,96	0,97	2,00	0,005131	0,033501
TRIM73	0,66	0,78	1,09	1,64	0,0051387	0,033535
YTHDF3	5,84	2,87	5,22	4,51	0,0051393	0,033535
AC141586.5	2,95	1,60	2,51	1,24	0,0051461	0,03357
AOX2P	0,13	0,20	0,17	0,26	0,0051515	0,033595
CFAP70	0,07	0,65	0,12	0,69	0,0051584	0,03363
SMARCAL1	1,52	1,01	2,36	1,22	0,0051843	0,03378
RP11-117B7.1	2,90	0,00	0,00	3,42	0,0051844	0,03378
RP11-403P13.1	0,79	1,50	1,15	1,49	0,0051918	0,033817
NDUFV2P1	2,39	1,41	2,00	0,64	0,0051932	0,033817
CTD-2349P21.3	0,51	0,21	0,72	1,20	0,0051982	0,03384
PIP4K2A	7,03	5,82	6,16	5,36	0,0052031	0,033854
STRADB	3,77	1,21	1,12	0,70	0,0052034	0,033854
DOK2	4,64	3,39	5,01	4,63	0,0052089	0,03388
AC009237.8	0,00	0,34	0,00	0,04	0,0052232	0,033963
NELL1	0,00	0,23	0,13	1,67	0,0052295	0,03399
SNRPD2	7,87	8,62	8,18	8,45	0,0052305	0,03399
CALM2	10,50	10,17	9,66	9,17	0,0052438	0,034065
PCK2	3,14	6,00	2,83	3,47	0,005246	0,034065
CPOX	1,09	0,05	1,38	1,71	0,0052472	0,034065
EVA1C	1,59	3,24	0,85	4,50	0,0052481	0,034065
GLULP5	1,93	0,00	2,07	2,34	0,0052572	0,034114
EFCAB1	0,00	0,83	0,00	0,00	0,005262	0,034136
RP11-448A19.1	0,32	0,53	0,68	0,98	0,0052744	0,034206
RP11-227G15.10	2,87	4,76	3,43	2,18	0,0052798	0,034231
MANBA	5,68	5,51	5,58	4,68	0,0052854	0,034257
AP000688.15	0,71	1,52	2,70	2,88	0,0052869	0,034257
U73166.2	0,60	1,63	0,64	0,66	0,0053	0,034332
MT-TC	4,94	6,59	5,38	6,32	0,0053049	0,034354
AC135048.13	2,79	4,36	1,52	0,89	0,0053084	0,034366
CDCA3	0,74	0,55	0,44	0,68	0,0053316	0,034506
HDDC3	4,75	6,25	4,52	1,49	0,005336	0,034525
LILRB3	4,17	3,51	4,62	5,00	0,0053382	0,034525
RP11-74C1.2	0,00	1,53	0,00	0,00	0,0053391	0,034525
ARMC1	3,17	1,49	2,14	1,23	0,0053516	0,034595
RUBCN	3,19	5,08	3,15	3,01	0,0053647	0,03467
RP13-297E16.5	0,00	0,00	0,00	1,00	0,0053851	0,034792
UBFD1	2,60	3,73	1,57	2,87	0,0053919	0,034825

AC096558.1	1,38	0,00	2,07	0,40	0,0053987	0,03486
RPS2	10,62	11,07	10,95	10,69	0,0054054	0,034893
C16orf89	0,09	0,15	0,20	0,32	0,0054171	0,034958
GLMN	3,26	1,02	2,58	3,77	0,0054291	0,035025
RP11-50I19.2	0,19	2,97	0,20	0,34	0,0054383	0,035074
LY6G6E	0,55	0,00	0,76	0,69	0,0054416	0,035077
AC017116.8	0,57	0,29	1,01	1,09	0,0054418	0,035077
IL13RA1	5,90	4,50	6,08	4,92	0,0054552	0,035149
PECAM1	5,13	4,23	5,10	5,77	0,0054574	0,035149
ARHGAP19	2,74	0,35	0,80	0,65	0,0054577	0,035149
CCDC88B	5,05	4,64	6,26	6,42	0,0054677	0,035198
PPID	4,23	3,83	3,07	0,84	0,0054686	0,035198
GF1B	0,33	1,21	0,66	0,44	0,0054724	0,035213
RP11-225N10.1	0,07	0,50	0,14	0,68	0,0054847	0,035281
METTL3	5,14	2,44	3,85	2,84	0,0054978	0,035356
AIFM2	0,58	0,04	0,17	0,04	0,0055067	0,035392
DNASE1L3	3,52	1,62	1,43	0,77	0,0055067	0,035392
MLLT6	2,36	4,00	2,18	2,75	0,0055149	0,035435
RNF170	4,29	0,61	2,32	4,43	0,0055208	0,035462
IYD	0,26	0,94	0,35	0,40	0,0055296	0,035509
CTD-2396E7.11	0,63	2,45	0,99	0,00	0,0055323	0,035513
RSL24D1	6,33	5,66	5,48	5,60	0,0055335	0,035513
RP11-474C8.8	1,05	3,02	1,64	2,74	0,0055433	0,035566
CDR2	2,52	3,22	1,26	0,43	0,0055481	0,035587
CACFD1	0,19	0,41	1,39	0,17	0,0055547	0,035618
PM20D2	0,92	0,66	1,45	1,81	0,0055581	0,035625
SFXN1	3,03	5,75	2,64	2,66	0,0055589	0,035625
TKFC	3,87	0,75	2,53	0,83	0,0055637	0,035645
THAP4	3,41	5,88	2,42	1,53	0,0055711	0,035682
TRGV3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,005582	0,035742
ZNF324	0,69	3,91	0,68	0,61	0,0055874	0,035766
LRRC74B	0,91	1,54	0,85	1,33	0,0055927	0,03579
ITPK1	3,41	3,42	3,83	2,58	0,0056094	0,035886
HCG23	2,46	3,65	2,55	2,88	0,0056111	0,035887
CCDC9	1,57	3,16	2,61	3,00	0,0056252	0,035967
TAP2	3,09	1,95	2,96	3,96	0,0056337	0,036011
U47924.31	3,83	3,36	4,22	4,92	0,0056374	0,036024
EIF4G2	7,38	6,29	7,13	6,59	0,0056458	0,036067
DEXI	1,97	3,53	2,36	0,62	0,0056496	0,036072
ZNF788	0,92	0,93	0,97	1,61	0,0056505	0,036072
MIER2	1,85	1,31	2,37	3,19	0,0056514	0,036072
RP1-122P22.2	0,00	0,00	0,00	0,53	0,0056613	0,036115
CSRNP3	0,01	0,05	0,01	0,12	0,0056613	0,036115
VPS33A	3,09	2,54	3,65	1,84	0,0056644	0,036124
RP11-66B24.7	0,05	0,06	0,12	0,12	0,0056716	0,036159
LSM14A	5,24	4,41	4,78	3,82	0,0056745	0,036166
RAB28	3,91	1,48	2,16	1,84	0,0056789	0,036166
STMND1	0,33	1,40	0,56	0,48	0,005679	0,036166
F2RL3	0,36	0,69	0,69	0,89	0,0056792	0,036166
IGF2BP1	0,76	2,56	1,60	0,96	0,0056832	0,036181
RP11-411K7.4	0,20	1,79	0,75	1,44	0,005691	0,03622
SUB1	8,63	8,16	8,46	7,81	0,0057168	0,036375
RAD21-AS1	1,79	4,04	2,06	1,46	0,0057221	0,036393
AC133965.1	0,00	3,02	0,00	1,83	0,005723	0,036393
ACSM5	0,00	0,62	0,00	0,19	0,0057488	0,036547

RPL3	11,04	10,83	10,72	9,97	0,0057514	0,036553
SNX10	5,26	4,52	5,65	5,69	0,0057554	0,036567
TMTC3	1,66	0,21	0,97	1,41	0,0057652	0,036619
COL4A3	0,00	3,79	0,00	0,00	0,0057748	0,03667
AC005301.5	3,62	4,18	3,23	4,96	0,0057766	0,036671
RP11-311C24.1	3,26	0,00	0,80	0,00	0,005779	0,036676
AC111200.2	0,94	1,66	1,25	1,78	0,0057901	0,036736
LY75	4,18	2,16	3,36	1,56	0,0058003	0,03679
ABI3BP	2,25	3,91	1,79	2,20	0,0058021	0,036791
CYB5A	5,01	3,70	4,82	2,34	0,0058083	0,036819
PPAT	3,08	1,15	1,22	0,77	0,0058108	0,036825
NANOGP1	0,16	0,51	0,39	0,42	0,0058153	0,036843
RP11-374F3.4	2,58	4,47	2,57	2,14	0,0058177	0,036848
RP11-41E15.1	0,09	0,58	0,03	0,14	0,0058232	0,036872
CISD2	4,89	1,97	3,82	3,82	0,0058295	0,036884
CDH1	2,22	1,68	1,20	1,19	0,0058302	0,036884
ADM	0,00	0,34	0,30	0,17	0,0058314	0,036884
CTSZ	3,80	4,21	3,44	5,30	0,0058327	0,036884
RNU6-1024P	0,00	1,93	0,00	2,59	0,0058346	0,036884
KIAA1468	4,50	2,78	3,91	5,60	0,0058351	0,036884
RP13-631K18.3	0,62	0,43	1,08	1,95	0,0058405	0,036908
RNY3P14	0,00	0,00	1,96	1,86	0,0058502	NA
ZDHH1	0,00	0,00	0,20	1,22	0,0058577	0,037006
RP11-578F21.6	0,49	0,00	0,00	0,00	0,0058692	0,037068
RP11-4B14.3	0,53	0,53	0,64	1,09	0,0058754	0,037097
MLLT11	0,14	0,41	0,52	0,24	0,0058787	0,037101
LL09NC01-251B2.3	1,08	1,85	1,91	1,89	0,0058795	0,037101
FIZ1	0,52	0,03	1,16	1,08	0,0058913	0,037166
MKKS	3,48	0,86	2,28	1,34	0,0058935	0,037169
POLR3E	4,43	1,86	3,16	1,57	0,0058982	0,037188
PYHIN1	0,24	0,59	0,36	0,89	0,005901	0,037195
FMN1	2,43	2,11	2,94	5,36	0,0059141	0,037267
NCF1C	4,30	4,04	4,29	5,72	0,0059184	0,037284
RP13-554M15.7	0,09	0,06	0,17	0,14	0,0059222	0,037297
IGKV3-11	0,00	2,75	0,55	0,55	0,0059274	0,037319
RP11-66D17.3	0,27	0,69	0,35	0,62	0,0059308	0,03733
ENG	2,75	3,00	2,77	4,28	0,0059335	0,037336
AC079807.3	0,77	0,00	4,07	0,00	0,005944	0,037388
MAEA	3,71	5,13	4,34	4,32	0,0059451	0,037388
UPB1	0,24	1,00	0,33	0,58	0,0059483	0,037397
STX7	5,43	5,52	4,85	3,97	0,0059514	0,037407
RP11-1186N24.5	0,32	0,40	1,31	0,00	0,0059629	0,037468
C15orf43	0,09	0,78	0,00	0,84	0,0059659	0,037471
FAM217B	2,89	0,94	2,54	2,02	0,0059668	0,037471
CTCFL	1,49	2,19	2,16	1,79	0,0059945	0,037635
CCNY	4,39	4,69	4,90	4,53	0,0059998	0,037639
RP11-6N17.1	0,56	0,38	0,28	1,34	0,0060009	0,037639
RP11-111M22.2	0,66	1,45	0,60	1,11	0,0060009	0,037639
DMXL1	4,53	2,21	4,44	4,02	0,006002	0,037639
IVNS1ABP	6,00	4,51	6,12	5,99	0,0060075	0,037663
TNFRSF1A	4,35	5,15	4,48	5,13	0,0060104	0,037671
POLD3	3,84	4,32	1,96	3,08	0,0060126	0,037673
RPP21	4,45	5,13	4,94	5,45	0,0060141	0,037673
CATIP	1,42	1,71	1,20	2,00	0,0060254	0,037733
SAMD11	0,00	0,10	0,00	0,00	0,0060298	0,03775

DDX51	1,82	4,09	1,74	1,53	0,0060368	0,03778
PCDHA4	0,96	1,48	1,14	1,06	0,0060379	0,03778
LRRC16A	3,40	1,17	2,50	3,08	0,0060418	0,037793
PPP4R3B	4,44	3,34	4,19	2,41	0,0060495	0,037831
FAH	4,26	6,06	4,65	1,89	0,0060516	0,037831
RP11-722M1.1	0,00	0,00	0,00	0,87	0,0060529	0,037831
RAN	8,21	7,63	7,58	6,48	0,0060739	0,037951
COX11	4,14	0,80	3,07	2,88	0,006081	0,037985
ARL17A	3,41	4,22	3,39	3,48	0,006087	0,038009
YLPM1	4,95	3,31	3,64	3,21	0,0060899	0,038009
RP11-496D24.2	0,25	0,21	0,32	0,61	0,0060909	0,038009
RP11-728F11.4	0,45	3,04	0,73	0,65	0,0060916	0,038009
STARD4	2,12	1,19	2,46	1,73	0,0060959	0,038025
ARID1A	5,45	4,56	4,72	3,50	0,0061039	0,038051
IFT52	4,30	2,42	4,09	2,04	0,0061051	0,038051
UFL1	3,99	2,71	3,25	3,11	0,0061053	0,038051
KIAA1462	0,04	0,08	0,05	0,05	0,0061126	0,038081
RP11-34P13.7	1,86	2,39	1,18	2,49	0,0061135	0,038081
RP11-442N1.2	0,19	0,82	0,20	0,53	0,0061154	0,038082
RP11-626H12.2	1,05	0,62	1,80	1,80	0,0061278	0,038149
COPRS	1,37	3,27	2,39	4,44	0,0061313	0,03816
ATP8B4	5,38	3,64	5,02	4,23	0,0061495	0,038262
RPS29	9,74	10,57	10,32	10,84	0,0061511	0,038262
RP11-705O1.8	0,36	3,23	0,50	1,34	0,006159	0,0383
EREG	4,41	5,27	5,59	4,68	0,0061682	0,038346
RNA5-8SN3	3,98	5,93	4,84	6,19	0,0061816	0,038419
ANKRD12	6,02	4,81	5,62	4,61	0,0061867	0,03844
RNU5E-4P	0,86	1,77	2,87	1,68	0,0061937	0,038473
C11orf88	0,04	0,10	0,00	0,21	0,0061967	0,038481
MAB21L3	0,23	0,25	0,26	0,23	0,0061989	0,038484
ABTB1	2,98	3,57	3,76	4,15	0,006219	0,038586
MRPL39	4,57	1,02	3,46	0,60	0,0062195	0,038586
RP11-259F4.1	0,00	2,22	0,00	0,00	0,0062207	0,038586
CPS1	0,05	0,29	0,12	0,26	0,0062245	0,038599
OPHN1	3,55	3,26	2,74	2,05	0,006229	0,038616
RP11-77P6.2	0,04	0,12	0,00	0,43	0,0062399	0,038666
AC083864.3	0,00	0,77	0,39	1,20	0,0062405	0,038666
RP11-58E21.3	3,58	3,88	3,58	3,04	0,0062467	0,038694
RP11-597D13.9	0,34	0,00	0,34	0,25	0,0062519	0,038715
RP11-262D11.2	0,00	0,37	0,14	0,64	0,0062799	NA
UBXN7	2,42	4,63	2,59	4,53	0,0063006	0,039006
MGLL	2,50	0,25	0,85	0,32	0,0063083	0,039043
MAGOH	4,95	3,12	4,95	3,75	0,006329	0,039155
GJC1	0,43	0,79	0,63	0,68	0,0063299	0,039155
LRCH3	3,38	5,81	3,23	2,56	0,0063457	0,039242
DUSP22	6,10	4,07	5,56	5,94	0,0063581	0,039307
RP11-168K9.1	0,29	1,74	0,20	0,55	0,0063708	0,039375
HS3ST2	0,00	0,83	0,03	0,06	0,0063745	0,039387
ST7	3,87	1,99	2,99	2,44	0,0063788	0,039394
CARD9	3,93	4,06	4,80	4,58	0,0063793	0,039394
FAM9B	0,16	0,63	0,46	0,63	0,0063821	0,039401
PTCHD3	0,00	0,13	0,01	0,00	0,0063856	0,039411
ZDHHC7	3,80	5,11	4,00	4,21	0,0063962	0,039466
MOGAT1	0,00	0,15	0,00	0,00	0,006417	0,039583
RAP1B	7,71	7,43	7,11	6,48	0,0064188	0,039583

NMD3	4,99	3,68	3,75	2,53	0,006426	0,039615
CHD3	3,54	3,85	4,26	5,22	0,0064276	0,039615
C1QBP	7,77	6,50	7,30	5,97	0,0064482	0,039723
AC104534.2	0,53	1,49	1,10	1,26	0,0064487	0,039723
CABP4	1,41	1,84	2,14	2,32	0,0064551	0,039752
WNT10A	0,05	0,88	0,55	0,87	0,0064647	0,0398
C11orf83	2,27	2,48	2,97	3,72	0,006482	0,039891
ANKRD30A	0,00	3,88	0,00	1,84	0,0064838	0,039891
RAD51C	5,12	5,34	3,82	3,28	0,0064888	0,039891
RP11-17L5.4	0,00	0,00	0,00	0,48	0,0064891	0,039891
LINS1	3,62	2,28	2,04	2,31	0,0064893	0,039891
RP4-614O4.5	3,10	3,94	4,17	4,55	0,0064903	0,039891
RNU6-645P	3,90	7,60	6,39	6,55	0,0065191	0,040057
PPM1D	3,52	1,91	2,33	2,55	0,0065219	0,04006
C2orf15	0,24	0,15	0,36	1,04	0,0065232	0,04006
PITPNM3	0,05	0,07	0,05	0,07	0,0065296	0,040089
ZNF697	0,00	0,03	0,09	0,02	0,006535	0,04011
AC003958.2	0,06	0,19	0,06	0,27	0,0065427	0,040138
LA16c-380H5.1	0,33	0,49	0,51	0,46	0,0065431	0,040138
LINC00908	1,18	3,22	1,32	2,19	0,0065459	0,040141
SERF1A	0,41	0,82	0,95	1,62	0,0065492	0,040141
RP5-1070A16.1	1,89	2,72	1,71	2,71	0,0065506	0,040141
NHEJ1	2,25	0,14	2,58	0,11	0,0065507	0,040141
RPS25	8,98	9,27	9,13	9,25	0,0065574	0,040159
ABHD14B	3,51	5,24	4,46	4,68	0,0065574	0,040159
SCNN1A	1,00	1,92	1,33	1,91	0,0065688	0,040218
DENND2A	0,28	0,52	0,43	0,46	0,0065747	0,040243
NHLRC3	4,23	2,85	3,85	4,39	0,0065784	0,040254
RP5-1169K15.1	0,27	1,15	0,42	0,95	0,0065984	0,040354
OR4D1	0,12	0,10	0,14	0,26	0,0065989	0,040354
CDC34	1,37	3,74	2,71	2,92	0,0066012	0,040354
SETD6	3,46	4,21	2,28	2,47	0,0066019	0,040354
DOK6	0,04	0,05	0,04	0,04	0,0066059	0,040368
RN7SL624P	0,81	0,93	1,35	1,47	0,0066118	0,040384
PCOLCE	2,01	1,52	1,99	0,07	0,0066123	0,040384
HSPA9	6,34	6,08	6,65	5,20	0,0066166	0,0404
SPACA3	0,00	0,00	0,00	0,93	0,0066217	NA
SCD5	2,52	3,37	2,48	3,12	0,006634	0,040494
KIAA1614	0,00	0,04	0,00	0,00	0,0066448	0,040549
SLC38A1	5,66	4,71	5,21	3,11	0,0066505	0,040573
NANOGNB	0,00	0,86	0,24	0,29	0,0066619	0,040631
FBLN1	0,96	3,56	1,63	1,55	0,0066655	0,040637
IL32	2,48	5,58	1,22	5,37	0,0066679	0,040637
ABHD12B	0,28	3,04	0,27	1,09	0,0066683	0,040637
KCMF1	4,20	1,51	3,19	2,79	0,0066705	0,040639
KIAA1147	1,36	0,02	1,71	2,00	0,0066787	0,040678
SHTN1	4,66	3,42	4,28	3,73	0,0066807	0,040679
RP11-508N22.12	0,04	0,04	0,03	0,19	0,0066904	0,040727
RP11-255C15.3	0,29	0,10	0,71	0,45	0,0066993	0,04077
BAIAP2	4,55	5,05	4,85	2,50	0,006715	0,040854
CIITA	7,45	6,95	7,16	5,58	0,0067179	0,040861
HIST1H2BG	2,53	0,29	0,26	0,17	0,0067218	0,040873
GALR2	0,00	0,00	0,13	0,00	0,0067259	0,040887
SLC41A2	5,15	4,32	3,27	0,72	0,0067328	0,040918
XYLT2	1,53	1,78	2,78	1,38	0,0067353	0,040922

ZNF146	3,35	0,69	3,19	1,60	0,0067494	0,040996
NUP54	4,89	4,11	4,52	2,81	0,0067557	0,041023
ZXDA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0067877	0,041206
RPL23A	10,68	11,25	10,78	10,78	0,0067907	0,041213
RP11-22B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0068025	0,041273
ALG2	4,86	2,21	4,26	2,75	0,0068042	0,041273
FAM161B	1,12	4,22	1,70	1,30	0,0068073	0,041277
OTUD5	3,60	4,07	3,17	3,78	0,0068086	0,041277
PSMC1	6,76	5,06	5,59	5,00	0,0068267	0,041376
RP11-640M9.1	2,92	2,87	3,59	3,07	0,0068467	0,04148
ST3GAL2	0,83	1,09	1,07	1,57	0,0068494	0,04148
RP11-96C23.13	0,43	1,00	0,34	0,27	0,0068496	0,04148
ZNF621	2,32	2,37	2,75	2,89	0,006858	0,041508
OR10G3	1,51	2,36	1,66	2,22	0,0068585	0,041508
NPTN-IT1	0,75	0,06	0,87	0,00	0,0068603	0,041508
CCDC151	0,00	0,06	0,08	0,82	0,0068617	0,041508
ZNF791	3,96	1,85	4,04	3,88	0,0068647	0,041515
DYNC1I2	4,57	1,93	5,07	5,00	0,006869	0,041524
RN7SL828P	0,00	0,00	0,88	1,97	0,0068717	0,041524
SAPCD2	0,00	0,04	0,04	0,15	0,006875	0,041524
LAP3	7,60	6,75	6,88	6,08	0,0068761	0,041524
AC006273.4	0,33	1,19	1,16	0,48	0,0068772	0,041524
LINC00476	3,48	5,15	2,83	4,53	0,0068774	0,041524
CD3G	2,19	5,58	0,42	1,81	0,0068817	0,041539
FCRL6	1,63	0,43	0,26	0,93	0,0068881	0,041559
OSCAR	3,41	2,22	4,30	3,62	0,0068908	0,041559
RB1	4,79	4,22	5,01	3,35	0,0068975	0,041559
RP11-553K8.5	6,60	0,00	4,67	3,36	0,0068976	0,041559
BAG2	0,41	2,10	0,21	0,05	0,0068977	0,041559
EFR3A	3,52	0,65	3,91	3,22	0,0069001	0,041559
SLC39A10	3,91	3,70	3,70	3,04	0,0069025	0,041559
MIS12	2,90	0,26	2,37	0,69	0,0069027	0,041559
ACY3	0,00	0,00	0,00	0,17	0,0069059	0,041559
RP11-364P22.2	0,99	3,43	1,51	2,64	0,006906	0,041559
TBC1D20	2,36	2,10	2,17	2,54	0,0069067	0,041559
HDFG	3,95	4,16	4,38	4,63	0,0069075	0,041559
OR4D9	0,75	1,34	0,96	1,00	0,0069117	0,041573
KDM5B	2,09	0,76	2,93	2,60	0,0069203	0,041614
ACSL4	4,05	2,15	4,08	2,47	0,0069232	0,04162
UBE2L3	5,90	5,08	5,31	4,87	0,0069266	0,041629
RRAS	0,39	2,70	1,95	4,19	0,0069317	0,041648
DRAIC	0,63	1,41	0,83	0,80	0,0069374	0,041658
RP13-923O23.7	1,17	1,71	1,46	1,88	0,0069401	0,041658
DLC1	0,78	0,91	0,49	0,35	0,0069401	0,041658
AC005332.1	3,26	0,97	2,78	3,86	0,0069408	0,041658
RFC3	1,99	0,00	1,27	0,57	0,0069461	0,041675
RP6-109B7.3	1,28	2,38	1,68	2,28	0,0069474	0,041675
PRKD2	2,25	4,32	3,71	5,26	0,0069532	0,041698
LAT	2,12	4,78	1,88	4,12	0,0069578	0,041715
MYCL	3,89	2,96	3,76	0,85	0,0069649	0,041746
ALDH3B1	3,17	1,50	3,25	3,29	0,0069724	0,041779
RP11-351O2.1	0,00	0,00	1,03	0,00	0,0069741	0,041779
FAM198B	0,38	2,29	2,23	3,44	0,0069774	0,041787
MUSK	0,00	0,00	0,00	1,12	0,0069839	0,041815
RP11-477J21.7	0,30	1,67	0,33	0,45	0,0069861	0,041817

LYPLA1	6,60	6,00	5,89	5,40	0,0069907	0,041833
MRPS30	4,77	1,78	3,85	2,01	0,0069975	0,041862
UGDH	1,78	1,80	1,39	1,08	0,0070104	0,041929
RP11-240L7.5	0,73	1,18	0,96	1,49	0,0070333	0,042054
CD1D	6,01	4,08	5,83	4,27	0,0070428	0,0421
SLC35C1	1,59	4,79	1,15	0,62	0,0070504	0,042134
RP1-278E11.3	0,40	0,00	0,00	0,95	0,0070554	NA
FKBP2	5,80	5,54	6,12	6,25	0,0070677	0,042226
RNF175	1,89	0,09	2,63	3,45	0,0070756	0,042261
C9orf72	6,51	5,73	5,80	5,13	0,0070774	0,042261
RP11-168J19.2	0,00	0,34	0,19	0,00	0,0070974	0,042369
RP11-626G11.1	0,54	2,21	0,77	2,35	0,0071001	0,042373
BRCA1	1,20	2,97	1,45	3,40	0,0071068	0,042402
MS4A1	0,00	1,11	0,07	3,09	0,0071133	0,042426
WAS	3,65	2,24	3,69	3,97	0,0071146	0,042426
CC2D2A	1,85	1,59	3,83	2,33	0,0071184	0,042437
RP11-108H9.1	1,18	0,00	0,64	1,14	0,0071211	0,042442
LZTS1	0,02	0,09	0,01	0,06	0,0071377	0,04253
IL18BP	4,69	2,85	3,23	2,19	0,0071408	0,042537
HECW2	1,07	0,84	0,73	3,53	0,007151	0,042586
NSRP1	5,29	4,77	5,38	6,30	0,0071615	0,042637
ZNF470	0,96	1,79	1,14	1,13	0,0071655	0,04265
NUAK2	1,25	3,31	2,44	1,05	0,007174	0,042689
RMDN2	0,38	0,34	1,29	0,55	0,0071891	0,042724
RP11-293M10.5	1,66	2,34	2,63	3,84	0,0071891	0,042724
ZNF143	4,83	5,30	4,46	5,59	0,0071895	0,042724
LA16c-444G7.2	1,77	0,00	0,00	0,00	0,0071903	0,042724
EPHX4	0,26	0,17	0,21	0,28	0,0071914	0,042724
RP11-151E14.1	0,05	0,29	0,00	0,06	0,0071914	0,042724
SWT1	0,48	0,00	1,23	0,10	0,0072012	0,04277
GALNT6	1,66	1,80	2,84	3,13	0,0072033	0,042772
ZBTB48	4,89	5,50	5,25	5,46	0,007213	0,042818
RP11-388P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0072206	0,042846
HBA2	0,70	4,33	1,73	2,43	0,0072217	0,042846
CTD-2206N4.4	0,63	2,03	0,64	0,91	0,0072267	0,04286
RP11-490O6.2	0,20	0,38	0,64	1,64	0,007228	0,04286
ZNF181	1,83	0,03	0,57	0,16	0,0072311	0,04286
RP11-897M7.3	1,91	4,19	2,71	3,47	0,0072318	0,04286
ADAMTS16	0,28	1,68	0,05	0,05	0,0072354	0,04287
DSCR3	4,49	1,66	3,89	3,23	0,007245	0,042906
AC002511.1	0,52	0,26	0,76	1,40	0,0072453	0,042906
RP11-299H21.1	0,02	0,34	0,00	0,34	0,0072526	0,042938
RP11-174N3.4	2,05	2,73	2,31	3,08	0,0072562	0,042944
MKLN1	5,69	3,75	5,02	4,30	0,0072577	0,042944
MTHFR	2,73	4,02	3,21	3,33	0,0072595	0,042944
RP11-380P13.1	0,00	0,00	0,00	1,00	0,0072668	0,042976
PTPMT1	6,14	5,55	6,17	2,24	0,00727	0,042983
BCL6	6,10	5,66	5,32	4,17	0,0072754	0,043004
OSBP	4,08	0,95	4,18	1,99	0,0072788	0,043013
RILPL1	1,62	2,00	1,75	3,01	0,0072833	0,043025
GRAMD1A	3,42	3,62	3,81	4,80	0,0072847	0,043025
DDHD2	3,79	3,26	2,34	1,39	0,0072993	0,0431
LA16c-358B7.3	0,30	0,40	0,42	0,73	0,007314	0,043175
CCM2	4,40	5,23	5,19	4,58	0,0073444	0,043343
SFT2D1	7,10	5,86	6,83	6,03	0,0073513	0,043372

C17orf99	0,05	0,18	0,14	0,53	0,0073593	0,043408
ARPP21	0,00	0,67	0,00	0,00	0,0073817	0,043528
AC093415.4	0,42	1,88	0,79	0,00	0,0073907	0,043565
RP11-296110.6	2,55	3,17	3,60	3,43	0,0073918	0,043565
ARPC3	10,27	9,31	9,72	9,14	0,0073962	0,043579
RALBP1	3,15	3,11	3,59	4,11	0,0074034	0,04361
CRBN	5,80	2,62	5,23	5,52	0,007413	0,043655
RP4-799D16.1	0,00	2,73	0,00	0,00	0,0074226	NA
RITA1	2,55	0,45	2,33	0,14	0,0074374	0,043787
MRPL20	6,91	6,29	7,13	7,40	0,0074516	0,043859
EXOSC2	3,94	1,57	3,03	2,47	0,0074722	0,043969
ARHGGEF6	4,96	4,04	4,36	3,99	0,0074806	0,044006
TNFAIP2	8,80	8,02	8,95	9,00	0,0074988	0,044102
MEGF8	0,30	2,27	0,66	0,22	0,0075014	0,044106
TRIM34	4,14	0,21	3,96	4,73	0,0075047	0,044108
CCDC68	0,00	0,10	0,00	0,00	0,0075058	0,044108
CTA-212A2.3	1,12	1,71	1,16	1,40	0,0075099	0,044121
SHANK1	0,36	2,04	0,21	1,14	0,0075172	0,044151
RP11-64P12.3	0,36	0,70	0,44	1,47	0,0075277	0,044201
BAD	4,65	1,91	5,39	5,88	0,0075379	0,04425
DLEC1	0,52	1,13	0,81	0,59	0,0075451	0,04428
ELMSAN1	5,20	3,67	4,37	3,94	0,0075518	0,044308
SGO2	0,64	1,80	0,79	1,46	0,0075672	0,044376
CRIP3	5,32	2,29	4,87	3,28	0,0075673	0,044376
ATP10B	0,44	2,38	0,49	0,80	0,0075701	0,04438
RBFox3	0,27	0,34	0,45	0,50	0,0075743	0,044393
RP11-11N9.2	2,00	0,00	0,84	0,14	0,0075785	0,044406
VIM	10,05	9,43	10,22	9,22	0,0075819	0,044415
COMMD6	6,48	6,63	6,76	7,01	0,0075864	0,044424
ZNF793	0,61	1,80	0,49	1,11	0,0075876	0,044424
ONECUT3	0,13	0,18	0,24	0,31	0,0075949	0,044455
RPS23	10,13	10,50	10,28	10,12	0,0075994	0,044463
TMEM57	2,37	3,21	1,72	1,51	0,0076002	0,044463
AC012593.1	0,40	1,75	0,73	1,59	0,007605	0,044479
RN7SL824P	2,44	1,83	1,89	0,00	0,0076187	0,044543
RPL31P11	0,00	0,09	0,00	0,00	0,00762	0,044543
ARL6IP4	7,17	7,17	7,55	7,35	0,0076221	0,044544
RP11-755E23.2	0,94	2,48	1,17	2,07	0,007631	0,044584
TRAPPC6A	6,71	7,50	6,47	6,37	0,0076366	0,044605
RP13-507123.1	0,54	0,51	0,85	1,52	0,0076498	0,044671
PPTC7	3,45	3,54	3,12	1,83	0,0076587	0,044711
TMEM38A	0,10	0,16	0,26	0,52	0,0076618	0,044717
RP11-621L6.2	0,81	0,51	1,40	2,04	0,0076648	0,044723
RP11-299G20.2	0,06	0,24	0,12	0,22	0,0076752	0,044763
AC063980.3	0,45	1,59	0,51	0,93	0,0076767	0,044763
CEP126	0,17	0,07	0,39	1,60	0,0076777	0,044763
MIR1537	0,00	0,00	1,30	0,00	0,0076885	0,044814
RP13-122B23.13	1,26	3,99	2,43	2,70	0,0076921	0,044814
GABBR1	4,18	4,55	4,46	4,94	0,0076924	0,044814
VWC2	0,01	0,09	0,03	0,01	0,0076967	0,044827
CTD-2303H24.2	3,07	4,25	3,46	4,99	0,0077039	0,044857
RP11-557H15.2	0,06	0,20	0,21	0,48	0,0077266	0,044978
CTD-253611.1	0,17	0,18	0,16	0,29	0,0077289	0,044979
CTB-189B5.3	0,00	0,24	0,19	0,32	0,0077332	0,044979
RASAL1	0,05	0,30	0,09	0,24	0,0077335	0,044979

KIAA0125	0,01	4,72	0,02	1,53	0,007735	0,044979
AC074289.1	3,06	3,87	3,09	5,09	0,0077382	0,044982
TIMM8B	5,05	5,04	5,02	5,59	0,0077395	0,044982
TEX2	0,88	0,43	1,62	0,77	0,0077524	0,045045
RP1-267L14.3	0,26	2,63	0,56	0,55	0,0077551	0,045049
ITPR2	3,58	4,23	3,97	4,53	0,0077591	0,045055
TRAPPC2B	3,80	1,28	3,41	0,44	0,0077608	0,045055
XXbac-BPG55C20.7	1,12	3,31	1,89	1,26	0,0077622	0,045055
RNA5-8S5	3,07	4,96	3,89	5,21	0,0077684	0,045079
TRADD	4,50	1,83	3,87	0,93	0,0077846	0,04515
BAG5	3,57	0,44	3,35	4,52	0,0077846	0,04515
RP11-715J22.2	0,45	0,65	0,47	0,86	0,0077898	0,045168
SGSH	3,48	4,77	4,70	5,72	0,007801	0,045221
RP11-114H20.1	0,00	0,17	0,00	0,03	0,0078206	0,045308
RP11-363G10.2	0,00	0,17	0,00	0,03	0,0078206	0,045308
LLNLR-271C9.1	0,00	1,36	0,00	0,00	0,0078222	0,045308
MDFIC	3,26	5,03	2,81	2,62	0,0078278	0,045325
ASB13	2,85	3,04	3,84	4,45	0,0078307	0,045325
ATP5L	8,44	8,65	8,65	8,60	0,0078312	0,045325
DPYSL5	0,08	0,12	0,12	0,29	0,0078738	0,04556
HIST1H2BJ	0,00	0,60	0,00	0,00	0,0078789	0,045578
P2RY10	2,82	0,42	0,40	0,09	0,0078861	0,045607
AP000254.8	2,06	0,39	2,00	0,33	0,007895	0,045647
CD2BP2	3,80	0,45	3,48	2,27	0,007904	0,045687
ACO11747.7	0,00	0,00	0,52	0,48	0,0079112	0,045717
SPAG11A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0079154	0,045729
ATXN2L	3,82	4,69	4,56	5,50	0,0079281	0,045791
RNA5-8SN4	3,07	4,96	3,89	5,21	0,007932	0,045801
IFT46	2,54	2,31	0,51	0,58	0,007938	0,045817
PLEKHG3	0,02	3,73	0,80	1,32	0,0079389	0,045817
TSHZ1	3,01	0,89	2,40	1,87	0,0079467	0,04585
RASSF2	5,17	4,96	4,74	4,00	0,0079521	0,04587
MMADHC	6,66	5,60	5,41	4,32	0,0079592	0,045898
RP11-520E6.1	0,29	0,72	0,18	1,54	0,0079696	0,045946
UNC45B	0,02	0,12	0,04	0,04	0,0079736	0,045958
NDUFB11	6,06	6,47	6,42	6,55	0,0079836	0,046003
RP11-941F15.1	1,82	0,84	1,68	2,03	0,0080025	0,046101
SF3B2	5,78	6,17	6,33	5,96	0,008008	0,04612
C3orf66	0,23	0,07	0,33	0,59	0,0080286	0,046204
CTC-205M6.3	2,83	5,16	3,47	3,89	0,0080289	0,046204
RP11-700J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0080295	0,046204
KRT8	1,72	2,20	1,73	2,89	0,0080309	0,046204
ZNF541	0,00	2,69	0,00	0,00	0,0080421	0,046257
GOLGA8B	4,61	3,14	3,34	3,01	0,0080459	0,046261
PARK7	8,59	7,51	8,11	7,07	0,008047	0,046261
SLC48A1	1,64	0,71	2,38	3,36	0,008057	0,046305
MAPK3	1,94	3,93	2,48	4,10	0,0080608	0,046305
ATP10A	1,03	0,33	2,02	1,62	0,0080609	0,046305
POC1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0080667	0,046326
RP11-1348G14.5	0,77	2,96	1,01	1,57	0,0080717	0,046335
DAAM2	0,00	0,19	0,09	0,11	0,0080729	0,046335
RP11-405M12.2	0,43	1,39	0,65	0,52	0,0080745	0,046335
PECR	0,91	1,78	1,29	1,52	0,0080941	0,046435
RP11-138A9.2	4,28	3,28	3,98	2,74	0,0080967	0,046438
KIAA1191	4,08	4,36	3,67	1,53	0,0081225	0,046574

TAF15	4,48	1,87	2,81	2,76	0,0081275	0,046591
DYNAP	0,88	1,43	1,73	0,70	0,0081333	0,046611
DONSON	2,23	0,27	1,43	0,36	0,0081351	0,046611
CST7	6,74	6,14	5,44	4,90	0,008138	0,046615
DLX6	0,09	0,18	0,15	0,15	0,0081585	0,046709
COX7C	7,60	7,66	7,81	8,31	0,0081586	0,046709
PKHD1	0,02	1,03	0,13	0,19	0,0081783	0,046782
CTB-161M19.4	0,67	0,67	0,71	1,66	0,0081799	0,046782
GBP5	3,51	3,02	0,81	4,01	0,0081801	0,046782
XXbac-BPG116M5.14	0,00	0,30	0,06	0,19	0,0081818	0,046782
XXbac-BPG116M5.16	0,00	0,30	0,06	0,19	0,0081818	0,046782
C15orf52	0,12	0,06	0,40	0,20	0,0081919	0,046816
RP11-701P16.2	2,50	3,07	5,19	5,27	0,008192	0,046816
RP11-426C22.4	1,51	0,07	0,26	0,19	0,0082082	0,046891
TRPM2	1,58	1,66	3,95	4,35	0,0082107	0,046891
RP11-750H9.5	4,64	1,39	2,30	0,35	0,0082125	0,046891
GUCY1B3	0,10	0,08	0,00	0,06	0,0082153	0,046891
PSMA6	8,73	7,34	8,25	8,00	0,0082156	0,046891
RP11-866E20.3	1,70	0,38	1,10	1,34	0,0082206	0,046907
TMEM176A	0,24	1,42	0,27	5,25	0,0082277	0,046936
ZNF641	3,46	1,54	2,61	1,85	0,008238	0,046982
CTA-212A2.4	0,39	0,96	0,64	1,24	0,0082531	0,04704
DNAJC3	4,85	2,89	4,35	4,02	0,0082545	0,04704
USH2A	0,00	0,01	0,00	0,01	0,0082545	0,04704
CTC-265F19.1	0,55	1,15	0,87	1,10	0,0082598	0,047058
RN7SL575P	2,05	0,00	2,88	1,79	0,0082618	0,047058
SEC11C	6,19	3,90	5,87	5,48	0,0082775	0,047123
AVL9	3,35	3,26	3,77	2,60	0,0082776	0,047123
NRP2	0,09	0,06	0,29	0,59	0,0082802	0,047126
TMEM55A	5,81	1,87	4,54	1,36	0,0082847	0,047139
SNORD100	7,15	0,00	1,11	0,00	0,0082881	0,047143
HMG20B	4,37	5,46	4,15	5,10	0,0082895	0,047143
CHMP4B	2,63	2,74	3,16	4,33	0,0083015	0,047199
SLIT2	0,00	0,92	0,00	0,00	0,0083074	0,047214
ADRB3	0,20	0,56	0,19	0,32	0,0083083	0,047214
RP11-351D16.3	0,00	0,43	1,07	0,26	0,0083244	0,047293
RP13-395E19.3	2,92	0,15	2,03	0,00	0,0083333	0,047331
OR8H1	0,11	0,23	0,14	0,13	0,0083392	0,047353
TRIM8	4,48	4,69	4,72	4,80	0,008347	0,047379
SLC4A1	0,23	0,21	0,41	0,23	0,008348	0,047379
CTD-2017F17.2	0,00	2,82	1,17	2,18	0,0083659	0,047468
TRBC1	0,76	5,72	0,64	5,54	0,0083792	0,047509
RP11-184E9.1	0,65	2,75	0,48	1,16	0,0083793	0,047509
RNASE6	9,21	8,19	8,65	7,81	0,0083795	0,047509
ZNF585B	1,31	1,88	0,30	0,52	0,008384	0,047522
CD8A	0,05	3,04	0,11	1,85	0,0083898	0,047532
TMUB1	0,85	1,79	2,15	2,97	0,00839	0,047532
LINC01012	0,75	1,70	1,05	1,32	0,0083965	0,047557
RNF7	6,80	7,17	6,25	5,62	0,0084197	0,047676
SH3PXD2A-AS1	0,34	1,31	0,14	0,56	0,0084448	0,047806
UBXN2B	3,18	0,64	3,23	1,41	0,0084574	0,047865
WDR17	0,31	0,22	0,53	0,49	0,0084622	0,04788
CCDC144A	3,02	2,14	2,64	3,90	0,0084668	0,047894
LY96	5,72	5,27	5,69	6,20	0,0084769	0,047938
CCR6	4,16	0,31	2,67	0,25	0,0084813	0,047951

OCIAD1	6,59	5,03	6,23	5,63	0,0084835	0,047951
TPM3	9,16	8,49	8,64	8,43	0,0084962	0,048005
PSMD2	6,62	5,98	6,07	4,89	0,0084973	0,048005
RP11-106M3.3	0,12	0,14	1,12	0,00	0,0085249	0,048145
RBM20	0,47	0,99	0,31	0,74	0,0085264	0,048145
ST6GAL2	0,15	0,37	0,18	0,14	0,0085338	0,048175
CTD-2196P11.1	0,21	0,90	0,16	0,56	0,008549	0,048248
DSC3	0,00	0,00	0,05	0,03	0,0085598	0,048297
RP11-102M11.2	0,06	0,39	0,16	0,72	0,0085636	0,048306
AC010226.4	0,67	0,00	0,63	0,22	0,008598	0,048487
RP11-497K21.1	0,23	0,30	0,38	0,00	0,0086016	0,048487
RP11-643A5.3	0,00	2,49	0,00	0,00	0,0086023	0,048487
GPX8	0,06	0,45	0,10	0,14	0,0086059	0,048496
ZCCHC4	1,10	3,77	1,37	2,10	0,0086127	0,048522
HIPK3	4,15	2,86	4,65	4,25	0,0086287	0,048599
FAM84B	0,00	0,03	0,05	0,38	0,0086399	0,04865
SATL1	0,59	1,20	0,57	0,35	0,0086471	0,048678
AC073284.4	0,00	1,01	0,00	0,00	0,0086748	0,048822
CNTNAP2	1,66	0,78	1,77	2,89	0,0086828	0,048844
HS6ST1	0,90	0,58	0,50	1,84	0,0086832	0,048844
FAM43A	0,58	1,30	1,29	2,28	0,0086898	0,048869
AC034187.2	1,51	1,79	1,58	1,84	0,008703	0,048931
LINC01127	0,03	0,04	0,05	0,07	0,0087231	0,049032
CCNE2	0,53	0,00	0,00	0,00	0,0087267	0,04904
WDR46	4,14	5,34	5,71	5,25	0,0087315	0,049054
CTD-2026D20.3	3,13	4,36	2,23	1,46	0,0087743	0,049273
UTP4	3,96	2,30	3,06	1,66	0,0087749	0,049273
SMIM18	0,00	0,00	0,33	0,15	0,008778	0,049278
PPP1R7	5,70	3,98	5,16	3,93	0,008797	0,04937
GLRX3	6,82	5,55	6,10	5,84	0,0087988	0,04937
LINC01597	0,00	1,58	0,00	0,03	0,0088018	0,049374
STK40	2,82	1,37	3,45	3,42	0,0088056	0,049383
TMEM260	3,68	1,70	2,84	3,03	0,0088354	0,049528
RP11-531A24.5	0,23	1,39	0,65	0,31	0,0088359	0,049528
TTC9	0,00	0,77	0,00	0,09	0,0088505	0,049597
ARPC1B	9,63	9,93	9,59	9,06	0,0088548	0,049609
RP11-680C21.1	0,12	0,00	0,19	0,34	0,0088715	0,04969
ZNF551	2,20	0,47	1,63	0,39	0,0088809	0,049722
DDIT4	6,66	5,67	5,48	4,18	0,0088831	0,049722
MYO9A	3,79	1,47	3,40	4,37	0,0088839	0,049722
HP1BP3	5,59	5,59	5,97	6,29	0,0088863	0,049723
HLA-DQB2	7,42	6,24	6,59	4,12	0,0088944	0,049756
AC016747.3	2,56	2,89	2,90	3,27	0,0089066	0,049811
APOBEC3F	0,49	3,51	1,72	0,40	0,0089136	0,049837
ANO7	0,05	0,07	0,00	0,06	0,0089347	0,049914
ARRB1	4,20	4,07	3,45	4,33	0,0089353	0,049914
SLC25A19	4,99	1,45	4,54	2,58	0,0089354	0,049914
HMCN1	0,00	0,00	0,00	0,01	0,0089362	0,049914
MMD	2,37	0,88	2,99	2,23	0,0089549	0,050006
LRRC25	5,89	3,04	5,00	4,29	0,0089671	0,050061
RNF2	4,55	0,89	3,54	3,29	0,0089816	0,05013
RAET1E	0,13	0,76	0,16	0,29	0,0089864	0,050139
RPL32P3	2,48	2,45	3,11	3,71	0,0089885	0,050139
NDUFA1	6,96	7,13	7,15	7,81	0,00899	0,050139
ACSM2B	1,51	3,51	1,47	2,18	0,0090142	0,050256

RP11-205M20.3	2,20	3,13	2,72	3,41	0,0090161	0,050256
ATL1	1,49	1,99	1,23	2,16	0,0090178	0,050256
ENTPD7	1,37	0,00	0,54	0,25	0,0090332	0,050329
CTD-2547G23.4	0,29	0,36	0,29	1,00	0,009037	0,050338
CTD-2336O2.1	3,03	1,36	3,74	4,19	0,0090486	0,050389
RP1-111C20.3	0,38	0,49	0,32	0,24	0,0090532	0,050403
DAP	4,35	1,42	5,02	3,99	0,0090559	0,050405
AC015818.3	0,36	0,75	0,76	0,19	0,0090662	0,05045
RP4-669P10.18	2,27	3,08	3,61	3,03	0,0090973	0,0506
GPR174	0,11	1,37	0,09	0,40	0,0090978	0,0506
AC005863.1	0,17	0,95	0,21	0,08	0,009101	0,050605
CTD-2647L4.4	3,56	0,00	1,94	0,00	0,0091055	0,050618
AC124944.3	0,25	0,36	0,38	0,62	0,0091079	0,050619
MSR1	2,77	2,72	3,52	3,47	0,0091258	0,050705
MAP3K7CL	1,32	3,74	1,33	3,96	0,0091324	0,050729
CTD-2245F17.3	0,74	3,55	0,71	1,08	0,009137	0,050735
TAGLN2	9,26	8,48	9,09	8,24	0,0091441	0,050735
RP11-989E6.10	0,29	2,15	1,63	1,27	0,0091444	0,050735
RP11-20I23.7	2,80	4,57	2,90	3,95	0,0091448	0,050735
SCAPER	4,04	2,53	3,58	3,56	0,0091467	0,050735
LRFN1	0,15	0,08	0,14	0,29	0,0091471	0,050735
TPMT	4,48	4,03	3,83	1,62	0,009152	0,050749
CD1B	1,58	4,89	0,66	0,13	0,0091625	0,050795
CTA-342B11.2	0,00	0,00	0,00	1,79	0,0091757	0,050843
ARMT1	3,37	0,25	2,94	3,41	0,0091758	0,050843
CYB5R4	4,65	3,33	4,29	2,45	0,0091932	0,050927
RP11-331G2.6	0,44	1,02	0,73	0,70	0,0092019	0,050963
ATF3	3,57	5,09	4,84	3,74	0,0092061	0,050965
ATG7	5,18	6,39	5,34	5,95	0,009207	0,050965
RASL10B	1,24	2,63	2,39	1,36	0,0092094	0,050966
ANXA1	10,34	9,35	9,76	8,96	0,0092219	0,051023
TMEM213	0,36	1,42	0,41	0,54	0,0092255	0,05103
H2AFX	1,69	3,14	2,72	0,61	0,0092413	0,051099
PRNCR1	0,52	0,80	0,56	0,76	0,0092427	0,051099
MPV17L	1,93	1,71	2,32	2,24	0,0092477	0,051114
KCNH3	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0092666	0,051198
CTB-36O1.5	0,46	1,20	0,91	1,76	0,0092675	0,051198
OR2G6	0,69	1,49	0,58	0,42	0,009273	0,051209
TDRD10	0,00	2,75	0,00	0,00	0,0092746	0,051209
RP11-744K17.1	0,00	0,35	0,10	0,09	0,0092805	0,051209
SHROOM4	0,02	0,39	0,19	1,07	0,0092808	0,051209
OR5M2P	0,34	0,83	0,29	0,34	0,009281	0,051209
RP11-383C5.3	0,45	0,77	0,79	1,42	0,009286	0,051224
ERC2-IT1	0,10	0,19	0,26	0,51	0,0092887	0,051226
CD6	2,24	1,21	2,58	3,20	0,0092937	0,051241
C20orf194	2,04	2,13	3,11	2,96	0,0092994	0,05126
RNU4-38P	5,07	0,00	0,75	0,00	0,009305	0,051278
FXYD6	0,00	0,00	0,40	3,31	0,0093128	0,051308
PSMC4	6,83	6,71	6,17	4,96	0,0093341	0,051413
RP11-81A1.4	0,15	0,61	0,26	0,30	0,0093493	0,051484
CTD-2135D7.4	0,00	0,19	0,00	1,00	0,0093674	0,051571
RP1-168L15.5	0,53	0,50	1,59	0,96	0,0093731	0,051589
PPAN	0,89	1,12	1,34	2,39	0,0093863	0,051647
TYRO3	0,82	1,49	0,98	0,86	0,0093903	0,051647
AKAP8L	3,43	0,39	3,78	2,59	0,0093929	0,051647

LRRC27	2,73	5,91	2,41	2,25	0,009393	0,051647
DNASE1	1,21	1,92	1,41	1,79	0,0094122	0,05174
RP11-356C4.4	0,83	1,07	1,14	1,59	0,0094148	0,051742
SIRT7	3,46	3,44	3,85	4,65	0,0094205	0,05176
ERAP2	5,04	5,08	3,73	4,59	0,0094258	0,051777
SZT2	4,77	5,37	4,47	4,99	0,0094327	0,05179
VSTM4	0,44	0,60	0,63	0,89	0,0094329	0,05179
LARP1	3,99	1,78	3,53	3,18	0,0094409	0,051816
NPC2	8,10	7,27	8,32	8,47	0,0094423	0,051816
CA11	1,34	3,31	2,11	2,94	0,0094484	0,051837
RP11-345J4.6	0,00	0,00	0,00	4,62	0,0094564	0,051868
RP11-71L14.3	0,00	0,00	0,00	0,07	0,0094651	0,051903
RP11-296E23.2	2,86	4,83	3,81	2,98	0,0094716	0,051926
LILRA4	2,37	1,43	0,55	0,61	0,0094779	0,05194
S100Z	3,60	0,69	3,59	4,52	0,0094789	0,05194
SIGLEC6	3,04	0,00	0,00	0,00	0,0095086	0,05209
RTFDC1	6,98	5,10	6,00	5,08	0,0095122	0,052097
RP11-322E11.5	0,33	1,24	0,24	0,62	0,009516	0,052105
CTC-246B18.10	0,00	4,39	2,75	1,42	0,0095234	0,052132
RP11-493L12.2	5,76	5,99	5,79	5,28	0,0095374	0,052196
AP001059.7	0,48	1,69	1,52	1,86	0,0095585	0,052299
ANGEL1	2,24	0,25	0,65	0,20	0,0095661	0,052315
RP5-828H9.3	0,00	0,58	0,16	0,30	0,0095662	0,052315
ASAP1	6,77	4,43	5,64	4,99	0,0095827	0,052393
CTD-2311M21.3	0,06	0,16	0,05	0,05	0,0095894	0,052409
UHMK1	4,14	4,54	3,87	2,30	0,0095905	0,052409
IVD	5,01	5,46	3,95	5,39	0,009597	0,052432
AC005301.9	0,71	1,90	1,29	1,40	0,0096022	0,052448
NUSAP1	1,78	3,42	1,77	1,25	0,0096123	0,052478
SAYSD1	3,09	2,05	2,45	0,68	0,0096125	0,052478
CXorf23	1,51	0,94	1,52	2,38	0,0096177	0,052493
PLCD3	0,43	1,16	0,54	0,48	0,0096281	0,052537
MAGEH1	3,24	0,10	0,38	4,83	0,0096435	0,052608
RF02271	3,86	6,37	3,79	2,07	0,0096496	0,052626
DYRK2	2,70	0,44	2,11	1,22	0,0096515	0,052626
PERM1	0,00	1,44	0,00	0,00	0,0096661	0,052685
PSG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,009667	0,052685
ZNF487	3,77	1,30	4,26	2,05	0,0096769	0,052726
C9orf153	0,52	0,00	0,80	0,00	0,0096807	0,052734
UBE2M	3,06	1,98	3,23	3,66	0,009685	0,052744
CASP6	4,46	0,67	1,87	1,64	0,0096973	0,052798
PIAS1	5,28	3,52	4,66	5,49	0,0097092	0,052838
EMC3	6,10	3,45	5,49	4,38	0,0097094	0,052838
GEM	0,90	0,13	0,81	0,00	0,0097143	0,052852
GANC	5,26	0,84	4,42	3,47	0,0097248	0,052896
SFR1	2,38	0,00	2,00	2,95	0,0097359	0,052944
OSTC	7,87	7,35	7,22	6,81	0,0097388	0,052946
AP001350.4	0,23	0,28	0,50	0,00	0,0097479	0,052983
MIR3159	0,04	2,34	3,59	2,61	0,0097509	0,052986
RNF19A	4,83	1,77	3,78	4,88	0,0097688	0,053051
RP11-261P13.5	0,03	0,09	0,00	0,21	0,0097713	0,053051
CELSR1	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0097715	0,053051
ABLIM2	0,00	0,20	0,00	0,00	0,0097761	0,053051
AC022431.3	0,56	1,71	1,07	1,38	0,0097761	0,053051
CTB-51A17.1	0,13	0,11	0,10	0,30	0,0097772	0,053051

PCDHGA1	0,00	0,00	0,07	0,00	0,0097855	NA
COX10	4,12	0,35	1,68	2,17	0,0097874	0,053094
RP11-330M2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0097933	0,053113
XXbac-BPG254F23.5	6,39	7,03	5,63	1,32	0,0098002	0,053132
RHBDD1	3,74	1,43	1,30	1,86	0,0098016	0,053132
HMG2	9,05	8,01	8,44	8,00	0,0098093	0,053141
RP11-109113.2	0,49	0,26	0,92	0,94	0,0098102	0,053141
UBE4B	3,24	4,66	2,89	2,60	0,0098105	0,053141
LINC00340	0,64	1,75	0,72	0,99	0,0098157	0,053157
TBC1D23	4,47	2,22	3,27	2,75	0,0098279	0,053209
RP4-548D19.5	2,25	0,68	0,00	0,00	0,0098401	0,053263
AC005944.2	3,71	5,17	4,32	4,71	0,0098525	0,053317
ARIH2	6,56	5,51	5,41	4,00	0,0098651	0,053372
CTA-384D8.35	4,30	0,59	3,78	2,19	0,009871	0,053387
FTSJ2	5,25	2,23	3,79	2,85	0,0098728	0,053387
TBC1D24	1,81	0,73	0,52	0,72	0,0098793	0,053387
GTSF1	3,56	0,25	1,87	2,30	0,0098799	0,053387
BIN1	4,97	5,00	3,91	3,40	0,0098819	0,053387
RP11-51J9.5	4,45	5,25	4,82	5,50	0,0098824	0,053387
RP11-705C15.5	3,64	0,00	0,00	1,40	0,0098911	0,053422
PAK6	0,63	1,70	1,14	1,21	0,0099208	0,053569
MAEL	0,00	0,06	0,00	0,11	0,0099426	0,053674
RP11-113D6.10	1,85	3,74	1,68	0,81	0,0099501	0,053701
ATG16L1	3,69	4,82	2,30	1,71	0,0099613	0,053748
KDELC2	0,69	1,05	1,03	0,36	0,0099653	0,053757
SLC15A1	0,22	0,37	0,34	0,62	0,0099697	0,053761
RP11-243A14.1	0,32	1,33	0,18	0,27	0,009971	0,053761
RP11-480D4.3	0,21	0,00	0,24	0,90	0,0099844	0,053821
RP11-551L14.4	2,81	4,25	3,30	3,50	0,0099996	0,05389
RP5-914P20.5	0,00	0,00	1,05	0,00	0,0100116	0,053938
NPL	1,01	0,56	1,09	2,10	0,0100135	0,053938
CTD-2643I7.5	0,63	1,79	0,76	1,28	0,0100236	0,053971
PDCD4	6,12	6,49	5,83	4,95	0,0100245	0,053971
TFCP2L1	0,00	0,00	0,00	0,48	0,0100365	0,05401
STEAP2	0,18	0,06	0,18	0,14	0,0100366	0,05401
STK26	3,26	1,41	2,36	2,54	0,0100755	0,054207
NFKBIZ	7,22	7,34	7,81	7,27	0,0100881	0,054261
CTD-2373H9.3	0,14	0,28	0,30	0,50	0,010092	0,054264
KCNMB2	0,00	0,23	0,00	0,00	0,0100935	0,054264
TMC7	0,38	0,54	0,74	1,77	0,0100997	0,054276
RSPH10B	0,34	1,28	0,55	0,38	0,0101006	0,054276
RP11-346C20.5	1,06	0,68	1,53	1,64	0,0101034	0,054278
RP11-615I2.2	0,00	0,09	0,09	0,00	0,0101067	0,054282
ACLY	3,89	2,82	3,60	2,60	0,010119	0,054334
C14orf156	6,28	6,37	6,75	6,60	0,0101211	0,054334
IRF4	4,74	4,23	3,96	2,59	0,0101389	0,054416
CTD-2537I9.13	0,00	0,34	0,37	0,25	0,0101531	0,054479
AC107982.5	0,00	0,26	0,00	0,25	0,0101613	0,054487
LYSMD2	3,81	5,69	4,85	3,82	0,0101618	0,054487
TRIM61	0,07	0,09	0,17	0,00	0,0101619	0,054487
LIN37	3,14	0,01	0,39	3,31	0,0101653	0,054492
RP11-756H6.1	0,38	1,94	0,45	0,78	0,0101687	0,054497
ZMIZ1	4,10	5,02	4,29	3,13	0,0101806	0,054548
RHBDL2	0,20	0,64	0,43	0,55	0,0101831	0,054548
RP11-405O10.2	0,14	0,09	0,18	0,00	0,0101855	0,054548

RP13-126P21.1	0,92	1,80	1,28	0,43	0,0101879	0,054548
RAD9A	1,95	2,98	2,31	3,73	0,0101995	0,054597
SCAMP4	2,47	2,29	2,23	3,92	0,0102067	0,054622
HHEX	4,42	2,04	4,37	3,35	0,010234	0,054755
UQCRQ	7,36	7,77	7,79	7,91	0,0102437	0,054793
AFAP1L2	0,00	0,51	0,00	0,00	0,0102518	0,054824
RP11-427P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0102544	0,054824
ECE1	0,29	0,54	0,26	0,16	0,0102707	0,054898
RP11-10A14.5	0,51	0,00	1,39	0,93	0,0102794	0,054931
RHBDF2	2,89	4,38	3,59	3,98	0,010289	0,054966
NSMCE2	4,99	1,92	4,49	4,50	0,0102932	0,054966
MFSD14A	3,86	4,05	3,35	1,46	0,0102934	0,054966
RP11-489M13.4	0,24	0,96	0,53	0,20	0,0102976	0,054967
AGPAT3	3,94	4,69	4,38	3,76	0,0102984	0,054967
ZFP36L2	6,07	6,19	6,41	6,43	0,0103012	0,054969
WNT2B	0,80	0,30	0,33	0,44	0,0103253	0,055073
SAMHD1	8,96	9,08	8,80	8,48	0,0103258	0,055073
DHX37	0,87	1,12	1,20	1,70	0,0103286	0,055075
APBA2	0,00	0,37	0,03	0,23	0,0103367	0,055093
ARIH2OS	2,51	0,53	1,00	4,00	0,0103369	0,055093
ID1	4,89	5,84	5,90	6,35	0,0103537	0,055169
PPA2	7,67	6,51	6,58	6,42	0,0103794	0,055293
COMMD3	7,35	5,61	6,53	5,66	0,0103924	0,055348
CD83	7,63	6,16	7,16	5,75	0,0103956	0,055348
CKB	0,44	0,00	0,53	0,00	0,0103972	0,055348
CTD-3092A11.3	0,00	0,14	0,00	0,11	0,0104098	0,055402
AC007386.2	0,28	0,18	0,25	0,23	0,0104142	0,055412
UPP1	5,10	6,68	6,32	6,23	0,0104356	0,055507
ZNF175	1,63	0,02	0,27	2,74	0,010437	0,055507
GPKOW	1,66	5,96	0,97	0,53	0,0104396	0,055507
IGLON5	0,16	0,96	0,21	0,42	0,0104475	0,055536
FLAD1	5,09	5,03	5,20	5,83	0,0104615	0,055597
CTA-212D2.2	0,00	0,00	0,00	0,22	0,0104653	0,055604
RP11-739B23.1	0,31	0,63	0,09	0,13	0,0104831	0,055685
RP11-846F4.12	0,31	0,79	0,10	0,42	0,01049	0,055704
FGFR1	0,99	1,43	1,33	1,85	0,0104925	0,055704
C1orf43	6,97	6,42	6,12	5,58	0,0104946	0,055704
SNORD104	4,09	3,51	5,09	5,95	0,0104967	0,055704
STOML1	0,51	2,59	0,63	0,58	0,0105013	0,055715
FIS1	6,93	7,26	7,16	7,21	0,0105045	0,055719
RP11-16K12.1	0,06	0,00	0,13	0,14	0,0105149	0,055761
NBR2	1,71	0,77	1,25	0,16	0,0105276	0,055815
PRKCDBP	0,16	5,04	2,78	4,42	0,0105307	0,055818
KCTD13	2,03	0,11	1,58	3,01	0,0105411	0,055856
AC064860.2	0,64	1,09	0,92	1,13	0,0105443	0,055856
CH17-172B3.1	1,17	0,79	1,25	2,76	0,0105455	0,055856
LTB	5,23	5,83	4,62	6,48	0,0105504	0,055858
CAMKMT	3,74	2,25	2,45	1,65	0,0105518	0,055858
TLE3	3,89	4,22	4,56	4,61	0,0105557	0,055858
TMEM91	0,70	3,14	1,95	2,21	0,0105574	0,055858
EFCAB3	2,32	3,57	3,03	1,89	0,0105583	0,055858
DAZAP1	2,78	3,88	3,62	3,12	0,0105702	0,055907
SNAPIN	6,28	3,98	5,08	3,43	0,0105863	0,055979
PPP1R27	0,00	0,80	0,00	0,00	0,0105929	0,056001
RP11-813I20.3	0,00	0,00	0,29	1,16	0,010609	0,05607

RP11-403A3.2	2,55	4,09	1,29	0,00	0,010611	0,05607
C16orf95	0,21	0,75	0,59	0,44	0,0106161	0,056083
LAYN	2,18	0,60	2,77	0,51	0,0106274	0,056111
KRCC1	4,90	1,99	3,63	1,87	0,0106282	0,056111
AC004112.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0106289	0,056111
ZKSCAN7	0,33	0,24	0,09	0,48	0,0106332	0,05612
AKAP13	7,84	7,65	7,62	6,67	0,0106486	0,056172
RP11-554D20.2	0,17	1,28	0,22	0,00	0,0106499	0,056172
RP11-77G23.5	2,39	2,84	3,27	3,32	0,0106507	0,056172
CCDC13	0,71	4,20	1,52	0,55	0,0106634	0,056208
TMEM45A	2,75	3,75	2,78	2,97	0,0106645	0,056208
LY6G5B	1,38	3,17	2,37	3,25	0,0106649	0,056208
IMMT	5,36	3,89	4,99	4,47	0,0106738	0,056241
TMEM266	0,39	1,04	1,08	1,42	0,0106776	0,056248
CLEC4D	0,00	0,00	0,57	1,63	0,0106839	0,056268
PLS1	0,03	0,61	0,25	0,79	0,0106906	0,056284
MAN1A2	3,93	1,82	4,13	4,16	0,010692	0,056284
PRRT2	0,05	0,37	0,09	0,11	0,0107057	0,056342
RP11-540O11.7	3,91	1,88	3,85	2,13	0,0107204	0,0564
ZNF554	0,35	0,74	0,57	0,73	0,0107217	0,0564
RP11-303E16.10	0,04	0,05	0,08	0,10	0,0107328	0,056445
RP11-350G8.5	0,38	0,00	0,67	0,22	0,0107468	0,056505
RP11-661A12.7	0,00	2,24	0,35	0,27	0,0107645	NA
SEC24A	1,93	0,14	2,08	2,21	0,0107886	0,056706
METTL8	3,76	5,13	2,64	1,26	0,01079	0,056706
ADGRG4	0,00	0,36	0,00	0,09	0,0108	0,056745
PSS2	3,70	2,68	1,71	0,83	0,0108115	0,056792
RP11-562A8.4	0,81	0,00	0,00	0,57	0,0108235	0,056841
STXBP1	0,97	0,95	1,21	1,53	0,0108293	0,056847
RP11-809N15.3	0,21	0,14	0,27	0,44	0,0108297	0,056847
RP11-116D2.1	0,08	0,00	0,00	0,08	0,0108388	0,056881
RP11-151A6.6	0,91	1,20	0,75	1,61	0,0108455	0,056903
MT1F	0,00	0,00	0,00	2,31	0,0108519	0,056923
EED	4,83	3,03	3,12	3,47	0,010894	0,05713
KLHL22	2,96	3,34	2,79	0,53	0,0109054	0,057177
CLCN2	0,27	0,51	0,54	0,37	0,0109157	0,057217
SDAD1	4,91	4,33	4,73	2,64	0,0109264	0,057254
TFR2	0,54	3,02	0,55	0,29	0,0109295	0,057254
RP11-152H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0109305	0,057254
LINC00526	0,23	0,22	0,00	0,00	0,0109391	0,057286
RPL9P32	0,00	0,00	0,00	0,35	0,0109416	0,057286
B3GALT6	1,88	0,28	2,51	1,00	0,010961	0,057373
ADH4	0,35	0,68	0,34	1,04	0,0109701	0,057408
TMED2	6,08	5,50	5,69	4,53	0,0109758	0,057411
STAT6	5,52	6,17	5,80	5,44	0,0109759	0,057411
TRIM26	4,26	5,03	3,34	2,58	0,0109817	0,057425
MARCH9	1,69	2,59	2,45	2,66	0,0109837	0,057425
RP11-542K23.7	0,17	0,40	0,00	2,16	0,0109983	0,057488
MAPK1	4,23	1,95	3,62	2,95	0,0110159	0,057566
AC004448.5	0,98	2,62	0,82	0,70	0,0110284	0,057618
C22orf27	1,02	0,98	0,99	1,87	0,0110344	0,057636
MYCBPAP	1,30	3,86	2,77	2,87	0,0110423	0,057663
UHRF2	4,31	4,72	3,23	3,47	0,0110508	0,057684
ZNF888	2,08	2,65	1,05	1,16	0,0110515	0,057684
KRT42P	0,00	0,42	0,00	0,16	0,0110548	0,057688

AP000609.5	0,48	1,26	0,77	2,35	0,0110645	0,057725
CTC-518P12.6	0,00	3,37	0,43	2,75	0,011068	0,05773
EBPL	3,07	2,51	4,28	3,75	0,0110945	0,057842
RHOT2	4,63	4,43	5,46	5,35	0,0110947	0,057842
CD72	5,23	1,91	3,30	1,08	0,0111156	0,05793
RP11-641D5.1	0,00	0,00	0,00	1,87	0,0111168	0,05793
AC079807.4	0,34	3,15	1,06	0,77	0,0111233	0,05795
B4GALNT2	0,94	1,64	1,26	1,72	0,0111479	0,058064
LRP2	0,01	0,01	0,03	0,10	0,0111505	0,058064
RP11-274B21.14	1,72	1,48	4,08	3,50	0,0111604	0,058102
RP11-465B22.3	3,33	0,96	2,79	1,01	0,0111696	0,058137
C8orf82	0,10	0,07	0,34	1,50	0,0112057	0,05831
DUSP6	3,10	3,94	4,75	6,19	0,0112082	0,05831
RP11-163E9.2	0,66	0,00	0,22	1,69	0,0112113	0,058313
RP11-544I20.2	1,14	1,45	1,62	1,18	0,0112221	0,058355
XXbac-BPG171B11.8	0,03	0,33	0,02	0,21	0,0112388	0,058429
ULK4P3	1,34	0,62	1,68	0,00	0,0112417	0,05843
RN7SL405P	4,07	4,46	5,28	4,78	0,0112587	0,058505
PRDM7	0,78	2,58	1,36	1,14	0,0112797	0,0586
LINC00493	6,59	6,94	6,68	6,64	0,011283	0,058604
NEDD4	6,14	6,57	5,76	6,63	0,0112862	0,058606
RP11-41O4.1	0,00	3,56	0,58	1,73	0,0112921	0,058617
THOP1	0,45	0,48	0,54	3,88	0,0112935	0,058617
RNU2-2P	4,70	3,92	5,01	5,51	0,0112976	0,058625
LA16c-431H6.7	0,09	0,12	0,07	0,00	0,0113005	0,058626
DDB1	5,67	6,58	5,52	4,82	0,011306	0,058641
AGBL1	0,02	0,04	0,03	0,05	0,0113492	0,058851
SIRPD	0,00	0,00	0,49	0,20	0,0113634	0,058911
RP5-882O7.5	0,35	0,46	0,47	1,00	0,0113727	0,058945
RNF5	5,34	3,70	5,43	3,65	0,0113794	0,058966
SIDT1	2,89	3,70	2,91	1,82	0,0113851	0,058982
CYP2D7P1	0,00	0,00	1,18	0,69	0,0113889	0,058988
BDH2	2,00	0,00	0,74	0,58	0,0114072	0,059069
KCNJ5	0,33	0,36	0,37	0,57	0,0114105	0,059072
KIAA0930	4,41	4,48	4,90	4,92	0,0114198	0,059107
AC007038.7	1,06	1,77	0,64	1,41	0,0114319	0,059152
ZNF700	3,97	0,44	2,28	1,86	0,0114338	0,059152
SC5D	3,90	0,17	1,58	0,83	0,0114451	0,059197
ZBTB38	3,63	4,70	4,06	2,68	0,0114501	0,059209
IPO7	4,06	2,65	3,44	1,85	0,0114564	0,059228
GABPB1	3,95	1,17	2,59	1,22	0,0114631	0,059236
SIX3	0,19	0,37	0,23	0,52	0,0114635	0,059236
RP11-53O19.1	3,54	3,54	3,28	4,66	0,0114711	0,059262
ZNF767	2,13	4,60	2,48	2,24	0,0114745	0,059266
KNTC1	3,20	2,36	2,51	4,69	0,0114932	0,059348
ACE	0,30	0,25	0,46	0,79	0,0115095	0,059419
HACD1	0,93	3,05	1,38	1,09	0,0115197	0,059458
RP11-161D15.3	0,08	0,00	0,00	0,50	0,0115274	0,059484
CTA-215D11.5	1,19	1,89	0,78	1,03	0,0115488	0,05958
PNPLA7	0,00	0,56	0,07	0,05	0,0115818	0,059737
SLAMF6	0,27	1,08	0,16	0,19	0,0115854	0,05974
ELAVL4	0,06	0,00	0,00	0,00	0,0115895	0,05974
TIMMS50	5,72	5,79	4,90	4,59	0,0115905	0,05974
RP11-93P10.2	1,17	1,82	0,73	2,15	0,0115958	0,059754
NEB	1,03	0,92	0,84	1,37	0,0116006	0,059764

CLEC4C	1,04	0,68	0,55	0,46	0,0116102	0,0598
SPINK9	1,14	1,69	1,73	1,72	0,0116337	0,059902
AC084219.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0116363	0,059902
RBBP8	4,36	2,26	3,18	2,32	0,0116381	0,059902
DUS2	4,56	4,47	2,14	4,02	0,0116473	0,059936
ZMYND10	0,00	3,47	0,05	0,05	0,0116766	0,060072
NWD1	0,10	0,23	0,14	0,18	0,0116918	0,060137
ARGLU1	6,25	6,04	6,24	6,43	0,0116961	0,060144
RP4-620F22.3	0,36	1,12	0,39	1,40	0,0116987	0,060144
CPNE1	7,83	6,53	7,60	6,74	0,0117074	0,060175
DCUN1D2	2,27	3,93	2,46	2,76	0,0117284	0,060268
CTD-2369P2.8	0,34	2,54	1,22	1,64	0,011731	0,060268
IQCK	0,84	3,78	0,96	0,74	0,0117406	0,060304
CHML	3,14	2,46	3,07	1,48	0,0117475	0,060317
TMEM251	3,87	0,34	3,88	0,63	0,0117487	0,060317
CYB5D2	3,05	0,44	0,86	0,57	0,0117584	0,060349
SAP30	1,62	2,03	3,30	3,27	0,0117602	0,060349
WFDC1	0,75	1,04	0,87	1,53	0,0117758	0,060404
SORBS3	2,41	0,32	2,32	2,95	0,0117764	0,060404
SORL1	3,72	4,43	4,36	4,58	0,0117866	0,060442
RP11-258F22.1	1,07	2,25	1,46	1,09	0,0117945	0,060469
ATP6VOC	5,21	4,80	5,27	5,35	0,0118078	0,060523
ZFYVE26	2,13	1,16	1,87	2,05	0,0118141	0,060542
LARS	5,56	6,41	5,47	5,50	0,0118177	0,060546
GSDMD	5,62	4,44	5,86	6,21	0,0118244	0,060566
ADD2	0,27	0,15	0,33	0,23	0,0118503	0,060685
BZW2	5,80	3,53	5,49	5,60	0,0118533	0,060686
AC008985.1	0,44	0,77	0,64	1,11	0,0118646	0,060715
COX6C	8,00	8,35	8,01	8,17	0,0118658	0,060715
MYADML	0,06	0,07	0,10	0,23	0,0118671	0,060715
SCb-64M4.1	0,63	2,05	0,91	1,07	0,011883	0,060782
ZNF425	0,35	2,25	0,57	1,60	0,011904	0,060876
RQCD1	5,72	3,69	4,86	4,42	0,0119127	0,060906
KMO	3,54	2,44	2,17	2,98	0,0119245	0,060953
RP5-902P8.12	0,31	1,63	0,31	0,29	0,0119738	0,061188
C2CD2	2,00	1,04	3,38	1,29	0,0119761	0,061188
C1orf105	0,35	1,07	0,00	0,00	0,0119851	0,06122
CCDC102A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0119976	0,06127
RNU4-2	3,37	3,15	4,42	4,51	0,0120028	0,061282
GPR89A	3,90	2,88	3,51	1,81	0,0120102	0,061306
CAPN1	4,98	4,66	5,56	5,51	0,0120162	0,061323
TNFRSF9	0,62	1,46	1,08	1,07	0,0120243	0,061327
SERPINH1	0,39	0,39	0,46	0,93	0,0120244	0,061327
LGI1	0,27	0,37	0,21	0,55	0,0120253	0,061327
RP11-261C10.3	0,07	0,04	0,03	0,46	0,0120331	0,061352
MPV17	7,31	5,45	6,90	5,07	0,0120453	0,061401
CTD-2545M3.2	2,20	3,89	4,19	4,93	0,0120541	0,061426
CACNB3	0,50	1,03	0,62	1,65	0,0120557	0,061426
KLC4	1,59	2,03	2,83	3,17	0,0120595	0,06143
MRPL48	6,09	7,34	5,16	2,31	0,012062	0,06143
LRRC7	1,55	1,31	0,38	0,03	0,0120689	0,061438
OSBPL11	3,75	2,39	3,18	3,14	0,0120692	0,061438
AP002387.1	0,37	0,08	0,14	0,38	0,0120752	0,061454
SGMS1	2,55	0,31	2,45	2,60	0,012097	0,061544
CCNF	1,17	1,12	1,27	1,52	0,0120984	0,061544

CTLA4	1,02	2,12	0,21	0,00	0,0121054	0,061566
CA2	4,19	1,68	2,13	0,68	0,0121157	0,0616
RP11-374F3.5	0,26	0,00	0,02	0,05	0,0121176	0,0616
RP1-182O16.1	0,00	1,11	0,58	1,44	0,0121263	NA
RP11-588G21.2	0,65	0,72	0,20	1,56	0,0121315	0,061656
RP3-442L6.4	1,01	1,23	1,25	1,55	0,012147	0,061721
DLGAP1	1,10	3,80	1,93	4,08	0,012151	0,061723
KLF3	4,84	4,39	4,88	5,31	0,0121542	0,061723
NPAP1	0,62	0,83	0,68	0,94	0,0121558	0,061723
LSR	0,36	0,31	0,55	1,15	0,0121646	0,061751
FAM225B	0,00	0,05	0,00	0,04	0,0121667	0,061751
ORAI3	3,89	3,19	3,19	4,33	0,0121761	0,061784
ETV3	4,94	2,58	4,34	1,96	0,0121843	0,061811
PCID2	5,18	1,39	3,94	3,58	0,0121872	0,061812
AC074141.3	0,18	0,26	0,20	0,24	0,0122006	0,061866
AC114271.2	0,48	0,00	0,19	0,00	0,0122106	0,061903
ORC6	3,11	4,05	3,54	3,54	0,0122226	0,061949
SWAP70	3,49	3,90	4,06	2,91	0,0122383	0,062014
CDPF1	1,99	0,00	0,31	0,18	0,0122471	0,062039
RP11-566K19.12	0,08	0,00	0,11	0,70	0,0122488	0,062039
CTC-436P18.4	1,43	3,15	1,77	2,72	0,0122643	0,062093
ANKUB1	0,31	1,07	0,43	0,40	0,0122664	0,062093
RP11-1086F11.1	0,12	2,76	0,46	0,58	0,0122691	0,062093
PRKCZ	0,00	1,20	0,18	0,00	0,0122704	0,062093
GPR65	4,67	4,56	3,69	3,88	0,0122851	0,062153
PTTG1IP	6,14	6,12	5,98	5,08	0,0123141	0,062285
PARP15	2,89	1,55	1,40	3,09	0,0123268	0,062311
RP11-3B12.3	0,97	1,41	0,55	1,88	0,0123275	0,062311
HIST2H3A	0,00	0,34	0,00	0,00	0,0123305	0,062311
HIST2H3C	0,00	0,34	0,00	0,00	0,0123305	0,062311
RP11-107E5.4	0,10	0,58	2,46	4,87	0,0123412	0,062351
RP11-810P8.1	1,44	4,50	1,97	1,96	0,012348	0,062372
EVC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0123556	0,062392
THBD	2,72	2,59	0,96	0,28	0,0123626	0,062392
NCEH1	0,61	0,57	1,93	1,97	0,0123626	0,062392
RP11-167N24.3	0,00	1,20	0,00	2,38	0,0123648	0,062392
CTC-304I17.6	0,93	2,49	1,38	2,05	0,0123662	0,062392
TGM2	0,80	0,91	0,91	1,01	0,0123709	0,0624
THSD7A	0,01	0,35	0,00	0,00	0,0123734	0,0624
PPP1CC	5,96	4,09	5,19	5,06	0,0123886	0,062463
RP11-1007O24.2	0,34	0,64	0,64	1,12	0,0124123	0,062568
KSR1	1,15	0,74	1,75	2,90	0,0124194	0,06259
ZCWPW1	2,07	2,64	2,77	3,99	0,0124286	0,062608
SPATA17	1,19	1,71	1,39	1,85	0,0124287	0,062608
AL133249.1	0,00	1,79	0,24	0,00	0,0124464	0,062683
ERC2	0,00	0,18	0,00	0,24	0,0124492	0,062683
RP3-465N24.7	0,50	1,29	0,70	0,75	0,0124568	0,062707
RP11-88E10.4	0,36	1,72	0,39	0,40	0,0124801	0,06281
ACOX3	2,01	4,39	1,14	2,39	0,0124875	0,062833
IQCC	0,25	0,27	0,44	0,68	0,012494	0,062843
RP11-511B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,012495	0,062843
RP5-984P4.6	0,57	0,05	0,67	0,15	0,0125358	0,063015
SLC25A37	4,30	2,62	5,27	4,56	0,0125358	0,063015
CCDC12	6,67	7,39	6,74	7,15	0,012538	0,063015
APOLD1	0,36	1,83	0,73	2,82	0,0125406	0,063015

RP11-724N1.1	1,18	1,51	1,11	1,75	0,0125499	0,063047
AC007250.3	0,71	0,00	0,59	0,29	0,0125574	0,063066
C2orf54	0,07	0,08	0,00	0,54	0,0125594	0,063066
RP11-861A13.5	1,74	0,00	1,28	0,00	0,0125996	0,063254
LINC01132	0,00	0,33	0,00	0,00	0,0126116	0,0633
GNG2	5,86	5,47	5,01	4,96	0,0126186	0,063321
ADARB2	0,01	0,05	0,02	0,26	0,0126529	0,063479
HERC6	2,65	0,42	1,70	1,33	0,0126719	0,06356
RP11-1096D5.1	0,21	0,96	0,26	1,01	0,0126786	0,063573
RP11-499E18.1	0,00	0,38	0,58	1,30	0,0126803	0,063573
NAP1L6	0,00	0,84	0,19	0,22	0,0126841	0,063578
UBXN6	3,91	5,46	4,47	5,02	0,0126941	0,063614
RP4-712E4.4	1,82	2,69	1,88	2,81	0,0127029	0,063644
MRPL49	3,91	4,23	1,63	1,26	0,0127118	0,063674
SDHC	4,68	1,79	4,46	3,09	0,0127181	0,063681
CH507-338C24.1	0,12	0,03	0,27	0,06	0,012719	0,063681
ITPR3	0,00	0,48	0,00	0,02	0,012726	0,063702
SLC22A11	0,37	2,11	0,43	0,24	0,0127293	0,063704
LYN	6,51	6,28	6,15	5,32	0,0127459	0,063773
ANKRD20A2	0,58	0,00	0,02	0,00	0,0127618	0,063838
RP11-3J10.4	0,00	0,25	0,26	0,00	0,0127697	0,063863
AC012368.2	0,00	0,42	0,00	0,00	0,0127736	0,063868
RP11-44N22.3	1,00	1,47	1,09	1,77	0,012788	0,063911
NLRP3	5,27	5,01	6,10	4,78	0,012788	0,063911
RP11-53B2.3	0,62	0,43	1,27	0,67	0,0127971	0,063942
AP3B1	5,50	5,17	4,47	2,53	0,0128171	0,064028
TCF23	0,18	0,56	0,18	0,58	0,0128234	0,064045
CH17-174L20.1	0,00	0,00	0,00	0,92	0,0128286	NA
BTBD7	3,56	2,15	3,12	3,80	0,0128398	0,064113
C6orf89	2,35	2,71	3,66	2,21	0,0128917	0,064357
RP11-814P23.1	3,44	4,04	3,10	2,92	0,0128977	0,064373
CTD-2537I9.18	0,00	0,57	0,13	0,83	0,0129036	0,064388
AC011718.2	0,05	0,00	0,00	0,15	0,0129135	0,064403
DTX4	1,91	0,68	2,05	0,40	0,0129152	0,064403
KCNJ2	0,03	0,05	0,04	0,39	0,0129153	0,064403
RP11-810P12.7	1,37	1,34	2,39	1,96	0,0129277	0,06445
PIK3CB	4,15	5,25	4,58	3,56	0,0129363	0,064466
RP4-621N11.2	0,00	0,00	0,00	0,19	0,0129384	0,064466
EPS15	4,74	6,02	4,12	3,38	0,0129396	0,064466
NDUFS1	4,51	2,57	3,72	2,98	0,0129425	0,064466
RP11-345P4.9	1,25	0,50	1,53	0,55	0,0129544	0,064503
USP19	2,26	4,73	2,57	3,49	0,0129557	0,064503
TTC3	6,31	5,29	5,81	5,02	0,0129698	0,064558
RP11-87C7.3	0,31	0,20	0,19	0,32	0,0129822	0,064606
CHD4	5,51	5,62	6,02	5,77	0,012986	0,06461
FAM13C	0,00	0,63	0,00	0,15	0,0130633	0,06498
TSPAN3	6,04	3,44	5,76	4,21	0,0130664	0,064981
CTD-2587H24.14	0,07	0,33	0,24	0,54	0,0130859	0,065063
BCAS4	0,95	1,15	1,16	1,15	0,0130895	0,065067
RP11-102N12.3	1,00	1,56	2,05	1,67	0,013106	0,065134
MSANTD4	1,58	0,03	1,04	0,27	0,0131257	0,065218
KCNK3	0,07	0,12	0,16	0,27	0,0131657	0,065388
FCGR3A	0,04	0,13	0,07	2,75	0,0131659	0,065388
GLIPR1	7,45	6,85	6,82	5,16	0,01318	0,065443
FAHD2CP	0,25	0,00	2,00	0,10	0,0131887	0,065472

BLOC1S4	0,68	3,22	0,86	1,60	0,0132213	0,065619
ZNF835	0,49	0,21	0,43	0,36	0,0132359	0,065665
PLEKHA7	0,03	0,04	0,04	0,52	0,0132389	0,065665
GLI4	0,95	0,40	2,12	1,58	0,0132394	0,065665
ERCC8	3,07	0,75	2,48	0,93	0,0132492	0,065696
RP11-124M17.1	0,00	0,42	0,00	0,99	0,0132534	0,065696
CSNK1E	3,40	4,21	3,76	4,48	0,0132545	0,065696
CCT2	6,58	6,35	6,48	5,52	0,013259	0,065704
POLA1	1,23	4,84	1,22	1,08	0,0132643	0,065715
FKBP8	1,57	2,97	2,41	2,73	0,0132781	0,065769
RP11-981G7.1	0,14	1,02	0,55	0,30	0,0132931	0,065806
CAPS	1,20	1,05	2,00	2,63	0,0132937	0,065806
TCF7	0,18	1,81	0,32	1,28	0,0132967	0,065806
FGFR1OP	3,93	1,19	3,42	1,78	0,0132974	0,065806
RP11-197L7.3	1,23	1,51	0,69	0,51	0,0133176	0,065891
SIM1	0,01	0,02	0,01	0,05	0,0133392	0,065983
RP11-179F17.5	1,54	0,31	0,00	0,35	0,0133448	0,065988
VPS13A	2,51	2,07	2,42	3,87	0,0133461	0,065988
OR56A4	0,34	0,90	0,30	0,22	0,0133718	0,0661
CYP2C9	1,60	0,00	1,14	1,62	0,0133776	0,0661
MAP7	1,09	1,91	0,53	0,12	0,0133811	0,0661
MX2	6,57	4,42	6,19	6,42	0,0133824	0,0661
PWWP2A	4,00	1,33	4,20	3,86	0,0133856	0,0661
OR5A1	0,71	1,41	0,59	1,01	0,0133906	0,0661
ALOX12P2	0,23	2,46	0,33	0,38	0,0133906	0,0661
SLC35B4	4,03	3,65	1,91	3,07	0,0133926	0,0661
EWSR1	6,30	5,78	5,93	4,91	0,0134046	0,066145
RP11-378I18.9	0,43	2,84	0,37	1,25	0,0134257	0,066234
SAG	0,41	0,91	0,67	0,71	0,0134339	0,06626
ARF4	6,89	6,99	6,50	4,54	0,0134486	0,066318
FIBP	6,99	6,51	6,56	5,70	0,0134683	0,0664
TET3	2,34	1,69	2,74	2,31	0,0134798	0,066443
AC079753.4	0,35	0,24	0,26	0,17	0,0134956	0,066505
CTNNA1	5,79	6,47	5,58	4,48	0,0135032	0,066519
PKHD1L1	0,00	0,04	0,00	0,07	0,0135044	0,066519
STC1	0,02	0,00	0,04	0,06	0,0135277	NA
ARHGAP26	6,13	5,51	6,73	6,47	0,0135335	0,066648
TEP1	3,73	5,82	3,57	4,12	0,0135384	0,066657
RP11-874J12.2	0,40	0,10	0,26	1,65	0,0135423	0,066658
RWDD1	5,10	5,84	4,81	4,14	0,0135446	0,066658
CD2	5,69	5,18	4,89	4,82	0,0135492	0,066666
RP11-667K14.3	1,66	0,00	1,54	0,00	0,0135557	0,066683
ZKSCAN3	0,62	0,67	0,33	0,61	0,0135924	0,066842
LINC00550	0,93	1,97	0,53	1,83	0,0135939	0,066842
FPGS	3,81	4,71	4,60	4,19	0,0136041	0,066877
RP11-69E11.8	0,26	0,00	1,49	0,00	0,0136199	0,066926
GGTA1P	3,69	2,40	3,88	0,78	0,01362	0,066926
MC1R	0,00	0,65	0,00	0,00	0,0136288	0,066929
KIDINS220	4,03	3,24	3,90	4,45	0,0136316	0,066929
EOMES	0,00	1,64	0,00	2,26	0,0136322	0,066929
NUP188	2,65	0,61	3,17	1,79	0,0136328	0,066929
HOOK2	1,98	2,37	2,53	2,68	0,0136399	0,066944
GALNT3	4,81	2,43	3,95	0,92	0,0136418	0,066944
FAM173A	2,63	4,86	4,34	5,08	0,0136461	0,06695
NELFCD	5,47	4,02	4,30	5,18	0,0136504	0,066956

SLCO4A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,013655	0,066959
ZNF852	0,68	0,00	0,05	1,19	0,013657	0,066959
SIN3B	2,57	3,14	2,82	1,73	0,0136639	0,066964
DHX38	4,61	6,59	4,95	5,22	0,013664	0,066964
UBE2S	1,96	1,92	2,83	4,16	0,0136911	0,067078
EPDR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0136933	0,067078
RCN2	4,52	3,44	4,48	0,98	0,0137111	0,067139
PCGF1	4,23	0,21	3,35	2,89	0,0137123	0,067139
TAS2R64P	0,37	0,00	0,08	0,27	0,0137148	0,067139
CCDC22	2,46	5,69	2,40	2,35	0,0137188	0,067144
BPESC1	0,07	0,15	0,07	0,16	0,0137403	0,067234
KCNJ6	0,26	0,39	0,36	0,32	0,013748	0,067257
GPCPD1	5,71	4,82	5,65	5,04	0,0137658	0,067329
RP11-24N18.1	2,84	3,42	3,83	4,08	0,0138026	0,06747
ZRANB2	5,80	4,83	5,29	4,40	0,0138031	0,06747
CTD-3252C9.4	2,42	4,86	3,91	4,67	0,0138036	0,06747
PTGES2-AS1	0,08	0,44	0,31	0,07	0,0138099	0,067486
ZBED5	5,32	2,41	4,05	3,98	0,0138296	0,067567
KANSL3	3,33	2,89	3,55	2,86	0,0138485	0,067645
CHD6	5,26	5,56	5,86	5,57	0,0138554	0,067658
TTC34	0,37	0,74	0,47	0,81	0,0138573	0,067658
AFF2	0,02	0,03	0,01	0,31	0,0138603	0,067658
RP1-265C24.9	1,50	2,56	2,00	2,45	0,0138655	0,067668
SNHG6	5,15	5,85	5,71	5,92	0,0138714	0,067669
CTD-2651B20.6	0,00	2,48	0,33	1,43	0,0138732	0,067669
CTB-184G21.3	1,12	1,81	1,13	1,98	0,0138749	0,067669
TMEM229B	2,43	0,86	1,87	2,68	0,0138811	0,067679
GALNT15	0,04	3,20	0,10	0,01	0,0138829	0,067679
DNAI2	0,02	0,00	0,00	0,00	0,0138883	0,06769
EPHA2	0,00	0,43	0,01	0,00	0,0138974	0,06772
RP11-40217.2	0,00	2,02	0,00	0,00	0,0139012	0,067723
SEL1L3	5,33	2,85	3,37	3,92	0,0139406	0,067901
RP11-638L3.3	0,06	0,00	0,05	0,20	0,0139599	0,067979
HDAC5	3,01	3,44	3,95	3,62	0,0139699	0,068014
LNX2	0,24	0,03	0,51	0,89	0,0139832	0,068063
GSG1	0,50	0,49	0,63	1,10	0,0139893	0,068064
ZFP37	0,03	0,22	0,09	0,19	0,0139895	0,068064
RP11-296A18.5	0,00	0,00	0,32	0,59	0,0140156	0,068172
FKRP	1,70	1,77	2,77	2,76	0,0140177	0,068172
CTB-114C7.4	0,00	0,12	0,03	0,05	0,0140259	0,068197
SUPT20H	4,64	3,40	4,40	2,47	0,0140424	0,068262
CSNK1G2	4,03	4,85	4,63	4,76	0,0140622	0,068325
CTD-3064M3.7	0,00	1,77	0,00	0,00	0,0140638	0,068325
RP11-426D19.1	1,39	2,10	1,83	1,36	0,0140646	0,068325
APOC4	0,00	1,04	0,00	0,00	0,0140687	0,06833
SMAD5	3,32	2,10	2,34	2,73	0,0140765	0,06835
PDE3A	0,05	0,11	0,04	0,15	0,0140789	0,06835
MED31	4,35	1,45	3,52	0,79	0,0141071	0,068467
CD3EAP	0,68	0,49	0,61	1,02	0,014111	0,068467
RP11-669C19.1	0,35	1,74	0,49	1,09	0,0141124	0,068467
RP11-77P16.4	0,23	2,60	1,20	0,61	0,0141252	0,068501
CCR7	0,28	1,10	0,13	0,55	0,0141256	0,068501
C8orf74	0,00	0,00	0,00	0,39	0,0141306	NA
CLNS1A	7,67	8,14	7,32	6,23	0,0141713	0,068708
RP11-296A18.3	2,23	2,28	2,34	1,60	0,0141744	0,068708

DNAH17	0,86	2,28	1,36	2,24	0,0141859	0,068749
EEF2K	2,00	0,31	1,36	0,85	0,0141952	0,068779
LAMTOR3	6,01	4,22	4,80	3,57	0,0142134	0,06883
RP11-791G15.1	0,07	0,57	0,33	0,09	0,0142141	0,06883
SEPW1	6,86	7,42	6,85	7,30	0,0142151	0,06883
RP11-141M1.4	4,07	0,42	3,35	1,39	0,01422	0,068839
NOVA1	0,10	0,17	0,16	0,29	0,0142465	0,068952
SMIM14	6,20	4,39	5,30	4,95	0,0142499	0,068953
POLR2C	4,55	3,29	3,02	1,31	0,0142649	0,069011
NPAT	3,68	5,40	3,38	4,16	0,0142778	0,069058
SLC30A3	0,16	0,95	0,16	0,23	0,0142811	0,069059
RP11-186N15.3	0,73	0,99	0,70	1,53	0,0142954	0,069107
BCL11B	0,04	3,09	0,00	1,39	0,014299	0,069107
TMCO1	6,29	5,73	5,92	5,13	0,0143003	0,069107
RP11-5407.11	0,00	0,46	0,82	0,51	0,0143106	0,069142
TRMT61B	2,93	1,51	3,01	0,41	0,0143184	0,069165
RP11-514P8.12	3,65	4,80	3,44	2,82	0,0143232	0,069173
ANKRD39	4,40	2,83	1,80	1,14	0,0143372	0,06922
RALY	5,68	6,02	5,72	4,52	0,0143391	0,06922
RP5-1057J7.8	0,36	1,42	0,41	0,34	0,0143528	0,069242
HTR1D	0,10	0,31	0,24	0,24	0,0143539	0,069242
ASB18	0,41	0,33	0,53	0,81	0,0143551	0,069242
MBTPS1	4,26	4,41	4,98	5,40	0,0143562	0,069242
RGS2	10,35	9,78	9,74	8,97	0,0143596	0,069243
RP5-118517.1	0,47	3,02	0,44	0,41	0,0143714	0,069281
RP11-46107.1	0,89	2,26	0,71	1,34	0,0143768	0,069281
NUP88	4,54	2,82	5,12	4,61	0,0143772	0,069281
TCF7L2	0,25	0,16	0,78	3,26	0,01438	0,069281
CCNG1	5,94	5,86	5,00	2,14	0,0143937	0,069332
HUNK	0,21	0,42	0,29	0,34	0,0144014	0,069354
RP11-554D14.6	2,28	4,26	2,10	1,29	0,0144103	0,069382
LINC00581	0,00	0,00	0,29	0,59	0,0144341	0,069482
ZNF491	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0144413	0,069494
RP11-475J5.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0144429	0,069494
RP1-240K6.5	0,00	0,00	0,00	0,50	0,0144633	0,069564
PAX3	0,00	1,55	0,05	0,15	0,0144647	0,069564
HCAR2	0,08	2,58	1,66	4,04	0,0144695	0,069564
PRICKLE2	0,52	0,87	0,80	0,95	0,0144699	0,069564
LPP	4,46	2,30	5,20	2,90	0,0144794	0,069595
RP11-154H23.3	1,16	0,11	0,38	0,61	0,0144855	0,069609
UBL4A	2,48	0,17	1,13	0,24	0,0144946	0,069637
TBC1D15	4,98	3,09	4,14	3,55	0,0145084	0,069649
NME9	0,12	0,14	0,48	2,27	0,0145089	0,069649
CYP4F22	0,00	0,00	0,00	0,15	0,0145093	0,069649
SAC3D1	0,23	1,03	0,58	2,93	0,0145097	0,069649
ARHGEF4	0,14	0,32	0,22	0,20	0,0145197	0,069683
AUTS2	2,96	1,80	2,26	1,37	0,0145474	0,0698
RP11-22011.1	3,91	1,14	3,31	2,03	0,0145606	0,069836
AP000936.1	4,54	5,52	5,14	2,34	0,0145611	0,069836
CTD-2510L9.1	0,42	3,22	0,54	1,51	0,0145671	0,06985
RP11-3B7.6	0,00	0,00	0,00	0,98	0,0145756	NA
TSPAN5	0,07	0,26	0,06	0,49	0,014577	0,069882
SPTLC1	5,38	2,34	4,52	5,12	0,0145968	0,069962
GPR161	0,02	0,03	0,05	0,10	0,0146122	0,07002
CYB5B	5,06	3,23	4,00	3,95	0,0146199	0,07004

DCP1A	4,42	3,45	3,50	2,22	0,0146232	0,07004
PCDH15	0,15	0,78	0,12	0,10	0,0146257	0,07004
FAM132B	0,19	0,24	0,32	0,62	0,0146466	0,070125
RP11-2711.2	2,92	4,28	4,16	4,78	0,0146548	0,070149
RP11-294J22.6	4,64	4,43	4,79	0,00	0,0146631	0,070174
IL16	6,21	5,24	5,53	4,19	0,0146719	0,070188
ZHX1	3,42	1,59	3,04	4,08	0,0146724	0,070188
BCL2L2	1,53	3,51	0,91	0,21	0,0146811	0,070215
TMEM210	0,19	1,00	0,38	0,81	0,0146923	0,070249
KLF15	0,05	0,20	0,10	0,12	0,0146945	0,070249
TSFM	4,63	4,04	2,57	0,52	0,0147204	0,070347
OR51E2	0,35	0,35	0,19	0,62	0,0147217	0,070347
RP1-69M21.2	0,37	1,47	0,27	0,52	0,0147254	0,070347
TRIM69	3,97	1,72	3,38	1,78	0,0147277	0,070347
RP11-473C18.6	0,00	0,00	0,00	0,51	0,0147471	0,070411
TRMT13	3,97	0,71	2,53	3,60	0,0147507	0,070411
ZNF224	3,65	3,29	2,79	4,18	0,0147524	0,070411
INIP	4,51	5,02	3,40	4,16	0,0147539	0,070411
MKNK2	4,11	4,41	4,95	4,28	0,0147648	0,070448
RP11-927P21.2	0,60	0,35	1,35	1,85	0,0147883	0,070545
RP11-190A12.7	0,02	0,07	0,02	0,01	0,0148054	0,070599
SMURF2	4,07	3,24	3,32	1,69	0,0148059	0,070599
RP11-592N21.1	0,34	1,30	0,73	0,39	0,0148103	0,070605
CTD-2183H9.4	0,00	0,14	0,00	0,00	0,0148196	NA
MAP4K1	6,60	6,68	6,99	6,57	0,014823	0,07065
KLHDC2	5,03	4,01	2,47	2,16	0,0148556	0,070771
FAM206A	4,61	2,81	3,69	1,78	0,0148574	0,070771
WDFY3-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0148579	0,070771
RNPC3	3,98	2,90	4,05	2,91	0,0148987	0,07095
RP11-287F9.2	0,00	0,00	0,55	0,21	0,0149488	0,071173
MKI67	1,67	0,16	0,49	0,03	0,0149608	0,071201
NAPSB	9,86	9,63	9,58	8,94	0,014962	0,071201
RP11-474B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0149642	0,071201
USP27X	0,09	0,11	0,15	0,36	0,014974	0,071232
UBE2O	1,14	3,30	1,20	1,54	0,0149938	0,071311
IMPG2	0,02	0,65	0,03	0,05	0,0150143	0,071393
AC107081.5	1,18	1,37	1,55	0,93	0,0150297	0,071449
RN7SL460P	0,41	2,87	1,20	3,14	0,0150325	0,071449
RN7SL454P	0,00	0,00	0,00	1,11	0,0150865	0,071663
LPXN	7,55	5,75	6,53	6,51	0,0150879	0,071663
ABCF1	4,31	3,33	4,61	4,67	0,0150886	0,071663
RP11-87G24.2	0,09	0,09	0,21	0,32	0,0150953	0,071663
ACOT7	1,81	0,37	0,82	0,63	0,0150958	0,071663
DHTKD1	2,54	1,19	2,43	1,11	0,0150967	0,071663
SLC16A7	4,08	2,26	3,60	2,65	0,0151061	0,071692
SPTSSA	2,67	1,25	1,29	1,71	0,0151237	0,07176
TMEM8A	3,21	0,26	3,35	3,52	0,015133	0,071789
RP13-371D18.2	0,67	0,00	1,19	0,35	0,015154	0,071873
BCDIN3D	1,18	1,60	1,63	1,84	0,0151789	0,071975
C11orf65	0,85	0,00	0,16	0,50	0,0151819	0,071975
SS18L1	1,64	0,86	2,37	2,15	0,0151932	0,072013
HIST1H2AG	0,50	0,13	0,30	0,21	0,0152039	0,072041
IGHEP2	4,63	0,46	0,56	0,77	0,0152056	0,072041
CD55	7,58	6,26	6,75	6,36	0,0152116	0,072046
RN7SL474P	1,08	1,86	1,22	1,89	0,0152131	0,072046

RP11-4L24.4	0,11	0,46	0,11	2,22	0,0152205	0,072063
ZNF599	0,45	0,45	0,31	0,44	0,0152232	0,072063
PPP1R35	1,91	3,87	2,95	3,10	0,0152333	0,072095
RGS19	6,84	5,39	6,33	5,63	0,0152391	0,072108
AC006262.5	0,95	2,68	1,17	1,93	0,0152503	0,072145
MCF2L	0,29	1,18	0,23	0,26	0,0152711	0,072228
PDE4B	4,75	3,82	4,64	2,46	0,0152844	0,072276
RIPPLY3	0,26	0,97	0,34	0,50	0,0153012	0,072339
SESTD1	4,46	0,97	3,82	4,59	0,0153042	0,072339
PPP1R42	0,00	0,51	0,00	0,48	0,0153192	0,072375
SNHG3	4,91	5,22	4,12	3,81	0,0153222	0,072375
KLHL29	0,34	0,00	0,10	0,00	0,0153234	0,072375
AURKAPS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0153272	0,072375
PLBD1	6,69	4,12	6,43	5,28	0,0153283	0,072375
AGK	3,57	4,47	2,18	3,67	0,0153332	0,072383
ZSCAN32	0,63	3,17	0,38	2,16	0,0153395	0,072397
FAM227A	0,22	0,74	0,42	0,33	0,0153451	0,072397
CH17-84K15.2	4,71	2,88	4,86	4,84	0,0153491	0,072397
VASP	5,21	5,45	5,62	6,00	0,0153492	0,072397
RP11-196G11.2	1,37	2,71	2,02	1,70	0,015358	0,072417
RP11-196G11.5	3,55	0,99	3,03	2,98	0,01536	0,072417
VSX1	0,00	0,07	0,00	0,12	0,0153833	NA
MAL	0,00	1,05	0,00	1,64	0,0153873	0,072531
RP11-661C3.2	0,00	0,81	1,56	0,00	0,0154009	NA
MORC1	0,00	1,49	0,00	0,00	0,0154493	0,072808
BOC	0,04	0,02	0,07	0,11	0,0154583	0,072834
RP11-110I1.6	0,36	3,33	1,56	2,18	0,0154686	0,072868
BRD9	3,85	4,96	4,40	5,02	0,0154819	0,072915
SREBF1	1,07	4,22	1,64	2,31	0,0155384	0,073166
ACIN1	3,28	3,91	4,10	4,40	0,0155463	0,073187
CD86	7,65	6,95	7,10	6,65	0,0155767	0,073315
RP11-338I21.1	0,14	0,12	0,34	0,72	0,0156	0,073409
CEACAM1	0,38	0,41	0,50	0,86	0,0156089	0,073435
GPAM	0,50	0,04	0,60	0,22	0,015614	0,073444
ABCC1	2,52	2,81	2,44	2,96	0,0156288	0,073488
GNS	3,97	3,19	4,21	4,86	0,0156329	0,073488
ELAVL1	3,17	4,51	3,65	3,55	0,0156396	0,073488
TM9SF2	6,55	5,81	5,68	5,14	0,0156396	0,073488
RPH3A	0,49	0,69	0,92	1,18	0,0156425	0,073488
MAP7D1	4,53	5,30	4,96	4,93	0,0156473	0,073488
ZFP1	0,04	0,81	0,10	0,10	0,015648	0,073488
TRAPPC3L	2,13	2,99	1,90	3,10	0,0156511	0,073488
BPIFB1	0,06	0,28	0,25	0,29	0,0156532	0,073488
ANO10	3,02	0,14	2,50	1,13	0,0156602	0,073505
ZNF605	2,14	0,51	1,00	0,96	0,0156665	0,073519
CAMK2D	3,56	1,85	4,09	4,69	0,0156732	0,073534
C15orf48	3,33	0,73	1,90	0,00	0,0156763	0,073534
PIK3C2G	0,48	0,26	0,00	0,06	0,0156824	0,073535
RP11-983P16.4	2,49	0,49	1,88	0,64	0,0156831	0,073535
CH17-264B6.1	0,11	2,59	0,06	0,04	0,0156879	0,073542
MERTK	0,00	0,00	0,00	1,12	0,0156957	0,073563
AC087859.1	2,01	3,16	1,86	2,45	0,0157095	0,073612
ZADH2	3,30	1,89	2,19	2,85	0,0157128	0,073612
SLC10A7	2,85	0,50	1,43	0,51	0,0157169	0,073616
AC017099.3	3,96	4,67	3,43	3,45	0,0157264	0,073645

GABARAPL2	8,04	6,78	7,35	6,81	0,0157323	0,073654
SRP14	8,43	7,59	8,19	7,20	0,0157348	0,073654
CDH23	2,78	2,53	2,48	3,60	0,0157679	0,073787
NKRF	2,49	2,05	1,95	0,17	0,0157704	0,073787
ZC3H12D	1,33	2,00	1,27	1,20	0,0157761	0,073787
CTD-2647L4.5	0,00	2,12	1,79	1,34	0,0157819	0,073787
ASB15	0,00	0,05	0,00	0,03	0,0157827	0,073787
STT3A	4,72	1,97	4,14	4,48	0,0157832	0,073787
CD302	5,27	4,61	4,91	3,93	0,0158003	0,073851
RP11-33O4.2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0158063	0,073864
RP11-139I14.2	0,20	0,17	0,13	0,33	0,0158215	0,073919
RP3-337H4.8	0,43	1,43	0,54	0,85	0,0158252	0,073921
RP11-30K9.6	1,02	2,03	1,08	1,55	0,015833	0,073942
APOD	0,18	0,14	0,06	0,00	0,0158606	0,074055
PEG13	0,00	3,94	0,00	0,00	0,0158788	0,074125
RHOF	4,74	3,55	3,82	1,92	0,0158939	0,074176
GRASP	4,15	5,37	5,19	4,06	0,0158965	0,074176
MROH2A	0,00	1,26	0,00	0,00	0,0159027	0,074184
RP3-347M6.1	0,69	0,48	1,21	0,80	0,0159049	0,074184
C1QTNF2	0,04	0,00	0,10	0,19	0,0159086	0,074186
CELF2	6,28	5,45	6,08	5,38	0,0159183	0,074215
CLEC17A	2,37	0,39	1,40	0,42	0,0159246	0,074229
RP11-110L15.2	0,00	0,41	0,00	0,43	0,0159282	0,07423
RP11-269F21.1	0,84	5,23	0,92	1,74	0,0159373	0,074257
AMMECR1	2,04	3,69	2,08	2,10	0,0159662	0,074376
ZNF251	0,29	1,72	0,73	0,36	0,0159818	0,074433
RN7SL567P	0,00	0,00	0,76	0,00	0,0159925	0,074467
GLYR1	3,67	3,61	4,40	3,70	0,0160197	0,074579
ITIH5	0,43	0,75	0,58	1,15	0,0160315	0,074606
TSPYL5	0,57	0,03	0,17	0,05	0,0160323	0,074606
MED15	4,53	4,92	5,03	5,07	0,0160365	0,07461
FAM117B	3,60	0,78	2,67	1,67	0,0160544	0,074677
EVI5L	0,43	0,32	0,28	0,66	0,016068	0,074725
GSTO2	1,13	1,89	1,52	1,60	0,0160976	0,074847
RP11-481I13.1	0,08	0,43	0,02	0,11	0,0161071	NA
CLN5	4,35	4,67	4,49	5,13	0,0161117	0,074922
ARFGAP1	2,90	3,48	3,81	4,22	0,0161283	0,074958
RP11-305I9.1	4,39	0,68	4,48	2,47	0,0161324	0,074962
EHF	2,24	0,00	0,00	0,00	0,016146	0,075005
CELA3B	1,12	0,60	0,96	0,75	0,0161483	0,075005
GAN	1,20	0,61	0,77	0,32	0,0161597	0,075041
RP11-110I1.11	0,64	1,18	1,15	1,46	0,016179	0,075116
RP11-152D8.1	0,00	0,12	0,31	0,42	0,0161867	0,075136
RP11-15H20.5	0,25	0,34	0,38	0,95	0,0161966	0,075166
RP11-275I4.2	1,90	3,41	2,05	3,18	0,0162	0,075166
HBEGF	5,01	5,70	6,06	5,41	0,0162045	0,075171
RP5-882C2.2	2,96	2,12	1,86	2,07	0,0162196	0,075226
RP11-73M11.2	0,28	1,23	0,53	2,59	0,0162292	0,075254
ENOX1	0,08	0,14	0,07	0,13	0,0162386	0,075282
SUMO2	7,72	7,17	7,46	6,98	0,0162425	0,075285
RP11-417O18.1	1,73	2,01	2,09	2,50	0,0162533	0,075319
RN7SL131P	1,60	3,08	1,76	3,14	0,0162639	0,075352
NAV2	0,00	0,90	0,00	1,69	0,0162753	0,075389
LTBP3	1,41	2,10	2,53	0,96	0,0162786	0,075389
CCPG1	4,27	3,56	4,80	5,01	0,0162835	0,075395

LRIG2	1,55	0,97	1,99	1,77	0,0162898	0,075395
RP11-133K1.7	0,05	0,15	0,04	0,07	0,01629	0,075395
PCAT1	1,09	1,15	1,84	2,98	0,0163018	0,07542
RP11-13J8.1	0,35	0,36	0,54	0,87	0,0163027	0,07542
CTC-260E6.3	0,61	2,62	0,57	0,41	0,0163057	0,07542
ARMCX5	1,96	0,24	0,52	0,80	0,0163136	0,075441
CTD-2339L15.3	0,00	0,88	0,46	0,37	0,0163496	0,075592
C5orf34	0,00	1,00	0,02	0,16	0,0163775	0,075679
RP11-54G14.1	1,64	1,60	2,25	2,34	0,0163789	0,075679
NXNL2	2,61	4,80	2,90	3,61	0,0163801	0,075679
MTMR11	4,05	5,76	5,34	5,38	0,0163822	0,075679
CNTNAP3B	0,22	1,60	0,23	0,95	0,0163856	0,07568
RP11-621K7.1	1,57	1,67	1,69	2,43	0,0164036	0,075731
CFAP69	1,62	1,77	2,04	2,07	0,0164036	0,075731
NBEAL2	0,96	0,81	2,49	3,30	0,0164258	0,075787
TRIT1	5,08	2,54	4,83	2,29	0,0164267	0,075787
WASHC5	4,93	0,47	4,19	4,11	0,0164279	0,075787
TRIM71	0,03	0,02	0,04	0,20	0,0164293	0,075787
RP11-108M9.4	4,17	5,09	4,53	4,79	0,0164337	0,075791
RP11-383M4.6	0,57	0,79	1,10	1,50	0,0164443	0,075824
CCR4	0,33	0,37	0,29	0,55	0,01645	0,075829
IREB2	4,88	5,61	4,27	4,16	0,0164521	0,075829
FBXO18	4,33	3,11	4,97	4,88	0,0164565	0,075833
ANGEL2	4,79	1,82	4,25	3,59	0,0164617	0,075842
PEAK1	1,84	3,16	2,14	1,97	0,0164723	0,075875
RP11-251G23.5	0,23	0,25	0,56	0,87	0,0164769	0,075881
CTD-2050E21.1	0,61	1,18	0,69	1,33	0,0164806	0,075882
LEKR1	6,04	3,95	5,96	6,12	0,0164968	0,075933
RP11-420L9.4	1,05	2,46	1,45	1,83	0,0164986	0,075933
RP11-705C15.3	1,85	0,87	0,65	0,53	0,0165147	0,075992
OPRK1	0,00	0,00	0,06	0,05	0,0165216	0,076003
KB-1608C10.2	0,07	1,45	0,60	0,88	0,0165241	0,076003
KRTCAP2	6,83	6,77	7,07	7,02	0,0165509	0,076111
MARK2	0,91	1,52	1,81	1,49	0,0165564	0,07612
RP11-832A4.5	2,15	2,18	5,08	0,00	0,0165631	0,076122
RP11-796I2.2	3,04	0,85	2,95	3,22	0,0165639	0,076122
KLRK1	1,10	6,39	1,19	3,19	0,0165671	0,076122
RP11-329B9.1	0,10	0,40	0,19	0,24	0,016577	0,076152
RP5-951N9.1	0,00	0,00	0,00	1,20	0,0166291	0,076376
RGS12	2,85	2,04	2,39	4,31	0,0166644	0,076522
IDS	6,35	7,16	6,58	5,77	0,0166713	0,076538
CTD-3222D19.12	0,23	0,68	0,45	0,33	0,0167178	0,076736
PPFIBP2	2,05	4,73	3,56	3,22	0,0167378	0,076812
TSPAN14	3,36	1,44	2,85	4,06	0,0167485	0,076845
IKBIP	2,72	3,30	3,20	2,93	0,0167753	0,076941
RP11-360L9.8	2,95	4,43	3,61	3,24	0,0167764	0,076941
RP11-116G8.4	0,00	0,03	0,02	0,00	0,0167794	NA
PITRM1	4,97	2,80	4,78	4,86	0,0167827	0,076947
VPS8	4,62	4,64	4,53	4,43	0,0167847	0,076947
ENTPD1	5,74	4,27	5,63	4,26	0,0167989	0,076997
RP11-147L13.15	1,44	0,39	1,99	1,94	0,0168689	0,0773
CTC-548K16.6	0,41	1,45	0,95	1,07	0,0168722	0,0773
MNDA	7,72	7,31	7,59	8,10	0,0168765	0,077304
RNU5A-1	5,37	3,09	6,40	6,38	0,0168903	0,077351
LILRA1	5,42	2,15	4,73	3,17	0,0169061	0,077408

TRAF3	1,99	2,60	2,96	4,19	0,0169468	0,077578
RP11-3A3.1	0,88	2,98	1,20	1,55	0,0169565	0,077607
RNASP282	0,00	0,00	2,93	0,00	0,0169678	0,077643
RN7SL834P	3,15	1,79	2,03	0,00	0,0169956	0,077739
RP11-681B3.4	0,19	0,37	0,13	0,25	0,0169967	0,077739
ANKRD1	0,00	0,07	0,02	0,00	0,0170007	NA
POR	4,78	5,57	5,48	6,15	0,0170022	0,077739
MUC4	0,00	0,04	0,00	0,01	0,0170029	0,077739
CDON	0,07	0,07	0,12	0,61	0,0170106	0,077758
RP11-44I10.3	1,65	0,00	3,06	0,00	0,017023	0,077799
CTC-539A10.7	0,43	0,90	0,45	0,35	0,0170536	0,077923
GRM8	0,00	4,07	0,00	0,00	0,0170615	0,077943
RP11-354P11.3	0,00	1,16	0,39	0,45	0,0170691	0,077961
BRAT1	2,75	3,53	3,51	3,55	0,0170811	0,078
RIMS1	0,03	0,00	0,02	0,03	0,0170934	0,078037
PRPSAP2	5,15	2,75	3,36	3,06	0,0170985	0,078037
BCKDHA	5,56	6,01	5,75	6,30	0,0171038	0,078037
VPS4A	3,33	4,50	3,92	3,16	0,0171038	0,078037
HUS1	4,79	2,15	3,58	4,74	0,0171067	0,078037
SERF1B	2,81	4,20	2,77	1,86	0,0171149	0,078058
PRKRIP1	3,03	0,74	3,77	3,63	0,0171358	0,078135
KIAA0586	3,61	4,32	2,78	2,15	0,0171388	0,078135
PPP1R12A	6,25	6,52	5,53	5,82	0,0171525	0,078182
RN7SL670P	0,81	2,14	2,37	1,97	0,0171602	0,078201
N4BP2L1	5,91	5,58	5,09	3,50	0,0171913	0,078327
GAPDHP72	0,06	1,35	0,23	0,15	0,0172049	0,078361
RP11-423H2.1	4,07	0,83	2,98	2,16	0,017206	0,078361
ERG	0,00	0,00	0,00	2,38	0,0172108	0,078367
RP5-961K14.2	0,47	0,91	0,65	1,02	0,0172218	0,078401
ATP1A2	0,02	0,34	0,01	0,03	0,0172418	0,078476
BRD8	3,08	2,70	3,57	3,48	0,0172546	0,078518
RP11-650L12.2	0,00	0,08	0,10	0,07	0,0172658	0,078553
CTC-301O7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0173086	0,078732
MALSU1	4,92	0,98	5,27	4,52	0,0173265	0,078782
RP11-51J9.4	0,56	1,11	1,08	2,25	0,0173297	0,078782
PSMD3	3,46	1,37	3,08	1,34	0,0173302	0,078782
RP11-25K21.1	0,00	1,40	0,73	0,96	0,0173522	0,078866
SRSF1	5,66	3,98	4,98	4,03	0,0173843	0,078995
RP11-357C3.3	1,77	0,24	1,82	0,91	0,0173891	0,079001
CTD-2621I17.6	1,39	0,45	0,99	0,00	0,0174001	0,079012
DIS3L	4,13	2,44	2,76	2,00	0,0174019	0,079012
HBS1L	4,57	2,50	4,00	1,92	0,0174023	0,079012
TRIP12	4,97	3,44	5,11	6,04	0,0174189	0,07907
PPP1R3E	2,08	0,35	2,18	2,73	0,017422	0,07907
GBAS	6,29	5,19	5,56	4,90	0,0174306	0,079084
TLCD1	0,31	0,00	1,01	1,21	0,0174323	0,079084
AC138972.2	0,00	0,00	0,09	0,00	0,0174415	0,07911
TSPAN32	6,24	4,32	6,23	6,19	0,0174598	0,079173
ZYG11B	1,85	2,97	2,38	1,70	0,0174626	0,079173
FOLH1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,0174779	0,079226
CCDC144NL	0,00	0,00	0,00	1,90	0,0174884	0,079258
ALG11	3,06	2,19	2,81	1,77	0,0175071	0,079326
PLEKHF1	0,00	0,00	0,00	0,13	0,0175208	0,079372
RPL10	11,73	11,93	11,77	11,41	0,0175727	0,079579
PARP16	1,01	0,00	1,47	0,36	0,0175737	0,079579

RP11-553P9.2	0,83	2,62	0,78	1,67	0,0175842	0,079611
CNOT10	4,68	2,33	3,75	3,11	0,0176073	0,07969
RP11-281A20.3	0,20	0,53	0,56	1,97	0,0176089	0,07969
RP3-329A5.4	0,02	0,15	0,17	0,52	0,0176276	0,079758
DCUN1D3	0,86	1,34	1,21	1,30	0,0176333	0,079768
RP11-267A15.1	0,11	0,43	0,17	0,47	0,0176406	0,079773
MIR3128	6,74	0,00	6,87	6,20	0,0176416	0,079773
RP11-203J24.9	0,00	0,73	0,31	1,76	0,0176783	0,079909
AP5M1	3,96	1,32	3,03	1,55	0,0176788	0,079909
AASS	0,00	0,08	0,00	0,09	0,0176931	0,079957
SCFD2	3,86	0,79	3,14	0,94	0,0177253	0,080086
CACNA2D4	2,05	4,48	2,45	4,78	0,0177422	0,080136
RP3-468O1.4	1,14	0,00	1,39	2,83	0,0177434	0,080136
VTRNA1-1	0,00	4,02	1,87	3,20	0,0177566	0,080161
SPAG5-AS1	1,93	3,28	2,95	0,65	0,0177571	0,080161
SPCS1	7,55	6,19	7,29	7,02	0,0177598	0,080161
APOL6	3,02	1,90	3,05	3,16	0,0177816	0,080228
RP11-565F19.2	0,34	0,13	0,34	0,63	0,0177819	0,080228
RP11-315I20.1	2,62	4,15	3,10	4,26	0,0178008	0,080297
SCLT1	4,78	3,11	4,50	4,07	0,0178121	0,080332
RP11-14J7.6	0,00	0,21	0,00	0,08	0,0178217	0,080359
RP11-626G3.1	0,44	0,48	0,51	1,13	0,017838	0,080416
JAG2	0,00	0,00	0,00	0,02	0,0178579	0,080489
ARIH1	5,28	7,06	5,34	2,48	0,0178788	0,080567
RP3-522P13.1	0,43	0,43	0,41	0,00	0,0179042	0,080665
PKN2	4,80	3,00	4,73	3,52	0,0179189	0,080715
RP11-916O13.1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,0179367	NA
PLBD2	3,05	0,68	2,99	2,31	0,0179391	0,08079
RP11-569G13.2	1,18	1,06	1,69	1,91	0,0179479	0,080799
SETX	5,29	4,29	4,29	4,50	0,0179485	0,080799
RP11-887P2.1	1,31	1,14	1,71	1,61	0,0179525	0,080801
AP006621.5	0,00	1,03	1,96	1,25	0,0179617	0,080824
RP11-58K22.4	0,00	0,00	0,00	0,36	0,017965	0,080824
PSD3	0,26	0,62	0,40	0,85	0,017986	0,080903
ANKRD19	0,44	0,53	1,02	0,72	0,01799	0,080904
RP11-314D7.2	2,32	3,11	3,28	3,27	0,0179957	0,080913
PHACTR1	6,49	5,48	6,34	5,07	0,0180085	0,080929
TFAP4	0,79	0,92	1,02	1,27	0,0180098	0,080929
MPEG1	6,34	6,39	6,67	6,35	0,0180143	0,080929
RP11-251P6.1	0,27	0,31	0,28	0,24	0,0180167	0,080929
FEM1C	2,75	0,77	1,82	1,91	0,0180175	0,080929
SCCPDH	1,72	0,21	0,36	0,44	0,018069	0,081144
RP11-791G16.2	0,00	0,16	0,00	0,16	0,0180738	NA
CTD-2301A4.3	3,01	1,08	2,02	1,53	0,0180813	0,081183
CLUH	0,18	0,58	0,45	0,25	0,0181091	0,081275
FGF11	0,26	0,50	0,85	0,36	0,0181133	0,081275
HDAC1	5,46	4,56	4,49	4,44	0,0181145	0,081275
TBC1D26	0,00	2,49	0,00	0,00	0,0181164	0,081275
NEK7	4,17	3,72	3,78	1,54	0,0181341	0,081338
RP11-397G17.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,0181457	0,081367
RP11-159F24.2	1,02	2,82	1,18	2,88	0,0181496	0,081367
ZNF23	0,26	0,55	0,76	0,89	0,018155	0,081367
CALM1	9,47	8,71	9,21	8,35	0,0181552	0,081367
IDH3G	7,05	6,24	6,18	5,83	0,0181775	0,081446
CTD-2165H16.4	0,03	0,05	0,03	0,00	0,0181801	0,081446

EBAG9	4,74	1,29	2,89	3,08	0,0181915	0,08148
SNRNP25	6,15	2,81	5,06	4,69	0,0182055	0,081527
INVS	2,68	0,00	1,13	0,63	0,0182094	0,081528
ATP8B1	2,46	1,20	1,74	1,53	0,0182396	0,081646
FAM229B	0,36	0,06	0,37	0,16	0,0182605	0,081724
DIAPH1	6,57	6,32	6,78	6,65	0,0182802	0,081796
F2RL1	0,06	0,22	0,04	0,05	0,0182912	0,081828
RIC1	2,89	1,50	2,99	2,18	0,0183097	0,081859
C1QTNF1	0,02	0,26	0,31	0,50	0,0183131	0,081859
DHX40	3,39	0,93	3,07	3,44	0,0183132	0,081859
SMG7	4,48	2,33	4,16	2,81	0,0183162	0,081859
RP11-1275H24.1	0,17	0,26	0,15	0,24	0,0183196	0,081859
CTD-2507G9.1	0,41	1,23	0,87	1,42	0,0183201	0,081859
CBLB	4,18	3,51	2,83	2,87	0,0183382	0,081923
RP11-284G10.1	0,20	0,00	0,00	0,14	0,0183607	0,082007
PTPRCAP	3,19	5,07	0,86	4,48	0,0183643	0,082007
MAP1LC3B	6,48	5,15	6,00	5,54	0,0183772	0,082048
RAD51AP1	0,14	0,34	0,15	0,00	0,0183877	0,082078
CH17-76K2.6	0,75	1,54	1,19	1,06	0,0184168	0,082181
SSX3	0,00	0,34	0,07	0,00	0,0184216	0,082181
GZMA	0,27	6,41	0,39	5,16	0,0184254	0,082181
RP11-317C20.9	0,31	0,10	0,26	0,76	0,0184289	0,082181
PIK3R6	2,35	0,96	1,86	0,77	0,0184294	0,082181
TSC22D1	3,31	4,07	2,09	0,34	0,0184367	0,082198
ATP2B1	7,23	6,07	7,08	6,12	0,0184584	0,082278
ZDHHC11B	0,00	2,52	0,00	0,00	0,018475	0,082335
REXO1L6P	0,00	3,40	0,00	0,00	0,0184953	0,082405
DCLRE1A	0,06	0,00	0,09	0,00	0,018498	0,082405
FAM53C	3,68	1,66	2,94	3,10	0,0185059	0,082423
PLCL1	0,00	0,21	0,05	0,03	0,0185271	0,082486
PTPRZ1	1,84	2,30	1,40	1,65	0,0185273	0,082486
TTC26	0,29	0,42	0,34	0,27	0,0185347	0,082502
AP003900.6	0,00	4,67	0,00	0,00	0,0185666	0,082628
DSP	0,00	0,00	0,00	0,27	0,0185729	0,082639
BDKRB1	0,29	0,36	0,76	1,40	0,0185769	0,08264
ACO10761.10	1,47	2,08	2,19	1,79	0,0185981	0,082718
PDLIM1	6,28	5,13	4,75	1,53	0,0186194	0,082796
RN7SL121P	0,00	1,05	1,60	2,01	0,0186328	0,082839
ZSCAN30	2,09	4,56	2,42	2,21	0,0186409	0,082851
ANXA11	6,00	6,73	6,25	6,14	0,0186428	0,082851
MZT1	2,97	1,19	2,32	0,40	0,0186576	0,0829
RXRA	2,95	2,60	3,34	3,82	0,0186711	0,082943
MATN2	0,24	0,03	0,45	0,09	0,018675	0,082944
ACO08072.1	1,40	3,01	1,63	0,72	0,0186854	0,08296
CSTF3	4,50	4,19	3,33	3,45	0,018686	0,08296
MSRA	4,33	3,60	4,59	4,82	0,0187133	0,083055
PROM2	0,24	0,35	0,32	0,45	0,018715	0,083055
GPBP1L1	6,25	4,81	4,84	4,58	0,0187399	0,083149
ZNF780B	1,95	2,89	2,08	2,65	0,018771	0,08327
ATAD3B	1,04	1,52	2,19	2,45	0,0187759	0,083276
EEF1A2	0,04	0,10	0,15	0,11	0,0187838	0,083281
RP11-7K24.3	0,20	0,20	0,38	0,80	0,0187847	0,083281
MDGA2	0,02	0,04	0,03	0,07	0,0188094	0,083374
RP1-29C18.9	1,24	0,94	1,73	1,42	0,0188131	0,083374
PIK3R2	1,42	2,00	1,68	1,37	0,0188352	0,083455

PCYOX1	1,72	0,90	1,46	1,85	0,0188674	0,083571
RP11-759A24.2	0,04	0,05	0,04	0,05	0,0188699	0,083571
ESD	7,20	5,61	6,74	5,80	0,0188726	0,083571
AC006262.4	0,00	0,31	0,00	0,48	0,018884	0,083605
RP11-776H12.1	1,20	1,23	1,04	1,18	0,0189009	0,083663
MTCH1	5,34	4,36	5,29	4,08	0,0189145	0,083707
RP11-114F10.3	0,00	0,00	0,00	0,52	0,0189754	NA
ABCG8	0,85	1,19	1,04	1,57	0,0189767	0,083965
RPS6	10,84	10,97	10,71	10,17	0,0189842	0,083982
MCSR	0,00	0,00	0,12	0,00	0,0189919	NA
ZNF136	1,87	2,08	1,40	0,53	0,0190266	0,084152
STK38	4,48	2,40	4,02	3,80	0,019037	0,084166
OPRD1	0,37	0,77	0,39	0,53	0,0190372	0,084166
GSG1L	0,09	0,03	0,10	0,00	0,0190444	0,084181
HNF4G	0,64	0,92	0,95	2,27	0,019067	0,084264
RP11-284E5.1	1,89	3,82	2,33	2,11	0,0190716	0,084268
RP11-114M1.2	0,24	0,84	0,33	1,00	0,019086	0,084315
AP001469.9	1,17	1,33	1,38	1,86	0,0190991	0,084342
PAN3	4,48	3,98	3,79	3,43	0,0190998	0,084342
ST3GAL3	2,24	3,71	2,22	2,74	0,0191369	0,084489
MYOM2	1,97	0,00	2,05	0,00	0,0191438	0,0845
RP11-457M11.5	0,22	0,00	0,35	1,15	0,0191469	0,0845
CIAO1	5,48	6,79	5,29	4,31	0,0191526	0,084508
NSMCE3	1,79	3,24	1,93	0,84	0,0191645	0,084544
DVL2	0,51	1,44	1,25	0,91	0,0191771	0,084582
C18orf32	6,71	6,08	5,68	5,22	0,0191873	0,084611
CASP10	2,50	2,26	3,04	3,09	0,0192045	0,084658
AIM1	5,32	4,34	4,60	3,30	0,0192057	0,084658
NCKAP5L	0,70	0,98	1,83	1,63	0,0192121	0,08467
ERV3-1	2,76	0,65	2,58	2,23	0,019217	0,084674
CALR	6,97	7,30	7,60	8,10	0,0192625	0,084858
SYT11	1,65	0,59	2,76	2,36	0,0192826	0,08493
RP3-473L9.4	2,78	2,62	3,53	1,49	0,0192926	0,084947
CTD-2553L13.9	0,10	0,54	0,12	0,08	0,0192942	0,084947
RP11-867G23.4	0,00	3,05	3,44	5,11	0,0193149	0,085006
BMI1	3,09	4,57	2,78	4,09	0,0193168	0,085006
ATXN2	4,35	4,35	4,85	4,62	0,0193189	0,085006
CASZ1	0,14	0,20	0,37	1,36	0,0193437	0,085098
AC007193.8	0,00	0,00	0,60	2,67	0,019345	NA
RP11-93L9.1	0,65	0,67	0,69	0,71	0,019358	0,085115
RBCK1	6,04	5,07	5,48	6,28	0,0193589	0,085115
ABHD4	1,20	0,00	1,41	0,00	0,0193592	0,085115
RP11-119F7.5	0,09	0,00	0,00	0,27	0,0193705	0,085123
RP11-151D14.1	0,22	2,89	0,88	0,00	0,0193712	0,085123
FAM96A	7,88	6,48	7,39	6,24	0,0193725	0,085123
AC073130.1	3,42	3,80	2,89	5,33	0,0194028	0,08524
CTD-2527I21.5	0,61	1,27	0,66	0,96	0,0194421	0,085395
CERS5	5,74	4,93	5,43	6,25	0,0194519	0,085421
AC016831.7	1,62	3,23	1,79	0,94	0,0194592	0,085437
ZNF773	1,30	0,62	1,19	0,74	0,0194721	0,085477
ACAT2	4,22	0,50	3,27	0,22	0,0194845	0,085514
CCDC41	4,52	3,69	4,53	3,00	0,0194927	0,085533
COX7A2	7,84	8,04	7,95	8,12	0,0195	0,085548
MSMO1	2,55	0,87	1,02	2,78	0,0195117	0,085583
GTPBP8	4,32	2,93	3,29	2,00	0,0195195	0,0856

ZNF726	0,53	1,45	0,84	1,74	0,0195322	0,085639
LCORL	3,42	2,99	2,79	1,64	0,0195722	0,085797
RP11-162A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0195787	0,085809
UBC	10,06	9,96	9,76	9,14	0,0195831	0,085811
CD68	5,23	5,20	5,80	6,40	0,0195877	0,085814
GABRP	1,89	4,34	2,08	2,55	0,0196257	0,085964
CDC25B	2,79	1,84	1,96	3,80	0,0196343	0,085985
RP5-848E13.3	0,62	1,53	0,95	0,61	0,0196416	0,086
RNF145	3,55	1,28	4,30	1,75	0,019654	0,08602
SRD5A1	4,11	2,66	3,57	2,61	0,0196541	0,08602
NIPAL3	4,02	4,10	2,96	1,56	0,0196707	0,086076
C9orf3	2,60	2,15	2,05	3,16	0,0197044	0,086207
EVI2B	7,44	6,53	6,97	6,49	0,0197157	0,086239
RP11-158L12.6	0,27	0,51	0,35	0,35	0,0197266	0,08627
AC069282.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0197373	0,0863
KB-1125A3.12	0,62	1,25	0,87	0,86	0,0197658	0,086407
RP3-335N17.2	1,06	0,93	1,61	2,74	0,0197826	0,086464
RP11-855A2.1	0,90	1,69	1,00	1,19	0,0197869	0,086466
DDR1	0,00	0,19	0,00	0,00	0,0198005	0,086508
RAB39B	2,03	0,07	0,40	0,10	0,0198082	0,086525
MBLAC2	0,13	0,00	0,01	0,05	0,0198265	0,08658
AC093642.4	0,00	4,38	0,00	0,00	0,0198286	0,08658
RN7SL154P	0,91	2,67	0,00	0,83	0,0198295	NA
CTD-2309H9.3	0,10	0,41	0,14	0,14	0,0198462	0,08664
KCNQ2	0,00	1,42	0,00	0,00	0,0198533	0,086653
LMO3	0,14	0,32	0,18	0,54	0,0198656	0,08669
TTLL7	0,19	0,73	0,27	0,34	0,019896	0,086804
RP11-476B13.2	0,78	0,00	0,00	1,34	0,0198996	0,086804
LAMTOR2	7,46	7,36	7,70	7,49	0,0199336	0,086934
RP11-156L14.1	0,48	1,01	0,38	0,40	0,019937	0,086934
RP1-102K2.6	0,00	0,60	0,18	0,00	0,0199518	0,086977
TMX1	4,91	3,10	3,90	3,92	0,0199548	0,086977
AC009299.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0199832	0,087084
AC008694.2	0,00	1,69	0,94	0,00	0,0199863	NA
RRM1	3,84	2,37	3,10	1,66	0,0200007	0,087143
RP11-752L20.3	0,10	0,02	0,02	0,11	0,0200088	0,087161
RANBP6	2,48	0,45	2,46	2,17	0,0200168	0,087179
RP11-134N1.2	0,00	0,93	0,00	0,00	0,0200257	0,0872
IL1A	0,00	1,27	0,00	0,00	0,020044	0,087263
CYYR1	0,04	0,00	0,00	0,05	0,0200471	NA
AC092798.2	2,36	0,00	0,00	0,00	0,0200483	0,087265
SEMA7A	0,14	1,48	0,08	0,00	0,0200568	0,087285
RNU6-522P	3,89	7,54	4,06	0,00	0,0200898	0,087411
RNU4-51P	6,56	1,61	5,70	0,00	0,0201314	0,087567
NQO2	6,53	5,44	6,33	4,19	0,0201336	0,087567
NACA	9,66	9,00	9,33	8,82	0,020149	0,087617
MAP4K5	5,12	3,26	4,12	1,50	0,0201594	0,087645
AC103965.1	0,00	0,51	0,05	0,00	0,0201777	0,087708
AMY2A	0,00	1,30	0,00	0,00	0,020193	0,087757
RN7SL338P	0,00	0,00	0,99	0,00	0,0201951	NA
ZSCAN29	1,29	0,47	0,98	1,58	0,0201969	0,087757
TAF2	3,88	3,10	4,10	2,11	0,0202148	0,087817
SUMO1	6,80	6,37	6,18	5,69	0,0202267	0,087852
MT-TY	6,16	6,87	5,74	6,82	0,0202343	0,087868
KCNN4	0,30	3,45	4,30	3,05	0,0202412	0,08788

NR2F6	0,51	0,11	0,75	0,06	0,0202752	0,088011
SLC26A5	0,00	2,29	0,00	0,00	0,020305	0,088123
RP5-855F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0203078	NA
RP3-394A18.1	0,65	0,87	0,79	1,12	0,020316	0,088154
NFKB1	6,06	5,21	5,69	4,61	0,0203202	0,088155
RFX7	2,89	0,25	2,19	1,75	0,0203391	0,088194
ARID3B	1,68	3,96	1,88	1,63	0,0203391	0,088194
NLRC5	4,86	6,19	4,57	5,51	0,0203412	0,088194
ZNF236	3,89	2,65	2,63	1,49	0,0203797	0,088344
NOVA2	0,03	0,35	0,29	0,37	0,0203851	0,08835
RP13-104F24.2	3,63	3,95	2,98	2,55	0,0203991	0,088394
RP11-112L6.3	0,00	1,00	0,25	0,20	0,0204037	0,088396
IL33	1,58	3,88	1,15	2,31	0,0204463	0,088556
AC027317.2	0,47	0,82	0,82	1,73	0,0204486	0,088556
NPIP4	5,72	6,40	6,34	6,10	0,0204864	0,088703
CAPS2	1,80	4,01	2,40	2,62	0,0204932	0,088715
CNNM4	2,00	0,03	0,54	0,03	0,0205062	0,088754
TCF21	0,26	0,28	0,46	0,25	0,0205139	0,088755
MMP14	0,00	0,31	0,00	0,00	0,0205145	0,088755
AD000671.6	4,16	3,77	3,60	1,90	0,0205347	0,088825
CYP4A11	0,26	0,22	0,29	0,00	0,0205403	0,088832
RP11-120K19.3	0,00	0,00	0,05	1,22	0,020551	0,088861
CROCCP2	3,58	5,52	3,71	4,01	0,0205771	0,088957
TLL6	0,00	0,45	0,00	0,03	0,0205835	NA
FRYL	5,82	5,29	5,19	5,22	0,0205939	0,088984
HERC2P8	1,25	1,48	1,05	1,34	0,0205948	0,088984
RDH5	3,11	0,00	0,80	1,86	0,0205954	0,088984
CDV3	6,27	5,97	5,90	5,42	0,020602	0,088995
C12orf50	1,65	2,44	1,47	1,80	0,0206412	0,089147
MIR155HG	0,18	0,75	0,05	0,00	0,0206643	0,089229
YWHAE	8,39	7,53	7,93	7,48	0,0206775	0,089269
IL1B	8,43	8,31	8,55	6,42	0,020686	0,089288
GSS	5,31	4,25	5,11	4,08	0,0207072	0,089363
NTM	0,00	0,00	0,00	1,70	0,0207606	0,089558
AC010240.1	0,00	0,00	1,06	0,00	0,0207606	0,089558
HYAL2	0,08	0,13	1,27	1,59	0,0207859	0,08965
RNU5E-6P	2,07	3,35	2,00	4,07	0,0208098	0,089736
PMCHL1	0,00	0,05	0,03	0,29	0,0208156	0,089743
OR51M1	0,74	0,57	0,45	0,92	0,0208363	0,089815
PNMAL1	0,15	0,53	0,23	0,14	0,0208506	0,089836
RP11-883A18.3	1,43	1,46	1,43	1,62	0,0208514	0,089836
PTPN12	4,44	5,43	4,92	3,63	0,0208532	0,089836
MED11	4,77	1,02	5,54	4,70	0,0208939	0,089994
TBRG1	6,01	6,51	5,38	5,45	0,0209318	0,090139
DOC2A	0,78	1,78	1,43	1,45	0,0209417	0,090165
GTF2IRD2B	3,30	1,69	2,98	2,63	0,0209563	0,09021
KLF8	2,50	1,15	1,22	2,30	0,02099	0,090338
GRIN2C	0,00	1,07	0,00	0,00	0,0210015	0,090369
UTP18	5,08	5,67	4,94	2,73	0,0210159	0,090414
POP1	1,40	0,08	2,24	0,50	0,0210232	0,090428
C11orf76	0,57	1,10	0,84	1,06	0,0210347	0,09046
RBMS1	4,88	5,34	5,15	5,83	0,0210579	0,090542
ABCB8	1,44	2,17	3,18	3,41	0,021067	0,090564
CDYL2	0,01	0,35	0,01	0,23	0,021086	0,090628
XRCC4	2,90	0,70	2,57	3,37	0,0210958	0,090648

RIOK3	4,61	2,90	5,07	4,70	0,0210988	0,090648
AC006004.1	0,50	0,92	0,39	0,53	0,0211174	0,09071
RP11-158C6.4	0,56	1,57	0,90	1,14	0,0211414	0,090796
POLR2B	5,17	3,24	5,02	4,92	0,0211477	0,090805
C17orf97	0,00	0,08	0,00	0,20	0,0211956	0,090984
POLR3A	1,73	0,70	2,22	0,91	0,0211974	0,090984
PURG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,021206	0,091003
AL356017.3	2,73	4,16	2,69	2,41	0,0212506	0,091176
SAP18	7,41	7,11	7,00	6,51	0,0212641	0,091208
SPAST	3,45	4,07	3,29	2,70	0,0212661	0,091208
CIZ1	3,56	3,55	4,06	4,18	0,0212795	0,091248
MT1X	3,23	5,06	4,47	4,47	0,0212888	0,09127
RPL26L1	5,14	5,24	5,18	3,75	0,0213038	0,091306
GATAD2A	2,43	2,82	3,26	3,67	0,0213055	0,091306
AC005562.1	3,83	1,62	2,80	0,14	0,0213412	0,091442
RP11-244B22.10	0,18	0,71	0,11	0,34	0,0213474	0,091443
RP11-5407.1	0,05	0,35	0,04	0,05	0,0213497	0,091443
AC009303.2	0,36	0,43	0,61	0,32	0,0213651	0,091448
ST6GALNAC1	0,00	0,06	0,00	1,10	0,0213707	0,091448
RP4-598G3.1	0,00	0,07	0,03	0,06	0,0213715	0,091448
RP11-44M6.7	0,55	0,23	1,34	1,37	0,0213759	0,091448
MED4	5,34	2,81	5,18	3,39	0,0213778	0,091448
DMRT1	0,00	0,31	0,12	0,14	0,0213786	0,091448
MAD2L2	6,60	5,98	6,16	4,02	0,0213797	0,091448
C11orf58	6,64	6,04	6,22	5,54	0,0213872	0,09145
REXO1L1	0,21	3,59	0,12	0,43	0,0213891	0,09145
MIR7845	0,00	0,00	0,00	2,85	0,0213925	0,09145
TRMT10C	3,73	4,26	3,11	2,03	0,0214062	0,091491
TCEAL3	0,80	0,16	1,63	0,28	0,0214186	0,091527
SHCBP1	2,30	0,36	0,66	1,07	0,0214299	0,091532
SYNGR1	4,55	4,94	4,91	5,27	0,0214366	0,091532
TOR1B	2,93	0,10	3,21	1,02	0,0214375	0,091532
C6orf132	1,07	2,25	0,73	0,77	0,0214385	0,091532
STRN4	3,10	4,68	3,86	2,08	0,0214404	0,091532
RNPS1	6,55	6,50	6,35	5,57	0,0215192	0,09185
HELZ2	0,59	1,19	1,06	1,84	0,0215365	0,091906
RP11-345I4.5	6,55	6,06	5,69	5,44	0,0215412	0,091909
RP11-286E11.2	0,28	0,76	0,26	0,40	0,0215504	0,091914
SGMS2	2,23	2,65	3,01	4,69	0,0215507	0,091914
P4HA1	4,55	5,43	3,81	3,64	0,02156	0,091936
HEATR5A	3,91	1,78	4,24	1,88	0,0215643	0,091937
ASTN2	1,32	1,40	1,37	1,73	0,0215798	0,091985
RP11-760N9.1	3,58	4,26	3,55	3,96	0,0215907	0,092014
ZNF579	0,28	0,10	0,60	0,39	0,0215999	0,092033
UZAF1L4	5,93	4,07	5,99	4,74	0,021609	0,092033
MOCSS3	0,21	0,20	0,32	0,36	0,0216107	0,092033
AC005235.1	1,18	1,40	1,01	1,60	0,0216116	0,092033
HECTD3	1,55	3,95	3,07	1,13	0,0217357	0,092543
CTC-455F18.1	0,41	1,03	0,60	0,62	0,0217472	0,092575
RP11-722P11.8	0,16	0,12	0,12	0,63	0,0217663	0,092638
RIMS2	0,44	0,76	0,76	1,64	0,0217738	0,092641
RNF149	6,97	7,30	6,99	5,93	0,0217753	0,092641
TRAPPC6B	3,48	1,53	2,97	1,70	0,0218013	0,092734
FEM1A	0,36	1,19	0,66	0,65	0,0218092	0,092745
RSL1D1	7,44	6,61	6,77	6,72	0,0218122	0,092745

RP11-9J18.1	0,31	0,24	0,39	1,10	0,0218167	0,092746
RP11-335E6.2	1,47	1,53	1,51	1,26	0,0218237	0,092758
ALKBH6	1,48	5,35	3,60	4,88	0,0218437	0,092809
PRIM1	3,45	1,82	3,11	0,25	0,0218441	0,092809
NEK6	1,00	0,05	2,22	1,93	0,0218977	0,093019
RNF10	6,26	6,09	5,61	3,87	0,0219021	0,09302
RP5-1022P6.3	1,15	0,00	0,45	0,00	0,0219266	0,093106
DPY19L1	2,77	0,32	1,01	2,33	0,0219523	0,093198
TESC	1,75	4,33	3,67	4,29	0,0219698	0,093254
ZNF473	0,47	3,22	0,00	0,60	0,0220025	0,093375
DLG1	4,39	3,02	3,52	2,19	0,0220184	0,093425
SLAMF8	4,84	2,28	4,10	1,10	0,0220265	0,093435
KBTBD4	0,65	0,00	0,00	0,00	0,0220293	0,093435
CCDC8	0,17	1,63	0,26	0,41	0,0220376	0,093453
DFNB59	0,00	0,52	0,48	0,00	0,0220478	0,093478
ZNF271P	2,58	1,32	1,50	1,73	0,0220597	0,093511
HRH2	2,89	2,02	3,82	3,72	0,0220844	0,093575
BHMT	0,23	1,29	0,36	0,53	0,0220902	0,093575
FAM227B	0,72	3,98	1,84	2,63	0,0220915	0,093575
CTTNBP2	0,01	0,00	0,73	0,00	0,0220917	0,093575
DGAT2	3,07	0,83	0,62	0,58	0,0220993	0,093577
RP11-142O6.1	1,24	0,80	0,51	2,03	0,0221005	0,093577
SMARCD3	1,07	0,46	3,33	4,62	0,0221146	0,093614
FGF9	0,32	0,00	1,10	0,23	0,0221182	0,093614
WBSCR16	2,22	0,30	2,34	3,27	0,0221219	0,093614
RPL12	9,51	9,46	9,77	9,62	0,0221433	0,093686
EFCAB6	0,13	0,10	0,16	0,19	0,0221491	0,09369
NUP153	2,24	0,95	2,43	2,24	0,0221652	0,09369
ZNF366	1,74	1,29	3,02	1,01	0,0221658	0,09369
EFHB	0,24	0,22	0,20	0,50	0,0221676	0,09369
C10orf53	0,14	1,06	0,16	0,45	0,0221749	0,09369
SBDSP	4,14	0,32	3,26	1,94	0,0221756	0,09369
KLF17	0,00	0,05	0,04	0,12	0,0221759	0,09369
USP11	3,12	0,98	1,46	2,87	0,0221778	0,09369
EIF2B5	4,30	2,79	4,16	4,44	0,022184	0,093698
C1QA	0,00	0,00	1,29	4,06	0,0222018	0,093756
RP11-506O24.2	0,00	0,19	0,00	0,10	0,0222165	0,0938
MFSD14B	4,87	2,91	3,93	2,19	0,022225	0,093806
PLXDC2	4,75	2,24	4,57	4,24	0,0222265	0,093806
AC104024.1	0,07	0,41	0,15	0,45	0,0222425	0,093855
SYNPO	0,08	0,08	0,11	0,03	0,0222475	0,093855
AC009133.17	1,92	3,61	2,33	2,88	0,0222506	0,093855
RP11-776B3.1	0,00	1,24	0,00	0,00	0,0222685	0,093912
RBMS3	0,72	0,72	0,79	0,92	0,0222853	0,093965
TOGARAM2	0,70	1,38	0,63	0,57	0,0223165	0,094079
RP11-12A20.6	1,58	2,72	1,62	0,66	0,0223262	0,094102
ADPRH	2,55	0,31	2,45	1,93	0,0223427	0,094154
WRN	2,37	1,13	2,05	2,61	0,0223554	0,094189
RP11-1102P22.1	0,54	0,31	1,48	0,32	0,0223619	0,094198
LTC4S	4,27	3,08	4,04	0,74	0,022366	0,094198
HLC5	1,17	0,55	0,96	0,55	0,0223891	0,094278
PRDM1	2,34	2,81	2,96	2,02	0,0224054	0,094312
ADI1	5,94	4,45	5,20	2,99	0,0224071	0,094312
PLEKHM1P	3,71	2,21	3,07	3,58	0,02241	0,094312
BID	7,86	7,88	7,44	6,67	0,0224456	0,094444

CUL2	3,66	1,63	3,52	1,15	0,0225068	0,094666
RP11-712C19.2	0,56	1,25	0,84	1,16	0,022507	0,094666
JKAMP	6,13	2,66	5,21	1,31	0,0225196	0,094702
ATP6V1A	5,01	3,72	4,18	3,81	0,0225497	0,09481
RP11-361D15.2	3,22	0,00	4,06	1,61	0,0225869	0,094949
AC098617.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0226005	0,094988
AJ006998.2	1,50	2,83	0,92	0,52	0,022673	0,095275
ACSF2	5,17	0,90	5,26	3,94	0,0226864	0,095313
AC005757.6	0,00	1,15	0,64	1,20	0,0227026	0,095363
RP11-23E10.3	0,48	0,91	0,69	0,75	0,0227414	0,095508
RP11-5K23.5	0,00	0,00	0,00	0,80	0,0227458	0,095508
PLCXD2	0,25	0,71	0,85	0,06	0,0227627	0,095547
RN7SL644P	1,48	2,19	1,87	1,13	0,0227637	0,095547
CTD-3037G24.4	0,00	0,38	0,31	0,00	0,0227694	0,095553
CFAP44	0,11	1,12	0,45	2,07	0,0227921	0,095631
SNX20	5,83	5,20	5,35	4,91	0,0227975	0,095635
CARS2	5,87	6,67	6,06	5,38	0,0228039	0,095644
METTL25	3,41	0,92	2,98	3,46	0,0228216	0,0957
CDK19	3,17	3,69	2,77	1,58	0,0228672	0,095873
ZKSCAN4	1,10	0,00	0,07	0,05	0,0228766	0,095885
LLNLR-284B4.2	0,38	0,88	0,57	0,89	0,0228815	0,095885
CTD-2319I12.2	3,69	4,50	2,02	3,03	0,022883	0,095885
PSG5	0,13	0,82	0,29	0,75	0,0228922	0,095906
OGDHL	0,00	0,08	0,00	0,00	0,0229025	0,09593
RP11-12G12.7	1,27	1,72	1,56	0,97	0,0229066	0,09593
EIF4EBP1	6,99	7,64	6,89	6,99	0,0229392	0,096039
PCIF1	5,26	5,77	5,17	3,60	0,0229412	0,096039
XPO5	3,20	3,80	3,21	3,40	0,0229661	0,096115
WASHC4	5,24	3,63	4,97	5,10	0,0229682	0,096115
MRO	0,08	0,03	0,11	0,66	0,0229779	0,096138
RP11-164C12.2	1,22	1,83	0,51	1,22	0,0230125	0,096265
RP11-296A18.6	0,49	0,72	0,76	1,95	0,0230196	0,096265
AC023115.2	0,64	1,76	0,78	1,44	0,0230213	0,096265
PDK3	3,10	0,27	2,47	2,50	0,0230273	0,096272
AC012074.2	1,10	0,00	0,17	1,45	0,0230349	0,096286
GOLGA8N	2,32	3,24	1,60	2,11	0,0230812	0,096461
C2orf88	1,41	2,52	1,79	1,49	0,0231086	0,09655
FAM120AOS	4,15	4,63	4,71	2,54	0,0231111	0,09655
RP11-120D5.1	0,94	2,61	0,60	1,07	0,0231156	0,09655
DCAF8	4,33	2,38	5,09	5,28	0,0231243	0,096569
TMEM86A	0,14	0,00	0,13	0,27	0,023133	0,096587
PDE7B	1,48	0,22	1,09	0,68	0,0231536	0,096655
KB-1183D5.18	0,00	1,13	0,00	0,00	0,0231643	0,096667
RP11-394B2.4	0,14	1,46	0,11	0,37	0,0231652	0,096667
PGRMC1	3,65	1,57	4,10	4,18	0,0231838	0,096706
SNORD42A	0,00	4,23	2,73	3,40	0,0231857	NA
RP11-58H15.1	0,34	0,55	0,63	0,47	0,0231907	0,096706
CNOT8	6,13	5,32	5,78	4,65	0,0231981	0,096706
AHNAK2	0,01	0,53	0,24	0,00	0,0231986	0,096706
SLC16A4	0,24	0,53	0,62	0,73	0,0231989	0,096706
PAPOLG	2,34	1,06	2,80	1,50	0,0232017	0,096706
RP11-293P20.2	1,69	0,00	1,56	2,83	0,0232051	0,096706
CCDC66	4,44	1,38	3,11	3,11	0,0232099	0,096708
JAKMIP2	0,20	0,70	0,27	0,14	0,023228	0,096765
CACNA1H	0,00	0,26	0,00	0,00	0,0232412	0,096802

CLEC6A	0,00	0,00	0,00	0,58	0,0232579	0,096854
C1orf35	3,26	3,53	3,93	4,17	0,0232658	0,096866
PDE4C	0,37	0,65	0,47	0,59	0,0232723	0,096866
AC061992.2	0,00	0,23	0,00	2,19	0,0232739	0,096866
NUP58	5,51	4,08	5,12	2,87	0,0232797	0,096871
RP11-39H3.2	0,20	1,17	0,14	0,15	0,0232903	0,096897
RP11-240G22.5	0,25	0,28	0,68	1,47	0,0232946	0,096897
TMEM201	0,05	2,23	0,38	0,32	0,0233154	0,096966
CENPM	1,83	1,24	1,48	2,47	0,0233402	0,097016
C9orf69	1,69	3,28	2,26	3,23	0,0233404	0,097016
RP4-639J15.3	0,26	0,64	0,56	0,16	0,0233405	0,097016
AC009499.2	0,29	3,41	0,29	2,34	0,0233519	0,097045
RP11-379K22.2	0,11	0,46	0,25	0,39	0,0233587	0,097055
STK35	0,49	1,17	1,25	1,02	0,0233989	0,097204
LSM12	5,80	5,81	5,86	4,94	0,0234134	0,097246
RP11-473M20.14	3,70	2,30	2,02	1,86	0,0234196	0,097253
AC093391.2	2,82	5,29	2,85	3,98	0,0234328	0,09729
GPR35	3,93	0,33	3,07	2,31	0,0234675	0,097416
DHX34	0,54	0,22	1,68	2,68	0,0234744	0,097426
RP11-890B15.2	0,13	0,20	0,46	0,27	0,0235171	0,097586
FAM135B	0,02	2,47	0,03	0,14	0,0235609	0,097749
KIF25	0,67	0,51	0,28	0,57	0,0235794	0,097807
PGAM1	7,21	4,96	6,77	6,15	0,0235936	0,097848
RABGEF1	4,30	3,41	4,41	3,17	0,0236154	0,097907
PRELID3B	5,14	5,14	4,41	3,85	0,0236165	0,097907
AC092066.1	0,48	0,44	0,80	1,62	0,0236293	0,097941
SLITRK3	0,00	0,22	0,04	0,03	0,0236358	0,097941
AC135050.5	0,68	1,03	0,86	1,72	0,0236381	0,097941
KDEL3	0,00	1,35	0,00	0,00	0,0236522	0,097981
ZNF213	0,86	0,82	0,67	0,55	0,0236687	0,097998
AF146191.4	2,98	1,34	0,10	0,20	0,0236688	0,097998
OTOGL	0,00	0,03	0,00	0,08	0,0236694	0,097998
TPGS1	0,29	0,21	0,43	1,16	0,0236787	0,098018
SECISBP2L	4,04	3,51	3,45	2,63	0,0236866	0,098032
AC009229.6	0,56	0,00	0,00	0,00	0,0237011	0,098074
NCAM1	0,74	0,63	0,14	0,46	0,0237234	0,098148
AC007275.1	0,00	0,59	0,23	0,25	0,0237414	0,09819
TTC17	6,21	5,50	5,91	4,54	0,0237423	0,09819
PSMC6	6,33	5,99	5,33	5,51	0,0237692	0,098283
CTD-2270N23.1	0,15	0,00	0,20	0,70	0,0237768	NA
PCNX2	4,06	4,60	3,65	3,22	0,023786	0,098327
SNU13	7,14	6,28	6,70	6,09	0,023793	0,098327
CFAP97	4,07	2,04	3,93	1,47	0,0237931	0,098327
TMEM209	3,27	3,09	2,08	1,34	0,0237981	0,098329
ZNF304	0,03	0,00	0,09	0,03	0,0238189	0,098384
GRM1	0,00	0,50	0,02	0,11	0,0238203	0,098384
CDHR3	0,31	0,35	0,34	0,81	0,023836	0,098424
ZNF250	1,71	1,11	2,01	0,32	0,0238388	0,098424
TTC39B	1,43	0,52	1,92	0,54	0,0238455	0,098433
TUBA8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0238645	0,098494
FAM169A	0,00	0,62	0,00	0,00	0,023874	0,098515
SMIM7	6,46	5,91	5,66	5,32	0,0238875	0,098552
SPRYD3	1,72	3,56	2,48	1,27	0,0239386	0,098729
CTC-499B15.5	1,14	1,80	1,22	2,06	0,023944	0,098729
SRD5A3	3,31	0,17	2,05	1,92	0,0239445	0,098729

GPR160	4,18	2,90	3,11	3,07	0,0239481	0,098729
RANBP2	5,92	4,45	5,61	3,15	0,0239785	0,098836
RP11-308B5.2	0,36	1,78	0,68	0,72	0,023993	0,098877
SLIT1	0,18	0,21	0,72	0,22	0,0240115	0,098935
RP3-510L9.1	1,26	0,00	0,14	0,40	0,0240219	0,098943
OR2J2	0,07	0,06	0,14	0,19	0,0240223	0,098943
SCNM1	7,79	7,54	7,48	6,56	0,0240348	0,098976
RP11-56L13.3	0,00	0,00	0,00	0,73	0,0240423	0,098988
RP4-695O20.1	0,62	0,97	0,87	0,65	0,0240508	0,099005
GPR162	0,27	0,31	3,60	2,52	0,0240621	0,099029
CHMP1B	6,37	5,49	5,94	5,18	0,0240655	0,099029
OGFRL1	4,28	4,16	4,63	4,14	0,0240714	0,099035
ADAR	5,36	4,41	5,21	5,85	0,0240807	0,099051
LRRC57	3,13	1,38	1,79	1,71	0,0240871	0,099051
EXOC8	0,96	0,41	0,54	2,19	0,0240887	0,099051
TJP2	1,84	1,64	2,67	2,86	0,0241146	0,099139
H6PD	0,87	0,42	1,77	0,70	0,0241527	0,099262
PXMP2	0,63	0,00	1,90	0,50	0,0241535	0,099262
EPOR	0,06	0,19	0,96	1,02	0,0241647	0,09929
TRIM3	0,20	0,00	0,34	1,67	0,0241801	0,099335
PDIA6	6,35	4,63	5,60	4,90	0,0242042	0,099416
RP11-640L9.1	0,00	0,48	1,84	0,00	0,0242202	0,099463
POLR3B	0,91	0,03	0,79	0,41	0,0242389	0,099521
SPATA7	1,82	3,92	0,84	1,77	0,0243029	0,099754
RP11-941H19.3	0,25	0,00	0,47	0,81	0,0243044	0,099754
DNAJC10	5,17	4,00	4,63	4,02	0,0243161	0,099783
RP11-384C4.2	0,00	0,42	0,00	0,00	0,024327	0,099809
RP11-316A16.1	0,12	0,25	0,27	0,46	0,024337	0,09983
ZC3HAV1	6,62	5,52	5,69	4,73	0,024341	0,09983
NHS	0,01	0,02	0,18	0,03	0,0243529	0,099861
CTD-2197111.1	0,43	1,00	0,93	2,34	0,024366	0,099887
ATRX	6,34	5,09	5,22	5,44	0,0243723	0,099887
AC093627.9	0,18	1,94	0,00	2,41	0,0243729	0,099887
GYG1	5,68	5,03	4,76	5,15	0,0243999	0,099979
TAF10	4,40	4,82	5,47	5,75	0,0244206	0,100046
RP4-545C24.1	0,64	0,91	0,39	0,65	0,0244277	0,10005
SLC35E1	3,85	4,90	4,49	3,70	0,0244307	0,10005
AC116366.4	4,19	2,30	3,92	5,29	0,0244421	0,100078
CSNK1G1	2,54	3,95	3,08	2,94	0,0244522	0,100101
RP11-12A16.3	1,48	0,95	2,39	2,59	0,0244608	0,100118
CC2D1A	2,00	2,50	2,89	3,65	0,0244746	0,100156
CTD-2270L9.3	0,35	0,56	0,39	0,39	0,0244894	0,100198
PTDSS1	5,99	5,42	4,82	4,47	0,0245056	0,100246
NR1D1	0,32	0,10	0,61	0,00	0,0245234	0,100293
SNRPD3	5,88	5,16	5,94	5,05	0,0245291	0,100293
BLM	0,20	0,37	0,87	0,10	0,0245307	0,100293
PCDH11Y	0,07	0,43	0,08	0,18	0,0245405	0,100315
FKBP6	0,00	0,10	0,00	0,07	0,0245534	0,100344
MMRN1	0,02	0,04	0,00	0,13	0,0245567	0,100344
FANCB	0,06	0,00	0,03	1,33	0,0245622	0,100348
EEDP1	1,41	0,30	2,92	2,63	0,024591	0,100421
RP11-112L6.5	1,40	2,18	1,69	1,17	0,0245915	0,100421
RP11-473I1.6	1,33	2,35	0,75	1,29	0,0245975	0,100421
RP1-209A6.1	1,08	0,00	1,23	0,22	0,024598	0,100421
KB-1460A1.3	0,00	0,00	0,17	0,42	0,0245997	NA

GPR109B	0,00	0,00	0,03	0,00	0,0246029	0,100422
XRCC6	7,60	7,04	7,30	6,31	0,0246312	0,100519
SCART1	0,47	1,57	0,54	0,85	0,0246373	0,100526
KIAA0195	3,89	4,51	3,72	4,56	0,02465	0,100559
RP4-541C22.5	0,00	1,33	0,00	0,00	0,0246563	0,100566
SLC40A1	3,28	2,56	2,72	0,81	0,0247057	0,10074
CTD-2326C4.1	2,02	1,95	2,45	2,07	0,024708	0,10074
EBF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0247224	0,100773
SLC2A1	4,60	5,26	3,73	2,72	0,0247251	0,100773
HGF	0,00	0,02	0,57	0,05	0,0247337	0,100789
RABGGTB	6,69	5,73	6,24	5,48	0,0247588	0,100873
ZNF480	3,57	4,98	3,59	3,18	0,0247658	0,100884
ZNF277	4,92	2,73	3,98	3,12	0,0247816	0,100914
SH3BGRL	7,73	6,36	7,09	7,14	0,0247964	0,100914
CNOT11	4,18	3,55	4,04	2,14	0,024798	0,100914
LINC01595	0,54	0,56	0,36	0,00	0,0247981	0,100914
RP11-481C4.2	1,02	0,39	0,73	0,79	0,0247999	0,100914
RP4-694B14.5	1,52	2,25	1,98	3,35	0,0248006	0,100914
ZNF48	0,17	0,20	0,12	0,82	0,0248071	0,100915
SOCS5	1,84	0,14	0,78	0,36	0,0248109	0,100915
RASD1	0,10	0,17	1,28	0,26	0,0248145	0,100915
FAM95B1	0,23	1,49	0,11	0,06	0,0248192	0,100916
ZNF503	0,73	1,60	1,51	1,07	0,0248348	0,100961
TP53I13	2,97	4,83	4,19	2,49	0,0248449	0,100984
RGPD1	0,97	0,11	0,17	0,14	0,0248496	0,100984
EIF3B	5,35	5,24	5,79	6,23	0,0248821	0,101097
XAF1	6,73	4,92	5,46	6,13	0,0248864	0,101097
TUSC2	3,73	1,17	3,80	4,69	0,0249118	0,101181
ZBTB6	0,00	0,43	0,23	0,11	0,0249211	0,101201
HOOK3	4,65	5,88	4,83	4,54	0,0249405	0,101261
RP11-160A9.2	0,00	0,00	0,00	1,52	0,0249662	0,101347
NDST2	2,63	0,50	3,47	4,47	0,0249707	0,101347
GPATCH8	4,25	2,38	4,43	4,75	0,0250161	0,101512
RP11-122K13.12	0,00	0,33	0,72	0,00	0,0250396	0,101563
ZNF79	0,37	0,00	0,00	0,00	0,0250415	0,101563
EMSY	3,55	3,22	3,56	2,90	0,0250422	0,101563
TMEM219	7,86	8,02	8,24	8,20	0,0250499	0,101575
RP4-794H19.2	0,00	0,00	0,00	0,16	0,0250555	0,101579
RP11-112L7.1	0,13	0,18	0,15	0,21	0,0250822	0,101657
AKT1	4,29	5,06	3,79	3,52	0,0250839	0,101657
AC005077.12	0,70	1,33	0,91	0,92	0,0251035	0,101718
RP11-461A8.5	0,57	0,61	0,00	0,00	0,0251388	0,101843
DGKB	0,64	0,35	0,34	3,29	0,0251453	0,101851
LRRC2	0,37	0,51	0,40	0,84	0,0251532	0,101864
DDX42	4,63	3,44	4,50	4,85	0,025179	0,101937
RP11-108M9.3	0,00	0,50	0,00	0,00	0,0251817	0,101937
MRPL53	5,15	5,49	5,56	5,67	0,0251851	0,101937
RP5-999L4.2	0,00	1,82	1,04	2,61	0,0252063	0,102005
RP11-518D3.1	0,93	0,27	1,13	0,54	0,0252231	0,102054
LIF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0252477	0,102125
TPGS2	4,52	4,70	4,48	2,60	0,0252499	0,102125
AR	0,14	0,38	0,20	0,25	0,0252684	0,102182
USP33	5,48	5,20	5,11	6,02	0,0252873	0,102239
RP11-409J23.1	0,00	0,03	0,03	0,04	0,0253192	0,102337
SLC30A1	2,59	3,06	2,01	0,80	0,0253207	0,102337

AP2B1	2,95	4,00	4,02	3,45	0,0253372	0,102385
ERP27	2,86	2,75	1,11	0,52	0,0253427	0,102389
LPAR3	0,31	0,88	0,39	0,76	0,0253602	0,102441
RP11-314B1.1	1,49	3,12	0,65	3,35	0,025379	0,102497
PCGF5	5,79	3,49	5,20	2,80	0,0253833	0,102497
CTC1	2,13	0,83	1,26	1,68	0,0254007	0,102528
ANO7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0254062	0,102528
ABHD17B	1,86	0,30	1,75	1,26	0,0254071	0,102528
KBTBD7	0,13	0,00	0,18	0,12	0,0254093	0,102528
MAP3K10	1,92	2,13	2,49	2,75	0,0254279	0,102582
MINOS1	6,35	7,01	6,51	6,37	0,0254349	0,102582
CFI	1,54	0,60	1,84	1,56	0,02544	0,102582
AC009120.10	1,73	2,41	2,70	2,18	0,0254412	0,102582
TRIP11	4,50	2,50	3,79	2,59	0,0254697	0,102678
XIAP	3,18	2,88	3,35	1,28	0,0255008	0,102781
BTF3	9,80	9,32	9,58	8,91	0,0255057	0,102781
POLR2D	4,82	3,86	3,68	1,98	0,025509	0,102781
COL9A1	0,01	0,30	0,16	0,17	0,0255164	0,102792
RP11-206L10.17	0,00	0,43	0,23	0,55	0,025538	0,102855
CCDC91	5,02	3,95	4,16	4,80	0,0255415	0,102855
RP11-671J11.7	1,29	0,00	1,55	1,64	0,0255548	0,102873
TRAK2	2,72	2,24	2,41	2,22	0,0255555	0,102873
RP11-284F21.9	0,04	0,04	0,05	0,07	0,0255598	0,102873
RNASEL	1,37	0,08	1,10	1,06	0,0255751	0,102916
NEDD4L	0,27	2,46	0,66	0,56	0,0256024	0,102999
RP1-58B11.2	1,55	3,36	1,36	0,41	0,025605	0,102999
RN7SL2	4,52	4,71	4,19	6,57	0,0256185	0,103035
RP11-359B12.2	0,46	0,13	1,06	0,08	0,0256256	0,103045
AMBRA1	0,90	0,03	1,31	1,11	0,0256373	0,10306
RP11-469N6.3	0,00	0,00	0,26	0,00	0,0256386	0,10306
ZRSR2	3,94	3,84	4,81	4,45	0,0256773	0,103197
RP11-120M18.2	0,86	1,79	0,62	0,72	0,0256931	0,103238
MRPL42	5,27	6,27	4,23	4,30	0,0256992	0,103238
ZBTB8B	0,24	0,34	0,35	0,44	0,0257015	0,103238
RP11-33D13.2	0,00	0,00	0,34	0,68	0,0257269	NA
CTD-2530H13.2	3,60	3,31	4,83	2,32	0,0257445	0,103392
SETBP1	0,68	0,03	0,07	0,05	0,0257536	0,103408
TCTN1	2,02	1,68	2,20	2,17	0,0257579	0,103408
LINC00923	1,12	0,34	1,16	1,16	0,0257725	0,103448
CXCR2	1,03	0,19	0,17	0,04	0,0258362	0,103685
AC004782.1	5,54	0,00	4,76	0,66	0,0258525	0,103731
SEMA6B	1,23	0,07	1,88	1,17	0,0258572	0,103731
TARDBP	5,51	4,91	5,82	6,20	0,0258615	0,103731
HSPD1	6,17	6,08	6,10	5,20	0,0258767	0,103773
RP5-1139I1.1	0,22	1,08	0,34	0,51	0,0258828	0,103778
RP11-154H23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0258905	0,103778
LMO7	2,66	0,76	2,78	2,44	0,0258963	0,103778
GOSR1	5,25	2,07	5,14	4,17	0,0258966	0,103778
RP11-169K16.9	1,99	1,84	2,30	2,39	0,0259298	0,103892
HMOX2	5,88	3,56	5,07	4,59	0,0259695	0,104033
FAM83C	0,03	0,00	0,02	0,04	0,0259905	0,104098
L3MBTL2	2,51	4,42	2,66	1,90	0,0260038	0,104132
RP3-466P17.3	1,02	2,04	0,94	1,76	0,0260268	0,104204
RP11-582J16.5	0,01	0,17	0,06	0,06	0,0260311	0,104204
ZNRF1	0,00	0,93	0,71	2,07	0,0260382	0,104214

NT5M	1,81	0,00	1,83	0,60	0,0260509	0,104226
TIAF1	0,79	0,43	0,82	0,46	0,0260549	0,104226
RP11-196D18.3	0,10	0,25	0,15	0,24	0,0260559	0,104226
SPCS2	6,42	5,10	5,81	3,42	0,026062	0,104226
ENTHD2	2,18	0,67	2,46	3,21	0,0260648	0,104226
CASKIN2	0,00	0,00	0,30	0,00	0,026101	0,104344
MAGED1	2,47	2,07	1,48	0,76	0,0261035	0,104344
RP11-387H17.6	0,31	0,38	0,92	1,17	0,0261149	0,10437
TPCN2	2,35	1,10	2,96	2,01	0,0261223	0,104381
RP11-43D4.3	0,74	0,84	1,54	1,96	0,0261363	0,104419
PLCB2	6,66	7,32	7,02	6,95	0,0261595	0,104492
FAM98C	2,38	3,21	3,37	1,82	0,0261791	0,104552
P3H4	0,60	1,04	0,76	1,79	0,0262065	0,104642
RP4-534N18.4	0,47	0,59	0,61	1,01	0,026212	0,104646
TLL12	0,55	2,78	1,62	1,15	0,0262268	0,104686
YWHAQ	6,70	5,81	6,21	5,59	0,0262689	0,104823
FZD3	0,34	0,19	0,42	0,17	0,0262705	0,104823
ADCK2	3,33	0,27	3,24	4,83	0,0262904	0,104867
ADPRHL2	4,54	1,06	4,34	0,65	0,0262925	0,104867
RP11-5L12.1	1,20	1,23	1,15	0,62	0,0262958	0,104867
CNTN2	0,28	0,31	0,32	0,45	0,0263042	0,104882
RP11-246A10.1	1,01	0,73	1,76	1,12	0,026331	0,10497
IL1R2	6,97	6,17	6,87	4,72	0,0263546	0,105045
DDX52	3,30	4,39	3,17	3,01	0,0263602	0,105049
RP5-857K21.14	0,00	0,00	1,28	2,37	0,0263644	NA
ELMOD3	3,40	1,51	3,82	4,31	0,0263736	0,105061
DCAF6	4,26	3,86	4,13	2,87	0,0263784	0,105061
AP001595.1	1,65	1,12	0,36	1,85	0,0263809	0,105061
ZNF189	0,06	0,22	0,72	0,58	0,0263823	0,105061
BBS2	3,25	0,29	3,12	1,18	0,0264141	0,105169
ITGB7	5,83	6,11	6,17	5,06	0,0264197	0,105173
RP11-545A16.4	0,00	0,00	0,42	0,53	0,0264318	0,105202
BIRC3	3,89	3,45	3,85	3,09	0,0264409	0,105219
MAPKAPK5	4,12	2,95	2,26	2,17	0,0264605	0,105278
RYK	1,18	2,29	2,35	1,02	0,026506	0,105441
CCDC80	0,95	0,90	1,06	1,52	0,0265241	0,105494
HDAC3	6,65	5,57	6,85	6,59	0,0265493	0,105575
BRPF1	2,16	2,15	3,25	2,30	0,0265656	0,105621
RP5-857K21.7	0,37	0,54	0,60	1,01	0,0266311	0,105847
FRAT1	1,15	2,25	1,98	1,61	0,026632	0,105847
RP11-71N10.1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0266405	0,105856
RPS3AP3	0,00	0,00	0,00	4,11	0,0266437	0,105856
ALMS1	1,88	0,65	2,34	1,37	0,0266764	0,105967
ZDHHC12	5,39	6,15	4,41	3,68	0,0266858	0,105985
CEPT1	4,78	3,45	3,32	3,65	0,026693	0,105995
AC016907.3	2,08	2,84	2,06	2,28	0,0267215	0,10608
SLC9B1	0,83	1,05	1,75	1,20	0,0267239	0,10608
SH2D1A	0,05	0,06	0,00	2,45	0,0267365	0,106096
RP11-644F5.10	1,31	0,66	1,58	1,53	0,0267376	0,106096
LGALS3BP	3,54	0,25	3,35	2,90	0,0267624	0,106175
AC159540.1	4,71	5,58	4,33	5,23	0,0267694	0,106184
CMTR2	2,46	0,33	1,92	2,39	0,0268069	0,106301
AP001055.6	0,52	0,39	1,86	1,34	0,0268084	0,106301
FLNB	2,84	1,92	0,46	1,55	0,0268513	0,106452
UBE2D4	4,15	4,97	3,15	5,17	0,0268596	0,106456

HNRNPM	6,37	6,80	6,03	5,41	0,0268618	0,106456
RP11-354K4.1	0,10	0,38	0,13	0,21	0,026887	0,10652
HAVCR1	0,55	0,24	0,71	0,08	0,0268876	0,10652
DENND6B	1,15	2,54	2,26	2,61	0,0269075	0,106561
ECT2	1,31	4,32	1,83	2,83	0,0269088	0,106561
CD69	5,81	5,46	5,55	3,44	0,0269144	0,106561
SRPK3	0,05	0,06	0,06	0,10	0,0269173	0,106561
WDR72	0,22	0,44	0,39	0,51	0,0269585	0,106706
KIAA1217	0,00	0,08	0,00	0,00	0,0270026	0,106861
ACO04878.2	0,50	0,58	0,43	0,89	0,0270191	0,1069
ZNF681	0,57	0,11	0,16	0,14	0,0270219	0,1069
SSX2B	0,00	0,12	0,00	0,00	0,0270496	0,10699
PSME3	5,22	3,35	3,90	2,67	0,0270677	0,107039
ORMDL2	5,53	4,70	5,68	5,95	0,0270715	0,107039
AP000253.1	0,11	0,50	0,23	0,47	0,0270807	0,107041
CASD1	2,56	2,44	1,56	0,77	0,0270818	0,107041
TRPM1	0,04	0,60	0,05	0,07	0,0271063	0,107103
RP3-522P13.2	0,00	0,00	0,07	0,00	0,027107	0,107103
RP5-1024N4.2	1,70	3,26	2,68	3,06	0,0271124	0,107105
TC2N	0,38	0,86	0,00	0,38	0,0271636	0,107232
RP11-576D8.2	0,00	0,16	0,14	0,19	0,0271638	0,107232
NCF1B	2,73	3,71	2,83	4,36	0,027164	0,107232
TRPC6	0,79	0,00	0,07	0,00	0,0271684	0,107232
FOXJ3	3,47	2,89	3,37	1,57	0,0271687	0,107232
RP11-294J22.7	2,13	3,54	1,30	0,55	0,0271777	0,107249
NUDCD2	4,37	3,72	3,71	1,96	0,027214	0,107373
RPL36AL	7,36	7,58	7,58	7,84	0,027223	0,107389
ATP5J2	7,65	7,61	7,80	8,06	0,0272417	0,107444
PTGIR	1,16	1,56	1,55	2,59	0,0272577	0,107488
SLC10A2	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0272811	0,107525
NADK2	2,56	2,66	2,30	3,14	0,0272823	0,107525
CCDC47	5,80	6,11	5,23	3,31	0,0272863	0,107525
AFAP1-AS1	0,02	0,13	0,06	0,10	0,0272863	0,107525
FPR1	5,67	5,04	6,31	6,51	0,0272951	0,10754
RP11-517I24.5	1,43	2,21	1,59	0,77	0,0273158	0,107603
RP11-379B18.8	2,16	3,53	2,60	2,44	0,0273282	0,107632
RP11-339B21.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0273904	0,107858
OMA1	4,47	3,70	3,23	5,78	0,0274028	0,107888
MFN2	3,11	0,54	2,96	2,74	0,0274147	0,107915
CTC-550B14.7	1,40	3,19	2,29	2,34	0,0274214	0,107923
AC000099.1	0,00	0,00	0,00	0,13	0,0274328	NA
RP11-42A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0274501	0,108017
PASD1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,027461	0,10804
DDX39A	6,99	6,07	6,18	5,94	0,0274693	0,108054
BLOC1S3	3,01	0,80	0,53	0,42	0,0274747	0,108054
TIA1	4,60	2,31	4,16	4,26	0,0274791	0,108054
GOLGA6L22	0,43	0,00	0,53	0,79	0,0275207	0,108177
ZFAND6	6,88	6,35	5,97	5,93	0,0275213	0,108177
RP11-358L22.2	1,04	1,13	0,87	1,02	0,0275248	0,108177
RP11-225L12.2	3,06	2,17	3,80	4,01	0,0275364	0,108191
HPSS	5,23	3,48	4,43	2,99	0,0275381	0,108191
ZNF646	0,27	0,00	0,46	0,02	0,0275439	0,108194
ALOX5AP	7,36	6,13	6,48	5,52	0,0275744	0,108294
TMC3	0,53	1,27	0,10	0,02	0,027579	0,108294
RP11-111F5.4	0,34	0,00	0,20	0,09	0,0275988	0,108345

CTD-2013N17.6	0,11	0,34	0,12	0,07	0,0276018	0,108345
TTY8	0,17	0,00	0,00	0,17	0,0276042	NA
TTY8B	0,17	0,00	0,00	0,17	0,0276042	NA
VEGFA	1,61	2,61	3,17	1,77	0,027613	0,10837
KMT5C	0,08	1,07	0,33	0,47	0,0276342	0,108422
CAMKK1	0,51	1,83	0,86	0,25	0,027636	0,108422
WHAMML1	2,25	1,58	1,63	1,53	0,0276414	0,108424
DUS1L	4,23	5,47	5,27	4,98	0,0276495	0,108437
PRR26	0,00	0,15	0,00	0,03	0,027683	0,108536
TFB1M	4,36	1,66	3,37	1,80	0,0276846	0,108536
TUBG1	2,04	1,23	0,73	0,43	0,0276984	0,108571
CLEC11A	0,89	3,98	2,07	2,18	0,0277244	0,108654
RP11-573M3.5	0,55	1,58	0,65	1,30	0,0277653	0,108795
WTAP	6,83	5,70	6,33	5,93	0,0277925	0,108882
PLEKHG4	0,30	0,61	0,68	0,51	0,0278061	0,108916
VPS9D1	1,74	2,87	2,31	3,13	0,0278336	0,109005
PDZD9	0,17	0,00	0,19	0,00	0,0278407	0,109013
IGLC1	1,52	3,03	1,52	1,14	0,0278713	0,109108
TP53I3	2,65	1,47	4,14	1,14	0,0278838	0,109108
RP11-39K24.4	1,82	1,16	0,90	0,24	0,0278867	0,109108
RP5-1142A6.9	0,02	0,18	0,10	0,95	0,0278893	0,109108
RP11-666A8.7	1,48	2,61	2,13	2,76	0,0278936	0,109108
RP11-53B2.2	0,99	0,41	1,45	0,21	0,0278944	0,109108
CTD-2579N5.1	0,05	0,00	0,00	0,14	0,027902	NA
NAP1L5	0,00	0,21	0,03	0,07	0,02791	0,10915
MEF2B	0,00	0,00	0,86	0,00	0,0279455	0,10927
RN7SL73P	3,53	4,07	3,56	4,04	0,0279868	0,109412
PSMG2	6,87	7,09	6,07	5,38	0,0280028	0,109451
MFHAS1	1,25	0,23	1,28	2,89	0,0280066	0,109451
CBR1	5,83	1,13	5,40	6,53	0,0280157	0,109467
PCMT1	6,62	5,87	5,81	5,04	0,0280389	0,109538
RP11-415K20.2	0,00	0,16	0,00	0,08	0,0280815	0,109676
RN7SL494P	0,00	4,86	0,00	0,00	0,028084	0,109676
C12orf57	4,73	5,86	4,92	3,95	0,0281024	0,109729
CD38	2,98	0,76	2,91	2,35	0,0281122	0,109748
RP11-10K16.1	0,38	0,35	0,46	0,28	0,0281479	0,109868
TMEM41A	4,02	5,73	3,76	3,12	0,0281575	0,109877
LINC00568	0,33	1,09	0,66	0,67	0,0281641	0,109877
ARHGEF10L	0,88	3,46	2,98	3,44	0,028165	0,109877
CWC15	5,94	6,00	5,60	6,06	0,0281729	0,109888
RP11-589P10.5	1,09	1,60	0,81	0,00	0,0281795	0,109895
PLAC8	7,28	6,35	6,87	7,29	0,0281883	0,109908
PNPO	2,94	0,49	2,42	2,19	0,028197	0,109908
CHIC2	4,11	2,30	4,42	1,48	0,0282	0,109908
RP11-163M18.1	1,38	0,00	1,31	2,23	0,0282027	0,109908
AP000654.4	0,12	3,16	0,59	0,17	0,0282168	0,109944
EGLN2	5,34	5,91	5,61	5,21	0,0282324	0,109985
MYL6	11,53	11,58	11,61	11,66	0,0282685	0,110099
NRDE2	3,82	2,71	2,07	3,15	0,0282715	0,110099
FSD1	0,00	0,19	0,09	0,26	0,028286	0,110136
USP38	3,00	1,71	2,32	0,75	0,0282988	0,110146
UBASH3B	2,92	1,83	2,01	0,92	0,028303	0,110146
NME1-NME2	0,91	0,00	0,47	0,00	0,0283037	0,110146
P4HB	5,69	6,61	6,26	5,94	0,0283095	0,110146
AC073479.1	0,07	0,10	0,25	0,34	0,0283174	0,110146

TACO1	1,22	4,49	1,95	2,75	0,0283188	0,110146
BCL7C	2,17	2,68	3,01	3,18	0,0283233	0,110146
ATAD1	4,07	2,71	2,62	4,40	0,0283359	0,110176
SLFN12L	2,33	2,74	2,25	1,91	0,0283417	0,110179
RP11-188C12.2	0,09	1,77	0,55	0,00	0,0283778	0,110279
RP11-800A18.3	0,79	1,14	0,36	0,29	0,0283806	0,110279
SMIM11B	4,68	0,92	3,13	4,76	0,0283823	0,110279
THEMIS2	7,35	6,85	7,06	6,54	0,0284074	0,110357
GIMAP4	3,69	5,05	5,31	5,82	0,0284343	0,110442
ATP6V1D	5,69	5,44	4,72	3,35	0,028443	0,110457
GOLGA8R	0,07	0,13	0,30	0,33	0,0284521	0,110473
PRDM6	0,10	0,00	0,03	0,23	0,028488	0,110593
SREK1	5,86	6,20	5,91	5,78	0,0285168	0,110671
OR52A1	0,13	0,31	0,18	0,13	0,028518	0,110671
ADGRA3	1,09	4,45	0,82	0,48	0,0285275	0,110673
SELENBP1	0,00	0,25	0,34	0,65	0,0285284	0,110673
UXT	7,11	7,88	7,15	7,07	0,0285476	0,110717
DEFB118	0,00	1,70	0,00	0,00	0,0285514	0,110717
FNIP1	3,87	2,88	4,07	2,61	0,0285571	0,110717
PCDHB16	0,13	0,06	0,20	0,19	0,0285598	0,110717
RHOA	8,59	8,06	7,96	7,55	0,0285689	0,110733
UCHL3	6,50	6,09	5,79	5,29	0,0286329	0,110962
FBXO30	0,91	0,53	0,66	0,06	0,0286454	0,110991
RN7SL524P	1,71	2,01	1,73	1,58	0,0287109	0,111225
RP11-1042B17.3	4,13	5,17	3,99	4,87	0,0287205	0,111237
MTL5	0,16	0,70	0,11	0,14	0,028724	0,111237
PENT	4,14	0,65	4,79	5,03	0,028733	0,111253
IL17RD	0,04	0,26	0,06	0,11	0,0287581	0,11133
PLK2	4,51	2,59	4,22	2,73	0,0287659	0,111342
TOGARAM1	3,35	1,66	2,24	1,33	0,0287737	0,111352
MMP16	0,00	0,28	0,00	0,01	0,0287892	0,111393
ORMDL3	0,19	0,07	1,61	1,59	0,0288078	0,111445
RP11-2C24.9	0,76	0,08	1,00	0,71	0,028879	0,111701
SPDYE3	0,90	0,86	0,34	0,19	0,0288874	0,111714
CTD-2127H9.1	0,30	0,49	0,33	2,67	0,0289104	0,111769
UNC119	6,67	6,14	6,18	5,30	0,0289115	0,111769
E4F1	1,56	4,14	3,01	3,61	0,0289214	0,111787
DDR2	0,00	0,01	0,00	0,23	0,0289591	0,111914
CKS2	5,49	5,02	5,00	1,80	0,0289781	0,111968
POPDC2	0,54	0,08	0,20	0,07	0,0289943	0,112011
RP11-373E16.3	0,07	0,59	0,04	0,04	0,0290222	0,112092
NMT2	0,25	0,64	0,59	0,34	0,0290254	0,112092
RPRD1B	3,44	1,59	4,48	3,57	0,0290376	0,11212
MTA2	1,65	2,21	2,40	2,43	0,0291084	0,112373
RP11-932O9.9	3,70	3,92	4,44	4,06	0,0291229	0,11241
RAB5C	6,02	5,38	5,57	4,11	0,0291343	0,112434
AC012317.1	0,31	0,19	0,27	0,74	0,0291392	0,112434
AC090804.1	0,33	0,00	0,00	0,48	0,0291436	NA
CLUAP1	1,61	1,36	1,31	0,41	0,0291554	0,112458
SKAP2	5,69	5,11	5,25	4,96	0,0291557	0,112458
AZU1	0,00	0,09	0,00	0,18	0,029198	0,112602
C12orf36	0,88	0,00	0,47	0,00	0,029294	0,112949
OR7E122P	0,45	1,95	0,35	1,10	0,029298	0,112949
BNIP1	3,65	0,96	3,08	1,19	0,0293363	0,113077
AF127577.13	1,92	0,00	1,00	0,78	0,0293417	0,113078

TMEM187	2,09	0,00	0,35	0,08	0,0293563	0,113097
PIGN	4,08	4,44	3,53	4,38	0,029357	0,113097
KLHDC4	3,20	5,27	3,15	3,01	0,0293738	0,113143
CRIP2	0,00	1,07	0,81	1,48	0,0294141	0,113278
CMPK1	4,83	5,70	4,50	4,93	0,0294504	0,113391
C1GALT1C1	3,97	0,29	2,10	4,43	0,0294536	0,113391
RP11-192H23.6	1,37	2,25	1,26	3,45	0,0294707	0,113437
RP1-191J18.66	0,11	0,00	0,13	0,31	0,0295347	0,113664
TLE4	4,85	4,18	5,27	5,08	0,0295406	0,113667
LRRD1	0,17	0,57	0,18	0,35	0,0295509	0,113687
RP11-34F20.7	0,00	0,00	0,05	0,00	0,029568	0,113733
TUBB6	4,64	3,35	5,47	4,65	0,0295851	0,113763
CATSPER2P1	2,09	1,31	2,50	3,36	0,029586	0,113763
ZNF211	1,20	1,10	0,50	0,25	0,0296012	0,113788
UTP23	4,44	4,89	3,52	4,16	0,0296028	0,113788
ADSS	4,02	2,24	3,86	4,17	0,0296235	0,113834
ST8SIA6	0,76	1,99	0,92	1,79	0,0296249	0,113834
PLEKHF2	2,95	3,94	2,52	2,11	0,0296417	0,113878
SPA17	0,16	0,11	0,10	1,99	0,0296468	0,113878
ANKRD13A	5,06	4,46	4,57	3,61	0,0296551	0,11389
PAXIP1	1,36	1,11	1,10	0,69	0,0296958	0,114027
RNU5E-1	2,81	0,00	3,83	4,36	0,0297145	0,114079
DCTN5	4,05	1,68	4,08	5,44	0,0297415	0,114159
RAD23B	3,35	3,29	3,38	2,66	0,0297456	0,114159
TEX35	4,15	4,82	2,82	3,77	0,0297612	0,114199
RP1-506.4	0,00	0,37	0,00	0,00	0,0298001	0,114329
RP11-772C9.1	1,46	2,16	2,20	2,14	0,0298357	0,11442
FOXP3	5,55	5,15	5,93	5,88	0,0298363	0,11442
RPL24	8,84	9,42	9,06	8,66	0,0298392	0,11442
CYFIP2	5,48	5,43	4,50	5,02	0,029853	0,114453
AP000487.4	0,16	2,28	1,46	0,00	0,0298598	0,114459
RP11-165N12.2	1,17	2,18	1,34	2,38	0,0298847	0,114522
RP11-19G24.3	0,00	1,23	0,00	0,00	0,0298986	0,114522
DNAJC7	6,66	5,66	5,92	5,43	0,0298992	0,114522
RNU2-59P	2,69	5,48	0,58	1,39	0,0299023	0,114522
SDHB	7,70	7,39	7,10	7,19	0,0299058	0,114522
YKT6	2,74	3,76	3,77	3,48	0,029907	0,114522
PISD	4,69	2,54	3,65	3,85	0,0299326	0,11454
SYT14	0,28	0,22	0,22	0,19	0,0299332	0,11454
SLC39A5	0,27	1,60	0,50	0,21	0,0299345	0,11454
PEX19	3,75	2,57	2,82	1,40	0,0299353	0,11454
SVEP1	0,02	0,03	0,09	0,00	0,0299376	0,11454
ACCS	4,05	4,15	3,73	1,43	0,0299972	0,114748
RP11-575L7.8	3,23	3,85	2,75	0,00	0,030029	0,114841
RP11-767N6.3	1,89	0,62	2,75	1,67	0,03004	0,114841
RP4-723E3.1	0,26	1,14	0,42	1,26	0,0300401	0,114841
FBXO7	6,45	5,16	5,99	5,17	0,0300421	0,114841
NCOR2	2,14	2,90	2,89	2,84	0,0300562	0,114875
RP1-12G14.9	1,61	0,24	2,56	0,00	0,0300749	0,114897
AC069513.3	6,13	6,34	6,03	5,92	0,0300764	0,114897
RP11-597D13.7	0,12	0,04	0,12	0,13	0,0300774	0,114897
CCDC26	4,21	4,07	3,73	3,56	0,0300954	0,114942
SLC25A29	1,75	3,01	3,49	0,27	0,0301027	0,114942
CYB561D1	1,42	1,36	1,25	1,63	0,0301155	0,114942
RP4-671O14.7	0,71	0,78	0,64	0,78	0,030118	0,114942

WDR33	4,58	2,20	3,56	2,92	0,0301192	0,114942
RP13-192B19.2	0,00	0,00	0,00	0,02	0,0301217	0,114942
CTD-3116E22.8	1,62	0,00	0,00	0,00	0,0301253	0,114942
GTF3C2	4,90	5,78	4,56	4,12	0,0301416	0,114984
CCDC50	5,14	4,97	4,72	3,08	0,0301719	0,115078
RP11-369G6.3	0,40	0,90	0,62	0,44	0,0301767	0,115078
RFXANK	5,54	3,58	5,37	6,25	0,0301874	0,115086
TOX4	3,99	5,35	4,39	4,07	0,0301891	0,115086
CDK11B	2,80	3,70	3,19	2,61	0,0301961	0,115093
DYNC1LI2	3,83	2,20	4,79	4,82	0,03026	0,115317
ARFIP2	4,24	0,91	3,19	2,79	0,0303005	0,115451
CNOT2	6,84	5,57	6,48	5,14	0,0303096	0,115466
CPPED1	6,02	3,63	5,63	4,43	0,0303422	0,115558
WDR78	0,34	0,90	0,67	0,95	0,0303441	0,115558
MDH1	7,41	6,76	6,44	5,82	0,03037	0,115606
CTD-2095E4.5	0,36	0,00	0,00	0,00	0,0303702	0,115606
RP11-10N23.6	0,00	0,72	0,00	0,00	0,0303724	0,115606
RP11-16F15.2	0,00	0,79	0,39	0,43	0,0303796	NA
SLA	5,23	2,43	5,20	4,76	0,030404	0,115707
CS	6,08	5,17	5,87	4,77	0,0304454	0,115845
BCL2L14	0,45	0,46	0,63	0,82	0,0304762	0,11591
DET1	1,42	0,89	1,07	1,77	0,0304787	0,11591
CFDP1	4,95	5,73	4,91	5,17	0,0304812	0,11591
SERPINF1	6,26	5,50	5,38	3,29	0,0304834	0,11591
RP11-401O9.3	2,52	3,82	3,47	2,80	0,030492	0,115923
RP11-398G24.2	0,23	2,62	0,98	0,83	0,0305562	0,116147
ATF7	4,30	2,35	3,39	1,70	0,0305813	0,116222
KANSL2	5,57	6,29	4,37	3,55	0,0306157	0,116333
RP11-1O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0306225	0,116339
RP11-241F15.2	0,00	0,00	0,00	0,39	0,0306562	0,116447
ZKSCAN1	3,44	1,86	2,98	2,85	0,0306675	0,11647
COPS6	7,13	4,06	6,19	6,15	0,0306884	0,116505
JADE2	1,16	0,49	1,28	2,20	0,0306946	0,116505
CHRM2	0,00	0,02	0,02	0,04	0,0306955	0,116505
TMEM164	2,75	1,50	2,82	3,36	0,0306977	0,116505
RNASEH2C	4,84	4,92	4,88	5,40	0,0307286	0,116603
RNF138	4,93	4,21	4,12	3,93	0,0308361	0,116991
RP1-163M9.8	0,00	0,23	0,00	0,00	0,0308401	NA
AC008937.2	2,06	0,57	1,54	3,54	0,0308588	0,117057
RPL9P3	0,32	0,61	0,36	0,39	0,0308665	0,117066
GPR143	0,00	0,00	0,00	0,44	0,0308872	0,117125
EHMT2	3,65	2,68	3,63	4,17	0,0308993	0,117151
ACADSB	1,30	3,69	1,45	1,14	0,0309177	0,117189
RP11-803D5.1	0,08	0,20	0,25	0,20	0,03092	0,117189
RP11-680A11.5	1,56	1,90	2,68	3,15	0,0309626	0,11733
SMC3	5,27	4,28	4,43	3,41	0,0309947	0,117432
SUPT16H	4,87	5,34	4,81	3,03	0,0310583	0,117653
PPP5D1	2,43	3,11	2,60	2,12	0,0310797	0,11771
B4GALT6	0,23	0,03	0,42	0,24	0,0310855	0,11771
IRF5	5,08	3,23	4,97	5,15	0,0310892	0,11771
RP11-57H12.3	1,68	2,67	1,86	1,86	0,0311159	0,117791
ZNF812P	0,00	0,00	0,00	0,86	0,0311253	0,117806
RUNX1	4,48	4,52	4,52	3,01	0,0311318	0,117811
WDR7	3,88	1,73	3,74	2,98	0,0311491	0,117855
NUDT16P1	3,92	1,73	2,59	2,24	0,0311593	0,117855

QPRT	1,24	2,51	1,28	1,35	0,0311594	0,117855
TRA2B	7,48	7,56	7,56	7,33	0,0311864	0,117925
LINC00346	0,89	1,54	0,90	0,83	0,0311884	0,117925
MAP3K3	3,91	2,72	4,55	3,90	0,0312176	0,118015
Z95704.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0312438	0,118094
ZNF57	0,00	0,00	0,00	0,28	0,0312493	0,118095
ITGA7	0,00	0,00	0,00	1,06	0,031284	0,118206
RP11-83C7.3	0,54	2,35	1,22	0,18	0,0313325	0,118369
RP11-134D3.1	0,06	0,16	0,09	0,31	0,0313509	0,118418
CAMK1	4,24	5,18	4,84	4,33	0,0313643	0,118449
FAM162A	6,20	4,46	5,86	4,49	0,031377	0,118477
MICA	3,40	0,46	2,41	3,02	0,0313824	0,118477
RP11-419K12.2	0,07	0,05	0,18	0,08	0,0314047	0,118534
GIN1	0,69	1,42	1,13	0,83	0,0314081	0,118534
CH17-385C13.2	0,45	0,97	1,59	3,33	0,0314384	0,118628
AC016712.2	0,60	1,14	0,66	1,10	0,0314528	0,118653
CTD-2233C11.3	0,00	3,18	0,00	0,00	0,0314611	0,118653
PPP5C	3,76	1,92	2,68	1,36	0,0314634	0,118653
PLK3	4,30	4,86	4,83	4,71	0,0314663	0,118653
EGOT	0,09	0,00	0,02	0,00	0,0314742	0,118662
LSINCT5	0,00	0,24	0,03	0,00	0,0314986	0,118734
HAS2	0,00	0,00	0,03	0,03	0,0315299	NA
RRM2	0,74	0,28	0,99	0,27	0,0315315	0,118821
DERA	5,46	3,43	4,60	1,90	0,0315328	0,118821
RNVU1-6	6,10	4,84	6,54	3,30	0,0315383	0,118821
STAM2	3,52	3,04	3,70	1,88	0,0315431	0,118821
RP11-38L15.8	0,76	0,00	0,24	0,00	0,0315554	0,118825
RP5-1057J7.7	1,99	3,15	2,35	2,69	0,0315563	0,118825
DCAF16	1,94	1,64	1,69	3,30	0,0315635	0,118825
CYHR1	4,11	6,04	4,58	4,36	0,0315656	0,118825
CACTIN	1,27	0,24	1,44	1,76	0,031648	0,119115
POF1B	0,24	0,16	0,22	0,75	0,0316988	0,119286
SRSF9	5,49	4,80	5,92	4,98	0,0317063	0,119294
RP11-1195F20.2	0,00	0,34	0,00	0,19	0,031735	0,119365
AC025335.1	0,84	0,47	0,27	0,74	0,0317398	0,119365
ATP1B1	5,31	3,79	4,71	3,48	0,0317419	0,119365
CITED2	1,52	1,49	1,84	1,36	0,0317465	0,119365
ZCCHC9	3,65	0,74	2,87	2,28	0,0317525	0,119367
OXL1	4,28	3,55	4,44	5,90	0,0317676	0,119389
LRSAM1	1,25	2,43	2,40	2,87	0,0317689	0,119389
HSFY1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0317781	0,119394
OR1A1	1,54	2,64	1,47	1,84	0,0317811	0,119394
RP11-13G14.4	0,00	0,00	0,00	0,37	0,0317883	0,119401
TTBK2	1,52	2,58	2,72	2,57	0,0318001	0,119425
AC010733.7	0,78	1,06	0,79	0,79	0,0318192	0,119477
AC005083.1	0,81	0,00	0,43	0,00	0,0318475	0,119534
CBX4	2,35	2,93	3,04	2,05	0,0318507	0,119534
RP1-257A7.4	3,76	3,60	3,99	1,80	0,0318558	0,119534
FYB1	6,60	6,35	6,40	6,92	0,0318561	0,119534
CTA-292E10.6	1,22	1,39	1,95	3,07	0,031867	0,119552
EPB41L4B	0,00	0,00	0,00	0,10	0,0318715	0,119552
LINC00310	0,98	2,55	0,89	2,40	0,031879	0,119557
PCBP4	0,00	0,96	0,00	0,00	0,0318913	0,119557
EIF2D	5,18	5,12	5,36	3,87	0,0318937	0,119557
SLC6A16	0,50	0,00	0,23	1,25	0,0318992	0,119557

GS1-124K5.14	2,63	3,19	2,13	3,84	0,0318999	0,119557
CNTNAP1	0,42	0,36	1,03	0,94	0,0319435	0,119701
MAFK	0,45	0,08	1,06	0,76	0,0319668	0,119768
AICDA	0,37	0,84	0,51	0,54	0,0319747	0,119777
AC109828.1	1,31	1,31	1,39	1,70	0,0319944	0,119825
RP11-227L6.1	1,56	3,14	1,79	2,10	0,0319982	0,119825
RP13-143G15.4	0,80	1,05	1,74	4,38	0,0320242	0,119902
RP11-426C22.10	3,01	0,20	2,24	1,65	0,0320761	0,120074
IER2	7,12	7,60	7,20	6,71	0,0320809	0,120074
RP3-476K8.4	0,00	0,73	0,38	0,00	0,032119	0,120182
RP11-843B15.2	0,35	0,00	0,73	1,05	0,032122	0,120182
RND1	0,61	0,08	0,62	0,18	0,0321278	0,120182
ERICH1	3,78	6,03	4,49	4,29	0,0321315	0,120182
AC002075.4	0,79	0,00	1,09	1,55	0,0321574	NA
TMEM70	5,02	2,47	3,12	2,83	0,0321672	0,120295
RAB44	0,00	0,00	0,18	0,54	0,0321744	0,120302
ZSWIM6	1,81	2,64	2,36	2,95	0,0322091	0,120412
MAFG-AS1	0,00	0,00	0,00	0,53	0,0322315	0,120455
NEDD8	8,16	8,09	8,13	8,40	0,0322315	0,120455
PCDHA5	0,04	0,03	0,05	0,13	0,0322645	0,120521
BTBD6	1,75	1,96	2,61	1,97	0,0322661	0,120521
ELF5	0,06	0,12	0,09	0,16	0,0322693	0,120521
RP11-186B7.4	2,95	3,54	3,70	3,60	0,032271	0,120521
MAP3K6	2,98	2,61	2,79	4,52	0,0322927	0,120582
METTL2B	2,90	1,59	2,00	1,42	0,0322983	0,120583
RP11-624J12.1	0,00	0,87	0,00	0,32	0,0323335	0,120694
SH2D6	1,97	2,54	2,69	3,14	0,0323664	0,120796
TEX11	0,00	0,14	0,00	0,00	0,0324255	0,120997
ID2	9,11	9,70	9,63	9,27	0,0324814	0,121169
RP11-27G24.3	0,00	0,00	0,00	1,45	0,0324827	0,121169
C16orf91	5,09	0,44	3,82	0,76	0,0325419	0,121364
OR2T11	0,00	0,07	0,00	0,00	0,0325465	NA
GCA	6,59	5,56	5,68	4,91	0,0325482	0,121364
RP11-556N4.1	0,77	0,49	1,08	0,82	0,0325552	0,121364
CERS6-AS1	3,30	4,00	3,73	3,88	0,0325566	0,121364
EIF2B3	5,50	3,73	4,87	3,03	0,0325702	0,121394
NSUN5P1	2,61	4,46	3,03	2,69	0,0325943	0,121453
MRPS12	6,13	6,66	6,56	6,27	0,0325969	0,121453
FAM189B	2,35	0,56	2,05	1,14	0,03261	0,121463
C1orf229	0,11	0,27	0,15	0,18	0,0326106	0,121463
CLDND1	6,28	5,12	5,37	3,79	0,0326232	0,12149
PDPR	3,31	3,60	3,20	3,49	0,0326382	0,121523
PDIA5	0,56	0,07	0,66	0,78	0,032643	0,121523
CYP2S1	4,83	4,03	3,83	2,67	0,032673	0,121606
AL133493.2	1,21	2,08	1,19	1,32	0,0326763	0,121606
C3orf14	1,87	0,04	0,31	0,31	0,032697	0,121614
HCFC1	3,09	2,76	3,70	3,64	0,0326971	0,121614
AC007969.5	1,12	2,00	1,45	1,45	0,0326986	0,121614
XXbac-BPG296P20.14	0,00	0,00	0,41	1,41	0,0327003	0,121614
NSUN3	3,64	4,66	2,42	2,24	0,0327082	0,121623
CTD-2525I3.6	0,10	1,61	0,18	0,17	0,0327616	0,121801
RP4-657D16.3	3,53	2,09	1,48	0,91	0,0327778	0,121841
CCR3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0328117	0,121932
RP11-818F20.5	0,00	1,47	0,00	0,00	0,0328133	0,121932
AAMDC	4,70	4,56	4,44	5,07	0,0328407	0,122003

RP11-529K1.2	0,15	0,20	0,14	0,41	0,0328433	0,122003
SLX4	0,11	0,49	0,34	0,33	0,0328654	0,12205
RP4-564F22.5	0,51	2,35	0,39	0,91	0,032867	0,12205
NARS	5,32	5,17	4,51	3,75	0,0329164	0,122185
RP11-306O1.2	0,06	0,06	0,11	0,22	0,0329184	0,122185
RP11-617D20.1	2,26	2,88	2,31	2,55	0,0329199	0,122185
EMP2	1,43	1,70	1,26	1,69	0,032942	0,122247
RPL7AP60	0,00	0,00	0,00	0,20	0,0329506	0,122258
RIPK3	1,68	0,07	2,41	1,37	0,0329652	0,122292
AP2A1	2,28	2,70	3,13	3,05	0,0329897	0,122363
SDR42E2	0,18	0,25	0,20	0,26	0,0330011	0,122384
HIST2H2AC	4,77	5,11	4,94	5,74	0,0330293	0,122469
RP11-57G22.3	0,25	0,38	0,23	0,35	0,0330626	0,122572
TIAL1	6,09	6,23	5,98	5,52	0,0330769	0,122587
PSMD9	6,85	5,38	6,59	5,70	0,0330809	0,122587
COX4I1	10,40	10,10	10,46	10,50	0,033084	0,122587
RP11-966I7.1	0,27	0,41	0,38	1,98	0,0330888	0,122587
CREG1	4,71	2,44	4,94	4,75	0,0331009	0,122611
SLC25A12	3,95	1,96	2,05	2,05	0,0331375	0,122726
RP11-649E7.7	0,30	1,83	0,00	0,19	0,0331709	NA
SRGN	10,77	10,29	10,33	9,75	0,0332322	0,123037
MED12	2,31	2,35	1,30	0,97	0,0332325	0,123037
IDH3A	6,25	4,18	5,86	5,00	0,0332977	0,123258
APOBEC3A	1,59	2,77	3,05	6,32	0,0333464	0,123418
RP11-46I1.1	0,63	0,91	0,00	0,00	0,0333762	0,123507
RP11-18J9.3	0,28	1,91	0,54	0,07	0,0333949	0,123537
IL2RB	0,52	2,44	0,61	2,14	0,0333952	0,123537
CTD-2231E14.2	0,04	0,09	0,07	0,26	0,0334145	0,123587
PRKY	0,89	0,83	0,31	0,92	0,0334468	0,123653
RP11-110H10.2	2,21	3,40	1,95	2,86	0,033448	0,123653
AP1M2	0,82	0,00	2,01	1,09	0,0334488	0,123653
GTF2E1	2,58	0,24	0,47	1,85	0,0334598	0,123658
GHRL	5,80	5,27	4,83	3,56	0,0334614	0,123658
RP11-37O16.2	1,06	0,00	0,00	0,00	0,0334676	0,12366
CTD-2336O2.3	0,00	1,96	0,00	0,16	0,0334787	0,123681
RP11-287D1.1	0,13	0,21	0,18	0,47	0,033493	0,123681
DENND2C	0,55	0,96	0,78	0,81	0,0334931	0,123681
MX1	6,69	3,07	6,12	6,99	0,0334968	0,123681
CLEC4M	0,04	0,11	0,08	0,20	0,0335085	0,123681
RP11-266L9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0335129	0,123681
RP11-521B24.5	0,97	1,76	1,73	1,70	0,0335132	0,123681
CTB-22K14.1	0,70	0,50	0,80	0,51	0,0335178	0,123681
MOB1B	3,98	2,54	3,46	2,25	0,0335263	0,123685
TPT1-AS1	2,95	3,23	3,57	3,39	0,0335298	0,123685
PPP4R2	3,37	3,73	4,29	3,10	0,0335473	0,123714
KDM3B	4,75	3,72	4,52	3,36	0,0335526	0,123714
RP11-498C9.15	0,91	0,91	0,73	0,36	0,0335546	0,123714
TIFA	3,25	1,14	0,38	1,97	0,0335647	0,123731
RRN3	3,21	1,78	2,38	1,39	0,0335889	0,123789
TRA2A	6,87	5,81	6,53	6,11	0,0335915	0,123789
AHRR	0,04	0,56	0,14	0,05	0,033614	0,123836
PQLC1	3,15	3,42	4,09	3,39	0,0336153	0,123836
ZMPSTE24	4,07	2,37	3,29	3,20	0,0336254	0,123852
GUCY1A3	1,53	0,03	0,51	0,46	0,0336405	0,123888
RP11-680F20.10	0,15	0,00	0,09	1,47	0,033654	0,123917

BUB3	5,54	2,67	5,45	6,07	0,033702	0,124073
TSEN34	4,53	2,61	4,97	3,64	0,0337326	0,124165
SDR39U1	5,98	5,28	5,32	2,78	0,0337411	0,124175
LMBR1	3,58	1,58	3,75	0,88	0,0337581	0,124217
RNU1-67P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0337687	0,124236
RP11-1020A11.2	0,45	0,28	0,66	0,77	0,033778	0,12425
CTC-490E21.10	0,00	1,63	0,00	0,00	0,0337892	0,12427
CPSF3	5,12	4,97	4,50	2,87	0,0338034	0,124302
CLEC2D	5,35	6,40	5,02	5,23	0,0338204	0,124344
CTD-2329C7.2	0,50	0,42	0,92	0,71	0,0338467	0,12442
SEPT8	0,21	0,00	0,70	1,66	0,0338709	0,124488
AXIN1	1,13	0,76	2,36	1,41	0,0338935	0,124551
SP1	2,80	0,90	2,62	2,83	0,0339172	0,124617
SNN	3,59	1,86	3,64	1,83	0,0339337	0,124652
CD9	0,00	0,88	3,02	0,77	0,0339415	0,124652
SYCP1	3,27	3,98	2,45	3,53	0,0339436	0,124652
CDA	0,00	0,00	0,00	5,66	0,0339593	0,124689
MAF1	5,21	5,22	5,68	4,66	0,0339818	0,124752
RIC8B	0,86	1,28	1,50	0,62	0,0340132	0,12483
RAB38	0,08	0,10	0,04	0,09	0,0340144	0,12483
FBXO21	3,58	1,69	2,78	2,52	0,0340266	0,124835
PPARGC1B	1,97	1,46	2,26	2,42	0,034027	0,124835
RP11-230G5.2	0,09	0,40	0,00	0,16	0,0340869	0,125033
NXN	0,08	0,35	0,30	0,13	0,0340923	0,125033
PRPF19	1,92	1,79	2,70	2,97	0,0341082	0,125063
RP1-27K12.2	0,98	1,08	1,53	1,93	0,0341118	0,125063
AC027125.2	0,52	2,46	2,04	2,09	0,0341211	0,125077
KBTBD3	1,94	3,94	0,37	1,92	0,0341348	0,125107
CTD-2135D7.3	0,26	1,62	0,00	0,72	0,0341509	NA
ABCC2	0,02	1,34	0,02	0,29	0,0341699	0,125201
RP11-440L14.1	1,56	1,63	1,95	1,10	0,0341751	0,125201
SERPING1	3,12	0,17	2,77	3,98	0,0341797	0,125201
RP11-84A12.1	3,25	3,46	3,02	2,30	0,034183	0,125201
RP6-99M1.2	0,15	0,32	0,80	1,15	0,0342099	0,125279
SFXN2	1,28	0,75	1,69	2,37	0,0342867	0,125527
IGHG1	0,49	1,89	0,89	0,36	0,0342891	0,125527
PKIB	6,27	4,85	5,52	2,64	0,0343012	0,125535
COPSS	6,47	4,50	5,87	5,43	0,0343025	0,125535
PDZD8	3,08	0,61	2,83	0,62	0,03433	0,125615
PWRN1	1,20	2,09	1,11	1,09	0,0343359	0,125616
SMG1	6,85	5,76	6,51	5,58	0,0343626	0,125693
PROCA1	1,55	0,94	1,02	1,96	0,0343896	0,12576
RP11-624C23.1	2,89	0,32	1,42	0,53	0,0343924	0,12576
ZNFX1	3,29	3,67	3,78	3,92	0,0344122	0,125812
USP8	5,61	4,33	5,08	5,78	0,0344249	0,125838
AC013470.8	0,44	0,46	0,11	0,77	0,0344581	NA
WDSUB1	3,23	1,29	1,75	0,47	0,0344655	0,125942
RP11-848G14.5	3,24	1,11	3,09	3,09	0,0344673	0,125942
POLR2A	4,16	3,11	3,53	3,97	0,0344704	0,125942
RP11-568G11.3	0,15	0,00	0,00	0,00	0,0344761	NA
C4orf33	4,98	1,32	4,03	5,39	0,0344809	0,125959
AC003991.3	3,82	4,79	3,86	4,55	0,0345086	0,126027
AC005785.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0345107	0,126027
GHR	0,79	0,69	1,21	1,19	0,0345195	0,126027
VIPR2	0,03	0,05	0,05	0,03	0,0345221	0,126027

C9orf50	0,00	0,22	0,00	0,00	0,0345456	0,126079
RP11-354E23.3	0,30	0,57	0,43	0,75	0,034551	0,126079
MEAF6	5,77	5,71	5,11	3,55	0,0345571	0,126079
PPP1R12C	3,51	3,77	3,91	4,53	0,0345591	0,126079
NDUFV2	8,06	7,36	7,51	6,27	0,0345817	0,126141
RP11-326I11.4	0,00	3,49	0,00	0,00	0,0345982	0,12617
NFAM1	1,87	1,37	1,86	3,11	0,0346009	0,12617
SRSF5	8,40	7,94	8,45	7,51	0,0346523	0,126337
RP11-10022.1	2,03	1,27	2,16	1,72	0,0346892	0,126436
MMP2	0,00	1,05	0,00	0,00	0,0346909	0,126436
PRPF38A	4,79	3,27	4,06	3,59	0,0347044	0,12646
RP5-890E16.2	0,10	0,26	0,23	0,12	0,0347091	0,12646
OSR2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,0347318	0,126484
TMEM223	5,03	0,64	5,10	3,66	0,034733	0,126484
TBXA2R	0,20	0,97	0,46	0,65	0,0347382	0,126484
ETV4	0,14	0,39	0,37	0,00	0,0347384	0,126484
CMTM3	5,31	3,92	5,87	4,67	0,0347539	0,1265
ARL17B	5,03	5,80	4,27	3,00	0,0347542	0,1265
ANKRD34C	0,00	1,27	0,00	0,00	0,0347763	0,126534
RP5-1159O4.1	0,13	1,09	0,39	0,09	0,0347775	0,126534
RP1-20B21.4	4,92	5,69	5,40	5,83	0,0347806	0,126534
FAM110B	0,06	1,55	0,03	0,07	0,0347924	0,126557
RP11-253M7.1	0,00	0,00	0,00	0,21	0,0348046	0,12658
UGT1A1	0,40	0,60	0,67	0,76	0,0348369	0,126677
STAR10	1,96	2,99	3,06	2,50	0,0348467	0,126692
CCSER1	4,91	1,17	4,31	3,13	0,0348726	0,126765
AP000477.3	0,18	0,00	0,38	2,24	0,0348843	0,126787
MGME1	3,80	1,10	2,52	0,47	0,0348905	0,126789
EEF1A1P5	3,58	3,40	3,34	2,43	0,0349232	0,126887
RP11-416O18.1	1,18	1,38	1,71	0,93	0,0349347	0,126908
ZFP36	7,87	8,52	8,33	7,53	0,034944	0,126921
IGSF22	0,17	5,27	0,00	2,12	0,0349502	0,126923
RN7SL657P	0,00	0,00	1,25	1,36	0,0349775	NA
CTD-3032J10.3	0,94	4,49	1,09	1,30	0,0349929	0,127042
AP001340.2	0,29	0,33	0,00	0,37	0,0349932	NA
AP000337.3	0,00	1,47	0,00	0,00	0,0349944	0,127042
RP11-61K9.2	0,62	1,37	1,48	1,70	0,0350213	0,127115
ZNF606	0,63	0,49	1,13	1,20	0,0350258	0,127115
FER1L6	0,00	0,31	0,00	0,00	0,0350533	0,127193
C1orf167	0,00	2,86	0,00	0,00	0,0350627	0,127207
RP11-1090M7.1	0,29	0,28	0,43	0,23	0,0350804	0,127242
ARL8A	1,95	0,08	2,29	1,95	0,035084	0,127242
TBC1D9B	5,32	3,77	4,86	3,59	0,0351042	0,127295
CCNA2	0,05	0,00	0,00	0,00	0,0351212	0,127336
AC107079.1	0,00	0,27	0,00	0,00	0,0351392	0,12738
YWHAG	2,58	2,94	2,91	2,82	0,0351727	0,127481
RP11-355O1.7	1,40	1,40	1,10	1,86	0,0351844	0,127503
TMC4	0,00	1,86	0,00	1,98	0,0351962	0,127506
IFITM2	9,88	8,20	9,34	9,13	0,0351983	0,127506
MFAP5	0,21	0,64	0,51	0,12	0,0352109	0,127506
FBXO15	3,70	4,49	3,99	4,53	0,0352152	0,127506
RPL5	10,95	10,68	10,53	9,71	0,0352154	0,127506
RP11-434H6.6	0,00	0,00	1,03	4,82	0,0352198	0,127506
DDT	5,93	6,09	6,18	6,34	0,0352378	0,12755
RP11-944L7.1	0,29	0,30	0,00	0,35	0,0352494	0,127572

SNF8	5,95	5,95	6,32	6,11	0,0352784	0,127656
VWA8	2,41	0,40	1,35	0,30	0,0352906	0,127665
RFWD2	4,74	4,18	4,97	5,52	0,0352925	0,127665
SBDS	6,06	4,78	5,25	4,70	0,0353122	0,127716
NAA40	2,56	0,96	2,25	0,66	0,0353191	0,12772
DHX35	2,37	0,84	1,76	0,41	0,0353353	0,127746
CTC-338M12.5	0,00	0,59	0,94	2,78	0,0353378	0,127746
RP1-37N7.1	0,11	0,43	0,10	0,14	0,0353453	0,127751
PEX1	2,92	1,08	2,44	1,99	0,0353507	0,127751
FSCN1	0,44	0,40	1,36	0,26	0,0353594	0,127762
USP4	5,62	4,91	6,06	5,33	0,0353673	0,127769
RP11-17A19.1	0,22	0,17	0,33	0,45	0,0353793	0,127776
ACO25171.1	2,66	3,96	3,62	3,35	0,0353807	0,127776
RP13-216E22.5	0,93	1,23	0,75	2,67	0,0353911	0,127776
C19orf43	5,22	5,19	5,84	5,80	0,0353922	0,127776
RP11-333E1.1	4,71	6,42	4,52	3,12	0,0354002	0,127785
RN7SL666P	1,50	3,20	1,51	0,00	0,0354156	0,127798
AC138517.4	0,00	0,08	0,00	0,00	0,0354172	0,127798
TOMM70	3,38	2,74	2,39	0,71	0,0354211	0,127798
EAF2	6,72	7,21	5,62	4,17	0,0354505	0,127867
BEND4	0,00	0,48	0,00	0,00	0,0354517	0,127867
RP11-204E9.1	0,00	0,14	0,00	0,07	0,0354542	NA
MPP3	2,10	1,54	1,08	0,46	0,0355008	0,128023
CTD-2647E9.3	3,78	2,27	2,19	1,56	0,0355537	0,128193
DEDD2	3,94	1,45	3,21	2,47	0,0355713	0,128235
RP1-32B1.4	1,89	2,14	1,50	1,50	0,0356044	0,128334
AKR1C1	0,72	1,35	0,56	0,92	0,0356576	0,128464
ARHGAP8	0,36	2,33	0,74	1,00	0,0356598	0,128464
RP11-864I4.4	0,45	0,00	0,64	0,00	0,0356617	0,128464
FAM114A2	3,28	0,00	3,47	0,99	0,0356636	0,128464
ARAP3	0,00	0,80	0,03	0,88	0,0357014	0,128577
NPTXR	0,10	0,48	0,12	0,40	0,0357064	0,128577
C19orf44	0,71	0,00	1,40	1,49	0,0357165	0,128592
AP001372.2	1,65	1,12	1,16	3,97	0,0357266	0,128602
RP11-87M18.2	0,07	0,08	0,24	1,82	0,0357307	0,128602
RP11-432N13.3	0,00	0,76	0,00	0,00	0,0357606	0,128689
AP000688.29	0,92	1,83	1,35	1,50	0,0357736	0,128714
CTD-2521M24.4	0,91	1,61	1,22	1,49	0,0357829	0,128727
TEX9	3,50	3,84	2,65	1,61	0,0357902	0,128732
KLHL2	3,93	3,81	3,71	1,90	0,0358183	0,128813
ZFP42	0,55	1,66	0,77	0,90	0,0358408	0,128873
RP11-632K20.6	0,00	0,69	0,00	0,00	0,0358501	0,128881
RP11-21L1.1	0,13	0,17	0,14	0,00	0,0358548	0,128881
CTC-543D15.1	0,12	0,74	0,12	0,33	0,0359174	0,129071
EIF3F	8,35	8,13	8,09	7,42	0,0359192	0,129071
RN7SL411P	0,00	2,12	0,00	0,79	0,0359296	0,129079
SULT1B1	2,78	1,89	1,97	1,28	0,0359329	0,129079
AC098973.2	0,00	1,54	0,00	0,00	0,0359422	NA
ORAI2	1,79	3,01	2,66	2,73	0,0359581	0,129148
LRRC28	3,58	2,48	2,41	0,44	0,0359681	0,129163
ALG13	6,01	5,41	5,20	4,55	0,0359923	0,129229
TRIM5	2,86	2,58	3,92	2,38	0,0360276	0,129315
RP11-410K21.2	0,64	0,00	0,20	0,00	0,0360296	0,129315
C14orf105	0,54	0,00	0,54	1,09	0,0360336	0,129315
RNY4	3,59	5,41	3,04	2,67	0,0360443	0,129332

RP4-800G7.2	1,99	2,00	0,89	0,91	0,0360537	0,129334
MIEF1	3,01	0,86	2,53	1,34	0,0360565	0,129334
THOC3	4,71	1,56	3,66	0,32	0,0360852	0,129416
NEURL3	0,03	0,00	0,00	0,09	0,0361591	0,129666
LINC00567	0,00	0,08	0,00	0,00	0,0361704	0,129688
MIS18BP1	6,59	5,83	6,43	5,66	0,0361768	0,129682
PEX13	2,70	0,30	1,11	0,53	0,0361955	0,129708
RP11-44M6.1	1,38	2,68	1,62	1,79	0,0361956	0,129708
SPOPL	4,09	1,84	3,70	2,79	0,0362068	0,129727
RWDD4	3,69	0,61	2,78	2,00	0,0362297	0,129788
SLC39A8	2,27	0,32	0,98	0,87	0,0362449	0,129822
SLC24A4	2,77	0,89	0,74	0,94	0,0362553	0,129828
SLC18A2	0,00	2,46	0,00	0,36	0,0362589	0,129828
PNPLA4	3,87	1,80	2,09	1,57	0,0362642	0,129828
DUOX2	0,02	0,20	0,07	0,09	0,0362775	0,129855
MCFD2	4,35	4,42	4,21	4,90	0,036331	0,130025
FAM212B	2,46	1,54	2,73	3,45	0,0363547	0,130077
TRPM3	0,30	0,46	0,38	0,46	0,0363571	0,130077
RP11-603124.5	0,00	0,00	0,16	0,00	0,0364086	NA
CTA-972D3.2	0,56	2,05	1,52	2,13	0,0364104	0,130246
USO1	4,55	3,15	3,35	3,39	0,0364386	0,130326
GLTSCR1L	1,21	2,69	1,90	1,45	0,0364578	0,130365
TLCD2	0,44	0,62	0,56	0,35	0,0364654	0,130365
DCAF12	2,71	1,60	3,00	0,39	0,0364671	0,130365
PRTG	0,00	0,01	0,00	0,00	0,0364823	0,130384
LINC00470	0,36	1,39	0,73	0,61	0,0364896	0,130384
ZC2HC1A	2,58	0,00	1,52	0,45	0,0364898	0,130384
CDH4	0,02	0,05	0,02	0,04	0,0364991	0,130396
GASS	8,04	8,65	7,89	7,74	0,0365545	0,130565
VRTN	0,01	0,07	0,08	0,05	0,0365583	0,130565
RP11-803B1.8	0,80	0,68	0,87	0,89	0,0366513	0,130877
MAP2K3	5,71	6,93	5,97	5,69	0,0366981	0,131022
RP11-210M15.3	0,00	0,09	0,03	0,12	0,0367203	0,131065
RP11-927P21.1	0,50	0,76	2,75	2,52	0,0367218	0,131065
RP11-184I16.4	0,59	0,50	1,13	2,13	0,0367406	0,131111
SRR	2,62	0,33	1,94	0,45	0,0367627	0,131156
RP11-293M10.2	3,23	2,46	3,94	2,39	0,0367651	0,131156
RP11-483E23.8	0,26	0,54	0,12	0,15	0,0368155	0,131315
TAF5L	0,44	1,15	2,10	2,05	0,0368519	0,13142
RPS5	10,72	11,05	10,61	10,16	0,0368566	0,13142
GTF3C5	3,66	4,77	3,25	4,50	0,0368799	0,131481
ACVRL1	0,16	3,06	1,22	2,08	0,0369288	0,131635
RP11-88I18.2	1,04	0,83	0,56	0,40	0,0369435	0,131666
BIN2	5,25	4,68	4,72	5,54	0,0369623	0,131712
ETFA	7,05	5,68	6,83	5,25	0,0369757	0,131738
SPATA5	0,90	0,54	0,52	0,63	0,0370041	0,131819
MAS1	0,35	0,68	0,31	0,33	0,0370526	0,13197
ACSM3	3,09	1,58	3,23	2,78	0,0370955	0,132068
RP11-118B23.6	2,76	1,57	3,56	1,14	0,037098	0,132068
PITPNB	4,91	4,48	4,15	3,31	0,0371036	0,132068
KCNJ16	0,08	0,26	0,17	0,41	0,0371038	0,132068
OLA1	5,98	4,13	5,40	4,20	0,0371154	0,132088
SRP68	5,13	2,98	4,24	4,64	0,0371279	0,132111
RN7SL483P	0,00	1,45	0,30	1,35	0,0371344	0,132113
FAM3A	1,75	2,62	2,21	3,35	0,037152	0,132155

HGS	4,17	3,28	4,90	4,71	0,0371785	0,132228
EXOSC8	5,20	5,61	4,15	3,39	0,0372191	0,132351
CHCHD7	5,16	5,94	4,58	3,60	0,0372402	0,132405
NR1I3	0,86	0,65	0,92	1,24	0,0372691	0,132487
OR4K13	0,02	0,09	0,08	0,05	0,0372942	0,132555
USP30	0,72	0,10	0,55	2,95	0,0373139	0,132603
RGR	0,93	2,61	1,35	2,43	0,0373286	0,132634
REV1	4,48	1,73	3,97	3,33	0,0373438	0,132667
WBP4	2,41	1,25	2,15	1,60	0,0373664	0,132718
RP11-613M5.2	2,45	2,96	2,40	2,64	0,0373699	0,132718
HEATR1	2,60	4,08	2,73	0,83	0,0373932	0,132779
MLXIP	3,31	3,93	3,79	3,48	0,0374114	0,132788
NEK8	0,30	0,30	0,63	0,82	0,0374127	0,132788
PAIP2	7,61	7,28	6,68	6,64	0,037418	0,132788
SHISA9	0,78	1,48	0,70	0,96	0,0374251	0,132788
AK3	3,46	4,62	1,88	2,43	0,0374255	0,132788
CCL28	1,08	1,01	1,05	1,59	0,0374535	0,132866
UBTD2	2,22	1,99	1,62	0,40	0,0374636	0,13288
CDC42EP2	0,00	0,00	0,00	0,22	0,0374793	NA
MTHFD2L	3,97	1,38	3,46	3,29	0,0374931	0,132964
MT-TH	2,83	4,71	2,76	4,75	0,0375373	0,133082
RP1-298J18.1	0,87	1,26	0,92	1,57	0,0375384	0,133082
INTS14	4,17	0,51	3,00	1,49	0,0375481	0,133095
CTB-109A12.1	0,00	0,07	0,00	0,08	0,0375777	NA
RP11-799D4.4	0,71	1,82	0,99	2,32	0,037607	0,133283
COX18	2,29	0,80	1,69	2,36	0,0376249	0,133325
SLC25A48	0,19	0,18	0,19	0,49	0,0376422	0,133365
EID3	0,08	0,10	0,76	0,18	0,0377126	0,13357
RP11-761E20.1	1,41	2,66	0,59	0,13	0,0377158	0,13357
RP13-270P17.1	0,93	0,65	0,64	0,28	0,037718	0,13357
HTR7	2,34	0,13	1,14	0,64	0,0377433	0,133638
MAPKAPK2	2,05	3,68	3,00	3,66	0,0377832	0,133758
FGD3	4,17	4,96	4,42	4,77	0,0378279	0,133895
PWP1	5,87	5,59	5,76	4,67	0,0378953	0,134112
APOBEC3H	0,12	0,16	0,20	0,52	0,0379093	0,134132
RP11-398J10.1	0,00	0,00	0,20	0,34	0,0379131	0,134132
RP11-286B14.2	0,00	4,73	0,87	0,96	0,0379276	0,134162
ELN	2,39	3,12	2,90	2,89	0,0379408	0,134187
ADPRM	3,13	0,13	0,61	1,35	0,0379545	0,134215
AC002472.15	0,56	0,28	0,36	0,08	0,0379639	0,134227
RP1-74B13.2	1,35	1,32	1,65	1,62	0,0379841	0,134277
TTC6	0,48	0,81	0,72	1,45	0,0380144	0,134362
FHOD1	4,77	5,64	5,48	5,91	0,0380348	0,134413
ADH6	0,00	0,60	0,34	0,35	0,0380854	NA
PUM1	5,34	5,58	5,09	4,00	0,0381422	0,134767
RP11-324E6.6	0,42	1,20	1,20	2,03	0,0381511	0,134767
RP11-543B16.3	1,21	4,47	1,49	0,79	0,0381561	0,134767
RP11-995C19.3	2,12	0,78	2,44	2,21	0,0381592	0,134767
VSTM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0381722	0,134775
RHPN1	0,13	2,17	0,09	0,07	0,0381735	0,134775
SERPINB10	0,05	0,51	0,13	0,49	0,0382688	0,135085
TRAPPC2	3,86	2,76	3,38	3,17	0,0382832	0,135085
AC074117.10	0,49	1,14	0,75	0,51	0,0382833	0,135085
FAM134A	3,71	3,81	3,65	3,63	0,0382857	0,135085
CTD-2509G16.5	0,00	0,00	0,00	0,62	0,0383042	NA

WVVOX	4,17	4,43	4,37	5,22	0,038314	0,135163
RP11-88E10.5	0,00	0,00	0,27	0,00	0,0384242	0,13553
AMICA1	10,05	9,40	9,57	8,74	0,0384415	0,135555
RAVER1	0,06	0,08	0,20	0,14	0,0384434	0,135555
RP11-184M15.2	0,79	2,07	1,00	1,26	0,0384547	0,135564
RP11-182J1.18	0,09	0,07	0,16	0,07	0,038464	0,135564
FABP2	1,70	2,60	2,34	2,43	0,0384641	0,135564
KCNQ3	0,00	0,03	0,00	0,06	0,0384727	0,135572
TFRC	4,86	2,68	4,91	4,08	0,0384999	0,135647
CD34	0,06	0,02	0,04	0,09	0,0385151	0,135679
PDCD2	5,09	2,42	4,87	4,03	0,0385647	0,135832
RP11-703H8.7	0,00	0,00	0,12	0,42	0,0385658	NA
IFT81	1,57	1,36	1,49	0,85	0,0385752	0,135848
WDR83	2,79	4,87	1,80	1,63	0,0386048	0,13593
ZNF846	4,59	1,54	3,14	2,36	0,038621	0,135966
POMC	2,74	0,00	3,36	4,01	0,0386473	0,136031
ZNF567	2,73	2,00	1,60	2,69	0,0386517	0,136031
AC093732.1	0,00	0,00	0,00	0,62	0,0387191	0,136224
TK1	1,48	0,55	0,23	0,10	0,0387203	0,136224
LYPD4	0,11	0,07	0,08	0,27	0,0387251	0,136224
PPP2R2A	4,98	3,43	4,54	3,69	0,0387483	0,136284
RP11-140K17.3	2,24	1,51	1,98	0,00	0,0387721	0,136345
CDHR4	0,00	0,94	0,00	0,17	0,0387777	0,136345
HR	0,00	0,05	0,00	0,00	0,0388052	0,136415
TRPT1	5,33	4,82	3,92	5,90	0,0388101	0,136415
ACTR6	3,68	2,27	3,18	4,81	0,0388381	0,136492
CTC-548K16.1	0,42	0,27	0,87	0,55	0,0388554	0,136531
ZMYM6	4,83	3,21	4,21	3,85	0,0388675	0,136552
RP11-567M16.1	0,03	0,40	0,01	0,05	0,0388762	0,136556
SLIT3	0,11	0,42	0,21	0,47	0,0388808	0,136556
NDUFAB1	7,46	6,77	7,54	6,52	0,0389055	0,136621
RP11-147G7.3	0,05	4,16	0,28	0,67	0,0389224	0,136652
GALNTL5	0,00	0,78	0,26	2,06	0,0389267	0,136652
PDP1	3,72	3,34	3,61	1,41	0,0389435	0,13668
SLC34A1	0,00	0,38	0,00	0,00	0,0389468	0,13668
ATP11A	4,12	5,37	4,70	4,21	0,0389652	0,136723
CTB-131K11.1	2,44	0,84	0,97	0,58	0,0390314	0,136914
ZNF625	0,39	0,00	0,45	0,20	0,039033	0,136914
AC092620.3	1,97	0,00	1,22	0,31	0,0390427	0,136914
RP11-902B17.1	0,54	0,62	0,60	1,14	0,0390444	0,136914
CSRP1	4,83	2,44	4,57	3,36	0,0391209	0,137109
DECR2	2,88	2,10	1,82	0,18	0,0391258	0,137109
AC092798.3	1,88	0,00	0,00	0,00	0,0391265	0,137109
ZNF117	1,69	0,54	1,41	1,20	0,0391265	0,137109
FKBP14	2,31	0,88	1,21	1,43	0,0391309	0,137109
ACSL5	4,95	3,08	4,14	3,56	0,0391485	0,137149
ADIRF-AS1	0,20	0,07	1,03	0,91	0,0391746	0,137219
RP11-504G3.1	0,40	0,00	1,93	1,49	0,0392143	0,137298
ZCCHC14	0,74	0,21	0,51	0,73	0,0392146	0,137298
FRG1JP	0,06	0,00	0,11	0,58	0,0392186	0,137298
RP11-1089B7.1	0,00	0,10	0,00	0,09	0,0392218	0,137298
RPL10P3	0,00	0,00	0,21	0,50	0,0392244	NA
RP11-245J9.2	2,69	2,12	0,60	0,18	0,0392394	0,137323
CTA-360L10.1	2,48	2,46	2,27	2,38	0,0392511	0,137323
VMP1	6,66	4,99	6,29	6,51	0,0392515	0,137323

SMN2	5,30	3,81	4,93	4,49	0,0392537	0,137323
GKAP1	0,11	1,54	0,30	0,88	0,0393012	0,137467
ANKRD42	1,27	1,86	1,90	2,69	0,0393746	0,137703
TOB2	1,97	1,43	2,79	2,94	0,0393941	0,137745
CTC-260E6.6	1,82	4,26	1,89	2,34	0,039399	0,137745
RP11-10A14.3	0,32	2,03	0,76	0,00	0,0394403	0,137867
RP11-3P17.5	1,17	2,53	1,24	1,41	0,039447	NA
RP11-430C1.1	0,18	0,36	0,39	0,24	0,0394645	0,13793
DBF4	4,10	1,45	3,36	2,22	0,0395305	0,138139
TCEANC	0,90	0,35	0,46	0,78	0,0395545	0,138201
SYNCRIP	5,52	4,55	4,99	4,48	0,0395692	0,138214
LRTOMT	2,81	1,60	1,94	2,58	0,0395705	0,138214
RNF180	1,54	1,58	2,52	2,88	0,0396084	0,138324
EPM2AIP1	3,18	1,29	2,84	2,56	0,0396212	0,138347
LINC00337	0,81	1,00	0,75	1,52	0,0396401	0,138392
KLK2	1,35	0,77	1,15	2,50	0,0396776	0,138479
OR2V2	0,24	0,43	0,37	0,28	0,0396782	0,138479
TSC22D1-AS1	0,04	0,24	0,09	0,30	0,0396838	0,138479
RP11-550P23.3	0,26	0,12	0,33	0,33	0,0397074	0,138539
NUS1	3,45	1,00	2,98	2,31	0,0397883	0,1388
SEC24D	3,62	4,28	4,09	2,06	0,0398076	0,138846
SEZ6	0,20	0,09	0,17	0,28	0,0398157	0,138852
AGAP6	1,46	1,34	3,45	2,16	0,0398425	0,138909
C21orf59	4,85	2,87	4,51	4,32	0,0398552	0,138909
KDM8	0,80	0,09	0,24	0,00	0,0398568	0,138909
ZNF774	0,60	0,92	0,71	0,95	0,0398569	0,138909
RP11-363P13.1	0,00	0,00	0,00	0,40	0,0398758	0,138953
SLCO3A1	4,30	3,68	4,46	4,80	0,0399194	0,139069
EME2	1,42	1,10	1,99	2,59	0,0399269	0,139069
CRTAP	6,38	5,35	5,64	4,94	0,0399279	0,139069
AP000347.2	1,73	1,42	1,94	3,25	0,0399426	0,139082
GLIDR	0,81	0,11	0,94	0,28	0,0399442	0,139082
RP11-796A5.4	0,27	0,45	0,20	1,55	0,0399649	0,139132
KIAA2012	0,23	0,51	0,48	0,35	0,0399961	0,139219
RP11-542M13.6	0,53	0,17	1,12	0,00	0,040016	0,139255
C6orf226	4,51	3,38	4,14	5,15	0,0400188	0,139255
RP11-395B7.4	2,92	5,00	3,32	0,61	0,0400325	0,13928
KCNG4	0,10	0,18	0,19	0,20	0,0400926	0,139457
SLC11A2	4,21	4,93	4,29	3,99	0,040096	0,139457
ATPAF1	3,52	3,43	2,73	1,39	0,0401056	0,139469
EXOC5	4,21	2,91	2,89	1,37	0,0401299	0,139532
PPP2R5C	6,82	7,64	7,01	6,78	0,0401433	0,139543
CHMP5	6,59	3,21	5,37	5,92	0,0401515	0,139543
RP5-983L19.2	0,00	0,12	0,01	0,00	0,040152	0,139543
MAGOHB	5,11	1,09	4,20	4,29	0,0401587	0,139545
MON1B	2,62	2,73	3,12	3,49	0,0402107	0,139694
RP11-365P13.5	2,13	2,94	2,32	2,54	0,0402142	0,139694
SEC11A	6,76	6,76	6,96	6,04	0,0402287	0,139722
MDS2	0,17	0,47	0,48	0,35	0,0402372	0,13973
DNAL1	2,13	4,51	1,92	2,49	0,0402844	0,139872
HOMER2	2,82	1,52	2,79	0,43	0,040291	0,139873
CTC-360G5.9	0,59	1,11	0,45	0,64	0,0403171	0,139942
IQGAP2	5,78	5,36	5,87	4,84	0,0403363	0,139987
FGF5	0,04	0,08	0,10	0,06	0,0403551	0,14003
RP11-807C20.2	0,56	0,00	2,03	2,66	0,0403732	0,140071

RNU6-595P	0,00	0,00	0,54	6,79	0,0404459	0,140301
LDLRAD2	0,14	0,13	0,37	0,00	0,0404612	0,140332
YTHDF1	3,64	3,86	3,44	2,21	0,0404681	0,140334
ZNF548	1,85	1,44	1,08	2,39	0,040482	0,140352
AC009403.2	1,85	2,35	2,89	1,59	0,0404868	0,140352
RP11-231I16.1	0,04	0,03	0,09	0,39	0,0404921	0,140352
PPM1J	1,45	0,21	0,40	0,13	0,040512	0,140399
IMMP2L	4,31	2,14	3,72	0,51	0,0405502	0,140504
RP11-526D8.3	0,00	0,00	0,00	0,81	0,0405557	0,140504
RP11-720N19.2	0,70	0,00	0,23	3,97	0,0405628	0,140504
ANAPC16	6,75	5,15	5,82	4,93	0,0405676	0,140504
SLC35D1	1,56	0,84	1,40	0,50	0,0405907	0,140552
INO80E	1,39	2,53	1,68	2,23	0,0405941	0,140552
RP11-179G8.2	0,00	0,00	0,04	0,29	0,040604	0,140564
PPP1R10	5,74	3,90	5,45	5,92	0,0406108	0,140566
RP11-706O15.1	3,64	4,59	3,92	3,89	0,0406194	0,140574
RP11-54H7.4	0,54	1,23	0,68	1,52	0,0406264	0,140576
CTD-3105H18.7	0,25	3,58	0,00	0,00	0,0406366	0,14059
NBPF26	4,69	3,41	4,62	5,37	0,0406593	0,140646
FAM138A	2,16	0,00	1,29	2,87	0,0406713	0,140666
MLX	5,55	4,61	4,46	4,49	0,0406967	0,140732
RP11-494O16.4	0,38	0,82	0,76	0,75	0,0407103	0,140743
TUBE1	2,83	2,88	2,20	2,20	0,0407126	0,140743
TOM1L1	0,27	0,68	0,30	2,99	0,0407286	0,140749
DRG1	5,88	5,11	4,98	4,24	0,0407292	0,140749
ADRA2B	0,00	3,00	0,00	0,03	0,0407333	0,140749
AC098823.3	0,32	0,37	0,32	0,14	0,0407696	0,140825
ALG3	5,94	4,24	4,94	3,42	0,0407752	0,140825
KIAA0100	4,54	5,25	5,28	4,72	0,0407828	0,140825
RP11-646E18.4	0,00	0,13	0,11	0,00	0,0407864	0,140825
RP11-139H14.5	0,00	0,00	0,00	0,03	0,04079	0,140825
LINC-ROR	1,46	2,35	1,27	0,53	0,0407932	0,140825
RAB4B-EGLN2	0,24	0,24	0,00	0,00	0,0408241	0,140889
RP4-798A10.7	0,00	3,02	0,00	1,46	0,0408244	0,140889
PRR27	0,00	0,33	0,05	0,12	0,0408752	0,141042
CFL2	0,93	1,02	1,44	0,35	0,0408869	0,14106
RP11-290F20.1	0,00	2,29	0,00	0,00	0,0409023	0,141078
PGM3	2,35	2,18	0,85	1,18	0,0409048	0,141078
GVINP1	0,39	0,08	0,38	1,07	0,0409319	0,141105
C11orf71	3,38	0,28	2,42	3,71	0,0409449	0,141105
DENND1B	4,86	3,43	3,94	2,07	0,0409454	0,141105
NRM	4,34	1,90	4,77	3,19	0,0409465	0,141105
RNU6-1	3,50	1,21	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-2	3,50	1,21	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-3P	3,50	1,21	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-4P	3,50	1,22	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-5P	3,50	1,22	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-6P	3,50	1,21	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
RNU6-9	3,50	1,21	3,51	3,40	0,0409823	0,141105
PIWIL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,041023	NA
RP11-74N20.1	0,15	0,18	0,89	0,89	0,0410544	0,141306
RP11-382A20.3	1,17	0,57	1,57	2,42	0,0410567	0,141306
CERCAM	0,12	1,34	0,28	1,15	0,0410598	0,141306
TRIM72	0,44	0,78	0,61	0,66	0,0410803	0,141355
RP11-172H24.4	0,30	0,59	0,41	0,34	0,0410954	0,141385

SGTB	0,48	0,68	1,02	1,98	0,0411185	0,141417
PRMT3	3,12	3,86	1,34	1,01	0,0411187	0,141417
RP11-325N19.3	0,29	2,04	0,39	0,47	0,0411238	0,141417
FBXO10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0411658	0,14152
CTD-2583A14.8	0,38	1,68	0,75	2,20	0,0411681	0,14152
LRAT	0,22	0,21	0,18	0,24	0,041173	0,14152
TCP1	6,65	5,13	5,81	5,08	0,0412001	0,141592
DHX16	4,06	1,24	3,69	1,48	0,0412346	0,141688
ANKRD13C	3,48	1,27	2,61	1,41	0,0412429	0,141695
SPIN4	0,18	0,00	0,08	0,46	0,0412587	0,141727
FAM108C1	0,15	0,00	0,33	0,00	0,0412682	0,141738
C18orf25	3,35	2,43	1,83	1,26	0,0412757	0,141742
ACO05606.14	0,00	3,71	0,00	0,00	0,0412847	0,141751
CCNJ	2,03	0,29	1,11	0,84	0,0412961	0,141761
KLHL18	4,31	4,84	4,40	4,54	0,0413003	0,141761
C8orf41	2,37	1,10	2,23	2,17	0,0413318	0,141847
GRPEL1	6,15	1,70	5,21	3,96	0,0413407	0,141855
IFFO1	3,05	3,68	4,07	4,11	0,0413599	0,141899
RP11-16N2.1	0,57	2,29	1,06	2,01	0,0413695	0,14191
SLC9A3R2	0,00	0,34	0,13	0,12	0,0413831	0,141935
MTFR1	3,04	3,67	1,99	0,54	0,0414676	0,142192
RP11-14I17.2	2,15	1,97	1,67	3,08	0,0414708	0,142192
C16orf46	0,00	0,48	0,00	0,00	0,0414959	0,142256
AKT3	1,81	3,23	2,21	2,18	0,0415042	0,142263
FAM126A	3,47	0,97	3,77	3,11	0,0415207	0,142295
LA16c-390H2.4	0,53	0,61	0,52	0,79	0,0415272	0,142295
ITPRIP	3,17	1,79	3,15	1,77	0,0415328	0,142295
RP11-419I17.2	0,76	2,19	0,37	0,32	0,041554	0,142307
RAPGEF2	3,64	4,00	2,79	4,58	0,0415544	0,142307
IDH3B	7,19	6,14	6,20	6,10	0,0415555	0,142307
ZNF658	0,27	1,40	0,08	0,35	0,0415716	0,14234
VDAC3	7,43	6,85	6,63	5,57	0,0415854	0,142365
RP13-685P2.5	0,54	1,19	0,41	0,98	0,0415952	0,142366
CD40	4,05	0,85	3,59	0,94	0,0416038	0,142366
TRAPPC8	5,12	4,06	4,58	4,84	0,0416049	0,142366
RP11-102M11.1	0,19	1,32	0,58	1,74	0,0416173	0,142387
PDIK1L	1,50	0,00	1,09	0,11	0,0416315	0,142399
SPTBN5	0,00	0,45	0,00	0,01	0,0416336	0,142399
TARBP1	5,45	2,43	5,01	5,28	0,0416661	0,142488
RBM5-AS1	0,14	0,32	0,33	0,33	0,0417127	0,142625
RP11-80B9.1	0,00	0,22	0,00	0,00	0,0417351	0,14268
TSGA10	0,33	0,25	0,22	0,28	0,041772	0,142784
RP11-258B16.1	0,05	0,30	0,05	0,19	0,0417834	0,142796
RP11-739N10.1	2,07	3,97	1,07	3,40	0,0417882	0,142796
STX16	4,90	4,13	4,47	5,06	0,0418117	0,142838
HSDL1	0,03	0,05	1,86	0,21	0,0418134	0,142838
AFF1	4,44	3,06	3,51	4,93	0,0418571	0,142965
BBX	6,07	5,21	5,29	5,12	0,0418855	0,14304
IP6K2	5,88	4,75	5,23	5,06	0,0419174	0,143127
FANCD2OS	0,00	0,58	1,06	1,42	0,0419313	0,143152
SIPA1L3	3,23	2,43	3,42	2,05	0,041948	0,143187
FGFR3	0,02	0,05	0,03	0,03	0,0419682	NA
RN7SL477P	0,00	3,59	0,73	0,00	0,0419693	0,14322
TUBB4A	0,00	2,12	0,00	0,05	0,0419703	0,14322
LPAR4	0,81	1,41	0,98	1,27	0,0419844	0,143246

RP11-264B17.5	1,08	3,92	0,47	4,74	0,0420002	0,143278
NCDN	0,39	0,00	0,50	0,17	0,0420151	0,143307
FLVCR2	1,90	0,86	3,58	2,40	0,0420226	0,143308
POLG2	4,35	4,98	3,52	3,69	0,0420283	0,143308
RP3-330O12.5	0,23	0,25	0,28	0,42	0,0421	0,14353
TRIM59	3,94	1,15	3,09	1,75	0,0421338	0,143612
EEF1AKMT1	1,58	3,10	2,22	1,34	0,0421369	0,143612
ZNF581	5,25	6,53	5,49	5,42	0,0421449	0,143617
ARHGAP29	1,19	0,34	1,09	2,74	0,0421631	0,143652
ACO17060.1	0,83	0,33	0,83	1,95	0,0421708	0,143652
ANKAR	1,35	0,16	1,33	1,11	0,0421798	0,143652
FFAR4	0,18	0,77	0,17	0,31	0,042181	0,143652
TMEM9B-AS1	0,00	0,49	0,22	0,00	0,0421944	0,143672
RP4-726F1.1	3,37	0,00	2,96	1,88	0,0421997	0,143672
PRDX3	7,27	6,35	6,41	5,76	0,0422094	0,143682
TBX4	0,15	0,00	0,20	0,08	0,0422287	0,143726
ZNF225	1,65	2,81	2,77	2,50	0,0422537	0,143789
RP11-949J7.7	0,52	1,39	1,02	0,34	0,0423064	0,143947
KCNK10	0,43	0,90	0,40	0,53	0,0423394	0,144037
CSPP1	2,83	4,97	2,87	3,78	0,0423506	0,144053
ACO02310.7	0,16	0,00	0,32	0,37	0,0423649	0,144079
SNRPG	6,59	7,24	6,87	7,17	0,0423747	0,144091
PRR5L	1,22	1,05	0,87	3,52	0,0424121	0,144174
RP11-170N11.1	0,00	0,10	0,39	0,12	0,0424121	0,144174
AC109326.1	2,80	2,49	3,56	3,31	0,0424213	0,144182
RP11-162A12.2	0,10	0,17	0,08	0,00	0,0424327	0,144182
NIPAL1	0,19	0,60	0,29	0,27	0,0424365	0,144182
SCMH1	1,89	2,50	1,15	0,12	0,0424404	0,144182
BRAP	3,52	2,08	3,48	1,62	0,0424548	0,144202
ACO07677.1	0,00	4,20	0,95	1,81	0,0424613	0,144202
WDR36	3,87	1,59	2,97	2,31	0,0424657	0,144202
ACO03075.4	2,03	0,37	2,05	5,01	0,0424742	0,144207
ACOXL	0,44	0,49	0,50	0,61	0,0424803	0,144207
NPY6R	0,00	0,00	0,05	0,00	0,0425048	NA
TREH	0,00	0,38	0,00	0,00	0,0425321	0,144361
PHPT1	6,18	6,60	6,46	6,69	0,0425435	0,144374
RP11-666A8.13	0,02	0,00	0,00	0,37	0,0425488	0,144374
DENND4C	4,51	2,71	3,81	2,83	0,042594	0,144505
DDOST	7,37	6,11	7,00	6,29	0,0426013	0,144508
ALDH1L1	0,33	2,70	0,31	0,38	0,042619	0,144546
DAXX	4,49	3,82	2,52	2,36	0,0426263	0,144548
HARS2	3,71	0,50	3,81	2,36	0,0426394	0,144571
ACO10761.6	0,96	1,83	1,07	2,17	0,0426474	0,144576
RP11-751H17.1	0,33	1,54	0,43	0,62	0,0426744	0,144626
KIAA0319	0,00	0,02	0,02	0,07	0,0426801	0,144626
CYP3A4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0426817	0,144626
SNORA75	0,00	0,00	0,00	1,48	0,0426937	0,14463
GSN	6,71	7,31	7,02	6,34	0,0426958	0,14463
NCRNA00114	0,53	0,61	0,93	0,76	0,042735	0,14474
MRPL37	6,22	5,02	5,93	3,55	0,0427707	0,144839
ZWILCH	1,18	0,15	0,80	0,24	0,042804	0,144911
SOBP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0428049	0,144911
SMIM20	4,86	5,45	4,11	2,60	0,0428203	0,144941
C10orf10	0,00	0,00	0,22	0,00	0,0428617	0,145059
RP11-1246C19.1	0,05	0,15	0,12	0,08	0,0428777	0,145091

ZNF575	0,08	0,00	0,14	0,00	0,0428928	0,14512
RP11-538P18.1	0,00	0,00	0,61	0,00	0,0429273	0,145215
TPCN1	3,10	3,13	3,97	3,68	0,0430041	0,145452
UBE2V1	6,33	5,77	6,03	5,07	0,0430246	0,145499
IGKV1-5	0,00	2,42	0,00	0,32	0,0430325	0,145504
CTC-308K20.1	0,46	3,25	0,53	0,67	0,0430442	0,145521
MRPL50	3,51	3,03	0,50	1,86	0,0430679	0,145554
AC009961.3	1,95	2,73	1,27	1,72	0,0430727	0,145554
PRKG2	0,00	0,00	0,04	0,17	0,0430734	0,145554
ATXN1	2,81	1,16	3,01	2,88	0,0430964	0,145605
SOCS3	2,29	3,17	3,50	2,37	0,0431017	0,145605
MIR7851	0,00	2,15	1,72	2,09	0,043127	0,145668
CTB-36H16.2	0,00	1,03	0,00	0,00	0,0431496	0,145723
CCDC170	0,61	1,15	1,53	1,80	0,0431701	0,14577
SNRPA1	7,00	6,74	6,59	5,51	0,0431829	0,145791
WIZ	1,16	2,39	1,30	0,58	0,0431909	0,145795
LRRC70	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0432084	0,145833
RP11-283I3.6	1,16	0,80	0,34	0,52	0,0432303	0,145864
CDC23	3,43	2,90	1,74	2,67	0,0432308	0,145864
RP11-383G6.3	1,92	2,53	1,92	0,84	0,0432763	0,145995
AC091814.3	0,12	0,81	0,54	0,85	0,0432919	0,146015
CPAMD8	0,68	1,43	0,86	0,70	0,0432954	0,146015
BROX	4,91	3,86	4,45	4,79	0,0433073	0,146033
RP1-86C11.7	0,00	1,26	0,00	0,32	0,0433217	0,146059
RP4-669K10.8	1,02	1,90	1,27	1,67	0,0433331	0,146069
ZSWIM8	4,59	5,24	5,39	4,71	0,0433552	0,146128
PFAS	2,58	0,81	2,24	2,06	0,043386	0,14621
SEMA6A	0,84	0,55	0,90	0,41	0,043406	0,146249
TBXAS1	5,65	3,77	5,88	5,90	0,0434108	0,146249
CEBPG	4,17	2,16	3,63	1,77	0,0434352	0,146309
DHRS4L2	4,81	2,93	5,22	5,24	0,0434429	0,146313
RP11-109N23.5	0,94	0,00	0,00	0,00	0,0434571	0,146338
CHID1	5,15	5,87	5,21	4,32	0,0435077	0,146487
ATP5H	7,91	8,40	7,72	7,97	0,043528	0,146533
MBD4	4,87	2,90	4,18	3,50	0,0435523	0,146567
RP11-480C16.1	0,67	1,00	0,73	1,03	0,0435537	0,146567
PQBP1	6,68	5,68	6,55	5,98	0,043558	0,146567
RP5-1126H10.2	0,00	0,07	0,00	0,04	0,0435804	0,146621
RP11-90D4.5	0,00	0,00	0,17	1,99	0,0436017	NA
NRBF2	4,14	1,77	3,73	2,49	0,0436229	0,146741
OSGIN2	3,17	4,04	1,74	1,23	0,0436383	0,146771
BOP1	2,41	4,68	2,11	3,83	0,0436971	0,146918
RP11-874I12.1	0,17	0,35	0,28	1,13	0,0436977	0,146918
INPP5K	4,74	1,87	4,68	5,18	0,0437058	0,146918
TMED3	5,67	4,23	5,83	5,18	0,0437086	0,146918
NNMT	0,06	0,22	0,15	0,08	0,0437257	0,146953
ZNF276	2,44	1,57	3,64	4,04	0,043733	0,146956
NOC2L	3,21	4,16	3,50	3,37	0,0437638	0,147013
ZNF235	0,60	0,04	0,57	0,44	0,043768	0,147013
C12orf48	1,03	0,15	0,98	1,64	0,0437698	0,147013
AC159540.2	3,69	0,00	0,00	2,43	0,0437888	0,147054
RP11-350I20.5	1,85	2,57	2,10	2,58	0,0438018	0,147076
HADHB	6,98	5,14	6,19	5,72	0,0438411	0,147159
RP11-961A15.1	1,06	3,59	3,14	3,58	0,0438485	0,147159
QARS	7,10	7,61	7,24	6,94	0,0438513	0,147159

TRMT12	2,08	2,66	0,46	3,03	0,0438607	0,147159
CCDC73	0,16	0,00	0,06	0,04	0,0438703	0,147159
MRPS22	5,28	4,40	4,84	2,97	0,043876	0,147159
RAB33A	3,30	0,12	0,00	0,11	0,0438783	0,147159
TRBC2	3,29	5,40	1,04	6,51	0,0438795	0,147159
LINC00092	0,26	1,30	0,12	0,75	0,0439261	0,14727
GFM2	3,97	1,69	3,18	4,70	0,0439322	0,14727
CTD-2553L13.5	1,64	2,55	1,95	0,94	0,0439326	0,14727
RP11-142A12.1	0,61	1,06	0,93	0,25	0,0439566	0,147328
CPSF7	3,14	1,63	3,03	2,09	0,0439957	0,147437
RBL1	2,17	0,30	1,35	2,28	0,0440138	0,147476
RP11-693N9.2	0,65	3,65	0,52	1,97	0,0440217	0,14748
ACOX2	0,00	3,85	0,00	0,69	0,0440361	0,147506
MFS14C	3,73	4,96	4,11	4,10	0,0440928	0,147674
ZNF134	1,14	0,46	0,82	0,32	0,0441162	0,14773
NAP1L1	7,97	7,68	7,69	6,66	0,0441383	0,147781
CGA	0,73	0,57	0,68	1,29	0,0441721	0,147872
C2CD5	3,71	1,36	3,56	3,69	0,0441869	0,147885
RP11-380B4.3	0,21	0,14	0,11	0,15	0,0441933	0,147885
NEK10	0,61	2,46	0,87	0,33	0,0441959	0,147885
ACO06000.5	2,33	0,21	1,93	3,26	0,0442454	0,148029
NT5DC2	2,76	0,86	4,12	3,40	0,0442526	0,14803
UBE2G1	4,91	2,99	3,84	2,12	0,044274	0,14808
ATP7A	2,07	1,32	1,38	1,18	0,0443396	0,148277
IFT57	5,06	5,72	5,05	3,24	0,0443554	0,148307
CX3CL1	0,08	0,20	0,08	0,08	0,0443994	0,148432
ELP4	3,45	4,85	2,30	3,09	0,0444263	0,1485
RP11-1077A2.1	0,49	1,03	0,67	0,48	0,04447	0,148589
SNHG9	4,56	5,25	5,45	5,69	0,0444726	0,148589
CHCHD2	8,88	7,59	8,71	7,95	0,044473	0,148589
RP11-568A7.4	1,22	0,88	2,41	2,18	0,0445026	0,148663
CTD-2510F5.6	0,00	0,00	0,61	2,70	0,0445087	0,148663
RP11-88I21.2	1,08	2,27	0,89	0,73	0,0445211	0,148683
APO00230.1	0,48	1,40	1,11	1,70	0,0445439	0,148735
RP11-445N18.7	0,05	0,50	0,11	0,16	0,0445598	0,148735
MBTD1	3,57	2,83	2,07	2,73	0,0445611	0,148735
RP13-314C10.5	0,72	1,47	0,40	0,68	0,0445637	0,148735
RP11-351N5.1	1,18	4,12	1,35	1,61	0,0445909	0,148804
RP11-473M20.11	0,00	1,83	0,00	0,00	0,0446134	0,148842
CTD-2090I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0446157	0,148842
ZNF514	1,73	0,09	1,26	0,22	0,0446403	0,148869
FAHD1	4,19	1,24	4,03	1,31	0,0446435	0,148869
CELF1	5,34	3,57	5,13	4,04	0,044644	0,148869
LBHD1	2,39	0,19	2,26	2,32	0,0446551	0,148884
BBS7	0,98	0,05	0,09	0,72	0,0446743	0,148905
KCTD14	0,00	2,36	0,00	0,00	0,0446807	0,148905
GRWD1	1,97	0,41	1,19	0,77	0,0446816	0,148905
RP5-898J17.1	0,00	0,66	0,03	0,17	0,0446941	0,148914
C19orf53	6,28	6,85	6,25	6,66	0,0446977	0,148914
PSMB9	9,29	8,33	8,80	8,18	0,0447212	0,14897
PHC3	4,42	4,89	3,33	2,49	0,0447999	0,14921
RASSF4	6,18	6,89	6,55	6,19	0,0448145	0,149218
EVL	5,80	6,58	5,43	4,79	0,0448159	0,149218
ATAD3C	0,17	0,63	0,35	0,41	0,0448377	0,149268
ZFR	5,66	4,85	5,07	4,22	0,0448442	0,149268

HRH4	0,07	0,20	0,13	0,16	0,0448534	0,149276
RP11-533E19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0448691	0,149306
RP11-56N19.5	0,06	0,16	0,15	0,25	0,0448916	0,149359
RP11-255M2.3	0,68	1,43	1,92	0,39	0,0449229	0,14944
PEX7	1,12	0,68	1,31	0,24	0,0449599	0,149541
NORAD	3,62	3,48	3,36	3,95	0,0449809	0,149588
ATRN	1,42	2,17	1,09	0,48	0,0450128	0,149663
STYK1	0,00	0,00	0,00	0,31	0,0450166	0,149663
RP11-274G22.1	0,79	2,54	1,05	0,38	0,0450322	0,149682
FLYWCH1	2,20	2,20	2,45	4,04	0,0450372	0,149682
LIPH	0,08	0,11	0,06	0,16	0,0450477	0,149682
MRPL1	4,43	4,45	3,82	3,46	0,0450494	0,149682
SLX4IP	2,19	1,16	1,41	0,28	0,0451278	0,149894
LMAN1	2,87	1,95	3,47	2,26	0,0451325	0,149894
PEX2	4,67	3,97	3,04	5,25	0,0451333	0,149894
RP11-70F11.8	0,00	0,35	0,36	0,54	0,0451519	0,149917
RP11-106D4.2	0,16	0,20	0,15	0,09	0,0451538	0,149917
RP11-116N8.2	0,44	1,14	0,75	0,69	0,0451754	0,149966
TBC1D17	0,90	0,35	1,84	1,40	0,0451825	0,149967
TIMM22	3,16	4,06	2,51	1,04	0,0451964	0,149991
RP11-61L19.1	0,07	0,60	0,09	0,15	0,0452116	0,150019
AC005624.2	0,00	0,00	0,00	1,10	0,0452351	NA
CTA-963H5.5	0,00	0,85	0,89	0,00	0,0452404	0,150092
SF3B6	7,07	7,01	6,99	6,01	0,04527	0,15014
ZNF528	1,35	0,75	1,45	2,23	0,0452721	0,15014
RP11-420G6.4	2,65	3,35	2,59	3,95	0,0452793	0,15014
SEC14L6	0,28	0,85	0,45	0,62	0,0452992	0,15014
CASP8AP2	4,10	3,27	3,34	5,01	0,0453033	0,15014
CTD-2062F14.2	1,49	1,75	1,92	2,56	0,0453061	0,15014
AC008440.10	0,00	0,00	0,37	1,49	0,0453135	0,15014
GNA12	4,20	5,93	4,21	2,26	0,0453137	0,15014
HAUS5	2,23	4,53	1,99	0,15	0,0453156	0,15014
PTPN9	3,53	2,84	2,92	1,60	0,0453484	0,150211
RP13-131K19.1	0,00	0,00	0,00	1,77	0,0453505	0,150211
RP11-12J10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0453637	0,150232
RP11-758M4.1	0,61	1,08	0,98	1,84	0,0453824	0,150272
CTD-2382E5.4	0,74	1,35	1,03	1,08	0,0454289	0,150403
ZDHHC14	0,13	0,22	0,66	0,42	0,0454387	0,150404
ABCD1	0,78	2,09	1,85	1,07	0,0454425	0,150404
C4BPB	1,17	1,43	1,03	1,07	0,04548	0,150505
ZSCAN4	0,05	0,00	0,09	0,16	0,0454954	0,150534
SCGB3A2	1,30	4,94	2,10	2,36	0,0455038	0,150539
EFCAB12	0,40	0,44	0,35	0,63	0,0455573	0,150694
ZNF525	2,18	2,59	1,63	1,91	0,0456024	0,15082
RP11-105N13.2	0,23	0,14	0,26	0,22	0,0456187	0,150852
TELO2	0,09	0,41	1,83	2,14	0,0456452	0,150917
GRAP	0,00	0,05	0,02	0,03	0,0456665	0,150965
RP11-437B10.1	2,11	1,91	1,89	2,56	0,0456877	0,151013
YIF1B	7,32	6,76	7,08	5,99	0,0457016	0,151036
MMS19	5,08	5,72	4,79	5,19	0,0457087	0,151037
CHRAC1	4,83	5,25	3,86	3,47	0,0457464	0,151139
ZYX	6,20	6,32	6,74	6,53	0,0457645	0,151176
BIRC2	4,50	3,20	4,66	4,52	0,0457764	0,151194
MARCH6	5,98	3,44	5,63	4,00	0,0458005	0,151251
CD82	1,56	4,83	1,69	1,80	0,045847	0,151382

AC007126.1	0,81	0,91	0,96	1,07	0,0458669	0,151425
AGPAT1	4,60	4,37	4,20	1,72	0,0458793	0,151443
GPX2	0,19	1,13	0,18	0,22	0,0459399	0,151562
CCNL2	4,90	5,86	5,40	5,62	0,0459399	0,151562
KLHL21	2,39	1,44	1,95	0,82	0,0459408	0,151562
PCSK6	0,25	0,06	0,35	0,25	0,0459424	0,151562
TCTN3	5,86	1,25	5,00	2,82	0,0459645	0,151612
RP11-266L9.5	0,00	0,08	0,00	0,45	0,0459823	0,151633
MCM3APAS	0,53	0,07	0,94	0,87	0,0459845	0,151633
ZNF253	1,43	0,87	0,41	0,41	0,046006	0,151681
BMS1P1	2,68	1,00	2,52	1,40	0,0460317	0,151743
MYO3A	0,00	2,31	0,00	0,00	0,0460673	0,151834
TLE2	0,00	0,63	0,33	0,05	0,0460729	0,151834
ISLR2	0,10	0,37	0,18	0,15	0,046091	0,151871
PGM2	4,00	5,10	3,35	1,09	0,0461313	0,151982
NIPA1	0,35	0,67	0,46	1,94	0,0461795	0,152105
PARP6	5,32	2,02	5,64	5,51	0,0461824	0,152105
TPD52	2,90	4,34	1,60	0,98	0,046238	0,152255
IGLJ2	0,00	2,08	0,00	0,00	0,0462416	0,152255
ITPKC	0,34	0,00	0,26	0,04	0,0462614	0,152297
RABL2A	0,71	1,64	1,22	0,38	0,0462717	0,152309
FGD6	1,17	3,80	1,68	3,17	0,0462809	0,152314
AC004980.7	1,37	1,17	1,89	2,81	0,046287	0,152314
C5AR1	1,23	2,96	1,50	2,84	0,0463045	0,152339
ANKRD11	5,49	5,72	5,54	5,41	0,0463085	0,152339
MYO5C	1,42	0,91	0,27	0,23	0,0463154	0,152339
RP11-257114.1	0,26	0,63	0,20	0,29	0,046322	0,152339
GTF2F2	4,45	3,54	4,10	2,94	0,0463319	0,152349
TOR1AIP2	3,35	2,62	3,95	4,12	0,0463478	0,152365
RP11-540A21.2	0,00	0,25	0,00	0,06	0,0463505	0,152365
CHPT1	4,33	3,84	4,24	2,17	0,0463646	0,152389
CTA-398F10.1	4,65	5,36	4,69	5,02	0,0463908	0,152452
RP11-326119.2	0,00	0,96	0,00	0,00	0,0464145	0,152506
ZNF684	1,92	2,84	1,69	1,49	0,0464223	0,152506
AOAH	7,38	7,61	7,81	7,53	0,0464341	0,152506
PI4KB	4,86	3,94	4,33	3,21	0,0464413	0,152506
RASSF9	0,10	0,17	0,16	0,27	0,046446	0,152506
DDX21	5,59	4,61	5,16	4,69	0,0464541	0,152506
UBE2D3	8,49	8,31	8,10	6,89	0,0464555	0,152506
RIOK1	5,01	4,14	4,27	3,64	0,0464658	0,152506
RP13-516M14.10	0,44	1,73	2,51	2,39	0,046473	0,152506
IQGAP1	7,08	7,25	7,05	6,74	0,0464757	0,152506
USPL1	3,92	1,77	2,78	1,16	0,0465432	0,152705
TRIM22	7,09	6,42	6,40	6,53	0,0465524	0,152712
TDP1	4,05	2,17	3,11	1,53	0,046596	0,152833
AC093642.1	0,14	0,00	0,07	0,47	0,0466047	0,152839
CUX1	5,19	5,37	5,10	3,91	0,0466148	0,15285
ZNF274	3,10	0,64	2,30	1,97	0,0466521	0,152949
NXT2	2,75	0,16	1,59	0,17	0,0466655	0,152971
CTB-5506.10	0,00	0,00	0,00	1,49	0,0466912	0,153026
ST3GAL6	5,97	6,57	5,07	4,77	0,0466962	0,153026
HM13	6,12	5,42	6,40	5,92	0,0467485	0,153175
FAM110A	3,42	1,79	3,87	3,06	0,0467557	0,153176
SLC29A3	3,34	1,38	1,99	0,80	0,0467968	0,153276
RRP1	3,00	2,86	3,75	3,71	0,0468052	0,153276

OFD1	4,74	4,01	3,52	3,20	0,046807	0,153276
TRIM37	2,16	1,27	1,55	3,05	0,0468451	0,153375
SWI5	4,15	1,33	2,04	0,60	0,046851	0,153375
TMEM105	0,79	2,26	0,50	0,38	0,0468674	0,153406
ATRAID	7,78	7,34	7,20	6,19	0,0468754	0,15341
XPA	5,12	4,87	4,43	3,96	0,046905	0,153484
MMP7	1,63	2,59	2,10	2,71	0,0469457	0,153594
PTRHD1	6,25	6,42	5,93	5,22	0,046988	0,15371
RP1-56K13.1	0,85	0,46	0,88	1,50	0,0469992	0,153724
RP11-13P5.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,0470299	0,153802
RP11-378E13.3	1,47	2,00	1,52	2,35	0,047044	0,153807
HSBP1	5,57	5,43	5,81	5,90	0,0470452	0,153807
EIF4E	5,53	5,79	4,97	3,99	0,0470725	0,153873
UBE2A	6,19	4,93	5,24	4,04	0,047105	0,153921
ALG10B	0,77	1,85	0,75	0,53	0,0471081	0,153921
CD247	0,12	4,11	0,00	1,19	0,047117	0,153921
MTHFS	5,01	0,34	4,21	4,91	0,0471255	0,153921
PDE8A	3,53	0,79	4,01	3,28	0,0471286	0,153921
PXDC1	0,48	0,00	0,17	0,15	0,0471286	0,153921
NAMPT	8,44	7,66	8,36	7,70	0,0471623	0,154009
AC079923.1	0,00	0,00	0,11	0,00	0,0472177	0,154167
MTMR6	3,32	4,47	3,26	2,76	0,047237	0,154207
STK3	4,10	5,24	3,72	3,99	0,0472463	0,15421
RP1-225E12.2	4,43	2,09	3,56	3,88	0,0472518	0,15421
SF3B1	7,95	6,87	7,00	7,40	0,0472688	0,154243
RP11-15J22.8	0,00	0,00	0,67	0,00	0,0473223	0,154383
RP11-130F10.1	0,83	0,00	0,22	0,82	0,0473285	0,154383
PIR	1,63	1,77	1,70	2,08	0,0473338	0,154383
RP11-116D17.4	1,16	1,02	1,08	2,06	0,0473395	0,154383
GRHL1	0,07	0,22	0,14	0,27	0,0473489	0,154391
NDUFC2	6,81	7,27	7,11	6,58	0,0473733	0,154448
NRARP	0,14	0,15	0,41	0,00	0,0473833	0,154458
AC006129.2	2,49	5,28	2,34	3,40	0,0474053	0,154496
TRIM52	2,40	0,96	1,88	2,99	0,0474088	0,154496
EZH1	4,18	2,92	4,17	4,82	0,0474407	0,154563
RP11-14N9.2	4,07	4,67	3,72	4,53	0,0474466	0,154563
AFTPH	5,59	3,67	4,96	4,67	0,0474505	0,154563
TMED10	7,04	5,19	6,55	5,79	0,0474713	0,154609
RN7SL285P	1,17	4,77	3,82	3,72	0,0475307	0,154779
CCDC186	3,49	2,22	2,86	4,27	0,0475391	0,154784
CCDC36	0,00	0,37	0,08	0,10	0,0475699	0,154862
KIFC2	0,25	2,60	0,00	0,00	0,0476294	0,155029
ZNF484	1,10	0,00	0,57	0,04	0,0476354	0,155029
PALLD	0,93	1,09	1,01	2,02	0,0476815	0,155157
ELF3	0,30	1,56	1,96	1,29	0,0477189	0,155256
PPM1M	5,20	3,52	4,19	2,52	0,0477505	0,155327
PCCA	3,30	4,55	4,00	3,04	0,0477548	0,155327
RP11-29G8.3	1,31	0,77	0,55	0,84	0,0477725	0,155341
MRPS16	5,23	4,04	5,25	5,23	0,047773	0,155341
CHST9	0,01	0,00	0,02	0,02	0,0477875	0,155365
ALPK1	3,88	4,31	3,67	3,46	0,0477989	0,15538
WDR90	2,21	2,90	2,18	2,27	0,0478551	0,15554
BRWD1-IT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0478671	0,155556
ZNF335	2,41	1,78	3,07	2,97	0,0479182	0,155699
IER5L	0,11	0,15	0,10	0,05	0,0479425	0,155755

DNAJC5B	0,07	0,22	0,06	0,19	0,0480027	0,155928
ACO98828.2	1,81	2,99	1,71	2,46	0,0480247	0,155977
RP11-326C3.11	2,44	3,24	3,05	2,79	0,0480494	0,156021
RP11-737O24.5	1,70	0,25	3,52	0,75	0,0480524	0,156021
NSUN6	3,91	3,89	3,79	3,72	0,0480599	0,156023
GPR63	0,27	0,05	0,28	0,74	0,0480937	0,156084
HLA-H	3,09	4,04	2,96	2,45	0,0480968	0,156084
ZNF492	0,06	0,19	0,07	0,03	0,0480999	0,156084
NME2	8,15	8,26	8,17	7,60	0,0481074	0,156086
ACO04257.1	0,00	0,96	0,00	0,87	0,0481143	NA
MRPL18	6,62	5,51	5,65	3,84	0,0481187	0,156087
TGFB111	0,35	0,63	0,68	0,47	0,0481218	0,156087
SLC9A9	3,97	0,65	3,01	3,77	0,0481322	0,156098
ZNF829	0,42	0,97	0,69	0,49	0,0481731	0,156208
RN7SL5P	0,00	0,00	0,00	1,61	0,048214	NA
RP11-437L7.1	0,08	0,00	0,20	0,00	0,048215	0,156321
ZNF789	4,54	2,34	3,36	2,45	0,0482242	0,156322
CYP4F2	0,00	1,89	0,00	0,00	0,0482296	0,156322
ACO26150.8	2,13	2,52	1,56	0,00	0,0482537	0,156378
WASH6P	3,27	2,99	4,38	4,30	0,0482665	0,156396
ACSL3	4,83	5,20	4,02	3,46	0,0483405	0,156613
RP5-1069C8.2	2,24	3,95	2,33	3,08	0,0483506	0,156614
UNKL	0,35	0,51	1,54	3,59	0,0483612	0,156614
TTL1	2,37	2,00	0,47	0,16	0,0483665	0,156614
ENPP4	2,57	0,84	1,81	1,37	0,0483688	0,156614
IGFL4	1,12	2,69	0,92	1,35	0,0483925	0,156668
RP3-370M22.8	0,00	0,00	0,00	0,11	0,0484148	0,156717
CYP4F8	0,83	1,44	1,02	0,76	0,048445	0,156792
DUSP19	0,15	0,38	0,16	0,20	0,0484641	0,156831
RBBP5	3,06	0,87	2,79	1,44	0,0484881	0,156886
LAMC3	0,04	0,36	0,04	0,04	0,0484975	0,156893
ZNF618	0,91	1,06	1,25	0,54	0,048514	0,156924
ACO00123.3	0,00	0,00	0,00	0,45	0,0485513	0,157022
UCK2	5,64	4,79	5,09	1,35	0,0485638	0,157039
RP11-430C7.4	0,00	2,47	0,00	0,00	0,0485796	0,157067
AC107070.1	0,00	1,72	0,00	0,00	0,0486578	0,157298
DEGS2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,048666	0,157299
IFT22	1,37	1,29	1,30	1,73	0,0486724	0,157299
RP11-703G6.1	4,22	4,45	4,11	3,92	0,0486976	0,157357
RASA4	3,62	3,64	4,26	4,35	0,0487126	0,157383
COQ6	3,82	1,92	2,14	2,00	0,048732	0,157423
IL9R	0,00	0,85	0,00	0,00	0,0487663	0,157451
SNORA28	7,09	7,23	7,00	3,92	0,0487667	0,157451
RIMKLA	0,03	0,12	0,04	0,04	0,0487679	0,157451
RP1-29C18.10	0,01	0,46	0,03	0,00	0,048769	0,157451
SNORD13	3,82	5,61	4,23	4,97	0,0487788	0,15746
CLASRP	2,14	3,54	3,78	5,29	0,0487874	0,157461
SND1-IT1	2,45	2,73	3,32	1,96	0,0487933	0,157461
RP1-224A6.4	4,20	1,17	3,84	2,98	0,0488076	0,157484
RP11-1114A5.4	1,46	1,51	1,73	2,18	0,0488268	0,157523
PRKCD	5,50	4,49	5,03	5,05	0,048835	0,157527
RP11-39K24.15	0,00	0,00	0,00	0,12	0,0488587	NA
GLMP	2,46	2,09	4,20	4,74	0,0489177	0,15777
RP11-170J3.2	1,51	0,45	1,32	1,19	0,0489309	0,15779
ZNF589	2,30	1,20	2,94	2,73	0,0489432	0,157807

FAM105A	6,83	5,56	6,19	4,24	0,0489633	0,157849
CH17-449C21.2	1,87	2,08	2,78	1,73	0,0490063	0,157965
RP11-99A14.1	1,08	0,39	0,37	0,65	0,049036	0,158037
CHPF2	1,65	1,59	2,24	0,86	0,0490478	0,158047
PHF12	3,85	1,73	3,58	2,02	0,0490643	0,158047
GRB10	0,07	1,75	0,05	2,54	0,0490687	0,158047
RN7SL846P	0,00	0,00	1,67	0,00	0,0490697	0,158047
FAM20C	3,61	5,25	3,55	1,27	0,0490746	0,158047
CTD-3094K11.1	1,22	3,59	0,00	2,82	0,0490895	0,158072
RP11-20B24.6	0,66	0,00	0,37	0,82	0,0491503	0,158227
RN7SL11P	0,00	0,00	0,00	0,53	0,0491522	0,158227
RP11-20I23.13	1,41	0,79	2,28	0,60	0,0491588	0,158227
FLT4	0,05	0,19	0,10	0,00	0,0491669	0,15823
ERVFRD-1	0,17	1,43	0,62	0,07	0,0491952	0,158298
GRAMD3	3,24	2,66	1,90	3,31	0,0492498	0,158451
RP11-667K14.4	0,00	1,64	1,99	4,49	0,0492755	0,15851
GDF7	0,00	0,04	0,00	0,01	0,0493113	0,158596
ACTG2	1,77	1,66	0,74	0,33	0,0493164	0,158596
PRSS55	0,00	0,06	0,02	0,05	0,0493177	NA
RP11-507K2.3	0,00	0,00	0,10	0,47	0,0493288	NA
CLCN6	2,32	2,92	3,32	2,83	0,0493316	0,158609
RP11-104J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0493347	0,158609
FAM114A1	0,67	0,86	1,10	2,59	0,0493713	0,158704
PPIL1	3,15	0,16	2,01	2,27	0,0494303	0,158849
ZNF254	2,19	1,56	1,43	0,89	0,0494308	0,158849
CDK4	5,54	3,45	4,46	3,50	0,0494552	0,158887
EFHC1	5,09	6,30	5,10	5,49	0,049457	0,158887
AP3M1	3,95	0,65	3,11	2,62	0,0494868	0,15896
CERS2	5,58	4,80	5,69	2,38	0,0495101	0,159012
RP11-16N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0495246	0,159035
TMEM141	4,61	5,94	4,42	4,59	0,0495494	0,159081
MPZL3	3,63	3,00	2,19	2,02	0,0495532	0,159081
PTPRN2	0,09	0,06	0,07	0,31	0,0495847	0,159159
HNRNPK	7,01	6,34	6,41	6,37	0,0495982	0,15918
ASB7	1,65	0,07	0,69	0,82	0,0496621	0,159362
MYO7A	0,04	0,93	0,42	0,38	0,0496843	0,15941
RP11-394B2.3	0,00	0,00	0,12	0,24	0,0497	0,159438
RP11-140I24.2	0,54	1,19	0,78	1,45	0,0497199	0,159478
COPS3	6,80	4,72	5,92	5,37	0,049729	0,159484
RSBN1	3,24	1,62	2,62	2,62	0,0497619	0,159567
RP11-864I4.3	1,39	1,60	1,72	3,29	0,0497982	0,15966
RP11-39K24.9	0,89	0,00	0,13	0,00	0,0498523	0,159811
RP4-681N20.1	1,59	1,37	1,98	2,05	0,049867	0,15982
CAMKK2	3,37	3,60	2,75	2,55	0,0498696	0,15982
DOCK10	6,48	5,02	5,80	4,68	0,0498811	0,159834
RP11-659E9.2	1,20	2,63	1,00	1,62	0,049923	0,159943
GS1-306C12.1	0,10	0,18	0,27	0,19	0,0499297	0,159943
TARS	4,82	2,80	4,53	4,28	0,0499452	0,159955
AC007099.1	0,68	0,68	0,62	1,24	0,0499495	0,159955
SULT1C2P1	0,36	1,93	0,41	0,42	0,0499547	0,159955
TBC1D8	3,76	4,80	3,91	2,85	0,0500137	0,160082
SLC16A3	2,79	3,65	3,26	3,94	0,0500276	0,160082
PRR29	0,16	0,20	0,43	1,32	0,0500288	0,160082
NOS1	0,31	0,35	0,48	0,58	0,05003	0,160082
RPL4	10,37	10,35	10,17	9,74	0,0500368	0,160082

RP11-110H1.4	0,67	0,58	0,24	1,56	0,0500379	0,160082
RP11-10O22.2	0,80	2,30	0,65	1,30	0,0500893	0,160224
EPHA1	0,68	2,79	1,15	1,08	0,0501042	0,160248
PSMB2	5,87	5,34	5,25	4,04	0,0501475	0,160364
PCDHGA6	0,17	0,38	0,25	0,39	0,0501822	0,16042
RBM47	3,57	3,47	3,80	4,39	0,0501857	0,16042
MPDZ	0,00	0,47	0,00	0,00	0,0501867	0,16042
FYTTD1	4,11	2,66	3,36	3,07	0,050214	0,160484
KLHL31	0,00	0,73	0,00	0,00	0,0502858	0,16069
RP11-351I21.11	0,03	0,18	0,00	0,00	0,0503244	0,160791
CEP68	2,52	1,34	1,86	2,30	0,0503365	0,160806
DHRS7B	2,12	0,77	2,56	4,87	0,0503645	0,160855
RP11-307A17.2	0,42	0,90	0,62	0,67	0,0503663	0,160855
KIAA1456	0,51	1,06	0,47	0,35	0,0504027	0,160937
TRAF3IP2	0,40	0,54	0,41	0,29	0,0504075	0,160937
CHRD1	0,10	0,14	0,11	0,05	0,0504173	0,160937
RP11-205A8.4	0,10	0,85	1,14	1,63	0,0504209	0,160937
BOD1	2,81	5,09	2,65	1,98	0,0504466	0,160984
EXTL2	2,16	3,74	2,48	0,14	0,05045	0,160984
AC006129.3	1,15	0,25	0,23	0,00	0,0505201	0,161156
AC012307.3	1,60	1,76	2,00	2,08	0,0505256	0,161156
EGR2	3,27	5,81	4,57	5,34	0,0505259	0,161156
PTPRM	2,88	4,29	3,10	2,56	0,0505614	0,161247
RN7SL188P	0,00	0,90	0,00	0,00	0,0506205	NA
N4BP2	3,22	2,67	2,38	2,15	0,0506565	0,161526
PMP22	0,54	0,57	2,02	0,47	0,0507001	0,161642
ZSCAN12	0,63	0,16	0,22	0,32	0,0507162	0,161658
DCBLD2	0,67	0,97	1,42	0,77	0,0507194	0,161658
RP11-400N13.2	1,38	2,19	1,97	1,48	0,0507358	0,16168
ECD	4,31	4,93	3,27	2,76	0,050741	0,16168
ADAT1	4,59	1,58	4,03	3,12	0,0508	0,161845
ADAM8	5,67	5,03	6,21	5,25	0,0508122	0,161845
NUTF2	5,34	4,90	4,71	2,01	0,0508146	0,161845
ARNTL2	0,14	0,21	0,17	0,33	0,0508248	0,161854
ZNF790-AS1	0,73	1,06	0,18	1,67	0,0508654	0,161961
CTB-131B5.5	0,36	0,55	0,21	0,31	0,0509082	0,162074
RP11-15J10.8	0,00	0,00	0,47	0,00	0,050947	0,162174
RP3-333H23.10	0,22	0,17	0,19	0,33	0,050989	0,162277
FAM161A	0,69	0,49	0,90	0,86	0,0510009	0,162277
RN7SL718P	2,15	4,45	3,36	3,44	0,0510013	0,162277
STRAP	7,09	6,80	6,85	5,67	0,0510321	0,162352
ADD1	6,67	6,77	6,59	6,83	0,0510663	0,162437
CTB-102L5.7	0,40	0,74	0,73	0,45	0,0510873	0,162481
ERO1A	4,57	3,43	3,87	3,59	0,0511103	0,162514
RTN4	7,48	7,55	7,07	6,82	0,0511123	0,162514
RP11-856B14.1	0,10	0,59	0,31	0,59	0,0511247	0,16253
VWA5A	0,06	2,07	0,09	0,08	0,0511403	0,16254
CTD-2568A17.3	3,78	2,88	4,33	2,27	0,0511426	0,16254
ATG4A	1,44	0,00	2,48	2,08	0,0511555	0,162558
P2RY13	5,43	1,40	4,62	3,37	0,0511854	0,16263
UQCRC2	7,06	5,94	6,14	5,99	0,0512066	0,162654
RP11-527N22.1	0,00	0,00	0,05	0,00	0,0512081	0,162654
NADSYN1	5,06	5,30	5,28	5,56	0,0512149	0,162654
NR6A1	0,94	2,90	1,48	0,28	0,0512407	0,162709
TNFRSF25	0,49	4,63	0,38	0,25	0,0512505	0,162709

OTUD4	3,02	1,40	2,91	3,09	0,0512542	0,162709
PYROXD2	2,09	1,68	2,61	1,19	0,0512762	0,162742
CTD-2545G14.7	0,00	0,00	0,72	0,00	0,0512893	0,162742
STAC3	1,11	0,37	0,73	0,00	0,0512976	0,162742
GTF2H2B	3,00	1,17	1,39	1,06	0,051301	0,162742
RP5-1043L13.1	3,61	0,27	2,22	1,11	0,0513029	0,162742
RP11-673E1.1	2,94	3,10	3,34	3,70	0,0513086	0,162742
OVCH2	0,00	0,82	0,00	0,00	0,0513691	0,16291
SYNJ2BP-COX16	2,79	0,00	1,26	0,39	0,0513762	0,16291
RP11-1018N14.1	0,16	0,24	0,43	0,46	0,0514157	0,163012
TCP11L1	2,48	5,23	1,61	2,01	0,0514735	0,163172
CLHC1	1,75	0,35	2,05	3,26	0,0515062	0,163252
PSMA4	9,10	7,94	8,76	7,50	0,051517	0,163263
LINC00547	1,85	2,90	1,87	2,16	0,0515361	0,1633
HMGXB3	2,53	1,23	2,39	3,14	0,0515566	0,163337
CD59	4,77	4,00	3,77	2,01	0,0515623	0,163337
RP11-360I20.2	0,00	1,94	0,00	0,00	0,051572	0,163345
CTD-2531D15.5	0,00	0,00	1,47	0,00	0,0515902	0,163379
PYM1	6,07	3,68	5,28	5,31	0,0516195	0,163448
RP11-161H23.5	5,78	5,96	6,79	6,33	0,0516277	0,163451
RPS7	9,82	10,19	9,71	9,35	0,0516556	0,163516
NAGK	8,00	8,23	8,02	8,13	0,0516835	0,163581
TAL1	0,04	0,11	0,04	0,09	0,0517353	0,163708
CTD-2287O16.1	0,00	1,88	0,00	0,00	0,051739	NA
RFPL2	0,00	1,97	0,00	0,00	0,0517439	0,163708
SMIM3	2,35	0,22	2,23	0,55	0,0517459	0,163708
CPVL	9,11	8,39	9,17	7,93	0,0517632	0,16374
BCAR3	1,32	1,89	0,40	0,22	0,051773	0,163748
EIF2AK4	6,22	6,43	5,97	5,60	0,0518044	0,163824
AC000367.1	1,41	1,22	1,31	2,68	0,05182	0,16385
CDK5RAP1	4,75	6,06	5,35	5,79	0,0518697	0,163983
SYNE2	1,48	2,89	1,34	2,57	0,0518931	0,164034
RP11-264J9.1	0,15	0,31	0,85	0,54	0,0519461	0,164178
AC073635.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0519534	0,164178
CHGB	0,10	0,21	0,14	0,54	0,0519713	0,164211
RP11-1072C15.6	0,21	0,29	0,27	0,42	0,0519921	0,164246
PDGFC	1,89	0,00	2,00	4,56	0,0519971	0,164246
ZNF230	1,18	1,16	0,38	0,44	0,0520295	0,164325
RP11-506M12.1	0,00	1,13	0,56	0,40	0,0520632	0,164408
RP6-99M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0520895	0,164466
CHN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0520964	0,164466
PIP5K1B	0,03	0,27	0,24	0,12	0,0521312	0,164553
HLX	0,86	3,05	3,24	2,95	0,0521605	0,164589
SAMD15	0,00	0,00	0,08	0,11	0,0521652	0,164589
RP11-216B9.9	1,90	1,85	2,41	1,73	0,0521706	0,164589
IGF2R	0,95	0,80	1,08	1,84	0,0521793	0,164589
C9orf152	0,02	0,20	0,04	0,05	0,0521803	0,164589
FAM122A	2,05	0,06	0,93	1,69	0,052187	0,164589
ZDHHC8P	0,05	0,26	0,12	0,07	0,0522458	0,164751
CCBL2	4,93	3,15	3,27	2,05	0,0522776	0,164828
RP11-341G5.1	0,00	0,06	0,06	0,11	0,0523275	NA
MCU	3,38	2,10	2,79	0,65	0,0523421	0,165007
RP5-1021I20.4	0,56	3,33	0,82	0,33	0,0524704	0,165389
SNORA53	0,00	1,59	0,00	1,06	0,0525512	0,16562
AC136290.1	0,11	0,11	0,29	2,01	0,0525648	0,165639

NMNAT3	2,76	3,52	3,28	2,75	0,0525809	0,165662
DMGDH	0,31	1,39	0,57	1,01	0,0525909	0,165662
TRIM46	0,04	0,26	0,05	0,13	0,0525945	0,165662
BAX	2,74	2,26	3,15	3,73	0,0526654	0,165862
ABT1	4,31	2,23	3,09	1,92	0,0526981	0,165941
MYL5	2,02	0,14	2,84	2,20	0,0527135	0,165967
RP11-15E18.1	0,00	1,17	0,00	0,37	0,0527523	0,166021
CDC37L1	2,48	0,26	1,76	2,21	0,0527545	0,166021
PANK1	0,09	0,02	0,32	0,00	0,0527613	0,166021
CASC5	0,32	0,06	0,26	0,36	0,0527719	0,166021
CTC-484M2.1	0,42	0,59	0,34	0,82	0,052774	0,166021
SLC39A6	3,67	3,28	2,99	1,37	0,0527757	0,166021
NDRG2	6,32	5,83	5,72	4,21	0,0527968	0,166064
IQCB1	4,28	4,44	3,88	1,77	0,0528084	0,166077
SH2D5	0,00	0,64	0,00	0,00	0,0528524	0,166152
SAV1	2,30	0,38	1,50	0,86	0,0528541	0,166152
NLRP2	2,18	2,04	2,08	3,01	0,0528547	0,166152
TMEM56	0,00	0,06	0,00	0,03	0,0528771	NA
LENG9	0,00	1,34	0,24	1,95	0,0528812	0,166212
RPL7	11,65	11,64	11,43	10,88	0,0529171	0,166301
RP11-8L2.1	0,08	0,50	0,08	0,24	0,0529502	0,166346
RNU6-130P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,052952	0,166346
TAS2R18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0529539	0,166346
ADAP1	3,14	4,03	4,23	3,76	0,0529779	0,166398
RP11-493E3.3	1,91	1,92	2,37	2,33	0,0529915	0,166417
IGFL3	0,00	0,28	0,00	0,66	0,0530035	0,166421
MAN1A1	2,69	2,70	2,40	0,57	0,0530077	0,166421
NLGN4Y	0,01	0,00	0,03	0,05	0,053021	0,16644
NLGN2	0,00	0,14	0,00	0,00	0,0530627	0,166547
CTD-3018O17.3	1,24	0,71	0,97	1,66	0,0530932	0,166619
GK5	2,83	3,71	2,47	2,49	0,0531338	0,166723
POLR2H	5,86	6,95	5,58	5,76	0,0531518	0,166756
SNCA	4,50	0,85	3,24	2,58	0,0531903	0,166851
RN75L368P	5,22	7,54	5,47	6,95	0,0531971	0,166851
KRI1	3,27	3,60	3,64	4,05	0,0532459	0,166945
LRRC6	0,00	3,15	0,07	0,54	0,0532494	0,166945
DDX20	2,74	0,58	1,51	1,22	0,0532601	0,166945
IGKV4-1	0,00	2,64	0,00	0,00	0,0532622	0,166945
RP11-52A20.2	0,00	0,00	0,04	0,18	0,0532645	0,166945
C14orf159	5,30	3,66	4,65	5,30	0,0533062	0,167036
BTBD10	4,28	0,80	4,66	1,50	0,0533087	0,167036
RP11-185O17.3	0,00	0,99	0,00	0,00	0,0533262	NA
ANAPC5	6,90	5,67	6,39	6,43	0,0533315	0,167083
PRDX4	5,97	4,88	4,32	5,46	0,053341	0,167083
TMEM269	1,10	1,78	1,52	1,77	0,0533463	0,167083
AC008993.2	0,38	0,84	0,95	1,41	0,0533873	0,167188
RP11-148K1.10	0,38	1,27	0,69	0,71	0,053458	0,167386
C2orf81	0,10	0,20	0,20	0,19	0,0534748	0,167396
CTD-2574D22.3	0,78	0,78	1,32	1,63	0,0534763	0,167396
KLHL8	3,07	1,18	2,42	1,89	0,053513	0,167487
LACTB	4,47	5,24	4,16	4,80	0,0535333	0,167498
TSPYL3	0,51	0,59	0,62	0,59	0,0535337	0,167498
INTS5	0,14	0,00	0,08	0,75	0,0535391	0,167498
RP11-6J24.6	0,48	0,00	0,00	3,05	0,0535486	0,167504
AC113167.1	1,00	2,38	1,99	0,72	0,0535561	0,167504

COQ9	4,69	1,60	2,91	3,16	0,0535875	0,167579
XXbac-BPG252P9.10	0,00	0,82	0,83	4,61	0,0536161	0,167644
UNC5A	0,00	2,97	0,00	0,00	0,053634	0,16766
PLA2G6	0,07	0,72	1,35	2,67	0,0536361	0,16766
CLEC12A	6,11	6,67	6,35	7,29	0,0536475	0,167672
RHNO1	4,25	1,59	2,84	1,68	0,0536814	0,167754
RP11-572P18.1	9,98	10,23	9,88	9,52	0,0537224	0,167859
DCTN2	5,46	6,40	5,53	5,50	0,05374	0,167885
SIL1	4,56	5,74	5,13	4,92	0,0537459	0,167885
RP11-4L24.3	0,13	2,36	0,36	1,18	0,0537656	0,167923
RP11-244H3.5	0,15	0,17	0,26	0,55	0,0537955	0,167993
RP5-1166F10.2	0,06	0,23	0,07	0,19	0,0538044	0,167997
PTK2	4,69	3,74	3,94	4,90	0,0538169	0,168012
ANKRD28	4,46	4,29	4,79	4,61	0,0538285	0,168025
RP11-571O6.2	0,50	0,76	0,58	0,79	0,053853	0,168078
LRP2BP	0,17	0,20	0,37	0,24	0,0538703	0,168106
PSMD8	7,28	5,78	6,70	6,90	0,053881	0,168106
RP11-263C24.1	4,14	1,72	3,12	1,77	0,0538847	0,168106
ACO10524.2	0,19	0,64	0,25	0,26	0,0539025	0,168138
JDP2	3,30	3,57	4,70	3,96	0,0539344	0,168196
OAF	2,41	3,67	3,12	4,24	0,0539362	0,168196
RP11-537H15.3	0,00	1,17	0,29	0,20	0,0539534	0,168226
FAM214B	3,71	3,41	3,57	3,01	0,0539769	0,168276
OPA3	1,64	1,24	2,38	1,88	0,0540099	0,168341
RP11-932O9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0540129	0,168341
WDR26	4,37	4,09	4,42	3,16	0,0540249	0,168354
C19orf35	1,56	1,29	1,87	1,85	0,0540433	0,168369
TMEM208	6,51	7,00	6,53	7,08	0,0540529	0,168369
DCP2	6,48	7,25	5,51	4,88	0,0540595	0,168369
RP11-748C4.1	0,29	0,00	2,34	3,18	0,0540679	0,168369
FUT4	1,06	0,15	0,88	0,78	0,0540698	0,168369
KMT2C	5,48	6,31	5,29	4,13	0,054075	0,168369
PHB	6,97	5,64	6,10	4,07	0,0540832	0,168371
PLA2G4B	2,43	2,89	3,15	3,17	0,0540977	0,168392
LRRN1	0,00	0,00	0,00	0,17	0,0541119	0,168413
SLC35F5	3,41	3,88	3,15	4,85	0,054123	0,168424
C12orf73	1,37	0,00	0,70	0,10	0,0541462	0,168472
RP11-608B3.1	1,69	2,51	1,61	1,16	0,0542159	0,168666
EMX2OS	0,15	0,44	0,30	0,18	0,0542302	0,168676
AC097468.5	0,83	1,29	0,61	1,87	0,0542458	0,168676
SLC16A1	2,61	4,36	1,25	1,86	0,0542511	0,168676
MDC1	0,33	0,33	1,05	0,02	0,0542548	0,168676
WASH5P	2,24	1,50	2,59	1,25	0,0542571	0,168676
TWF2	5,75	5,80	6,20	6,08	0,0542679	0,168686
C3orf27	0,00	0,00	0,05	0,04	0,0542805	0,168701
RP11-216F19.1	0,18	1,49	0,21	0,32	0,0542946	0,168714
ADAMTSL5	0,05	0,05	0,09	0,16	0,0542998	0,168714
ABL1	2,97	4,10	2,91	1,93	0,0543234	0,168764
RP11-323J4.1	2,15	1,71	2,73	2,49	0,0543701	0,168885
OR5H14	0,19	0,32	0,24	0,16	0,0544374	0,16907
CCNDBP1	6,63	5,23	5,84	5,59	0,0544447	0,16907
AP000265.1	0,10	0,13	0,20	0,09	0,0544537	0,169074
AIDA	3,97	4,16	2,72	3,54	0,0544614	0,169074
HEATR6	5,13	3,30	4,26	3,04	0,0544881	0,16912
RP11-91I20.3	1,39	4,02	1,66	1,36	0,0544985	0,16912

SHARPIN	4,19	5,51	3,51	4,81	0,054505	0,16912
RP11-234K19.2	0,00	0,30	0,08	0,00	0,0545176	0,16912
HEXB	7,31	6,86	7,64	7,44	0,0545245	0,16912
RP11-524F11.3	1,69	1,86	1,97	2,00	0,0545302	0,16912
TMTC2	0,60	3,07	0,69	1,56	0,0545436	0,16912
CD33	8,28	7,34	7,78	7,85	0,0545533	0,16912
LAMP5	0,30	0,48	0,31	0,22	0,0545541	0,16912
CCDC15	0,19	0,33	0,21	0,24	0,0545541	0,16912
SULT1E1	0,06	0,75	0,00	0,00	0,0545634	0,16912
TSSC4	4,23	4,63	3,94	4,58	0,0545674	0,16912
RP13-923O23.6	0,00	0,00	0,00	0,45	0,0546182	NA
HIST2H2AA4	7,83	7,98	8,21	8,21	0,0546328	0,169299
ZNF248	2,27	0,43	0,50	1,05	0,0546627	0,169368
GCNT2	3,30	3,51	2,82	3,98	0,0546986	0,169456
MTMR7	0,62	0,00	0,01	0,03	0,0547172	0,16949
FAM188A	3,77	0,46	3,33	0,91	0,0547249	0,16949
AVIL	0,91	2,51	0,49	1,40	0,0547362	0,169496
NDUFA5	5,59	3,27	4,77	4,50	0,054742	0,169496
EXOC1	4,40	3,48	4,08	4,04	0,0547829	0,169599
RPL3L	0,57	0,71	0,62	0,98	0,0548003	0,169615
AKT1S1	1,38	0,52	1,87	1,78	0,0548066	0,169615
RP11-227G15.8	0,14	0,96	0,40	1,17	0,0548111	0,169615
CTD-3105H18.18	1,50	2,43	1,39	0,38	0,0548388	0,169677
VSIR	7,27	6,31	6,65	6,71	0,0548851	0,169791
PLS3	0,00	1,03	0,26	0,31	0,0548907	0,169791
RP11-613F22.8	1,44	0,71	1,94	1,38	0,0549123	0,16983
C6orf120	0,87	2,76	2,60	2,46	0,0549287	0,16983
PATE4	0,17	0,16	0,60	0,30	0,0549305	0,16983
PGPEP1	1,34	1,55	2,16	4,30	0,054934	0,16983
ZBTB4	0,90	0,37	1,79	1,70	0,0549644	0,1699
CANT1	1,94	1,89	2,23	2,30	0,0549719	0,1699
ARMCX6	5,56	0,44	3,86	0,48	0,0549828	0,16991
RP11-632K20.7	3,64	4,16	4,37	4,40	0,0549964	0,169928
RP11-296K13.4	0,47	3,45	0,63	0,57	0,0550084	0,169942
MIR548W	3,61	5,78	0,00	6,55	0,0550187	0,16995
AMY1C	0,00	0,13	0,00	0,00	0,0550656	0,170071
SNX17	7,36	7,08	6,69	6,79	0,0550847	0,170107
RP11-422P24.12	1,75	2,56	1,17	1,29	0,0551173	0,170181
ZNF22	3,87	5,32	3,77	2,55	0,0551241	0,170181
MPP6	0,72	2,54	0,74	0,69	0,055148	0,170231
AREG	7,46	7,72	7,37	5,26	0,0551581	0,170239
MAN2B2	2,29	2,69	1,79	2,03	0,0551683	0,170246
CCNYL1	2,35	1,47	2,87	0,99	0,0552691	0,170534
MOV10	4,92	2,25	5,27	5,09	0,0552798	0,170543
WDR86	0,00	0,00	0,00	0,14	0,0552946	0,170565
USP13	1,74	0,91	2,23	1,33	0,055304	0,17057
TMEM78	0,61	0,70	0,63	1,12	0,055323	0,170606
SULT2B1	0,17	0,83	0,29	0,11	0,0553373	0,170626
CTD-2014B16.3	0,73	0,77	0,70	0,00	0,0553455	0,170628
RP5-1142A6.10	0,00	0,00	0,08	0,92	0,0553589	0,170645
RP4-594I10.3	0,00	0,65	0,00	0,00	0,0553754	0,170672
RP11-231E4.2	1,08	2,75	0,75	0,61	0,055415	0,170764
GCLM	0,24	0,43	0,64	0,78	0,0554262	0,170764
LHFPL5	2,37	2,66	2,17	3,01	0,0554283	0,170764
SPINK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0554792	0,170897

ACO10761.8	1,08	0,55	2,07	0,94	0,0555008	0,17094
RPLP0	10,92	10,73	10,50	10,10	0,0555234	0,170986
SLC16A5	1,17	1,19	2,43	1,10	0,055541	0,171009
SPON2	0,58	1,24	0,95	3,82	0,0555462	0,171009
SLC35A2	2,79	4,79	3,50	1,53	0,055587	0,171111
ZNF346	1,27	0,48	1,87	0,98	0,0556339	0,171211
PACRG	1,39	1,52	1,91	2,66	0,0556404	0,171211
NUDT15	2,80	2,87	1,51	0,56	0,0556494	0,171211
DCN	1,58	1,39	1,44	2,09	0,0556504	0,171211
PCAT7	0,16	0,38	0,33	0,61	0,0556751	0,171264
SCARF1	1,68	0,46	0,33	1,02	0,055695	0,171287
RP11-508M1.1	0,00	0,29	0,39	0,48	0,0556982	0,171287
BANF1	7,00	7,64	7,11	6,37	0,05572	0,171331
COQ5	4,83	6,00	4,92	2,73	0,0557389	0,171365
RPL12L3	0,00	0,43	0,31	0,95	0,0557491	NA
ETFB	6,31	6,48	6,56	5,91	0,0557564	0,171395
RP11-572M11.1	0,00	0,00	0,00	0,11	0,055773	0,171422
RN7SL457P	0,00	2,11	0,00	0,90	0,0557888	0,171447
RP4-781K5.2	5,68	6,85	6,67	5,20	0,0558083	0,171484
GPATCH3	2,77	5,28	3,20	2,25	0,055832	0,171533
RP11-304C12.5	0,00	5,56	0,00	0,00	0,0558555	0,171564
XXbac-BPG294E21.9	0,00	0,47	0,00	0,43	0,0558577	0,171564
C3AR1	0,29	0,14	2,79	3,21	0,0558716	0,171574
RPL32P1	6,76	5,35	6,63	5,32	0,0558765	0,171574
MBTPS2	2,16	0,12	0,65	0,35	0,0559017	0,171628
RP11-211G23.1	0,00	0,00	0,06	0,34	0,0559368	0,171698
TPH2	2,02	2,97	2,33	2,34	0,0559495	0,171698
POLE4	5,75	5,74	6,10	6,16	0,0559537	0,171698
ABCA6	0,43	0,14	0,38	1,66	0,0559553	0,171698
STX4	4,75	5,40	4,89	6,20	0,0559898	0,171765
RP11-220D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0559926	0,171765
ZNF777	0,00	0,16	0,00	0,04	0,0560106	0,171796
SLC9A4	0,35	0,75	0,41	0,38	0,0560434	0,171873
ACO16734.3	1,63	3,41	0,80	1,25	0,0560797	0,171957
RN7SL48P	2,80	3,63	3,82	4,24	0,0560862	0,171957
HCG18	4,38	5,15	4,13	4,77	0,0561234	0,172039
TMEM130	0,26	0,23	0,77	0,99	0,0561286	0,172039
SUFU	0,97	0,83	1,40	1,01	0,0561721	0,172149
CHI3L1	0,06	0,00	0,08	0,14	0,0561969	0,172182
DHX30	3,59	5,06	4,20	3,50	0,0561984	0,172182
TMCO3	3,38	3,50	2,97	2,94	0,0562219	0,172191
RP11-360N9.2	0,30	0,79	0,44	0,45	0,0562298	0,172191
RP11-1038A11.2	0,30	1,56	0,49	0,46	0,0562312	0,172191
SOCS7	0,81	0,06	0,48	0,66	0,0562323	0,172191
RP11-861E21.2	1,74	2,22	1,71	2,17	0,0562847	0,172328
MAP3K14	3,62	3,05	3,57	2,67	0,0562958	0,172329
RP3-325F22.3	0,00	0,00	0,00	1,10	0,0563007	0,172329
CACNB4	1,12	1,74	1,17	1,14	0,05632	0,172364
RP11-23P13.4	0,00	0,14	0,96	0,00	0,0563584	0,172426
ACO05618.6	0,04	0,04	0,07	0,05	0,0563715	0,172426
ITGB8	0,13	0,50	0,29	0,14	0,0563747	0,172426
AIG1	5,33	2,70	4,22	2,47	0,0563811	0,172426
RP11-87H9.5	0,11	0,09	0,14	0,60	0,0563836	0,172426
DENND5B	1,49	0,28	0,82	0,44	0,0563866	0,172426
BAG1	5,32	5,36	5,79	5,00	0,056406	0,172457

ZFP14	2,01	0,55	1,95	1,48	0,0564123	0,172457
ACO09502.4	0,87	2,08	0,90	1,13	0,0564253	0,172473
INTS6L	4,19	3,76	2,61	2,12	0,0565183	0,172734
EIF4B	7,01	6,90	6,63	5,50	0,056531	0,172749
AP006222.1	1,38	1,74	1,07	1,93	0,0565565	0,172803
KLF11	3,07	3,01	3,17	0,73	0,0566127	0,172951
RP11-586L23.1	0,00	0,00	0,26	0,47	0,0566217	0,172954
RP5-1166H10.2	0,21	0,67	0,33	0,06	0,0566386	0,172982
RP11-399F4.2	1,12	0,03	0,10	0,06	0,0566523	0,173
AF129408.17	2,39	0,00	0,00	0,00	0,056693	0,173101
ACO27269.2	0,75	0,36	0,75	1,58	0,0567081	0,173123
KDM7A	3,94	3,94	3,99	2,53	0,0567282	0,173161
RP11-779O18.3	0,00	0,00	0,30	2,80	0,0567438	0,173185
RPS6P20	0,05	0,16	0,09	0,25	0,0567698	0,17324
RPL7P41	0,00	0,17	0,25	0,46	0,0567813	NA
CD47	7,45	6,46	6,50	5,62	0,0567814	0,173252
RP11-401M16.7	0,23	0,44	0,19	0,36	0,056821	0,173349
GTF2H3	3,38	1,44	2,80	1,15	0,0568568	0,173377
CTD-2144E22.9	0,86	3,68	0,52	4,62	0,0568578	0,173377
TMEM191C	0,77	0,68	0,97	1,62	0,056862	0,173377
VAR5	4,32	0,79	4,19	2,65	0,0568669	0,173377
CDC42BPG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,056871	0,173377
ACO90937.2	3,91	1,70	4,28	3,94	0,0568772	0,173377
ATP6AP1	7,04	5,90	6,55	5,93	0,0568979	0,173417
RP1-91J24.3	0,24	0,00	0,00	0,44	0,0569172	0,173452
POLM	2,52	3,07	3,53	3,76	0,0569661	0,173577
SKP1	9,09	8,49	8,56	7,80	0,056982	0,173602
RP4-726F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0569977	0,173626
RP11-143J12.2	2,57	0,22	1,56	0,00	0,0570138	0,173651
RP11-777B9.5	1,69	1,56	2,20	2,48	0,0570317	0,173658
EEF1B2	9,83	9,75	9,58	8,99	0,0570402	0,173658
PSMD6	6,58	5,70	5,65	3,80	0,0570431	0,173658
CHST5	0,27	0,47	0,36	0,58	0,0570473	0,173658
LFNG	3,37	1,31	3,64	3,37	0,0570729	0,173661
WHAMMP2	1,78	3,00	1,57	0,78	0,0570777	0,173661
SBK1	0,19	0,36	0,24	0,49	0,0570782	0,173661
ZNF746	1,66	1,49	1,28	1,39	0,0570794	0,173661
GXYLT1	2,11	1,25	1,75	0,50	0,0570949	0,173684
RUFY3	5,83	4,20	5,47	5,26	0,0571104	0,173688
ASZ1	0,08	0,19	0,22	0,36	0,0571132	0,173692
MAP3K20-AS1	1,96	2,36	0,37	0,00	0,0571326	0,173727
ZNF140	3,17	1,02	1,04	1,26	0,0571407	0,173728
CTC-265F19.2	0,39	0,32	0,83	0,90	0,0572295	0,173966
ZNF275	1,60	0,67	1,01	0,14	0,0572347	0,173966
NRG1	0,00	0,72	0,71	3,86	0,0572587	0,174015
RN7SL530P	0,00	0,00	0,39	0,00	0,0572736	0,174037
REEP2	0,84	2,40	1,69	2,34	0,0572869	0,174044
PVR	0,02	2,56	0,42	1,08	0,0572915	0,174044
RP11-10B2.3	0,00	1,05	0,73	0,85	0,0572916	NA
RP11-521B24.4	0,63	1,09	0,68	0,74	0,0573492	0,174195
RGAG4	0,14	0,17	0,29	1,15	0,057358	0,174198
RBM15B	2,05	0,24	2,01	0,85	0,0573779	0,174235
PPP2CA	6,38	5,41	5,94	4,51	0,057404	0,17429
LCE6A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0574353	0,174361
MED13L	4,02	2,43	3,78	3,84	0,0574544	0,174395

TNRC18	1,59	2,56	1,97	3,50	0,0574828	0,174458
RNU6-681P	4,03	0,00	2,83	0,00	0,0575064	0,174491
PCBP1	7,05	6,82	6,69	5,03	0,0575119	0,174491
ALDH1B1	0,73	2,85	1,05	0,34	0,0575172	0,174491
ATP5G3	8,64	8,18	8,51	7,84	0,0575581	0,174591
ATF7IP2	5,79	6,07	4,75	4,44	0,0576009	0,174697
MCM8	0,65	0,64	0,92	0,49	0,0576347	0,174776
RTKN2	1,02	0,30	0,61	1,70	0,0576831	0,174899
XXbac-BPG181M17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0577236	0,174998
PAG1	2,73	2,66	3,65	3,04	0,0577333	0,175003
NBPF15	1,80	1,43	1,79	2,21	0,0577492	0,175027
PLCD4	0,16	0,13	0,25	0,33	0,0577738	0,175078
RP11-163E9.1	0,00	0,00	0,73	0,00	0,0577874	0,175095
RP11-1036E20.9	0,15	0,19	0,36	0,17	0,0578378	0,175224
FOXO3	2,88	1,48	2,95	2,60	0,0578507	0,175232
CNNM2	1,36	0,59	0,55	0,67	0,0578576	0,175232
RP11-56B16.2	0,00	0,00	1,30	0,00	0,057868	0,175232
ZNF667	0,88	2,13	0,76	1,14	0,057872	0,175232
KPNA1	4,14	3,59	3,74	2,25	0,0579196	0,175353
RP11-309H21.3	0,73	1,18	0,85	0,09	0,0579449	0,175405
PTPN7	4,57	4,02	3,99	3,67	0,0579703	0,175452
GS1-279B7.2	0,00	0,00	0,15	1,08	0,0579763	0,175452
HSPA1A	3,12	4,77	3,43	3,47	0,0580471	0,175631
NMI	6,47	5,46	5,58	5,01	0,0580578	0,175631
TES	6,32	5,67	6,09	3,77	0,058059	0,175631
KCNAB3	0,70	0,33	0,60	0,84	0,0580885	0,175693
ZNF713	1,32	1,01	1,43	1,13	0,0580952	0,175693
RP1-41C23.1	0,00	0,00	0,38	0,00	0,0581236	NA
MFSD13A	1,61	0,48	2,26	1,97	0,058129	0,175747
RP11-529K1.3	0,64	0,00	0,03	0,00	0,0581336	0,175747
RP11-10H3.1	0,00	0,00	0,00	1,19	0,0581369	0,175747
TYW1	4,40	2,55	3,17	3,17	0,0582538	0,176077
TBC1D3I	0,00	0,00	0,00	0,60	0,058262	0,176077
RP3-402G11.25	2,99	0,33	1,67	1,53	0,0582801	0,176108
AASDH	2,77	0,61	2,36	0,93	0,058309	0,176172
RP11-736N17.4	0,00	0,21	0,00	0,00	0,0583323	NA
SAMD5	0,09	0,30	0,16	0,16	0,0583827	0,17637
ASPSR1	3,67	5,85	4,59	4,32	0,0584045	0,176412
SPG21	6,25	4,35	6,08	4,99	0,0584423	0,176502
RP1-102H19.7	0,00	0,24	0,07	0,00	0,0584999	0,176638
PARS2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,0585032	0,176638
RAP1GDS1	5,29	4,04	4,45	4,17	0,0585268	0,176686
CHODL	0,00	2,15	0,00	0,00	0,0585632	0,176761
DNAJB7	0,16	0,20	0,53	0,90	0,0585678	0,176761
ESR1	0,00	0,02	0,12	0,23	0,0585846	0,176775
TREML3P	0,00	2,38	0,00	0,00	0,0585884	0,176775
CTD-2306A12.1	0,00	2,46	0,00	0,00	0,0586032	0,176796
KIF5B	5,08	3,67	4,60	3,78	0,05863	0,17684
ADGRE2	4,14	2,77	4,32	4,72	0,0586363	0,17684
LATS1	2,99	1,15	2,42	1,82	0,0586416	0,17684
CTB-47B11.3	3,15	2,76	3,65	3,20	0,0586642	0,176884
BBS1	2,28	0,59	1,55	1,27	0,0586753	0,176894
AP000679.2	0,09	0,19	0,08	0,26	0,0587008	0,176946
ABL2	1,45	3,68	2,24	2,28	0,0587145	0,176964
CTD-2587H19.3	1,62	0,73	2,27	1,61	0,0587286	0,176982

PEF1	5,75	3,22	4,87	4,37	0,0587364	0,176982
RP11-462L8.1	0,00	0,15	0,00	0,00	0,0587421	NA
C11orf80	0,29	2,57	0,83	1,97	0,0587502	0,176999
GUSBP3	2,73	1,81	3,50	2,88	0,0587731	0,177019
SLC25A11	6,13	5,44	5,86	3,52	0,0587814	0,177019
FAM135A	4,05	4,77	3,44	1,92	0,0587866	0,177019
RNVU1-3	2,40	0,00	3,43	4,65	0,0587946	0,177019
USP6NL	2,45	1,68	2,25	1,07	0,0587966	0,177019
ZNF121	3,88	2,74	2,85	2,18	0,0588173	0,177054
RP11-34F20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0588317	0,177054
GABRE	0,26	0,00	0,51	1,01	0,058832	0,177054
RP5-1043L3.1	0,35	0,85	0,42	0,89	0,0588435	0,177064
MTOR	2,59	3,10	2,74	1,04	0,0589227	0,177279
RUNX2	4,20	4,00	3,23	2,59	0,0589481	0,177331
UNC45A	2,89	5,01	3,78	4,88	0,0589584	0,177338
RP11-626K17.3	0,09	0,17	0,15	0,23	0,0589895	0,177394
USP18	0,28	0,19	0,12	0,34	0,0589935	0,177394
NMB	1,69	0,00	0,11	0,16	0,059001	0,177394
ABC7-42389800N19.1	1,37	0,45	2,42	2,73	0,0590202	0,177428
SAMD4B	3,63	4,63	3,71	3,87	0,059061	0,177522
RP11-521D12.1	0,26	0,33	0,19	0,66	0,0590674	0,177522
MIR1273G	0,00	3,28	1,53	2,02	0,0590984	0,177591
ATXN7	4,53	0,93	3,21	2,11	0,0591408	0,177674
NIPSNAP3B	3,03	0,99	2,22	0,76	0,0591421	0,177674
C2orf47	4,43	0,22	3,86	4,39	0,0591553	0,17769
MAGI1	0,00	0,00	0,01	0,59	0,0591959	0,177788
SRSF12	0,18	0,65	0,25	1,26	0,0592075	0,177799
ATP6V1F	7,96	7,60	8,27	7,72	0,0592359	0,17786
RP4-728D4.2	2,99	0,00	0,57	3,05	0,0592573	0,177882
ZNHIT1	6,42	6,67	6,33	6,41	0,0592641	0,177882
RP11-124N14.4	4,28	4,18	4,63	4,63	0,0592674	0,177882
SPRYD7	1,52	0,24	1,15	0,42	0,0592855	0,177913
TMED7	4,76	2,77	3,66	2,70	0,0593086	0,177958
C20orf197	1,88	0,05	0,75	0,26	0,0593203	0,177969
TFAM	3,99	3,28	3,33	2,77	0,059332	0,17798
CTA-373H7.7	0,13	0,19	0,21	0,36	0,0593458	0,177997
C11orf57	3,11	1,38	2,54	0,77	0,0594346	0,17824
SNRPN	4,91	6,35	4,26	2,58	0,059443	0,178241
PAPSS1	4,55	3,38	3,85	4,95	0,0594981	0,178369
RP11-717D12.1	0,09	0,10	0,15	0,00	0,0595022	0,178369
C6orf136	2,85	0,99	3,43	0,85	0,0595099	0,178369
ISG15	7,59	6,93	8,46	9,50	0,0595315	0,17841
COL24A1	0,02	0,00	0,02	0,85	0,0595406	0,178413
RP11-464F9.21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,05957	0,178477
BBIP1	4,41	3,19	4,02	4,00	0,0595912	0,178516
TSTD3	0,00	3,82	0,10	0,31	0,0596189	0,178517
AC133644.2	0,00	0,39	0,08	1,21	0,0596276	0,178517
RP13-131K19.2	0,00	0,15	0,00	0,00	0,059634	0,178517
RP11-457P14.4	0,00	0,59	0,30	0,88	0,0596347	0,178517
NME1	6,54	7,08	6,61	5,57	0,059638	0,178517
AP001187.9	0,74	1,25	1,08	0,52	0,0596428	0,178517
RP11-848P1.9	3,23	1,20	2,96	4,57	0,0596476	0,178517
DUX4L19	0,00	0,13	0,00	0,00	0,0597108	0,178667
CCDC158	0,07	0,32	0,12	0,23	0,0597137	0,178667
RP11-1217F2.23	0,00	0,00	0,00	0,46	0,0597343	NA

RP3-446N13.1	0,25	0,90	0,34	0,48	0,0598064	0,17892
NANOS1	0,06	0,13	0,10	0,10	0,0598144	0,17892
ASB16	0,07	0,22	0,11	0,00	0,0598342	0,178955
STARD5	1,74	3,06	1,42	1,81	0,0598776	0,179061
NOSIP	6,82	6,79	6,35	6,69	0,0599092	0,179131
PAK1IP1	4,88	2,65	4,33	4,08	0,0599352	0,179185
SCD	2,23	0,05	1,41	0,65	0,0600089	0,179381
AC004069.3	5,94	1,23	5,29	3,54	0,060028	0,179408
TBCCD1	2,04	0,52	2,70	2,62	0,060034	0,179408
RP11-977G19.11	2,17	2,22	1,52	0,95	0,0601554	0,179747
MLPH	0,79	0,77	1,01	1,45	0,0602591	0,180032
SLC30A6	2,33	0,85	0,72	0,66	0,0602677	0,180034
NREP	5,58	4,53	5,01	3,51	0,0602769	0,180037
AGMO	0,00	0,11	0,00	0,06	0,0602963	NA
B4GALT7	3,57	2,75	2,36	3,43	0,0603933	0,18036
PLN	1,26	1,36	0,33	0,59	0,0604029	0,180365
SLAIN1	0,00	0,07	0,10	0,57	0,0604135	0,18037
RP11-575M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0604268	0,18037
COL3A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,060429	0,18037
RP11-78J21.6	0,00	0,00	0,00	0,24	0,0604692	0,180446
CTD-2296D1.5	1,20	1,40	1,77	1,61	0,0604708	0,180446
OSBPL1A	2,98	2,51	3,36	3,47	0,0606136	0,180848
CYP4B1	0,32	1,42	0,41	0,56	0,0606278	0,180866
CTB-31O20.3	1,83	2,03	3,00	3,90	0,0606581	0,180931
AHSA1	6,10	6,74	5,48	5,13	0,0606694	0,180931
MYEF2	4,12	4,17	4,56	4,82	0,0606739	0,180931
RNU7-41P	3,54	2,95	4,98	4,89	0,0606883	0,180949
KIF19	0,15	1,16	0,04	0,22	0,0607073	0,180963
SLC3A2	5,94	7,15	5,87	6,32	0,0607099	0,180963
RP11-327J17.7	0,06	0,19	0,09	0,21	0,0607171	0,180963
NDEL1	5,70	4,41	5,40	3,50	0,0607268	0,180967
RP11-287F9.1	0,00	1,78	0,00	0,00	0,0607591	0,181012
MRPL38	5,17	4,46	4,55	3,43	0,0607621	0,181012
XRN2	5,87	4,81	5,29	5,03	0,060773	0,181012
ZFP30	0,58	0,07	0,53	1,16	0,06078	0,181012
CAPNS1	7,92	7,83	8,15	7,99	0,0607825	0,181012
CDH3	0,62	0,05	0,55	0,03	0,0608297	0,181128
RNVU1-4	5,49	1,45	6,29	6,75	0,0608473	0,181156
RP11-382A20.5	3,80	4,67	2,68	3,05	0,0608745	0,181213
KDM4C	5,53	3,04	4,42	3,37	0,0608877	0,181228
CADM2	0,00	0,22	0,00	0,00	0,0609177	0,181293
LTK	1,37	0,27	0,09	0,23	0,0609447	0,181349
FAM160A2	3,03	2,71	3,91	4,02	0,0609559	0,181358
RP11-146F11.5	0,50	0,45	1,01	1,61	0,0609714	0,181376
LIPA	5,36	5,10	4,73	3,98	0,0609888	0,181376
ILDR1	0,05	0,12	0,07	0,06	0,0609892	0,181376
FOXP1	5,13	4,56	5,39	5,26	0,0609959	0,181376
PRLHR	0,00	0,23	0,01	0,04	0,0610108	0,181376
RP11-95C14.1	0,00	0,00	0,08	0,18	0,0610109	0,181376
ZNF25	1,60	0,10	1,16	1,18	0,0610661	0,181516
RP11-51F16.5	0,70	0,41	3,78	3,38	0,0610894	0,181557
ENHO	5,68	6,31	5,86	3,82	0,0610963	0,181557
TONSL	0,74	0,61	0,36	0,48	0,061123	0,181612
RP11-12M9.4	0,14	0,30	0,09	0,00	0,0611343	NA
BRF2	0,12	0,01	0,75	0,11	0,0612365	0,181925

RP11-28H5.2	0,63	0,00	0,73	0,44	0,0612576	0,181963
TACSTD2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,061272	NA
RAB11FIP1	4,72	4,47	4,92	4,54	0,0613321	0,18216
CTD-2292M16.8	0,07	0,07	0,23	0,57	0,0613663	0,182231
RAB27A	3,44	2,46	4,74	3,51	0,0613783	0,182231
DUS4L	0,21	0,73	1,11	0,42	0,0613806	0,182231
RP11-422115.1	0,00	1,52	0,05	0,00	0,0613974	0,182244
LNPEP	3,60	4,56	2,98	2,95	0,0614012	0,182244
HIST2H4A	2,78	0,83	0,41	0,24	0,0614098	0,182245
C1orf61	0,12	0,42	0,20	0,58	0,0614435	0,182321
RP5-1050D4.3	1,18	0,00	2,35	2,87	0,0614601	0,182346
EIF1B-AS1	1,78	0,78	0,77	0,61	0,0615139	0,182481
RP11-30K9.4	0,65	1,29	0,51	1,70	0,0615272	0,182493
RP1-317E23.3	0,00	0,78	0,07	0,00	0,0615345	0,182493
KB-1208A12.3	1,85	2,76	0,62	0,61	0,0615835	0,182614
MIR1254-1	0,00	0,00	0,58	3,26	0,0616341	0,18274
SLC12A5	0,00	2,43	0,00	0,05	0,0616898	0,18288
PARP9	5,31	3,52	4,82	4,38	0,0617454	0,182978
CDC27	5,82	3,38	5,11	5,52	0,0617517	0,182978
HOOK1	0,09	0,06	0,10	0,69	0,061754	0,182978
CTD-2583A14.11	1,62	0,20	0,35	1,36	0,0617556	0,182978
PITPNC1	2,97	3,13	2,74	3,55	0,0617798	0,183025
RP11-628K18.1	0,00	0,00	0,00	0,87	0,0617828	NA
CIB1	7,88	7,11	7,42	6,80	0,0618012	0,183064
C2orf69	2,99	2,07	2,68	1,71	0,0618338	0,183137
AC114776.3	0,43	0,22	0,55	0,72	0,0618935	0,183275
IBA57	0,51	0,56	1,14	0,80	0,0619086	0,183275
CTC-529L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0619105	0,183275
HTRA4	1,66	2,24	1,32	1,84	0,0619204	0,183275
CTSB	7,72	6,61	7,05	7,45	0,0619235	0,183275
ODF2	2,90	2,14	2,51	2,16	0,06193	0,183275
NUBP1	6,35	5,40	5,55	3,58	0,0619387	0,183276
KLLN	0,73	0,97	0,97	1,15	0,0619686	0,18334
CHST11	3,06	2,88	2,35	1,95	0,0620352	0,183513
CCDC83	0,18	0,00	0,00	0,00	0,0620575	0,183554
RP11-476H20.1	1,97	3,17	1,63	2,17	0,0620685	0,183562
ANXA2	10,91	10,43	10,60	9,89	0,0620837	0,183583
RP11-666A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0621456	0,183742
AC096582.7	0,03	0,15	0,05	0,14	0,0621836	0,18383
MTSS1L	0,00	0,06	0,00	0,00	0,0621898	NA
LILRB5	0,13	0,29	0,18	0,14	0,062211	0,183886
SLC7A5	0,45	1,36	1,97	0,50	0,0622828	0,184074
PPP2R3B	0,21	0,15	0,52	1,00	0,06238	0,184337
ZNF252P	2,39	1,13	1,74	0,51	0,0624073	0,184393
HDX	2,30	0,71	0,20	0,28	0,0624408	0,184467
GPAA1	5,07	5,06	5,07	5,57	0,0624696	0,184528
AC069292.6	0,72	1,39	0,58	0,65	0,0625031	0,184602
WDFY4	5,39	5,08	5,02	4,17	0,06257	0,184771
ZEB1-AS1	1,05	0,00	0,06	0,70	0,0625768	0,184771
PVT1	1,23	4,13	3,13	2,14	0,062636	0,184921
C19orf52	1,57	2,07	2,37	1,10	0,0626889	0,185053
RP11-352D13.6	0,23	2,48	0,57	0,98	0,0627086	0,185086
HIP1R	0,00	2,01	0,04	0,23	0,0627335	0,185099
RN7SL246P	1,03	0,00	0,89	3,06	0,0627351	0,185099
H2AFY	7,52	7,54	7,52	7,03	0,0627444	0,185099

ACOT9	5,83	4,85	5,87	5,14	0,0627464	0,185099
PCBP2-OT1	0,00	0,00	0,59	1,76	0,062782	0,18518
MYO19	3,92	1,67	2,36	2,09	0,0627968	0,185183
UNC13D	2,90	2,03	3,09	3,57	0,0627996	0,185183
TIGD2	0,06	0,00	0,25	0,07	0,062817	0,185195
RN7SL526P	0,99	2,84	1,28	2,08	0,0628206	0,185195
RP11-307P5.2	0,44	1,52	0,62	1,07	0,0628461	0,185246
RP11-15H20.6	2,12	2,64	2,70	2,76	0,0628809	0,185324
ADAMTS6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0628984	0,185351
RP4-664K17.2	2,91	4,03	2,96	3,38	0,0629067	0,185351
TIMM13	6,36	6,59	6,58	7,12	0,0629335	0,185405
C21orf33	3,00	5,59	1,36	0,53	0,0630299	0,185606
C17orf80	1,00	1,56	0,93	0,12	0,0630362	0,185606
LCN12	0,61	0,91	1,12	1,28	0,0630475	0,185606
RP11-154H23.4	0,19	0,23	0,35	0,19	0,063052	0,185606
AL163953.3	1,39	3,38	1,86	1,87	0,0630561	0,185606
GLG1	5,47	5,39	5,40	4,43	0,0630601	0,185606
GEMIN5	0,60	0,38	0,92	0,09	0,0630631	0,185606
ZSWIM4	0,17	0,20	0,36	0,68	0,0630684	0,185606
ADGRG6	2,84	0,19	0,30	0,26	0,0630912	0,185641
SEPT14	0,44	0,42	0,51	1,34	0,0630971	0,185641
RN7SL66P	0,00	0,00	1,30	1,38	0,0631152	0,18567
NR3C1	6,39	5,92	5,55	5,37	0,0631536	0,185758
CCS	5,23	5,94	5,47	5,99	0,0632064	0,185889
RAPGEF6	3,79	3,92	3,24	3,83	0,0632434	0,185973
OXA1L	7,45	4,77	6,76	6,22	0,063267	0,186018
MTCH2	6,87	5,19	6,36	5,33	0,0632926	0,186069
FAM221B	0,52	0,83	0,96	0,23	0,0633022	0,186072
RP11-848P1.2	0,55	0,97	1,07	1,49	0,0633108	0,186073
FAM92A3	0,06	0,00	0,09	0,24	0,0633283	0,1861
GGT7	0,21	0,10	0,06	0,00	0,0633539	0,18615
IMPDH2	6,09	6,57	5,63	5,34	0,0634345	0,186362
OR9H1P	0,28	0,42	0,19	0,43	0,0635191	0,186586
RN7SL538P	0,00	1,74	0,36	1,40	0,0635519	0,186637
RP4-590F24.2	0,09	0,00	0,36	0,17	0,0635531	0,186637
CTD-2315E11.1	3,04	2,35	3,84	3,04	0,0635745	0,186675
ZNF804A	0,04	0,00	0,39	0,04	0,0636427	0,186851
ARPC1A	5,46	3,08	5,39	4,54	0,0636731	0,186884
ZC2HC1C	0,03	0,03	0,26	0,10	0,0636754	0,186884
EIF2B2	4,84	6,05	3,03	3,02	0,0636791	0,186884
CACNA1A	2,89	2,88	3,09	2,97	0,0637009	0,186903
DHX15	6,30	4,97	5,73	6,42	0,0637025	0,186903
L2HGDH	0,32	0,62	0,41	0,38	0,0637743	0,187089
RP11-525J21.1	0,00	0,28	0,24	0,78	0,0637944	0,187119
MS4A7	6,28	4,39	5,99	6,23	0,0638013	0,187119
NT5DC1	4,99	1,41	2,76	1,89	0,0638437	0,187218
RNASE4	0,16	0,12	1,60	3,44	0,0638625	0,187234
DTNA	4,87	5,68	4,28	3,78	0,063866	0,187234
POLR2E	6,58	5,49	6,34	6,41	0,0638879	0,18726
CCDC153	0,72	1,24	1,66	2,08	0,0638917	0,18726
RP11-65L19.4	0,11	0,13	0,16	0,40	0,0639133	0,187299
RP11-247I13.11	0,00	0,00	0,44	0,00	0,0639751	0,187455
AC100830.3	0,51	0,61	0,67	1,75	0,0640011	0,187506
STK32B	0,00	0,32	0,00	0,00	0,06407	0,187684
ZNF629	0,03	0,02	0,07	0,53	0,0641155	0,187792

MORN4	0,26	0,22	0,32	0,35	0,0641417	0,187844
RP11-423P10.2	2,66	3,21	2,44	2,86	0,0641618	0,187878
SSC5D	0,05	0,18	0,12	0,12	0,0642039	0,187954
RP11-6N17.4	2,77	2,65	2,52	4,10	0,0642046	0,187954
ZNF772	0,37	0,44	0,16	0,41	0,0642204	0,187965
C9orf78	6,29	5,69	5,63	4,87	0,0642254	0,187965
RER1	7,16	6,14	6,71	5,75	0,0642443	0,187996
SOS2	3,07	1,78	3,05	2,33	0,0642594	0,188015
ZNF282	0,07	2,68	1,09	0,42	0,0642742	0,188034
RAP2B	5,02	3,91	4,34	3,90	0,0643366	0,188192
ABCE1	5,08	2,15	4,07	4,07	0,0643938	0,188334
ACTN4	2,60	1,03	2,62	2,37	0,0644266	0,188405
CAPN7	3,85	2,97	4,49	4,40	0,0644715	0,188512
AF178030.2	0,00	0,00	2,18	0,92	0,0645035	0,188581
MVD	2,50	4,17	3,44	4,03	0,0645185	0,1886
TMC8	3,68	4,67	3,57	3,54	0,0645733	0,188718
LPCAT4	3,10	3,44	2,04	0,85	0,0645759	0,188718
DNM1	0,18	1,77	1,62	0,23	0,0645939	0,188721
RN7SL339P	0,99	2,50	2,09	0,33	0,0646053	0,188721
AC128677.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0646061	0,188721
CTC-788C1.1	0,53	0,00	0,88	1,11	0,0646118	NA
RP11-489E7.4	2,58	3,63	3,08	3,84	0,064629	0,188721
BTN2A1	4,00	1,17	3,70	2,99	0,0646294	0,188721
RAB13	2,93	3,52	4,08	1,40	0,064633	0,188721
AC009303.1	1,64	0,80	2,27	3,48	0,064644	0,188721
AC097500.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0646449	0,188721
RP6-191P20.4	0,58	1,43	0,85	1,19	0,0646915	0,188832
CHRNA1	0,00	1,44	0,06	0,00	0,0647212	0,188894
RP11-431H16.2	0,06	0,00	0,07	0,00	0,0647328	0,188894
GUSBP4	0,00	0,00	0,69	0,83	0,0647382	0,188894
C6orf208	0,00	0,07	0,05	0,00	0,0648071	0,18907
RP11-560J1.1	2,68	3,40	0,89	0,00	0,0648325	0,18912
APP	3,58	1,94	2,74	3,55	0,0648706	0,189206
LA16c-306A4.2	0,14	0,11	0,07	0,20	0,0648887	0,189215
STON2	2,95	2,23	1,85	1,15	0,0648908	0,189215
LEO1	3,87	2,01	3,14	2,63	0,0649334	0,189315
SNX14	6,08	5,48	6,25	4,60	0,0649656	0,189373
SIPA1	5,64	6,77	6,63	6,85	0,0649961	0,189373
AC002551.1	1,88	2,57	2,66	2,27	0,0649994	0,189373
SRPRA	4,78	3,39	4,08	3,73	0,0650057	0,189373
KLF12	2,56	2,56	2,16	3,54	0,0650061	0,189373
DUX4L18	0,00	0,00	0,00	0,12	0,0650086	0,189373
GREM1	0,40	0,79	0,53	0,51	0,0650131	0,189373
SUV39H1	0,00	0,00	0,02	0,19	0,0650503	0,189434
PREB	3,78	1,08	3,52	5,22	0,065051	0,189434
TMEM50A	6,92	5,28	6,19	6,22	0,0650746	0,189478
GSE1	3,94	3,28	3,52	2,40	0,0650972	0,189505
PTX3	0,26	0,83	0,76	0,63	0,0651012	0,189505
SERPINA3	0,00	0,94	0,00	0,00	0,0651252	0,189541
ULK2	2,60	3,80	2,24	3,46	0,0651305	0,189541
SLC22A15	0,00	0,00	0,70	0,65	0,0651586	0,189598
AP000344.3	0,00	1,71	0,00	0,00	0,0652789	0,189923
GNG7	2,77	3,03	2,41	1,03	0,0653359	0,190064
WBP11	4,42	2,86	4,40	2,95	0,0654323	0,19032
C2orf58	4,08	5,36	3,45	4,71	0,0654773	0,190421

DNAJC21	3,86	3,44	4,09	4,61	0,0654842	0,190421
TMEM60	4,48	0,43	2,29	4,03	0,0654951	0,190428
RN7SL655P	2,71	0,94	2,85	3,59	0,0655195	0,190451
ZNF34	2,58	1,38	0,53	0,76	0,0655205	0,190451
RECQL5	2,25	0,90	2,17	2,16	0,0655343	0,190467
ZNF331	5,86	4,72	5,91	4,87	0,0655507	0,19049
OR10H1	0,37	0,42	0,46	0,57	0,0655858	0,190567
ARHGAP15	6,83	6,60	6,01	5,48	0,0656107	0,190614
MAGEF1	3,17	0,82	3,28	1,40	0,0656301	0,190646
RP11-406H21.2	1,22	0,00	0,90	0,00	0,0656508	0,190681
IQSEC2	1,68	2,05	2,07	2,20	0,0656751	0,190726
PRSS23	1,23	2,50	1,46	1,34	0,0656884	0,19074
C19orf59	0,05	0,37	0,38	3,96	0,0656984	0,190744
RP1-180E22.3	0,04	0,00	0,15	0,05	0,0657299	0,190765
HAAO	4,08	1,41	2,85	3,64	0,0657301	0,190765
ERCC3	4,39	2,73	3,76	2,80	0,0657314	0,190765
RP1-34L19.1	0,09	0,37	0,12	0,09	0,0657535	0,190798
RNF41	3,77	1,96	3,19	2,98	0,0657599	0,190798
C11orf63	2,07	0,38	1,51	0,54	0,065784	0,190813
FASTKD3	4,06	2,98	0,47	0,86	0,0657867	0,190813
RP11-336A10.2	2,46	0,17	3,15	2,34	0,0657909	0,190813
TRIM11	1,99	2,70	2,53	3,37	0,0658209	0,190846
SDS	3,62	2,42	1,74	2,82	0,0658213	0,190846
CTD-2611K5.6	0,00	0,00	0,00	0,03	0,065832	NA
RP5-906C1.1	0,00	2,23	0,69	0,00	0,0658325	0,190846
RENBP	1,02	1,58	1,44	1,24	0,0658516	0,190846
CCDC43	3,83	1,70	3,50	2,77	0,0658521	0,190846
ZNF668	0,16	0,22	1,31	0,85	0,0658536	0,190846
PTGR2	1,92	1,92	1,62	2,74	0,065875	0,190846
LUC7L2	5,38	5,17	5,11	3,86	0,0658779	0,190846
IGSF5	0,00	0,17	0,00	0,00	0,0658795	0,190846
DCTN1	4,40	5,47	4,99	5,36	0,0658907	0,190854
RN7SL105P	0,79	0,00	1,24	1,40	0,0659366	0,190962
IFIT3	4,64	1,36	4,17	2,01	0,0659529	0,190983
TMEM40	0,67	0,90	0,78	2,80	0,0659652	0,190983
PDCD6	7,74	7,29	7,12	6,05	0,0659697	0,190983
TRAF2	2,39	2,37	2,63	1,83	0,0659789	0,190985
TCTN2	0,47	0,44	0,63	1,45	0,0659884	0,190987
GART	4,57	1,63	3,81	4,35	0,0660087	0,191021
NARS2	3,19	2,76	1,89	0,33	0,0660595	0,191143
FTO	3,81	4,96	4,22	3,10	0,0661282	0,191317
AF127936.7	1,37	0,00	0,73	1,52	0,0661474	0,191348
RP11-159D12.5	0,41	0,00	1,10	2,82	0,0661626	0,191367
MSX1	0,09	0,07	0,12	0,25	0,0661966	0,191426
C6orf106	1,78	1,49	3,65	3,31	0,0662002	0,191426
SMTN	0,02	0,03	0,34	0,62	0,0662108	0,191432
RP11-464F9.1	0,10	0,00	0,00	0,00	0,0662212	0,191437
RP11-181D10.2	0,00	0,85	0,15	0,00	0,0662566	0,1915
CCDC27	0,09	0,28	0,12	0,25	0,0662602	0,1915
CYP2T2P	0,00	0,42	0,19	0,00	0,066325	0,191641
AC017076.5	3,52	0,00	0,82	0,46	0,0663275	0,191641
TNFSF9	1,01	0,09	1,21	0,08	0,0663348	0,191641
FCRL5	2,27	2,68	2,29	2,90	0,0663674	0,19171
SLC12A7	4,07	4,26	3,80	3,02	0,0663904	0,191751
AC008268.3	2,43	3,09	2,43	2,55	0,066403	0,191763

RP11-524C21.2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,0664173	NA
PAIP1	4,97	4,93	4,34	4,43	0,0664707	0,191934
BTG3-AS1	0,00	0,00	0,00	0,07	0,0664986	0,191989
CDKN3	0,28	0,34	0,30	0,00	0,0665156	0,192013
RNU2-58P	1,07	1,82	0,00	2,05	0,0665779	0,192132
CTD-2373J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0665789	0,192132
RFFL	3,31	2,64	1,97	1,07	0,0665827	0,192132
UQCRB	5,99	6,55	6,31	6,38	0,0666032	0,19215
ELF1	5,83	5,16	6,08	5,58	0,0666125	0,19215
PAQR4	0,00	0,00	0,23	0,00	0,0666149	0,19215
RRP36	3,90	4,11	3,87	5,27	0,0666341	0,192181
SEC61A2	2,00	0,08	1,83	0,17	0,0666539	0,192213
RP11-370I10.2	1,71	0,26	1,05	1,30	0,0667133	0,192359
RP11-418J17.1	2,36	5,20	2,12	2,15	0,0667263	0,192372
APOOL	2,35	1,42	2,43	1,77	0,0667615	0,19241
RP11-783N5.1	0,61	0,18	0,00	0,00	0,0667636	0,19241
TCFL5	1,19	0,00	1,23	0,54	0,0667656	0,19241
RP11-501E14.1	0,78	1,62	0,95	0,00	0,0667932	0,192465
RP11-517P14.2	1,85	0,83	2,07	1,26	0,0668213	0,19252
FAM53B	1,13	0,73	2,20	2,01	0,0668304	0,192522
MAD2L1	0,47	0,23	0,29	0,07	0,0668458	0,192541
EMP1	4,52	3,94	5,15	5,00	0,0668736	0,192596
CTA-243E7.1	0,48	0,76	0,51	0,54	0,0668874	0,192611
FBXO3	3,09	1,37	2,31	2,97	0,0668977	0,192616
RP11-91I20.4	1,86	0,48	2,52	1,41	0,0669169	0,192633
TDP2	2,77	0,87	2,46	1,27	0,0669209	0,192633
NOD2	3,95	3,26	4,63	2,19	0,0669331	0,192643
PSME1	9,44	8,92	9,07	9,05	0,0669777	0,192746
FRG1CP	3,95	0,42	3,19	3,06	0,0669931	0,192766
PPP1R9B	2,44	1,70	2,67	2,13	0,0670223	0,192801
STT3B	5,63	3,89	5,55	4,62	0,0670229	0,192801
AC022154.7	2,36	0,56	2,30	2,74	0,0670613	0,192887
RPL26	9,64	10,02	9,73	9,88	0,067103	0,192982
STARD7	5,77	5,67	5,78	4,82	0,0671607	0,193071
NFE2	2,51	1,86	3,37	5,00	0,0671648	0,193071
CTD-2033A16.3	0,00	0,15	0,13	0,00	0,0671655	0,193071
ACTG1P9	0,26	0,11	0,29	0,41	0,0671766	0,193071
OTUD6A	0,10	0,00	0,35	0,25	0,0671815	0,193071
RP11-753C18.12	0,62	1,11	0,62	1,43	0,0671929	0,193071
MED27	4,19	0,42	4,08	2,87	0,0671946	0,193071
ST6GALNAC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06721	0,19309
ST3GAL4	3,02	0,65	1,03	0,48	0,0672238	0,193096
MBNL1-AS1	1,51	0,28	0,71	0,70	0,0672296	0,193096
ZNF347	1,68	1,35	2,35	2,49	0,0672538	0,193108
RP11-100F15.1	0,00	0,69	0,00	0,00	0,0672655	0,193108
KCTD21	0,57	2,31	1,22	1,71	0,0672669	0,193108
TMEM19	4,51	5,45	3,23	3,14	0,0672686	0,193108
C6orf48	7,72	7,34	7,38	6,29	0,0672911	0,193148
SH2B1	1,65	3,01	2,24	2,40	0,067319	0,193203
CCND2	3,01	4,43	3,33	3,72	0,0673389	0,193233
RP11-346I3.2	0,55	1,21	0,62	1,72	0,067352	0,193233
RP11-175P19.3	0,00	0,21	0,00	0,00	0,067353	NA
HOTAIRM1	4,94	4,38	5,52	5,34	0,0673554	0,193233
HMGA1	4,74	4,80	4,34	2,71	0,067379	0,193276
FUNDC2	6,88	5,24	6,90	6,34	0,0674354	0,193381

RP11-946L20.4	3,48	5,15	2,91	2,52	0,0674364	0,193381
SEC22A	3,74	0,36	1,44	0,71	0,0674418	0,193381
CTSV	1,42	0,59	0,75	0,61	0,067467	0,193428
PRDM2	4,41	4,92	4,02	5,18	0,0674814	0,193444
RPL23AP2	1,33	2,09	1,22	1,40	0,067513	0,19351
WASH4P	0,18	0,00	0,00	0,00	0,0675397	0,19354
AF127936.9	1,60	0,00	0,02	0,02	0,0675474	0,19354
RP11-500G22.5	0,25	0,30	0,38	0,31	0,0675529	0,19354
TFB2M	3,83	1,72	2,39	0,95	0,0675614	0,19354
RP11-414K1.3	0,11	0,34	0,12	0,26	0,0675758	0,19354
FYN	7,28	5,81	7,44	7,26	0,067576	0,19354
AC093838.7	0,64	1,59	0,64	0,92	0,0675843	0,19354
RF00026	0,88	5,41	3,73	4,47	0,0677245	0,193909
RP11-139E24.1	1,23	1,26	1,95	1,50	0,0677364	0,193909
ABHD15	2,27	0,96	1,93	0,92	0,0677394	0,193909
OR8J3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0677778	NA
UHRF1BP1L	4,71	4,91	4,09	4,05	0,0677814	0,194004
OR14J1	1,26	1,86	1,12	1,21	0,0678273	0,19411
KB-1836B5.1	0,28	0,62	0,48	0,00	0,0678567	0,19417
COG5	4,59	2,32	3,88	3,68	0,0679008	0,194271
CTTNBP2NL	4,47	2,02	4,70	3,54	0,0679411	0,194361
PTBP1	5,02	4,09	5,47	5,48	0,0679809	0,19445
ZNF17	0,14	0,06	0,30	0,40	0,0680234	0,194546
ZNF672	3,48	4,76	3,32	2,92	0,0680324	0,194547
TXNL4A	6,13	6,24	6,54	6,73	0,0680679	0,194609
LAPTM4B	0,13	0,23	0,07	0,13	0,0680724	0,194609
ALDH1A2	0,00	1,91	0,00	0,00	0,0680802	0,194609
F11R	3,23	2,21	2,77	1,04	0,068092	0,194617
TTPAL	2,29	1,10	1,65	1,35	0,0681231	0,194681
RP11-867O8.5	0,90	2,17	1,15	1,28	0,0681369	0,194695
NIP7	4,06	1,54	3,32	3,36	0,0682193	0,194906
CTD-2300H10.2	0,00	0,63	0,00	0,00	0,06822	NA
RABEP1	4,19	2,32	4,02	4,06	0,068231	0,194914
GPC2	0,23	1,20	0,27	0,75	0,0682465	0,194934
NCR3	0,00	0,00	0,00	0,51	0,0682672	0,194934
TSN	5,00	2,09	4,43	4,68	0,0682676	0,194934
ATP10D	4,24	2,35	3,89	2,87	0,0682731	0,194934
SGPL1	3,32	1,39	3,29	2,88	0,0682835	0,194939
ERGIC3	7,41	6,84	7,15	6,18	0,0683403	0,195051
PTGES3L-AARSD1	0,00	0,00	0,74	0,00	0,0683403	0,195051
TMEM69	4,74	0,54	4,45	1,29	0,068394	0,195149
PSMF1	5,97	4,27	5,14	4,87	0,0684081	0,195149
PPP6R3	5,26	3,92	5,02	5,10	0,0684248	0,195149
CCNB2	1,57	0,26	1,21	0,49	0,0684311	0,195149
CTD-2576D5.1	0,82	0,10	0,22	0,20	0,0684316	0,195149
DEPDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0684331	0,195149
FNDC3B	3,81	4,74	4,09	4,83	0,0684362	0,195149
ZC3H18	3,37	1,76	3,29	3,99	0,0684779	0,195243
RP11-736I24.3	2,42	0,00	0,45	0,00	0,0685133	0,195318
RBM18	4,46	2,43	4,09	1,36	0,0685218	0,195318
RP11-1398P2.1	2,46	0,00	1,94	3,39	0,0685641	0,195414
OMG	1,64	0,00	0,47	0,33	0,0687106	0,195744
PAX5	0,18	0,24	0,16	0,18	0,0687107	0,195744
C1GALT1	5,00	2,37	4,48	3,02	0,0687128	0,195744
TRPM4	1,97	2,91	2,54	3,10	0,068715	0,195744

NFATC2	3,42	1,20	2,32	0,37	0,0687498	0,195817
SLC35A5	3,90	3,64	3,42	1,76	0,0687708	0,195852
RP3-333A15.2	0,43	3,91	0,47	3,47	0,0687951	0,195873
PCYOX1L	2,95	2,31	2,61	2,54	0,0687957	0,195873
RP11-718D19.2	0,35	0,35	0,50	0,38	0,0688721	0,196054
LRIF1	2,56	2,81	2,34	0,34	0,0688769	0,196054
TENM1	0,00	0,02	0,00	0,11	0,068916	0,19614
SSSCA1	5,52	6,25	5,76	6,07	0,0689428	0,196191
ZNF814	4,55	3,09	4,54	3,94	0,0689756	0,196238
MANF	3,72	2,77	4,26	2,70	0,0689769	0,196238
KCNAB1	0,38	0,70	0,23	0,04	0,0689968	0,19625
LIMK2	1,02	0,77	0,54	0,96	0,0689988	0,19625
KCNMB1	3,05	3,01	1,98	1,80	0,069017	0,196277
RP11-531F16.3	1,11	0,05	0,81	1,26	0,0691003	0,196489
FAM221A	2,14	1,35	1,32	0,75	0,0691702	0,196627
MRPS7	6,74	6,14	6,29	5,77	0,0691836	0,196627
PLGRKT	4,70	1,97	4,45	0,91	0,0691853	0,196627
RTCA	3,48	3,03	2,06	2,93	0,0691998	0,196627
SDSL	3,37	0,31	2,17	5,01	0,0692036	0,196627
MAK	0,80	0,00	0,12	0,27	0,069208	0,196627
TPTE	0,00	1,80	0,00	0,00	0,0692108	0,196627
RP11-417N10.4	0,00	3,91	0,00	0,00	0,0692418	0,19669
RP11-577H5.5	1,80	0,00	0,00	0,00	0,0692641	0,196725
GIGYF2	4,89	6,05	5,37	3,90	0,0692719	0,196725
RP13-1032I1.7	1,96	3,45	2,33	3,82	0,0693163	0,196826
TMEM150A	3,60	1,41	2,96	1,15	0,0693354	0,196855
NUDT1	6,19	6,40	6,22	5,28	0,0693675	0,196921
RN7SKP94	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0693974	0,196969
BACH1	5,87	5,78	6,27	5,87	0,0694023	0,196969
MAPK7	0,83	0,00	1,39	0,58	0,0694432	0,197039
PRKCH	5,90	4,03	5,45	6,52	0,0694446	0,197039
RP11-713P17.3	0,24	0,36	0,30	0,34	0,0694635	0,197067
OPRM1	0,59	2,05	1,00	0,39	0,0695172	0,197195
ST3GAL4-AS1	2,42	1,30	1,29	1,66	0,0695446	0,197225
ABLIM1	0,73	2,23	0,18	2,15	0,0695475	0,197225
RP11-642A1.2	0,00	0,00	0,34	0,00	0,0695545	0,197225
CCDC84	3,98	3,08	4,62	4,07	0,0695724	0,197251
AC140134.2	0,00	0,10	0,21	0,29	0,0695931	0,197259
RP11-974F13.3	0,00	0,10	0,21	0,29	0,0695931	0,197259
TRIP6	1,54	0,00	0,73	0,55	0,0696494	0,197393
RP11-888D10.4	0,90	0,00	0,19	0,29	0,0696944	0,197495
KCNK2	0,05	0,04	0,00	0,13	0,0697072	0,197507
IGSF9	0,20	0,23	0,62	0,70	0,0697693	0,197657
GPATCH4	3,58	5,36	4,14	3,97	0,0698078	0,197724
SYPL1	4,49	4,83	4,41	2,75	0,0698105	0,197724
AC099850.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0698515	0,197815
C8orf59	6,06	6,20	6,12	4,92	0,0699002	0,197927
RP11-536C5.2	0,00	0,54	0,00	0,00	0,0699455	0,19803
PRPF4	3,98	3,24	2,91	2,40	0,0699678	0,198068
AC068286.1	0,88	1,95	1,61	1,15	0,0700259	0,198207
KLC3	1,11	2,02	1,58	1,79	0,0700408	0,198224
FAM47E	1,69	4,10	2,22	2,10	0,0700552	0,19824
RP11-1100L3.7	4,14	4,53	4,99	4,52	0,0700868	0,198304
RP11-106M3.4	0,00	0,46	0,17	0,78	0,0701215	0,198377
ITGA6	0,00	0,37	0,01	3,23	0,0701503	0,198379

TOR3A	4,82	4,14	4,85	3,34	0,0701541	0,198379
RP11-191112.1	0,05	0,16	0,13	0,07	0,0701545	0,198379
HLA-DRB5	8,97	8,50	8,53	6,44	0,070166	0,198379
EFNA4	1,27	0,00	0,28	0,37	0,070167	0,198379
CTD-2197O4.1	0,11	0,00	0,02	0,00	0,0701756	NA
RP11-229P13.2	1,53	0,48	1,03	0,83	0,0702778	0,198667
CCDC175	0,00	0,00	0,27	0,34	0,0703087	0,198715
CTB-32O4.2	0,43	0,00	0,74	0,21	0,0703123	0,198715
NBEAL1	4,13	2,91	2,64	2,68	0,0703579	0,198818
CTC-281M20.1	0,11	1,31	0,07	0,00	0,0703732	0,198836
CTD-2568A17.1	2,03	1,70	0,94	2,83	0,0704125	0,198902
BBS10	0,31	0,00	0,17	0,14	0,0704145	0,198902
RP1-130L23.1	2,11	0,00	1,54	0,00	0,0704441	0,19896
AC005253.2	0,00	0,14	0,14	0,55	0,0704824	0,199034
TMCO4	3,36	0,98	1,90	1,45	0,0704966	0,199034
DOCK9	0,15	0,44	0,06	0,05	0,070497	0,199034
OR2T33	0,10	0,07	0,18	0,37	0,070512	0,199051
FBXO24	0,68	1,37	0,42	0,39	0,0705457	0,199121
RP11-141O15.1	0,98	0,19	0,87	0,00	0,0705705	0,199166
RP11-39K24.11	0,48	0,00	0,09	0,41	0,0705933	0,199173
B4GALT1	5,46	5,28	5,89	6,16	0,0705959	0,199173
XKR9	0,16	0,58	0,19	0,25	0,0705999	0,199173
CUBN	0,24	0,06	0,32	0,50	0,0706719	0,199351
UACA	0,60	0,72	1,36	2,57	0,0707184	0,199449
TSR1	3,82	0,77	3,06	2,91	0,0707289	0,199449
ATP5B	9,72	8,93	9,34	9,16	0,0707336	0,199449
RP11-498D10.3	0,78	2,44	1,52	1,84	0,0707491	0,199467
CLCA2	0,00	0,07	0,00	0,00	0,0707766	0,199519
MCM3AP	3,96	3,96	4,67	3,80	0,0707974	0,199553
PKN1	4,92	5,23	4,77	5,43	0,0708299	0,199564
KRT10	3,58	5,10	4,48	3,75	0,07083	0,199564
XPC	3,59	2,96	3,21	3,41	0,0708302	0,199564
CRTAM	1,10	0,36	0,93	0,83	0,0708375	0,199564
RUSC1-AS1	2,37	1,67	2,64	1,29	0,0708617	0,199607
PSMA1	8,43	7,55	7,95	7,63	0,0709425	0,199804
FAHD2B	0,35	1,99	1,14	0,00	0,0709604	0,199804
RP11-363K21.1	0,24	0,15	0,90	0,75	0,0709687	0,199804
BTBD1	4,74	4,87	4,52	4,80	0,0709726	0,199804
PCDHGB6	0,09	0,09	0,12	0,06	0,0709763	0,199804
TBC1D3B	0,00	0,86	0,00	0,00	0,0710104	0,199874
RP3-382I10.7	0,62	0,00	0,08	0,00	0,0710914	0,20006
NRG4	2,15	2,07	2,13	3,40	0,0710945	0,20006
SSBP1	7,79	7,25	7,59	6,90	0,0711115	0,200083
C9orf85	3,29	1,98	2,65	3,19	0,0711401	0,200126
COX7B	5,13	5,69	5,14	4,90	0,0711449	0,200126
BTN3A3	4,04	0,70	2,79	3,62	0,0711704	0,200172
KCNJ13	1,94	0,00	0,66	0,05	0,0711919	0,200179
IFITM3	8,22	6,42	8,40	8,64	0,0711929	0,200179
ARHGDI3	0,00	2,46	0,39	0,00	0,0711997	0,200179
RP11-149I23.3	0,00	0,19	0,00	0,00	0,0712544	0,200307
CTD-2020K17.3	0,00	0,00	0,00	0,07	0,0712818	NA
IRF8	6,22	5,57	5,62	4,97	0,071282	0,200359
SCHIP1	0,72	2,25	1,19	0,92	0,0713288	0,20045
MYH16	0,00	1,19	0,00	0,00	0,0713322	0,20045
TOMM34	4,80	1,95	4,11	2,46	0,0713416	0,200451

POLR3F	2,86	0,12	1,46	2,84	0,0713939	0,200573
RN7SL234P	1,89	0,00	2,38	0,74	0,0714289	0,200646
RP11-66A2.2	0,00	0,28	0,19	0,49	0,0714536	0,20069
MOK	2,52	2,13	4,11	3,20	0,0714771	0,20073
ZNF526	0,69	0,72	0,83	1,70	0,0715315	0,20083
ETV5	1,50	3,74	1,01	0,48	0,0715331	0,20083
LINC00689	0,00	0,04	0,06	0,04	0,0715398	0,20083
GCN1	2,90	1,73	2,13	2,97	0,0715729	0,200898
RP11-326F20.5	0,35	0,54	0,00	0,00	0,0716105	0,200947
PSMA3	8,20	7,36	7,38	6,95	0,0716139	0,200947
AF042090.2	0,27	0,97	0,14	0,16	0,0716175	0,200947
YME1L1	4,46	4,90	4,80	4,63	0,0716795	0,201082
XPNPEP3	3,12	1,30	1,95	1,76	0,0716839	0,201082
EVA1B	0,24	0,52	1,67	3,62	0,0717075	0,201123
ERCC1	6,31	4,90	6,08	4,92	0,0717292	0,201159
NBPF19	6,87	6,48	6,73	6,95	0,071744	0,201159
MIR326	0,00	0,00	0,00	4,12	0,0717626	0,201159
MZT2A	3,48	4,35	4,33	2,36	0,071765	0,201159
CTD-3187F8.14	0,00	0,00	0,00	1,83	0,0717655	0,201159
RP11-96C21.2	0,00	0,04	0,00	0,04	0,0717886	0,201171
HYAL4	0,27	0,41	0,21	0,62	0,0717964	0,201171
RP11-116D17.3	0,46	0,27	0,57	0,51	0,071797	0,201171
CLASP2	5,27	3,79	5,15	3,93	0,0718593	0,20132
PTPRK	0,34	1,02	0,70	1,24	0,0718802	0,201353
AP001422.3	0,54	0,00	0,00	0,00	0,0719856	0,201623
FUOM	5,01	6,13	5,59	5,23	0,0719998	0,201637
AC011625.1	0,00	0,93	0,00	0,00	0,0720106	0,201642
DIS3L2	2,56	1,28	3,96	2,79	0,0720656	0,201771
TSTD2	2,71	0,84	2,38	1,64	0,0720801	0,201775
GTF3C1	3,12	3,00	3,21	5,01	0,0720852	0,201775
RP11-758H9.2	0,71	0,00	0,92	0,93	0,0721064	0,201809
SRP72	6,69	5,83	6,09	5,71	0,0721655	0,201949
SLC27A5	1,92	1,82	2,10	2,15	0,0721897	0,201991
RP11-856B14.10	2,48	0,00	3,14	1,97	0,0722211	0,202018
DDA1	3,51	3,69	2,91	0,82	0,0722299	0,202018
RGPD2	0,40	0,77	1,12	0,11	0,0722312	0,202018
STK11IP	4,18	4,70	4,30	4,35	0,0722355	0,202018
SNTB2	0,85	0,54	0,59	0,78	0,0722477	0,202026
RGL2	4,56	3,37	4,65	3,82	0,0722657	0,202031
TAF1	4,19	3,65	3,51	4,19	0,0722675	0,202031
RP11-15A1.4	0,26	0,16	0,26	0,37	0,0723112	0,202128
CRELD1	2,29	0,00	1,92	1,58	0,0723427	0,202146
BRCA2	1,43	0,32	1,37	0,56	0,0723429	0,202146
BCYRN1	3,49	3,86	3,55	4,56	0,0723502	0,202146
ECT2L	0,21	2,00	0,16	0,63	0,0723547	0,202146
FKBP9L	0,31	0,18	0,28	0,54	0,0723633	0,202146
GARS	5,67	6,48	5,24	5,37	0,0723834	0,202177
RP11-799A12.1	0,00	0,26	0,00	0,00	0,0724459	NA
SH3PXD2A	0,18	0,16	0,28	0,21	0,0724587	0,202362
RN7SL435P	0,00	0,00	0,00	0,78	0,0725086	0,202476
AC007326.10	0,05	0,18	0,00	0,02	0,0725337	0,20252
CTD-2337A12.1	1,18	2,19	1,94	0,84	0,0726025	0,202687
SNAI3	2,53	0,32	3,00	1,57	0,0726482	0,202789
NCAPG2	0,67	0,13	0,18	0,35	0,0726875	0,202843
GLYAT	2,47	0,66	1,64	2,43	0,0726927	0,202843

OLFML1	0,13	0,97	0,19	0,16	0,0726949	0,202843
CSNK1D	5,05	5,89	5,84	5,43	0,0727042	0,202843
RILP	1,29	0,31	3,14	2,03	0,0727242	0,202874
ST6GALNAC4	2,48	0,45	2,43	1,44	0,0727935	0,203042
KIAA1586	3,17	0,83	2,62	0,70	0,0728069	0,203054
RP11-44F14.5	0,32	1,65	0,81	0,26	0,0728228	0,203072
ITGA10	0,24	0,76	0,60	1,18	0,0728814	0,203185
PHF23	2,35	0,60	2,05	3,85	0,0728815	0,203185
VWCE	0,18	0,00	0,38	0,57	0,0728906	0,203185
WDR31	0,20	0,34	0,30	0,45	0,0729378	0,203291
CNNM3	0,26	0,10	0,36	0,77	0,0729634	0,203337
TMX2	5,90	4,03	5,44	4,26	0,0730161	0,203443
CYP17A1	0,07	0,34	0,13	0,21	0,0730278	0,203443
DGCR8	1,47	2,84	1,93	1,33	0,0730289	0,203443
KLF7	2,55	3,06	3,49	1,33	0,0730535	0,203479
BRX1	4,59	3,97	2,49	4,45	0,0730603	0,203479
RN7SL461P	2,35	3,75	2,63	1,03	0,0730982	0,203559
TMEM127	3,07	4,40	3,21	3,14	0,0731083	0,203562
RP11-170N16.3	0,28	0,24	0,18	0,54	0,0731283	0,203592
SYNE3	2,03	2,29	2,34	2,02	0,0731591	0,203652
CTD-2184D3.6	0,00	2,37	1,51	0,97	0,0732217	0,203782
SLC26A11	0,54	0,24	0,88	1,45	0,0732239	0,203782
AP000892.4	0,78	2,29	0,70	1,59	0,0732834	0,203922
THEMIS	0,00	0,00	0,00	0,23	0,0732949	0,203928
ARHGAP10	2,24	1,12	3,01	2,66	0,0733119	0,20393
ANXA3	0,13	0,84	0,23	0,10	0,073314	0,20393
RP11-731D1.4	0,55	0,83	0,00	0,00	0,0733577	0,204026
RP11-260E18.1	0,07	0,00	0,02	0,00	0,0733635	NA
TRNAU1AP	4,91	6,45	4,79	4,38	0,0734211	0,204167
INPPL1	2,07	1,41	3,23	2,58	0,0734267	0,204167
OSBPL2	3,10	2,41	3,70	2,78	0,0734629	0,204242
LGALS17A	0,00	0,09	0,00	0,00	0,0735015	0,204301
RP13-616I3.1	0,24	0,17	0,17	0,14	0,0735026	0,204301
GOLGA2B	1,35	3,19	1,19	1,09	0,0735891	0,204492
RP11-769O8.3	0,15	0,31	0,44	0,20	0,0735896	0,204492
SLC23A2	3,00	0,74	2,18	1,13	0,0736157	0,204539
PDGFRB	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0736478	0,204595
FMN2	0,06	0,05	0,04	0,00	0,0736819	0,204595
SNRNP27	4,99	3,14	4,41	4,90	0,0736825	0,204595
DTX2	3,12	5,69	3,83	4,52	0,0736827	0,204595
ARID2	3,76	2,55	3,10	2,25	0,0737	0,204595
RP11-19P22.8	1,19	0,31	2,72	3,07	0,0737012	0,204595
HMGNS	1,35	0,67	1,09	3,17	0,0737059	0,204595
HTR2B	0,19	0,00	0,33	0,00	0,0737093	0,204595
PPBP	0,23	5,00	0,26	5,89	0,0737358	0,204616
NDUFA12	7,85	6,90	7,57	6,96	0,0737384	0,204616
RP11-486I11.2	0,29	0,00	0,00	4,70	0,0737566	0,204616
NLN	1,36	3,80	2,66	2,48	0,0737619	0,204616
SERINC5	4,04	5,24	4,01	4,30	0,0737631	0,204616
RP11-84A19.2	1,07	1,39	1,30	1,48	0,073774	0,204621
CIDEB	5,99	4,86	4,81	4,54	0,0738063	0,204685
CD8B	0,00	4,25	0,00	0,00	0,073919	0,204972
PPP2R4	2,93	3,33	3,93	2,83	0,0739396	0,204974
NT5C2	5,15	3,59	4,15	3,43	0,0739404	0,204974
RP11-16P20.3	0,37	1,59	0,20	1,45	0,0739473	0,204974

RP11-104C4.6	0,00	0,00	0,00	1,01	0,0739715	0,205001
RP11-355I22.3	0,00	0,00	0,00	0,12	0,0739755	0,205001
AC006014.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0739808	NA
RP11-315J22.1	0,17	0,38	0,09	0,11	0,073988	NA
RP11-339A11.2	0,79	0,38	0,90	0,42	0,0740219	0,205094
RP11-458D21.5	1,22	1,77	0,97	1,93	0,0740275	0,205094
SIK1	3,18	2,62	3,02	1,47	0,0740709	0,205167
RP11-481C4.1	0,00	2,59	2,85	0,00	0,074074	0,205167
RP11-475J5.6	0,00	0,11	0,00	0,12	0,0740799	NA
USP9X	4,67	3,74	4,36	3,32	0,0740874	0,205167
CA6	0,43	0,52	0,61	0,93	0,074091	0,205167
FSD1L	0,47	0,31	0,76	0,73	0,074158	0,205327
RP11-407G23.4	1,85	3,13	2,26	3,18	0,0741814	0,205366
RP11-563J2.2	0,10	0,61	0,18	0,22	0,0741961	0,205381
C11orf73	5,51	6,68	5,65	5,44	0,0742456	0,205471
FAM72A	2,47	0,19	2,92	1,08	0,0742548	0,205471
RP4-548D19.4	0,00	2,65	0,00	2,57	0,074256	0,205471
HIST2H2BF	1,53	0,60	1,31	1,05	0,0742823	0,205518
AMZ2P1	3,95	0,66	4,15	3,42	0,0743046	0,205538
RP11-93O17.2	0,07	0,25	0,14	0,19	0,0743082	0,205538
RP11-166P13.3	0,20	0,46	0,34	0,24	0,074356	0,205645
AC006369.2	0,57	1,26	1,09	1,52	0,0743674	0,205651
SLC15A4	2,94	1,31	2,83	2,47	0,0743921	0,205693
SSH2	4,94	3,34	4,95	4,79	0,0744279	0,205763
CRHBP	0,00	0,26	0,09	0,62	0,0744359	0,205763
LSM14B	0,42	0,11	0,41	0,78	0,0744557	0,205793
CCDC171	1,75	2,32	1,41	2,18	0,0744666	0,205797
EPS15L1	3,51	2,64	3,78	1,90	0,0745047	0,205851
CCNH	7,09	6,61	6,88	5,41	0,0745076	0,205851
RP5-943J3.2	0,00	0,00	0,00	0,25	0,0745105	NA
RNASEH2A	3,54	1,49	2,54	2,13	0,0745139	0,205851
RF00272	2,36	1,89	1,83	0,00	0,0745359	0,205875
DGKA	5,42	5,94	5,43	5,45	0,0745411	0,205875
TRAF5	1,86	1,56	2,47	0,48	0,074556	0,205891
METRN	0,00	0,09	0,00	0,04	0,0745787	0,205928
ADAMTSL4	2,63	3,78	3,57	3,32	0,074604	0,205972
FAM195B	5,40	4,39	5,76	5,94	0,0746155	0,205978
RP11-415F23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0746297	0,205991
KATNBL1	5,45	3,84	4,98	5,25	0,0746409	0,205991
PRKAR1B	0,95	0,00	1,59	0,33	0,0746479	0,205991
TMBIM1	4,08	3,92	4,69	4,46	0,0746609	0,206001
PKM	6,85	6,63	6,96	6,66	0,0747566	0,206228
RP11-735B13.1	0,01	0,00	0,00	0,03	0,0747616	0,206228
KIF1B	2,59	1,63	2,99	2,72	0,0747911	0,206284
DCAF7	4,74	5,39	4,74	5,23	0,0748298	0,206357
PEX16	4,87	5,84	5,56	4,31	0,0748362	0,206357
ALG14	2,89	0,99	2,67	1,29	0,0748772	0,206382
RP11-425A23.1	0,55	0,00	1,23	0,86	0,0748913	0,206382
LMO2	4,56	4,36	4,90	5,25	0,0749036	0,206382
WNNT9B	0,14	0,42	0,26	0,09	0,0749053	0,206382
FSTL3	0,00	2,08	0,06	0,00	0,0749093	0,206382
RP11-960L18.1	0,86	0,00	0,82	1,05	0,0749185	0,206382
ZNF586	2,94	0,80	3,05	0,82	0,0749237	0,206382
RP4-625H18.2	0,00	0,59	0,00	0,08	0,0749259	0,206382
RPL11	10,54	10,75	10,64	10,48	0,0749325	0,206382

SS18L2	6,35	2,77	5,91	5,30	0,0749384	0,206382
TMEM44	0,19	0,23	0,22	1,37	0,0750269	0,206601
S100A11	9,24	9,03	9,27	9,05	0,0750637	0,206676
DMTF1	6,07	6,64	5,64	6,27	0,0750902	0,206716
ABCA11	0,07	1,90	0,05	0,00	0,0750967	0,206716
RPS9	10,38	10,85	10,77	10,55	0,0751155	0,206718
RP11-370I10.12	0,68	0,11	0,34	1,14	0,0751173	0,206718
SLC35E2	1,79	0,57	1,85	2,03	0,0751254	0,206718
CTB-102L5.8	1,01	2,38	1,60	1,60	0,075157	0,206759
IFI27	2,99	0,45	0,99	3,39	0,0751588	0,206759
PKD1P6	0,40	0,62	0,80	1,03	0,0751881	0,206814
RP11-91K8.1	0,00	0,00	0,35	0,84	0,0752401	0,206913
CRKL	3,20	0,27	2,55	2,30	0,0752429	0,206913
ANKLE1	1,76	2,81	2,03	1,85	0,0752798	0,206989
BEND6	1,54	2,42	1,37	1,43	0,075328	0,207072
C22orf29	0,29	1,91	0,41	0,11	0,0753285	0,207072
TTC12	2,91	0,35	0,12	0,72	0,0754493	0,207378
FBXO36	0,50	0,68	0,36	0,35	0,0754794	0,207435
RP11-18I14.10	4,58	3,16	3,39	2,22	0,075647	0,20787
FOXRED2	0,71	1,79	1,02	0,63	0,0756884	0,207958
MAB21L2	0,00	0,00	0,00	0,04	0,0757026	0,207972
EPB41L4A-AS1	5,16	4,90	5,71	5,09	0,0757388	0,208045
IMPACT	3,42	4,02	3,97	2,87	0,0757779	0,208079
RPS26	7,59	7,63	7,96	8,19	0,0757805	0,208079
MGAT5	1,77	0,22	1,31	0,25	0,0757874	0,208079
RP11-1072A3.2	0,16	0,00	0,00	0,51	0,0757886	0,208079
CSAR2	1,35	1,27	1,40	1,38	0,0758079	0,208103
TSPAN2	0,50	0,00	0,02	0,41	0,0758159	0,208103
RP11-145D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0758878	0,208274
RP11-434D2.3	0,00	0,14	0,00	0,12	0,0759006	0,208284
RP11-405F3.4	0,00	0,61	0,00	0,00	0,0759716	0,208453
RP11-293P20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0760323	0,208594
PTBP2	3,55	3,13	2,18	2,71	0,0760654	0,208659
PSMB10	8,34	8,33	8,28	8,28	0,0760762	0,208663
NCOA2	3,16	2,31	3,22	3,29	0,076094	0,208686
SLC6A6	3,56	3,67	2,50	1,76	0,0761175	0,208713
DCANP1	0,96	2,32	0,25	0,09	0,0761228	0,208713
MT-TS1	9,06	9,62	9,04	9,07	0,0762311	0,208917
LINC00692	0,00	0,66	0,00	0,00	0,0762333	0,208917
AANAT	0,11	0,22	0,18	0,13	0,0762337	0,208917
UBXN8	1,87	2,80	2,76	0,57	0,0762346	0,208917
JRK	0,70	2,46	0,27	1,42	0,0762589	0,208958
NCL	6,91	6,84	7,19	6,43	0,076314	0,209083
ATG4B	4,93	4,16	5,53	4,85	0,0763671	0,209198
LZIC	4,47	3,23	3,71	5,34	0,0763747	0,209198
MFSD9	1,04	0,24	1,76	0,35	0,076404	0,209252
HHIPL1	0,02	0,03	0,13	0,29	0,0764293	0,209295
USP5	1,64	0,98	2,54	2,62	0,0764458	0,209315
WASH2P	0,82	0,87	1,67	1,22	0,0764827	0,20939
RP11-6N17.2	0,49	0,48	1,00	0,46	0,0765548	0,20956
RP11-278C7.1	0,34	0,00	0,08	0,00	0,0765638	0,20956
ST5	1,39	0,76	1,45	0,09	0,0766123	0,209667
CLINT1	5,85	5,47	5,42	4,73	0,0766394	0,209716
NCKIPSD	1,57	1,08	1,23	0,78	0,0766529	0,209727
RPS3	11,70	11,95	11,73	11,48	0,0766819	0,20978

ZNF138	2,07	0,00	1,79	0,07	0,0767135	0,209841
RNF135	4,62	5,14	4,91	4,79	0,0767438	0,209883
POLK	4,68	3,15	4,55	3,00	0,0767476	0,209883
LA16c-381G6.1	0,06	0,00	0,00	0,00	0,0767651	0,209905
RHOXF1-AS1	1,37	0,30	0,07	0,07	0,0767901	0,209947
PRPF39	3,88	1,38	2,83	1,63	0,0768071	0,209954
PIGM	1,00	1,10	1,14	1,30	0,0768115	0,209954
TPM4	6,60	5,77	6,18	5,59	0,0768385	0,209984
PDIA4	3,45	4,55	3,23	2,82	0,0768415	0,209984
RP11-114M11.2	0,00	0,18	0,00	0,00	0,0768776	0,210057
SLC38A4	0,56	0,17	0,27	1,36	0,0769031	0,210101
MOSPD1	1,74	0,74	2,13	1,82	0,0769277	0,210142
ZNF720	2,97	1,16	2,81	0,59	0,0769683	0,210227
CCL3L3	5,66	6,78	6,32	6,03	0,0769923	0,210267
RP11-6B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0770074	0,210282
NFX1	4,48	4,68	3,65	3,05	0,077047	0,210365
RP11-103C3.1	2,71	3,58	2,89	3,18	0,0770732	0,210411
NECAP2	5,43	5,47	5,06	5,51	0,0770917	0,210433
ANKRD22	1,06	0,33	1,42	0,93	0,077112	0,210433
AC015987.1	0,64	0,00	0,21	0,18	0,0771236	0,210433
RP11-298C2.1	1,68	1,21	2,42	3,81	0,0771248	0,210433
CTD-3025N20.2	0,26	0,24	0,12	0,14	0,077129	0,210433
HIF1A	7,24	6,65	6,55	6,18	0,0772428	0,210718
DNAH6	0,42	0,72	0,38	0,32	0,0772591	0,210737
TMEM185B	0,82	0,06	0,34	0,60	0,0772911	0,21079
CD52	9,51	9,43	9,69	9,84	0,0772976	0,21079
RP1-65J11.5	0,47	1,05	0,54	0,68	0,077356	0,210923
RP11-234B24.2	0,15	0,00	0,13	0,00	0,0774158	0,211035
TMEM147	7,67	7,21	7,23	6,67	0,077416	0,211035
LIN7C	2,84	1,31	2,07	1,23	0,0774604	0,211131
INPP4B	1,43	2,13	0,18	1,40	0,0774757	0,211146
PLCXD3	0,02	0,10	0,01	0,05	0,0774993	0,211183
NYNRIN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0775476	0,211183
PNISR	7,02	6,14	6,63	6,53	0,077562	0,211183
MBOAT1	0,70	0,08	0,62	0,14	0,0775638	0,211183
PFKFB3	3,39	2,99	2,94	2,16	0,077567	0,211183
CSRP2BP	2,14	0,32	1,07	2,47	0,077572	0,211183
CDKL1	2,45	3,46	2,40	3,62	0,0775777	0,211183
KB-1572G7.2	0,99	0,00	1,86	3,42	0,0775779	0,211183
ELOVL1	5,70	4,24	5,41	3,96	0,0775892	0,211183
BIRC6	5,58	3,80	5,09	5,72	0,0775939	0,211183
CHST2	1,52	0,72	2,19	1,40	0,0776029	0,211183
RNY3	0,00	3,08	2,22	1,12	0,0776032	0,211183
PLXNA1	0,09	0,89	0,02	0,01	0,0776172	0,211195
RP11-216B9.7	1,35	0,00	0,00	3,40	0,0776897	0,211366
RN7SL716P	1,39	0,00	0,90	1,00	0,0777059	0,211385
NCOA7	4,56	3,10	4,21	3,43	0,0777504	0,21148
EXOC3L1	0,00	0,00	0,00	0,20	0,0777844	0,211511
OLMALINC	4,23	5,09	3,96	4,69	0,077785	0,211511
ZNF587	2,04	1,60	1,77	1,07	0,0777987	0,211511
FSIP2	2,16	2,33	2,15	2,34	0,0778	0,211511
MCCC2	4,62	2,59	4,10	2,60	0,0778178	0,211534
KDR	0,00	0,06	0,00	0,06	0,0778504	0,211597
MIR1291	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0779079	0,211719
MRPL3	6,22	3,82	5,65	4,32	0,0779146	0,211719

AC139712.4	1,49	0,33	1,44	0,00	0,0779541	0,211801
RP11-247113.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,077979	0,211842
SNRBP2	5,27	4,41	5,37	4,40	0,0780632	0,212045
RP11-1072N2.3	0,00	0,62	0,00	0,93	0,0780785	0,212061
HSP90AB2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0781272	0,212167
AC013472.3	0,19	0,21	0,15	0,30	0,0781448	0,212189
ADAM12	0,00	0,33	0,03	0,09	0,0781566	0,212195
METTL15	2,98	3,08	2,49	2,87	0,0781705	0,212207
WDR49	2,07	0,85	2,72	2,91	0,0781949	0,212247
CTC-241F20.4	2,91	1,52	0,00	0,00	0,0782186	0,212286
FAM168A	3,08	2,00	3,37	3,11	0,0782543	0,212354
RN7SKP266	3,57	0,00	4,88	0,00	0,0782627	0,212354
PITPNM1	2,61	0,39	3,10	3,05	0,078274	0,212358
MBD2	4,23	4,93	4,31	3,51	0,0782847	0,212361
MIR1255B2	3,75	2,73	2,97	0,00	0,0783118	0,212409
SDPR	2,33	0,58	0,59	0,14	0,0783757	0,212557
UBA2	5,24	3,65	4,84	4,16	0,0783938	0,212566
RF00156	0,00	7,15	0,00	0,00	0,078404	0,212566
OR7G2	0,19	0,84	0,20	0,39	0,0784079	0,212566
RP11-484L7.2	5,21	5,47	5,48	4,55	0,0784259	0,21258
TF	1,49	1,44	0,93	1,07	0,0784442	0,21258
MIR600HG	0,00	0,52	0,00	0,00	0,0784487	0,21258
ABCB6	0,00	0,55	0,00	0,04	0,0784598	0,21258
GPR68	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0784608	0,21258
ETS1	1,33	1,49	1,44	2,02	0,0784777	0,2126
RP11-863P13.3	2,85	0,87	2,13	1,07	0,0785161	0,212678
CH17-258A22.4	3,01	0,74	2,09	0,39	0,0785552	0,212738
TMEM262	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0785574	0,212738
DUX4L37	0,22	1,90	0,00	0,00	0,0786185	0,212854
RP5-1171110.4	3,35	1,43	3,01	1,75	0,0786197	0,212854
ZNF280C	0,51	0,06	0,20	0,78	0,0786399	0,212862
HIST3H2A	4,29	0,34	2,54	4,05	0,0786416	0,212862
LINC00624	0,58	1,64	0,20	0,17	0,0786571	0,212878
MLIP	0,00	0,05	0,00	0,08	0,0786947	NA
RP11-901H12.1	0,00	0,00	0,01	0,06	0,0787	0,212951
DPAGT1	5,12	1,76	4,12	2,68	0,0787032	0,212951
CTC-559E9.6	0,66	0,00	0,25	0,74	0,0787916	0,213164
RP11-855A2.2	0,78	0,00	0,63	0,31	0,0788213	0,213219
RP11-863H1.1	1,35	0,37	1,26	2,25	0,0788727	0,213316
RP5-867C24.5	1,39	1,19	0,92	1,88	0,0788765	0,213316
RP11-98F14.10	0,00	0,92	0,00	0,00	0,0789164	0,213398
SAMD9L	5,62	4,68	5,08	5,03	0,0789852	0,213519
FAM49A	5,59	4,93	5,27	4,23	0,0789881	0,213519
YIPF7	0,00	3,16	0,00	0,00	0,0789899	0,213519
PAICS	3,60	5,32	2,49	2,76	0,0790424	0,213591
KIAA1841	2,82	1,77	3,14	2,33	0,0790434	0,213591
RPRD1A	4,03	1,75	3,66	2,30	0,0790455	0,213591
EIF4G3	5,55	2,07	4,63	4,13	0,0790823	0,213664
BTN3A1	4,00	2,95	3,73	4,35	0,0791185	0,213712
ZNF154	0,68	0,61	0,81	0,51	0,0791191	0,213712
RP11-555I4.3	2,60	3,65	2,20	2,64	0,079137	0,21372
DGCR14	1,76	4,63	1,29	1,03	0,0791412	0,21372
OCEL1	4,25	1,28	3,83	5,13	0,0791697	0,213771
RP11-398C13.8	0,53	0,09	0,67	0,78	0,0792056	0,213842
ZNF736	3,61	2,32	1,84	1,39	0,0792456	0,213924

RP11-534P6.1	0,36	0,88	0,60	0,26	0,0792634	0,213933
LUC7L3	7,39	6,88	7,22	7,70	0,0792708	0,213933
SLX1A	5,54	5,67	5,84	6,07	0,0792778	0,213933
TTC30A	0,00	0,00	0,00	0,08	0,0793286	0,21403
CDH2	0,00	0,53	0,00	0,00	0,0793331	0,21403
RP5-899B16.1	0,46	0,24	0,41	0,52	0,0793517	0,214054
RP1-149C7.1	0,16	1,27	0,19	0,79	0,0793716	0,214082
MYLK3	2,07	3,09	2,06	3,01	0,0793965	0,214123
RP11-126K1.6	2,87	1,86	2,07	0,30	0,079426	0,214177
REEP3	2,71	3,59	2,87	2,26	0,0794729	0,214277
RP11-610P19.2	0,44	0,74	0,68	0,39	0,0795108	0,214337
RP11-658F2.2	0,77	2,60	1,08	0,98	0,0795143	0,214337
MTR	2,80	2,93	2,61	1,39	0,0795259	0,214342
SMARCA2	6,91	5,79	6,26	5,87	0,0795756	0,21445
RP11-278A16.1	0,00	0,00	0,17	0,27	0,0795824	NA
ACO02310.12	0,59	0,13	0,77	1,03	0,0796284	0,214566
TMEM63A	2,90	3,41	3,40	2,59	0,0796539	0,214604
EAPP	6,17	3,78	5,48	5,53	0,0796744	0,214604
SRSF8	4,40	5,19	3,33	2,33	0,0796784	0,214604
RP11-38O23.4	0,22	0,38	0,22	0,47	0,079681	0,214604
RP11-467L13.7	0,67	0,65	0,87	0,40	0,0797086	0,214617
C12orf76	3,42	3,91	3,82	3,61	0,0797108	0,214617
GPRC5C	0,59	0,24	2,21	1,08	0,0797149	0,214617
ATP8A1	2,99	2,26	2,01	0,92	0,0797565	0,214703
PAX1	0,00	0,65	0,00	0,00	0,0798045	0,214806
UGT1A7	0,23	0,63	0,19	0,05	0,0798254	0,214836
HEXDC-IT1	1,63	2,22	1,67	2,16	0,0798361	0,214839
CTBP1-AS	0,00	0,15	0,00	0,03	0,0798707	0,214906
RP3-508I15.22	0,00	0,00	0,60	0,56	0,0798973	0,214919
IK	6,25	6,03	5,97	5,00	0,0799066	0,214919
RCCD1	0,44	0,48	0,52	1,50	0,079916	0,214919
CPQ	5,92	5,33	5,27	4,19	0,0799291	0,214919
SARS	6,12	5,11	5,03	3,59	0,0799354	0,214919
SLC26A2	1,69	1,03	0,97	0,57	0,0799422	0,214919
RP11-34P13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,079943	0,214919
PARM1	0,62	0,15	2,10	0,26	0,080007	0,215065
AC079325.6	7,25	6,59	5,84	4,58	0,0800217	0,215078
AC008888.7	0,04	0,30	0,07	0,38	0,0800383	0,215093
PCDHGB8P	0,10	0,23	0,05	0,09	0,0800581	0,215093
TMEM145	1,12	0,00	1,57	2,53	0,0800595	0,215093
NUP210	4,58	4,65	4,43	3,99	0,0800661	0,215093
CH507-254M2.4	0,00	0,99	0,00	0,00	0,0800876	0,215125
LDLRAD1	0,06	0,00	0,07	0,25	0,0801345	0,215225
TRMO	4,97	0,34	4,13	2,34	0,0801601	0,215268
RP11-415J8.3	1,45	1,46	1,25	1,29	0,0802422	0,215462
EXOSC3	3,88	2,13	3,89	3,67	0,080262	0,21549
TICAM1	0,91	0,00	1,25	1,45	0,0803169	0,215583
ASXL2	2,81	3,80	2,48	2,30	0,0803223	0,215583
RP11-411K7.1	0,05	0,96	0,05	0,38	0,0803257	0,215583
SLC35G1	1,17	3,51	1,28	0,81	0,080346	0,215611
MARVELD1	2,73	2,69	3,16	3,38	0,0803904	0,215704
ZBED9	0,08	0,33	0,03	0,21	0,0804037	0,215714
HSF4	0,00	0,00	2,80	0,00	0,0804436	0,215795
CTC-459M5.2	1,17	0,00	0,00	2,58	0,0804675	0,215833
CTD-2369P2.10	0,65	0,40	0,76	0,87	0,0804858	0,215856

AC005086.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0805136	0,215904
PNPLA5	0,04	0,60	0,06	0,14	0,080567	0,216021
UEVLD	1,97	1,41	2,25	1,34	0,0805874	0,21605
CCR2	4,72	3,86	4,89	5,59	0,0806119	0,21609
TSPAN19	1,08	0,53	1,33	1,24	0,0806339	0,216123
AC064846.1	2,18	2,89	2,33	2,46	0,0806755	0,216162
UQCRHL	0,31	0,75	0,38	0,46	0,0806758	0,216162
ZNF587B	0,69	2,56	0,45	0,69	0,0806779	0,216162
AC093381.2	0,00	0,57	0,00	0,00	0,0807251	NA
ALG10	0,00	0,00	0,02	0,00	0,0807276	0,216269
MYBL1	0,10	1,86	0,01	2,26	0,0807777	0,216377
OR2A42	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0808	0,216408
EIF3C	7,55	7,35	7,71	7,40	0,0808085	0,216408
PAIP2B	0,61	0,06	0,43	0,62	0,0808985	0,216623
GET4	3,99	3,63	4,83	4,19	0,080913	0,216635
METTL23	5,86	6,58	4,96	5,31	0,0809286	0,216651
HPS1	6,22	6,38	5,92	5,36	0,0809565	0,216666
ABC14-118882207.1	0,00	1,18	0,04	0,32	0,0809636	0,216666
ATP1A10S	0,19	0,00	0,23	0,00	0,080967	0,216666
CTD-2510F5.4	0,60	1,33	0,28	1,24	0,0809731	0,216666
C2-AS1	0,48	0,25	0,26	0,00	0,0809916	0,216689
UBA5	3,89	0,63	3,17	1,80	0,081047	0,216811
RP11-29A19.2	0,00	0,00	0,05	0,11	0,0810717	NA
APOBEC3B	0,00	0,13	0,14	0,11	0,0810984	0,216923
SPATA4	0,44	1,27	0,69	0,97	0,0811602	0,217062
AC022819.3	0,20	0,62	0,18	0,23	0,0812384	0,217236
H2AFY2	0,20	0,00	0,88	0,48	0,0812447	0,217236
DLD	5,00	3,20	4,72	4,02	0,0812768	0,217296
PPM1E	0,00	1,12	0,00	0,00	0,0812897	0,217304
KLHDC1	0,26	0,00	0,59	1,04	0,0813049	0,217318
SNX12	3,05	0,67	3,81	2,72	0,0813145	0,217318
RP11-744K17.9	0,00	0,20	0,00	0,00	0,0813327	0,21734
AGO3	3,89	2,26	3,09	3,14	0,0813426	0,217341
RPL13AP5	1,76	2,00	1,62	2,12	0,0813812	0,217418
BLCAP	5,72	5,95	5,11	4,01	0,0813986	0,217438
TMEM110	1,18	2,92	1,53	3,42	0,0814293	0,217494
TSPAN10	0,91	1,20	1,11	1,49	0,0814793	0,217601
DPYD	4,11	3,60	4,79	4,32	0,0814985	0,217614
LIMCH1	2,23	0,04	1,02	0,37	0,0815038	0,217614
FIP1L1	4,91	5,64	4,37	4,13	0,0815552	0,217725
AC002398.5	0,00	0,16	0,00	0,00	0,0816032	0,217827
PTPRN	0,00	0,03	0,03	0,03	0,0816563	0,217943
AC004063.1	0,00	0,37	0,26	0,34	0,0816704	NA
RF00019	10,35	11,06	10,31	10,17	0,0816798	0,21798
TRIM13	4,61	2,11	3,68	3,72	0,081698	0,217991
RP11-100L22.3	0,00	0,55	0,55	1,01	0,0817126	0,217991
DAW1	0,17	0,00	0,33	0,05	0,0817229	0,217991
APIP	5,12	3,46	4,28	2,03	0,0817232	0,217991
ZNF790	1,16	3,99	0,39	0,91	0,0817524	0,218042
ABCA1	0,89	0,00	1,16	1,30	0,0818309	0,218226
GCLC	4,52	4,88	3,50	2,51	0,081844	0,218234
ARL9	0,26	0,23	0,28	0,15	0,0818724	0,218284
C19orf76	0,00	0,00	0,31	0,00	0,0818937	0,218315
PTK7	1,15	1,10	1,14	1,46	0,0819534	0,218447
ANKS1B	1,54	2,07	2,36	2,59	0,0819867	0,21851

C20orf166	0,00	0,00	0,00	0,11	0,0819885	NA
RP11-628J14.1	0,41	0,63	0,55	0,50	0,0820076	0,218529
SLC19A1	1,63	2,33	2,49	3,07	0,0820136	0,218529
SRGAP3	2,94	1,98	3,30	2,04	0,0820541	0,218611
FIGNL1	0,16	1,83	0,00	0,11	0,0820647	0,218613
LINC00582	3,34	3,70	2,90	3,39	0,0820996	0,21868
TLE1	0,07	4,65	0,25	0,49	0,0821429	0,218769
SMARCD2	3,49	4,00	4,08	1,90	0,0821824	0,218848
RP11-174G6.1	0,58	2,05	1,00	0,48	0,0822231	0,21893
IGKV1-39	0,00	2,66	0,00	1,27	0,0822676	0,218989
TPR	5,71	5,18	5,28	4,25	0,0822742	0,218989
RAB40A	0,00	0,13	0,00	0,00	0,0822747	0,218989
RP11-553K8.3	2,37	0,00	0,71	2,31	0,0823024	0,219036
NPIP11	2,49	1,48	1,87	1,39	0,0823504	0,219116
GLT25D1	5,63	6,29	5,88	5,96	0,082352	0,219116
RP11-303E16.2	0,38	0,00	0,20	0,36	0,0823769	0,219156
IFI44L	6,75	1,03	5,59	4,55	0,0823959	0,219175
SNTG1	0,91	2,29	0,88	1,31	0,082404	0,219175
RP11-461F11.2	0,27	0,41	0,26	0,44	0,0824531	0,219233
E2F6	1,01	0,18	1,58	1,91	0,0824617	0,219233
LONP2	4,43	4,62	3,98	2,34	0,0824649	0,219233
PSEN1	5,24	5,77	4,85	4,53	0,082465	0,219233
RP11-119F19.5	0,11	0,00	0,00	0,32	0,0824989	0,219297
ZNF180	1,91	3,00	1,44	1,84	0,0825167	0,219318
OR4N2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0825283	0,219322
AC007326.11	4,06	4,71	4,24	3,28	0,0825847	0,219446
GPHN	2,77	0,75	1,87	1,20	0,082602	0,219466
SLFN5	1,45	0,93	1,66	2,13	0,0826317	0,219518
CTB-46B19.2	1,28	3,15	2,63	3,57	0,0826544	0,219552
PIGG	4,40	3,74	4,81	4,87	0,0826654	0,219555
REPS1	4,82	1,60	4,39	2,80	0,0826937	0,219604
RP5-887A10.1	0,00	0,45	0,00	0,00	0,0827088	NA
OLIG2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,0827285	NA
RP11-658F2.8	5,07	4,61	4,36	4,06	0,0827334	0,219652
TXNDC16	2,21	0,77	2,15	3,20	0,082735	0,219652
TM7SF3	5,22	2,39	4,09	5,27	0,0827414	0,219652
STAG3	2,43	0,18	1,18	0,64	0,0827788	0,219725
BMP8B	0,36	0,85	0,39	0,82	0,0827953	0,219743
RP11-99P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0828181	NA
RPL9	10,15	10,58	10,19	10,49	0,0828672	0,219907
HECA	3,67	4,49	3,38	3,36	0,0829387	0,220041
FILIP1L	2,95	0,76	2,23	0,63	0,0829523	0,220041
NEO1	0,00	0,03	0,00	0,81	0,0829624	0,220041
C17orf101	3,60	1,17	4,08	3,67	0,0829714	0,220041
TOR1AIP1	4,67	4,80	3,90	4,41	0,0829741	0,220041
RP11-462G2.1	0,00	0,62	0,00	0,00	0,0829768	NA
RP11-131M11.4	0,94	1,00	0,94	1,28	0,0829817	0,220041
CD40LG	0,06	0,00	0,10	0,31	0,0830042	0,220041
RPL7AP64	0,00	0,30	0,00	1,15	0,0830046	0,220041
RP11-626G11.3	3,96	3,89	3,65	1,06	0,0830109	0,220041
LGALS2	8,16	8,70	8,70	8,36	0,0830168	0,220041
RCOR3	4,49	2,94	4,90	3,21	0,0830888	0,220206
C8orf34	1,36	0,22	1,18	0,40	0,0831132	0,220245
RP11-408A13.4	0,00	0,13	0,00	0,00	0,0831606	0,220259
KIAA1370	4,27	2,00	3,13	2,40	0,0831613	0,220259

CNTN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0831617	0,220259
THOC5	2,78	1,59	3,31	2,24	0,0831641	0,220259
EXPH5	0,36	0,22	0,40	0,18	0,0831682	0,220259
RP11-406O16.1	0,00	0,00	0,00	0,25	0,0832059	NA
CUTC	5,36	0,67	5,45	1,86	0,083261	0,220478
RUNX3	4,06	3,41	4,15	3,11	0,0832855	0,220517
C8orf77	0,06	0,12	0,14	0,08	0,0833201	0,220561
RP1-261D10.1	0,83	3,95	0,71	0,00	0,0833256	0,220561
RP11-322M19.1	5,36	4,00	4,74	2,70	0,0833344	0,220561
AP001469.7	0,45	0,58	0,00	1,53	0,0833416	0,220561
RP3-403L10.3	0,00	0,00	1,53	0,00	0,0833864	0,220653
G0S2	3,47	5,41	4,75	0,47	0,0834072	0,220682
RP11-156E8.1	1,19	0,59	1,36	0,97	0,0834417	0,220747
CCDC112	3,65	2,31	3,91	2,13	0,0834991	0,220872
RPS2P46	0,99	1,30	0,97	0,68	0,083515	0,220888
AC116035.1	0,72	0,00	0,48	1,49	0,0835821	0,221039
RP11-216B9.6	0,57	0,00	0,69	2,44	0,0836879	0,221292
MRPS11	5,61	5,65	6,14	5,61	0,0836975	0,221292
RP11-523O18.7	1,07	0,36	0,73	0,00	0,0837155	0,221313
RP11-725D20.1	0,00	0,65	0,36	0,74	0,0837613	0,221408
SETDB2	4,79	3,22	4,46	2,95	0,083797	0,221476
CTC-444N24.6	0,00	1,89	0,00	0,00	0,0838311	0,221539
AP001476.2	0,00	0,31	0,07	0,07	0,083905	0,221708
RP11-510C10.4	0,11	0,18	0,00	0,80	0,0839208	0,221724
KMT2D	1,30	2,25	3,23	4,14	0,0839646	0,221813
CTC-204F22.1	0,60	0,12	0,59	0,38	0,083994	0,221853
RP11-70F11.6	1,04	2,13	1,55	1,53	0,0839999	0,221853
ZNF561	3,74	1,20	2,93	1,62	0,0840156	0,221869
CISH	0,00	0,19	0,12	2,30	0,0840268	0,221872
AKAP7	2,07	0,46	1,35	0,96	0,0840377	0,221874
RP11-794P6.1	0,04	0,06	0,16	0,29	0,084083	0,221967
FANK1	0,59	0,49	0,25	0,08	0,0841649	0,222157
SLC12A4	0,86	2,69	0,61	2,48	0,0841991	0,222221
CYLD	5,60	6,27	5,10	4,68	0,084212	0,222229
MARCH5	4,04	3,07	3,23	2,36	0,0842603	0,22233
HIST1H4E	2,93	0,10	0,64	0,85	0,0842992	0,222406
MKL2	1,86	1,63	2,31	2,54	0,0843382	0,222483
AGBL3	0,33	0,00	0,06	0,06	0,0843537	0,222497
RN7SL491P	0,00	0,00	0,00	0,91	0,0843755	0,222528
LARP4	3,92	3,53	3,53	2,78	0,08443	0,222645
AC007952.5	0,05	0,57	0,08	0,20	0,0845633	0,222938
HMGB3	2,60	0,69	2,22	1,36	0,0845673	0,222938
RN7SL40P	0,91	1,25	1,06	1,24	0,0845771	0,222938
COLEC12	0,89	2,69	1,53	2,03	0,0845809	0,222938
SPATA5L1	3,90	1,16	3,66	1,83	0,084609	0,222985
RNU6-60P	1,54	0,00	0,00	3,07	0,0846392	0,223039
ZNF677	2,99	1,38	2,05	2,29	0,0846501	0,223041
CHUK	3,57	1,93	2,43	1,38	0,0846934	0,223128
GS1-57L11.1	0,00	2,68	0,00	0,00	0,0847333	0,223207
FLII	7,53	7,85	7,58	7,53	0,0848804	0,223568
RP11-314O13.1	0,00	0,99	0,00	0,00	0,0848914	NA
ZDHHHC23	0,00	0,00	0,01	0,00	0,0849508	0,223714
ZNF792	0,03	0,00	0,00	0,00	0,0849559	0,223714
KEL	0,29	0,94	0,31	0,27	0,0849771	0,223743
RFX1	1,05	2,99	2,94	3,78	0,0850601	0,223935

NOTCH2	5,25	3,25	5,04	5,06	0,0850761	0,223951
DPY30	6,24	5,21	5,73	4,70	0,0850966	0,22396
LOXL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0850998	0,22396
CENPW	2,69	0,39	2,87	0,00	0,0851433	0,224048
ZNF594	0,37	0,06	0,07	0,23	0,0851767	0,224075
RP11-544A12.8	1,18	0,39	1,08	1,02	0,0851833	0,224075
SDCBP	7,00	5,97	6,62	7,19	0,085184	0,224075
MYOF	4,97	3,12	4,89	4,01	0,0852174	0,224137
RP11-90L1.8	0,97	1,55	1,12	1,46	0,0852748	0,224237
SNX15	2,10	1,36	1,90	0,67	0,0852836	0,224237
SGK494	0,90	0,81	1,44	2,38	0,0852935	0,224237
COA1	5,55	4,63	5,06	4,13	0,0853128	0,224237
FAM26E	0,00	0,31	0,00	0,00	0,0853136	0,224237
ZNF350	4,39	5,94	4,45	2,66	0,0853177	0,224237
JOSD1	3,83	1,73	3,94	2,76	0,0853259	0,224237
RP11-498P14.5	0,45	0,00	0,97	1,71	0,085344	0,224258
RP11-1094M14.11	3,26	1,64	3,82	2,15	0,0853816	0,22433
CMTM7	6,60	6,36	6,69	6,98	0,085399	0,224333
CTD-2540B15.13	0,00	0,00	0,00	0,70	0,085403	0,224333
SLC35B1	5,78	5,71	5,22	4,97	0,0854407	0,224405
GLT1D1	0,00	0,10	0,02	1,14	0,0854872	0,224484
TCEANC2	2,06	2,11	1,57	1,12	0,0854908	0,224484
JSRP1	0,35	0,40	0,22	0,00	0,0855132	0,224516
AC008280.2	0,00	0,00	0,00	0,44	0,0855136	NA
CELF5	0,83	1,02	1,15	0,42	0,0855334	0,224526
RP11-930O11.2	0,00	0,40	0,00	3,97	0,0855372	0,224526
OVCH1	0,00	0,38	0,00	0,03	0,0855639	0,22457
RNU6-1188P	4,42	0,00	0,00	0,00	0,0856074	0,224657
CTD-2369P2.12	2,92	3,69	3,15	3,21	0,0856238	0,224674
CTC-463A16.1	0,20	0,16	0,10	0,14	0,0856407	0,224692
AC074008.4	0,13	0,32	0,06	0,00	0,0856722	0,224748
RP11-374P20.5	0,36	0,42	0,58	2,21	0,0857361	0,224889
RP11-36C20.1	0,00	0,00	0,28	0,31	0,0857388	NA
SMIM22	0,14	1,73	0,58	1,95	0,0857522	0,224905
RP5-1198O20.4	1,99	2,64	2,22	3,18	0,0857788	0,224947
AP000688.14	0,05	0,14	0,03	0,00	0,0857886	0,224947
ZNF699	0,81	0,00	0,10	0,68	0,0858116	0,224981
RP11-97O12.5	1,97	0,03	2,74	3,15	0,0858363	0,225019
NFIC	1,35	2,80	2,28	2,33	0,0858552	0,225042
PMS2L4	2,63	1,74	0,64	0,84	0,0858827	0,225088
RP11-442O1.4	0,52	1,09	0,72	0,12	0,0859257	0,225129
RNU6-1016P	0,00	0,00	3,94	3,28	0,0859385	0,225129
RP11-378A13.2	0,00	0,00	0,00	1,07	0,0859452	NA
RP11-974F13.5	1,74	0,82	2,27	0,80	0,0859483	0,225129
RP11-597G23.1	0,20	0,27	0,36	0,67	0,0859536	0,225129
IRF1	5,31	5,29	5,36	5,40	0,0859551	0,225129
PPFIBP1	0,92	2,85	0,70	1,37	0,0859592	0,225129
MRPL15	6,49	2,06	5,49	3,04	0,0860611	0,225369
INSL4	0,18	0,22	0,07	1,61	0,0860807	0,225394
FENDRR	0,12	0,44	0,02	0,06	0,0861362	0,225493
RP11-359E3.4	0,07	0,10	0,11	0,18	0,0861387	0,225493
RP11-254B13.3	4,19	0,49	0,49	0,00	0,0862199	0,225679
RP11-332J15.4	0,00	0,00	0,54	0,00	0,086261	0,22576
SPPL2B	1,56	3,04	2,34	1,44	0,0862989	0,225778
RP11-307C12.12	0,00	2,50	0,90	0,87	0,0862997	0,225778

EMBP1	0,91	1,92	0,00	0,00	0,0863007	0,225778
CD19	0,00	4,69	0,13	0,00	0,0863087	0,225778
PCYT1B	0,03	0,02	0,05	0,05	0,0863191	0,225779
RP11-1012A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0863632	0,225845
RP11-455F5.4	0,65	1,29	0,67	0,31	0,0863648	0,225845
RP11-395114.2	1,81	1,35	0,97	1,27	0,0863848	0,225871
MTMR12	3,35	4,19	3,20	4,51	0,0864005	0,225885
SAMD1	1,02	0,67	2,11	2,03	0,0864257	0,225925
ZC3HAV1L	0,26	0,12	0,41	0,32	0,0864542	0,225973
MBOAT7	5,32	5,23	5,62	5,58	0,086472	0,225993
AC098820.3	3,74	4,86	2,74	1,90	0,0864874	0,225993
ZAP70	0,06	1,59	0,19	3,73	0,0864927	0,225993
AC004744.3	0,74	0,80	0,00	0,00	0,0865026	0,225993
RP11-662M24.1	0,10	0,00	0,09	0,09	0,0865327	0,226045
RP11-509J21.1	0,96	2,30	0,70	3,71	0,0865503	0,226064
RPL13A	11,31	11,38	11,22	11,03	0,0865951	0,226155
RP11-212I21.4	0,59	0,22	0,41	1,71	0,086612	0,226172
HNRNPDL	7,88	7,11	7,57	6,94	0,0866294	0,226191
FHL1	0,06	0,47	0,07	0,93	0,0866632	0,226232
HDAC7	1,86	2,65	2,94	3,17	0,0866662	0,226232
OIP5-AS1	4,28	4,87	3,71	5,00	0,0866757	0,226232
SUSD6	4,79	2,76	4,49	4,62	0,0867065	0,226265
SERPINB8	4,37	1,43	4,27	4,58	0,0867086	0,226265
POLRMT	3,07	2,55	3,32	3,78	0,0867481	0,226341
KB-1732A1.1	0,11	1,49	0,27	0,00	0,0867622	0,226352
RP11-666A20.4	1,92	1,10	1,22	2,16	0,0867918	0,226402
REXO2	4,45	2,39	3,86	1,95	0,0868052	0,226411
RNF103	2,42	0,93	2,81	0,45	0,0868602	0,226528
KCNK12	0,00	0,29	0,00	0,00	0,0868785	0,226549
TRAPPC4	6,09	5,18	4,91	4,37	0,0869327	0,226647
AC113188.2	0,28	0,00	0,36	0,69	0,0869364	0,226647
PGC	0,00	0,75	0,00	0,00	0,0870091	0,22681
RP5-1073O3.7	1,93	1,67	3,16	2,77	0,0870345	0,226849
RP5-991C6.4	0,57	0,00	0,00	1,32	0,0870497	0,226858
C12orf10	5,97	6,92	5,70	6,08	0,0870702	0,226858
AC000403.4	1,07	0,14	0,61	0,15	0,0870747	0,226858
TSPAN6	0,25	0,12	0,21	0,19	0,0870788	0,226858
DOC2B	0,11	0,25	0,13	0,30	0,0871626	0,22705
DPPA4	1,01	1,49	1,01	0,98	0,087217	0,227165
AC017006.2	0,94	0,00	1,00	0,00	0,0872458	0,227213
HEATR3	2,44	0,91	2,88	3,81	0,087264	0,227234
RNU6-1026P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0873054	0,227315
C5orf45	3,58	5,17	4,27	3,47	0,0873213	0,22733
RABGAP1L	6,00	4,86	5,72	6,06	0,0873511	0,227369
RP11-848P1.3	0,93	1,76	1,98	0,59	0,0873668	0,227369
AC097382.5	1,16	1,52	0,98	0,95	0,0873771	0,227369
RP11-338K17.5	0,00	0,68	0,00	0,26	0,0873774	0,227369
OR2I1P	0,03	0,22	0,00	0,00	0,0874006	0,227403
BEX4	5,41	2,73	5,01	3,45	0,0874206	0,227429
PPRC1	3,75	1,44	4,19	4,37	0,0874643	0,227513
SURF1	5,64	5,59	5,88	6,34	0,0874736	0,227513
RP11-231E6.1	0,74	1,13	1,38	1,05	0,0876624	0,227956
DNAJC27	2,15	0,28	1,49	1,66	0,0876684	0,227956
AC011526.1	0,13	0,08	0,33	0,57	0,0876744	0,227956
HHLA1	0,33	1,05	0,30	0,76	0,0877682	0,228173

RP11-567M16.6	0,16	0,59	0,37	1,18	0,0878047	0,228241
WDFY1	4,11	4,82	4,33	5,46	0,0878612	0,228361
TMEM117	0,00	1,38	0,00	0,00	0,0878973	0,228428
CECR5	4,28	5,39	4,66	3,96	0,0879704	0,228589
CSRNP1	4,00	4,96	4,46	4,19	0,0879799	0,228589
RP11-158K1.3	1,65	0,74	1,17	0,92	0,0880061	0,228617
ATP6V0E1	8,46	7,35	7,92	7,61	0,088011	0,228617
C14orf37	0,18	0,14	0,59	0,91	0,0880562	0,228684
FBF1	0,14	0,00	0,26	0,00	0,0880587	0,228684
RPL21P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0880756	0,228684
ZNF660	0,37	1,18	0,30	0,25	0,088079	0,228684
CD300LB	4,40	4,55	4,40	2,87	0,0880885	0,228684
DTX2P1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,0880952	NA
MXRA7	0,46	0,43	0,66	0,94	0,0881644	0,228855
RP11-6O2.2	0,40	0,58	0,24	0,28	0,088185	0,228862
SEPHS1	3,31	0,86	2,44	1,35	0,0882037	0,228862
PGBD2	2,12	3,72	1,93	1,58	0,088207	0,228862
NDRG4	0,44	0,88	1,09	0,35	0,0882086	0,228862
LGALS4	0,04	0,58	0,26	1,23	0,0882579	0,228964
RP11-693M3.1	0,99	0,09	0,25	0,11	0,0883456	0,229142
U52112.12	0,19	1,05	0,49	0,32	0,0883473	0,229142
RP11-197N18.2	0,00	0,00	0,00	0,03	0,0883605	0,22915
RWDD2A	0,04	0,04	0,00	0,13	0,0884022	0,229212
SH3GL1	3,05	2,23	3,27	3,10	0,088405	0,229212
TMEM254	3,89	2,95	2,36	0,23	0,0884332	0,229258
RP11-415I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0884454	0,229263
AP003774.1	0,00	0,00	0,43	0,00	0,08847	0,229268
RP11-114G11.3	0,00	0,47	0,00	0,16	0,0884758	0,229268
DYNLT1	7,32	6,00	7,17	6,93	0,0884828	0,229268
MEN1	0,68	0,24	1,34	1,01	0,0884888	0,229268
RP11-98O2.1	0,21	0,00	0,09	0,61	0,088534	0,229359
TEN1	5,81	2,93	5,40	5,90	0,0885462	0,229364
RP11-359E19.2	0,00	0,44	0,00	0,00	0,0886649	NA
SLC35F6	4,14	1,82	3,37	1,64	0,088706	0,229751
PLOD2	0,29	0,99	0,12	0,30	0,0887203	0,229761
COG4	4,54	5,82	4,64	4,57	0,0887434	0,229791
IFNAR1	4,51	4,25	4,12	3,58	0,0887525	0,229791
RN7SL149P	0,74	1,42	1,11	0,00	0,0887842	0,229812
TMEM173	4,88	3,66	5,09	4,45	0,0887867	0,229812
RP11-365P13.4	2,85	1,37	3,79	2,92	0,0887994	0,229812
SIGLEC1	3,23	0,30	4,35	4,79	0,0888022	0,229812
MFSD3	0,78	0,10	1,57	0,17	0,0888202	0,229832
MT-TI	3,31	5,05	0,81	3,65	0,0888333	0,229839
MPZL1	3,94	4,16	3,58	2,00	0,088867	0,2299
SORBS1	0,13	0,46	0,16	1,91	0,0889019	0,229963
SDE2	2,28	3,55	2,49	0,90	0,0889204	0,22998
RP13-516M14.8	0,29	1,21	1,39	0,86	0,0889291	0,22998
SLC25A45	3,93	3,75	3,14	3,65	0,0889665	0,23005
RP11-127I20.8	0,25	0,00	0,69	0,23	0,0889834	0,230067
OR6M1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0889954	0,230071
AKR1B15	1,55	1,91	0,99	0,67	0,0890437	0,230164
RP11-472N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0890519	0,230164
RP11-289H16.1	1,43	0,00	0,69	0,04	0,0890903	0,230236
CTSK	2,57	1,40	0,96	2,21	0,089119	0,230284
RN7SL398P	2,23	1,00	3,49	3,16	0,0891337	0,230295

YIPF5	4,01	1,12	3,36	3,19	0,0891467	0,230302
RP11-386I14.4	7,27	7,17	7,51	7,37	0,0891594	0,230308
ZNF644	4,70	3,20	4,86	3,59	0,0891962	0,230376
SFPQ	8,08	7,96	7,87	8,09	0,0892068	0,230377
RP3-355L5.4	0,00	0,38	0,25	0,77	0,0892316	0,230414
PIK3CG	4,29	3,21	3,50	2,64	0,0892455	0,230423
HIST2H3D	4,10	0,00	0,00	0,00	0,0892617	0,230438
RP11-405M12.4	2,76	4,20	1,38	0,75	0,0893027	0,230517
MECR	4,35	1,90	2,85	3,92	0,0893337	0,23057
RABGAP1	3,37	5,06	3,48	4,15	0,0893706	0,230639
RNU1-134P	0,00	4,33	1,39	2,26	0,0893939	0,230672
XXbac-BPG55C20.5	2,61	0,54	0,55	0,82	0,0894114	0,23069
MIR1273H	4,34	1,71	4,82	3,01	0,0894267	0,230703
RP1-12G14.3	0,00	2,33	0,50	0,53	0,0894923	0,230846
RP11-212P7.1	0,00	0,00	0,44	0,00	0,0895072	NA
RP11-1018J11.2	0,17	0,30	0,15	0,09	0,0895174	0,230884
PHF10	4,78	3,28	4,54	5,66	0,0895325	0,230896
TSEN54	4,99	6,34	4,15	2,99	0,0895672	0,230959
OR6C6	0,00	0,10	0,08	0,09	0,0896742	NA
PFKL	4,93	3,83	5,45	5,43	0,0896849	0,231235
P3H2	1,29	2,38	1,20	1,16	0,0896988	0,231244
CTD-2124B8.2	0,00	0,00	0,00	0,32	0,0897181	NA
LYRM7	2,06	1,50	2,24	2,03	0,0897649	0,231388
RFXAP	2,59	2,52	0,37	0,39	0,0897919	0,23143
SLC2A4RG	0,20	0,72	1,74	1,87	0,0898333	0,231488
RP11-293G6.1	0,46	0,31	0,71	0,31	0,0898349	0,231488
RP11-126K1.8	1,56	2,64	2,99	4,45	0,0898764	0,231568
SCN2B	0,06	0,27	0,11	0,13	0,0899011	0,231604
RP11-271F18.4	0,00	0,37	0,27	0,16	0,0899149	0,231613
SYT15	2,08	2,04	2,27	2,47	0,0899333	0,231634
RP5-1056L3.3	1,13	0,00	3,06	0,00	0,0899684	0,231689
SLC34A2	1,79	1,92	2,58	2,33	0,0899754	0,231689
TAF6	2,62	0,61	1,89	2,53	0,0899881	0,231694
GNPTAB	4,40	5,78	4,74	4,77	0,0899983	0,231694
STON1	0,09	0,02	0,23	0,08	0,0900121	0,231702
CYP2W1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,0900294	0,231715
RIN2	3,53	3,71	3,78	3,78	0,0900384	0,231715
EHD2	0,06	0,33	0,06	0,16	0,0900525	0,231715
RP1-274L7.4	0,38	0,94	0,43	0,53	0,0900587	0,231715
C21orf62-AS1	0,15	0,07	0,34	0,62	0,090078	0,231736
CBLL1	4,16	2,57	3,05	2,17	0,0900877	0,231736
RP11-322M19.2	1,09	0,13	1,31	1,05	0,0901081	0,231759
BAG4	3,83	3,70	2,90	2,38	0,0901176	0,231759
ZNF844	0,66	0,99	0,89	1,18	0,0901561	0,231809
SUMO4	2,55	0,00	0,50	0,13	0,0901797	0,231809
EDEM2	5,34	0,81	4,02	2,92	0,0901827	0,231809
SLC12A6	3,86	2,14	3,65	2,22	0,0901899	0,231809
WASHC2A	3,66	4,15	3,75	4,18	0,0901925	0,231809
RP11-98J23.1	0,39	0,04	0,24	0,03	0,0902024	0,231809
RP11-361H10.5	0,66	1,93	0,99	0,43	0,0902101	0,231809
SLC38A10	4,16	3,80	4,45	4,55	0,0902329	0,231841
BRWD1	5,00	3,13	4,54	5,50	0,0902831	0,231943
PPP2R5D	0,39	0,16	0,32	1,66	0,0902956	0,231949
OR2A25	0,00	0,66	0,00	0,12	0,0903111	0,231962
PPM1B	4,54	5,37	4,56	2,94	0,0903452	0,232023

FAM200A	0,72	0,06	0,10	0,85	0,0905305	0,232471
INTS9	3,69	4,24	2,92	4,28	0,0905606	0,232498
AC046143.7	1,10	0,71	0,73	1,28	0,0905617	0,232498
SPECC1L	2,73	0,71	2,17	2,82	0,0905847	0,23253
KCNK6	4,48	4,95	4,40	3,66	0,0906276	0,232613
C7orf26	1,92	1,85	2,18	2,83	0,0907121	0,232803
GANAB	1,88	1,24	2,09	2,79	0,0907356	0,232827
AF131216.5	1,08	0,62	0,51	0,88	0,0907424	0,232827
RF00409	4,85	1,61	3,34	4,28	0,0907691	0,232852
RELB	3,62	5,15	4,08	3,81	0,0907807	0,232852
LCN15	0,67	0,10	0,18	0,89	0,0907836	0,232852
ARL4D	0,11	0,17	0,00	0,00	0,0908508	0,232998
ACO10883.5	2,47	4,20	1,00	0,59	0,0908825	0,233052
RP11-367G18.1	0,43	0,00	0,00	0,48	0,0908875	NA
FBXO42	3,00	1,95	2,39	2,28	0,0909166	0,233082
RP11-1D12.1	0,00	0,00	0,10	0,00	0,0909247	0,233082
RP11-34P13.15	1,21	2,78	2,38	2,11	0,0909254	0,233082
NSDHL	3,73	0,31	1,43	2,40	0,0909972	0,233239
RP11-446N19.1	3,40	0,00	1,54	0,55	0,0910116	0,233249
SLC25A3	9,66	9,19	9,42	8,72	0,0910803	0,233398
AC144530.1	1,50	1,29	1,05	1,03	0,0911275	0,233492
C10orf110	0,24	0,00	0,29	0,17	0,0911194	0,233635
COQ4	5,17	6,49	4,49	2,88	0,0912083	0,233645
OR13K1P	0,12	1,30	0,00	0,13	0,0912711	0,233779
FBXL5	5,70	5,41	5,18	5,36	0,0913115	0,233855
RP13-516M14.2	0,06	0,39	0,09	0,28	0,091323	0,233858
NGLY1	5,32	4,11	4,73	4,06	0,0913475	0,233878
LINC00344	0,00	0,24	0,00	0,00	0,0913518	0,233878
RFPL1-AS1	0,16	1,09	0,46	0,33	0,0914604	0,234077
RP11-574K11.27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0914612	0,234077
LST1	9,49	9,27	9,24	9,39	0,0914613	0,234077
HCFC1R1	4,33	1,57	4,58	4,48	0,0914899	0,234099
CTD-2571L23.8	0,76	1,23	0,33	0,68	0,0914907	0,234099
KB-1507C5.2	1,72	1,07	2,79	0,93	0,0915392	0,234187
CCDC115	5,20	2,20	3,66	3,34	0,0915462	0,234187
USHBP1	0,26	0,84	0,28	0,33	0,091558	0,23419
TBC1D32	3,96	2,95	3,26	2,83	0,0916279	0,234342
RP11-166O4.3	4,27	1,52	3,02	0,83	0,0916664	0,234413
DPP8	4,95	4,27	4,31	5,50	0,0916848	0,234427
EIF3CL	3,33	3,58	2,43	0,00	0,0916928	0,234427
RP11-484D2.4	3,37	4,87	4,06	2,52	0,0917493	0,234544
RBP7	0,00	0,65	0,00	1,26	0,0918096	0,234672
CLN3	5,93	6,27	6,12	5,83	0,0918299	0,234696
RP11-571F15.3	0,00	0,00	0,00	0,24	0,0919372	0,234928
RP4-565E6.1	1,08	2,10	1,37	1,68	0,0919416	0,234928
RP11-392A14.8	0,00	0,09	0,00	0,00	0,0919778	0,234971
GGNBP2	6,35	5,21	5,76	5,24	0,0919803	0,234971
ZFYVE21	3,30	1,94	0,93	0,81	0,0919901	0,234971
RP11-514P8.10	2,92	4,25	3,30	3,79	0,0920654	0,235097
F8A3	0,00	2,93	0,00	0,00	0,0920772	0,235097
CACUL1	6,27	6,18	6,33	4,39	0,0920863	0,235097
RP11-70L8.5	2,34	2,23	3,07	3,49	0,0920876	0,235097
EIF4A1	9,76	9,04	9,39	8,99	0,0920925	0,235097
AQR	4,34	2,75	3,88	3,11	0,0921033	0,235098
CHKB	6,42	6,28	6,68	6,86	0,0921555	0,235204

RP11-202G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0921617	NA
SUPT4H1	6,62	5,18	6,32	5,79	0,0922123	0,235307
ZNF524	2,91	5,42	4,32	3,90	0,0922252	0,235307
RP11-318G8.4	0,00	0,00	0,19	0,28	0,0922277	0,235307
OR6U2P	0,06	0,36	0,17	0,26	0,0922577	0,235357
CTDSP2	4,02	2,88	4,25	5,31	0,0922701	0,235361
PARP10	1,72	1,49	2,45	3,03	0,0922919	0,235383
RP11-65F13.1	0,45	0,22	0,31	0,20	0,0922998	0,235383
CCT6A	7,19	5,50	6,68	6,27	0,0923985	0,235608
METTL9	5,32	3,95	5,81	5,93	0,0924638	0,235713
MGEA5	6,86	6,50	6,13	6,02	0,0924711	0,235713
RP11-293M10.6	0,08	0,59	0,11	0,07	0,0924717	0,235713
CFAP61	0,00	3,21	0,00	0,00	0,0924969	0,235751
CTNND1	5,65	3,94	4,67	5,19	0,0925507	0,235844
RP4-773A18.8	1,09	0,61	0,99	0,77	0,0925549	0,235844
RP11-426C22.1	2,30	0,24	2,49	0,87	0,0925668	0,235848
RP11-258C19.5	2,46	3,01	2,20	2,94	0,0926542	0,236025
CORO1A	7,45	8,08	7,89	7,17	0,0926577	0,236025
F5	0,00	0,00	0,02	2,26	0,0926766	0,236046
RP11-358B23.6	0,07	2,41	0,62	0,53	0,0926961	0,236069
RP11-463I10.2	4,12	2,58	1,80	4,16	0,0927741	0,23624
DPM1	5,69	2,07	5,37	3,72	0,092794	0,236253
RP11-404E6.1	0,00	4,56	0,00	0,00	0,0928003	0,236253
RIN3	5,64	4,46	5,05	5,00	0,0928571	0,23637
NSUN5P2	2,62	3,09	2,99	3,51	0,0928832	0,23641
TRIM25	4,26	4,26	4,36	5,00	0,0929096	0,236433
RN7SL697P	0,00	0,00	1,19	1,97	0,0929137	0,236433
EPS15L2	0,23	0,14	0,09	0,68	0,0929457	0,236437
SLC22A4	0,00	0,53	1,16	2,62	0,0929564	0,236437
RP11-44K6.3	0,00	1,30	0,93	1,06	0,0929592	0,236437
FAM160B1	2,54	1,64	3,27	1,86	0,0929669	0,236437
IRF2	4,94	4,15	4,35	4,53	0,0929831	0,236437
HAUS2	3,55	3,70	3,54	1,70	0,0929864	0,236437
ADAMTS17	0,06	1,09	0,04	0,09	0,0929996	0,236437
SNORD12C	6,53	0,00	5,40	3,54	0,0930003	0,236437
CFAP221	0,81	0,52	1,22	1,40	0,0930838	0,236622
DUXAP9	0,33	3,26	0,16	0,00	0,0931243	0,236698
RRAGD	0,27	0,00	0,73	0,33	0,093171	0,23679
DNM1P51	0,04	0,13	0,03	0,10	0,0932031	0,236844
CTD-2049O4.1	0,29	0,47	0,27	0,33	0,0932808	0,237014
RP11-15B24.5	0,26	4,68	1,44	3,28	0,0933308	0,237114
AC104794.5	0,93	0,68	0,86	0,87	0,093353	0,237144
UBTFL6	0,00	0,00	0,00	2,32	0,0933813	0,237188
CBWD1	5,71	3,69	5,30	3,92	0,0934055	0,237223
IGSF10	0,00	0,13	0,01	0,02	0,0934994	0,237434
IL12B	0,13	0,29	0,20	0,13	0,0935245	0,237443
PAPLN	2,12	1,24	1,44	1,43	0,0935366	0,237443
SLC25A35	2,21	1,15	1,32	2,34	0,0935384	0,237443
HERC3	4,00	4,41	3,20	3,49	0,0935544	0,237443
ZC3HC1	3,58	0,42	3,18	1,86	0,0935562	0,237443
LDHD	0,00	1,59	0,00	0,00	0,0936608	0,237681
ZSCAN16	0,92	0,00	0,18	1,11	0,0937123	0,237785
NOP14	1,91	1,60	2,53	2,73	0,0937507	0,237855
SPATA13	1,94	1,72	2,66	2,79	0,0938068	0,23797
RP11-656D10.3	0,22	0,00	0,36	0,38	0,0938391	0,238025

RP3-449O17.1	4,36	3,47	3,23	3,81	0,093887	0,238119
SRRD	3,47	0,58	2,68	1,88	0,093947	0,238244
OR2L2	0,28	0,50	0,33	0,37	0,0940115	0,23838
PRRG3	0,41	0,43	0,47	0,54	0,0940368	0,238413
TIFAB	0,66	0,13	0,85	0,05	0,0940458	0,238413
METAP1	4,50	1,72	4,25	3,34	0,0940611	0,238425
RP11-484O2.1	4,13	4,13	4,15	4,44	0,0940732	0,238428
RP11-656G9.3	1,45	2,15	1,28	2,44	0,094131	0,23852
NCLN	2,46	3,00	3,67	3,94	0,0941374	0,23852
GADD45A	3,25	3,57	2,40	1,63	0,0941414	0,23852
RP11-158J3.2	0,00	0,00	0,00	3,97	0,0941799	0,23859
HLA-G	0,20	0,38	0,28	0,24	0,0942057	0,238619
RP11-411A19.5	0,92	0,98	1,26	0,99	0,0942128	0,238619
SNORD70	0,00	2,19	0,00	0,00	0,0942463	NA
RP11-854K16.1	0,06	0,14	0,00	0,13	0,094331	0,238874
GRIK5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,094335	0,238874
CDK11A	4,71	2,25	4,74	3,89	0,0943516	0,238889
DHX57	3,47	4,93	3,87	3,18	0,0943685	0,238904
RP11-603J24.17	1,54	3,00	1,35	1,64	0,0944133	0,238965
CTD-2366F13.1	0,24	1,28	0,33	0,05	0,094414	0,238965
FAM124B	0,55	0,39	0,30	0,49	0,0944569	0,239046
WBP2NL	1,26	1,59	0,44	0,70	0,0944865	0,239094
CEP250	1,49	2,67	1,23	1,96	0,0945142	0,23911
TNFRSF8	0,00	0,06	0,30	0,06	0,0945145	0,23911
RP11-378J18.8	0,94	0,10	0,68	0,41	0,094547	0,239165
SLC12A9	1,69	3,18	3,01	3,03	0,0945601	0,239166
RP11-256L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0945689	0,239166
FBXW9	0,26	0,11	0,35	2,69	0,0946352	0,239293
FBXO22	3,84	2,37	1,69	1,83	0,0946403	0,239293
ZFAND1	5,00	3,46	3,84	1,31	0,0946581	0,23931
NUPL2	5,52	3,15	4,89	4,00	0,0947154	0,239428
C6orf47	0,15	0,00	0,23	0,41	0,094732	0,239443
RP11-349F21.5	0,81	1,63	0,64	0,62	0,0947602	0,239487
RP11-730K11.1	0,04	0,05	0,07	0,08	0,0948296	0,239635
TMEM222	4,12	4,10	2,28	4,80	0,0948623	0,239678
H3F3A	8,95	8,55	9,00	8,72	0,0948681	0,239678
LUZP1	4,07	4,13	4,45	3,13	0,0949514	0,239861
TNIK	0,00	4,47	0,05	1,06	0,0949857	0,23992
HIVEP2	2,50	1,14	1,58	0,88	0,0950521	0,240049
CTB-113I20.2	0,00	0,00	0,59	0,00	0,0950583	0,240049
ALO22393.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0950822	0,240081
CASP1	8,56	7,43	8,16	8,13	0,0950926	0,240081
WDR5B	1,08	0,61	0,30	1,22	0,0951583	0,24022
NRDC	6,51	5,46	6,31	6,06	0,095187	0,240265
ZBTB17	3,89	2,44	4,25	4,29	0,0952185	0,240317
BRD7	4,93	3,99	4,60	3,59	0,0952453	0,240346
RP11-182I10.3	1,15	2,20	2,15	2,03	0,0952516	0,240346
RP4-669P10.19	0,00	0,00	0,26	0,00	0,0952852	0,240403
PMM2	4,37	3,27	2,96	2,70	0,0953213	0,240467
GNG10	5,51	5,35	4,49	3,34	0,0953516	0,240516
TM4SF18	0,00	0,30	0,00	0,26	0,0954108	NA
ZNF280B	0,23	0,20	0,24	0,28	0,0954189	0,240659
NPR3	0,98	1,79	1,44	2,24	0,0954393	0,240683
RP11-624L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0954696	0,240732
AC034193.5	1,62	0,56	0,87	1,32	0,0955002	0,240782

BRMS1	4,64	3,81	5,29	5,37	0,0955642	0,240916
TXNDC12	5,48	4,27	4,96	4,24	0,0956058	0,240982
CREBBP	5,43	4,98	5,21	5,18	0,0956175	0,240982
RP11-379F4.6	1,04	2,75	1,19	1,21	0,0956228	0,240982
NAXE	5,19	6,39	5,02	4,50	0,0956655	0,241053
RP11-466A19.1	0,09	0,58	0,18	0,15	0,0956727	0,241053
SNUPN	4,51	2,06	3,71	2,44	0,0956894	0,241067
CCDC61	0,11	2,48	0,19	0,40	0,0957043	0,241078
RP11-318K12.2	0,00	2,04	0,00	0,00	0,0957577	0,241115
ZNF35	0,04	0,05	2,20	0,44	0,0957753	0,241115
CARD8	4,98	4,68	4,81	5,37	0,0957803	0,241115
LINC00327	0,00	0,19	0,00	0,06	0,0957849	0,241115
RBM15	2,73	1,19	1,40	1,49	0,0957871	0,241115
WDR82	3,19	3,42	3,32	3,82	0,0958112	0,241183
GS1-179L18.1	0,04	0,00	0,14	0,13	0,0958341	0,241213
RP11-867G23.3	0,64	1,89	0,97	1,24	0,0958662	0,241267
RP11-631M6.3	3,23	1,57	4,81	4,22	0,0959084	0,241346
RP11-36D19.9	0,04	0,11	0,10	0,16	0,0959338	0,241382
TNS4	0,54	0,73	0,69	0,84	0,0959539	0,241387
RP11-4O3.1	2,43	0,00	2,13	0,00	0,0959575	0,241387
PFDN1	6,05	6,85	5,80	2,89	0,0959774	0,24139
CHAMP1	2,53	4,49	2,63	3,01	0,0959802	0,24139
PYGM	0,47	2,02	1,04	1,16	0,0960342	0,241498
SLC12A8	1,03	1,13	0,67	2,22	0,0960625	0,241542
PRDX2	7,04	6,24	6,24	5,02	0,0961051	0,241599
SLFN12	3,17	1,32	3,94	4,40	0,0961068	0,241599
KCTD18	2,95	1,62	2,12	3,28	0,0961275	0,241623
RP11-384P7.7	0,08	0,00	0,10	0,44	0,0961975	0,241772
CFAP54	1,37	2,30	0,98	1,99	0,0962202	0,241802
RP11-310E22.5	0,00	0,00	0,00	0,52	0,096234	NA
ZNF574	0,51	0,22	0,89	0,94	0,0962427	0,241831
RN7SL740P	0,87	0,00	1,53	1,18	0,0962794	0,241896
ITGA5	4,47	2,87	4,71	3,48	0,0963014	0,241924
LRCC1	2,22	0,20	2,00	1,19	0,0963123	0,241924
DNAJC4	6,42	5,34	6,19	5,30	0,0963763	0,24205
RICTOR	4,37	5,94	4,00	3,71	0,0963845	0,24205
TCERG1L	0,00	0,03	0,00	0,05	0,0964718	NA
HSPA1B	0,69	0,59	2,00	1,66	0,0964993	0,242311
ICE2	4,30	2,43	3,18	3,48	0,0965408	0,242326
CTB-41I6.1	0,00	0,00	1,62	0,53	0,0965462	0,242326
ADAMTS1	0,04	0,09	0,06	0,14	0,0965474	0,242326
CHD8	4,70	4,80	4,88	4,25	0,0965489	0,242326
RNU6ATAC39P	4,24	0,00	1,68	4,92	0,0965641	0,242337
ADAMTS4	0,44	0,60	0,49	0,44	0,0965754	0,242338
GALNT12	0,07	0,05	0,01	0,00	0,0966231	0,24243
ABAT	1,48	1,37	2,17	1,86	0,0967659	0,242761
CARHSP1	3,77	5,20	3,74	4,47	0,0967918	0,242799
RP1-56J10.8	3,32	2,92	3,84	3,41	0,0968036	0,242801
CTC-338M12.6	0,14	0,57	1,07	1,77	0,0968506	0,242891
MRPS10	4,25	2,93	3,62	3,30	0,096916	0,243028
TRMT2A	3,90	2,49	4,96	4,98	0,0970294	0,243285
ETV6	5,07	4,28	4,84	4,19	0,0971662	0,243601
TAF11	4,72	5,65	4,40	3,17	0,097185	0,24362
NOX5	0,25	0,88	0,24	0,42	0,097264	0,243791
MINPP1	1,31	0,29	0,21	0,11	0,0972793	0,243802

RPN2	7,13	6,79	6,59	6,38	0,097308	0,243846
UTRN	6,70	5,97	5,71	6,66	0,0973598	0,243905
LRRCS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0973631	0,243905
AC012363.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0973643	0,243905
RP11-1094M14.14	0,71	0,00	1,32	2,01	0,0974032	0,243974
ZNF628	0,04	0,00	0,70	0,50	0,0974274	0,244008
RBM12	3,22	2,86	2,49	2,08	0,097478	0,244087
RP5-1142A6.8	0,16	0,10	0,32	0,15	0,0974811	0,244087
GUCY2C	0,04	0,04	0,00	0,82	0,0974982	0,244102
EPHB3	0,25	0,12	0,44	0,31	0,097566	0,244245
NPIPA8	0,76	3,06	0,75	0,52	0,0976162	0,244317
C12orf43	3,22	4,33	3,06	3,05	0,0976226	0,244317
PLIN4	0,00	0,04	0,00	0,00	0,0976281	0,244317
DERL2	5,67	4,51	5,48	2,66	0,097639	0,244317
C7orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0976959	0,244432
UPF1	2,87	4,81	3,29	2,80	0,0977628	0,244571
UBASH3A	0,00	0,00	0,00	0,14	0,0977735	0,244571
AP001605.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0977911	0,244588
RNU6-82P	5,13	1,91	4,93	1,93	0,0978772	0,244775
TNIP1	4,29	4,07	4,68	4,91	0,097895	0,244793
RP11-16E12.2	0,00	0,31	0,00	0,00	0,0979182	0,244823
RP11-638I2.6	2,61	3,91	4,04	2,96	0,0979533	0,244879
MLLT10	3,61	4,78	4,24	2,97	0,0979625	0,244879
AMIGO2	0,25	1,72	0,00	0,13	0,0980811	0,245147
RNASE10	0,00	0,16	0,00	0,00	0,0981409	0,245269
RP11-144H23.1	1,99	0,00	1,59	0,90	0,0981895	0,245363
AC068831.10	1,04	2,08	1,35	2,13	0,0983061	0,245627
RP11-532N4.2	2,74	3,50	1,82	1,20	0,0984309	0,245911
RNU6-107P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0984777	0,245975
ARMCX2	0,00	0,00	0,00	0,09	0,0984785	0,245975
AGO2	4,11	1,77	4,09	2,75	0,0985871	0,24621
RP11-428C6.2	0,00	0,30	0,04	1,00	0,0986017	0,24621
CD93	3,84	2,14	3,39	3,45	0,0986058	0,24621
SLC27A4	0,53	3,12	1,96	2,93	0,0986393	0,246266
RN7SL605P	1,28	0,00	0,87	2,49	0,0986744	0,246269
ASB1	1,45	0,70	2,32	1,69	0,098676	0,246269
RP11-295B17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0986796	0,246269
NPHP4	0,44	1,46	0,23	0,45	0,0986861	0,246269
RP11-471B22.3	0,31	0,32	0,28	0,63	0,0986959	0,246269
FUT2	0,28	1,03	0,19	0,24	0,0987689	0,246393
PHF7	1,74	1,53	2,60	1,83	0,0987702	0,246393
RP11-106M7.1	0,52	0,53	0,74	0,86	0,0987789	0,246393
AP3D1	4,12	4,50	4,63	3,99	0,0988218	0,246467
ACTR2	7,44	6,14	6,85	6,48	0,0988311	0,246467
MARCKSL1	4,03	3,09	3,75	2,42	0,0988419	0,246467
EIF4G1	4,86	5,55	5,59	5,66	0,0989026	0,246591
ZC3H14	4,72	2,61	4,12	2,75	0,0989834	0,246765
AKTIP	1,32	2,42	0,57	0,80	0,099053	0,24691
PSD	1,08	1,01	1,33	1,38	0,0990885	0,246971
ABRACL	6,96	6,41	6,67	5,49	0,0991198	0,246983
METAP2	5,80	3,28	5,24	5,47	0,0991245	0,246983
CTD-2134A5.4	0,34	1,24	0,68	0,62	0,0991264	0,246983
PTGDR2	1,82	0,10	0,01	0,00	0,0991571	0,247031
CD7	0,00	0,81	0,32	0,57	0,099259	0,247258
RCOR1	3,95	3,26	3,69	2,33	0,0992791	0,24728

RN7SL391P	0,00	0,00	0,00	1,75	0,0993113	NA
ROPN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0993325	0,247385
SMAGP	3,32	0,78	2,29	2,60	0,0993612	0,247429
DNM3	0,19	2,67	0,02	0,39	0,0994123	0,247509
FBN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,0994254	0,247509
ROCK1	6,04	5,78	6,00	5,36	0,0994267	0,247509
CIAPIN1	4,79	3,76	4,64	3,35	0,0994731	0,247597
RP11-127L20.3	0,00	2,89	0,00	0,00	0,099513	0,247668
TMEM106C	0,72	0,28	0,62	0,43	0,0995971	0,24785
MIR99AHG	2,08	1,30	1,03	1,64	0,0996472	0,247947
REC8	4,20	1,31	4,15	4,13	0,0996738	0,24796
SETD1A	1,17	2,36	1,60	2,04	0,0996749	0,24796
LANCL1	3,62	3,62	2,10	0,62	0,0996867	0,247962
RPL36AP45	0,61	0,00	0,76	1,15	0,0996955	NA
ZC3H8	2,90	3,52	2,23	3,14	0,0997462	0,248082
SORD	2,29	2,02	1,53	1,00	0,0997939	0,248173
SLC25A22	0,38	0,05	0,43	0,24	0,0998569	0,24829
NAPA	6,37	5,56	5,96	4,87	0,0998632	0,24829
GCM1	0,09	0,05	0,09	0,27	0,099881	0,24829
RP11-90L20.3	0,00	0,00	0,51	0,00	0,0998858	0,24829
RP11-368I7.6	1,68	2,89	1,37	0,80	0,0999311	0,248349
ITGB3BP	3,79	4,07	3,57	1,20	0,0999316	0,248349
KMT5B	4,43	2,51	4,20	4,20	0,0999675	0,24841
RP11-373L24.1	4,30	4,65	3,86	2,98	0,0999994	0,248458
RP4-655J12.4	0,22	0,00	0,52	0,34	0,1000094	0,248458
MTM1	3,93	0,53	2,97	1,41	0,1000598	0,248518
TIMP2	4,15	4,09	4,59	4,18	0,1000629	0,248518
ZNF674	0,93	2,71	1,66	1,51	0,1000668	0,248518
C19orf45	0,52	0,49	0,29	1,31	0,1001406	0,248648
CKLF	7,54	7,60	7,70	7,82	0,1001427	0,248648
AC092675.3	0,00	0,00	0,00	1,10	0,100153	0,248648
RBMS2	1,98	0,69	1,77	0,81	0,1002643	0,248858
ACTR8	0,79	3,02	3,31	4,21	0,1002659	0,248858
GS1-124K5.13	1,23	1,53	2,25	1,33	0,1002863	0,248858
RP11-305O6.3	0,18	0,75	0,07	0,27	0,1002887	0,248858
RP11-206L10.9	5,11	5,41	4,92	3,98	0,1003021	0,248858
SNORA66	1,86	0,00	0,75	1,56	0,1003045	0,248858
MT-TW	0,00	0,00	0,00	3,35	0,1003274	NA
PLD4	5,36	5,31	4,97	4,46	0,100367	0,248956
FGGY	1,88	0,63	2,47	1,30	0,1003716	0,248956
PCAT14	2,14	2,98	2,50	2,06	0,1003778	0,248956
POU5F1P2	0,00	2,76	0,00	0,00	0,1004699	0,249157
CRLF2	0,00	0,16	0,18	0,00	0,1005231	0,249261
OR10A3	0,10	0,15	0,17	0,22	0,1005388	0,249272
RP11-411D10.1	0,51	0,00	0,73	1,27	0,1005806	0,249321
CTD-2595P9.2	1,32	2,85	1,96	2,18	0,1005961	0,249321
RP11-313P13.4	2,02	0,00	0,88	0,00	0,1006078	0,249321
PRMT6	1,48	0,88	0,38	0,15	0,1006196	0,249321
RP11-805I24.1	0,04	0,09	0,11	0,11	0,1006254	0,249321
TTYH3	1,80	1,05	1,96	1,70	0,1006258	0,249321
SSH1	2,73	2,09	2,97	1,40	0,1006568	0,24937
RP4-535B20.4	0,00	1,52	2,63	1,15	0,1007127	0,249481
KIAA0141	5,46	5,21	4,97	4,81	0,1007622	0,249575
NEDD9	5,22	2,99	4,71	3,16	0,1007954	0,249607
ZFYVE16	3,81	3,11	4,38	3,67	0,1007989	0,249607

TMEM9B	6,16	5,99	5,26	4,65	0,100812	0,249607
TMEM159	2,35	1,47	2,37	3,80	0,1008199	0,249607
RIPOR2	6,38	6,45	5,97	6,51	0,1009268	0,249844
RP11-36B6.1	0,30	1,46	0,57	0,81	0,1009925	0,249979
VBP1	5,41	4,21	4,82	1,68	0,1010134	0,250002
RP11-11518.1	0,17	0,00	0,00	0,00	0,1010226	NA
OR52E4	0,34	1,34	0,43	0,20	0,1010421	0,250046
RP11-274A11.4	0,00	0,00	0,00	0,07	0,1011448	0,250272
SAP25	1,58	2,98	2,59	3,48	0,1012148	0,250397
RP11-456N14.4	0,15	0,41	0,21	0,36	0,1012179	0,250397
RP11-316M1.12	0,00	0,00	0,00	4,48	0,101239	0,250421
DOK3	0,00	0,08	0,56	2,86	0,1012749	0,250473
ZNF19	1,78	2,83	1,27	1,04	0,1012822	0,250473
ZNF302	2,76	3,15	3,32	3,73	0,1013059	0,2505
SPDL1	2,03	0,00	0,19	0,19	0,1013157	0,2505
ROCK2	2,72	2,08	3,13	1,40	0,1013375	0,250526
RP11-663N22.1	0,00	1,31	0,39	0,85	0,1013566	0,250545
CTD-2201E18.3	3,10	3,40	3,51	3,28	0,1013707	0,250552
TBC1D8B	1,79	1,87	1,58	1,34	0,1013929	0,250579
CECR6	0,00	0,00	0,00	0,21	0,101442	0,250672
SIRT1	4,62	3,69	3,94	3,51	0,101453	0,250672
RP11-630C16.2	0,42	0,00	0,56	1,79	0,1014679	0,250681
SRGAP2C	3,58	2,86	3,37	2,59	0,101496	0,250722
RP11-335K5.3	0,00	2,52	0,00	1,66	0,1014998	NA
RP11-38511.2	0,00	0,00	0,00	1,29	0,1015242	0,250764
PLA1A	2,15	0,10	1,80	0,38	0,1016204	0,250932
PABPC4	6,38	6,11	6,63	6,07	0,1016252	0,250932
SAFB	4,38	3,45	4,79	4,31	0,1016369	0,250932
LHFP	1,19	0,56	1,41	0,09	0,1016375	0,250932
SP4	1,72	2,27	0,90	2,02	0,101675	0,250997
BLMH	3,93	4,31	3,35	2,76	0,1016934	0,251015
ENO4	0,00	0,10	0,00	0,00	0,1017156	0,251031
RP11-58B17.1	6,17	5,67	5,75	6,31	0,101733	0,251031
RP11-290C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1017338	0,251031
RP11-361D15.1	1,13	0,00	3,85	1,64	0,1017542	0,251053
MTRNR2L3	0,09	0,18	0,00	0,11	0,101795	0,251126
MIR210HG	0,29	0,08	0,21	0,36	0,1018651	0,251271
ACO13403.9	0,00	1,25	0,00	0,00	0,1019153	NA
FHL3	3,36	2,15	3,80	4,43	0,1019249	0,251391
MXD3	1,11	2,22	3,06	2,54	0,1019728	0,251444
ACO18866.1	0,37	1,83	0,20	0,75	0,1019773	0,251444
RPA2	5,89	5,26	5,05	3,72	0,1019826	0,251444
RP11-502F1.1	0,78	0,77	0,47	0,72	0,101992	0,251444
RSRC1	5,26	5,34	5,10	5,26	0,1020113	0,251464
ACO09506.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1020951	0,251634
ADARB1	0,00	0,09	0,36	0,20	0,1021029	0,251634
ACO13448.1	0,75	1,72	0,96	1,47	0,102152	0,251687
RP11-757G1.6	0,13	1,82	0,33	1,05	0,1021532	0,251687
CCDC159	4,49	3,06	4,43	4,63	0,1021581	0,251687
SLU7	6,07	4,04	5,63	5,75	0,1022123	0,25176
CTD-2314I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1022138	0,25176
RP11-358L22.3	1,93	1,63	1,28	1,15	0,1022223	0,25176
CTD-2192J16.15	2,36	2,73	2,56	2,37	0,1022409	0,25176
PDZK1	0,00	0,16	0,00	0,00	0,1022445	0,25176
RP11-34C15.1	0,00	0,00	0,00	0,16	0,1022634	0,251779

TMEM192	4,01	1,44	2,86	2,58	0,1022975	0,251834
PSMD1	5,53	5,25	5,16	5,71	0,1023297	0,251886
ADK	5,04	3,05	5,37	4,30	0,1024291	0,25209
CCDC160	0,12	0,00	0,38	0,55	0,1024354	0,25209
RP11-391H12.6	0,00	0,00	0,00	0,23	0,1024527	0,252093
RP11-449G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1024591	0,252093
HSP90B2P	0,04	0,00	0,00	0,00	0,1024988	NA
CH17-472G23.2	2,76	2,02	3,11	4,12	0,1025681	0,252305
OR7A5	0,30	0,54	0,22	0,56	0,1025682	0,252305
RPL19	11,10	11,24	11,13	10,81	0,1025815	0,25231
CTB-36O1.7	0,22	0,44	0,29	0,36	0,102632	0,252399
IL11RA	1,67	4,40	2,69	2,58	0,1026403	0,252399
APO00689.8	3,28	2,87	3,55	3,31	0,1027047	0,252529
RP11-357G3.2	1,01	0,00	0,00	0,00	0,1027309	0,252544
RP4-550H1.5	1,86	1,23	1,58	0,53	0,1027333	0,252544
TMC5	0,00	0,11	0,07	0,04	0,1027591	0,252572
SS18	5,72	3,12	4,75	4,75	0,1027779	0,252572
AC079448.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1027789	0,252572
CCDC88A	7,63	6,98	7,43	6,93	0,1027927	0,252578
NPTN	4,53	3,10	5,04	3,94	0,1028591	0,252713
RP11-65L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1029409	0,252871
GALM	3,84	0,77	2,30	2,32	0,1029514	0,252871
INSIG1	5,87	6,05	5,74	4,60	0,1029576	0,252871
FADD	0,07	0,08	0,44	0,00	0,1029821	0,252874
RP11-274B21.3	2,63	1,91	2,71	0,57	0,1029835	0,252874
RNF130	8,02	8,01	7,61	7,16	0,1029928	0,252874
RP11-690D19.3	0,70	1,23	0,74	0,12	0,1030381	0,252932
KIF3A	1,46	1,06	0,58	0,45	0,1030394	0,252932
ATG4D	3,20	4,46	3,73	3,77	0,1031012	0,253056
TCEAL4	3,73	1,48	3,67	3,32	0,1031306	0,2531
TRGC2	0,00	4,15	0,00	0,21	0,1031447	0,253107
RP11-566C13.2	0,11	0,11	0,11	0,00	0,1031583	0,253113
RP11-883G14.4	1,59	2,94	1,64	3,29	0,103214	0,253221
CTB-75G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,103259	0,253304
RP11-268G12.1	0,07	0,25	0,11	0,15	0,1032772	0,25332
MFSD5	3,99	0,23	3,59	2,30	0,1033194	0,253396
APRT	8,44	9,28	8,51	8,08	0,1033727	0,253473
STAT5B	3,61	1,61	3,39	3,97	0,1033735	0,253473
ZNF542	0,99	1,08	1,20	1,15	0,103445	0,253568
PLEKHO1	5,95	6,78	6,57	6,63	0,1034472	0,253568
TVP23C	2,18	1,45	1,06	0,53	0,1034525	0,253568
CTA-228A9.4	0,70	0,89	0,75	0,81	0,1034665	0,253568
GSTM4	4,29	3,97	3,88	1,14	0,1034695	0,253568
CDC27P3	0,00	0,08	0,00	0,00	0,1035354	0,253637
TBCC	5,47	5,00	3,96	2,81	0,1035359	0,253637
SLC25A23	0,21	0,63	0,03	0,23	0,1035381	0,253637
AMACR	0,04	0,00	0,09	0,10	0,1035533	0,253637
FBXW10	0,49	1,09	0,85	0,68	0,1035546	0,253637
AC007163.3	0,00	0,00	0,30	0,58	0,1035956	0,253674
RP11-231C14.7	0,49	0,36	1,01	0,73	0,1036297	0,253674
MUM1	2,03	1,08	1,97	3,65	0,1036319	0,253674
RP4-701O16.5	0,19	0,51	0,39	0,30	0,1036439	0,253674
CTD-2528A14.5	0,93	0,42	0,36	0,73	0,1036452	0,253674
CTA-14H9.7	0,40	0,35	0,64	0,78	0,1036459	0,253674
ABI2	2,94	2,75	2,02	1,44	0,1036496	0,253674

PAM	0,93	0,61	0,79	1,49	0,1036748	0,253708
NAPEPLD	1,44	2,17	0,42	0,60	0,1037272	0,253808
NCKAP1L	5,57	4,24	5,51	4,71	0,1038685	0,254126
LYGK	0,07	1,35	0,18	0,27	0,1039021	0,25418
RP11-244N9.4	2,45	0,00	2,09	5,05	0,1039429	0,254235
CSTF2T	1,37	0,45	0,74	1,14	0,1039474	0,254235
ZFP36L1	5,58	4,71	5,29	4,75	0,1040282	0,254404
RAD51	0,00	0,90	0,00	0,51	0,1040418	0,25441
RP11-457M11.7	0,17	0,16	0,09	0,09	0,1040927	0,254506
POLE3	5,25	5,29	4,61	5,24	0,1041388	0,254591
RP11-305D15.2	0,17	0,00	0,00	0,00	0,1041551	0,254598
RP11-138P22.1	0,00	0,00	0,00	0,14	0,1041582	NA
RP11-573I11.2	0,84	0,19	0,69	0,32	0,1041649	0,254598
ADIPOR1	5,74	5,93	5,56	4,20	0,1041908	0,254634
RP11-449P15.2	0,43	0,69	0,48	0,52	0,1042027	0,254635
CTA-217C2.1	2,74	0,68	1,40	3,40	0,1042358	0,254688
PIP4K2C	1,95	0,05	0,63	0,68	0,1042705	0,254745
VPS29	8,40	7,94	7,82	7,03	0,104307	0,254806
FAM178B	0,34	0,38	1,01	0,66	0,1043219	0,254814
CYP2R1	3,88	4,63	3,47	3,11	0,1043608	0,254881
RNU6-1069P	1,43	0,00	2,95	0,00	0,10446	0,255095
ACO06116.17	0,79	1,22	1,44	0,82	0,1044901	0,255141
SORCS1	0,00	0,93	0,00	0,02	0,1045119	0,255152
BFSP1	0,06	0,07	0,06	1,11	0,1045175	0,255152
ZNF169	2,31	0,69	1,26	0,90	0,1045624	0,255233
CCDC129	0,26	1,08	0,13	0,00	0,1045821	0,255253
DOLK	0,07	0,13	0,06	0,07	0,1045965	0,25526
AP1S3	3,84	3,74	2,63	1,44	0,1046219	0,255294
IGFBP5	0,04	0,00	0,01	0,00	0,1046606	0,255361
MALT1	4,60	4,58	4,57	3,45	0,104681	0,255367
EMC4	7,25	6,73	6,96	6,01	0,104686	0,255367
HGSNAT	5,17	4,75	4,90	3,82	0,1047006	0,255374
SRXN1	0,47	0,52	0,54	1,24	0,1047205	0,255395
RP11-571M6.7	2,54	3,61	3,15	4,72	0,1047343	0,2554
RP11-575L16.2	0,77	0,00	0,15	0,00	0,104805	0,255545
RP11-328N19.1	0,12	0,26	0,00	0,05	0,1048994	0,255709
CTD-2013M15.1	0,14	0,95	0,32	0,33	0,1049052	0,255709
C9orf91	2,78	2,60	2,39	2,56	0,1049069	0,255709
U91319.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1049494	0,255785
R3HCC1L	4,02	4,90	3,29	1,55	0,1049959	0,255844
PREPL	2,64	3,51	2,46	2,22	0,1049969	0,255844
NUPR1	0,82	1,11	1,27	1,54	0,1050971	0,256043
SNTG2	0,05	0,08	0,06	0,00	0,1051014	0,256043
RP11-135A24.4	1,10	0,00	0,00	0,00	0,1051264	0,256076
TBC1D14	3,56	0,10	3,79	2,73	0,1051422	0,256086
RP11-357N13.3	1,11	1,49	2,20	1,35	0,1051555	0,25609
MAN1B1	4,26	3,50	4,81	4,28	0,1052	0,256171
GDPD5	1,92	0,95	2,08	2,95	0,1052659	0,256285
TYW5	2,35	1,70	1,37	0,83	0,10527	0,256285
KIFAP3	3,07	0,51	2,34	1,71	0,1052983	0,256309
ZNF358	0,51	2,62	0,79	1,50	0,105303	0,256309
ENTPD5	1,75	0,55	0,47	3,53	0,1053341	0,256347
RP11-304F15.4	0,09	0,37	0,38	0,32	0,1053451	0,256347
AP4E1	1,74	0,26	2,02	1,16	0,105353	0,256347
RP11-358D17.2	0,35	0,81	0,45	0,78	0,1053727	0,256367

RP11-227G15.12	0,54	0,91	0,71	1,16	0,1053984	0,256401
RP11-452C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1054206	0,256427
MAP3K20	5,01	5,13	4,37	3,24	0,1055156	0,25662
TMEM80	4,67	5,14	4,75	2,39	0,1055232	0,25662
IGHG4	0,00	0,27	0,00	0,00	0,1055318	NA
RP11-337A23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1055472	0,256651
ACO10976.2	3,81	0,26	2,92	3,04	0,1055934	0,256707
VPS13B	4,81	3,11	5,00	3,97	0,105602	0,256707
RP11-583F2.2	0,40	0,07	0,44	0,34	0,1056111	0,256707
CDKN2AIP	2,79	0,15	0,92	0,45	0,1056224	0,256707
RP3-403A15.5	0,00	0,00	0,01	0,01	0,1056391	0,256707
BRD4	3,10	3,90	4,06	3,69	0,1056399	0,256707
RP11-146D12.2	1,05	2,60	0,12	0,00	0,1056711	0,256732
KATNA1	4,15	4,37	3,24	3,00	0,1056732	0,256732
RP1-197B17.5	1,81	0,40	2,02	0,00	0,1057072	0,256787
RRNAD1	3,50	3,04	3,42	5,21	0,1057218	0,256794
RP11-361L15.4	0,00	0,00	0,47	1,44	0,1057361	0,256801
METTL12	3,23	4,74	3,26	3,93	0,1057965	0,25692
ASB4	1,30	2,00	1,01	1,82	0,1058558	0,257028
ARSD	3,22	1,81	3,72	3,17	0,1058644	0,257028
RNF123	3,65	5,35	3,69	1,75	0,1059515	0,257212
CNGA1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,105969	NA
IGKV1-33	0,63	3,36	1,52	1,87	0,1060157	0,257339
AC093818.1	0,88	0,69	0,87	0,26	0,1060289	0,257343
KPNA4	3,66	2,59	3,65	3,21	0,1060494	0,25736
TRIM44	3,61	2,65	2,96	2,48	0,1060589	0,25736
RP11-163F15.1	1,48	0,39	2,21	1,24	0,106079	0,25738
EXOSC7	5,77	3,46	5,20	5,56	0,1061512	0,257528
AC011753.5	0,69	0,00	0,62	0,62	0,1062038	0,257627
RP11-600F24.7	0,04	0,27	0,04	0,00	0,106277	0,257754
ERCC5	4,74	4,75	5,24	4,74	0,1062791	0,257754
C17orf100	0,03	1,07	0,13	1,39	0,1063744	0,257956
RP13-635I23.2	0,00	0,00	0,64	0,00	0,1063898	0,257966
FANCM	2,90	0,07	0,16	1,00	0,106525	0,258265
AUH	0,72	1,58	1,88	0,45	0,1065392	0,258272
RP11-849N15.5	0,62	1,12	1,21	0,86	0,1065718	0,258323
RP4-544H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1066542	0,258494
MEX3C	2,52	0,80	1,85	1,43	0,106692	0,258544
AC006196.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1066982	0,258544
PHTF2	3,59	3,25	3,52	1,95	0,1067387	0,258614
AC074366.3	2,09	3,94	2,22	1,46	0,106794	0,258711
UQCC1	4,39	2,85	3,77	2,93	0,1068036	0,258711
RP11-569A2.2	0,00	1,90	1,97	2,76	0,1068137	0,258711
PTPDC1	0,47	0,06	0,03	0,25	0,1068285	0,258719
RP11-171A24.3	0,24	0,00	0,12	0,00	0,1068496	0,258742
LILRA5	5,51	5,36	5,64	6,32	0,106869	0,258761
PCNA	4,91	1,99	4,23	1,28	0,1069036	0,258816
CTD-2116F7.1	0,37	0,42	0,45	0,29	0,1070518	0,259099
WDFY2	7,22	2,55	6,27	3,37	0,1070594	0,259099
RP1-145M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,10707	0,259099
RP11-403P17.4	0,41	0,59	0,23	0,88	0,1070751	0,259099
IGDCC3	0,17	0,81	0,22	0,00	0,1070786	0,259099
RP11-569O4.5	0,30	0,76	0,28	0,00	0,1070998	0,259122
NCRNA00115	0,18	0,11	1,38	0,74	0,1071629	0,259246
RP4-705D16.3	0,00	0,53	0,66	0,16	0,1072196	0,259355

AP000356.2	1,37	0,00	2,48	1,87	0,1072684	0,259445
GGT1	1,76	4,28	2,91	4,12	0,1073108	0,259519
STK16	0,00	0,34	0,23	3,27	0,1073459	0,259576
RP11-342M1.3	0,00	0,41	1,05	0,86	0,1073985	0,259675
RP11-456I15.2	0,00	0,00	0,00	2,71	0,1074352	0,259735
CTD-2329K10.1	0,36	0,00	0,92	1,28	0,1074762	0,259803
TTC39C	4,20	3,89	4,38	5,29	0,1074864	0,259803
RP11-366M4.11	0,29	0,00	0,08	0,00	0,107513	0,259812
RP11-466P24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1075136	0,259812
ZNF184	1,54	0,05	0,14	0,37	0,1075277	0,259813
RN7SL123P	1,11	2,68	1,25	2,30	0,1075429	0,259813
RFTN1	5,60	2,35	4,82	2,55	0,1075493	0,259813
TBC1D19	0,63	0,11	0,16	0,31	0,1075611	0,259814
KCTD6	3,53	0,71	2,70	3,12	0,1076194	0,259926
RP11-87L10.1	0,00	0,10	0,81	0,00	0,1076614	0,259999
SLC30A8	0,11	0,58	0,09	0,30	0,1077473	0,260162
UBXN4	6,57	5,67	6,19	5,49	0,1077522	0,260162
TMEM14EP	1,63	0,11	1,67	0,23	0,1077849	0,260213
IPO8	3,16	2,06	3,27	3,16	0,1078088	0,260231
AC099057.8	0,76	0,54	0,45	1,07	0,1078176	0,260231
TRAF1	0,78	0,86	0,65	0,12	0,1078275	0,260231
ZNF32	5,31	5,40	3,89	2,51	0,1078655	0,260294
SLC25A30	1,86	2,91	1,85	0,99	0,1079082	0,260343
LILRA2	6,73	4,87	6,20	5,20	0,1079093	0,260343
RP11-653B10.1	1,74	4,66	1,68	0,95	0,1079529	0,26042
RTF1	3,33	2,68	3,43	3,55	0,1079864	0,26045
ZNF93	1,70	1,71	1,96	0,78	0,1079888	0,26045
SUPV3L1	3,38	2,03	3,83	2,82	0,1080178	0,260492
RP11-124B7.1	1,42	1,79	1,71	1,86	0,1080595	0,260564
DPY19L4	2,72	0,36	1,06	2,12	0,1080738	0,260571
C10orf25	0,34	0,04	0,23	0,09	0,1081	0,260596
RN7SL667P	1,96	3,79	2,24	2,32	0,1081077	0,260596
RP13-511M20.1	2,82	2,61	2,32	1,63	0,108138	0,260635
LLNLR-263F3.1	0,08	0,19	0,17	0,17	0,1081535	0,260635
RP11-807H22.10	0,03	0,52	0,00	0,00	0,108159	0,260635
RP11-139E19.1	1,71	0,00	2,01	1,13	0,1082024	0,260664
DTD1	5,25	4,19	4,60	2,41	0,1082149	0,260664
CTB-5E10.3	1,37	2,80	1,15	1,52	0,108222	0,260664
FAM92B	0,19	0,30	0,10	0,67	0,1082265	0,260664
SPAG17	0,00	4,08	0,01	0,37	0,1082297	0,260664
GNB4	4,68	3,10	4,57	3,48	0,1082489	0,260682
RP11-340B18.1	0,00	0,07	0,06	0,18	0,1082763	0,260712
MAVS	1,25	1,39	1,86	1,40	0,1082865	0,260712
MTRNR2L4	0,24	0,25	0,53	0,48	0,1082965	0,260712
CHIT1	0,00	0,07	0,00	0,02	0,1082992	NA
AP001462.6	0,00	1,46	0,00	0,00	0,1083131	0,260723
DDX55	4,02	2,78	3,40	2,19	0,1084699	0,261049
CNP	4,88	3,04	4,48	3,99	0,1084719	0,261049
RP11-129B22.1	0,02	0,04	0,00	0,02	0,1085698	0,261256
RP11-666A8.8	0,33	0,38	0,41	1,75	0,1086079	0,26132
TUBA4A	4,41	3,93	2,88	4,41	0,1086223	0,261326
FRG1DP	0,96	0,22	0,37	0,22	0,1087281	0,26154
PPP2R1A	6,13	5,76	5,70	5,42	0,1087414	0,26154
HLA-K	0,71	0,00	0,24	0,17	0,1087465	0,26154
CH507-236L23.1	0,00	0,00	0,00	0,76	0,1088234	0,261697

FKBP1C	0,08	0,10	0,11	0,08	0,1088402	0,261709
ELAC1	3,70	0,47	0,74	0,57	0,1089612	0,261949
ARHGAP31	2,79	1,06	2,50	2,05	0,1089639	0,261949
PTPN11	5,12	4,72	5,07	5,18	0,1090096	0,262006
CSNK1A1	6,74	6,40	6,60	6,21	0,1090112	0,262006
RP11-1379J22.2	0,00	0,07	0,05	0,00	0,1090543	0,262082
NOXA1	0,73	3,86	2,71	2,30	0,1090918	0,262138
LL22NC03-80A10.6	4,51	1,42	3,71	4,55	0,1091062	0,262138
POLDIP2	5,05	4,89	3,72	3,41	0,1091308	0,262138
RP11-274B21.9	0,00	0,33	0,05	0,62	0,1091364	0,262138
CH17-472G23.4	0,92	0,06	1,24	0,42	0,1091366	0,262138
RP11-136F16.1	0,80	1,94	1,96	0,00	0,1091538	0,262151
RNU4-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1092557	0,262367
RP4-605O3.4	1,81	2,26	2,06	2,48	0,1092718	0,262377
CRIM1	1,49	1,64	1,50	0,77	0,1092863	0,262384
RCE1	4,85	3,18	3,13	1,15	0,109405	0,262641
MYO18A	3,30	2,86	3,21	1,51	0,1094299	0,262672
SPATA2L	0,02	0,77	1,12	1,21	0,1094782	0,262759
LRRC8A	2,04	0,03	2,11	1,32	0,1094911	0,262762
PURA	1,11	1,31	1,06	0,75	0,1095214	0,262802
STRADA	5,04	4,31	4,25	3,95	0,1095313	0,262802
RHAG	0,28	0,00	1,03	0,73	0,1095916	0,262918
PRDX6	7,12	6,82	6,51	7,08	0,1096482	0,263026
NFE2L1	1,52	1,97	1,96	3,11	0,1097147	0,263144
CTA-363E6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1097291	0,263144
CTD-2095E4.4	1,75	2,84	2,09	2,47	0,1097333	0,263144
RP11-242F24.2	0,38	0,52	0,55	0,51	0,1097662	0,263177
KDM1B	2,39	2,04	2,85	2,08	0,1097707	0,263177
MIR3180-2	0,14	0,00	0,03	0,86	0,1098122	0,26322
MIR3180-3	0,14	0,00	0,03	0,86	0,1098122	0,26322
TVP23A	2,57	0,97	1,66	1,40	0,1098303	0,263235
AC000095.12	1,42	2,19	2,11	3,09	0,109847	0,263247
RP13-631K18.2	0,50	0,27	0,78	0,78	0,1098701	0,263274
TATDN1	4,98	6,28	4,76	3,00	0,1098922	0,263298
ZNF70	0,23	0,63	0,31	0,30	0,1099317	0,263358
PQLC3	6,35	4,32	5,64	6,11	0,1099592	0,263358
HN1L	0,78	1,10	1,21	1,16	0,1099627	0,263358
FAM184A	0,00	0,00	0,00	0,11	0,1099647	0,263358
UBA3	6,35	4,94	5,29	5,70	0,1099885	0,263387
PSMC2	6,21	3,69	5,83	4,05	0,1100166	0,263412
C14orf166	7,35	6,48	6,84	5,59	0,1100225	0,263412
BRICD5	0,22	0,39	1,12	1,89	0,1100731	0,26346
RP11-466F5.6	0,00	0,13	0,00	0,14	0,1100783	0,26346
TMPRSS3	0,00	0,00	0,06	0,18	0,110095	0,26346
CTD-2587M2.1	0,66	0,30	0,52	0,41	0,110105	0,26346
SIDT2	4,51	3,19	4,82	3,87	0,1101089	0,26346
GSTO1	7,51	7,49	7,68	7,75	0,1101197	0,26346
RP11-352M15.2	1,24	0,34	1,27	0,69	0,1101255	0,26346
LLOXNC01-157D4.1	3,09	2,58	2,60	1,58	0,1101669	0,26353
GSAP	6,00	4,88	5,09	4,76	0,1102166	0,263578
NCRNA00167	0,04	0,21	0,14	0,60	0,1102339	0,263578
SLC29A4	0,26	0,61	0,57	0,73	0,1102348	0,263578
PDCD2L	1,19	0,20	1,03	0,00	0,110245	0,263578
AC106782.18	0,42	0,43	0,66	0,82	0,1102464	0,263578
LY86	8,80	8,31	8,30	7,77	0,1103139	0,263712

LIMK1	1,31	1,88	1,83	2,81	0,1103438	0,263723
ARL6IP1	6,01	4,94	5,59	5,20	0,1103441	0,263723
DR1	4,68	3,83	3,48	3,66	0,1103544	0,263723
HMOX1	0,83	0,95	3,32	2,60	0,1103678	0,263727
RP11-761N21.1	0,00	0,42	0,18	0,00	0,1104074	NA
ST3GAL5	3,80	3,83	4,55	4,59	0,1105299	0,264086
RP11-522B15.3	0,06	0,03	0,07	0,11	0,1105457	0,264095
NDUFB8	8,48	8,42	8,51	7,93	0,1105698	0,264099
RP5-991O23.1	0,00	0,00	0,00	0,14	0,110571	0,264099
ECHDC1	5,94	4,18	5,19	5,25	0,1106026	0,264141
POLR2J	5,99	6,46	6,22	6,47	0,1106125	0,264141
RP1-34B20.21	2,04	0,58	1,23	0,77	0,1106654	0,264239
RP11-340I6.7	0,25	1,09	0,51	0,46	0,1108116	0,26456
NSMCE4A	5,86	4,82	4,57	3,18	0,1108477	0,264618
CABYR	0,47	0,65	0,69	0,59	0,1108604	0,264619
RP11-114H24.6	0,01	0,35	2,16	4,13	0,1108834	0,264646
SLC10A1	0,08	0,00	0,00	0,42	0,1109126	0,264683
RP11-85M11.2	0,46	0,00	1,11	0,00	0,1109226	0,264683
EXOSC1	6,31	6,85	6,09	5,05	0,1109462	0,264711
RP11-214O1.1	0,22	0,21	0,21	0,35	0,1109879	0,26476
CH507-9B2.9	2,42	2,20	2,25	1,81	0,111004	0,26476
TTC31	2,00	4,13	2,90	1,46	0,1110137	0,26476
TBC1D10B	2,25	2,42	3,08	3,39	0,1110147	0,26476
RP11-264B17.3	0,00	0,00	0,04	0,00	0,1110432	0,2648
GBP2	4,14	6,07	4,99	5,05	0,1110683	0,264831
RP11-1O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1110921	NA
RP11-436I9.2	0,00	0,00	0,09	0,11	0,1111188	0,264923
RP4-756G23.5	0,07	0,05	0,06	0,06	0,1111747	0,265028
SMG8	0,83	1,07	0,08	0,24	0,111207	0,265049
TBC1D13	1,95	0,12	1,12	2,19	0,1112075	0,265049
GRM6	0,15	0,13	0,25	0,33	0,1112246	0,265049
CTD-2313F11.2	0,00	0,64	1,25	0,00	0,111243	0,265049
TIAM1	2,59	4,10	3,27	3,61	0,1112433	0,265049
ADCY6	0,02	0,10	0,03	0,53	0,111272	0,26509
NUP43	2,11	2,90	1,71	0,94	0,1112989	0,265125
RP11-165F24.3	3,84	5,63	3,54	2,31	0,1113327	0,265177
FAM83E	0,03	0,18	0,13	0,21	0,1113603	0,265215
PACS2	3,08	3,91	3,75	3,54	0,1113945	0,265268
AP000475.2	0,17	0,43	0,40	0,39	0,1114518	0,265376
UNGP1	0,11	0,77	0,17	0,20	0,1115512	0,265584
SEMA4A	5,87	4,71	5,03	5,53	0,1115923	0,265602
ARHGEF40	3,41	2,90	3,69	4,07	0,1115926	0,265602
RP11-427L15.2	0,13	0,00	0,20	0,00	0,1115945	0,265602
PTCD1	1,10	0,55	1,15	1,11	0,1116153	0,265621
CTB-41I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1116267	0,265621
DNAJC14	1,16	1,02	2,04	2,68	0,1116433	0,265621
AC006227.1	0,00	0,00	0,37	0,00	0,1116546	0,265621
RN7SL70P	0,00	0,00	2,38	1,06	0,1116623	0,265621
ITFG1	4,80	3,13	4,22	4,74	0,1116903	0,265642
RP11-474I16.8	0,51	0,00	0,15	2,10	0,1116953	0,265642
SH3BP5L	0,13	0,45	0,82	0,18	0,1117779	0,26581
NBPF17P	0,00	0,13	0,00	0,00	0,1118267	0,265898
ZNF385B	0,00	0,99	0,00	0,00	0,1118684	0,265969
RP11-334E15.1	1,94	2,83	1,86	2,53	0,111903	0,266
GSDMB	1,71	0,33	1,78	3,80	0,1119053	0,266

DACH1	0,00	0,05	0,04	0,19	0,1119227	0,266012
RP11-367B6.2	0,00	0,00	1,63	1,95	0,1119547	0,26606
RN7SL377P	1,43	0,97	1,83	0,00	0,1119738	0,266077
KB-1183D5.13	0,23	1,05	0,08	0,00	0,1120339	0,266191
NSUN4	3,59	4,53	3,89	3,49	0,1120871	0,266276
RP11-526D8.11	3,64	3,72	3,72	2,50	0,1120934	0,266276
SNX18	3,24	1,35	2,77	1,16	0,1121413	0,266361
PPIA	10,68	10,18	10,31	9,98	0,1121737	0,266391
RP3-446N13.3	1,74	2,44	2,94	3,98	0,1121952	0,266391
RBM22	5,04	5,19	4,90	3,71	0,1121985	0,266391
LAX1	0,53	0,46	0,31	0,18	0,1122019	0,266391
RP1-40E16.12	0,00	0,21	0,00	1,76	0,1122365	0,266445
SAMD10	0,07	0,25	0,06	0,00	0,1123115	0,266582
IL4R	2,98	3,91	4,16	3,53	0,1123184	0,266582
TMEM206	4,72	4,19	3,68	3,09	0,1123696	0,266675
SNRPD1	5,36	5,45	5,40	5,48	0,1125203	0,267005
GMPR	0,25	0,58	0,71	0,21	0,1125561	0,267061
MRPL30	2,28	2,48	2,77	1,78	0,1126693	0,267273
ZBTB2	2,07	0,04	1,04	1,29	0,112675	0,267273
RP3-468O1.6	0,00	0,00	0,00	0,88	0,1126816	0,267273
SEN3-EIF4A1	0,25	0,00	0,07	0,00	0,1127463	0,267377
RETSAT	0,29	0,00	0,36	0,25	0,1127495	0,267377
RP1-127M18.1	0,00	0,00	0,00	0,71	0,1128042	NA
SMIM10L1	3,26	2,59	2,63	1,03	0,1128631	0,267592
ACO79250.1	0,85	1,51	0,99	1,46	0,1128848	0,267592
GMEB1	3,14	2,64	2,25	0,95	0,1128962	0,267592
CWC25	3,96	3,26	4,18	3,83	0,1129056	0,267592
RP11-1102P22.2	1,29	0,37	2,89	2,17	0,1129118	0,267592
SCARA5	0,04	0,00	0,00	0,00	0,1129153	NA
SEMA4C	0,22	0,76	0,17	0,39	0,1129206	0,267592
ZNF420	2,63	0,38	2,84	0,98	0,1129348	0,267592
COX6B2	0,42	1,15	0,90	0,85	0,1129483	0,267592
RAB21	3,92	3,10	3,78	2,71	0,1129625	0,267592
NECTIN3	0,00	0,00	0,00	0,18	0,112964	0,267592
EFEMP2	0,24	0,97	0,29	2,72	0,1129725	0,267592
EFNB1	3,26	0,92	3,09	2,30	0,1130427	0,26773
C4orf3	5,34	4,46	4,96	4,41	0,1131025	0,267843
CCDC134	0,00	0,00	0,16	0,26	0,1131674	0,267957
PLEKHM3	2,27	4,20	1,65	1,92	0,113175	0,267957
RN7SL165P	0,89	1,70	0,00	0,00	0,1132026	0,267994
PSG4	0,00	0,13	0,00	1,54	0,113245	0,268059
PPM1A	5,07	4,91	4,89	3,96	0,1132571	0,268059
RP11-411B10.7	2,33	3,82	2,83	3,13	0,1132662	0,268059
DRAP1	6,12	5,64	6,14	5,62	0,1133013	0,268113
GOLGA6A	0,00	0,00	0,00	0,94	0,1134091	0,268288
SPDYE2	1,53	2,99	1,55	2,10	0,1134241	0,268288
NOL4L	2,77	2,99	1,07	0,85	0,1134324	0,268288
ZNF99	0,06	0,07	0,11	0,13	0,1134328	0,268288
RP11-113K21.6	3,18	4,64	3,35	3,09	0,1134364	0,268288
CTC-348L14.1	0,40	2,67	2,19	3,98	0,1134477	0,268288
MVK	2,03	1,43	0,40	3,74	0,1135179	0,268426
C10orf67	0,12	0,21	0,13	0,18	0,1135458	0,268463
GRIA1	0,44	2,24	0,61	0,66	0,1135853	0,268516
RP11-320G24.1	0,21	0,22	0,35	0,47	0,1135922	0,268516
DESI2	3,41	1,75	2,95	3,57	0,1136622	0,268643

RP11-423C15.3	0,16	0,07	0,22	0,39	0,1136757	0,268643
RN7SL541P	0,00	1,41	1,16	1,44	0,11369	0,268643
LIMD2	7,05	6,45	6,55	6,19	0,1136945	0,268643
RP11-396N11.1	1,42	2,92	1,18	0,00	0,1137119	0,268656
ZNF510	2,06	1,25	0,27	0,00	0,1137458	0,268707
ACADL	0,11	0,00	0,03	0,00	0,1137879	0,268779
RP11-259K5.2	0,64	0,60	0,65	0,43	0,1138098	0,26879
LA16c-380H5.2	0,00	0,97	0,00	0,29	0,1138112	NA
ZNF652	3,84	4,14	4,42	3,18	0,1138278	0,26879
CTB-27N1.2	0,14	0,00	0,05	0,00	0,113829	0,26879
RP11-336K24.12	0,07	0,19	0,19	0,16	0,1138533	0,268819
AC008753.6	0,44	1,26	2,20	2,05	0,1138853	0,268861
CTC-329H14.4	0,00	3,05	4,17	3,76	0,1139072	0,268861
RP11-527B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1139143	0,268861
UBP1	4,39	1,85	3,98	3,28	0,1139198	0,268861
ARID5A	2,94	2,89	3,92	3,52	0,113973	0,268958
CNPY3	7,40	7,12	7,68	7,28	0,1139952	0,268982
RP11-386G11.10	5,96	6,15	7,56	6,73	0,1140241	0,269022
SLC6A4	0,03	0,26	0,08	0,10	0,1140758	0,2691
SETD3	4,36	4,35	3,60	3,14	0,1140812	0,2691
SH3GLB1	5,24	4,83	4,28	3,71	0,1141011	0,269118
ASPG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1141988	0,26932
RP11-73M18.2	0,00	0,00	0,43	0,00	0,1142472	0,269405
P2RX5	2,48	2,07	0,41	1,23	0,11428	0,269454
RING1	2,02	2,29	2,13	1,07	0,1142927	0,269455
RP11-319G9.3	0,23	0,57	0,55	0,51	0,1143471	0,269515
TUBGCP3	3,85	1,90	3,91	1,09	0,114352	0,269515
SND1	4,40	5,16	5,01	4,53	0,1143553	0,269515
VTI1A	4,54	3,82	3,92	3,90	0,1143666	0,269515
RP11-24H1.1	0,00	0,00	0,00	0,38	0,1143753	NA
PWWP2B	1,59	0,59	2,36	0,98	0,1143805	0,269519
EFCAB2	3,48	4,00	3,72	3,52	0,1143949	0,269525
MYL6B	2,77	1,52	2,04	2,21	0,1144197	0,269555
RP11-705C15.2	4,32	1,70	4,05	4,10	0,1144436	0,269582
ZNF850	0,40	0,43	0,59	0,57	0,1144683	0,269612
RP11-129B22.7	0,08	0,25	0,27	0,59	0,1144833	0,269619
PDLIM2	4,81	5,32	4,46	5,16	0,1145224	0,269682
RP11-43A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1145534	0,269726
FBXL22	0,00	0,00	0,00	0,08	0,1146346	NA
RP11-38L15.2	1,13	1,56	1,32	0,72	0,114637	0,269895
AC097721.2	0,82	0,00	0,66	0,76	0,1146762	0,269958
XRCC2	1,53	2,68	1,66	2,33	0,1147031	0,269993
MFSD8	3,27	3,27	4,33	2,83	0,1147828	0,270127
FAM129A	4,25	2,60	4,01	3,51	0,1147844	0,270127
CFAP52	0,20	0,34	0,16	0,91	0,1148517	0,270255
TMEM93	6,07	3,97	5,74	6,90	0,1148658	0,270255
WDR77	5,51	3,18	4,85	3,33	0,1148751	0,270255
CTD-2313J17.1	1,74	0,47	1,49	1,45	0,1149021	0,27029
CAPG	8,94	8,64	8,67	7,96	0,1149723	0,270415
CTD-2245O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1149814	0,270415
RN7SL465P	4,75	5,58	4,03	4,26	0,1149999	0,270415
SGCE	1,22	2,15	1,27	0,92	0,1150039	0,270415
BICD1	1,38	0,03	0,98	0,67	0,1150622	0,270523
MFSD7	0,00	0,00	0,37	0,34	0,1150795	0,270535
PPFIA2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,11509	NA

RP4-536B24.3	0,24	0,00	0,33	0,62	0,1151703	0,270695
RP11-175K6.1	0,21	0,13	0,35	0,27	0,1151716	0,270695
ZC3H6	1,50	0,60	1,99	1,45	0,1152097	0,270756
EPT1	2,01	0,33	1,24	0,22	0,1152579	0,27084
SCARNA10	0,00	1,96	0,00	1,57	0,1153837	0,271107
CCDC24	0,52	1,13	0,48	1,01	0,1154562	0,271229
RPS20P22	0,11	0,86	0,36	0,63	0,1154645	0,271229
RP11-110I1.12	0,11	0,17	0,00	0,27	0,1154722	0,271229
IFI6	7,58	5,54	6,67	7,80	0,1155959	0,271474
UNC13A	0,01	0,01	0,01	0,03	0,1156009	0,271474
CRCP	3,10	3,88	4,16	3,59	0,1156675	0,271565
RP11-678G14.4	0,06	0,17	0,18	0,09	0,1156706	0,271565
RP1-111B22.2	0,33	0,44	0,19	0,11	0,1156784	0,271565
COX7CP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1156885	0,271565
RP11-61J19.5	0,05	0,15	0,89	1,28	0,1157127	0,271593
EEF1A1L12	0,34	0,48	0,17	0,10	0,1157517	0,271656
RP11-108M12.3	0,00	2,08	1,03	0,84	0,1157901	0,271717
AKAP9	6,60	5,88	6,00	5,41	0,1158231	0,271766
DAB2	3,90	1,72	3,53	3,01	0,1158491	0,271798
RP11-158M2.2	0,35	0,00	1,23	0,00	0,1158953	0,271853
ANAPC7	4,71	2,49	3,54	2,37	0,1158969	0,271853
WDR61	6,65	5,15	5,99	5,50	0,1159864	0,27202
PPWD1	5,11	2,82	3,58	4,05	0,1159926	0,27202
SYNGAP1	0,00	0,02	0,02	0,02	0,1160164	NA
PCCB	4,29	2,02	4,44	4,59	0,1160386	0,272099
CTD-2651B20.1	0,00	0,00	0,32	0,82	0,1160637	0,27213
RP11-849H4.4	0,08	0,13	0,13	0,42	0,1160905	0,272153
RP11-57A19.7	0,24	0,45	0,30	0,30	0,1160981	0,272153
ZNF165	0,36	0,00	0,13	0,65	0,1161233	0,272176
PRELID3A	1,54	1,45	1,64	0,42	0,1161325	0,272176
RAB11B	2,73	1,54	2,55	1,73	0,1162461	0,272385
RP11-231C14.9	3,47	0,27	3,07	2,07	0,1162604	0,272385
ABHD14A-ACY1	0,99	0,00	0,18	0,20	0,1162626	0,272385
C9orf84	0,32	0,07	0,00	0,03	0,1162789	0,272385
CCDC17	0,00	0,08	0,19	0,00	0,1162828	0,272385
ANKRD27	3,07	2,32	2,81	1,05	0,1163106	0,272398
RP11-439A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1163132	0,272398
RP11-403N16.1	0,00	0,69	0,00	0,00	0,1163769	0,272492
MICALL2	0,00	1,55	0,00	0,21	0,1163823	0,272492
GALC	3,50	2,49	4,25	4,23	0,1163899	0,272492
RP11-347J14.7	0,28	0,68	0,41	0,28	0,1164216	0,272535
RP11-583F2.5	1,29	0,00	1,90	1,07	0,1164329	0,272535
PLAGL2	1,02	1,10	1,08	1,07	0,1164557	0,27256
RN7SKP95	0,00	0,87	0,32	1,55	0,1164724	0,27257
INO80B	0,44	0,35	0,97	1,19	0,1165023	0,2726
DEDD	4,69	3,53	4,95	3,59	0,1165097	0,2726
ZNF573	2,29	2,26	2,42	1,28	0,1165708	0,272714
IL31RA	0,00	0,06	0,00	0,49	0,1166272	0,272801
RP11-353J17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1166326	0,272801
TMEM107	4,40	4,12	5,38	5,26	0,1166546	0,272824
RP11-207N4.2	0,51	3,28	0,70	2,11	0,1166776	0,272848
GALNS	3,37	3,21	2,08	1,22	0,1166986	0,272848
SYVN1	2,41	0,79	2,30	1,45	0,1167178	0,272848
RP11-219B17.1	0,00	0,27	0,00	1,20	0,1167419	0,272848
EIF4A2	7,78	7,19	7,35	6,76	0,1167471	0,272848

REST	3,70	2,48	3,41	3,40	0,1167493	0,272848
TRPM6	0,09	0,41	0,28	0,20	0,1167509	0,272848
RP11-69M1.6	0,15	0,16	0,16	0,13	0,1167636	0,27285
HYAL1	0,18	0,27	0,09	1,09	0,1167855	0,272858
ADRBK2	4,34	3,60	4,04	4,21	0,1167978	0,272858
SGO1	0,42	0,95	0,43	0,21	0,1168039	0,272858
RN7SL181P	2,00	0,00	1,46	0,88	0,116843	0,27292
LIMD1-AS1	0,36	0,00	1,40	0,52	0,1168674	0,272948
RP11-458B24.2	3,18	3,70	3,11	3,25	0,1169006	0,272997
RP11-107F6.3	2,31	2,03	2,55	3,12	0,116922	0,273002
EFHC2	0,04	0,11	0,14	0,06	0,1169272	0,273002
TTC25	0,06	0,13	0,42	1,55	0,1169555	0,27304
RBM6	6,17	5,29	6,17	6,01	0,1170406	0,273196
KIF16B	3,20	4,60	2,71	1,85	0,1170471	0,273196
ITGAX	6,39	5,48	6,35	5,66	0,1171118	0,273299
RNA5SP450	1,57	0,00	5,13	0,00	0,1171157	0,273299
ECSIT	4,80	5,68	5,35	5,61	0,1171963	0,273422
DIEXF	1,08	0,42	0,56	0,30	0,1171983	0,273422
DNM2	3,73	4,73	4,73	3,72	0,1172055	0,273422
MYO7B	0,02	0,21	0,00	0,24	0,1172561	0,273479
CEP164	3,67	2,38	3,58	3,11	0,1172652	0,273479
RP11-217E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1172668	0,273479
NRF1	3,34	1,72	3,11	2,31	0,1172877	0,273499
AC004041.2	0,71	3,32	0,00	0,00	0,1173259	0,273559
HOXA9	2,12	1,03	0,83	0,22	0,1173607	0,273612
INSR	3,24	2,87	3,26	2,66	0,1173782	0,273624
OSBPL8	6,35	5,60	6,06	5,20	0,1174696	0,273808
BMPER	0,93	3,14	1,35	1,69	0,1175934	0,274068
CTD-2050N2.1	1,30	2,22	0,87	0,64	0,1176141	0,274088
NPSR1-AS1	0,41	0,39	0,41	0,53	0,1176916	0,274239
TYR	0,00	0,00	0,13	0,19	0,1176992	NA
SULT1A1	4,44	4,99	4,30	5,16	0,1177061	0,274245
OR4K16P	0,54	0,45	0,10	0,48	0,1177565	0,27431
AC017002.1	0,57	3,98	0,29	0,21	0,1177617	0,27431
APBB3	2,94	1,07	2,81	3,53	0,1177712	0,27431
RP11-177F15.1	0,00	0,50	0,00	0,12	0,1178263	0,27441
USP37	1,77	0,98	2,20	0,71	0,11787	0,274482
SLC35E3	2,46	2,93	3,27	2,81	0,1178929	0,274507
MAP3K1	4,38	5,02	4,64	4,90	0,1179097	0,274517
ARHGAP20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1179335	0,274544
RP11-905F6.1	2,48	2,00	3,11	2,57	0,1180089	0,274691
RN7SKP37	0,00	1,35	0,00	0,00	0,1180286	0,274708
MIIP	4,08	3,34	4,24	4,99	0,1180566	0,274718
CTB-88F18.5	0,62	1,17	0,76	0,45	0,1180661	0,274718
TNNI1	0,02	0,03	0,00	0,03	0,1180792	0,274718
AMDHD2	2,43	0,26	0,26	0,80	0,1180823	0,274718
ZBTB49	0,16	0,90	0,16	1,85	0,1181255	0,274784
PTOV1-AS1	0,68	0,98	0,28	0,00	0,1181355	0,274784
RP6-159A1.4	4,46	2,12	3,95	4,24	0,1181741	0,274845
GCHFR	4,93	3,89	4,25	5,66	0,1182007	0,274878
ATP6V1B2	5,76	6,03	6,10	5,52	0,1182714	0,275014
NR4A1	5,80	6,76	6,00	5,53	0,1183186	0,275095
DSTYK	2,53	2,97	2,67	2,72	0,1183815	0,275212
TUSC3	0,00	1,31	0,02	0,04	0,1184128	0,275232
RP11-324I22.3	0,00	0,00	0,32	0,00	0,1184147	0,275232

YWHAB	8,22	7,68	8,05	7,51	0,1184601	0,275309
RN7SL734P	0,00	0,00	0,00	0,92	0,1185051	NA
CASC4	4,20	4,40	4,46	3,46	0,1185106	0,27538
F2R	0,12	0,54	0,09	0,09	0,1185156	0,27538
ZBTB41	1,25	0,28	0,65	0,31	0,1185519	0,275414
SOCS6	1,78	0,10	1,05	0,14	0,1185554	0,275414
RNF121	2,56	5,07	1,68	2,44	0,1185675	0,275414
AC007773.2	0,00	0,49	0,07	0,00	0,1185965	0,275453
RP4-534N18.2	0,97	0,40	1,40	1,73	0,1186451	0,275537
NNT	4,82	2,97	4,96	4,96	0,1186955	0,275625
RN7SL330P	1,66	0,79	0,00	0,00	0,118823	0,275876
XCL1	0,00	0,30	0,00	0,00	0,1188283	0,275876
AC015978.3	0,01	0,03	0,03	0,04	0,11883	NA
ABCF2	3,68	2,94	3,01	3,80	0,1188704	0,275945
LY9	3,33	4,81	1,66	2,15	0,1188922	0,275966
RP11-362K14.5	0,69	0,46	0,72	0,26	0,1189354	0,276038
IMMP1L	2,84	5,01	2,82	1,53	0,1189579	0,276061
MORC3	3,59	3,70	3,01	2,53	0,1189828	0,27609
AP1S1	3,12	0,44	1,36	2,19	0,1190017	0,276105
PLXNB3	0,00	0,28	0,00	0,00	0,1190175	0,276113
FERMT2	0,02	0,05	0,03	0,10	0,1191861	0,276475
UBA6	4,03	2,80	3,84	3,85	0,119231	0,276551
RAE1	4,63	4,74	4,13	2,87	0,119355	0,276809
AC002386.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,119383	0,276845
LRRK1	3,03	3,59	3,35	3,83	0,1194487	0,276947
USP15	7,66	7,58	7,56	7,90	0,1194556	0,276947
AP2A2	3,39	2,62	3,78	3,41	0,1194684	0,276947
AC097724.3	1,01	0,50	1,06	0,96	0,1194827	0,276947
SNED1	0,00	0,34	0,01	0,03	0,119489	0,276947
PTPRF	0,00	0,23	0,05	0,14	0,119518	0,276985
CD53	9,31	8,52	8,85	7,80	0,1195509	0,277033
IPO5	4,27	2,63	3,50	2,99	0,1196096	0,27714
CTB-133G6.2	0,00	1,28	0,75	1,95	0,1196402	0,277182
MSS51	0,30	0,09	0,35	0,18	0,1196683	0,277198
VAR52	1,51	1,18	1,29	0,74	0,119672	0,277198
PPDPF	1,29	2,22	1,52	2,17	0,1197168	0,277272
RP11-372K14.2	0,26	0,00	0,36	0,00	0,1197312	0,277277
TRMT2B	2,40	1,81	1,53	0,45	0,1198296	0,277476
RP11-1070N10.4	0,00	2,83	0,00	0,00	0,1198703	0,277541
PLGLB1	2,77	0,00	2,17	0,49	0,1199374	0,277667
RP11-347J14.4	0,00	0,14	0,00	0,02	0,1199979	NA
RP11-503L19.1	0,00	1,84	0,00	0,00	0,1200971	0,278008
ING4	5,20	6,21	4,17	4,62	0,1201882	0,27819
LIPT2	0,00	0,00	0,14	0,22	0,1202514	0,278307
MESDC1	1,22	0,54	1,48	1,22	0,1202741	0,278331
PUF60	6,37	6,37	5,69	4,82	0,1203209	0,278398
HIST1H2AM	4,39	0,00	1,55	0,60	0,1203279	0,278398
RF00592	2,45	0,00	0,00	0,00	0,1203613	NA
AC018816.3	0,64	1,78	0,00	0,00	0,1203979	0,27853
RSAD1	3,33	1,97	3,08	0,86	0,1204103	0,27853
TSPAN31	4,29	2,51	3,36	2,72	0,1204392	0,278568
HDAC9	7,11	6,24	6,61	5,51	0,1205127	0,278705
MICAL3	0,99	4,18	0,96	1,60	0,1205234	0,278705
MAP2K4	3,69	1,29	3,27	3,05	0,1205834	0,278815
RP11-24J19.1	0,00	1,57	2,35	0,69	0,1206189	0,278866

RP11-338E21.3	0,70	0,00	1,28	2,32	0,1206307	0,278866
EPPIN	0,88	1,56	0,78	1,98	0,1206601	0,278905
CRYBB2P1	4,30	4,54	3,17	4,38	0,1206943	0,278955
OFCC1	0,00	2,07	0,00	0,00	0,1207361	0,279023
OSBPL7	1,70	3,07	0,98	1,94	0,1207886	0,279115
DTYMK	4,46	5,24	3,64	2,97	0,1208249	0,279166
RP11-278C7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1208358	0,279166
AMOTL1	0,06	0,05	0,08	0,00	0,1208648	0,279183
MESDC2	3,72	2,52	3,27	2,66	0,1208684	0,279183
RP4-601P9.2	0,00	0,66	0,05	0,42	0,1208844	0,279191
C11orf1	2,73	2,55	2,60	1,21	0,1210346	0,279455
VPS51	4,95	6,06	5,56	5,43	0,1210391	0,279455
TSHZ2	0,02	0,18	0,05	0,08	0,1210439	0,279455
ADAMTS2	0,40	0,54	0,44	1,39	0,1210491	0,279455
MROH1	2,00	2,69	2,55	3,21	0,1210714	0,279478
SLC24A1	2,52	1,93	2,13	2,41	0,1211869	0,279715
FAXDC2	0,92	3,22	1,33	3,61	0,1212373	0,279803
ATP5G2	9,63	9,48	9,72	9,34	0,1212598	0,279825
RP11-552C15.1	0,00	0,00	0,00	2,63	0,1213055	0,279879
AGO1	1,91	1,14	1,69	0,89	0,1213081	0,279879
ANKRD16	0,17	0,18	0,13	0,09	0,1213686	0,279959
CTB-102L5.4	0,87	0,48	0,60	0,00	0,1213725	0,279959
CTDNEP1	5,57	5,17	5,72	4,66	0,1213808	0,279959
C3orf70	0,14	0,30	0,16	0,32	0,121423	0,280028
TCOF1	4,31	3,30	4,67	3,87	0,1214658	0,280097
YOD1	1,46	3,51	1,29	1,34	0,12149	0,280124
CTB-5506.12	2,91	2,87	2,69	4,33	0,1215077	0,280136
SPNS3	4,70	4,45	5,36	3,20	0,1215288	0,280155
MAP3K15	0,20	0,06	0,21	0,26	0,1215689	0,280219
G3BP2	5,97	4,15	5,26	4,78	0,1216048	0,280265
RP11-489P6.1	0,48	0,39	0,80	0,25	0,1216144	0,280265
ZNF493	2,56	4,44	3,04	2,96	0,1216706	0,280366
CCDC183	0,00	0,54	0,00	0,30	0,1216828	NA
WDR44	2,74	2,42	2,15	1,28	0,1216995	0,280403
RTTN	3,47	3,91	3,38	3,21	0,121739	0,280451
RP11-53I6.3	0,00	0,00	0,00	0,38	0,1217452	0,280451
FTLP10	0,07	0,10	0,00	0,11	0,1217851	NA
GREM2	0,06	0,06	0,01	0,06	0,1218059	0,280561
STX8	6,12	6,50	5,80	5,45	0,1218512	0,280626
RP1-118J21.27	0,49	0,15	0,19	0,00	0,121871	0,280626
RP11-732A19.9	0,87	0,00	0,00	0,00	0,1218717	0,280626
APOPT1	4,75	4,58	4,58	2,72	0,1218943	0,280649
C20orf196	1,57	1,48	3,17	3,22	0,121912	0,28066
SLC25A51	0,80	0,18	1,00	1,24	0,1220478	0,280923
HTATSF1	4,18	4,88	3,52	3,22	0,1220514	0,280923
LMLN	0,53	0,21	0,87	0,64	0,1221316	0,281078
IRF7	4,57	3,52	5,15	5,01	0,1221559	0,281105
RN7SL296P	0,00	0,00	0,19	0,72	0,1221934	NA
SLX1A-SULT1A3	2,85	1,39	2,61	2,26	0,1221957	0,281168
SULT1C2	0,19	0,04	0,26	0,14	0,1222199	0,281194
RP11-148O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1222456	NA
RP11-229O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,122289	NA
DCP1B	0,16	1,03	0,34	0,18	0,1223122	0,281378
MFN1	3,73	1,05	2,79	2,88	0,122348	0,281431
XXbac-BPG181B23.7	1,37	1,31	0,83	0,25	0,122392	0,281503

CPT1A	2,99	2,77	3,35	2,82	0,1224073	0,281509
SMARCA4	4,83	5,65	4,87	5,01	0,1224419	0,28153
PTPN4	3,18	4,72	2,23	2,88	0,1224445	0,28153
DGCR2	0,89	1,74	0,66	2,33	0,1224544	0,28153
CCNG2	2,16	0,51	1,77	1,42	0,1224689	0,281534
CTC-471J1.8	0,68	0,00	0,01	1,02	0,1225322	0,281623
SCML1	3,19	2,05	2,42	2,10	0,122533	0,281623
ZNF316	0,02	0,57	0,09	0,49	0,122556	0,281647
KLHL32	0,04	0,00	0,00	1,43	0,1225713	0,281653
RCC1	0,35	0,05	0,29	0,58	0,1226067	0,281705
CTB-13H5.1	1,56	1,95	1,56	1,19	0,1226197	0,281706
C4orf19	1,46	3,80	2,98	3,03	0,1226661	0,281783
RP11-888D10.3	0,00	0,00	0,00	1,56	0,1226963	NA
ANKRD18B	0,03	0,75	0,48	2,07	0,1227309	0,281903
RP11-552M11.8	0,67	1,00	0,71	1,49	0,1227935	0,281994
TMEM55B	4,77	6,23	4,90	4,32	0,1228048	0,281994
RP11-45A17.4	0,59	1,99	1,29	0,94	0,1228085	0,281994
AC010733.5	3,51	1,05	1,46	1,59	0,1228691	0,282082
DCK	4,54	2,56	3,46	3,47	0,1228724	0,282082
RP11-52B19.10	0,38	0,69	0,61	0,53	0,1229069	0,282115
RP11-554E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1229192	0,282115
RP3-340H11.2	2,04	0,00	0,00	0,00	0,1229249	0,282115
DYNC2LI1	1,48	0,48	1,13	0,72	0,1230039	0,282245
AC093611.1	0,16	0,00	0,17	0,00	0,1230067	0,282245
TBC1D9	4,12	3,59	4,17	3,46	0,1231138	0,282462
H1FO	1,23	1,46	2,63	2,48	0,1231658	0,282552
PACSIN2	4,04	4,51	4,97	4,57	0,1231917	0,282582
EXOG	3,56	1,38	3,19	1,56	0,1232759	0,282746
AJ006995.3	0,00	0,61	0,00	0,00	0,1233142	NA
GLTP	4,64	4,33	4,51	5,35	0,1233313	0,282844
AEBP1	0,04	0,00	0,00	0,00	0,1233329	NA
RP11-354P11.4	0,62	1,07	1,37	1,61	0,1233504	0,282858
RP11-438L7.1	3,26	4,17	3,73	3,25	0,1233679	0,282869
RP4-758J18.2	0,52	0,00	0,27	0,21	0,1233841	0,282877
RP11-295P9.3	3,78	1,15	4,68	2,96	0,1234282	0,282938
RP5-1000K24.2	0,71	0,73	0,72	0,80	0,1234361	0,282938
CTA-221G9.12	0,75	0,67	0,72	1,10	0,123502	0,28306
APCDD1	0,00	0,00	0,00	0,04	0,12351	NA
RP1-140J1.4	0,00	0,36	0,00	0,16	0,1236351	NA
AC015849.16	2,46	3,97	2,90	3,02	0,1236953	0,283453
AC011899.9	0,12	0,00	0,04	0,07	0,1236989	0,283453
ARL5A	4,84	2,67	3,43	3,50	0,1237857	0,283619
PLIN5	1,88	1,88	1,98	1,72	0,1237972	0,283619
RP11-644F5.11	0,00	0,37	0,00	0,00	0,1239157	0,283838
MAP1LC3A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,123918	0,283838
RP11-438D8.4	0,29	0,00	0,00	0,00	0,1239413	0,28385
IRF2BP1	0,19	0,21	0,86	0,33	0,123949	0,28385
TICAM2	2,44	0,21	1,60	2,65	0,1240067	0,283942
RAB39A	0,82	0,00	0,29	0,33	0,1240248	0,283942
ARHGEF5	0,00	0,93	0,00	0,00	0,1240273	0,283942
RP11-65M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1240763	0,284025
SKIV2L	3,20	3,99	4,14	3,81	0,124233	0,284337
RP11-570L15.1	3,15	0,00	1,71	0,29	0,1242385	0,284337
TIMM21	3,18	1,02	3,08	2,40	0,1242811	0,284406
SLC25A43	2,53	0,46	0,63	0,62	0,1243102	0,284443

GOLPH3L	2,48	2,43	0,64	0,99	0,1243283	0,284455
RP4-583P15.11	1,59	3,56	1,19	1,63	0,1243558	0,284465
ZBTB7B	0,47	0,68	0,61	0,90	0,1243584	0,284465
GTF2H2C	4,45	4,80	2,85	2,59	0,1243778	0,28448
RP11-57G10.8	0,23	0,00	0,25	0,41	0,1244039	0,284494
RP5-826L7.1	0,40	0,00	1,05	0,00	0,1244274	0,284494
CTD-2184C24.2	1,09	0,00	0,59	0,61	0,1244276	0,284494
SLC29A1	0,05	3,75	0,07	0,55	0,1244349	0,284494
HCG15	0,15	0,35	0,00	0,16	0,124488	NA
ZNF778	0,78	0,30	0,87	0,17	0,1245087	0,284633
LY6E	6,92	4,79	6,66	7,02	0,1245469	0,284691
TRGC1	0,00	0,00	0,00	0,44	0,1245687	0,284699
RN7SL18P	0,00	0,00	1,65	3,18	0,124586	0,284699
CALCOCO1	3,76	1,38	3,54	3,45	0,1245971	0,284699
RP11-168O16.1	0,08	0,34	0,08	0,05	0,1246014	0,284699
CTD-3216D2.5	0,36	0,35	0,90	0,93	0,1246574	0,284752
EIF4EBP2	4,37	4,35	3,99	3,60	0,1246635	0,284752
MEPE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1246788	0,284752
RPS13	10,56	10,60	10,69	10,58	0,1246829	0,284752
COQ7	3,00	2,70	3,69	4,31	0,1246987	0,284752
RP11-364B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1247059	NA
CTA-992D9.11	0,04	0,15	0,11	0,16	0,1247096	0,284752
RNMTL1	4,00	3,53	2,79	1,43	0,1247141	0,284752
RN7SL363P	1,35	0,00	1,66	0,00	0,1247345	0,284769
ACO12360.6	0,21	0,43	0,22	0,89	0,1247673	0,284789
FAM149B1	2,19	0,26	1,72	1,41	0,1247745	0,284789
ANP32B	6,26	6,37	6,35	6,43	0,124782	0,284789
RP13-20L14.1	1,03	1,75	2,49	1,82	0,1249179	0,28507
PLIN3	4,65	2,40	4,97	2,44	0,1249358	0,285082
NME3	5,27	4,88	5,76	6,11	0,1250131	0,285229
ZNF33B	3,64	1,08	2,81	3,54	0,1250576	0,285301
RP11-73M18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1250793	0,285322
OR2AG2	0,10	0,13	0,13	0,10	0,1251247	0,285396
MIR8086	1,90	2,95	3,33	3,30	0,1252403	0,285603
TNFRSF6B	0,00	0,00	0,46	0,54	0,1252454	0,285603
RP11-169L17.3	0,64	2,45	1,49	1,16	0,1252542	0,285603
CH507-9B2.1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,1253059	0,285692
RP11-973H7.3	1,52	0,67	1,43	1,61	0,1254007	0,285878
NPFF	0,00	0,36	0,00	2,54	0,1254545	0,285972
AP001062.7	0,03	0,03	0,34	0,00	0,125505	0,286042
ATF1	4,32	1,12	3,28	1,52	0,125511	0,286042
PC	0,00	0,18	0,39	2,64	0,1255298	0,286056
COL6A5	0,00	0,00	0,00	0,09	0,1255509	0,286071
CH17-335B8.6	0,08	0,18	0,17	0,00	0,1255624	0,286071
RP11-345I18.2	0,05	0,06	0,00	0,24	0,1255868	0,286097
FAM9A	0,00	0,00	0,00	0,21	0,125688	NA
RN7SL519P	0,00	0,00	0,00	0,54	0,1257241	0,286365
UBIAD1	2,95	1,49	1,86	2,00	0,1257414	0,286365
CD46	5,56	4,95	5,54	5,24	0,1257427	0,286365
LRRFIP2	4,44	4,87	4,60	4,80	0,1257802	0,286421
RP11-730A19.5	0,21	0,95	0,35	1,15	0,1258066	0,286451
C8orf33	3,82	4,76	3,59	3,89	0,1258403	0,286466
CARD16	7,81	7,65	7,87	7,90	0,1258545	0,286466
AC090044.1	0,01	0,04	0,01	0,00	0,1258594	0,286466
RHEB	5,71	2,77	5,09	5,09	0,1258648	0,286466

CDIP1	2,15	0,68	2,81	2,51	0,1258799	0,286471
ZNF761	2,64	0,92	1,71	2,20	0,1259797	0,286655
RP11-258C19.3	0,12	0,15	0,00	0,00	0,1259865	0,286655
RP11-313J2.1	0,24	0,08	0,28	0,28	0,1260147	0,28669
GPR107	2,48	1,43	2,46	2,46	0,1261652	0,287003
RNU6-254P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1261973	0,287047
CDC42EP3	3,28	4,93	4,01	3,65	0,1262288	0,287089
HNRPA1L-2	0,19	0,20	0,19	0,00	0,1262467	0,2871
FMO3	0,19	1,71	0,05	0,46	0,1263552	0,287305
RP11-549J18.1	0,65	0,73	0,31	0,77	0,1263623	0,287305
RN7SL776P	0,00	1,89	0,91	0,98	0,1265132	0,287618
MEST	0,19	0,81	0,07	1,18	0,1265422	0,287628
RBM45	4,03	2,58	3,30	1,29	0,1265433	0,287628
FAM107A	0,07	0,04	0,08	0,17	0,1265645	0,287647
PAK2	4,95	3,94	5,13	4,44	0,1266344	0,287776
ZNF362	2,20	0,26	1,51	1,07	0,1266707	0,287823
HIST1H2BC	1,65	0,00	0,00	0,00	0,1266809	0,287823
EIF4E2	6,70	4,90	6,00	5,56	0,1267593	0,287972
UBE2Q2	4,36	1,96	4,17	3,34	0,1268081	0,288053
MAGI3	0,00	0,00	0,14	0,12	0,1268245	0,288061
RP11-609N14.1	0,78	1,28	1,25	1,95	0,1268518	0,28808
TBX21	0,00	0,10	0,00	0,18	0,1268588	0,28808
FGL2	7,31	6,43	7,03	6,41	0,1269009	0,28809
DENND2D	3,98	5,19	1,68	1,74	0,1269095	0,28809
RP1-315G1.4	0,00	0,75	0,54	0,00	0,1269123	0,28809
MSH2	1,68	2,11	0,94	0,54	0,1269153	0,28809
IFNG	0,00	0,00	0,00	0,13	0,1269944	0,28824
MGA	3,14	3,90	3,02	2,68	0,1270359	0,288284
SLAIN2	2,92	1,64	2,97	3,14	0,1270393	0,288284
SLC17A7	0,27	0,70	0,38	0,07	0,1270661	0,288315
RP11-464F9.22	0,00	0,00	0,15	0,00	0,1271022	0,288346
WWC3	1,06	0,69	1,31	0,76	0,1271057	0,288346
HEXDC	3,97	5,62	4,64	4,35	0,1271378	0,288389
RP11-798L4.1	0,11	0,00	0,07	0,06	0,1271828	0,288462
LINC-PINT	5,11	5,93	5,18	5,24	0,1272127	0,2885
RP11-1149M10.1	0,00	0,00	0,00	1,00	0,1272139	NA
ANGPTL3	0,10	0,00	0,00	0,00	0,1272394	0,288531
RP11-767N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1272722	0,288576
ELOVL6	0,15	0,14	0,26	0,26	0,1273182	0,288651
AC009120.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1274429	0,288904
RP5-1100I6.2	0,00	0,00	0,02	0,00	0,1274532	NA
RP11-6D1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1274678	NA
AC140481.7	0,00	0,00	0,00	0,22	0,1275436	NA
FASTKD1	4,15	5,30	4,40	4,91	0,1275464	0,28911
SPRED2	0,21	0,47	0,18	0,00	0,1275757	0,289146
RP3-395M20.8	0,96	1,91	0,91	1,25	0,1275888	0,289147
RP11-481H12.1	0,00	0,41	0,00	0,00	0,1276104	0,289166
USP32P3	0,90	1,09	1,33	1,07	0,1276396	0,289203
SUGP2	5,47	6,11	5,55	5,44	0,1276704	0,289238
CBL	3,81	1,87	3,37	2,24	0,1276812	0,289238
ACTR1A	4,91	3,12	4,83	4,87	0,1277059	0,289265
RP11-792A8.3	0,82	0,00	0,52	6,29	0,1277627	0,289364
MROH7	0,64	0,32	0,66	1,05	0,1277816	0,289377
RP11-70L8.4	0,47	0,18	0,19	0,15	0,1278458	0,289458
PTENP1-AS	0,46	0,21	0,08	0,00	0,127854	0,289458

LINC00649	2,33	4,49	2,39	3,30	0,1278566	0,289458
GIMAP2	4,61	2,99	5,05	4,76	0,1278776	0,289476
RP11-652L8.2	0,64	2,17	1,38	0,85	0,1279265	0,289558
CEP170	5,84	5,84	5,88	5,02	0,1279566	0,289596
ZNF432	1,62	0,59	1,19	1,04	0,1279786	0,289617
C19orf60	6,58	6,46	7,03	6,12	0,1280186	0,289678
RP11-916L7.1	0,75	2,07	0,85	1,38	0,1280499	0,289719
METTL2A	2,63	2,37	2,06	1,48	0,1280791	0,289755
CLEC2A	0,00	0,18	0,00	0,00	0,1281131	0,289783
KCND2	0,00	0,05	0,00	0,00	0,1281671	0,289783
CBWD6	3,95	2,90	4,48	5,64	0,1281856	0,289783
RP11-379I19.3	1,75	0,00	0,36	0,67	0,1281865	0,289783
RP11-838N2.4	3,68	2,23	4,38	4,82	0,1281869	0,289783
DHODH	2,96	1,03	1,60	0,84	0,1281898	0,289783
LMNB1	2,84	1,27	3,22	1,00	0,1282023	0,289783
C16orf88	1,54	2,23	2,68	1,64	0,128214	0,289783
ORA1	3,74	3,99	4,27	5,00	0,1282142	0,289783
AF127577.11	2,11	0,81	2,97	0,37	0,1282215	0,289783
LYRM9	0,20	0,27	0,35	3,35	0,1282953	0,28992
FBXO34	3,64	1,72	2,90	1,70	0,1283222	0,289951
RP11-204C16.4	0,22	0,00	0,00	0,00	0,1283659	NA
RIOX1	0,45	0,11	0,52	0,55	0,1284134	0,290119
QTRT2	4,95	5,16	5,41	3,61	0,1284368	0,290119
RN7SL274P	0,00	0,00	0,00	1,15	0,1284515	0,290119
RP11-452L6.1	0,78	0,53	0,00	2,36	0,1284833	0,290119
RP11-375H19.2	0,30	0,44	0,34	0,48	0,1284897	NA
DCLRE1C	4,75	3,23	3,87	3,17	0,1284944	0,290119
CTD-2561B21.8	0,20	1,29	1,15	1,26	0,1284954	0,290119
IGF2BP2	1,88	1,80	2,54	1,67	0,1285116	0,290119
E2F2	0,62	0,21	0,24	0,69	0,1285117	0,290119
AC092159.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1285138	0,290119
RP11-722A15.2	0,18	0,87	0,15	0,47	0,1285297	0,290125
AC015922.6	0,00	0,00	0,08	0,20	0,1286194	0,290283
RP11-75C10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1286257	0,290283
CDH17	0,65	0,50	0,38	0,35	0,1286564	0,290323
PACRGL	3,50	0,74	2,58	4,70	0,1286702	0,290324
MEIS2	0,17	0,43	0,15	0,37	0,1287124	0,29039
IFFO2	0,43	1,49	1,17	0,87	0,1287817	0,290517
RP11-323F5.1	0,85	0,34	0,00	0,00	0,1288463	0,290579
TTL9	0,19	0,13	0,33	0,14	0,1288614	0,290579
RP11-395A13.2	2,20	0,45	2,82	2,53	0,1288688	0,290579
MAML2	0,43	1,27	0,65	0,73	0,1288713	0,290579
RP11-429G19.3	1,31	0,00	0,00	0,00	0,1288746	0,290579
ABI1	5,45	3,18	4,67	4,20	0,1289035	0,290615
GRPEL2	1,38	0,06	0,45	0,69	0,1290336	0,290878
FMO1	0,00	0,00	0,00	0,13	0,1290535	NA
TTC1	4,98	5,97	5,05	4,28	0,1290646	0,290893
ARL14EP	5,13	4,39	4,89	3,04	0,1290663	0,290893
RP11-96D1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1290919	0,290922
RNU6-455P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1291286	0,290946
C9orf37	0,81	1,23	1,42	2,78	0,129132	0,290946
CTC-484P3.1	0,20	0,24	0,32	4,00	0,1291418	0,290946
RBKS	2,20	3,34	2,66	3,44	0,1292436	0,291116
RP11-521L9.2	2,09	0,00	0,98	0,00	0,1292569	0,291116
MN1	0,00	0,00	0,01	0,67	0,1292688	0,291116

SHISA5	5,71	4,97	5,87	5,59	0,1292716	0,291116
MOSPD2	4,00	3,77	3,99	4,60	0,1292883	0,291116
CHRNA5	0,05	0,23	0,10	0,23	0,129296	0,291116
RP11-314N13.9	0,41	0,23	0,50	0,30	0,1293362	0,291177
RP11-815J21.3	2,63	0,00	0,18	0,29	0,1294122	0,291318
RP1-140K8.5	0,13	0,36	0,19	0,24	0,1294491	0,291372
VAV1	4,59	4,05	4,57	5,16	0,1294877	0,291429
KAZN	0,08	0,18	0,06	0,36	0,1295023	0,291433
RFK	3,39	1,88	3,41	2,03	0,1295684	0,291552
CDCP1	0,80	0,31	0,86	0,48	0,1296036	0,291602
TGDS	3,60	3,34	1,77	1,30	0,1296864	0,291758
GPR83	0,51	0,36	0,31	0,24	0,1296993	0,291758
IFI44	7,11	4,68	6,90	6,16	0,1297416	0,291823
CTC-523E23.11	0,00	0,00	0,00	0,57	0,1297622	0,29184
NT5DC3	1,95	0,72	2,34	1,16	0,1298031	0,291903
SH3GL1P1	0,27	0,30	1,58	0,00	0,1299532	0,292211
AC004112.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1300559	0,292403
CDC14A	3,55	3,43	3,02	0,74	0,130065	0,292403
PNCK	0,32	1,18	0,62	0,00	0,1301478	0,292559
FBXO16	1,60	2,25	1,53	2,29	0,1301689	0,292577
SERPINF2	1,32	0,24	0,72	0,20	0,1302205	0,292664
MANSC1	0,48	0,70	0,45	0,50	0,1302528	0,292688
RP1-156L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1302577	0,292688
RP11-391M1.3	1,59	2,15	2,22	3,23	0,1303094	0,292759
USMG5	7,43	7,51	7,21	7,20	0,1303155	0,292759
SIAH2	3,37	4,91	3,35	2,61	0,1303612	0,292832
ZXDB	0,87	0,15	0,74	0,08	0,130425	0,292906
ERBB2	0,59	1,11	0,70	0,96	0,1304535	0,292906
RP11-826N14.7	0,00	0,00	0,01	0,00	0,1304565	0,292906
POU5F1	0,39	0,87	0,33	0,37	0,1304569	0,292906
RP11-36B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1304601	0,292906
CTD-2262B20.1	0,00	0,00	1,60	0,00	0,1304917	0,292942
STARD3NL	4,36	5,65	4,31	3,02	0,130512	0,292942
ZNF786	0,23	0,28	0,39	0,09	0,1305158	0,292942
RP11-2E11.6	0,06	0,05	0,07	0,14	0,1305581	0,293004
OSTM1	3,87	3,91	4,19	3,58	0,1305699	0,293004
RP11-340F14.6	0,69	1,62	1,80	2,54	0,1306522	0,29315
B3GNT8	0,00	0,00	0,00	2,99	0,1306612	0,29315
RP11-517I3.2	0,24	0,07	0,48	0,50	0,1306757	0,293153
KPNA5	2,85	2,33	2,14	1,79	0,1307198	0,293222
RP11-539L10.3	1,79	1,11	1,13	0,91	0,1307829	0,293334
IL34	0,00	0,30	0,00	0,00	0,1308471	0,293439
ANXA8	0,35	0,39	0,05	0,00	0,1308562	0,293439
WISP3	0,18	0,65	0,21	0,50	0,1309074	0,293525
PI4K2B	1,62	0,11	0,83	1,84	0,1309436	0,293576
AP002954.3	0,10	0,21	0,40	0,36	0,130999	0,293671
HPD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1310603	0,293779
RP11-260O18.1	0,00	0,00	0,03	0,65	0,1311029	0,293821
ZDHHC2	2,57	0,91	2,18	1,94	0,1311085	0,293821
FOLR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,131119	0,293821
MTX2	5,00	4,47	2,68	1,26	0,131152	0,293858
AC017076.4	0,80	2,08	1,31	1,35	0,1311618	0,293858
SP140L	4,58	4,91	3,72	3,51	0,131253	0,29402
RP11-98L5.2	0,12	0,92	0,32	0,44	0,1312608	0,29402
MTMR10	3,97	3,36	2,75	2,69	0,131278	0,294029

HOXB-AS1	0,00	0,00	0,41	0,84	0,1313308	0,294118
RP11-360N9.3	0,66	0,58	1,02	1,27	0,1313837	0,29418
RP11-441O15.3	0,03	0,00	0,05	0,04	0,1313847	0,29418
RP11-854K16.4	0,00	0,54	0,00	0,14	0,1314096	0,294206
MYADM	5,36	5,49	5,48	4,95	0,1314564	0,294213
HERC2P3	2,12	1,27	0,85	1,62	0,1314653	0,294213
FGD4	4,43	3,85	4,91	4,75	0,1314707	0,294213
ZNF384	2,40	0,53	0,36	0,13	0,131472	0,294213
RP11-69L16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1314792	0,294213
SLC7A6	3,93	4,08	3,64	1,43	0,1315106	0,294248
RP11-356M20.1	4,77	1,93	4,00	2,44	0,131521	0,294248
NAT16	0,09	0,42	0,20	0,18	0,1315572	0,294299
ST6GAL1	3,77	3,57	4,15	2,75	0,1316501	0,294477
C5orf24	2,84	1,95	2,19	1,76	0,1317877	0,294714
ENPEP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,131799	0,294714
SSX5	0,49	0,00	0,34	0,00	0,1317991	0,294714
TNNI2	5,01	1,76	4,51	4,49	0,1318089	0,294714
RP11-20B24.4	0,27	2,04	0,67	0,00	0,1318397	0,294753
FAM78A	1,73	0,68	2,30	0,54	0,1319745	0,295025
GSDMC	0,00	0,05	0,03	0,05	0,1319802	NA
SNRNP70	1,00	2,18	2,10	2,43	0,1320729	0,295215
FBXO5	2,11	0,39	0,40	0,31	0,1321411	0,295324
HID1	0,13	0,69	0,00	0,68	0,1321624	0,295324
PARP12	4,58	3,52	4,35	4,95	0,1321695	0,295324
RP3-468B3.2	0,66	1,12	0,72	0,50	0,1321776	0,295324
KCNQ1	2,59	1,33	2,91	2,86	0,1321883	0,295324
PUM2	4,58	2,32	4,07	3,46	0,1322147	0,295353
RP11-297C4.6	0,70	4,19	0,54	0,00	0,1323099	0,295507
WDR83OS	7,79	7,58	7,85	7,78	0,1323115	0,295507
ABC12-49244600F4.4	0,38	2,81	0,20	0,97	0,1323232	0,295507
RPL6	10,63	10,44	10,50	10,06	0,1323581	0,295538
SLC26A6	2,53	0,79	2,64	2,76	0,1323636	0,295538
RP11-292F9.1	0,11	0,37	0,18	0,11	0,1324625	0,295729
UROS	5,58	3,93	5,35	3,01	0,1325617	0,29592
RP11-73M7.10	3,65	3,36	3,95	3,72	0,1325936	0,295962
CTD-3064H18.6	0,00	1,17	0,59	0,00	0,1326327	0,296019
RAPH1	0,33	0,00	0,61	0,26	0,132722	0,296189
CTB-131B5.2	1,18	0,46	0,98	0,96	0,1327456	0,296212
RP11-546O6.4	0,54	0,50	0,55	1,54	0,1327771	0,296251
MCM7	4,63	2,44	4,08	4,94	0,132798	0,296251
AC093726.4	0,02	0,24	0,07	0,06	0,132803	0,296251
APEX2	1,80	1,93	2,08	1,05	0,1328345	0,296264
RP11-306G20.1	0,72	0,25	0,69	0,65	0,1328356	0,296264
IGLV3-10	0,00	3,36	0,00	0,00	0,1329044	0,296388
RNU4-40P	1,57	0,00	3,78	1,44	0,1329198	0,296392
OTUD1	4,56	5,47	4,89	4,47	0,1329348	0,296396
MCL1	6,88	6,57	6,97	6,70	0,1330557	0,296636
RP6-91H8.1	0,00	1,88	0,36	0,94	0,1330839	0,296669
CARD11	0,26	2,07	0,04	1,88	0,1331679	0,296826
TCF3	3,27	4,81	3,32	4,35	0,1331897	0,296827
RN7SL317P	1,31	2,39	2,05	2,27	0,133195	0,296827
ZNF461	1,30	0,42	0,97	2,47	0,1332899	0,297009
NIT2	5,76	2,46	4,84	4,47	0,1333404	0,297066
RP11-539L10.5	0,09	0,00	0,12	0,57	0,133342	0,297066
CTD-3239E11.2	0,00	0,00	0,09	0,00	0,1333875	NA

MYO15A	1,09	1,62	1,23	1,71	0,1333989	0,297163
RP11-637N19.1	0,25	0,32	0,21	0,45	0,1334154	0,297169
GALNT13	0,00	0,02	0,00	0,04	0,1334411	0,297172
FAM83H	0,02	0,14	0,04	0,02	0,133459	0,297172
GPR158	0,61	0,00	0,37	0,04	0,1334834	0,297172
CTD-3092A11.2	2,24	0,98	1,33	1,28	0,1334855	0,297172
COQ3	1,06	0,12	0,36	0,31	0,1334858	0,297172
CCSAP	1,93	0,94	2,45	1,98	0,1334966	0,297172
ERLIN1	3,11	3,83	2,18	3,91	0,1336032	0,297369
FBXO48	0,68	0,73	0,69	1,14	0,1336248	0,297369
PLA2G7	0,15	0,00	1,18	1,37	0,1336256	0,297369
OR7E94P	1,26	2,91	1,64	1,62	0,1336695	0,297437
NDUFA10	7,34	6,39	6,91	6,42	0,1336878	0,297447
HAUS1	4,97	4,86	4,36	4,38	0,1337006	0,297447
STX18	4,90	4,05	3,69	2,64	0,1337297	0,297482
RP11-314A20.5	0,00	0,00	0,11	0,00	0,1337729	0,297548
STRN3	3,86	5,12	3,85	3,49	0,1337948	0,297551
INPP1	0,44	1,84	3,77	1,49	0,1338007	0,297551
SNX6	5,85	4,71	5,01	5,22	0,1338213	0,297567
RP11-448G15.3	0,14	0,00	0,16	0,60	0,1338418	0,297583
RP11-713N11.4	0,78	0,42	0,00	1,06	0,1339281	0,297745
RP3-329A5.8	0,14	0,06	0,13	0,03	0,1339924	0,297834
ARSA	4,43	5,51	4,02	3,80	0,1339951	0,297834
DAGLB	4,86	4,01	4,88	4,29	0,1340535	0,297934
AC055764.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1340788	0,297956
RP11-791I24.4	0,36	0,00	0,68	0,00	0,1340903	0,297956
RP11-175P19.1	0,00	0,00	0,18	0,00	0,1341132	0,297977
TNFAIP8	6,29	5,01	5,30	4,26	0,1341426	0,298013
RP11-27M15.1	0,22	0,47	0,15	0,28	0,134187	0,298056
RP11-404O13.5	2,10	2,96	2,34	1,34	0,134189	0,298056
NPIPB3	6,76	4,52	5,75	4,89	0,1342384	0,298136
GIMAP6	0,25	0,21	1,03	1,85	0,1342887	0,298218
DPEP3	0,00	0,00	0,00	0,08	0,1343121	0,29824
RP11-163G10.3	1,39	2,41	1,66	0,00	0,1343585	NA
RP11-184D12.1	0,26	0,52	0,33	0,53	0,1344506	0,298518
LEAP2	0,49	0,08	0,38	0,28	0,134489	0,298571
GDAP2	4,26	1,15	3,44	3,12	0,1345015	0,298571
XG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,134555	0,29866
RP11-115I23.1	1,42	0,57	1,29	1,39	0,1345683	0,29866
RP11-77O11.5	2,52	0,00	2,28	0,00	0,1346151	0,298734
PTGFRN	0,78	2,75	1,83	0,06	0,134658	0,298799
AC006946.16	0,51	1,57	0,67	1,33	0,1346744	0,298806
FKBP1B	0,00	1,58	0,24	0,00	0,1347793	0,299009
TRAF3IP1	0,67	1,09	0,69	0,55	0,134812	0,299051
CTC-444N24.8	0,17	0,00	0,42	1,74	0,1348636	0,299136
SFXN3	2,33	2,94	3,17	2,63	0,1348771	0,299136
FST	0,00	0,05	0,00	0,00	0,1349094	NA
RP11-124D2.7	0,16	0,22	0,53	0,27	0,1350007	0,29938
RNASE3	0,00	0,24	0,00	0,45	0,1350244	0,299403
RP11-729I10.2	0,00	0,00	0,00	0,37	0,1350379	0,299403
KB-1471A8.1	0,50	0,83	0,64	0,69	0,1350564	0,299414
MAT2A	7,10	5,55	6,82	6,31	0,1351025	0,299487
SMAD6	0,00	0,00	0,00	0,08	0,1351399	0,299536
CTD-2357A8.2	0,00	0,00	0,14	0,00	0,1351517	0,299536
GNPAT	4,15	3,82	4,43	2,72	0,1351719	0,299551

DOC2GP	0,00	0,73	0,00	0,00	0,1352046	0,29957
HMBS	5,15	6,28	4,44	4,64	0,1352109	0,29957
RP11-380N8.4	0,03	0,00	0,09	0,74	0,1352209	0,29957
TMEM97	3,92	2,51	3,16	0,31	0,1352678	0,299608
RP11-762L8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1352727	0,299608
CDK14	1,98	0,50	2,26	0,60	0,1352951	0,299608
RP11-76I7.1	0,14	0,36	0,20	0,25	0,1353032	0,299608
PANX2	0,00	0,12	0,00	0,00	0,1353057	0,299608
HAUS8	0,88	3,73	3,10	3,73	0,1353438	0,299629
RP11-697M17.1	0,64	0,48	0,49	0,38	0,1353503	0,299629
RNFT2	0,65	0,53	0,81	0,79	0,1353556	0,299629
SYCP2	0,54	2,41	0,07	0,06	0,1353818	0,299657
FAM66E	0,00	0,00	0,00	0,24	0,1354147	0,2997
RP11-536C10.3	0,00	3,85	0,00	0,00	0,1354635	0,299779
PPIL4	4,27	3,27	4,08	3,16	0,1354803	0,299786
AC079354.3	0,38	0,58	0,46	0,54	0,1355714	0,299958
CHRNA2	2,53	0,39	1,53	0,38	0,1356276	0,300052
AC009120.4	1,38	1,42	1,61	2,08	0,1356621	0,300098
RNU6-890P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1356702	NA
CLMP	0,35	0,59	0,38	0,24	0,1356907	0,300132
AC079630.4	0,07	0,00	0,63	0,00	0,1357065	0,300137
RP11-638I2.10	3,04	0,00	1,87	0,00	0,1357695	0,30024
SCAP	3,56	4,06	4,22	4,03	0,1357802	0,30024
NT5C3B	3,35	1,22	4,12	4,05	0,135795	0,300243
CA1	0,09	0,39	0,71	0,38	0,1358137	0,300255
RP11-267M23.3	0,35	1,71	2,30	2,66	0,1359169	0,300415
AAAS	4,48	2,59	2,95	2,65	0,1359214	0,300415
MRM1	0,00	2,27	0,00	0,00	0,1359267	0,300415
PPP1R15B	3,80	3,58	3,94	3,84	0,1360504	0,300658
ACSF3	3,67	5,97	4,43	3,48	0,1361247	0,300754
EIF4A3	7,46	6,53	6,75	6,35	0,1361429	0,300754
ZNF324B	0,00	0,00	0,17	0,45	0,1361469	0,300754
RN7SKP283	0,00	0,00	0,00	0,00	0,136148	0,300754
SYN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1361998	0,300793
PRKAB2	2,50	0,34	1,46	1,72	0,1362051	0,300793
PORCN	1,44	0,49	0,94	1,65	0,1362061	0,300793
FAM126B	2,95	1,73	2,24	3,38	0,1362384	0,300834
STX5	2,72	2,01	3,05	4,15	0,1362622	0,300857
RP11-375F2.2	0,82	1,11	0,90	1,15	0,136288	0,300884
RP11-39K24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1363896	0,301079
CTD-2324F15.2	0,09	0,29	0,22	0,23	0,1364092	0,301092
RP11-682B13.2	0,00	0,00	0,00	0,47	0,1364263	NA
SDK1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,136457	NA
ABCC9	0,80	0,91	0,68	0,75	0,1364796	0,301217
FGF8	0,47	0,00	0,60	0,53	0,1365015	0,301236
HSPA5	6,40	6,07	5,70	5,17	0,1365456	0,301303
MED26	1,24	0,10	0,75	0,06	0,1366029	0,3014
CTD-2547H18.1	0,00	0,38	0,32	0,00	0,136618	0,301403
TADA2B	2,69	2,38	1,57	3,22	0,1368009	0,301767
NEK11	0,00	1,33	0,56	0,06	0,1368102	0,301767
RP11-686D22.8	1,16	0,00	0,31	0,60	0,1368724	0,301875
CTD-2033D15.3	0,00	0,00	0,00	0,40	0,1369009	0,301901
COL8A2	1,66	0,36	0,32	0,63	0,1369115	0,301901
RP11-340I6.13	1,06	0,30	1,40	1,16	0,1369276	0,301906
C14orf119	6,57	4,33	5,50	5,00	0,1370951	0,302246

CTD-2349P21.10	2,18	0,00	0,71	1,37	0,1371111	0,302251
RP11-206L10.2	1,54	1,60	1,60	1,89	0,1371873	0,302389
MT-TP	8,21	7,85	7,65	9,07	0,1372729	0,302511
TM2D3	5,19	5,51	4,17	4,69	0,1372792	0,302511
CTD-2653D5.1	0,74	0,33	1,10	0,82	0,1372837	0,302511
FAM223A	1,27	2,07	0,43	0,53	0,1373254	0,302543
ASF1A	4,28	2,98	3,55	1,57	0,137327	0,302543
CASK	2,65	4,55	2,36	2,15	0,1373547	0,302543
NPAS3	0,00	0,04	0,00	0,09	0,1373551	0,302543
BRD2	6,04	5,85	5,93	5,95	0,1373659	0,302543
RP11-284L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1374241	0,302612
RP11-568N6.1	0,32	3,07	0,29	0,32	0,1374247	0,302612
ZNF407	2,37	1,10	2,38	2,75	0,1374891	0,302724
RP11-946L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1375241	0,302771
RP11-417O11.5	0,43	0,00	0,37	0,00	0,1375275	NA
EXOC2	3,55	2,45	2,97	3,22	0,1375602	0,30282
ELF4	3,22	1,44	3,30	2,21	0,1376074	0,302894
MRPL51	6,79	7,12	6,59	7,05	0,1377053	0,303064
RP11-529E15.1	3,17	3,08	3,69	3,33	0,1377116	0,303064
TRIM2	0,56	0,94	0,72	0,35	0,1377428	0,303102
ZNF821	1,77	4,82	1,07	2,75	0,1377626	0,303116
RP11-297K7.2	0,00	0,00	0,00	4,57	0,1377858	0,303137
NPEPPS	5,07	3,64	5,05	5,40	0,1378088	0,303158
MSLN	1,15	0,15	0,00	0,00	0,1378304	0,303175
RPSA	9,95	10,19	9,99	9,63	0,1378622	0,303215
TDGF1P3	0,00	0,14	0,00	0,13	0,1378972	0,303262
RP11-628M2.1	0,50	3,12	0,88	1,67	0,1379726	0,303388
FDX1	2,90	4,03	3,26	1,73	0,137982	0,303388
PTAFR	4,44	4,64	5,19	4,73	0,138004	0,3034
TGIF2	2,71	3,69	3,06	2,29	0,1380238	0,3034
HDAC10	0,71	1,56	0,86	0,62	0,1380284	0,3034
RP11-796E2.4	2,08	2,09	2,23	3,44	0,1380866	0,303498
SNRNP48	3,46	2,40	2,78	1,31	0,1382537	0,303836
EP300	5,69	4,68	5,16	5,63	0,1383057	0,30392
RP11-519M16.1	0,00	2,35	0,00	0,06	0,1383392	0,303963
RHOXF2	0,14	0,10	0,14	0,14	0,1383901	0,304011
CTD-3110H11.3	1,53	1,01	1,94	2,00	0,138391	0,304011
OR5AN1	0,44	0,39	0,62	0,96	0,1384114	0,304011
ILF3	5,51	6,43	5,66	5,06	0,1384218	0,304011
HYDIN2	0,00	0,01	0,00	0,03	0,1384291	0,304011
RN7SL353P	0,00	0,00	1,05	1,49	0,1384728	NA
MIR1290	0,00	0,00	0,00	3,27	0,1384747	0,304081
AP3S2	3,22	1,01	3,97	1,99	0,1385089	0,304126
OR2L3	0,50	0,38	0,43	1,79	0,1385579	0,304203
RP11-260M2.1	4,75	2,06	2,15	1,03	0,1385932	0,304237
RP11-127B20.3	0,40	0,00	1,00	3,66	0,1386009	0,304237
CTD-2540B15.12	0,00	0,00	0,00	0,42	0,1386087	NA
RNF214	3,09	2,59	1,97	3,84	0,1386603	0,304324
RP11-33B1.1	5,09	2,85	3,83	2,40	0,1386678	0,304324
RN7SKP181	3,25	0,00	3,05	1,13	0,1387248	0,304392
PLPP7	0,10	0,06	0,20	0,38	0,1387262	0,304392
ZNF527	0,64	0,68	0,46	0,84	0,1387803	0,304408
AC087590.3	2,39	2,37	2,44	1,07	0,1387921	0,304408
IFNGR2	4,72	4,51	5,48	5,94	0,1387921	0,304408
ZBTB40	1,99	0,45	1,30	1,67	0,1387977	0,304408

ZNF133	1,02	0,58	0,50	3,06	0,1388019	0,304408
SQLE	3,86	0,77	2,84	1,52	0,1389277	0,304654
RP11-84C10.2	0,00	0,77	0,67	2,13	0,1390202	0,304827
RN7SKP78	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1391769	0,305129
CTD-2269F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1391856	0,305129
MRPL12	5,48	6,17	6,09	5,48	0,1392116	0,305156
RP11-797A18.6	0,78	0,00	2,74	3,55	0,1392326	0,305167
RP4-737E23.5	0,18	0,35	0,20	0,15	0,1392439	0,305167
SCG2	0,00	0,63	0,00	0,00	0,1392647	0,305182
HDAC6	4,03	3,26	4,86	3,97	0,1393265	0,305288
RP11-474D1.1	0,86	0,72	1,82	1,43	0,1393435	0,305295
HMCE5	3,80	0,10	3,27	0,86	0,1393788	0,305331
WDR59	4,10	2,07	3,89	3,98	0,1393875	0,305331
ADAM9	2,78	2,05	2,89	3,33	0,1394464	0,305423
ATXN10	6,45	5,94	5,96	4,75	0,1394572	0,305423
RP11-356I2.4	3,84	1,38	3,55	3,06	0,1394897	0,305437
ORC5	1,37	1,52	2,10	0,87	0,1394907	0,305437
NPIPB9	1,05	1,11	0,77	0,96	0,1395302	0,305493
ZSCAN25	1,15	0,50	1,21	0,79	0,1395534	0,305514
C12orf60	0,34	0,65	0,18	0,60	0,1395699	0,30552
FBXO41	2,09	3,25	1,64	0,24	0,1396235	0,305607
RP11-432D3.1	0,24	0,58	0,20	0,29	0,1396638	0,305658
C1QTNF3	0,17	0,10	0,04	0,00	0,139688	0,305658
RP11-379K17.7	0,90	1,18	1,80	1,64	0,1396926	0,305658
CASP7	3,55	2,29	1,04	3,33	0,1397017	0,305658
CEACAMP10	0,00	0,00	0,00	0,49	0,1397921	0,305825
GHDC	1,24	1,06	1,62	1,81	0,1398746	0,305976
RP11-705C15.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,1399053	NA
HPSE2	0,00	0,52	0,00	0,00	0,139942	NA
TYW1B	0,48	0,00	0,66	0,51	0,1399857	0,306159
OR52I1	0,72	0,85	0,43	0,81	0,1399886	0,306159
TUBGCP5	3,62	1,50	3,02	4,22	0,1399998	0,306159
SCRN1	4,54	2,33	3,77	4,23	0,1400342	0,306174
TMEM234	2,12	1,63	0,70	0,26	0,1400342	0,306174
MIR17HG	0,36	0,00	0,11	0,00	0,1401165	0,306295
ACO11322.4	0,00	0,40	0,42	0,67	0,1401169	0,306295
ZBTB22	0,12	0,41	0,35	1,33	0,1401464	0,306329
CTSW	4,75	3,30	3,83	4,33	0,1401714	0,306353
MPG	5,60	4,17	5,48	4,72	0,140188	0,306355
RP11-457I16.2	0,00	0,38	0,00	0,00	0,1401997	0,306355
SPAG8	0,00	1,34	0,00	3,15	0,1402432	0,30642
REEP5	7,13	5,75	6,54	5,83	0,1402873	0,306436
RAB11FIP2	2,40	1,61	2,69	1,75	0,1402887	0,306436
ZIC3	0,00	0,33	0,00	0,00	0,1402918	0,306436
RRP12	4,15	5,32	4,33	3,83	0,1403818	0,306545
AC009506.1	0,77	0,00	0,13	0,20	0,1403832	0,306545
A2ML1	1,41	1,71	1,22	1,18	0,1403957	0,306545
RP11-145P16.2	2,40	3,06	2,64	2,68	0,140397	0,306545
HMHA1	6,52	7,32	6,92	6,76	0,140417	0,306559
ARNT2	0,13	0,88	0,25	0,74	0,1404792	0,306664
RP11-65J21.4	0,00	0,60	0,00	0,00	0,1405231	0,30673
LETM2	2,68	4,18	3,32	3,01	0,1405556	0,306771
POLR1C	4,83	3,03	4,15	2,21	0,1406186	0,306871
ERCC6L	0,07	0,00	0,09	0,05	0,1406289	0,306871
RP11-87N24.2	0,04	0,00	0,11	0,13	0,1407145	0,307027

GS1-251I9.4	3,57	2,33	2,20	2,75	0,1407483	0,307071
POLH	0,47	0,13	0,43	1,04	0,1407786	0,3071
FAM209B	0,00	0,73	0,00	1,15	0,1407994	0,3071
MAP3K12	0,85	3,69	1,02	1,00	0,1408031	0,3071
B4GALT3	4,42	5,38	4,21	3,14	0,1408554	0,307155
NISCH	3,52	4,55	3,67	3,60	0,1408561	0,307155
MYLK4	0,04	0,39	0,05	0,45	0,1408704	0,307156
SYT8	0,04	0,21	0,05	0,03	0,1409015	0,307194
FBXO31	1,41	0,24	0,12	0,11	0,1409324	0,307211
RNU2-55P	1,09	0,00	1,75	0,00	0,1409519	0,307211
RP11-531A24.3	0,54	0,38	0,44	1,17	0,1409558	0,307211
RNU6-638P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1409646	0,307211
RP11-706P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1409844	0,307224
TBKBP1	0,12	0,00	0,51	0,14	0,1410477	0,307332
RNASSP371	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1410791	0,30737
SNORA33	6,95	0,00	4,40	0,00	0,1410952	0,307375
RP11-326G21.1	0,00	0,00	0,63	0,40	0,1411375	0,307437
PIGX	2,97	1,11	2,11	1,09	0,1412081	0,307532
PRSS8	0,68	0,92	0,53	1,08	0,1412088	0,307532
CTC-499B15.6	0,34	0,00	0,47	1,28	0,1412502	0,307592
NUDT4	3,27	4,41	3,00	2,59	0,141295	0,30766
APITD1-CORT	0,00	1,62	0,00	0,00	0,1413284	0,307689
CAMSAP2	0,06	0,03	0,26	0,57	0,1413363	0,307689
ARHGAP22	2,76	2,82	2,49	2,85	0,1413523	0,307694
RP11-335E6.3	0,14	0,65	0,00	0,22	0,1414499	0,307876
MIR3180-1	0,15	0,00	0,10	0,86	0,1415023	0,307936
MOGAT3	1,13	1,64	1,15	1,22	0,1415052	0,307936
RP11-4F22.3	0,00	0,49	0,08	0,53	0,1415643	NA
INPP4A	3,96	2,69	3,49	4,04	0,1415658	0,30803
USE1	4,73	3,85	5,07	5,13	0,1415844	0,30803
IFIT2	4,11	1,23	3,70	3,27	0,1415965	0,30803
ATG12	5,50	3,50	5,03	4,25	0,1416269	0,30803
CEP63	5,04	4,91	4,27	4,04	0,1416307	0,30803
NEURL1	1,15	0,30	0,96	0,71	0,1416312	0,30803
RP13-942N8.1	0,75	0,68	1,26	0,86	0,141692	0,308132
OR4F15	0,08	0,23	0,06	0,40	0,1417059	0,308132
RP11-5O24.1	0,41	0,45	0,68	0,56	0,1417738	0,30822
TBC1D1	6,41	5,25	5,97	5,63	0,1417741	0,30822
VPS28	7,75	8,25	7,64	7,25	0,1418137	0,308264
SPHK1	0,15	2,35	0,71	1,39	0,1418382	0,308264
RN7SL656P	1,69	1,16	2,79	1,06	0,1418461	0,308264
TMSB4X	13,94	13,69	13,67	13,13	0,1418525	0,308264
RP11-719K4.6	2,61	0,00	1,32	1,14	0,1418637	0,308264
GDI1	2,50	1,81	2,69	2,82	0,141882	0,308273
RP11-315A16.1	0,00	1,22	0,00	3,56	0,1419478	0,308386
RP11-407N17.5	0,00	0,00	0,41	0,24	0,1420859	0,308656
CHCHD8	5,90	5,49	5,91	4,77	0,1421407	0,30873
EXOC6B	1,30	0,13	0,63	1,08	0,1421513	0,30873
NR1H4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1421618	0,30873
SLC22A16	2,00	0,15	1,94	2,17	0,1422833	0,308964
RP11-82O18.2	2,61	0,00	1,32	1,14	0,1423159	0,308997
RP11-810M2.2	4,09	5,22	5,17	3,95	0,1423293	0,308997
RP11-347C12.1	3,00	2,32	2,56	2,29	0,1423404	0,308997
TMEM241	0,66	1,38	1,30	0,90	0,1424523	0,30921
AF277315.18	1,27	2,07	0,43	0,53	0,1424671	0,309212

GORAB	2,41	1,15	1,03	0,43	0,1424954	0,309231
CTC-429P9.1	1,43	2,61	2,64	2,98	0,1425036	0,309231
RP11-542C16.2	0,00	0,00	0,00	0,15	0,1425224	NA
BICD2	4,06	2,93	3,71	2,73	0,1426018	0,309414
CBWD3	4,72	4,49	4,38	5,10	0,1426302	0,309445
RP11-840I19.3	0,00	0,00	0,00	1,07	0,142662	0,309484
PPP1R16A	4,73	3,51	3,83	1,83	0,1426947	0,3095
ARL6IP5	7,23	7,38	6,76	6,67	0,1427314	0,3095
PAIP1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1427315	0,3095
ZNF721	3,54	4,29	3,70	2,21	0,1427601	0,3095
RP11-718D19.1	2,86	3,02	2,73	1,48	0,1427615	0,3095
ZMYND8	3,49	4,39	3,62	3,54	0,1427643	0,3095
RP11-309N17.4	1,77	2,03	2,02	2,52	0,1427668	0,3095
CTD-2260A17.1	0,15	1,52	0,79	0,68	0,1427837	0,309506
RP11-880O3.1	0,00	0,24	0,24	0,25	0,1428555	NA
ANGPTL4	0,16	0,00	0,26	0,00	0,1428682	0,309659
ZNRF2	2,70	2,54	2,12	0,68	0,14298	0,309871
RP5-965G21.4	0,47	1,30	0,28	0,38	0,1430337	0,309958
TPTE2P1	0,00	0,23	0,00	0,29	0,1430486	0,30996
RP11-314N13.4	1,89	1,40	1,51	1,36	0,1431055	0,310053
NEDD1	3,58	1,07	1,65	2,41	0,1431797	0,310183
RP11-353N14.4	0,17	0,32	0,18	0,37	0,1432086	0,310191
SIGLEC17P	2,25	0,11	0,17	0,00	0,1432112	0,310191
SYNJ1	3,64	2,03	3,11	2,02	0,1433868	0,310541
RP11-43N5.1	0,00	0,13	0,00	0,00	0,1434495	0,31064
RNA5SP281	2,04	0,00	0,00	0,00	0,1434604	0,31064
RAET1K	0,00	0,29	0,00	0,00	0,1435468	NA
RP11-313D6.4	1,87	2,53	1,87	2,09	0,1435532	0,310811
AC009227.2	0,47	0,28	0,68	1,25	0,1436814	0,311031
FADS6	0,34	0,31	1,33	1,52	0,1436848	0,311031
CYP21A1P	0,07	0,21	0,12	0,08	0,1436972	0,311031
COMMD8	5,72	5,60	5,16	4,39	0,1437384	0,311088
RP11-507C10.5	2,55	0,00	1,63	0,00	0,1437513	0,311088
GAB3	5,02	3,61	4,32	3,83	0,1437799	0,311119
CARS	3,26	3,21	3,60	3,38	0,143913	0,311377
POC5	3,56	2,00	1,59	1,64	0,1439962	0,311508
CTD-2547L16.1	1,20	0,67	1,71	2,19	0,144007	0,311508
PUSL1	3,61	4,35	3,07	0,32	0,1440154	0,311508
OLFM1	0,00	2,43	1,96	2,79	0,1440645	0,311582
KB-1507C5.4	0,59	0,36	0,93	0,00	0,1440779	0,311582
CTC-244M17.1	0,52	0,33	0,39	1,32	0,1441075	0,311596
RNF168	3,28	4,10	3,09	4,14	0,1441122	0,311596
RNF212	0,22	1,75	0,20	0,92	0,1441641	0,311678
PCDHB13	0,08	0,10	0,07	0,05	0,1441784	0,311678
RCN3	4,16	4,44	4,36	4,70	0,1441964	0,311687
ESCO1	3,40	3,34	2,65	3,42	0,1442282	0,311725
RP4-564F22.2	5,43	2,00	5,98	6,36	0,1442967	0,311843
ZNF92	2,12	1,00	2,40	2,91	0,1443597	0,311949
SLC33A1	3,49	1,11	2,34	2,45	0,1443865	0,311977
RP11-66N24.7	0,32	0,77	0,46	0,57	0,1444175	0,312013
BECN1	5,87	5,76	5,42	4,04	0,1444414	0,312014
RP11-271B5.1	0,61	1,42	0,47	0,70	0,1444728	0,312014
ZNF880	4,33	3,54	3,09	3,26	0,1444894	0,312014
HDAC2	6,51	3,82	5,87	4,80	0,1444927	0,312014
RN7SL199P	1,69	1,16	2,79	1,06	0,1445081	0,312014

OPTN	1,03	3,65	1,53	3,74	0,1445151	0,312014
DCHS2	0,45	0,42	0,48	0,65	0,1445161	0,312014
RP11-474N24.2	0,18	0,00	0,26	1,83	0,1446539	0,312223
GJA1	0,05	0,09	0,07	0,12	0,1446617	0,312223
JADRR	0,08	0,00	0,20	0,15	0,1446679	0,312223
GATM-AS1	0,25	0,21	0,68	0,48	0,1446693	0,312223
C16orf52	1,43	0,64	0,63	1,11	0,1447096	0,312272
TMEM188	4,15	2,42	3,01	2,16	0,1447199	0,312272
RN7SL517P	0,36	0,00	0,00	1,29	0,1447516	0,312277
DIDO1	3,41	2,39	2,44	1,53	0,1447651	0,312277
SLC22A23	0,04	0,00	0,00	0,09	0,1447833	0,312277
RP11-789C7.1	0,00	0,30	0,39	1,45	0,1447844	0,312277
KCNRG	0,07	0,09	0,11	0,65	0,1447927	0,312277
RP11-112J3.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1447965	NA
SYNRG	3,58	2,05	2,89	3,40	0,1448117	0,312288
DNAJB6	6,46	6,25	6,02	5,12	0,144834	0,312306
RP1-138B7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1449377	0,312499
NKAP	2,49	2,21	3,17	2,91	0,1449969	0,312586
FAM32B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1450059	0,312586
RP11-846F4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,145053	NA
MEX3A	0,00	0,26	0,00	0,00	0,1450873	0,312702
MANBAL	4,36	2,34	3,51	2,67	0,145088	0,312702
ATG101	4,71	2,88	4,47	5,12	0,145109	0,312717
RP11-261C10.5	0,00	0,00	0,24	0,00	0,1451419	0,312757
BGLAP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1451694	0,312768
RP11-758M4.4	1,07	1,03	1,13	1,32	0,1451818	0,312768
C1orf233	0,19	0,25	0,74	1,49	0,1451909	0,312768
CD164	7,10	6,45	6,36	5,72	0,1452033	0,312768
RP11-264B17.4	0,00	0,36	0,42	0,34	0,1452534	0,312846
ZNF687	0,29	0,10	0,44	0,62	0,1453052	0,312927
ACSL6	0,25	0,30	0,21	0,72	0,1453392	0,31297
MIRS48T	0,00	2,46	0,00	0,00	0,1453604	NA
RP11-347H15.4	0,36	0,00	0,00	1,58	0,1453718	0,31301
SLC16A6	1,47	3,74	1,84	2,70	0,1454056	0,313052
VPS16	4,82	5,14	4,95	4,90	0,1454446	0,313106
GPATCH2	2,95	1,18	2,70	2,37	0,1455537	0,313302
CTD-2517M22.14	0,00	0,11	0,03	0,07	0,1455637	0,313302
RP11-124K4.1	0,00	0,00	0,34	0,00	0,1456345	NA
RP11-517H2.6	0,04	0,00	0,05	0,00	0,1456759	0,313513
BLOC1S5	4,51	3,18	3,33	2,86	0,1457644	0,313673
IFNGR1	7,17	6,10	6,63	5,72	0,1458116	0,313744
AC092171.4	0,22	0,38	0,38	0,55	0,145841	0,313777
RP11-526A4.1	1,11	1,88	0,71	1,74	0,145866	0,3138
HSPA14	4,03	2,18	3,92	2,88	0,1458942	0,313831
RP11-394B2.5	0,00	0,00	0,00	0,29	0,1459495	0,313883
RP11-218M11.1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,1459528	0,313883
DYNLL1	7,70	6,75	7,39	7,02	0,1459616	0,313883
ATXN7L2	0,35	0,00	0,55	0,00	0,1459749	0,313883
CD320	2,83	1,18	1,43	1,28	0,1460701	0,314017
DUSP23	7,45	7,20	7,62	7,23	0,1460712	0,314017
DPEP2	4,13	2,28	4,58	3,77	0,1460799	0,314017
RP11-142I20.1	0,00	0,00	0,00	0,32	0,1461478	0,314133
GOLGA6L4	0,22	2,09	0,10	0,38	0,1461761	0,314142
SF3A1	3,64	2,89	3,43	1,50	0,1461971	0,314142
RPL10A	10,30	10,29	10,18	9,48	0,1462077	0,314142

RP11-619I22.1	1,17	0,00	1,57	3,35	0,1462189	0,314142
RP11-161H23.8	0,00	0,00	0,00	2,82	0,146233	0,314142
HCN3	0,00	0,07	0,00	0,00	0,1462441	0,314142
NSUN7	0,00	1,26	0,00	0,00	0,1462509	0,314142
RP11-304L19.13	0,49	0,42	1,48	0,95	0,1462668	0,314146
FAR2	0,74	0,04	1,29	1,43	0,1462868	0,314149
TRBV12-4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1463001	0,314149
TGFBI	8,24	7,68	7,48	6,89	0,1463108	0,314149
SAMSN1	5,76	7,08	6,51	6,00	0,1464352	0,314386
RP11-996F15.2	0,13	0,23	0,07	0,13	0,146465	0,314419
ARG2	0,49	0,00	0,45	0,00	0,1465063	0,314478
RP1-67K17.4	2,83	3,61	3,10	4,56	0,146529	0,314496
RP11-763B22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1465455	NA
RP11-367H5.5	0,00	0,00	0,22	0,00	0,1465921	0,314601
KRIT1	4,72	4,28	3,88	4,19	0,1466308	0,314654
BRIP1	1,36	0,46	1,29	1,79	0,1466763	0,314721
JAZF1	2,78	2,24	2,38	4,30	0,1467921	0,314939
CTA-305I2.1	0,00	1,64	0,97	0,84	0,1468082	0,314943
RP11-722E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1468998	0,315109
CSTF2	2,86	0,24	1,83	0,86	0,1469342	0,315131
SLC6A11	0,04	0,09	0,04	0,00	0,1469383	0,315131
EEF2KMT	0,96	0,68	0,47	0,27	0,1471015	0,315451
RN7SL507P	0,91	0,83	0,93	0,00	0,1471491	0,315522
TMEM245	2,96	0,98	1,88	1,66	0,1471736	0,315544
RNU6-936P	0,00	6,54	0,00	0,00	0,1472253	0,315604
RP11-335O4.3	0,00	0,14	0,09	0,20	0,1472297	0,315604
MED16	4,34	3,96	4,64	5,25	0,1472559	0,31563
ADCY7	4,35	3,92	3,59	3,71	0,1472762	0,315637
AURKAIP1	6,07	6,56	6,65	7,10	0,1473002	0,315637
GCC2	5,75	4,46	5,14	3,64	0,1473022	0,315637
FAM98B	2,50	1,40	2,16	1,42	0,1473926	0,315775
SIGLEC10	3,49	3,02	2,72	1,71	0,1473949	0,315775
TSPAN15	0,28	0,31	0,00	0,00	0,1474334	0,315827
RNA5SP363	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1475891	0,31613
NDUFA3	6,43	6,16	6,67	6,71	0,1476568	0,316212
RP11-195F19.9	0,00	0,00	0,48	0,00	0,1476663	0,316212
THAP12	4,38	4,34	3,39	3,85	0,14767	0,316212
SLC25A13	4,60	1,41	3,78	2,98	0,1477114	0,31627
DOCK7	4,16	4,85	4,29	3,58	0,1477979	0,316425
RP11-750H9.7	0,77	0,59	2,06	1,81	0,1478132	0,316427
PSG6	0,00	0,17	0,00	0,00	0,1478857	0,316552
SLC9A6	2,67	1,01	2,31	1,63	0,1479096	0,316573
TIGD1L	1,73	2,54	1,70	1,19	0,147944	0,316616
RP11-484D2.3	1,65	0,00	0,00	0,00	0,1479797	0,316662
CTD-2335A18.1	0,00	0,00	0,00	0,11	0,1480238	NA
RPS4X	10,16	9,96	9,84	9,45	0,1480374	0,316755
LONP1	3,58	2,94	3,72	3,71	0,1480726	0,316791
SLC30A7	3,18	1,44	2,16	2,27	0,148083	0,316791
SAR1A	6,01	5,39	5,58	5,45	0,1481075	0,316813
RPL35AP32	3,80	0,00	2,27	1,20	0,1481537	0,316881
RP11-168O22.1	0,00	0,52	0,00	0,46	0,1481578	NA
SMARCB1	4,87	3,73	4,22	3,63	0,1482506	0,317058
AGPS	3,74	3,63	2,80	2,55	0,1483082	0,317121
RP3-333H23.8	0,44	0,00	0,42	0,00	0,1483087	0,317121
CARNMT1	2,34	2,31	1,47	1,96	0,1483475	0,317174

ZNF12	2,31	3,87	2,59	0,95	0,148446	0,317354
INTS3	3,22	2,70	3,43	4,04	0,148526	0,317494
RP11-305K5.1	0,00	0,00	0,00	0,34	0,1485533	0,317522
RP11-384J4.2	1,30	2,92	1,26	0,95	0,1485674	0,317522
ABCA10	0,00	1,01	0,00	0,02	0,1485861	0,317531
ZNF841	2,05	2,12	0,35	1,09	0,1486028	0,317536
RN7SL586P	0,00	0,00	0,59	0,00	0,1486301	NA
GTPBP6	3,54	1,93	3,97	3,22	0,148654	0,317615
NME4	4,63	2,87	4,20	2,26	0,1486775	0,317635
BLVRA	5,84	2,83	5,90	7,12	0,1487117	0,317678
PANX3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1487373	0,317702
TMEM25	0,26	1,67	0,25	0,63	0,1488025	0,317795
AC138969.4	4,34	5,10	4,71	4,90	0,1488097	0,317795
ZNF670-ZNF695	0,88	2,41	0,99	0,84	0,1488469	0,317844
RP11-298H24.1	0,00	4,21	0,30	1,70	0,1488646	0,317851
VPS54	3,52	3,29	3,39	1,37	0,1488896	0,317852
PPM1H	0,08	0,23	0,14	1,20	0,1488933	0,317852
FHAD1	0,04	0,06	0,22	0,23	0,1489208	0,31788
RNF31	5,14	5,57	5,55	5,94	0,148944	0,317899
NEK5	0,17	0,43	0,23	0,46	0,1489722	0,317929
AMER2	0,07	0,41	0,02	0,20	0,149035	0,318032
HCFG2	2,68	0,61	1,79	0,81	0,1491648	0,318278
HCG4P11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1491768	NA
RN7SL225P	0,00	0,00	0,74	0,81	0,1491806	0,318281
RP1-45P21.3	0,04	0,17	0,58	0,81	0,149211	0,318316
SGK1	7,29	7,70	7,44	6,28	0,1492304	0,318327
SH3PXD2B	0,00	0,00	0,01	1,27	0,14935	0,318542
ATM	5,66	5,41	5,24	4,96	0,1493598	0,318542
AP000266.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1493764	0,318546
CTD-3073N11.9	0,42	0,00	0,00	0,00	0,1493914	NA
RP11-864I4.1	0,38	0,60	0,16	0,21	0,1493984	0,318563
JRKL	0,26	0,50	0,33	1,02	0,1494383	0,318595
NAGPA	4,32	4,60	4,44	4,87	0,1494423	0,318595
SEC14L3	0,00	0,28	0,05	0,05	0,1495003	0,318688
PRSS16	0,83	0,04	0,08	0,04	0,149533	0,318727
RP11-477N12.5	0,66	1,98	0,32	0,42	0,1495783	0,318785
ATP6V1E1	6,36	6,00	5,87	5,63	0,1495886	0,318785
ZZEF1	2,89	3,82	3,55	4,05	0,1496561	0,318898
PHLDA2	4,07	4,05	5,50	5,24	0,1496901	0,318908
IZUMO1	0,58	0,41	0,68	1,01	0,1496961	0,318908
NAA20	6,84	6,03	6,13	5,85	0,1497038	0,318908
ESF1	2,10	2,40	2,63	2,46	0,1497514	0,318979
ADIPOR2	4,79	2,97	3,86	5,46	0,1497673	0,318982
MAK16	2,86	0,98	2,03	0,44	0,1498048	0,319021
CDS1	0,87	0,85	0,91	0,51	0,1498141	0,319021
FAM124A	0,14	0,23	0,21	0,26	0,1498635	0,319089
CLEC12B	1,87	0,00	2,06	0,64	0,149875	0,319089
EIF6	8,07	8,24	7,72	7,19	0,1499884	0,319281
EIF2A	6,22	5,78	5,65	6,14	0,1500082	0,319281
TXNDC5	3,93	3,90	3,97	1,38	0,1500083	0,319281
FAM84A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1500634	0,319368
S100A7L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1501125	0,319418
NRROS	5,52	6,27	5,94	5,45	0,1501155	0,319418
RP11-335K5.2	0,77	0,18	0,67	0,76	0,1501427	0,319445
RP11-715F3.2	0,00	0,00	0,15	0,28	0,1501698	0,319472

TOPBP1	3,17	1,71	3,21	1,11	0,1502337	0,319577
GTPBP10	2,77	1,14	1,97	2,63	0,150253	0,319588
ALOX12	0,23	2,48	0,00	0,13	0,1502834	0,319622
TCAF1	2,73	1,10	1,52	0,54	0,1503205	0,31967
FAM193A	2,46	3,46	2,74	2,96	0,1503499	0,319693
MARCH1	6,19	5,29	5,21	5,14	0,1503601	0,319693
AC004386.4	0,37	0,81	0,29	0,70	0,150378	0,319701
RP11-116D17.2	3,20	0,39	3,17	0,94	0,1504325	0,319781
CNN3	0,11	0,08	0,12	0,00	0,1504445	0,319781
AC005546.2	0,00	0,63	0,00	0,00	0,1504451	NA
DHRS11	0,78	1,18	0,61	0,34	0,150473	0,319811
LINC01232	3,24	3,99	2,76	3,55	0,1504988	0,319835
RTN1	5,62	4,87	5,80	4,22	0,1505301	0,319847
PPP1R21	4,67	5,96	4,32	3,26	0,1505373	0,319847
OR10AH1P	0,27	0,23	0,36	0,31	0,1505477	0,319847
RP11-177F11.1	0,66	0,00	0,32	1,20	0,1506113	NA
P2RY2	0,08	0,13	0,03	0,05	0,1506432	0,32002
TP53AIP1	0,00	0,23	0,00	0,40	0,1507362	NA
MEG8	0,36	2,24	0,51	1,46	0,1507449	0,320205
AMFR	4,65	5,82	4,61	5,00	0,1508118	0,320314
CTC-482H14.5	0,00	1,22	0,47	0,83	0,1508242	NA
AL844908.5	4,91	5,08	4,86	4,03	0,1508249	0,320314
METTL7A	4,30	2,55	4,19	4,02	0,1508483	0,320331
PRMT5	4,90	3,01	4,00	1,78	0,1508617	0,320331
RP11-13K12.2	0,07	0,87	0,23	0,03	0,1509462	0,320479
RP11-520F9.2	0,37	1,74	0,24	0,72	0,1509711	0,320495
NPFFR1	0,44	0,55	0,43	0,23	0,1509825	0,320495
ZMAT3	1,73	0,93	1,61	1,23	0,1510377	0,320582
RP11-53B2.6	0,00	1,15	0,67	0,48	0,1510848	0,320651
MOAP1	4,04	1,33	3,66	2,81	0,151114	0,320683
RP11-133K1.6	0,11	0,20	0,14	0,17	0,1511545	0,320725
SRP19	6,24	5,62	5,41	5,38	0,1511627	0,320725
RNA5SP298	0,00	2,65	0,00	0,00	0,1511791	NA
RP11-77K12.3	0,00	0,19	0,00	0,23	0,1512611	NA
ATP6V1G2-DDX39B	3,41	0,00	0,00	0,00	0,1512656	0,320865
SGSM3	3,55	2,46	3,74	3,32	0,1512688	0,320865
ZNF827	0,01	0,03	0,00	0,06	0,1512721	0,320865
JMJD8	3,93	3,23	4,26	4,12	0,1512985	0,32089
WDR92	2,42	0,68	0,52	0,71	0,1513317	0,32093
RP11-269M20.3	0,00	0,00	0,84	0,52	0,1513546	0,320948
CD274	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1513834	0,320978
ST13	6,06	5,26	5,27	5,14	0,151487	0,321167
NOA1	2,78	3,65	2,55	3,11	0,15153	0,321228
CMSS1	4,03	3,32	3,56	3,61	0,1515758	0,321295
CREBRF	3,37	4,43	3,55	2,72	0,1515921	0,321298
PFDN4	4,31	4,49	3,96	4,38	0,1516075	0,3213
TMEM38B	2,60	2,75	2,55	1,25	0,1517565	0,321585
VPS36	4,73	4,59	4,30	4,78	0,1517794	0,321603
DCAKD	2,07	3,10	2,06	2,23	0,1518412	0,321704
RP11-15J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1518571	0,321707
RP11-512H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1518761	0,321716
RP11-203P23.1	0,00	0,00	0,00	0,63	0,1519897	0,3219
RP11-34E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1519918	0,3219
RP11-316M21.7	0,32	3,04	1,70	0,63	0,1520202	0,321929
Z83851.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1521746	0,322226

ZNF283	1,86	0,77	2,53	1,62	0,1522097	0,322228
RP11-709D24.5	0,50	1,01	0,87	0,92	0,1522191	0,322228
NSMAF	5,89	5,46	5,39	5,27	0,1522225	0,322228
SLC25A53	1,58	0,74	1,65	2,13	0,1522337	0,322228
SHOX	0,17	0,41	0,35	0,49	0,1522709	0,322269
RP11-373E16.5	1,11	2,20	1,23	1,55	0,1522855	0,322269
RP11-256L6.5	0,19	0,57	0,12	0,12	0,1522965	0,322269
CTD-2545H1.2	0,00	0,00	0,15	0,42	0,1523238	NA
RP11-426C22.12	0,58	0,66	0,55	0,21	0,1523536	0,322359
ADD3	5,48	5,63	5,20	4,22	0,1523838	0,322365
RP11-573D15.8	2,91	3,84	3,03	2,37	0,1523853	0,322365
GNGT2	5,17	2,75	4,22	4,57	0,1524012	0,322368
RP11-67H24.3	0,00	0,84	0,06	0,83	0,1524673	0,322477
HINT2	5,94	4,50	6,36	4,56	0,1525181	0,322552
RP11-393I2.4	0,35	0,00	0,03	0,06	0,1525449	0,322552
RP11-95M15.3	0,52	0,96	0,53	1,02	0,1525462	0,322552
LSM11	0,15	0,04	0,41	0,14	0,1526055	0,322646
RP5-971N18.3	3,22	3,96	3,52	1,24	0,1526717	0,322755
AC125232.1	2,24	0,00	0,95	0,00	0,1527297	0,322847
KCNA7	0,43	0,19	0,42	0,52	0,1527803	0,322924
LRRC8E	0,80	0,70	0,97	1,20	0,1529061	0,323137
MST1	0,02	1,66	0,00	0,00	0,1529105	0,323137
RP11-178F10.1	0,00	0,00	0,00	0,90	0,1529538	NA
RNF26	1,69	0,35	1,02	1,90	0,1530318	0,323363
RP11-215G15.3	0,00	1,25	0,00	0,00	0,1530477	NA
PLEKHA5	3,62	2,68	3,28	2,26	0,1530687	0,32341
SNIP1	3,07	2,92	2,74	4,12	0,1531518	0,323555
CTD-3088G3.6	0,17	0,19	0,17	0,30	0,1532126	0,323653
QRICH2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,1532628	0,323677
PLCB3	0,50	1,03	1,17	0,61	0,1532657	0,323677
RP1-228H13.2	0,00	0,00	1,23	0,51	0,1532687	0,323677
RP11-271I.4	0,00	0,00	0,00	1,09	0,1532822	0,323677
SPECC1L-ADORA2A	0,00	0,00	0,00	0,08	0,1533222	0,323695
RP11-110H1.8	0,07	0,20	0,08	0,11	0,1533235	0,323695
TPD52L1	1,98	2,83	2,27	2,53	0,1533344	0,323695
FIRRE	1,03	0,76	1,37	0,86	0,1533538	0,323705
RP11-178F10.3	0,54	0,73	0,71	2,72	0,1533721	0,323713
R3HDM4	3,83	5,28	4,08	4,52	0,1534249	0,323776
SAMD8	2,76	3,81	2,81	1,94	0,1534314	0,323776
POP7	4,77	1,27	3,76	3,34	0,1535177	0,323928
OBFC1	4,67	0,87	5,00	3,31	0,1536457	0,324167
NT5C3A	5,98	4,99	5,01	5,51	0,1536764	0,324201
AC007326.13	0,36	0,20	0,00	0,00	0,153692	0,324203
USP29	1,69	2,36	2,01	1,92	0,1537153	0,324222
FAM104A	4,49	2,92	3,52	3,95	0,1537442	0,324239
RP11-142E9.1	0,86	1,11	0,63	0,33	0,1537527	0,324239
RP11-122C9.1	1,50	1,06	1,19	0,46	0,1537876	0,324272
CDADC1	3,45	0,76	3,68	0,99	0,1537996	0,324272
CTD-2019O4.1	0,00	0,00	0,00	2,12	0,1538126	0,324272
ISOC1	2,90	0,34	1,27	0,90	0,1538528	0,324272
NAB2	0,14	0,61	1,43	1,93	0,153854	0,324272
EIF3E	8,57	8,15	8,18	7,48	0,1538558	0,324272
HSPA13	1,77	0,52	0,79	1,38	0,1539482	0,324417
MIR3188	0,00	0,00	1,07	2,14	0,1539622	NA
RP11-172F10.1	0,16	1,09	0,50	1,18	0,1539638	0,324417

ITGA1	0,59	0,96	0,57	0,33	0,1539686	0,324417
UFM1	5,15	4,42	4,25	3,74	0,1539862	0,324424
GLTPD2	0,00	0,17	0,00	0,00	0,1540731	0,324576
COL6A2	0,00	0,04	0,00	0,20	0,1540972	NA
YJEFN3	0,00	2,75	0,02	0,64	0,1541615	0,32472
RP11-248B24.1	0,23	0,46	0,13	0,24	0,1541706	0,32472
IPO4	0,34	0,16	1,24	0,10	0,1542033	0,324726
RP11-744N12.3	0,98	3,06	1,03	1,99	0,1542045	0,324726
RP11-848D3.2	0,28	0,53	0,26	0,42	0,1542257	0,324726
AMY2B	3,62	3,83	2,77	1,75	0,1542399	0,324726
RP11-61L23.2	1,62	0,88	0,59	0,35	0,1542468	0,324726
SLC12A3	0,03	0,03	0,07	0,05	0,1542667	0,324737
TBC1D4	1,80	0,84	2,04	1,69	0,1543156	0,32481
ADAMTSL4-AS1	1,37	0,68	1,79	1,81	0,1543359	0,324821
RUNDC1	1,66	1,23	2,01	0,69	0,154353	0,324827
AC091878.1	0,59	0,73	0,72	1,26	0,154398	0,32487
WSCD1	0,00	0,29	0,00	0,00	0,1544025	0,32487
DPCR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1544229	0,324882
IGLV2-23	0,00	0,80	0,00	0,00	0,1544337	NA
AF064858.11	2,40	0,97	3,77	0,81	0,1544604	0,32493
FANCF	0,07	0,09	0,35	0,23	0,1545148	0,325013
ASPM	0,01	0,04	0,10	0,01	0,1545408	0,325037
NPM3	3,48	0,57	3,51	2,29	0,1545917	0,325114
RP11-340P19.1	0,18	0,00	0,00	0,00	0,1546234	0,325149
RP11-731I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1547142	0,32531
RP11-486O13.2	1,03	2,04	1,13	1,04	0,1547856	0,325393
RP11-364C11.3	0,00	0,00	0,00	0,58	0,154797	0,325393
ZC3H12C	0,12	0,07	0,12	0,05	0,1547977	0,325393
ARHGAP11B	0,00	0,11	0,57	0,00	0,1548371	0,325445
CTD-2003C8.1	3,61	0,28	2,62	0,97	0,1549466	0,325644
POM121C	2,88	2,57	3,02	4,45	0,1549881	0,325701
BAZ1A	5,21	5,24	5,08	5,65	0,1550244	0,325738
RP11-1250I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1550433	0,325738
TBC1D31	0,77	0,54	0,90	1,34	0,1550497	0,325738
CNTNAP5	0,12	0,30	0,10	0,03	0,1550776	0,325766
L3MBTL1	0,54	0,48	1,26	0,85	0,1551408	0,325858
ZNF502	0,00	1,68	0,07	1,11	0,1551642	0,325858
RP11-18B3.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,1551711	0,325858
TVP23B	3,44	3,14	2,22	2,30	0,1551801	0,325858
RP11-760M1.3	2,07	2,11	2,08	2,75	0,1552458	0,325965
NOP10	6,79	6,35	6,86	6,98	0,1553212	0,32608
KAT5	3,68	3,58	4,68	5,92	0,1553515	0,32608
RCHY1	3,98	1,79	2,90	1,26	0,1553567	0,32608
HIC1	0,13	0,00	0,34	0,00	0,1553593	0,32608
CCRL2	0,00	1,40	0,69	0,15	0,1554782	0,326299
URGCP	2,76	3,22	2,90	3,45	0,155592	0,326507
GPR155	2,28	1,20	2,28	1,48	0,1556815	0,326664
RP11-167N4.4	0,00	0,00	0,00	0,11	0,1557419	0,32676
RP11-805F19.3	0,39	0,75	0,51	0,19	0,1557819	0,326791
TDRD12	0,16	0,15	0,20	0,48	0,1557881	0,326791
RP1-244F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1558104	0,326791
HMGB1P8	0,39	0,90	0,53	0,65	0,1558155	0,326791
RP11-304L19.2	0,00	0,56	0,00	0,00	0,155836	NA
SEC14L1	6,03	6,62	5,42	4,98	0,1559139	0,326966
RP11-356D23.3	1,38	1,53	1,17	2,22	0,1559561	0,327024

RP11-495K9.9	0,00	4,65	0,00	0,00	0,1559726	0,327028
NUP37	4,77	1,45	3,62	2,08	0,155989	0,327031
DUOX1	1,86	0,00	1,01	1,51	0,1560073	0,327039
ZCCHC2	3,86	2,02	3,06	2,55	0,1560354	0,327067
AC005488.13	0,02	0,03	0,04	0,04	0,15608	0,327129
RP11-415I12.3	1,20	0,96	1,07	0,00	0,1560966	0,327133
GPR22	1,74	4,25	0,70	1,23	0,1561189	0,327138
APBB1IP	4,99	2,64	4,71	4,73	0,1561323	0,327138
RP11-96O20.2	0,65	2,61	1,18	0,50	0,1561431	0,327138
RP11-352D13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1561682	0,32716
UPK1B	0,00	0,00	0,06	0,36	0,1561959	0,327161
CD200R1	4,39	4,41	2,72	2,23	0,1561981	0,327161
RPL26P19	0,86	1,00	0,25	0,48	0,1562506	NA
SEMA3B	0,00	0,07	0,00	0,00	0,1564284	NA
CRYBG3	3,69	2,00	3,13	2,14	0,1564559	0,327667
RP5-1093G23.1	0,00	0,00	0,00	0,75	0,1564692	0,327667
PTMS	0,37	0,38	1,22	0,71	0,1565131	0,327728
DXO	2,66	2,94	3,25	0,56	0,1565887	0,327855
NPAS1	0,00	0,39	0,00	0,00	0,1566336	0,327918
ATP8A2	0,02	0,01	0,01	0,03	0,1566619	0,327947
IGKV1-9	0,00	0,94	0,00	0,57	0,1567142	NA
THRB	0,02	0,04	0,03	0,17	0,1567212	0,32804
CTD-3149D2.3	1,12	1,51	1,84	1,23	0,1568289	0,328173
AC009245.3	0,36	0,37	0,17	0,31	0,1568309	0,328173
PRH1	5,48	2,40	4,86	2,02	0,1568329	0,328173
AKAP5	0,08	0,17	0,17	0,19	0,156852	0,328173
SUPT3H	3,04	1,09	2,44	2,74	0,1568999	0,328173
RP11-804N13.1	0,00	3,03	0,00	0,00	0,1569104	0,328173
GALNT11	3,66	4,59	3,11	2,30	0,1569108	0,328173
MUC19	0,14	0,63	0,48	0,91	0,1569117	0,328173
CASQ1	0,00	0,21	0,00	0,08	0,1569255	0,328173
PHF11	6,17	5,43	5,58	5,88	0,1569322	0,328173
CHMP1B2P	0,25	0,85	0,26	0,13	0,1570395	0,328284
CH507-236L23.3	0,00	0,02	0,00	0,26	0,1570445	0,328284
CH507-338C24.3	0,00	0,02	0,00	0,26	0,1570445	0,328284
CH507-39O4.3	0,00	0,02	0,00	0,26	0,1570445	0,328284
CITF22-49E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1570855	0,328339
CTB-151G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1571037	0,328346
CCT8	7,24	5,99	6,58	5,45	0,1572142	0,328517
ACAP1	5,18	5,93	5,72	5,13	0,1572151	0,328517
NOTCH1	0,69	0,66	1,34	0,75	0,1572467	0,328552
TTL3	4,72	5,84	4,73	4,28	0,1572683	0,328566
RP11-207C11.2	0,00	0,32	0,00	0,00	0,1574211	NA
CTA-125H2.2	0,00	0,21	0,00	0,00	0,1576763	0,329388
EIF2S1	5,37	2,75	4,81	2,80	0,1577192	0,329446
KMT2B	2,25	3,66	3,08	3,78	0,1577913	0,329566
RP11-569O4.8	0,00	0,00	0,62	0,00	0,1578383	0,329633
AC007000.7	0,54	0,14	0,37	0,65	0,15791	0,329698
ZNF543	0,18	0,04	0,17	0,16	0,1579235	0,329698
AC139666.1	0,00	0,43	0,00	0,00	0,1579264	0,329698
RP11-506B4.3	0,28	5,78	0,09	0,36	0,1579399	0,329698
BORCS7-ASMT	0,00	0,00	0,00	0,27	0,1579565	0,329698
PPL3	6,04	5,65	4,98	4,18	0,1579584	0,329698
RAB32	6,05	5,93	6,29	5,64	0,1580163	0,329788
AC093673.5	4,73	4,09	5,31	5,49	0,1580354	0,329796

RP11-42F12.1	0,18	0,67	0,21	0,24	0,1580505	0,329796
SLC4A11	0,00	0,09	0,00	0,00	0,1580646	0,329796
CTD-2267D19.2	1,23	1,55	1,23	2,26	0,158136	0,329914
RN7SL16P	0,00	0,70	0,00	1,74	0,1581755	0,329965
AC016708.2	0,81	1,89	1,17	0,81	0,1582768	NA
FABP7	0,00	0,17	0,06	0,08	0,1582846	NA
RP11-522H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,158286	NA
CTD-2383I20.1	1,17	3,40	1,39	2,63	0,1583164	0,330212
UBL3	3,42	1,59	3,35	2,10	0,1583288	0,330212
NFKBIB	2,08	1,27	2,14	2,30	0,1583386	0,330212
OLFML2A	0,04	0,05	0,13	0,15	0,1583775	0,330263
ZBED6	0,00	0,00	0,43	0,16	0,1584863	0,33045
ATXN7L1	1,84	1,85	2,73	0,86	0,1585222	0,33045
AGAP5	1,68	0,16	1,95	1,36	0,1585373	0,33045
JADE1	2,49	1,03	2,57	1,89	0,1585398	0,33045
CYP20A1	4,27	4,87	3,44	2,59	0,1585556	0,33045
IER5	4,45	4,58	4,38	4,17	0,1585661	0,33045
CTD-2119F7.2	1,63	0,97	1,57	1,31	0,1585714	0,33045
SRPRB	4,82	4,34	4,11	4,69	0,1587126	0,330713
AVEN	1,58	0,18	0,39	0,09	0,1587275	0,330713
RBM17	5,34	5,21	5,45	5,07	0,1588465	0,330928
CTC-241N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1588603	0,330928
CTD-3099C6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,158901	0,330982
MAP3K2	3,83	3,96	4,07	4,20	0,1589359	0,331023
MYH9	5,09	3,94	5,26	5,78	0,158969	0,331061
MASP2	0,12	0,06	0,16	0,06	0,158999	0,331093
BUD31	7,09	5,88	7,00	7,00	0,1590248	0,331116
SP110	7,06	5,81	6,73	6,47	0,1590487	0,331134
DMD	2,90	3,71	2,75	2,18	0,1591035	0,331199
RP11-190C22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1591308	0,331199
SFI1	3,56	4,38	4,02	4,08	0,1591309	0,331199
RP11-728E14.3	0,06	0,17	0,06	0,07	0,1591453	0,331199
ALKBH2	1,15	0,39	2,53	2,15	0,1591545	0,331199
SP3	4,82	3,38	4,09	3,69	0,1591744	0,33121
LGALS1	0,00	0,04	0,09	0,08	0,1592309	0,331283
CH17-189H20.1	5,56	6,59	5,96	5,97	0,159241	0,331283
DNAJB5-AS1	0,00	0,00	0,22	1,58	0,159266	0,331283
VNN3	1,01	1,77	2,26	2,89	0,1592717	0,331283
TMPRSS11BNL	0,27	0,37	0,28	1,12	0,1592842	0,331283
SEMA3C	2,53	2,62	1,88	0,05	0,1593121	0,33131
SF1	7,03	7,45	7,28	6,75	0,1593524	0,331337
SMDT1	6,61	7,05	6,91	6,26	0,1593548	0,331337
SNORA37	0,00	0,00	0,00	2,75	0,1593559	NA
ALS2CL	0,10	0,90	0,19	0,62	0,1594986	0,331605
LCMT1	5,34	5,99	4,45	3,86	0,1596553	0,3319
AZI2	4,50	1,07	4,20	3,45	0,1596783	0,331916
AQP6	0,00	0,20	0,00	0,07	0,1596815	NA
RP11-368N21.2	0,30	3,22	0,00	0,00	0,1597733	0,332083
FAM138E	0,76	0,00	0,50	1,83	0,1598472	0,332205
CLOCK	2,24	0,87	1,66	0,64	0,1598723	0,332226
CEBPZ	3,76	2,38	3,59	4,94	0,1598938	0,33224
BLOC1S6	6,30	5,86	5,86	5,59	0,1599427	0,332311
ZNF7	3,90	2,58	3,83	4,36	0,1599585	0,332312
CTD-2284J15.1	0,25	1,00	0,23	0,00	0,1600135	0,332395
TMEM216	4,37	0,32	1,56	1,84	0,1600395	0,33241

SPATS2L	4,63	4,14	4,04	2,89	0,1600505	0,33241
CTD-2600H12.2	2,00	1,93	2,00	1,63	0,1601215	0,332504
GPANK1	1,84	1,35	2,24	3,76	0,1601253	0,332504
HCK	7,20	6,06	6,95	6,52	0,1601929	0,3326
ASF1B	0,00	0,13	0,00	0,08	0,1602018	0,3326
MAGEB10	0,27	0,08	0,33	0,00	0,1602277	0,332623
YIPF3	6,12	5,22	5,52	5,39	0,1602785	0,332697
ABCC4	2,16	0,71	2,35	1,04	0,1603511	0,332817
ZNF578	0,06	0,14	0,11	0,17	0,1603751	0,332836
RP11-1055B8.1	0,08	0,35	0,10	1,02	0,1604468	0,332939
RP5-1052I5.1	1,39	1,31	1,40	0,14	0,1604557	0,332939
KCNJ15	0,08	0,16	0,08	0,15	0,1604699	0,332939
ZNF16	1,48	0,82	1,41	1,17	0,1605004	0,332971
RP1-221C16.8	0,50	1,66	0,64	0,96	0,1605291	0,333
RNU4-72P	1,38	2,67	1,77	0,00	0,1605615	0,333036
RP11-53O19.3	0,15	0,26	0,10	0,00	0,160679	0,333249
LINC00269	0,28	0,71	0,44	0,61	0,160799	0,333466
CXXC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1608394	NA
ZNF77	0,13	0,07	0,83	1,13	0,1608659	0,333574
RP11-112L6.2	2,24	0,00	0,00	0,00	0,1609004	0,333592
AC092338.5	0,00	0,00	0,14	0,13	0,1609044	0,333592
CTC-774J1.2	0,22	0,73	0,34	0,21	0,1609295	0,333612
TARID	0,39	0,90	0,21	0,09	0,1609756	0,333663
GABARAP	10,76	10,56	10,78	10,31	0,1609842	0,333663
MARVELD2	0,18	0,40	0,30	0,28	0,1610987	0,33387
RP11-113K21.5	3,93	4,15	4,09	4,65	0,1611347	0,333911
ZDHH11	0,00	1,07	0,00	0,00	0,1611485	0,333911
RP5-1120P11.1	1,61	2,33	1,07	0,40	0,161183	0,333951
SP100	7,54	6,59	7,04	6,90	0,161233	0,33402
RP11-242C19.3	0,00	0,00	0,50	2,17	0,1612483	0,33402
IMPA2	4,91	4,44	5,60	5,50	0,1612612	0,33402
TOP1MT	5,13	6,00	4,65	3,80	0,1613041	0,334057
RP11-659G9.3	0,00	0,53	0,44	0,00	0,1613186	NA
CCDC93	2,55	3,45	3,38	3,60	0,1613287	0,334057
ZNF544	2,98	3,53	2,27	2,78	0,1613496	0,334057
NADK	4,53	3,38	4,23	4,86	0,1613499	0,334057
PCK1	0,05	0,09	0,08	0,10	0,1613545	0,334057
RP11-510H23.1	0,13	0,41	0,14	0,48	0,1613695	0,334057
MAPK12	0,20	0,86	0,27	0,39	0,1614132	0,334116
RP11-96H17.1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,1614289	0,334118
ZNF106	5,70	5,64	5,52	6,00	0,1614438	0,334118
ZNF627	1,72	2,31	2,28	1,70	0,1614949	0,334192
RP11-274J7.2	0,47	2,87	0,53	1,35	0,1615362	0,334247
COPS7A	5,11	3,92	4,37	3,98	0,1615833	0,334313
ZRSR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1616199	0,334357
GABPB2	2,52	0,96	2,06	1,61	0,1617501	0,334547
BSND	0,07	0,23	0,11	0,80	0,1617756	0,334547
CTC-232P5.1	0,37	0,00	0,00	0,00	0,1617835	0,334547
MICU2	4,96	5,09	4,67	3,84	0,1617913	0,334547
TRDJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,161824	0,334547
ALKBH7	6,27	6,77	6,47	6,62	0,1618263	0,334547
ACAA1	7,44	6,22	6,85	6,05	0,1618284	0,334547
AC007228.5	1,17	1,63	1,28	2,23	0,1618521	0,334547
VMAC	0,44	0,23	0,77	0,17	0,161855	0,334547
CTA-407F11.8	0,00	0,00	0,26	0,00	0,161862	0,334547

RP11-681L8.1	0,31	0,87	0,20	0,00	0,1618819	0,334557
OR1M1	0,52	0,53	0,63	0,81	0,1619173	0,334599
WDR48	4,88	2,92	4,59	3,02	0,1619686	0,334674
CGREF1	0,00	0,00	0,00	0,11	0,1619729	NA
AC079988.3	0,00	0,00	0,46	1,18	0,1620476	0,334792
RN7SL275P	1,75	2,18	1,56	2,27	0,1620669	0,334792
RP1-122K4.3	0,54	0,00	0,56	0,33	0,1620711	0,334792
FEN1	1,23	0,44	0,08	0,19	0,1620996	0,334817
TNPO3	3,19	3,54	1,99	2,67	0,1621265	0,334817
UBE3D	0,90	0,52	0,47	2,17	0,1621282	0,334817
CTA-150C2.16	0,34	0,00	1,52	1,07	0,1622517	0,335036
MIR4312	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1622644	0,335036
RP11-736N17.10	0,00	0,25	0,00	0,00	0,1623546	NA
RCSO1	5,37	5,71	4,76	5,07	0,1624143	0,335314
SULT2A1	0,24	0,32	0,33	0,38	0,1624753	0,335393
STAU2	4,20	3,74	4,32	2,82	0,1625163	0,335393
AL132780.10	0,37	1,27	1,26	0,20	0,1625485	0,335393
DLGAP3	0,12	0,04	0,17	0,23	0,162549	0,335393
RP11-44K6.4	0,26	1,01	0,68	1,36	0,162554	0,335393
HIST1H2BD	5,60	2,35	4,56	0,39	0,1625568	0,335393
SLC45A4	1,35	0,04	0,28	0,39	0,1625579	0,335393
ARHGAP24	4,12	2,68	2,61	4,19	0,1626115	0,335455
PTPRA	3,82	4,37	3,66	2,04	0,1626182	0,335455
VLDLR	0,13	0,09	0,20	0,32	0,1626743	0,335539
TP53BP1	1,73	2,33	2,17	1,31	0,1627554	0,335676
FAM111B	0,98	0,73	1,42	1,22	0,1628537	0,335847
RP11-534L6.5	0,00	1,87	0,00	0,00	0,1629605	0,336036
MMRN2	0,43	0,03	0,46	0,26	0,162984	0,336053
RP11-391L3.3	0,58	1,09	1,36	0,94	0,1630016	0,336058
RP11-429G19.2	4,53	4,68	4,32	3,70	0,1630334	0,336093
C4orf46	0,88	0,30	0,35	0,36	0,1630592	0,336115
LIFR	0,00	0,69	0,00	0,05	0,1630902	0,336148
DEPDC5	3,86	3,63	4,42	4,02	0,1631824	0,336306
RP5-1189D6.2	0,23	0,00	0,05	0,00	0,1632246	0,336362
VN1R5	0,00	0,00	0,00	0,42	0,163305	0,336497
RP11-537I16.2	0,00	0,00	0,00	1,47	0,1633251	0,336507
FAM172A	3,86	2,28	3,65	2,39	0,1633591	0,336539
ARHGFE9	2,23	1,84	1,85	2,54	0,1633709	0,336539
METTL14	3,43	3,33	2,55	2,54	0,1634139	0,336575
RP11-396C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1634185	0,336575
ZNF701	3,18	1,48	2,87	3,56	0,1634905	0,336692
ARHGAP11A	0,10	0,64	0,17	0,17	0,1635108	0,336702
PDSS1	2,03	3,48	1,96	0,64	0,1635389	0,336729
RP11-696L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1635847	0,336792
CLPB	3,57	1,43	3,80	2,58	0,1636029	0,336792
C11orf31	7,85	8,00	7,98	7,99	0,1636309	0,336792
HOPX	1,39	2,34	1,46	2,70	0,1636448	0,336792
IFITM1	7,87	7,67	7,19	7,96	0,163651	0,336792
FAM208A	5,35	4,93	4,61	4,16	0,1636602	0,336792
RP11-142L16.2	4,45	0,00	2,08	0,00	0,1636777	0,336793
ARID3A	1,89	1,10	2,05	1,61	0,1636913	0,336793
RP11-519C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,163794	0,336973
NOP56	5,42	5,89	5,23	5,40	0,1638148	0,336985
RP1-310O13.7	0,07	0,15	0,07	0,14	0,1638426	NA
KLK10	0,06	0,44	0,17	0,20	0,1638646	0,337056

AK5	2,69	0,65	1,63	2,06	0,1638831	0,337063
RP5-1042K10.14	0,06	0,00	0,01	0,00	0,1639598	0,337189
MOCOS	0,14	0,04	0,16	0,30	0,1639866	0,337213
LDAH	2,34	0,47	2,43	0,46	0,1640438	0,3373
RAB11A	6,93	5,20	6,59	5,70	0,1641411	0,337464
RN7SL113P	0,00	0,00	0,37	2,22	0,1641985	0,337464
CRADD	3,35	0,22	0,49	0,48	0,1642174	0,337464
RP11-6F2.6	0,20	0,00	0,37	0,93	0,1642279	0,337464
KCTD17	0,10	1,22	0,46	1,94	0,1642326	0,337464
CTD-2373H9.5	0,51	1,17	0,66	0,83	0,1642464	0,337464
SLC41A3	3,88	4,80	3,29	2,77	0,1642469	0,337464
ZNF3	2,18	1,27	2,57	1,60	0,1642519	0,337464
SYNGR2	8,34	7,94	8,06	7,71	0,1642602	0,337464
BOLL	0,17	0,05	0,12	0,08	0,1643381	0,337593
GNG5	7,71	7,34	7,80	7,07	0,1643869	0,337662
RHOBTB1	0,48	0,00	0,00	0,00	0,1644335	0,337726
ZNF558	1,58	0,93	0,88	0,86	0,164452	0,337733
AC124997.1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,16446	NA
APOBEC3D	0,72	0,80	0,55	0,96	0,1645195	0,337814
CCDC124	4,97	5,39	5,34	4,10	0,164522	0,337814
CTC-316M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1645686	0,337879
LSM8	4,83	3,73	5,04	4,75	0,1646362	0,337974
ZWINT	0,00	0,30	0,04	0,08	0,1646454	0,337974
JMJD7	0,72	3,42	1,07	1,32	0,1646807	0,338015
NAA35	3,32	3,10	3,29	1,91	0,1647026	0,338029
RN7SL851P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1647147	NA
RP11-841O20.2	3,16	0,26	1,51	0,00	0,1647578	0,338111
RN7SL91P	0,71	1,81	0,00	1,82	0,1647947	0,338155
RP11-483K5.3	0,00	0,00	0,00	1,27	0,1648147	0,338165
CTD-2008A1.2	0,24	0,00	0,56	0,09	0,1648297	0,338165
CLRN1	0,05	0,27	0,00	0,00	0,1649443	NA
EVPL	0,02	0,04	0,00	0,37	0,1650329	0,33855
KRT18P55	0,00	0,86	0,00	0,00	0,1650424	NA
RTEL1	1,28	0,64	2,67	3,37	0,1650483	0,338551
GNPDA1	3,85	4,35	2,49	4,39	0,1650782	0,338557
TM4SF20	0,06	0,07	0,20	0,06	0,165082	0,338557
RN7SL304P	0,00	0,00	0,00	0,72	0,1651181	NA
GGA1	3,75	4,23	3,85	4,53	0,1651184	0,338601
ATR	4,94	3,88	4,06	3,86	0,1651553	0,338618
ENC1	0,49	0,29	1,85	1,19	0,1651701	0,338618
ADRM1	5,31	5,13	4,78	4,01	0,1651919	0,338618
RP11-171I2.2	0,00	0,40	0,00	0,00	0,1651946	NA
RP11-954J6.3	1,22	0,31	0,17	0,00	0,165202	0,338618
MARK4	1,49	1,32	1,83	2,57	0,1652029	0,338618
COL1A2	0,45	0,20	0,15	0,45	0,1652357	0,338643
S100A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1652458	0,338643
RN7SL455P	0,00	0,99	0,98	0,00	0,1653376	0,3388
RP11-567F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1653592	0,338803
RP11-345M22.2	0,07	0,00	0,03	0,44	0,1653732	0,338803
YIPF4	4,32	1,97	3,77	2,30	0,1653846	0,338803
NEU4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1654116	0,338827
PPP4C	5,84	6,36	6,04	6,07	0,1654361	0,338846
RP11-1197K16.2	0,62	0,00	0,00	0,00	0,1654608	0,338865
AC005775.2	0,53	0,94	0,57	0,97	0,1655224	0,338954
C14orf23	1,23	2,91	1,62	3,03	0,1655344	0,338954

B3GALT1	0,23	0,68	0,38	0,32	0,1656894	0,33924
RP11-538I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1657103	0,339251
RNU2-65P	0,00	1,37	1,29	1,25	0,1657509	0,339271
RP11-350E12.1	0,84	1,32	1,04	0,21	0,1657643	0,339271
PF4	0,00	1,06	0,15	0,36	0,1657659	0,339271
SCRN3	3,54	3,58	2,96	4,31	0,1658311	0,339331
NAE1	4,66	2,60	3,82	5,03	0,1658389	0,339331
AARSD1	5,46	5,11	5,43	2,97	0,165841	0,339331
RP11-361I15.5	0,71	0,64	0,69	0,97	0,1658824	0,339367
CTD-2012I19.3	0,00	0,00	0,04	0,00	0,1658889	0,339367
CAMP	0,00	0,00	0,00	0,27	0,1659247	0,339409
GBA2	4,37	2,80	3,91	3,85	0,1659814	0,339494
ATL3	3,19	3,20	3,18	3,92	0,1660168	0,339528
CDCA7	1,25	0,18	0,58	0,26	0,1660289	0,339528
GAPDH	10,89	11,02	10,91	10,68	0,1660544	0,339549
POLI	4,05	1,07	3,18	2,36	0,1661185	0,339649
RBBP9	1,21	1,21	1,42	0,50	0,1661728	0,339729
CAAP1	3,47	2,70	3,16	2,87	0,1662725	0,339901
RP11-111H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1663049	0,339936
CH17-31A6.1	0,00	0,62	0,34	0,00	0,1663338	0,339964
KIAA0319L	3,48	3,67	4,37	4,27	0,1663598	0,339986
RP11-489G11.3	0,11	0,77	0,10	0,43	0,1665057	0,340253
MAMSTR	0,00	0,09	0,00	0,00	0,1665305	NA
RPS6KL1	1,48	1,15	1,08	1,09	0,1665767	0,340367
SYK	6,04	6,28	6,08	5,55	0,1666328	0,340439
RP11-963H4.8	0,00	1,41	0,15	0,00	0,1666428	0,340439
DAAM1	2,86	3,43	3,88	2,71	0,1667354	0,340592
ELF2	4,66	4,02	4,94	5,14	0,1667483	0,340592
OR2A12	0,00	0,06	0,00	0,03	0,1667693	NA
SEC24B	3,10	2,49	2,64	3,90	0,1668814	0,340833
COL5A2	0,00	0,59	0,00	0,00	0,1669008	0,340834
BIVM	2,49	1,08	1,24	1,74	0,1669261	0,340834
TCAM1P	0,13	0,04	0,17	0,18	0,1669281	0,340834
RN7SL638P	0,00	0,00	0,00	0,82	0,1669391	NA
SAA2	0,00	0,82	0,37	0,37	0,1669528	0,340844
AC079111.1	1,22	0,62	0,44	0,35	0,1669637	0,340844
ASAP2	0,09	0,00	0,18	0,00	0,1670059	0,340899
RP11-51B13.2	5,90	5,25	6,74	5,62	0,1670225	0,340901
BCCIP	5,96	6,26	5,14	5,02	0,167109	0,341047
RP13-46G5.5	2,23	1,92	1,54	1,60	0,1671281	0,341054
LYRM4	5,04	3,96	4,66	5,03	0,1671653	0,341083
RP11-167P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1671802	0,341083
AC092214.10	0,29	4,38	0,35	0,59	0,1671881	0,341083
RP11-432B6.3	0,70	0,00	0,00	0,00	0,1672629	0,341204
RP11-720L3.1	1,76	0,00	2,57	4,48	0,1672895	0,341211
PLIN2	5,22	6,58	4,73	3,36	0,1672987	0,341211
FTHL23	2,98	2,87	3,10	2,88	0,1673125	0,341211
FAM63B	1,72	0,74	1,76	0,89	0,1673306	0,341217
RP11-759A9.1	0,00	2,04	0,00	0,00	0,1673926	NA
ADAM7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,167402	0,34133
TMEM59	7,89	7,12	7,19	6,92	0,1674167	0,34133
RP11-419C5.1	2,94	0,43	2,69	0,74	0,1674737	0,341415
RP11-326C3.12	1,64	3,74	2,25	3,26	0,1675555	0,34155
ZNF521	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1675822	NA
RP11-571F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1676618	0,341735

RP13-130D24.1	0,11	0,14	0,12	0,12	0,1677161	0,341815
COX16	5,51	4,92	5,53	5,56	0,1677993	0,341953
RP11-806L2.2	1,02	1,57	0,86	0,22	0,1678451	0,342014
PTPN6	8,40	8,51	8,41	8,28	0,1678665	0,342014
RP11-212I21.2	0,94	1,19	1,91	3,24	0,1678755	0,342014
SNORA11F	0,00	0,00	0,00	0,00	0,167895	0,342023
AIMP2	5,83	1,60	5,09	2,35	0,168061	0,342329
ATP2C1	4,30	1,18	4,21	2,04	0,1680763	0,342329
CCDC144B	3,86	3,75	4,34	5,01	0,1681394	0,342363
POLD2	4,74	3,76	4,55	3,95	0,1681544	0,342363
KCTD3	1,56	0,72	2,00	1,67	0,1681592	0,342363
ERCC2	1,60	1,86	2,61	1,27	0,1681698	0,342363
SEMA3G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1681698	0,342363
C16orf58	1,71	3,28	1,93	0,86	0,1682336	0,342461
ATP9B	5,04	4,28	4,76	4,92	0,1682529	0,342469
RP11-24J23.2	2,33	3,15	2,20	1,88	0,1682684	0,342469
AC083899.3	0,81	0,00	0,02	0,00	0,168296	0,342494
ZC3H15	6,36	7,08	6,07	6,10	0,1684667	0,342807
PABPC4L	0,00	0,00	0,00	0,03	0,1684828	0,342807
SPP2	2,51	2,76	2,80	2,00	0,1685099	0,342807
CRYZ	2,66	0,57	0,44	0,16	0,1685117	0,342807
RP11-552F3.9	0,00	0,13	0,04	0,04	0,1687525	NA
GPBAR1	4,35	3,78	4,53	5,73	0,1687931	0,343349
RN7SL470P	0,96	1,48	0,76	2,77	0,1688366	0,343406
ELL	2,26	2,03	2,62	1,40	0,168939	0,34352
ANAPC13	6,13	6,60	5,61	2,77	0,1689531	0,34352
SSBP3	3,66	4,49	3,71	3,69	0,1689612	0,34352
ZFP3	0,37	0,10	0,28	0,28	0,1689628	0,34352
RN7SL45P	0,00	1,59	1,10	2,39	0,1689702	0,34352
ZNHIT3	6,20	6,05	5,23	5,23	0,1689857	0,34352
ZNF44	4,09	4,84	3,62	4,02	0,169015	0,343533
RP5-1091E12.1	0,21	0,00	0,73	0,05	0,1690226	0,343533
SIGLEC16	0,00	0,00	0,11	2,40	0,1690968	0,343629
RPP40	2,69	0,41	0,15	0,29	0,1691011	0,343629
SH2D3C	3,53	2,55	3,33	1,76	0,1691357	0,343657
VIPR1	3,12	4,92	2,85	2,33	0,1691459	0,343657
RP11-6N17.6	4,28	1,27	3,06	3,27	0,1692716	0,343881
STUB1	4,38	5,25	4,70	6,05	0,1693834	0,344056
KIAA2013	3,50	3,87	4,01	2,47	0,1693888	0,344056
RP11-3G20.2	0,00	0,70	0,75	0,00	0,1694275	0,344079
FBLN2	2,97	1,27	1,83	0,37	0,1694309	0,344079
RP11-817O13.2	0,16	0,18	0,05	0,17	0,1694983	0,344185
INHBA	0,14	0,36	0,43	0,08	0,1695492	0,344256
RP11-950C14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1696368	0,344403
CDK18	0,43	0,54	0,99	0,44	0,1696821	0,344458
SMIM16	0,10	0,00	0,13	0,19	0,169695	0,344458
RPS3AP34	0,00	0,63	0,00	0,00	0,1697935	0,344627
ST7L	3,70	3,25	3,13	1,94	0,1698401	0,34467
RP4-742C19.13	0,06	0,36	0,08	0,13	0,1698611	0,34467
RP4-647C14.2	0,03	0,26	0,06	0,09	0,169872	0,34467
RN7SL648P	0,83	0,00	0,37	0,00	0,1698769	0,34467
C7orf31	0,47	0,05	0,21	1,37	0,1700765	0,345043
AC006552.1	0,78	2,22	0,59	0,32	0,1701043	0,345068
RP11-579E24.1	0,06	0,18	0,25	0,20	0,1702751	0,345383
RRAGB	3,46	1,08	1,55	2,22	0,1703831	0,345571

LPAR6	4,85	2,87	5,09	4,67	0,1704152	0,345583
CTD-2370N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1704246	0,345583
COL6A3	0,12	0,08	0,09	0,24	0,1704423	0,345583
FBXW2	3,41	1,19	3,44	2,26	0,1704511	0,345583
RP11-819C21.1	1,05	0,65	1,30	0,19	0,1704696	0,345589
FGFR1OP2	4,17	5,01	3,83	4,37	0,1704953	0,345609
WDR34	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1705183	0,345611
PSMB8	8,69	7,69	8,35	8,07	0,1705273	0,345611
FZD4	0,11	0,36	0,16	0,44	0,170547	0,345619
EIF3I	7,37	7,23	6,61	6,19	0,1705748	0,345644
THUMPD2	3,65	0,44	3,33	2,40	0,1705973	0,345658
RP11-236F9.2	0,00	1,49	0,00	0,00	0,1706121	NA
UBAP1L	0,02	0,57	0,15	0,69	0,1706409	0,345715
CBR4	3,79	4,28	3,16	2,88	0,1707177	0,345804
ADIPOQ	0,04	0,10	0,10	0,04	0,1707276	0,345804
CAB39	5,43	5,12	4,54	3,47	0,1707354	0,345804
RP1-68D18.2	0,47	0,00	0,79	1,50	0,1707493	0,345804
AC092594.1	0,00	0,00	0,22	0,40	0,1707628	0,345804
RP11-1060J15.4	0,45	3,01	1,09	0,00	0,1707886	0,345813
GOLGA6L9	0,21	0,34	0,07	0,07	0,1708064	0,345813
PELI2	2,78	1,55	3,07	3,28	0,1708232	0,345813
RP11-318G21.4	0,74	1,83	0,51	1,11	0,1708291	0,345813
SLC35E2B	2,82	1,23	2,30	1,72	0,1708677	0,345859
LENG8	3,94	4,71	4,70	3,37	0,1709532	0,346001
PRPS2	4,99	4,27	3,41	3,56	0,170989	0,346007
DACT3-AS1	0,09	0,00	0,17	0,00	0,1710034	0,346007
RP11-417L19.2	1,46	0,48	1,97	1,42	0,1710056	0,346007
LY6G5C	1,71	1,66	1,36	0,82	0,1710187	0,346007
EOGT	2,31	0,58	1,64	0,37	0,1710354	0,34601
AC011515.2	0,54	0,33	0,14	0,31	0,1710524	0,346013
BCAT2	3,41	1,88	2,66	4,19	0,1710934	0,346064
AC069277.2	0,53	0,43	1,01	2,29	0,1711168	0,34608
NDUFA9	6,51	6,25	5,64	5,81	0,1711361	0,346082
LZTFL1	2,04	0,33	1,12	0,48	0,1711488	0,346082
HIST1H2BE	0,08	0,00	0,12	0,00	0,1714592	0,346675
RP11-288C18.1	0,32	0,00	0,37	0,81	0,1714733	0,346675
GOLGA6L5	0,00	0,80	0,05	0,00	0,1714894	0,346676
RP11-799B12.1	4,77	0,66	4,88	4,52	0,1715181	0,346702
GOLGA8J	0,00	0,30	0,00	0,13	0,1716387	0,346914
AC007682.1	0,03	0,10	0,01	0,03	0,1719122	0,347436
RP11-129M16.4	0,08	0,00	0,10	0,00	0,1720308	0,347644
USP32P1	2,47	3,36	2,74	2,83	0,1720492	0,347649
HAP1	0,13	0,15	0,19	0,37	0,1720885	0,347697
TRIM39	2,91	4,95	3,76	2,76	0,1721202	0,347729
RERE	4,08	2,32	3,41	2,62	0,1721618	0,347772
ZBTB43	2,45	1,28	2,76	3,18	0,1721726	0,347772
LRRIQ1	0,00	0,00	0,00	0,22	0,1722057	0,347807
RP11-45A17.2	1,36	0,00	0,83	0,00	0,1723198	0,348006
SERINC1	5,31	4,22	4,61	4,79	0,1723771	0,34809
LZTS2	0,00	0,50	0,18	1,43	0,1724318	0,348169
ARL1	3,89	3,22	4,11	2,66	0,1724839	0,348243
CTD-2245F17.9	0,00	0,44	0,00	0,00	0,1725177	NA
RP11-195F19.5	0,00	1,67	0,23	0,56	0,1725271	0,348261
RP11-231C14.4	7,02	6,59	6,74	6,20	0,1725344	0,348261
RP11-849I19.2	2,53	0,17	2,42	3,05	0,1725401	0,348261

AP001172.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,172565	0,34828
GRK4	0,28	0,14	0,57	1,45	0,1726104	0,348316
XKRS	0,13	0,20	0,17	0,20	0,1726144	0,348316
FLI1	4,85	4,79	4,35	3,63	0,1726964	0,348445
ATF5	3,38	4,08	3,59	3,13	0,1727098	0,348445
AC073043.1	1,27	3,16	1,08	2,50	0,172759	0,348513
RAB11FIP3	0,60	0,50	0,58	0,37	0,1728021	0,348515
RP11-387D10.2	1,43	0,36	0,75	0,50	0,1728053	0,348515
AC003092.1	0,00	1,36	0,00	0,00	0,1728068	0,348515
FAM134B	0,05	0,00	1,03	0,93	0,1729046	0,34868
ZSCAN20	0,00	0,06	0,04	0,05	0,1730035	0,348848
CTC-523E23.13	0,15	3,40	1,00	1,49	0,173035	0,34888
C1orf53	0,00	0,00	0,00	0,00	0,173138	0,349056
OLFML3	0,00	0,00	0,00	0,13	0,1731894	NA
PPIE	6,16	5,89	5,34	4,84	0,1731957	0,349112
CTB-118N6.3	0,00	0,39	0,00	0,52	0,1731974	0,349112
AMT	1,20	1,07	2,60	1,26	0,1732189	0,349124
BCAM	0,56	0,70	0,91	1,11	0,1732974	0,349251
TMEM239	0,00	0,20	0,00	0,03	0,173349	0,349316
TOX	0,12	1,13	0,03	0,20	0,1733724	0,349316
ZNF234	0,49	2,76	0,52	0,65	0,1733856	0,349316
RSPH3	1,67	2,44	1,72	0,59	0,1734109	0,349316
NCAPH2	2,56	3,20	2,23	1,63	0,1734262	0,349316
RN7SL546P	2,08	2,89	3,16	3,14	0,1734316	0,349316
HAL	0,00	0,51	0,17	0,75	0,1734402	0,349316
KLHL42	2,23	2,60	1,35	0,27	0,1734975	0,3494
CTC-471J1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,173608	0,349577
RP11-293F5.2	2,04	1,13	1,81	2,21	0,1736168	0,349577
RP11-563N4.1	0,44	0,33	0,49	0,45	0,1737012	0,349693
SLC12A2	2,09	2,18	2,12	2,84	0,1737056	0,349693
GRSF1	5,88	4,45	5,45	5,27	0,1738082	0,349868
GSPT1	4,87	4,11	3,81	4,10	0,173835	0,34989
RP11-266I3.1	0,00	0,56	0,50	0,66	0,1738864	0,349961
ICAM1	4,82	5,02	4,59	2,18	0,1739246	0,349994
PTS	6,15	6,38	5,35	5,17	0,1739424	0,349994
DNAJC30	1,54	0,54	1,69	0,39	0,1739499	0,349994
DOT1L	1,21	2,76	1,89	2,76	0,1739739	0,350011
CASP4	7,37	7,08	7,33	6,51	0,1740344	0,350078
METTL21A	4,94	2,43	4,02	2,09	0,1740388	0,350078
CCZ1	5,30	4,36	5,21	5,81	0,1741142	0,350165
AC073254.1	1,88	0,49	1,51	1,05	0,1741294	0,350165
RPL15	11,58	11,38	11,40	11,09	0,1741418	0,350165
CDK12	3,65	2,11	3,10	2,50	0,1741498	0,350165
RORC	0,37	0,10	0,34	0,28	0,174166	0,350165
HMG3	7,92	7,08	7,65	6,61	0,1741832	0,350165
RP11-365O16.3	3,63	2,10	3,81	2,07	0,1741922	0,350165
POU2F1	2,59	1,57	1,88	1,39	0,1742316	0,3502
RP11-492D6.1	0,00	0,00	0,00	0,51	0,1742414	0,3502
RP11-385F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1742634	0,350213
TTC7B	2,76	2,08	2,84	3,50	0,1742939	0,350242
LIN28B	0,00	0,20	0,08	0,00	0,1743614	0,350346
SNHG4	0,55	1,19	0,73	1,75	0,1744114	0,350392
ZBTB80S	5,08	2,96	4,90	6,01	0,1744157	0,350392
VPS13C	5,08	4,23	5,09	4,36	0,1744353	0,3504
OR13I1P	0,11	0,26	0,20	0,27	0,1744535	0,350405

CNPY2	6,54	6,70	6,66	6,18	0,1745172	0,350498
B3GLCT	0,05	0,00	0,01	0,18	0,1745396	0,350498
TYMS	0,30	0,12	0,17	0,35	0,1745573	0,350498
RP1-39G22.7	1,08	0,00	0,00	0,11	0,1745629	0,350498
CCNL1	8,50	7,75	8,26	7,82	0,1745894	0,350519
GATM	2,31	1,48	1,66	1,33	0,1746553	0,350571
RP1-177P22.1	0,00	0,00	0,28	1,52	0,1746694	0,350571
AP000704.5	0,21	0,19	0,07	0,52	0,1746956	0,350571
TCN2	0,07	3,79	2,73	3,20	0,1747022	0,350571
RP4-778K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,174707	0,350571
TMEM39B	4,42	2,93	4,34	2,54	0,1747097	0,350571
FAM76A	3,91	3,82	3,69	4,35	0,1747506	0,350609
ZNF43	4,03	3,21	3,91	1,23	0,17477	0,350609
LINC01242	0,00	0,46	0,00	0,00	0,1747761	0,350609
RP11-164P12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,174792	0,350609
RP11-478K7.2	0,00	0,28	0,00	0,13	0,1749495	0,350894
HMG20A	5,40	2,46	4,47	1,23	0,1750139	0,350991
ASPH	3,15	3,56	3,21	4,13	0,1751238	0,35118
SLC5A1	0,02	0,11	0,05	0,00	0,1752737	0,351449
TMEM79	0,11	0,07	0,14	0,00	0,1753146	0,351499
BRMS1L	0,64	1,24	0,85	0,45	0,1753491	0,351537
KRBA2	0,06	0,00	0,20	0,20	0,1754549	0,351683
RP11-294O2.2	0,48	0,69	0,70	0,41	0,1754692	0,351683
RNF167	4,83	5,09	4,86	3,72	0,1754696	0,351683
OXER1	0,79	0,00	0,45	3,27	0,1755734	0,35183
KIAA0040	3,04	3,43	3,05	2,97	0,1755779	0,35183
TBX19	1,96	0,42	0,78	2,58	0,1755909	0,35183
LA16c-431H6.6	0,12	0,16	0,21	0,40	0,1756062	0,35183
RP11-306O13.1	2,94	3,94	3,24	3,33	0,1756418	0,351869
THOC7	5,49	6,14	5,16	3,62	0,1757333	0,352009
RP11-144G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1757347	NA
FUZ	0,23	2,29	0,17	0,45	0,1757571	0,352009
ACSS1	3,76	4,15	4,17	3,24	0,1757592	0,352009
RP11-739P1.3	0,61	0,57	0,78	0,66	0,175806	0,352071
SNHG12	4,34	5,65	4,19	4,57	0,1758505	0,352129
RBMY2FP	0,00	0,00	0,06	0,07	0,1758799	NA
PLCG1	0,00	0,00	0,04	0,73	0,1759401	0,352277
ENO1	9,44	8,83	9,10	8,34	0,1760791	0,352523
INTS12	4,01	1,04	1,49	1,99	0,1761222	0,352542
KAT8	4,56	2,63	5,12	4,97	0,1761245	0,352542
RNU4-1	0,00	3,20	0,00	3,78	0,1761364	0,352542
CXorf29	0,00	0,00	1,46	2,04	0,1761619	0,352562
AC117947.1	0,00	1,01	0,00	0,00	0,1762073	NA
MAP3K13	4,00	2,58	3,94	2,83	0,1762248	0,352656
RASA2	5,32	4,74	4,39	4,91	0,1762435	0,352662
L3MBTL3	2,03	2,73	1,84	0,98	0,1762893	0,352721
RP4-604K5.3	0,87	0,72	1,81	1,09	0,1763423	0,352796
FLVCR1	3,31	1,32	2,78	2,18	0,1763782	0,352836
IP6K1	2,03	3,06	2,60	2,48	0,1764238	0,352889
ATIC	5,80	6,73	5,30	4,79	0,1764364	0,352889
CTD-2135D7.5	0,00	0,00	0,19	0,00	0,1764862	0,352948
AP003774.5	0,00	4,94	0,00	0,00	0,1764977	0,352948
SPDYE16	1,19	0,77	0,63	0,75	0,1765627	0,353046
UBR3	4,57	3,33	4,41	3,38	0,1765953	0,353079
RP11-70O5.2	0,00	0,89	0,63	0,00	0,1766562	0,353131

RP11-327F22.1	1,99	0,83	1,81	1,54	0,1766746	0,353131
AC004797.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1766765	0,353131
RN7SKP253	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1766848	0,353131
HEXIM2	0,42	0,00	0,36	0,37	0,1767346	0,353199
RP11-76I14.1	0,10	0,36	0,25	0,12	0,1767531	0,353204
B3GNT9	0,00	0,00	0,00	0,20	0,176807	0,353214
LMTK2	0,79	0,21	0,19	0,06	0,1768177	0,353214
SERP1	6,71	6,98	6,63	5,93	0,1768313	0,353214
HADH	5,04	4,26	4,33	4,10	0,1768344	0,353214
SETD4	2,51	0,87	2,11	1,71	0,1768375	0,353214
OXSM	3,20	0,54	0,95	0,48	0,1769191	0,353345
NMUR1	0,15	0,05	0,33	0,66	0,1769998	0,353475
RP11-255N4.3	0,77	0,00	0,00	0,50	0,1770388	NA
RP11-298O21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1771297	0,353702
UBBP4	0,51	0,10	0,39	0,26	0,17716	0,353731
URAD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1771946	0,353768
FBXO43	0,04	0,27	0,08	0,10	0,1772267	0,353783
RP11-447M4.1	0,82	0,14	0,30	0,33	0,1772338	0,353783
RP11-168P6.1	3,49	2,01	3,50	2,31	0,1773119	0,353907
SLC22A25	0,44	0,98	0,96	0,78	0,1773615	0,353944
RP11-136K14.2	0,00	0,00	0,00	2,73	0,1773621	0,353944
CTC-444N24.7	1,03	0,49	0,29	0,55	0,1774276	0,354043
AC004022.7	0,00	1,29	0,00	0,00	0,1774786	NA
LHX4	0,00	0,00	0,01	0,00	0,1775683	0,354292
RP1-149A16.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,177677	0,354332
CSRP2	0,76	0,76	0,74	1,61	0,1776776	0,354332
RP11-474P2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,177679	0,354332
RP11-397E7.3	3,31	4,93	4,07	3,16	0,1776958	0,354332
GPR32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1776988	NA
NFE2L2	6,94	6,17	6,36	4,82	0,1777075	0,354332
RP11-59H7.4	1,91	0,66	1,14	0,77	0,1777247	0,354332
SCN4A	0,00	0,48	0,00	0,00	0,177736	0,354332
TIRAP	0,85	0,45	0,16	0,23	0,1777401	0,354332
ABCB10	3,02	0,17	2,16	2,85	0,1777518	0,354332
RP5-936J12.1	0,00	0,18	0,00	0,00	0,177765	0,354332
ANKS3	2,28	0,95	1,86	1,76	0,1777761	0,354332
ZNF496	1,05	0,65	1,16	0,74	0,1777897	0,354332
OR5AU1	0,32	0,29	0,36	0,50	0,1777958	0,354332
RP11-354E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1777965	NA
CALCA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1778339	0,354376
SOAT1	3,93	2,81	3,89	2,89	0,1779306	0,354456
PSTPIP2	5,10	3,72	4,44	4,40	0,1779322	0,354456
RPTOR	1,34	1,31	0,96	0,50	0,1779409	0,354456
ICAM3	6,61	6,60	5,97	5,79	0,1779418	0,354456
TTC8	2,13	0,61	1,39	1,21	0,1779534	0,354456
OR52B5P	0,00	0,04	0,04	0,00	0,1779791	NA
FAM96B	7,18	7,70	7,03	6,54	0,1780169	0,354513
ANAPC1	4,19	3,25	3,51	2,86	0,1780549	0,354513
RP11-383J24.1	0,00	1,42	0,00	0,00	0,1780587	0,354513
RNU6-722P	2,47	0,00	0,00	0,00	0,1780596	0,354513
RN7SL621P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1780809	NA
EEF1DP3	0,00	0,00	0,00	3,72	0,1780864	0,354513
RP11-318M2.2	0,80	1,40	1,51	1,59	0,1780919	0,354513
MAPK9	3,09	1,59	2,34	2,68	0,178094	0,354513
GRIA4	0,09	0,35	0,16	0,13	0,1781357	0,354564

RUFY4	1,07	0,00	1,28	0,13	0,1781833	0,354627
OAT	4,95	2,74	3,68	3,44	0,1782369	0,354702
ZBTB47	0,00	0,06	0,00	0,00	0,1782517	NA
AC011747.6	0,98	1,41	0,86	1,36	0,1783886	0,354972
RF00554	2,36	4,56	2,77	2,60	0,1784848	0,355086
CLEC9A	0,11	0,70	0,19	0,42	0,1784954	0,355086
UBE2R2	4,11	3,95	4,44	4,23	0,1785042	0,355086
CTD-2649C14.2	1,31	2,16	1,28	1,71	0,1785096	0,355086
ABCA2	0,79	0,22	0,39	0,07	0,178583	0,3552
GGCT	5,23	4,81	4,85	3,06	0,1786137	0,355229
ZNF30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1786494	0,355245
NLE1	1,15	0,19	1,02	0,94	0,178654	0,355245
GLI1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1786696	0,355245
RP3-427A4.2	1,64	0,00	1,31	0,47	0,1787237	0,355321
PRG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1787522	0,35533
RP1-290I10.7	1,08	1,35	1,18	1,37	0,1787757	0,35533
SRBD1	3,46	3,95	2,59	2,02	0,1787763	0,35533
RP5-821D11.7	1,08	0,15	0,89	1,14	0,178842	0,355427
AOC4	0,00	0,11	0,00	0,00	0,1788489	NA
CTD-2532N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1788571	0,355427
SSX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1789319	NA
RP11-227G15.9	1,91	2,81	1,85	1,94	0,1789335	0,355547
CBY1	2,02	0,00	1,40	0,48	0,1789932	0,355634
RP11-39K24.13	0,00	0,00	0,09	0,22	0,1790278	0,355671
CTC-421K24.1	0,38	0,00	0,00	0,00	0,1790652	0,355689
BZW1	6,36	6,89	6,27	4,99	0,1790687	0,355689
SLC25A46	3,97	2,68	2,83	2,84	0,1790995	0,355718
SBN02	0,45	0,37	1,24	2,06	0,1791362	0,355743
C1orf220	0,38	1,34	0,35	0,44	0,1791441	0,355743
RNA5SP207	0,00	0,00	0,86	0,00	0,1791985	0,355819
ACOT2	2,72	1,39	1,45	0,17	0,1792559	0,355867
RP11-24M17.7	0,61	0,96	0,69	1,41	0,179269	0,355867
CASP14	0,41	0,30	0,47	0,58	0,1792706	0,355867
ST7-OT4	2,20	0,18	0,42	0,46	0,1794507	0,356193
HDLBP	5,94	5,99	5,13	4,92	0,1795546	0,35633
RP3-428A13.2	0,07	0,14	0,13	0,07	0,1795592	0,35633
IL1RN	5,57	5,69	6,32	4,53	0,1795677	0,35633
TRIO	5,47	4,52	5,20	5,52	0,1796289	0,356419
RPLPOP1	0,00	0,70	0,00	0,00	0,179666	NA
CTD-2609K8.3	0,00	2,10	0,72	0,00	0,1796744	0,356451
ALDH3A2	4,00	4,03	4,05	2,44	0,1796768	0,356451
AC073128.10	0,00	0,00	0,00	0,41	0,1796988	NA
RP11-44F14.7	0,28	0,23	0,21	0,79	0,1797183	0,356501
CRYAB	0,00	0,17	0,00	0,00	0,1797248	NA
CTD-2192D1.1	0,80	0,27	0,92	0,96	0,1797562	0,356544
RP11-472N13.3	0,57	0,00	0,32	0,00	0,1797902	0,35658
KLHL33	0,28	0,27	0,26	0,45	0,1798468	0,356661
MIR3975	5,58	0,00	0,00	4,59	0,1799205	0,356775
RPL22L1	5,52	5,10	5,58	6,17	0,1799384	0,356779
CCDC142	0,93	0,37	0,50	1,95	0,179987	0,356843
QPCTL	1,26	1,78	1,40	1,90	0,1800426	0,356871
PEBP1	7,34	7,14	7,03	5,67	0,1800455	0,356871
SLC25A15	2,12	0,00	0,00	1,00	0,1800491	0,356871
SLC1A1	0,00	0,00	0,00	0,04	0,1801286	NA
RP11-138N21.1	1,67	0,00	0,72	1,08	0,1801618	0,357023

SNX25	0,00	0,56	0,00	0,00	0,180172	0,357023
MTIF3	6,17	6,70	5,88	4,96	0,1801946	0,357023
YBX1	7,73	7,66	7,85	7,53	0,1802045	0,357023
CERKL	5,33	5,09	4,96	4,29	0,1802064	0,357023
ACTR10	5,91	5,59	5,16	3,75	0,1802233	0,357025
CBR3	0,36	4,61	0,00	0,00	0,1802718	0,357089
RN7SL799P	0,00	0,00	0,00	0,87	0,1804657	NA
FSCN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1805099	0,357529
TCHP	3,65	4,47	3,13	2,71	0,1805582	0,357593
WDR3	3,56	2,21	1,55	1,44	0,1805831	0,35761
MLEC	4,46	5,73	5,09	4,22	0,1806337	0,357666
TLN2	0,00	0,76	0,01	0,13	0,1806436	0,357666
COMP	0,26	0,33	0,32	0,64	0,1807246	0,357795
RNF222	0,07	0,21	0,10	0,37	0,1807916	0,357895
HOTAIR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1808938	NA
RPF1	4,95	5,17	4,47	3,80	0,1809867	0,358205
RP11-145M9.6	0,00	3,71	1,46	4,62	0,1810039	0,358205
CDH12	0,05	0,06	0,16	0,43	0,1810241	0,358205
LYRM2	5,84	4,05	4,68	4,57	0,1810324	0,358205
ZNRD1	5,42	5,98	5,11	2,08	0,1810386	0,358205
GOLM1	0,85	1,88	0,44	1,34	0,1810445	0,358205
RP11-343N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1810718	0,358227
RP5-875O13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1810902	0,358231
LA16c-361A3.3	0,00	5,85	0,00	0,00	0,1811243	0,35824
RP11-549L6.2	0,00	0,50	0,00	0,77	0,1811303	0,35824
KCP	0,34	0,13	1,04	0,61	0,1811431	0,35824
ZRANB1	2,64	0,25	2,30	0,95	0,1811977	0,358275
SON	6,80	6,86	6,72	6,70	0,1812034	0,358275
KIF9	4,04	5,07	3,51	4,77	0,1812257	0,358275
UGP2	5,02	5,28	4,78	3,78	0,1812266	0,358275
MIR744	0,00	2,81	0,00	0,00	0,1812636	0,358275
GPATCH2L	3,80	2,34	4,16	4,00	0,1812638	0,358275
GLYATL2	0,00	0,00	0,00	0,71	0,1812737	0,358275
C14orf64	1,35	1,34	1,42	1,46	0,1813076	0,358311
TMEM170B	2,29	2,78	2,81	2,22	0,1813459	0,358342
FBXO25	2,33	0,67	3,55	1,53	0,1813558	0,358342
SNORA11B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1814274	NA
RP11-509E10.3	0,48	0,94	0,51	0,94	0,181454	0,358499
AC073342.12	0,00	0,32	0,00	0,27	0,1814668	NA
FAIM	1,20	0,55	1,37	0,68	0,1814674	0,358499
RP11-144A16.8	0,00	0,61	0,34	0,52	0,1815055	NA
RNA5SP494	5,57	0,00	4,54	0,00	0,1815194	0,358542
LSAMP	0,29	0,79	0,16	1,10	0,1815213	0,358542
RP11-162G9.1	0,30	0,30	0,65	1,03	0,1815769	0,358577
RP11-566K11.6	1,90	1,43	0,50	1,38	0,1815849	0,358577
AC026202.3	0,00	0,45	2,32	0,98	0,1816145	0,358577
ESYT3	0,07	0,03	0,12	0,10	0,1816174	0,358577
C8orf76	4,02	5,27	3,71	3,81	0,181628	0,358577
TNFAIP8L3	0,28	0,85	0,40	0,23	0,1816361	0,358577
CD244	4,12	5,12	3,95	3,41	0,1817337	0,358723
ERBIN	5,05	3,93	4,85	4,40	0,1817423	0,358723
DOCK11	6,16	5,18	5,71	4,70	0,1817596	0,358725
TANK	6,14	6,13	6,67	6,26	0,1817823	0,358738
PARP1	5,43	6,49	5,55	5,12	0,1818104	0,358762
RP4-614C15.2	0,66	1,42	0,94	0,00	0,1819379	0,358982

RP11-159J3.4	0,00	0,44	0,00	0,00	0,1820221	0,359116
HIST1H2AC	3,59	1,88	0,53	0,11	0,1820485	0,359136
VPS4B	4,37	3,59	3,69	4,34	0,1820695	0,359146
SGPP1	1,98	1,48	1,66	0,18	0,1820951	0,359164
RP11-209D14.4	0,00	0,00	0,63	1,06	0,1821693	0,359274
RP11-466F5.8	1,13	0,62	1,01	1,77	0,1821829	0,359274
POP4	6,18	6,09	5,85	4,26	0,1822554	0,359385
PAPD7	2,98	3,56	3,79	0,66	0,1823727	0,359573
SNX29P2	3,73	2,27	3,59	1,28	0,1823831	0,359573
IFNW1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1823995	NA
RP11-216M21.1	1,01	0,67	0,25	1,42	0,1824874	0,359686
CTC-756D1.2	1,27	2,09	0,79	0,77	0,182503	0,359686
PTCD2	1,59	2,49	1,16	0,33	0,1825044	0,359686
MRPS23	4,44	0,81	4,41	2,21	0,1825051	0,359686
HTRA2	3,14	0,12	2,27	0,58	0,1825493	0,35971
LAMTOR1	7,97	7,03	7,73	7,39	0,1825497	0,35971
RP11-481A20.11	0,26	0,72	0,24	1,55	0,1826344	0,359845
MKS1	0,97	0,64	0,97	0,39	0,1826953	0,359924
ETAA1	2,11	1,47	1,20	0,56	0,1827161	0,359924
TMEM230	7,00	6,88	6,18	5,00	0,1827232	0,359924
BCR	2,85	1,55	2,63	1,41	0,1827513	0,359948
CMB9-55F22.2	0,55	0,86	0,41	0,56	0,1827818	0,359976
RP11-307I14.2	0,00	0,57	0,00	0,00	0,1828788	NA
ZNF20	0,63	2,91	0,86	1,23	0,182885	0,360147
XPO4	2,80	1,99	2,22	0,59	0,1829157	0,360151
C1QTNF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1829197	0,360151
MRAS	1,83	0,35	2,00	2,68	0,1829498	0,360179
GP5	0,00	0,04	0,02	0,00	0,1830545	NA
RP5-1153D9.5	0,45	0,18	0,14	0,22	0,183099	0,360441
LIAS	2,89	4,22	2,87	3,41	0,1831423	0,360494
RP11-53A1.3	0,00	0,12	0,09	0,41	0,1831968	0,360562
SLC4A2	4,22	4,22	4,83	4,95	0,183239	0,360562
RP11-307E17.8	0,77	0,31	0,31	0,12	0,1832457	0,360562
LZTR1	1,85	3,98	3,15	1,47	0,1832569	0,360562
RP11-295P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1832578	0,360562
RP11-86H7.6	0,00	0,00	0,00	0,19	0,1832645	NA
CTD-2313J17.5	0,64	1,51	0,74	1,11	0,1833101	0,360633
OASL	3,25	1,33	3,72	3,12	0,1833341	0,360648
RP4-545K15.3	2,71	0,73	3,23	3,64	0,1833825	0,360711
CAPN3	5,06	4,14	4,43	1,83	0,183408	0,360729
RP11-22P6.2	0,32	1,39	0,00	0,75	0,1834687	0,360792
TMEM170A	4,75	5,58	3,19	2,02	0,1834723	0,360792
DARS2	2,32	3,36	1,51	1,43	0,1835596	0,360932
TMEM198B	1,99	3,09	2,62	2,83	0,183591	0,360938
ATRNL1	0,00	0,24	0,00	0,20	0,1835967	0,360938
VPS39	3,97	1,95	4,17	4,18	0,1836228	0,360938
DDB2	5,05	3,05	5,29	4,73	0,1836277	0,360938
CTD-2501B8.1	0,00	0,00	0,00	0,02	0,1836831	NA
PRKDC	4,52	3,61	4,48	3,61	0,1837515	0,361117
BAIAP2L2	0,00	0,24	0,00	0,00	0,1837709	0,361117
RACGAP1	0,04	1,70	0,05	0,04	0,1837987	0,361117
GIMAP8	0,13	0,06	0,68	1,87	0,1838048	0,361117
RALGDS	3,06	3,04	3,56	1,53	0,1838127	0,361117
C6orf203	3,75	4,88	3,88	3,62	0,1838165	0,361117
SNORA2C	2,71	0,00	0,00	0,00	0,1838338	0,361119

C19orf68	0,00	0,18	0,00	0,04	0,1838809	0,361156
BCL9L	0,00	0,09	0,12	0,10	0,1838849	0,361156
RBM34	5,11	6,27	5,04	4,36	0,1839241	0,36117
LIN28A	0,13	0,32	0,13	0,24	0,183939	0,36117
RP11-551M15.1	0,00	5,07	0,00	0,33	0,1839632	0,36117
ATP6V1G1	7,91	7,25	7,54	6,81	0,1839778	0,36117
LINC00482	0,41	1,02	0,55	0,78	0,1839854	0,36117
PHACTR3	1,32	1,84	1,27	2,20	0,1839897	0,36117
RP11-353N14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1840636	0,361283
RP11-649A18.12	0,06	0,00	0,32	0,00	0,1841559	0,361433
RP11-793H13.8	0,26	0,00	0,00	0,00	0,1842121	0,361511
RP11-1033A18.1	0,06	0,06	0,06	0,14	0,1842889	NA
PCDHGC3	0,00	0,00	0,00	0,56	0,184303	0,361658
AC002543.2	0,09	0,00	0,56	0,31	0,1843327	0,361684
FAM50B	0,39	0,09	0,00	0,10	0,1843633	0,361703
ESRG	0,37	1,97	0,41	0,90	0,1843751	0,361703
RP3-467D16.3	0,48	3,27	1,22	1,31	0,1844305	0,36178
STK31	0,50	0,64	0,54	0,91	0,1846679	0,362214
STK36	0,61	2,86	0,99	0,16	0,1847198	0,362284
RP11-121L10.3	0,11	0,00	0,09	0,00	0,1847849	NA
RP11-865A20.1	0,07	0,05	0,14	0,19	0,1847921	0,362371
CTD-2085J24.3	0,39	0,50	0,00	0,52	0,1847968	0,362371
PDHX	3,17	4,27	2,15	2,82	0,1848577	0,362442
AARS2	0,66	0,23	1,13	0,37	0,1848681	0,362442
ZNF341	0,17	0,25	0,67	1,39	0,1848939	0,362442
RP11-615I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1848985	0,362442
TMEM265	2,91	4,57	4,07	4,73	0,184966	0,362543
DGCR6L	5,43	6,15	5,14	5,88	0,1849849	0,362548
EZR	6,75	6,44	6,75	6,17	0,185021	0,362586
CLDN14	0,00	0,65	0,00	0,00	0,1850598	0,362616
KRAS	4,10	4,71	4,12	3,40	0,1850686	0,362616
PLG	2,92	0,27	0,97	0,21	0,1851355	0,362715
MAGEA10	0,12	0,11	0,18	0,81	0,1851983	0,362806
GBGT1	0,72	0,44	1,88	3,27	0,1853185	0,363009
MRPL54	6,80	7,17	7,19	7,10	0,1854365	0,363154
FCGR1C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1854424	0,363154
PYROXD1	4,21	2,18	3,95	2,70	0,1854455	0,363154
ASPA	2,05	2,00	1,90	1,28	0,1854579	0,363154
MGRN1	3,26	3,88	3,69	4,13	0,1855063	0,363194
REPS2	2,17	1,81	2,07	2,92	0,185511	0,363194
RP11-434D9.2	0,53	1,33	1,07	0,60	0,1855801	0,363285
KPNB1	5,75	4,40	5,15	5,28	0,1856053	0,363285
PARD6G-AS1	0,00	0,15	0,20	0,00	0,1856063	0,363285
ACPS	1,77	0,11	0,13	0,61	0,1856275	0,363294
FAM174A	2,38	1,91	0,22	1,44	0,1856752	0,363356
RP11-310N16.1	0,17	0,00	0,06	0,12	0,1858295	0,3636
RP11-413H22.2	0,76	0,00	0,00	0,00	0,1858327	0,3636
AC110926.4	0,04	0,35	0,12	0,21	0,1859687	0,363834
SV2B	0,04	0,10	0,11	0,04	0,1860097	0,363882
CENPC	3,75	3,77	3,17	3,11	0,1861029	0,364032
NAIF1	0,64	3,86	1,04	0,69	0,1861719	0,364114
POMZP3	0,77	0,42	1,83	1,81	0,1862002	0,364114
RP4-601P9.1	0,52	0,55	0,77	0,00	0,1862068	0,364114
AKIRIN1	5,27	4,72	5,00	4,59	0,1862099	0,364114
RP11-267M23.4	0,08	0,00	0,08	0,17	0,1862989	0,364256

CTD-2270P14.3	0,19	0,00	0,28	0,37	0,1863243	0,364273
SATB1	5,01	6,52	5,49	3,85	0,1863606	0,364312
RP11-67B16.1	0,03	0,04	0,04	0,02	0,1863837	0,364325
RP11-314N13.10	0,29	0,00	0,00	0,00	0,1864236	NA
RP11-318K15.2	3,20	4,86	2,61	4,03	0,1864759	0,364449
GCFC2	3,86	1,73	2,99	2,64	0,1864883	0,364449
PRR19	0,20	0,17	0,45	0,66	0,1864962	0,364449
RP11-1338A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1866191	0,364657
C1orf131	4,05	1,80	3,39	2,93	0,1866679	0,364703
CDC40	4,16	4,99	4,39	4,81	0,1866756	0,364703
RP5-998N21.7	2,24	0,00	0,00	0,26	0,18676	0,364811
RP11-286N22.14	0,13	0,58	0,00	0,00	0,1867702	0,364811
NOL11	4,21	2,55	4,26	2,64	0,1867801	0,364811
RP11-390P2.4	3,08	0,00	2,88	3,96	0,1869067	0,364986
GAMT	2,75	0,41	1,16	1,35	0,1869155	0,364986
CCDC125	3,13	4,06	2,82	2,46	0,1869186	0,364986
RP11-196G11.3	0,50	0,26	0,23	0,47	0,1869561	0,364998
RP11-338K17.8	0,46	2,00	0,93	1,31	0,1869576	0,364998
AC124944.2	0,00	0,00	0,20	0,97	0,1869981	0,365029
KIZ	2,65	0,25	3,51	1,06	0,1870064	0,365029
PRRX1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,187129	NA
RP13-20L14.4	0,48	0,80	0,87	0,53	0,1871541	0,365283
NALCN	0,28	1,20	0,49	0,46	0,1871694	0,365283
HAR1B	0,00	0,22	0,00	0,00	0,1871875	NA
TLR6	2,08	1,51	2,35	2,23	0,1872607	0,365422
RP11-108M9.5	0,00	0,00	0,09	0,00	0,1872811	0,365422
RP11-96B5.3	1,50	0,23	1,51	1,26	0,1873025	0,365422
PRUNE	3,04	3,01	2,21	0,70	0,1873146	0,365422
RGS10	7,59	6,61	7,26	6,28	0,1873246	0,365422
CARD14	0,36	0,34	0,47	0,40	0,1873395	0,365422
RP11-78J21.3	0,00	4,04	0,00	0,00	0,1874923	0,365653
GPR12	0,02	0,13	0,02	0,05	0,1875068	0,365653
TBC1D27	0,15	0,15	0,20	0,31	0,187507	0,365653
SIKE1	4,71	1,12	3,42	2,06	0,1875699	0,365708
RP11-756D7.2	0,24	0,30	0,17	0,93	0,1876024	0,365708
CSTF1	3,39	0,50	2,18	1,42	0,1876138	0,365708
GRHPR	6,54	5,32	5,76	5,40	0,1876189	0,365708
CLTC	5,99	4,64	5,64	5,35	0,1876366	0,365708
FBXO46	1,56	2,30	1,43	0,74	0,1876486	0,365708
RP11-386I23.1	1,02	1,59	0,97	1,23	0,1876503	0,365708
AC137499.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1877279	0,365827
ORAOV1	3,49	1,91	2,96	2,01	0,1878042	0,365943
RP13-714J12.1	0,00	0,28	0,12	0,00	0,1878628	0,366025
TACR2	0,59	1,53	0,66	2,84	0,1879113	0,366088
CTD-2619J13.16	0,76	0,00	0,56	0,00	0,187937	0,366106
RP11-454F8.2	0,47	1,63	1,17	0,70	0,1879718	0,366141
SERTAD1	3,58	4,59	4,24	4,27	0,1880058	0,366176
CLEC1B	2,52	1,60	2,02	3,77	0,1880463	0,366222
SMAD7	0,05	0,78	0,05	0,11	0,1880896	0,366275
RP11-676B18.1	0,00	0,04	0,08	0,06	0,1881269	0,366301
HTR2A	0,07	0,61	0,07	0,03	0,1881466	0,366301
SARNP	6,61	5,13	6,11	6,15	0,1881526	0,366301
RP11-324C10.1	2,15	3,43	2,68	2,19	0,1882804	0,366518
ZNF813	0,32	0,28	0,36	0,71	0,1883343	0,366522
RP11-147L13.13	0,03	0,00	0,62	0,07	0,1883438	0,366522

MTMR9	3,49	2,09	3,52	1,72	0,1883484	0,366522
KLHL17	0,62	2,08	1,22	0,11	0,1883686	0,366522
KLRB1	0,08	2,87	0,11	1,16	0,1883831	0,366522
RP3-425C14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,18841	0,366522
CTD-2313J17.6	0,00	0,00	0,76	1,13	0,1884192	0,366522
MBD5	4,22	3,88	4,56	3,52	0,1884602	0,366522
ZNF428	1,00	1,86	1,14	1,22	0,1884621	0,366522
PET117	4,57	1,82	3,18	0,88	0,1884707	0,366522
RP1-76C18.1	0,79	0,75	0,89	1,32	0,188483	0,366522
GTF2A2	6,94	6,36	6,61	5,64	0,1884879	0,366522
RN7SL488P	1,16	1,44	1,22	1,64	0,1884969	0,366522
RP11-288L9.4	3,59	3,45	2,50	0,97	0,1887664	0,366971
KCNK17	0,27	0,62	0,15	0,25	0,1887694	0,366971
CHST14	0,19	1,56	0,73	0,15	0,1887776	0,366971
NCBP3	3,53	4,22	3,11	3,35	0,188825	0,367017
HOMEZ	0,94	0,03	0,18	0,25	0,1888343	0,367017
IL10RA	6,02	6,26	6,16	5,56	0,1888519	0,367019
RP11-344N17.8	0,00	1,14	0,00	1,52	0,1888975	NA
AD000684.2	0,39	0,32	0,54	0,29	0,1888977	0,367034
WDR76	1,11	0,61	0,64	0,46	0,1889033	0,367034
MAT2B	5,83	4,79	4,84	5,37	0,1889088	0,367034
RP4-614C10.2	1,60	0,00	0,94	0,02	0,1889407	0,367064
RP11-161M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1891004	0,367342
SUPT7L	4,49	0,99	3,62	2,73	0,1891238	0,367355
GPR55	0,00	0,00	0,00	0,09	0,1891587	0,367391
RP11-1113N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1892288	0,367495
GBA	3,41	4,62	3,95	4,24	0,189251	0,367506
ATF6B	4,51	3,10	4,90	3,84	0,1892952	0,367559
RGL4	0,71	0,05	0,02	0,05	0,1893496	0,367633
QRSL1	2,97	1,69	2,72	2,02	0,1894703	0,367802
BORA	1,62	0,09	0,16	0,54	0,1894739	0,367802
EIF4E3	1,38	1,26	1,80	2,87	0,1894863	0,367802
RN7SL665P	0,00	1,23	0,00	0,00	0,1895297	0,367854
RP11-413N19.2	0,30	0,00	0,28	0,00	0,1896078	NA
ADNP2	1,89	2,50	1,83	0,36	0,1896203	0,367973
RP11-553L6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,189624	0,367973
RP11-453A12.1	0,11	0,00	0,15	0,59	0,1896555	0,368002
AC105253.1	0,19	0,22	0,07	0,06	0,1897069	0,36807
CADPS2	0,00	0,42	0,00	0,00	0,1897306	0,368083
RP11-671J11.5	4,14	5,37	4,87	5,23	0,1897706	0,368129
RP11-378A12.1	0,00	0,16	0,08	0,08	0,1897902	0,368135
MAPKAPK3	5,04	6,18	5,00	4,18	0,1899092	0,368333
TMEM221	0,25	0,35	0,34	0,62	0,189929	0,36834
ZNF232	0,00	0,00	0,00	0,24	0,1900036	0,368452
RP3-425P12.1	2,15	0,00	0,67	4,27	0,1900263	0,368452
NEK4	2,49	2,70	1,55	1,08	0,1900381	0,368452
RN7SL98P	0,69	0,00	0,00	0,00	0,1900468	NA
BEND5	2,73	0,00	0,02	0,00	0,1900532	0,368452
RP11-673C5.1	5,52	5,28	5,68	5,39	0,1901049	0,36852
RP11-258F1.1	0,38	0,63	0,79	0,57	0,1901344	0,368545
HIST1H2AL	1,91	0,00	1,03	0,00	0,1901971	0,368622
GPR157	0,90	0,79	1,12	0,64	0,1902074	0,368622
ZBED1	3,04	2,69	3,36	2,89	0,1902619	0,368672
KB-1742H10.3	0,97	1,62	0,30	1,79	0,1902662	0,368672
AC127904.2	0,65	0,88	1,52	2,29	0,1902834	0,368673

HLA-DRB6	5,55	6,94	6,47	3,93	0,1903237	0,368705
VTA1	5,04	1,92	4,51	1,67	0,1903329	0,368705
MS4A6A	9,48	9,45	9,80	9,42	0,1903702	0,368745
C10orf88	1,72	1,64	2,11	0,90	0,1904069	0,368784
CTD-2552B11.4	1,28	0,86	1,09	0,90	0,1904508	0,368837
ANKMY1	1,67	1,15	1,98	3,61	0,1904789	0,368859
SKA1	0,75	0,52	1,00	0,63	0,1906507	0,369159
COPZ1	7,17	6,33	6,37	6,35	0,1906881	0,3692
TMEM74B	0,16	0,20	0,00	0,00	0,1907944	NA
PCGF3	4,02	3,93	3,47	4,54	0,1908497	0,36948
RP11-383J24.5	3,14	1,56	1,49	1,77	0,190996	0,369731
SAMD7	0,00	0,06	0,00	0,00	0,1910232	NA
STIM2	5,02	4,13	4,08	4,83	0,1910371	0,369779
STYX	3,71	3,37	2,92	1,61	0,1911356	0,369937
ZMYM2	4,56	5,52	4,57	3,92	0,1912119	0,370053
PLAU	0,83	0,23	0,76	0,07	0,1912668	0,370082
AGAP9	2,70	2,51	2,71	1,61	0,1912727	0,370082
RP11-366L5.1	0,07	0,07	0,04	0,11	0,1912769	0,370082
CTD-2353F22.1	1,75	0,00	0,15	0,43	0,19131	0,370113
RP11-722G7.1	0,35	0,46	0,37	0,67	0,1913282	0,370117
RP11-523L20.2	0,13	1,00	0,25	0,37	0,1913491	0,370125
SAMD14	0,00	1,03	0,00	0,07	0,1913996	0,37019
SSFA2	4,34	4,59	4,51	3,71	0,1914528	0,370261
TRMT11	2,81	3,10	2,46	2,93	0,1915103	0,37034
FGD1	0,19	0,03	0,00	0,00	0,1915333	0,370352
AP005530.1	0,00	0,34	0,00	0,21	0,1915951	NA
FKBP4	2,04	0,53	1,75	1,06	0,1916056	0,370429
RP3-340B19.5	0,00	0,86	1,32	4,42	0,1916063	0,370429
RPS6P21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1917682	0,37071
RP11-17E2.2	0,48	1,13	0,50	0,36	0,1918623	0,370854
ITGAL	4,45	5,35	4,11	4,14	0,1918763	0,370854
RP11-439M11.1	1,96	1,59	1,76	2,38	0,1919193	0,370905
CX3CR1	4,45	2,47	3,70	4,65	0,1919689	0,370955
CNTN1	0,70	0,02	0,65	1,37	0,1919932	0,370955
UBE4A	3,71	2,43	3,50	3,19	0,1920051	0,370955
RP11-456D7.1	1,52	1,04	1,14	1,14	0,1920121	0,370955
DLEU7	0,00	0,07	0,00	0,15	0,19203	0,370958
TTF2	3,37	0,94	2,46	3,81	0,1920747	0,371012
RGS3	0,41	1,61	1,26	2,80	0,1921138	0,371055
AC010761.14	0,00	0,00	0,00	2,05	0,1921618	0,371096
RP11-357H14.17	0,67	0,72	0,77	0,99	0,1921683	0,371096
STRA13	5,22	5,76	5,57	1,21	0,1922293	0,371181
SPRY4	0,02	0,05	0,03	0,00	0,1923009	0,371287
ADAM17	3,85	1,82	3,45	2,69	0,1923459	0,371324
CENPK	2,52	3,47	2,39	3,45	0,1923534	0,371324
GLCC1	2,52	1,76	0,63	1,37	0,1923747	0,371332
AC005616.2	0,55	1,96	1,02	1,15	0,192391	0,371332
C1orf141	0,08	0,37	0,11	0,35	0,1924175	0,371351
bP-21264C1.3	0,00	0,23	0,00	0,00	0,192427	NA
RP11-439A17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1924474	0,371377
KRT17	0,00	0,31	0,00	0,00	0,1924699	NA
ACAT1	5,24	4,85	5,34	5,99	0,1924996	0,371445
PPP2R2D	3,48	3,86	3,71	2,96	0,1925164	0,371445
ALS2	2,48	2,17	1,16	2,28	0,1925446	0,371467
RP11-498E2.9	0,00	0,00	0,00	4,23	0,1925797	0,371503

RP11-452L6.6	0,21	0,83	0,34	0,92	0,1925963	0,371503
FAM26F	7,07	7,48	7,24	4,96	0,1926529	0,371579
ZDHC24	3,04	1,02	2,63	1,49	0,1927014	0,371641
RP11-472I20.4	0,06	0,13	0,19	0,07	0,1927296	0,371645
RP4-665J23.4	0,79	0,93	1,37	1,09	0,1927373	0,371645
KANK3	0,00	0,00	0,05	0,07	0,1927845	NA
XKR8	2,30	1,10	1,64	0,92	0,192956	0,372035
KLRG1	1,32	3,41	1,89	1,83	0,1929728	0,372035
RP1-148H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1932259	0,372461
WDR41	6,01	5,21	4,93	5,02	0,1932274	0,372461
CLYBL	2,26	0,17	0,26	3,07	0,19335	0,372665
POLR1A	1,28	0,58	1,38	0,69	0,193372	0,372675
RP5-1174N9.2	1,88	2,96	2,06	2,44	0,1934063	0,372709
RP11-382F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1934245	0,372712
LINC00895	0,00	0,60	0,04	0,09	0,1934686	0,372746
RP11-517A5.5	0,33	1,64	2,83	1,68	0,1934829	0,372746
RP3-510O8.4	0,00	0,51	0,00	0,00	0,1934865	NA
RP11-370I10.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1934963	0,372746
ELAC2	2,87	1,31	3,03	3,22	0,1935091	0,372746
RP5-1086K13.1	0,00	0,70	0,36	1,56	0,193527	0,372748
U2SURP	6,15	6,14	5,86	4,95	0,1935547	0,372769
AHDC1	1,13	1,34	1,24	1,46	0,1935779	0,372781
TALDO1	7,71	7,06	7,89	8,03	0,1935968	0,372785
RP11-350A18.1	1,86	1,01	1,31	1,15	0,1936152	0,372789
RP11-321N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1937707	0,373044
RP11-131M11.3	0,23	0,64	0,44	0,65	0,1937812	0,373044
ADAM5	0,00	1,97	0,00	0,00	0,1938089	0,373065
TCP11L2	3,39	2,07	3,58	1,85	0,1938525	0,373114
CTC-429P9.5	0,00	0,42	0,42	0,44	0,1938682	0,373114
TOP1	3,87	3,55	3,25	3,27	0,1939703	0,373278
AC079776.3	0,24	0,48	0,41	0,32	0,1940523	0,373388
RP11-114B7.6	0,59	0,00	0,48	1,61	0,194061	0,373388
ZNF836	2,41	1,67	1,96	2,94	0,1941132	0,373456
AC131056.3	0,00	0,00	0,00	0,17	0,1942082	0,373607
ZNF268	2,91	1,15	1,37	1,23	0,1942373	0,37363
RP11-1047D15.2	0,43	1,29	0,31	0,77	0,1942557	0,373632
HIST1H2AD	3,44	0,00	0,00	0,00	0,1942718	0,373632
UAP1	3,95	1,16	3,92	1,72	0,1943144	0,373682
MRPL44	4,16	1,59	2,63	3,46	0,1943432	0,37369
RP11-15A1.7	0,00	0,00	0,00	1,90	0,1943524	0,37369
RP11-627G18.4	0,62	0,87	1,22	0,00	0,1943755	0,373702
RP11-573D15.9	0,00	0,33	0,29	0,96	0,1944501	0,373813
EFCAB5	1,96	2,50	2,14	3,23	0,194556	0,373984
C11orf54	2,08	2,23	2,61	2,34	0,1945843	0,374006
TMEM119	1,35	1,34	1,55	1,87	0,1946212	0,374045
RP11-616K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1947279	0,37416
KIF26A	0,00	0,07	0,00	0,00	0,194748	0,37416
RP11-761N21.2	3,41	4,17	3,51	3,71	0,1947481	0,37416
CTC-436K13.1	0,00	0,00	0,00	0,50	0,1947482	0,37416
TMEM168	3,42	1,33	2,39	0,96	0,1948105	0,374247
RP11-144O23.22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1948629	NA
RP11-40A8.3	0,70	2,64	0,82	1,90	0,1950076	0,374593
PEX11G	0,26	2,14	0,92	1,39	0,1950419	0,374618
CLDND2	0,61	0,00	0,84	1,02	0,1950573	0,374618
LEPR	0,75	0,53	0,61	1,89	0,1950814	0,374618

RP11-803D5.4	0,00	0,35	0,00	0,26	0,1950877	0,374618
C9orf139	1,14	0,52	0,99	3,19	0,1951154	0,374638
USP39	5,50	4,09	5,55	4,39	0,1951811	0,374722
RP4-620E11.8	0,46	0,56	0,00	0,00	0,1951965	0,374722
ZNF613	0,63	0,43	0,61	0,00	0,1952227	0,374722
C22orf46	0,99	1,07	0,78	0,69	0,1952421	0,374722
RP11-298I3.5	2,78	2,94	3,90	1,51	0,1952693	0,374722
TMEM5	4,44	4,59	3,79	3,06	0,1952753	0,374722
WDR25	1,45	0,09	1,68	2,65	0,195283	0,374722
ZSWIM7	6,00	3,84	5,84	5,67	0,1952936	0,374722
C16orf54	5,37	4,40	5,05	4,44	0,1953324	0,37474
NFE4	0,00	0,18	0,89	0,36	0,1953371	0,37474
CTC-459F4.2	2,13	2,75	2,44	1,13	0,1953752	0,374779
RP11-254F7.3	3,44	4,23	4,19	4,56	0,1954191	0,374779
IL6ST	3,93	3,15	4,73	3,17	0,1954242	0,374779
PTGER4	6,43	5,23	5,88	4,14	0,1954249	0,374779
RP11-44D15.3	0,25	0,00	0,27	0,00	0,1955035	0,374878
DDX27	4,73	3,01	4,29	4,72	0,1955102	0,374878
NUDT13	1,37	0,73	2,04	1,76	0,195612	0,375041
MXI1	2,04	2,79	2,46	3,03	0,1956846	0,375148
ARHGAP42	0,11	0,11	0,01	0,00	0,1957374	0,375186
APOBEC3G	4,69	2,33	4,42	2,75	0,1957597	0,375186
TNFAIP1	1,93	0,27	1,50	0,39	0,1957649	0,375186
IRAK1	4,37	3,93	4,61	3,98	0,1957956	0,375186
EFTUD2	5,83	4,81	5,50	5,88	0,1958044	0,375186
ZMYM3	1,55	1,34	2,06	0,31	0,1958058	0,375186
APLF	0,62	0,44	1,17	1,06	0,1958404	0,37522
ZNF454	0,00	0,00	0,00	0,05	0,1958524	NA
IGHGP	0,00	0,00	0,00	0,12	0,1958885	0,37528
RP11-814M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1959564	NA
VAMP1	2,77	4,89	2,42	2,60	0,1960297	0,375518
STS	0,10	1,58	0,18	0,28	0,1961381	0,375693
RP11-80P20.3	1,01	1,98	1,47	1,56	0,1962862	0,375845
RP11-96K19.5	0,10	0,00	0,00	0,00	0,1963042	0,375845
RP11-817O13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,196307	0,375845
DOCK3	0,00	0,12	0,00	0,00	0,1963113	0,375845
FRMD6-AS1	0,06	0,11	0,20	0,23	0,1963141	0,375845
RP11-632K20.2	1,73	0,36	1,00	0,33	0,196347	0,375845
IPPK	1,03	0,23	1,13	0,03	0,1963479	0,375845
SLC5A2	0,00	1,22	0,83	1,58	0,1963621	0,375845
GDF5OS	0,08	0,69	0,20	0,51	0,1963693	0,375845
BCL9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1964071	0,375869
UAP1L1	1,25	2,65	1,86	1,27	0,1964161	0,375869
LUC7L	4,91	4,22	5,28	5,25	0,1964354	0,37587
TESPA1	3,22	1,64	2,64	3,05	0,1964503	0,37587
RP11-252K23.1	0,53	0,00	0,00	0,77	0,1965292	NA
CDKL5	2,14	2,99	2,10	2,61	0,1965332	0,375997
ILK	6,82	3,65	6,27	6,32	0,1967818	0,37644
PFDN6	2,50	1,66	1,41	1,46	0,1968592	0,376555
RP11-511H23.1	0,00	0,33	0,00	0,40	0,196912	NA
WDR93	0,81	0,86	0,60	0,40	0,1970404	0,376869
RP11-353N14.2	0,00	0,00	0,03	0,00	0,1970499	NA
RP11-445F6.2	0,00	0,20	0,00	0,17	0,1970592	NA
PMEPA1	0,07	0,00	0,03	0,06	0,1971436	0,377034
SPRY1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1971856	NA

ZFYVE27	3,71	0,41	3,54	2,64	0,1971863	0,377084
AC096663.1	0,15	0,00	0,14	0,00	0,1972042	NA
AC009166.7	0,16	0,53	0,18	0,46	0,1972514	0,377176
RP1-266L20.9	0,50	1,27	0,81	0,58	0,1974194	0,377464
MDH1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1974655	NA
TMEM220	2,98	1,10	2,00	2,01	0,1975242	0,377632
KCTD2	0,27	0,34	1,65	2,03	0,1976471	0,377835
KLHL36	2,20	1,70	2,78	2,43	0,1976752	0,377841
RP4-773A18.10	0,13	0,07	0,26	0,46	0,1976919	0,377841
RP11-799O21.1	0,05	0,17	0,04	0,19	0,1977013	0,377841
HERC2P9	3,21	1,96	2,84	2,81	0,1977498	0,377901
MB21D1	1,69	0,59	1,76	1,20	0,1979381	0,378228
ARHGEF3	3,10	3,29	2,15	1,69	0,197966	0,378249
PRPF40A	6,49	6,09	6,08	5,05	0,1979844	0,378252
RP11-135F9.4	2,75	2,60	2,55	1,41	0,1981666	0,378567
NDC1	2,61	0,12	1,15	1,37	0,1981998	0,378598
EIF2AK2	4,91	2,97	4,65	4,02	0,1982449	0,37862
MRPL27	6,04	6,42	6,35	5,54	0,1982451	0,37862
CCDC92	2,71	0,85	2,25	3,21	0,198272	0,378639
ARAP2	2,96	0,87	2,99	4,28	0,1983029	0,378665
FUNDC1	4,59	3,91	1,46	1,11	0,1983624	0,378746
CPNE9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1984156	NA
GCH1	3,66	2,36	3,72	3,32	0,1984181	0,37882
RP11-328K4.1	0,00	0,49	0,00	0,00	0,1984411	0,378831
SCARNA3	3,02	0,00	0,00	5,40	0,198473	0,37886
RP11-157F20.1	0,00	0,00	0,08	0,00	0,1985092	0,378876
RP11-10L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1985325	0,378876
PADI6	0,13	0,00	0,05	0,06	0,1985402	0,378876
RBMX	6,67	6,66	5,98	5,40	0,1985498	0,378876
DCAF11	4,24	5,44	4,42	5,02	0,19862	0,378977
RP11-595B24.2	0,00	1,69	0,25	0,00	0,1986436	0,37899
ZSWIM1	0,95	1,72	1,24	1,22	0,1987175	0,379073
NRN1	0,14	0,09	0,14	0,85	0,198721	0,379073
RPS6KC1	3,48	2,18	3,43	2,65	0,1987566	0,379108
SNORD89	2,39	3,51	0,00	1,68	0,1987929	0,379145
PARN	4,49	4,16	4,11	3,45	0,1988301	0,379183
RP11-147L13.12	5,13	3,49	3,89	2,79	0,1988499	0,379188
BHLHE40	6,46	5,66	6,34	5,45	0,1989334	0,379315
RP11-277P12.9	0,00	1,65	0,00	0,00	0,1991002	0,379601
PHF5A	5,41	1,35	3,91	2,03	0,1991177	0,379601
CES4A	1,73	1,33	1,20	1,23	0,1991572	0,379637
UBR5	5,26	5,55	4,58	5,11	0,1991708	0,379637
GNPMB	0,02	0,09	0,05	0,00	0,199237	NA
HAUS3	3,10	2,49	2,09	2,10	0,1992523	0,379758
EP400	3,33	3,09	3,08	3,67	0,1992683	0,379758
RP11-473M20.7	0,71	1,85	0,78	1,46	0,1993357	0,379828
KIAA0355	2,03	3,22	1,70	2,42	0,1993392	0,379828
ATP6V0D1	7,79	7,51	7,32	7,10	0,1994672	0,380039
RPL35AP3	0,00	0,00	0,00	1,45	0,1995024	NA
MAN1B1-AS1	0,60	0,45	1,46	0,87	0,1995364	0,38011
CTD-3222D19.4	0,26	0,37	0,40	1,26	0,1995552	0,38011
RP11-497H16.9	2,37	1,40	1,68	1,50	0,1995557	0,38011
PATZ1	2,21	0,92	1,73	1,43	0,1996155	0,380191
AC004696.2	1,99	3,88	2,39	1,71	0,1997512	0,380417
VWA3B	0,05	0,30	0,07	0,09	0,1997922	0,380443

RP11-103G8.4	0,00	0,49	0,00	1,27	0,1998115	0,380443
PRSS36	0,00	1,61	0,66	0,36	0,1998161	0,380443
GALNT18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,1998171	NA
PGA3	0,00	0,00	0,09	0,00	0,1998346	NA
NCBP1	4,70	3,59	3,43	3,62	0,1998476	0,380471
RP11-727A23.10	2,01	3,09	1,64	2,49	0,1998718	0,380484
SPECC1	6,19	5,81	5,93	5,43	0,2001134	0,38089
RP11-798G7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2001191	0,38089
CTA-722E9.1	0,14	0,32	1,11	0,61	0,2002019	0,380977
GNAL	0,28	0,12	0,13	0,48	0,2002279	0,380977
RP11-506B6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2002323	0,380977
CCDC150	0,25	0,34	0,32	0,56	0,2002338	0,380977
RP11-576C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2003089	0,381088
PKD1L1	0,00	0,03	0,00	0,00	0,2003551	0,381143
PTDSS2	0,26	1,31	1,48	0,26	0,2004701	0,381309
RP11-665G4.1	1,83	0,00	0,00	0,81	0,2004769	0,381309
AC009133.12	0,00	0,45	0,13	0,68	0,2004951	0,381311
PKP4	1,16	0,84	2,51	0,73	0,2005264	0,381324
DUX4L26	0,00	0,91	0,00	0,00	0,2005363	0,381324
PIH1D3	0,08	0,00	0,09	0,00	0,200553	0,381324
KLF10	5,58	5,65	5,23	4,58	0,2006251	0,381427
RN7SL395P	0,00	0,00	0,00	0,83	0,2006283	NA
NCOR1	7,13	6,53	6,80	6,31	0,2006482	0,381427
HLA-DQA2	7,12	7,27	6,71	3,72	0,200659	0,381427
AC096649.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,200693	NA
MSL2	2,75	4,78	2,86	3,20	0,2007005	0,381453
LRPAP1	5,81	4,86	5,42	4,45	0,2007071	0,381453
GS1-114I9.1	2,93	0,48	0,23	4,85	0,2007595	0,38152
SWSAP1	2,95	4,10	3,09	3,02	0,2008421	0,381645
RP11-37N22.1	0,63	0,93	0,85	0,72	0,2009197	0,381759
CTC-308K20.4	0,00	0,00	0,00	1,44	0,2009384	NA
RP11-297D21.4	1,70	1,59	1,99	1,64	0,2009814	0,381816
SKIDA1	0,29	0,24	0,17	0,17	0,2009839	0,381816
RNU2-66P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2010014	0,381817
UCHL1	0,00	0,27	0,00	0,22	0,201113	NA
MYT1	0,00	0,02	0,00	0,00	0,2012022	0,382166
KATNAL2	1,71	1,67	1,84	1,03	0,2013239	0,382364
CIRBP	6,56	6,39	6,54	6,56	0,2013819	0,382423
ACTA1	0,56	0,38	0,33	0,30	0,2013891	0,382423
PPHLN1	6,99	5,76	6,42	6,36	0,2014304	0,382468
RP11-775H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2015498	0,382662
ZNF41	1,13	0,03	2,70	0,67	0,2016368	0,382795
RN7SL376P	1,81	2,30	2,02	1,79	0,2017721	0,383019
AC144521.1	0,70	0,83	0,62	0,29	0,2017909	0,383022
RP11-424G14.1	0,00	0,19	0,00	0,09	0,2018306	0,383033
CELA2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2018311	0,383033
CTC-228N24.3	2,17	3,63	1,62	1,21	0,201856	0,383047
NAPG	4,20	3,45	3,85	3,08	0,2018791	0,383058
OSGIN1	0,00	1,86	0,38	0,43	0,2019029	0,383071
ATP13A2	0,80	0,31	1,95	1,43	0,2019867	0,383197
SLC6A17	0,01	0,10	0,02	0,00	0,2020085	0,383206
AGGF1P8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2020596	0,383259
C17orf58	0,11	0,00	0,28	1,44	0,2020856	0,383259
RP11-574M7.1	0,68	4,62	0,22	0,60	0,2020881	0,383259
DOPEY2	2,17	1,57	2,45	2,58	0,2021149	0,383277

CTD-3138B18.5	0,06	0,48	0,41	0,04	0,202238	0,383453
MRI1	0,90	0,52	1,29	0,93	0,2022526	0,383453
MTERF1	2,77	1,84	2,02	0,70	0,2022741	0,383453
SDCCAG3	3,79	3,02	3,33	4,13	0,2022768	0,383453
KLHL13	0,00	0,00	0,00	0,02	0,2022952	0,383455
RP11-320M2.1	0,50	0,32	0,81	1,12	0,2023802	0,383583
RN7SL14P	2,06	0,00	1,50	0,73	0,2024456	0,383675
CTD-2260A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2025622	0,383814
YES1	0,23	0,74	0,60	0,83	0,2025663	0,383814
MIS18A	2,34	0,09	2,48	0,53	0,2025711	0,383814
MEA1	6,20	4,19	5,83	5,22	0,2027114	0,384047
AC020571.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2027546	NA
ARHGEF11	0,09	0,18	1,17	0,88	0,2028553	0,384287
CMB9-55A18.1	0,00	0,09	0,30	0,11	0,2028735	0,384289
LMBR1L	3,13	4,19	4,38	3,15	0,2030356	0,384563
RPS-995J12.2	0,28	0,38	0,28	0,27	0,2030786	0,384612
TLDC1	0,80	1,94	0,84	0,72	0,2031209	0,384639
RP11-51F16.1	0,95	1,01	1,83	1,53	0,2031275	0,384639
RP11-325F22.3	2,96	2,19	3,95	3,41	0,2031541	0,384657
AC009495.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2031564	NA
MED10	5,83	5,82	5,55	4,29	0,2031765	0,384666
FABP5L3	0,00	0,16	0,10	0,00	0,2032003	NA
RP11-129K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2032051	NA
MRPL13	6,31	5,80	5,62	4,86	0,20325	0,384754
MYCT1	0,00	0,00	0,00	0,28	0,2032577	0,384754
RP11-355F16.1	0,10	0,00	0,00	0,15	0,2032775	0,384759
FAM87B	0,00	0,00	0,00	0,10	0,2033041	0,384777
RP11-751A18.1	0,00	0,69	0,00	0,00	0,2033257	NA
SHANK2	0,67	0,00	0,30	0,68	0,2033915	0,384909
RP11-547C5.2	0,00	0,00	0,00	0,95	0,203448	0,384984
SQRDL	6,19	5,16	5,95	5,47	0,2035092	0,38504
DNAJB5	0,29	0,49	0,90	1,26	0,2035124	0,38504
C2orf49	1,98	0,91	1,57	2,19	0,2035538	0,385041
RP11-181C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,203557	0,385041
CTA-339C12.1	0,00	0,00	1,54	0,00	0,2035648	0,385041
RPS18P12	0,00	0,46	0,00	0,46	0,203601	NA
AC004510.3	0,42	1,84	0,15	2,44	0,2036685	0,385204
RP11-80H18.3	3,03	0,10	3,35	0,58	0,2037481	0,385322
ANKRD20A1	1,12	2,58	1,27	0,04	0,2038741	0,385512
RP11-976B16.1	0,17	0,22	0,22	0,78	0,2038836	0,385512
CCNI2	0,25	0,32	0,20	0,13	0,2039188	0,385546
SH3D19	1,13	0,33	0,66	0,04	0,2039558	0,385583
ZFPM2	0,19	1,59	0,57	0,28	0,2039818	0,3856
RP11-588H7.1	0,30	0,18	0,39	0,23	0,2041102	0,38581
RN7SL481P	0,81	1,43	2,00	0,79	0,2041438	0,38584
ANKRD20A19P	0,92	1,49	0,75	0,66	0,2041813	0,385878
FTSJ1	4,33	2,17	3,37	1,78	0,2042091	0,385898
AC073264.6	0,00	3,71	0,00	3,82	0,2043185	0,38606
MAPK8IP3	1,69	1,59	2,19	1,19	0,2043293	0,38606
AC073046.4	0,00	0,32	0,00	0,00	0,2043796	0,386122
CTD-2081C10.7	0,00	1,63	0,00	0,00	0,2044893	0,386276
HYLS1	0,17	0,37	0,56	0,96	0,2045052	0,386276
CHTF18	0,00	0,00	0,19	3,48	0,2045133	0,386276
SMAP1	3,91	2,95	4,46	3,39	0,2045399	0,386288
RP11-164H13.1	0,69	0,87	0,89	0,70	0,2045545	0,386288

RDH11	3,82	2,26	3,93	1,73	0,204583	0,386309
AC024084.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2046479	0,386399
LA16c-360H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2047087	0,386481
RP11-421E14.2	0,51	0,68	0,49	1,51	0,2047711	0,386566
STEAP3	0,07	0,86	0,16	0,31	0,2048353	0,386654
RP11-589M4.1	0,14	0,00	0,00	1,83	0,2048773	0,3867
RP11-474L11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2049686	0,38684
RP11-798G7.6	2,87	2,00	3,21	2,63	0,205014	0,386893
PRPF3	4,18	4,63	4,23	4,53	0,2050657	0,386957
CTB-107G13.1	0,00	0,00	0,07	0,00	0,2051653	0,387113
TTF1	3,04	1,07	2,13	3,79	0,2052559	0,387251
CTD-2547E10.2	5,12	3,34	5,09	3,85	0,20528	0,387263
KCNC2	0,70	1,19	0,47	0,52	0,2053577	0,387348
LSM4	7,46	6,87	6,95	6,90	0,2053596	0,387348
RP11-624G17.3	0,00	1,02	0,15	0,00	0,2053944	0,38735
AAGAB	4,14	3,46	2,71	3,38	0,2053956	0,38735
KIAA1551	5,16	4,51	4,73	5,31	0,2054263	0,387375
RP5-1109J22.1	0,00	0,00	0,39	0,00	0,2055787	0,387629
DROSHA	5,71	4,35	4,88	5,05	0,2056774	0,387782
HCLS1	7,83	7,13	7,56	7,29	0,2057203	0,38783
XPNPEP1	5,35	5,40	4,97	3,83	0,2057668	0,387885
RP11-65G9.1	0,62	3,62	0,65	0,00	0,2058171	0,387947
AC007191.4	0,33	0,35	0,31	0,27	0,2058518	0,38798
STK39	2,21	2,04	1,28	0,50	0,2058835	0,388006
RP11-357F12.1	0,46	1,14	0,70	0,22	0,205904	0,388012
TGS1	2,19	1,69	2,08	1,14	0,2060101	0,388179
AC011247.2	0,71	0,54	0,64	0,89	0,2060454	0,388213
PTPN13	0,00	0,12	0,03	0,60	0,2061171	0,388284
DGKE	2,98	4,06	1,80	1,20	0,2061181	0,388284
RP3-402G11.26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2061333	NA
RP11-413N10.3	0,15	0,32	0,26	0,32	0,2061536	0,388318
ICT1	5,86	5,74	5,43	4,41	0,2061929	0,388352
SLC51A	1,49	2,23	1,36	2,58	0,2062144	0,388352
MCEE	4,29	3,05	3,18	2,72	0,2062239	0,388352
RN7SL366P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2062479	0,388364
SLX1B-SULT1A4	2,48	1,39	1,79	0,94	0,2062791	0,38839
KIAA1324L	0,28	0,18	0,02	0,00	0,2063623	0,388514
HIP1	4,96	5,03	4,62	3,56	0,2064548	0,388655
SGPP2	0,28	0,13	0,45	0,49	0,2064725	0,388655
RP11-506H20.1	0,48	0,00	0,30	1,08	0,2065158	0,3887
ZNF141	2,82	4,08	3,37	2,48	0,2065312	0,3887
GALNT1	4,52	4,16	4,49	3,89	0,2065935	0,388784
ANKIB1	4,25	4,70	4,38	3,81	0,2067482	0,389042
RP11-566H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2067853	NA
RP4-800J21.3	0,00	0,00	0,00	0,08	0,2068792	NA
RN7SL383P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2068949	NA
DNAJC2	4,99	4,27	5,15	4,16	0,2069328	0,389328
AC079610.2	1,25	2,77	1,34	1,07	0,2069353	0,389328
AC002306.1	0,32	0,21	0,43	0,45	0,206955	0,389333
GOLGA8A	3,24	1,75	2,24	1,53	0,2070111	0,389405
RP11-1A16.1	0,31	1,91	0,24	0,17	0,2070428	0,389432
CTA-299D3.8	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2071011	NA
AC007551.3	0,29	0,29	0,36	0,22	0,207138	0,389578
RP11-371E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2071815	0,389627
RP11-107114.4	0,15	0,32	0,19	0,39	0,2073111	0,389812

MIRS690	0,00	0,00	2,68	6,79	0,2073219	0,389812
WDR91	2,84	0,21	1,99	2,26	0,2073328	0,389812
AC007389.3	0,26	0,64	0,37	0,73	0,2074097	0,389904
NVL	4,08	3,98	4,29	4,25	0,2074327	0,389904
CTB-5506.13	0,00	3,25	0,00	0,00	0,2074468	0,389904
RP5-1112F19.2	0,05	0,00	0,06	0,15	0,207452	0,389904
GOLGA6L10	0,13	0,17	0,04	0,00	0,2075117	0,389954
RP11-426A6.7	0,06	0,05	0,02	0,37	0,2075238	0,389954
AC011322.1	0,00	0,35	0,00	0,00	0,207548	0,389954
COX7A2L	7,63	7,26	7,24	6,37	0,2075504	0,389954
RP11-967K21.1	0,00	0,00	0,22	0,45	0,2075663	0,389954
RP11-158I9.8	0,06	0,00	0,14	1,15	0,2076014	0,389987
CTD-2210P24.1	0,00	0,45	0,00	0,12	0,2076166	NA
CTD-2280E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2076262	NA
ZFYVE28	0,00	0,38	0,00	0,21	0,2076583	0,390017
PKD2L2	1,62	1,66	2,07	1,98	0,207665	0,390017
RP11-558O12.3	0,00	0,00	0,00	0,41	0,2076827	0,390017
RP11-63M22.2	2,67	3,24	3,11	0,00	0,2076872	0,390017
CAB39L	0,97	0,00	0,12	0,21	0,2077246	0,390054
RP11-686D22.7	0,24	0,00	0,88	2,56	0,20777	0,390106
RP11-48B3.3	0,45	0,58	0,52	0,63	0,2078439	0,390212
ANKMY2	1,08	0,42	0,41	0,42	0,207958	0,390393
RP11-862G15.1	0,10	1,96	0,27	0,06	0,2079839	0,390409
RP11-890B15.3	0,29	0,03	0,22	0,03	0,2080531	0,390506
RP11-59O6.3	3,07	0,00	0,55	0,47	0,2080769	0,390518
ITIH4	3,62	4,18	4,20	4,25	0,208152	0,390625
RN7SL364P	0,00	0,00	0,00	2,55	0,2082666	0,390808
SCRG1	0,81	0,75	0,77	1,07	0,2083208	0,390876
RP11-308B16.1	0,37	0,66	0,09	0,00	0,2083741	0,390926
NOL6	1,36	0,65	1,29	2,25	0,2083912	0,390926
RP11-473O4.3	0,00	0,37	0,00	0,00	0,2083999	0,390926
OR5H1	0,08	0,19	0,05	0,19	0,2084747	0,391033
RP11-153F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2085864	NA
RP11-268P4.5	1,39	0,00	0,68	0,00	0,2086234	0,391247
HINFP	3,85	3,04	3,51	3,69	0,208624	0,391247
MICB	1,26	1,48	1,05	0,57	0,2086984	0,391353
CTDP1	2,86	4,72	3,01	3,00	0,2087227	0,391366
CTD-2020K17.1	3,00	3,85	3,61	3,42	0,208747	0,391379
AF186192.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2087852	0,391394
TCF7L1	0,35	2,40	0,47	0,69	0,2088063	0,391394
UQCRH	7,89	8,00	8,13	7,76	0,2088078	0,391394
ALDH9A1	4,76	5,15	3,89	3,23	0,2088531	0,391441
NKIRAS1	1,76	0,80	1,91	0,72	0,2088685	0,391441
RP5-1065P14.3	0,00	0,28	0,00	0,00	0,2089591	NA
VCPKMT	3,07	4,08	3,23	1,91	0,2090357	0,391722
RP11-481J2.2	0,28	0,00	0,13	0,09	0,2090691	0,391751
C20orf27	6,34	5,30	6,09	4,98	0,2091724	0,391912
CD36	6,58	6,11	6,77	6,81	0,2092292	0,391985
BCL7B	4,39	3,06	4,70	3,94	0,2092573	0,392005
TIGD3	0,00	2,27	0,00	0,00	0,2092862	0,392026
RP11-259K15.2	0,16	0,00	0,11	0,78	0,2093697	0,392149
RP11-690C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2094045	0,392151
USP32P2	1,40	0,95	1,60	1,06	0,209431	0,392151
YARS2	3,27	1,64	2,62	3,75	0,2094354	0,392151
WBP1	3,92	5,23	4,61	3,91	0,2094492	0,392151

AC006987.4	0,00	0,38	0,00	0,00	0,2094591	0,392151
MSL1	4,55	4,26	3,99	3,71	0,2094837	0,392164
LIN54	0,93	0,44	0,46	0,32	0,2095397	0,392236
ACAD8	3,22	0,82	1,61	2,17	0,209615	0,392336
RP5-1112D6.7	0,20	0,00	0,12	0,00	0,2096285	0,392336
SSRP1	5,18	4,55	5,12	5,25	0,2097167	0,392468
IQCF3	3,63	3,49	3,60	2,98	0,2097446	0,392488
TLL2	0,00	0,05	0,00	0,05	0,2097813	NA
RP11-463O9.8	0,32	0,00	0,07	0,13	0,2098127	0,392575
TSPYL2	2,09	2,37	2,07	0,74	0,2098269	0,392575
UBXN1	7,37	7,15	7,29	6,58	0,2098764	0,392635
CTC-327F10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2099808	0,392797
RN7SL269P	0,00	0,00	1,35	0,89	0,2100765	0,392943
FAM107B	4,22	4,39	3,71	4,02	0,2101902	0,393095
RN7SL130P	1,85	0,00	1,53	1,83	0,2101949	0,393095
PHF24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2102108	0,393095
INSL6	6,32	4,65	5,22	5,33	0,2102744	0,393181
RP5-851M4.1	0,00	4,82	0,61	0,00	0,2103001	0,393196
RP11-299H22.1	0,21	0,18	0,12	0,32	0,2103374	0,393233
FAM58A	2,98	4,26	3,87	2,79	0,2103584	0,393239
RPS27L	5,39	4,61	5,52	5,70	0,2103781	0,393243
CTD-2240E14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2104258	NA
NDUFS4	7,24	6,73	6,86	5,87	0,2104558	0,393355
SH3BGRL3	10,26	10,11	10,37	10,17	0,2106221	0,393632
UQCR10	6,70	6,75	6,92	6,22	0,210657	0,393664
RP11-737O24.2	0,00	0,00	0,49	0,00	0,2107111	0,393733
ABCG1	0,93	0,26	1,01	2,18	0,2108501	0,393935
RP11-780O17.1	0,33	0,93	1,49	1,68	0,210855	0,393935
ERMAP	3,03	0,66	2,76	2,47	0,211099	0,394358
TBX1	0,00	0,37	0,00	0,00	0,2111255	NA
RP11-809N15.2	0,00	0,00	0,45	1,54	0,2111562	0,394431
MCPH1	2,87	3,11	2,20	2,35	0,2112879	0,394644
G6PC	0,16	0,39	0,18	0,08	0,2113215	0,394674
RAI14	0,22	0,28	0,61	0,90	0,2113436	0,394682
FKBP7	1,66	0,05	0,46	0,48	0,2115161	0,394971
PIP5K2B	2,51	0,62	1,84	2,11	0,2115898	0,395064
XXyac-YR211F11.1	1,94	0,56	1,53	1,44	0,2116015	0,395064
RIMBP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2117006	0,395216
PSRC1	0,00	0,00	1,44	0,17	0,2118815	0,39552
PFKP	2,69	0,83	2,89	2,47	0,2119214	0,395562
RP11-254F19.3	0,33	0,60	0,35	0,86	0,2119553	0,395592
PUS7L	3,56	2,25	2,62	1,98	0,2121427	0,395857
RP11-142A23.1	0,65	0,41	1,00	0,25	0,212162	0,395857
ZNF771	0,16	0,38	0,16	0,14	0,2121641	0,395857
COL28A1	0,81	1,09	0,68	0,88	0,2121735	0,395857
OXTR	0,29	1,13	0,66	0,03	0,2121926	0,395857
NIFK-AS1	2,67	0,37	0,97	0,37	0,2122045	0,395857
RP11-611D20.2	0,00	0,00	0,00	1,20	0,2122706	0,395919
RP11-815J21.1	0,46	0,27	0,34	0,20	0,2122909	0,395919
ADAM10	4,18	4,69	4,19	3,70	0,2122909	0,395919
ENPP2	0,46	0,27	0,12	0,09	0,2123676	0,396014
FBXL18	0,74	1,43	1,16	0,83	0,2123929	0,396014
USP28	2,86	2,33	2,66	1,12	0,2124095	0,396014
CTC-325J23.2	0,54	1,16	0,43	0,00	0,2124132	0,396014
FBXO6	5,73	5,05	5,12	3,97	0,212461	0,39607

RN7SL509P	0,00	1,35	0,00	1,22	0,2125162	NA
RP1-239B22.5	0,04	0,14	0,20	0,14	0,2125914	0,396264
RGMB	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2126009	0,396264
SLC2A14	0,69	0,33	1,11	0,26	0,2126351	0,396295
RP11-34P13.18	1,16	0,86	1,40	1,03	0,2127654	0,396504
RP11-369J21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2127997	0,396535
RAB5B	3,94	2,53	3,16	2,89	0,2128223	0,396544
PSG1	0,00	0,00	0,15	0,00	0,2129356	0,396708
RP11-425I13.3	0,93	0,07	0,05	0,08	0,2129458	0,396708
SLC16A13	0,00	0,00	0,00	0,15	0,212981	0,39674
SKP2	3,21	1,06	3,07	1,76	0,2131393	0,396981
MTPAP	6,01	6,30	5,80	5,01	0,2131641	0,396981
RP11-526D8.7	0,59	2,74	0,16	0,53	0,2131642	0,396981
KLRF1	1,11	0,63	0,15	3,82	0,2132445	0,397063
ITSN1	2,17	3,31	2,50	2,73	0,2132544	0,397063
CACNB1	0,00	0,00	0,05	0,33	0,2132614	0,397063
SEC22C	4,08	2,98	3,55	2,83	0,213321	0,397116
RP11-127B16.1	0,00	1,32	0,71	0,30	0,2133257	0,397116
RNU6-1010P	0,00	5,11	0,00	0,00	0,2134949	0,397397
RP11-40F6.1	0,00	0,30	0,00	0,00	0,2135127	NA
ZNF585A	4,06	5,15	3,84	4,20	0,2136447	0,397643
FER1L4	1,58	1,40	1,54	1,89	0,2137089	0,397729
RP1-128O3.4	0,00	0,54	0,00	0,00	0,2138734	NA
AC092024.2	0,37	1,15	0,76	1,11	0,2138789	0,398012
MISP	0,00	0,21	0,17	0,17	0,2138835	NA
EIF3K	9,15	8,39	8,83	8,37	0,2139329	0,39805
PTPN23	1,01	1,90	1,71	1,32	0,2139502	0,39805
SNX16	1,07	1,00	1,01	2,47	0,2139533	0,39805
CCDC71	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2140233	0,398148
RP11-1C8.5	0,30	0,53	0,42	0,32	0,2140847	0,398228
LEPROT	4,40	3,13	4,26	3,80	0,2142614	0,398524
AC012457.2	0,00	0,19	0,00	0,00	0,2142635	NA
PPP1R14D	0,00	0,44	0,00	0,45	0,21434	0,398588
NEMP2	1,30	0,28	0,86	1,68	0,2143426	0,398588
DNAAF2	0,98	0,44	2,01	2,26	0,2143498	0,398588
RP5-1007M22.2	2,31	0,19	2,27	1,05	0,2144943	0,398797
RNF187	2,46	2,50	2,63	2,85	0,2144983	0,398797
DLGAP4	3,57	3,71	2,75	3,01	0,2147003	0,399107
BRI3BP	3,49	2,60	3,11	2,15	0,2147027	0,399107
C7orf65	0,03	0,00	0,05	0,04	0,2147188	0,399107
RP11-785H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2147871	0,399185
RP11-323P14.2	1,38	1,14	1,30	1,88	0,2147964	0,399185
CAPZA2	7,47	5,69	6,96	6,44	0,2148182	0,399192
RP11-247L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2148221	NA
RP11-226B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2148746	0,399263
GABRD	0,30	0,95	0,62	0,34	0,2148972	0,399272
IKZF2	0,01	0,41	0,02	0,07	0,2150317	0,399482
XRCC5	6,93	6,20	6,25	6,53	0,215054	0,399482
RN7SL147P	0,89	1,22	1,30	1,99	0,215064	0,399482
RP11-490B18.5	0,00	0,00	0,51	0,00	0,2151389	0,399587
FRAT2	3,41	4,99	4,14	2,46	0,2151783	0,399597
AMZ2	6,18	4,79	5,72	3,65	0,2151979	0,399597
TRGV9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,215198	0,399597
CCT6P3	1,65	2,18	1,96	1,74	0,2152735	0,399704
KDELR1	4,65	4,55	4,89	4,85	0,2153578	0,399807

CCNT1	4,17	1,67	3,45	2,07	0,2153653	0,399807
PSMB1	9,20	8,66	8,90	8,64	0,2154236	0,399882
RNAS59	0,00	0,00	0,00	3,00	0,2154442	NA
VPS37C	1,08	0,09	1,83	2,63	0,2155623	0,400091
CCDC189	2,19	1,81	2,19	4,45	0,2155757	0,400091
RRBP1	3,70	2,95	4,08	3,37	0,2155901	0,400091
RP11-801G16.2	0,60	0,00	0,00	0,00	0,2156225	0,400118
CCDC25	4,42	0,24	4,54	4,80	0,2156464	0,400129
TMED5	4,90	4,02	4,32	2,94	0,2158716	0,400513
ACO17104.2	0,92	2,38	3,17	2,29	0,2159061	0,400528
CTD-2165H16.3	0,11	0,00	0,16	0,00	0,2159223	0,400528
ANAPC15	6,03	6,79	6,21	6,01	0,2159427	0,400528
GPN1	5,27	5,00	3,71	4,13	0,2159665	0,400528
PSD4	1,84	2,97	2,74	2,44	0,2159775	0,400528
CTD-2528L19.6	0,00	0,00	0,06	0,00	0,2159876	0,400528
MRPL35	3,38	2,32	4,05	2,45	0,216039	0,40059
RP11-111M22.3	1,62	0,00	0,87	0,28	0,2160954	0,400661
RP11-142G1.3	1,47	3,78	2,35	2,69	0,2161259	0,400684
AC140076.1	2,85	0,00	0,61	0,00	0,2161481	0,400692
BCAP29	4,17	3,44	4,24	4,92	0,2163717	0,401073
RP11-324O2.3	2,17	1,69	2,11	2,05	0,216426	0,401133
RP11-195C7.1	1,08	0,62	0,00	0,00	0,2164403	0,401133
CTB-49A3.2	0,00	0,83	0,00	0,00	0,2164826	0,401178
DGUOK	6,80	5,49	6,95	6,72	0,2165609	0,40129
HARBI1	2,99	4,10	2,13	0,62	0,2166091	0,401345
PIGV	2,06	0,33	0,08	0,77	0,2166268	0,401345
OR6D1P	0,32	0,56	0,26	0,32	0,2167081	0,401462
RP11-264I13.2	0,63	3,12	1,66	0,34	0,2167365	0,401481
RP11-468E2.1	0,00	0,00	0,53	0,00	0,2167831	0,401534
RN7SL448P	3,45	2,09	2,91	1,72	0,2168476	0,40162
OBP2B	0,00	2,16	0,00	0,00	0,21686	NA
SYT6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,216875	NA
SCAF4	4,09	5,09	3,67	3,61	0,2169129	0,401673
MKRN2OS	0,45	0,66	0,69	1,35	0,2169264	0,401673
SMURF1	2,60	1,13	2,26	1,27	0,2169482	0,401673
U62631.5	0,48	1,80	0,55	1,15	0,2169607	0,401673
BTN2A2	4,36	2,44	3,90	5,06	0,2169666	0,401673
ARHGAP25	4,60	2,59	4,17	3,68	0,2170095	0,401719
ZNF318	2,68	2,99	3,41	2,34	0,2170516	0,401763
LRRC37A16P	0,22	0,04	0,20	0,22	0,2171116	0,401841
RP3-332O11.2	1,16	1,29	0,84	2,90	0,2172213	0,40201
RPS2L1	0,00	0,39	0,19	0,00	0,2172975	NA
CAMK1D	3,90	4,10	3,44	3,02	0,2173158	0,402152
RP11-714L20.1	0,11	0,18	0,07	0,40	0,2173763	0,40223
KLHL7	3,62	2,91	1,74	2,37	0,2174133	0,402265
RP11-96D1.8	0,68	0,52	0,77	1,28	0,2174622	0,40229
BOD1L1	3,96	3,15	3,71	3,33	0,217463	0,40229
RP11-443F4.1	0,57	1,16	1,76	1,59	0,2175668	0,402392
NCAPD2	2,95	0,44	1,99	1,05	0,2175989	0,402392
COMMD7	6,43	6,00	5,74	5,16	0,2176001	0,402392
CTR9	4,06	2,83	4,00	4,03	0,2176014	0,402392
ZNF383	2,29	3,63	2,60	3,00	0,2176087	0,402392
RP11-33O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2176525	0,40244
CTB-134H23.2	0,00	0,15	0,00	0,00	0,21767	NA
ARL13B	3,24	0,84	1,97	0,95	0,2177377	0,402564

TRAPPC11	4,58	3,43	4,13	4,64	0,2177636	0,402578
PRDM4	3,18	0,84	2,34	2,26	0,2177893	0,402592
WDR45B	4,44	5,37	4,64	3,73	0,2178384	0,402622
TRIM14	3,98	2,32	3,46	2,76	0,2178414	0,402622
RP11-161H23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2178685	NA
FBXO9	5,47	4,95	5,06	3,75	0,2179859	0,402855
SUCNR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2180141	0,402874
CAPN13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2180231	NA
AP001962.3	0,25	0,36	0,08	0,00	0,2180575	0,402896
LRBA	3,80	3,19	3,27	2,22	0,2180968	0,402896
EXOC7	2,53	2,12	2,93	3,78	0,2181121	0,402896
ENY2	7,03	6,38	7,10	7,03	0,2181224	0,402896
B3GALT2	0,36	0,00	0,14	0,23	0,2181284	0,402896
CTD-2562115.4	0,00	1,05	0,00	0,54	0,218135	0,402896
RRAS2	0,00	0,51	0,00	0,15	0,2182439	0,40306
MAOB	0,00	0,00	0,00	0,19	0,21827	0,40306
ZNF783	1,91	2,90	1,41	2,36	0,218278	0,40306
PGM1	4,36	2,51	2,63	1,93	0,2183097	0,403085
AIRE	0,04	0,06	0,05	0,00	0,2183857	0,403156
CCDC40	0,41	1,34	0,51	0,74	0,2184008	0,403156
PAXBP1	4,28	2,91	3,96	4,28	0,2184028	0,403156
CHM	2,67	1,42	2,62	2,79	0,2184576	0,403224
CTD-2270P14.2	0,91	2,14	1,21	1,51	0,2184844	0,40324
RP11-384M15.3	0,46	0,93	1,05	1,87	0,2185161	0,403265
CSGALNACT2	4,27	2,72	4,23	3,47	0,2185467	0,403288
CTD-252513.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2185776	0,403312
ZNF469	0,48	0,54	0,18	0,19	0,2185974	0,403314
AC108488.4	0,00	0,58	0,00	0,00	0,218664	0,403404
CTD-2165H16.1	0,71	0,70	0,51	0,35	0,2187817	0,403588
RPS3AP5	1,75	1,91	1,62	1,30	0,2188286	0,403641
JMJD4	2,29	2,36	1,43	0,49	0,2188864	0,403714
DNAJC15	4,64	4,71	4,36	3,82	0,2190666	0,403982
TNFSF10	6,07	4,21	5,77	6,55	0,219068	0,403982
CFAP65	0,00	0,06	0,00	0,00	0,2191506	NA
TAF9	6,45	5,78	5,37	5,10	0,2191642	0,404125
RN7SL709P	1,88	1,10	1,82	1,09	0,2192458	0,404214
NAA25	4,31	3,42	4,11	3,39	0,2192564	0,404214
PPP2R5B	0,83	3,70	1,06	0,83	0,2192666	0,404214
AMD1	5,87	4,47	5,07	3,77	0,2193086	0,404227
NOL9	3,08	2,78	1,85	1,73	0,219321	0,404227
ZFP57	0,00	0,14	0,00	0,00	0,2193313	0,404227
GGH	0,32	0,26	0,55	1,22	0,219362	0,404227
PRAG1	0,18	0,67	0,18	0,44	0,2193745	0,404227
RP11-33E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2193777	NA
RP11-666F17.1	2,35	1,99	2,27	1,37	0,2193827	0,404227
NAV3	3,03	2,67	3,37	3,42	0,2194403	0,404241
NDC80	0,46	0,72	0,35	0,40	0,219445	0,404241
RP11-666O2.2	2,46	3,09	1,81	0,00	0,219481	0,404241
CTB-1121.1	0,00	0,38	0,17	0,34	0,219487	NA
AC002076.10	0,00	0,14	0,31	0,00	0,2195065	0,404241
TBR1	0,03	0,04	0,02	0,04	0,219508	0,404241
DYNC1L11	5,01	4,36	5,17	4,18	0,2195097	0,404241
GNPNAT1	1,74	3,48	1,21	1,22	0,2195178	0,404241
RN7SL403P	0,95	2,27	0,20	0,96	0,2195218	NA
RP11-403P17.6	2,24	0,00	2,81	1,21	0,2195654	0,404248

TBCE	4,09	1,57	3,50	2,39	0,2195755	0,404248
MITF	1,46	3,47	1,79	3,95	0,219576	0,404248
RP11-54515.3	5,77	6,30	5,52	5,55	0,219659	0,40433
RF00322	2,37	5,97	2,25	4,02	0,2196615	0,40433
RP11-399K21.12	2,44	2,96	2,82	1,87	0,2196819	0,40433
RFX2	3,14	3,30	3,80	3,46	0,2196935	0,40433
RN7SL786P	0,00	0,00	0,37	0,80	0,2197001	NA
LA16c-306E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,219712	0,40433
CKS1B	5,36	1,37	4,00	4,73	0,2197326	0,404335
RP11-274B21.10	0,23	0,00	0,13	0,00	0,219783	0,404394
RP11-131P10.2	0,12	0,00	0,18	0,98	0,2198102	0,404411
RNF141	4,57	4,13	3,46	2,76	0,2198832	0,404512
APO01347.6	0,51	4,46	0,68	3,42	0,2199447	0,404558
SPRED3	0,24	0,42	0,33	0,37	0,2199449	0,404558
CTD-2013N17.7	1,54	1,79	1,91	2,14	0,2200672	0,404749
DNALI1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2200965	0,40477
DNAH7	1,60	0,52	1,27	0,57	0,2201268	0,404784
ITIH2	0,00	0,00	0,00	0,04	0,2201405	0,404784
RN7SL553P	0,00	0,00	0,46	0,00	0,2202226	0,404865
SLC22A18AS	0,16	0,00	0,00	0,00	0,2202401	0,404865
RP4-798C17.6	1,74	1,63	2,00	2,70	0,2202402	0,404865
TAF13	3,96	3,34	4,32	3,77	0,2202577	0,404865
FOSL2	4,81	4,59	4,60	3,57	0,2203526	0,405006
RPS26P31	0,67	0,00	0,00	1,14	0,2203551	NA
MRPS24	7,45	7,49	7,24	6,54	0,2203814	0,405026
CTC-327F10.1	0,00	0,15	0,00	0,00	0,2204006	0,405028
SPATA1	1,62	0,00	1,73	1,07	0,2204661	0,405114
RP11-422P24.10	0,00	0,94	0,00	0,52	0,2204799	NA
ATP8B5P	0,00	0,07	0,00	0,05	0,2205342	NA
RP4-680D5.2	0,16	0,00	0,14	0,27	0,220547	0,40523
SSX2IP	2,97	2,99	1,36	0,22	0,2205738	0,405245
LRRC8B	1,42	0,50	1,29	1,35	0,2206076	0,405274
SRSF4	5,10	5,53	5,31	4,67	0,2206515	0,405321
RP13-49I15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2206695	0,405321
NCOA1	3,56	4,26	4,11	4,59	0,2206882	0,405321
RP11-16E18.3	0,06	0,00	0,00	0,07	0,2207822	0,405411
RPS6KB2	3,96	2,24	3,28	2,19	0,2207864	0,405411
NUFIP2	3,63	2,15	3,78	3,46	0,2207926	0,405411
DCAF4	1,75	2,26	1,87	0,59	0,2208101	0,405411
APBA1	0,37	0,20	0,20	0,17	0,2208489	0,405435
AC104654.2	0,00	1,71	0,00	0,00	0,2208593	0,405435
TULP1	0,00	1,23	0,00	0,00	0,2209086	0,405492
RP11-881M11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2209606	0,405548
RP11-668G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2209757	0,405548
CCDC181	0,00	0,00	0,00	0,08	0,2211126	0,405725
CTD-2373N4.5	0,00	0,00	0,00	0,57	0,2211191	0,405725
AKAP6	0,37	0,56	0,30	0,07	0,2211296	0,405725
PABPC1L	2,30	1,53	2,11	3,37	0,2211458	0,405725
USP34	6,19	5,58	6,02	5,12	0,2211635	0,405725
OR5T2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2212242	0,405802
ID3	3,75	3,50	3,97	5,04	0,2212418	0,405802
SIGLEC12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2212957	0,405867
LINC00273	0,76	2,49	0,99	0,19	0,2213645	0,40596
CTD-2540B15.10	0,00	1,40	0,00	0,67	0,2214093	NA
MTND2P12	0,27	0,00	0,29	0,10	0,2214129	0,406015

BFAR	4,52	3,58	4,59	3,15	0,2214578	0,406064
RPAP3	4,22	4,57	3,79	3,05	0,2214944	0,406098
AC005523.2	3,65	1,48	3,85	2,19	0,2215541	0,406153
STRN	2,28	0,57	2,02	2,03	0,2215613	0,406153
FAF2	3,20	2,62	3,64	3,77	0,2216072	0,406204
MED8	5,14	4,89	4,98	1,36	0,2217478	0,406428
TIGD1	4,56	4,97	4,85	4,35	0,2217779	0,40645
TXNDC17	6,22	4,81	6,73	7,09	0,2217994	0,406455
AC053503.12	0,22	0,27	0,23	0,39	0,2218222	0,406464
RP13-991F5.2	0,74	0,76	0,99	0,51	0,221851	0,406481
SEC16B	0,04	0,56	0,02	0,53	0,2218683	0,406481
RP11-505K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2219113	NA
RP11-227G15.2	0,48	0,00	0,12	0,00	0,2219283	0,406482
ZBTB5	0,68	0,09	0,40	2,78	0,2219323	0,406482
PRKCA	2,76	2,60	2,62	2,07	0,2219447	0,406482
FRA10AC1	2,26	2,29	2,73	1,80	0,2219543	0,406482
MCM4	2,35	1,24	1,96	1,60	0,221972	0,406482
RNU7-75P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2219855	0,406482
RP11-625I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,221997	0,406482
MON1A	0,59	0,95	2,38	0,39	0,2220558	0,406556
KB-431C1.4	2,58	3,18	2,78	3,01	0,2220888	0,406583
DACT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2221373	NA
RP4-666F24.3	0,00	1,79	1,13	0,00	0,2222755	0,406892
RN7SL307P	0,00	0,00	0,00	0,82	0,2223878	NA
RP4-610L12.1	0,00	0,00	0,05	0,27	0,2224274	0,407136
TMEM120B	2,18	3,54	1,76	2,34	0,2225209	0,407274
RP11-412P11.1	0,31	0,12	0,22	0,26	0,2225621	0,407287
AC069257.4	1,42	0,49	0,77	0,45	0,2225647	0,407287
RP5-836N17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2225952	0,407309
CNST	3,64	2,16	3,63	2,87	0,2226607	0,407396
AC006019.3	0,00	0,21	0,00	0,00	0,2226987	0,407431
SMYD3	4,07	5,16	2,80	4,02	0,2227471	0,407487
RP11-77A13.1	0,00	0,00	0,98	0,00	0,2227672	0,40749
GEMIN6	2,75	0,82	2,06	1,01	0,2228742	0,407652
OGFOD2	0,95	0,88	3,39	1,96	0,2228925	0,407652
MIOS	3,60	1,72	3,49	3,43	0,2229286	0,407684
FCGR2B	6,72	6,94	7,19	5,28	0,2229651	0,407718
BIK	3,32	0,17	1,14	0,00	0,223021	0,407786
NSF	4,80	3,57	4,02	2,72	0,2230881	0,40787
NPHP1	0,47	0,48	0,32	0,22	0,2231139	0,40787
ARSE	1,24	1,04	1,50	0,99	0,2231297	0,40787
HACD4	4,98	3,99	4,21	4,66	0,2231553	0,40787
SLC46A2	0,10	0,00	0,18	0,87	0,2231584	0,40787
RP11-807H22.7	0,70	0,89	0,75	0,58	0,2232665	0,407992
CTC-507E2.2	0,00	0,00	0,00	3,84	0,2232771	0,407992
ARSB	3,56	2,33	2,95	2,26	0,2232806	0,407992
RP11-265N6.2	1,64	1,08	1,41	0,00	0,2233271	0,407997
CLTCL1	0,00	0,00	0,00	0,27	0,2233404	0,407997
RP11-20B24.2	0,23	0,92	0,35	1,17	0,2233541	0,407997
RP11-462G12.1	0,00	0,13	0,00	0,00	0,2233567	0,407997
RN7SL50P	0,00	0,00	0,00	0,98	0,2233786	0,408004
TP53INP2	2,27	0,32	1,21	0,14	0,223524	0,408236
AC010091.1	0,00	0,69	0,00	0,00	0,2235802	0,408305
NKX6-2	0,00	0,00	0,38	1,77	0,2236462	0,408392
ANKRD65	0,00	0,19	0,00	0,00	0,223688	0,408414

C10orf40	0,41	0,27	0,33	0,28	0,2236951	0,408414
AC159540.14	0,26	1,71	0,89	0,38	0,2237424	0,408452
TRMT1	3,62	2,37	3,64	4,36	0,2237525	0,408452
ACO22816.2	0,00	0,44	0,00	0,00	0,2238098	NA
MYBL2	0,09	0,11	0,05	0,09	0,2240087	0,408877
RP11-437J2.3	0,42	0,41	0,38	0,11	0,2240223	0,408877
OR8H2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2240534	NA
UVSSA	2,78	0,97	2,29	2,38	0,2240842	0,408956
VPS45	4,70	2,57	3,52	3,72	0,224117	0,408983
AP000689.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2241603	NA
CTB-133P21.1	0,21	0,00	0,00	0,00	0,224215	0,409128
MELTF	0,00	0,10	0,03	0,00	0,2242468	0,409152
PRODH	0,06	0,10	0,10	0,35	0,2243092	0,409153
SNORD11B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2243138	0,409153
RP11-351C21.2	0,00	0,00	0,22	0,00	0,2243246	0,409153
CPNE3	6,13	3,69	5,44	3,88	0,2243344	0,409153
RNF217	2,45	2,12	3,26	2,41	0,2243392	0,409153
SCN8A	0,05	0,99	0,00	0,54	0,2243595	0,409157
PSG2	0,23	0,00	0,26	0,49	0,2243996	0,409161
RP11-712L6.5	0,67	0,00	0,00	0,00	0,2244276	0,409161
MAPRE2	4,85	3,89	4,00	3,73	0,2244336	0,409161
FAM35A	3,19	2,42	1,95	2,45	0,2244355	0,409161
RP11-318C24.1	1,18	2,59	1,75	2,03	0,2246739	0,409541
LONRF3	0,00	0,00	0,41	0,64	0,2246807	0,409541
RBM28	3,75	4,18	3,33	4,91	0,2247111	0,409562
RP11-67A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2248172	NA
C21orf58	0,42	0,10	0,27	0,54	0,2248277	0,409725
RP11-345P4.6	0,07	0,00	0,00	0,20	0,224858	0,409725
NSMF	2,33	3,64	3,41	2,90	0,2248914	0,409725
GLI3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2248916	0,409725
MED21	2,88	1,42	2,93	3,86	0,2248952	0,409725
RP11-216B9.8	1,40	2,22	1,45	2,56	0,2249108	0,409725
RP11-74C1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2249537	0,409769
ZBTB39	0,02	0,06	0,22	0,02	0,2249952	0,409811
CH17-52D20.3	0,00	0,92	0,00	0,00	0,2250879	NA
RP11-720L2.4	0,00	2,14	0,09	0,00	0,2250939	0,409958
RPL19P21	0,00	0,00	0,00	0,34	0,2251237	NA
RP11-347H15.3	1,61	0,00	0,00	0,00	0,2251984	0,410061
SCN7A	0,57	0,22	0,37	0,36	0,2252041	0,410061
ACO02398.9	0,42	0,39	0,00	0,00	0,2252058	0,410061
TIPARP	5,12	5,93	4,20	3,95	0,2252688	0,410102
RP11-513O17.3	0,00	0,09	0,03	0,19	0,2252825	0,410102
FAM210B	2,04	2,49	1,75	2,61	0,2252837	0,410102
CTB-96E2.7	0,00	1,66	0,45	2,58	0,2253329	0,410128
RP11-378J18.3	0,00	2,16	0,00	0,00	0,2253353	0,410128
TBX18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2253622	NA
SETD1B	1,72	1,60	2,49	1,69	0,2253775	0,410172
RP11-115P16.3	0,00	1,48	0,00	2,51	0,2254319	0,410237
RPS6KA6	0,55	0,47	0,53	0,76	0,2254871	0,410286
RP11-178H8.7	0,00	0,05	0,00	0,00	0,2254934	NA
RP11-713N11.6	1,97	0,00	0,77	0,00	0,2254955	0,410286
RP3-426I6.5	0,00	0,00	0,65	0,00	0,2255261	0,410308
RN7SL751P	0,00	0,00	0,79	0,00	0,22559	NA
CAMSAP1	2,89	2,30	2,54	1,24	0,225648	0,410496
PDE10A	0,39	0,71	0,19	1,50	0,2257005	0,410558

PRSS51	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2257931	0,410693
HRAS	1,53	3,34	3,53	3,71	0,2258587	0,410778
RP11-488P3.1	0,11	0,00	0,00	0,08	0,2259555	0,410921
AC116366.7	0,73	0,00	0,37	0,00	0,2260036	0,410953
RP11-443A13.5	3,89	4,53	3,50	4,99	0,2260103	0,410953
CTD-2636A23.2	1,54	1,87	2,06	1,90	0,2260547	0,411
RN7SL482P	0,00	0,75	0,00	0,00	0,2261222	0,411082
POLB	5,49	1,88	4,24	4,91	0,2261367	0,411082
MYCBP2-AS1	5,30	2,40	4,39	4,93	0,2262254	0,411209
TBC1D5	5,83	4,31	5,49	4,49	0,2262603	0,411226
RP11-118F19.1	1,84	0,87	0,49	0,27	0,2262722	0,411226
EPHA6	0,00	2,43	0,00	0,00	0,2262902	0,411226
EIF1AD	4,57	5,58	4,23	1,92	0,2263273	0,411257
RP11-982M15.2	5,15	6,30	5,18	5,12	0,2263437	0,411257
STIM1	4,83	5,20	4,39	4,61	0,226386	0,4113
RP11-143J12.3	2,28	2,49	2,39	2,27	0,2264073	0,411305
TTC9C	4,53	5,67	3,46	4,09	0,2264367	0,41132
CTB-134H23.3	0,23	0,19	0,26	0,27	0,2264525	0,41132
RP11-732A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2265735	0,411461
RP11-493L12.4	0,00	3,32	0,00	0,87	0,2265747	0,411461
PINLYP	0,55	0,75	0,45	0,71	0,226586	0,411461
PATL1	2,43	1,20	2,00	1,27	0,2267151	0,411662
TFAP2A-AS2	0,00	0,08	0,00	0,03	0,2268993	NA
CDKN1C	0,00	0,17	0,00	0,70	0,2269507	0,412056
EPHB4	1,02	1,75	1,04	1,78	0,2270517	0,412182
C1orf168	2,22	1,33	2,57	2,46	0,2270571	0,412182
HUWE1	4,41	4,12	3,64	3,25	0,2271752	0,412354
AC097500.2	0,49	2,56	0,26	0,00	0,2271889	0,412354
RAD21	5,36	4,91	5,28	4,36	0,2273224	0,412555
RP11-343B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2273332	NA
FAM210A	2,69	2,84	3,25	3,29	0,227339	0,412555
IFT20	6,41	5,42	5,84	4,51	0,2273554	0,412555
MRRF	5,24	3,48	4,13	3,16	0,2274096	0,41256
ARID4A	5,01	4,81	3,81	4,29	0,2274135	0,41256
RP11-431M3.1	0,00	0,00	0,00	3,66	0,2274331	0,41256
REEP6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2274501	0,41256
DBET	0,04	0,17	0,02	0,08	0,227451	0,41256
RAB11FIP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2274619	NA
PIWIL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2274878	NA
CTB-99A3.1	1,95	1,76	2,12	2,03	0,2275353	0,412679
RBL2	4,49	4,19	3,68	3,97	0,2275669	0,412703
XRRA1	3,54	3,45	2,61	3,05	0,2275959	0,412722
PLEKHA1	2,63	1,35	2,67	3,23	0,2276545	0,412722
RP3-508I15.21	2,59	0,00	2,54	0,36	0,2276625	0,412722
RP11-63P12.6	2,47	1,36	2,72	1,51	0,227672	0,412722
STIL	0,63	0,64	1,18	1,70	0,2276959	0,412722
COX10-AS1	3,91	2,23	3,66	3,02	0,2277021	0,412722
RP11-116B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2277076	NA
TWF1	4,29	1,56	3,36	2,24	0,2277186	0,412722
DGKI	0,00	0,07	0,00	1,33	0,227726	0,412722
RN7SL754P	0,00	0,97	0,00	0,00	0,2278549	NA
TP73-AS1	0,67	0,27	1,25	0,78	0,227919	0,413028
TMEM189	3,83	3,38	3,86	4,19	0,227933	0,413028
RN7SL255P	1,04	0,79	1,03	0,00	0,227985	0,413028
EXOC6	3,97	2,17	3,29	3,59	0,228015	0,413028

RP1-296G17.3	0,35	0,42	0,37	0,29	0,2280436	0,413028
RAD18	2,08	1,66	1,21	0,44	0,2280501	0,413028
SPDYA	2,92	1,85	3,23	1,43	0,2280505	0,413028
TSEN2	3,62	3,61	2,06	2,35	0,2280906	0,413028
SLC25A21	1,43	0,33	1,27	2,10	0,2280934	0,413028
PMAIP1	6,87	6,03	6,13	6,27	0,2280953	0,413028
ZDHHC15	2,88	3,34	2,87	3,53	0,2280995	0,413028
MRPS18B	5,76	5,06	5,31	4,22	0,228135	0,413059
RP11-383G6.4	0,00	0,00	0,03	0,05	0,2281524	NA
RP11-703M24.5	1,11	2,71	1,26	1,43	0,2281544	0,413061
PTGER3	0,15	0,00	0,01	0,00	0,2283363	0,413356
RP11-408E5.3	0,00	0,09	0,00	0,00	0,2283633	NA
RP11-126O1.4	5,42	3,68	4,22	0,64	0,2284018	0,413441
FAM110C	0,03	0,21	0,05	0,08	0,2288543	0,414206
KLHL28	4,47	2,35	2,97	1,38	0,2288619	0,414206
RP11-564C4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2288904	0,414224
BSG	5,70	5,44	5,69	5,34	0,2289796	0,414352
FOPNL	3,99	4,36	3,52	3,66	0,2290434	0,414434
FUBP3	2,93	1,52	2,63	2,45	0,2291174	0,414534
HEATR4	0,78	0,04	1,34	0,08	0,2291639	0,414572
NAALAD2	0,00	0,07	0,12	0,00	0,2291757	0,414572
CLVS1	0,00	0,48	0,08	0,74	0,2292131	0,414572
PLAGL1	3,76	2,97	3,48	4,19	0,229224	0,414572
AC008079.10	0,62	1,13	0,61	0,78	0,2292413	0,414572
FBXW4	3,60	0,69	4,21	2,40	0,2292723	0,414572
ABCC3	1,01	2,24	2,00	3,41	0,2292828	0,414572
TAS2R4	0,12	0,06	0,12	0,13	0,2293042	0,414572
POLR2J3	3,90	4,91	3,55	3,61	0,2293066	0,414572
CTA-215D11.6	0,59	0,23	0,41	0,60	0,2293461	0,414593
PRDM15	1,81	1,39	1,62	0,33	0,2293559	0,414593
C11orf96	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2293737	0,414593
DPP10	0,62	0,93	0,20	0,63	0,2295298	0,414841
CUL9	4,26	5,00	4,19	5,09	0,2295631	0,414867
RAB1A	6,44	6,53	6,54	6,02	0,2296167	0,414931
GNG11	0,00	0,00	0,00	2,18	0,2296698	0,414993
GATA4	0,00	0,10	0,00	0,00	0,229684	NA
RP11-361M10.5	0,60	1,66	0,36	0,16	0,2296927	0,414998
AC009095.4	0,00	1,41	0,00	0,01	0,22971	0,414998
GUSB	5,29	5,17	4,82	3,48	0,2297362	0,415012
RP11-2B6.2	0,00	0,00	0,32	0,00	0,2297565	0,415014
RP11-94C24.13	0,14	0,51	0,20	0,10	0,2299238	0,415281
CDH20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2299801	0,415281
FUK	2,03	3,15	2,24	1,76	0,2299858	0,415281
STK38L	5,75	4,21	5,31	4,10	0,2300029	0,415281
CCDC58	3,14	3,77	3,16	3,32	0,2300054	0,415281
ZNF100	3,39	4,11	3,14	3,05	0,2300193	0,415281
CERS4	0,93	1,75	0,74	3,77	0,2300349	0,415281
RNU6-733P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2300782	0,415297
KIAA1683	0,74	0,81	1,66	1,81	0,2300813	0,415297
RP11-521O16.2	0,21	0,19	0,32	0,22	0,2301409	0,415344
PABPC1L2A	0,02	0,00	0,00	0,00	0,2301443	0,415344
GALNT5	0,46	0,32	0,43	0,25	0,2301818	0,415378
RP1-59D14.8	0,00	0,00	0,00	4,64	0,2302334	0,415437
CTC-241F20.3	1,36	1,04	1,60	2,09	0,2302565	0,415445
PBRM1	5,30	4,99	4,41	3,23	0,2303369	0,415556

RP11-667M19.6	0,00	0,15	0,00	0,19	0,2304147	NA
AKAP10	4,51	5,36	3,87	4,51	0,2305177	0,415849
SRF	2,52	2,88	3,29	2,51	0,2305513	0,415866
GALK1	4,29	2,70	4,90	4,05	0,2305647	0,415866
XXbac-B33L19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2306105	0,415905
AC097461.4	0,00	0,00	0,43	0,00	0,2306237	0,415905
SAR1B	5,34	4,38	4,95	4,27	0,2306494	0,415917
RP11-17M15.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,2306645	NA
TRBV7-3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2306792	0,415938
DCAF15	1,41	2,36	1,36	2,33	0,2308196	0,416141
GNL3	5,79	4,65	5,49	4,50	0,2308295	0,416141
RP11-39N8.2	4,30	0,38	3,21	3,88	0,2309355	0,416298
RP11-467K18.3	0,51	0,20	0,46	0,09	0,2309586	0,416306
RP11-267N12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2310437	0,416335
MELK	0,29	0,46	0,47	0,55	0,2310538	0,416335
RP11-245J9.9	1,91	0,77	1,54	1,26	0,2310545	0,416335
PPIL2	3,85	1,59	3,79	2,88	0,2310783	0,416335
BCORL1	0,10	0,00	0,28	0,61	0,2310957	0,416335
AC013394.2	6,95	6,32	6,85	6,31	0,231114	0,416335
RP11-284M14.1	0,00	3,04	0,00	0,00	0,231116	0,416335
POMP	6,69	6,74	6,27	6,08	0,2311242	0,416335
RP11-397A16.3	0,04	0,00	0,00	0,00	0,2313428	0,416695
AC008592.8	0,00	0,71	0,60	0,85	0,2313873	0,41673
RASIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2314003	0,41673
SPDYE2B	0,00	0,00	0,18	0,13	0,2314452	0,416763
PRX	0,00	0,49	0,00	0,00	0,2314559	0,416763
ZNF570	1,09	0,59	1,56	0,17	0,2315414	0,416883
RP5-1180D12.1	0,34	0,19	0,21	0,15	0,2315678	0,416897
RP11-7I15.4	0,95	1,76	1,42	1,42	0,231649	0,416978
NDUFB10	7,75	7,65	7,92	7,85	0,2316501	0,416978
VN1R84P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2318015	0,417216
RFX6	0,00	0,08	0,00	0,00	0,2318922	0,417346
ASRGL1	3,33	3,75	3,37	4,38	0,2320028	0,417511
MTFR2	0,87	0,00	0,12	0,08	0,2320476	0,417546
Cxorf21	5,91	5,29	5,16	4,38	0,2320598	0,417546
MRPS28	6,21	6,09	5,82	5,29	0,2322424	0,417841
KLHL20	3,87	4,64	3,16	2,19	0,2323042	0,417876
CRLF3	5,51	4,72	5,22	5,34	0,2323143	0,417876
CTC-340A15.2	1,87	3,48	2,28	2,21	0,2323182	0,417876
AC068282.3	0,42	1,06	0,80	0,22	0,232344	0,417888
RP11-390F10.1	0,00	0,20	0,00	0,00	0,2324635	NA
PIK3C2B	0,63	0,17	0,53	0,64	0,232487	0,418112
RBM44	1,12	0,07	0,52	2,04	0,232561	0,418199
RP11-208N14.5	0,32	0,15	0,35	0,24	0,2325927	0,418199
ECHDC3	0,00	0,55	0,33	0,90	0,232602	0,418199
RP11-536I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,232619	NA
PIK3CD	4,03	4,49	3,91	3,72	0,2326272	0,418199
SBNO1	3,68	3,78	3,25	3,86	0,2326296	0,418199
RP11-742B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2327262	NA
MEGF9	3,58	3,62	3,63	3,81	0,2327301	0,41832
TRIM38	3,96	3,19	3,87	3,82	0,2327435	0,41832
UBE2K	5,37	4,90	5,83	4,62	0,2327598	0,41832
RFT1	3,50	1,41	2,58	1,41	0,2327723	0,41832
RP4-714D9.5	1,03	0,51	1,08	1,07	0,2328077	0,41835
C8orf17	0,20	0,00	0,11	0,13	0,23285	0,418376

MFSD1	7,25	6,35	6,99	6,55	0,2328598	0,418376
RP11-356K23.2	0,00	0,06	1,05	0,46	0,2330187	0,418611
ATP11B	4,48	4,95	4,05	3,68	0,2330281	0,418611
VKORC1	6,32	6,32	6,49	5,03	0,2330911	0,41869
WIPI1	3,46	3,58	3,89	4,18	0,2331339	0,418733
PSPN	0,32	0,36	0,27	0,53	0,2331848	0,41879
SPOCK1	0,00	0,00	0,01	0,00	0,2332074	0,418797
AC007879.5	3,32	1,34	3,84	3,22	0,2333148	0,418956
GLRX2	3,97	1,89	3,96	1,95	0,2334109	0,419095
WFS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2335146	NA
HIST1H3A	5,31	0,00	0,60	5,21	0,2335251	0,419213
CORO7-PAM16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2335305	0,419213
EXD2	0,99	3,17	2,21	2,49	0,2335332	0,419213
RSPH14	0,00	0,00	0,00	0,42	0,2335554	0,419219
RP11-512C24.3	0,00	2,33	0,00	0,05	0,2336333	0,4193
CTD-3118D11.2	0,00	0,00	0,10	0,00	0,2336382	0,4193
RP11-676J12.7	0,00	0,50	0,24	0,24	0,233663	0,419307
TMEM203	3,51	1,43	3,63	3,42	0,2336801	0,419307
RP11-52J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2338179	0,419521
RP3-466P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2338444	0,419534
RP11-331F4.5	0,10	0,20	0,07	0,14	0,233986	0,419755
RP11-355O1.11	0,18	0,73	0,09	0,15	0,2340383	0,419795
B3GALT4	0,14	0,08	1,24	1,23	0,2340464	0,419795
FBXW5	5,16	4,75	5,42	5,78	0,2340888	0,419837
AC091132.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,2342099	0,420021
RNF146	3,49	0,25	1,80	1,38	0,2343537	0,420245
TXNL1	5,75	5,42	4,86	2,31	0,234392	0,420279
CTC-277H1.7	0,21	0,38	0,13	0,58	0,2344464	0,420315
RP5-1085F17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2344498	0,420315
CNTROB	1,39	1,37	3,13	1,38	0,2344862	0,420323
HCP5	4,35	1,84	2,88	3,05	0,234492	0,420323
PRKAB1	4,56	3,31	3,76	3,12	0,2345899	0,420465
RNLS	1,67	0,30	1,37	0,60	0,2347186	0,420607
CTD-2090I13.4	0,92	0,00	0,00	0,00	0,234735	NA
NAT9	4,88	3,83	4,63	3,46	0,2347395	0,420607
RN7SL647P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2347502	NA
NIPSNAP1	3,40	1,73	2,74	2,78	0,2347655	0,420607
ZFP62	1,27	5,29	2,59	4,20	0,2347717	0,420607
RANBP1	6,27	6,95	6,33	5,38	0,2347919	0,420607
RP11-73E17.2	0,31	0,14	0,42	0,22	0,2348125	0,420607
GRIK1	1,13	0,64	1,08	0,00	0,2348197	0,420607
ADAMTSL3	1,94	2,64	1,86	1,76	0,2348213	0,420607
RN7SL76P	0,00	3,65	1,12	2,49	0,2348399	0,420607
CTD-2354A18.1	0,00	1,03	0,00	0,23	0,2348951	0,420672
CDC123	6,24	5,68	5,53	5,18	0,2349308	0,420702
RP11-977G19.12	0,49	0,87	0,47	0,55	0,2349545	0,420711
SPATA20	3,04	3,80	2,97	1,81	0,2350468	0,420842
BTBD11	0,13	0,49	2,00	0,49	0,2351302	0,420958
RP11-340L3.1	0,23	0,21	0,41	0,47	0,235197	0,421043
RP11-135F9.3	2,93	1,50	3,07	0,88	0,2352967	0,421156
ZC3H3	0,74	1,94	1,46	0,90	0,2353046	0,421156
ANKRD40	3,34	3,24	3,33	2,81	0,2353166	0,421156
OR8B5P	0,14	0,00	0,00	0,00	0,2353638	NA
SRSF11	7,49	6,67	7,19	7,00	0,2354402	0,421343
RP11-727F15.14	0,00	0,00	1,44	1,94	0,2355174	0,421438

RASAL3	2,79	1,43	2,75	2,21	0,2355425	0,421438
AN08	0,07	0,07	0,19	0,03	0,2355504	0,421438
RP11-33B1.2	0,57	0,87	0,69	1,14	0,2355908	0,421477
C11orf44	0,00	0,04	0,00	0,00	0,2356111	NA
SEC22B	3,72	2,59	3,39	3,23	0,235695	0,421629
DCAF17	0,83	0,26	1,38	1,33	0,235748	0,42169
RP11-338C15.5	0,00	0,64	0,00	0,00	0,2358056	0,421759
RSU1	5,82	5,26	5,33	5,37	0,2358287	0,421767
SLC19A3	0,89	1,09	1,10	1,36	0,2358834	0,421806
TNFAIP8L2	7,27	4,38	6,68	5,55	0,2358889	0,421806
ARL5B	3,12	2,04	2,45	2,15	0,2359647	0,421908
SNX33	0,04	1,19	0,47	0,22	0,2360043	0,421944
SPDYE8P	0,43	1,31	0,13	0,00	0,236023	0,421944
RP11-120K9.2	0,00	0,39	0,00	2,38	0,2360704	0,421995
SIGLEC7	4,85	3,40	4,07	3,71	0,2360953	0,422006
SNORA68B	0,00	0,00	0,00	2,23	0,2361818	NA
POSTN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2362758	0,422294
ZNF596	0,64	0,26	0,50	0,43	0,2363672	0,422388
PK2	1,75	0,83	1,78	1,65	0,2363825	0,422388
SERAC1	1,02	1,00	1,64	1,22	0,236385	0,422388
RP11-881M11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2364225	NA
NDUFB5	7,49	7,04	6,85	6,44	0,2364821	0,422505
AC131180.3	0,00	0,00	0,17	0,19	0,2364918	0,422505
SPAG7	6,89	7,30	6,86	6,23	0,236508	0,422505
AC087886.1	0,44	0,05	0,36	0,13	0,2365805	0,422601
RP11-127B20.2	0,22	0,30	0,00	0,00	0,2366718	0,42273
RP4-788L20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2367557	0,422846
TINF2	6,05	6,12	5,34	6,08	0,2368068	0,422903
NAT14	0,00	0,00	0,00	2,02	0,236912	0,423029
RABIF	3,30	2,96	2,69	2,56	0,2369151	0,423029
RNF114	5,82	5,25	5,49	4,58	0,2370185	0,423179
STRBP	1,80	2,87	0,92	3,39	0,2370805	0,423255
XPO6	5,16	5,24	5,35	6,32	0,2370988	0,423255
DENND1A	4,82	4,59	4,75	4,20	0,2372134	0,423425
DNAJB9	4,51	2,35	3,93	3,27	0,2372571	0,423467
C6orf1	5,57	5,52	5,65	4,99	0,2372752	0,423467
FAM69C	0,00	0,04	0,00	0,09	0,237357	0,423571
PPM1G	5,80	5,35	5,33	4,66	0,2373711	0,423571
RP11-395P17.3	1,59	1,39	1,32	1,93	0,2374364	0,423653
PSMD10	5,39	3,74	4,35	5,54	0,2374712	0,423681
NTMT1	5,07	5,73	5,13	4,92	0,2375706	0,423825
AC009948.5	3,92	2,63	4,10	2,02	0,2376197	0,423852
PON3	0,00	1,79	0,00	0,00	0,2376363	0,423852
LINC00632	0,04	0,45	0,11	0,17	0,237643	0,423852
KIAA1161	0,90	1,78	0,96	1,38	0,2377103	0,423934
ACBD5	3,63	1,65	2,36	2,66	0,2377272	0,423934
TMEM126A	5,65	5,27	5,32	4,69	0,2378766	0,424134
EIF1	10,29	10,14	10,19	9,43	0,2378776	0,424134
AC024592.9	0,00	0,14	0,05	0,28	0,2378807	NA
RP1-100J12.1	0,00	0,00	0,38	0,00	0,2379967	0,424312
LIG1	1,53	0,56	0,95	0,00	0,2380473	0,424337
RN75L693P	0,00	1,05	0,88	1,55	0,2380487	0,424337
COQ10B	5,01	1,31	4,29	3,71	0,2381497	0,424483
RPL7AP11	0,17	0,00	0,10	0,22	0,2382774	NA
MPP5	1,71	0,59	1,96	2,32	0,2383063	0,424728

AL109763.2	0,45	2,49	0,00	2,40	0,238371	0,424771
RP11-509E17.1	2,73	4,98	2,72	3,40	0,2383867	0,424771
MT1E	0,00	0,00	0,24	2,26	0,2384032	0,424771
CTC-268N12.3	0,00	0,00	0,62	2,28	0,2384071	0,424771
RP11-273G15.2	1,59	0,50	1,30	2,99	0,2384414	0,424798
RP11-380L11.4	0,23	0,63	0,28	0,28	0,2385111	0,424861
TMEM177	0,00	0,20	0,00	0,14	0,2385147	0,424861
RP11-567M21.3	0,33	1,30	0,40	0,48	0,2385574	0,424872
AVPI1	4,37	0,73	2,87	1,07	0,2385761	0,424872
RP11-566E18.3	0,00	0,09	0,10	0,00	0,2385785	0,424872
MTRNR2L8	0,59	0,87	0,68	0,97	0,2386479	0,424932
BNIP2	6,68	5,66	6,30	6,55	0,2386555	0,424932
CCDC28A	5,37	4,01	4,86	5,10	0,2386767	0,424932
RP11-678G14.2	2,19	3,82	2,91	1,40	0,2386886	0,424932
AMMECR1L	1,25	0,45	1,34	0,73	0,2387345	0,424941
HIST1H2BK	5,56	1,05	3,97	0,00	0,2387665	0,424941
RP11-449H11.1	1,37	0,36	0,39	1,28	0,2387679	0,424941
C9orf142	6,52	7,32	6,58	6,33	0,2387778	0,424941
CTD-2506J14.1	0,00	0,00	0,24	0,00	0,2387889	0,424941
RP11-582H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2388454	0,424994
MLLT4	1,00	0,88	1,39	1,41	0,238857	0,424994
AC007292.3	0,42	0,50	0,39	0,37	0,2388852	0,424997
RASGRP4	2,80	3,04	3,05	3,20	0,2388973	0,424997
CTD-2012K14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2390585	NA
DUSP12	5,53	3,69	4,92	5,23	0,2391167	0,425354
MALRD1	0,00	0,00	0,00	0,46	0,2391719	0,425408
OSM	2,68	4,49	4,66	2,91	0,2391856	0,425408
RP11-552M11.4	0,00	0,00	0,82	0,00	0,2392198	0,42541
GLTSCR1	0,45	0,87	1,04	0,53	0,2392247	0,42541
NUP98	5,02	3,88	4,81	3,49	0,2392586	0,425414
NAPSA	0,35	0,36	0,27	0,23	0,2392704	0,425414
RP11-386G11.5	2,69	1,06	2,77	1,78	0,2392847	0,425414
HNRPA1P3	0,00	0,00	0,55	0,00	0,2393686	NA
PCBD1	4,78	2,25	4,46	3,64	0,239373	0,425533
AC074183.3	0,16	0,00	0,29	0,58	0,2393899	0,425533
RP11-321N4.4	0,97	1,07	1,22	1,93	0,2394771	0,425621
ZNF638	6,08	6,44	6,07	5,53	0,2394778	0,425621
RP11-321L2.2	1,95	1,32	1,59	1,07	0,239518	0,425659
CTC-575I10.1	0,00	0,00	0,00	0,41	0,2395748	NA
CA5B	5,03	5,88	3,82	3,06	0,2395822	0,425722
RP11-382A20.6	0,00	0,41	0,00	0,00	0,2395997	NA
COG6	1,78	0,83	1,75	1,39	0,2396068	0,425722
MT-CO1	12,57	12,18	12,18	12,29	0,2396111	0,425722
SYNPR	3,44	0,68	3,34	2,71	0,2397134	0,425824
RP11-884K10.5	6,62	6,61	6,58	5,65	0,2397208	0,425824
RP11-511H9.3	0,28	0,00	0,73	0,40	0,23978	0,425824
GOLIM4	4,11	2,95	3,71	3,00	0,239785	0,425824
ZNF584	1,52	1,51	1,15	2,88	0,2397887	0,425824
TRIB2	4,27	2,20	3,06	3,56	0,2397917	0,425824
ZNF296	1,04	2,06	0,98	1,20	0,2398028	0,425824
MTRF1	3,26	0,71	2,11	1,63	0,2398615	0,425894
bP-21264C1.2	2,01	4,20	2,50	2,70	0,2399134	0,425953
RN7SL15P	0,00	1,81	0,00	0,00	0,2399485	0,425981
PSMD7	6,79	5,13	6,35	6,39	0,2399723	0,425989
AURKB	0,60	0,00	0,43	2,23	0,2400268	0,426018

SEPT6	5,79	5,18	5,19	5,56	0,2400268	0,426018
RP11-379H18.1	1,10	1,82	1,07	1,52	0,2400565	0,426036
GEMIN4	1,04	0,21	1,11	0,20	0,2401463	0,426151
FBXW11	6,08	6,04	4,75	3,70	0,2401593	0,426151
NLRX1	0,39	0,05	0,21	0,18	0,2402363	0,426208
PDE6B	0,89	1,37	0,89	1,15	0,2402478	0,426208
AUNIP	0,18	0,14	0,19	0,26	0,240249	0,426208
AC144831.1	0,78	0,25	0,73	0,63	0,2403905	0,426425
RP11-580I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,24041	NA
C12orf29	0,51	2,18	0,26	1,11	0,2404196	0,426443
MIR548H4	0,00	2,26	0,41	0,00	0,2404643	0,426488
RNY1P12	0,00	3,25	0,00	0,00	0,2405428	NA
RP11-342K2.1	0,45	0,30	0,54	0,34	0,2406613	0,426798
ACP6	0,77	2,13	0,39	1,04	0,2406774	0,426798
RP11-815J21.4	4,59	4,71	5,46	3,29	0,2407119	0,426825
GUCY1B2	0,00	0,00	0,00	0,08	0,2407227	NA
CNIH1	6,68	5,21	6,09	3,56	0,2407647	0,426884
N4BP2L2	7,17	6,90	6,68	6,52	0,2407934	0,426901
SMOC1	0,00	0,62	0,00	0,38	0,2408241	0,426922
HSH2D	5,27	4,79	4,77	5,14	0,2408696	0,426968
ANKZF1	3,61	4,13	3,42	4,26	0,2409775	0,427103
APOO	4,90	2,25	2,93	3,00	0,2409843	0,427103
AXDND1	0,00	0,00	0,39	0,04	0,2410212	0,427135
RP11-69C17.3	0,00	0,06	0,00	0,00	0,2410947	NA
DPH3	4,88	5,26	4,46	3,20	0,2411166	0,42727
ZNHIT2	0,34	1,97	0,28	3,59	0,2411687	0,427301
CMTM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2411726	0,427301
AC002066.1	0,00	0,39	0,00	0,00	0,2412424	0,42739
RP11-134F2.8	3,01	4,45	2,77	2,82	0,2413686	0,42758
COL20A1	0,00	0,03	0,00	0,11	0,241406	0,427586
RP11-391L3.4	1,98	1,66	1,18	1,32	0,2414104	0,427586
CTA-229A8.5	0,00	0,00	0,12	0,10	0,2414802	0,427649
CEP57	4,33	4,12	3,88	2,95	0,2414847	0,427649
ZNF45	1,56	1,58	1,09	0,33	0,2415104	0,427661
TXLNG	1,79	0,87	1,81	0,40	0,2415309	0,427661
MIR3908	0,00	0,00	1,55	0,00	0,2415414	NA
NUCB1	3,87	4,53	3,70	4,10	0,2415492	0,427661
RP11-477I4.3	0,00	0,35	0,00	0,00	0,2416046	0,427725
RP11-429B14.1	0,47	0,00	0,44	0,96	0,2416397	0,427753
RP11-24B13.2	0,23	0,36	0,18	0,58	0,2416586	0,427753
AC009312.1	0,00	0,15	0,40	0,66	0,2418196	0,427932
TMX3	5,23	6,16	5,08	3,53	0,2418228	0,427932
CINP	5,50	5,33	5,34	3,26	0,2418412	0,427932
UTP20	1,27	1,12	1,33	1,16	0,2418503	0,427932
RP11-413E1.4	0,00	0,00	0,00	0,52	0,2418941	0,427932
RP11-79H23.3	0,07	0,61	0,09	0,00	0,2419015	0,427932
GOLGA5	3,95	1,26	3,31	2,13	0,2419305	0,427932
TATDN2	2,83	2,49	2,83	1,51	0,2419324	0,427932
AC010980.2	1,66	4,46	2,45	1,19	0,2419332	0,427932
TRIM60	0,07	0,00	0,34	0,70	0,2419841	0,427977
MIR6891	2,10	0,00	1,88	0,00	0,2419972	0,427977
CNGB3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,2421237	0,428143
CTA-223H9.9	0,00	0,49	0,00	1,87	0,2421298	0,428143
RP11-432J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2421734	0,428186
NECAB1	0,04	0,36	0,04	0,09	0,2422008	0,428201

MAML3	2,40	1,36	2,23	1,76	0,2423038	0,428349
CCAR1	5,25	4,90	5,53	5,41	0,2423489	0,428394
SLC9C1	0,00	0,05	0,00	0,86	0,2424244	0,428494
PCBP3	0,45	1,20	0,37	0,65	0,2424803	0,428552
FBXO45	2,19	0,11	1,81	2,45	0,2424959	0,428552
ORM2	0,29	3,47	2,00	0,44	0,2425449	0,428605
AC064874.2	2,21	2,88	2,32	3,03	0,2426012	0,42867
DYRK1A	3,90	3,01	3,94	4,78	0,2427929	0,428952
QPCT	2,65	2,78	4,08	3,82	0,2427994	0,428952
LAPTM5	8,80	8,88	8,87	8,95	0,2429303	0,429149
SMIM19	5,52	3,40	4,92	2,35	0,2430609	0,429341
RP11-179A10.2	0,08	0,00	0,11	0,18	0,2430639	NA
AF131216.6	0,46	0,68	0,50	0,30	0,2430773	0,429341
RP3-399J4.4	0,00	0,00	0,04	0,08	0,2431692	0,429469
LCMT2	0,34	0,60	0,49	0,41	0,2433582	0,429769
AC007283.4	0,98	0,00	0,00	0,00	0,2433969	0,429803
RP11-182J23.1	1,63	1,55	1,99	1,86	0,2435325	0,430008
NUDT16	3,00	3,46	3,37	2,76	0,243616	0,430121
TMEM72	0,00	0,63	0,00	0,00	0,2436603	0,430127
RP11-214N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2436622	0,430127
DYRK1B	0,12	0,00	0,45	1,08	0,2436895	0,430127
C12orf61	0,22	0,07	0,40	0,18	0,2436968	0,430127
RP11-421F16.3	0,58	0,74	1,31	0,85	0,2437842	0,430217
DEF6	4,63	4,01	4,52	3,99	0,2437864	0,430217
RP11-6B6.3	0,98	0,00	1,08	0,00	0,2438349	0,430268
SLC1A3	0,03	0,04	0,21	0,00	0,2440193	0,430538
EIF5AP2	0,11	0,63	0,00	0,00	0,2440276	0,430538
RPS6KA5	2,84	3,40	2,89	1,61	0,2440459	0,430538
TRUB1	2,20	0,76	0,76	1,69	0,2441627	0,43071
RPL3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2441807	NA
RPIA	2,71	3,56	2,46	2,67	0,2442114	0,430762
ZNF124	5,08	3,28	4,42	3,50	0,2442476	0,430791
C22orf39	4,50	4,15	4,07	3,10	0,244288	0,430828
RP11-309M7.1	0,00	0,29	0,00	0,13	0,2443583	0,430918
AC006547.13	2,65	4,33	3,27	4,85	0,2443935	0,430946
CHRM5	0,19	0,40	0,44	0,66	0,2445618	0,431209
RP11-315D16.2	1,21	1,26	1,13	0,40	0,2446218	0,431232
C9orf147	3,35	2,66	3,15	3,11	0,244631	0,431232
CD22	3,07	3,72	2,24	1,42	0,2446332	0,431232
RP11-181K12.1	0,46	0,87	0,55	0,45	0,2446883	0,431295
RP11-586K12.1	0,63	2,21	0,30	3,44	0,2447715	0,431407
DDAH2	5,28	3,58	5,51	4,43	0,2448379	0,43149
RPL7A	10,25	10,25	10,26	9,85	0,2449362	0,431629
AL022344.5	0,64	0,97	0,84	0,95	0,244956	0,43163
MACROD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,244994	0,431663
RNF223	0,09	0,26	0,11	0,00	0,2450717	0,431765
BCL2L13	4,26	2,35	3,40	4,14	0,2451028	0,431786
SSUH2	0,00	0,05	0,00	0,00	0,245168	0,431847
AC092652.1	2,53	1,03	2,40	3,39	0,2451763	0,431847
RP11-429D19.1	0,00	0,00	0,46	0,00	0,2451928	NA
RP11-422J8.1	0,08	0,00	0,15	0,47	0,24522	0,43189
RP11-10N23.2	0,25	0,50	0,33	0,16	0,2452496	0,431908
CTD-2026K11.6	0,04	0,15	0,10	0,11	0,2453393	NA
PARP2	3,56	1,69	3,10	2,87	0,2453769	0,432097
ANKRD7	0,00	0,00	0,00	0,28	0,2454864	0,432246

TMEM161A	3,51	0,09	1,71	0,59	0,2455002	0,432246
FTH1P7	0,00	0,00	0,58	0,00	0,2456812	NA
TMEM106B	1,27	1,60	2,04	2,76	0,2457258	0,432609
FAM63A	2,36	0,91	2,85	0,86	0,24576	0,432635
C9orf64	1,53	0,93	1,79	1,12	0,2458477	0,432724
CTC-358I24.1	2,62	1,98	2,67	0,73	0,2458494	0,432724
RP11-167P11.2	0,57	1,39	1,14	1,06	0,2458734	0,432732
SOX4	2,40	0,87	1,53	1,73	0,2460082	0,432933
CTD-2514C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2460395	0,432933
CTD-3211M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,246046	0,432933
OR2C3	0,06	0,05	0,07	0,07	0,2461048	0,432982
ABCA7	4,65	5,17	5,05	5,46	0,246113	0,432982
CTC-523E23.5	0,13	0,34	0,18	0,14	0,2461845	0,43306
RN7SL516P	0,00	0,00	0,00	0,80	0,2461963	0,43306
RP11-401N16.2	0,00	0,00	0,00	0,59	0,2462172	NA
RP1-267D11.6	0,00	0,00	0,07	0,13	0,2463726	0,433336
CDC7	2,41	0,28	0,05	0,25	0,2463978	0,433346
RP11-503P21.4	0,69	1,00	1,12	0,96	0,2464521	0,433398
RP11-544A12.4	3,17	3,22	2,89	2,64	0,2464663	0,433398
C15orf59	0,13	0,21	0,19	0,13	0,2465336	0,433482
FAM230A	0,02	0,46	0,00	0,28	0,2465639	0,433501
RPL9P7	1,38	1,27	1,60	0,74	0,2465906	0,433513
RP11-488C13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2466773	0,433631
PSPH	3,82	3,80	3,24	1,11	0,2467067	0,433649
ANAPC10	5,19	3,93	3,38	3,85	0,246805	0,433787
ESPNL	0,00	0,44	0,00	0,00	0,2468341	NA
MIR143HG	0,54	0,65	0,65	0,91	0,2468704	0,433841
CHEK2	4,04	3,10	3,61	2,67	0,2468747	0,433841
POM121L7	1,34	2,48	1,76	0,59	0,2469474	0,433935
FBXL19	0,00	0,00	0,00	0,10	0,2471294	NA
STAMBP	4,14	3,13	2,63	2,71	0,2471566	0,434239
RP11-476H16.1	0,59	0,75	0,94	2,06	0,2471598	0,434239
RP11-1136G11.6	0,12	0,00	0,11	0,00	0,2471881	NA
bP-2171C21.2	0,00	4,26	0,00	0,00	0,2472093	0,434241
NSMCE1	6,78	6,93	6,56	6,47	0,2472125	0,434241
RP11-74J13.8	1,69	3,20	1,81	1,85	0,2472206	0,434241
RP11-552M14.1	0,35	0,71	0,00	0,00	0,2472391	0,434241
PRKCB	5,33	4,89	5,66	5,90	0,2472671	0,434256
ZBTB44	3,92	4,59	3,11	3,60	0,2473029	0,434285
SEPT12	0,00	0,00	0,25	0,12	0,2473706	NA
RP11-67L14.1	0,08	0,94	0,29	0,58	0,2473775	0,434349
VGLL3	2,55	3,28	2,60	3,15	0,2473789	0,434349
CTC-429P9.3	3,29	5,25	3,36	2,33	0,2473982	0,434349
RP11-288H12.3	0,06	0,06	0,76	0,38	0,2474247	0,434355
CTBP1	4,11	4,52	4,46	4,35	0,2474446	0,434355
AC006328.1	0,00	0,00	0,00	0,23	0,2474604	0,434355
VPRBP	2,60	2,24	0,89	3,03	0,2475464	0,434472
OBSL1	1,00	0,38	0,44	0,41	0,2475964	0,434486
TAPT1	3,48	4,09	4,15	2,40	0,2476094	0,434486
RP11-159H22.2	0,58	0,00	0,00	0,00	0,247613	0,434486
PPIAP9	0,37	0,46	0,45	0,00	0,2476953	NA
C20orf144	0,06	0,47	0,21	0,20	0,2477021	0,434608
COMMD1	5,71	5,46	5,82	5,65	0,2477629	0,43468
RP11-278L15.2	0,20	0,67	0,00	0,18	0,2478532	0,434804
COA7	1,70	0,66	1,56	1,01	0,2478967	0,434837

AC007403.3	0,34	0,00	0,32	0,00	0,2479107	0,434837
RP11-347C12.2	4,85	3,94	4,96	3,84	0,247931	0,434838
RP11-1124B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,248105	NA
DNAJA2	4,38	3,54	4,03	3,91	0,2481444	0,435177
RP11-352G18.2	0,00	0,00	0,00	0,48	0,2481635	0,435177
RP11-346C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2481757	NA
RP11-357N13.6	0,00	0,00	0,00	0,07	0,2482177	NA
DARS	5,72	5,85	5,62	4,80	0,2485139	0,435757
AC006014.6	0,42	0,00	1,38	1,64	0,2485332	0,435757
OMD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2486125	0,435852
RP11-50E11.3	0,25	0,37	0,32	0,46	0,2486268	0,435852
CH507-513H4.5	8,50	8,72	8,80	8,62	0,2486717	0,435896
RN7SL143P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2488376	0,436153
P2RY6	5,15	2,76	3,45	3,15	0,2488764	0,436186
C5orf22	3,23	3,79	2,10	3,91	0,2489653	0,436308
RP3-370M22.6	3,54	2,81	2,88	2,90	0,2489946	0,436323
RAB37	0,57	1,75	0,69	3,38	0,2490306	0,436323
HMMR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2490328	0,436323
DHCR24	0,09	0,03	0,65	0,32	0,2490901	0,436371
ZCCHC6	4,44	3,68	3,90	4,15	0,2490997	0,436371
RP11-1348G14.4	0,90	0,89	0,90	1,12	0,2491451	0,436416
DNAH8	0,00	0,19	0,00	0,00	0,2492375	0,436524
AC091801.1	1,18	1,28	2,05	2,16	0,2492457	0,436524
BAHD1	0,81	0,12	0,61	0,32	0,2493671	0,436667
CTD-3236F5.1	1,21	0,00	0,39	2,71	0,2493705	0,436667
TMEM88	0,00	0,00	0,56	0,00	0,2493864	0,436667
BRCC3	4,61	2,42	4,19	3,45	0,249418	0,436688
ZPR1	4,18	2,67	4,08	2,92	0,2494561	0,43672
AP1G1	5,08	2,90	4,35	3,57	0,2494888	0,436743
USP25	5,17	3,44	4,77	4,49	0,2495245	0,436771
HYPK	3,48	1,57	3,02	2,14	0,2497166	0,437073
RPP30	5,23	2,67	4,78	1,90	0,2497761	0,437134
CTD-2270L9.2	0,71	1,30	1,10	1,02	0,2497964	0,437134
RPL8	10,72	10,94	10,76	10,54	0,2498105	0,437134
A2M	1,98	4,92	2,41	3,71	0,2499147	0,437219
GSK3A	1,32	1,54	1,50	1,50	0,2499154	0,437219
C12orf49	1,49	2,44	1,84	1,62	0,2499179	0,437219
TRABD	4,53	4,94	5,31	4,76	0,2499964	0,437321
SLC16A9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2500509	NA
PACS1	2,82	2,83	3,25	4,25	0,2501592	0,437539
NCRNA00161	1,47	0,90	2,06	0,30	0,2501603	0,437539
CTD-2015H6.3	0,16	0,70	0,40	0,36	0,2502324	0,437631
RP11-58H15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2502613	0,437647
ATG2A	2,42	3,10	3,77	3,44	0,2503088	0,437696
KLHL34	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2504536	NA
RP11-10C24.3	0,16	0,00	0,35	0,13	0,2504926	0,437963
CGGBP1	5,11	5,39	4,58	4,83	0,2505012	0,437963
ERGIC1	1,80	4,06	3,29	1,48	0,250628	0,438151
HIST1H4D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,250717	0,43827
UBE2Z	4,03	3,37	4,44	3,75	0,250777	0,43827
CCDC86	3,11	1,08	2,05	1,19	0,2507851	0,43827
ATP13A3	4,38	2,78	4,66	2,92	0,2507872	0,43827
EARS2	2,56	3,12	1,95	2,14	0,2508004	0,43827
NLRC4	3,39	0,50	2,10	3,77	0,2508451	0,43827
WARS2	3,96	3,75	3,75	2,16	0,2508467	0,43827

LA16c-380H5.5	0,71	0,23	1,14	0,55	0,2508542	0,43827
PMFBP1	0,00	0,00	0,13	0,00	0,2509819	0,438459
TAF8	3,76	4,51	4,16	3,53	0,2510433	0,438532
RP11-206L10.11	3,35	4,75	2,37	0,84	0,2511938	0,438713
C3orf38	4,22	0,72	3,51	4,40	0,2511991	0,438713
SFTA3	0,00	0,00	0,08	0,16	0,2512028	NA
RP11-256I9.2	0,10	1,01	0,08	0,48	0,2512123	0,438713
RP11-973N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2512259	0,438713
SERTAD3	3,38	1,86	3,14	3,14	0,2512935	0,438763
RP11-848G14.2	2,94	3,31	0,73	0,35	0,251294	0,438763
CATSPER2	2,76	2,86	2,95	3,08	0,2513201	0,438774
ULK1	1,04	1,55	1,95	1,24	0,2513744	0,438834
RP11-666G4.1	0,13	0,25	0,08	0,21	0,2514558	0,438942
FASTK	4,28	4,43	4,54	5,13	0,2515192	0,438981
RP11-135J2.2	2,06	0,00	2,57	0,00	0,251531	0,438981
DENND4A	5,36	6,14	4,78	5,08	0,2515378	0,438981
AFM	0,00	0,13	0,00	0,00	0,2516929	NA
PGBD5	0,07	0,07	0,07	0,09	0,2517087	0,439169
DNAJC25	2,47	1,43	2,12	1,07	0,2517237	0,439169
KCTD5	3,25	2,72	2,89	1,93	0,2517457	0,439169
RF00284	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2517526	0,439169
CNOT1	6,62	6,52	6,10	6,13	0,2517625	0,439169
VDR	2,35	0,57	2,54	0,68	0,251764	0,439169
RP11-330C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2518032	0,439203
RP11-582J16.4	0,56	0,29	0,84	0,29	0,2518492	0,43924
RP11-243E13.1	0,31	0,22	0,24	0,33	0,2518641	0,43924
TNKS	3,63	4,18	3,85	3,10	0,2519123	0,43926
RIPK1	3,72	1,93	3,02	3,49	0,2519148	0,43926
CLEC4G	0,00	0,00	0,18	0,10	0,2519563	0,439298
RP11-21M24.2	0,41	0,43	0,30	0,54	0,2519817	0,439308
SPIDR	5,11	5,68	5,26	5,24	0,252004	0,439312
STAP1	0,92	0,28	0,17	1,16	0,2520706	0,439379
RP11-792A8.4	2,96	2,69	2,84	3,60	0,2520819	0,439379
DRAM2	6,65	6,91	6,21	5,75	0,2521424	0,43945
CTA-228A9.3	0,82	1,88	1,02	2,07	0,2522193	0,439499
RP11-360L9.7	0,21	0,00	0,00	0,00	0,2522247	0,439499
SEC13	6,87	5,77	6,42	5,97	0,2522297	0,439499
RP11-886P16.6	0,00	0,00	0,47	0,42	0,2524303	NA
ASH1L	4,59	2,84	4,73	4,97	0,252437	0,43982
RN7SL440P	0,00	0,00	0,86	2,01	0,2524538	0,43982
STARD3	4,43	4,97	4,69	4,50	0,2525135	0,439883
CYB5R3	4,50	3,90	4,29	3,47	0,2525698	0,439883
RP11-599B13.6	2,48	0,00	0,00	0,00	0,2525879	0,439883
RP11-35J1.2	0,00	1,13	0,52	0,00	0,252588	0,439883
RP11-90B9.3	0,00	0,00	0,29	0,00	0,2525886	0,439883
LAMB1	0,18	0,00	1,19	0,80	0,2527065	0,440048
ANXA7	6,14	5,41	5,53	4,91	0,2527233	0,440048
PDS5B	4,52	4,71	4,59	3,85	0,2528402	0,440217
SLC44A1	1,97	2,16	2,29	2,36	0,2529044	0,440289
RP11-264B17.2	0,66	0,67	1,00	1,45	0,2529209	0,440289
RPS20P33	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2529849	0,440358
RP11-548K23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2530189	0,440358
ERI2	2,67	2,34	1,71	2,15	0,2530201	0,440358
RF01210	4,75	2,77	4,46	5,23	0,2530579	0,440389
CASC22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2530881	NA

CDRT4	0,00	0,06	0,02	0,05	0,2531267	0,440475
EPM2A	1,72	2,33	2,45	2,07	0,253147	0,440475
HERC2	4,56	2,53	4,18	3,98	0,2531935	0,440522
RP11-51M18.1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,2532404	NA
ABHD3	4,01	4,36	3,25	1,59	0,2532649	0,440582
ZNF444	0,55	0,43	1,00	1,31	0,2532678	0,440582
LLGL1	0,03	0,03	0,05	0,14	0,2533522	0,440694
HNRNPA3	5,64	5,14	5,85	5,44	0,2534133	0,440766
RP11-497G19.7	0,45	0,37	0,71	0,23	0,2534628	0,440806
PMS2L1	3,10	3,18	2,17	2,92	0,2534758	0,440806
RP4-781K5.6	0,00	0,00	0,00	0,03	0,2535642	NA
XX-FW83563B9.5	1,28	0,48	1,00	2,10	0,2535704	0,440936
RP4-591N18.2	1,05	1,27	1,80	1,34	0,2536526	0,441044
RP11-276H1.1	0,00	1,74	0,00	0,43	0,2536885	0,441072
GCNT1	2,17	0,88	1,58	0,79	0,2537148	0,441084
NPC1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2538269	0,441244
ADAM22	0,00	0,00	0,04	0,05	0,2538597	0,441266
ZMYM1	1,45	2,27	0,67	1,95	0,2539125	0,441282
RP11-391J2.3	1,62	2,74	1,72	1,77	0,2539235	0,441282
C1orf216	1,75	2,40	2,04	2,71	0,2539281	0,441282
PGD	5,59	5,73	5,43	5,76	0,2539817	0,441319
HFE	0,37	1,15	0,79	0,75	0,2539895	0,441319
HSD17B7	3,31	3,86	3,01	3,00	0,2540211	0,44134
CA13	0,74	0,66	0,51	0,27	0,2540906	0,44141
ERMN	3,73	1,51	3,13	0,65	0,2541088	0,44141
RANGAP1	2,56	3,10	2,75	2,49	0,2541211	0,44141
EV15	4,09	3,94	4,25	4,08	0,2542558	0,44161
TOMM5	6,22	5,65	6,47	5,99	0,2543219	0,441664
RP11-569D9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2543302	0,441664
RP5-1139I1.2	0,29	0,30	0,49	0,55	0,2543468	0,441664
RP13-228J13.6	0,86	1,67	0,21	0,00	0,2544266	0,441768
CAPN12	0,79	2,60	1,30	1,69	0,2544616	0,441794
SLC5A3	1,05	2,19	0,55	2,21	0,254596	0,441939
RP11-10N16.2	0,00	0,08	0,23	0,07	0,2545984	0,441939
RP11-1018N14.2	0,23	0,00	0,35	0,36	0,2546066	0,441939
CTB-147C22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2546236	NA
RP11-231E19.1	0,08	0,05	0,56	0,76	0,2546402	0,441939
RP11-392P7.3	0,39	0,13	1,14	0,29	0,2546445	0,441939
HSPH1	4,57	4,73	4,07	3,10	0,2547227	0,442041
AC002985.3	0,31	0,00	0,00	0,00	0,2547232	NA
HSD17B8	3,64	0,36	0,58	1,75	0,2547986	0,442137
PSMD4	7,39	6,58	7,12	7,08	0,2548179	0,442137
KIAA1429	4,05	4,70	3,68	3,58	0,2548431	0,442146
CMP21-97G8.1	0,55	0,65	0,56	0,00	0,2548903	0,442162
RP11-398C13.6	0,00	0,00	0,16	0,00	0,254892	0,442162
GPR137B	2,83	1,70	1,96	1,21	0,2549686	0,44226
AC026188.1	0,28	0,56	0,38	0,00	0,2550106	0,442271
COX14	5,73	6,38	5,89	5,54	0,2550149	0,442271
LIPE	0,78	0,93	0,56	0,41	0,2550776	0,442346
UBE2E3	4,97	4,03	4,54	3,58	0,2550987	0,442347
GFER	0,94	3,78	2,87	3,86	0,2551563	0,442399
RP11-3P22.2	0,00	0,28	0,00	0,00	0,2551703	0,442399
RP11-392A22.2	1,37	0,34	1,25	0,44	0,2551929	0,442399
RP11-286O18.1	0,00	0,00	0,00	0,55	0,2552079	0,442399
COX17	5,02	5,03	5,29	5,09	0,255233	0,442408

RP11-613C6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2552963	0,442466
ZNF391	0,11	0,03	0,04	0,07	0,2553065	0,442466
CEP95	4,88	3,74	4,78	3,54	0,2554006	0,442595
RP11-776A13.1	1,82	2,13	1,86	2,69	0,2555826	0,442875
ORMDL1	6,66	5,60	6,03	6,11	0,2556019	0,442875
ACSBG1	0,97	0,21	0,54	0,55	0,2557016	0,443013
MUC5AC	0,00	0,02	0,00	0,00	0,2557503	0,443033
MTL1	0,00	0,00	0,00	2,99	0,2557533	0,443033
RP11-166B2.1	2,48	1,23	2,10	1,27	0,2559223	0,443292
PHRF1	0,94	1,02	1,67	1,54	0,2560428	0,443459
RP1-178F15.5	1,03	0,00	0,67	0,00	0,2560648	0,443459
HERC4	4,61	2,52	3,98	3,39	0,256079	0,443459
CTC-461F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2560895	NA
TFPI	1,77	3,35	2,25	2,59	0,2561202	0,443496
RP11-473O4.4	2,85	2,10	1,87	1,44	0,2561783	0,443562
LIPG	1,22	1,31	1,16	1,39	0,2562429	0,443639
DCLRE1B	0,41	0,27	0,06	0,18	0,2562757	0,443662
GCC2-AS1	1,00	0,00	1,04	0,35	0,2563142	0,443673
AC129778.3	0,00	2,01	0,00	0,32	0,2563221	0,443673
RFPL3S	0,00	0,26	0,00	0,63	0,2566874	0,44427
CABP1	0,32	0,31	0,24	0,50	0,256726	0,444296
OR4F5	0,00	1,53	0,00	0,04	0,2567421	0,444296
XKR4	0,09	0,27	0,11	0,05	0,256795	0,444322
C15orf38-AP3S2	3,93	4,33	1,51	1,35	0,2568158	0,444322
NUP85	5,02	6,16	5,36	3,92	0,256817	0,444322
MLLT3	2,07	3,68	2,35	3,09	0,2568625	0,444366
AC006995.8	0,13	0,05	0,09	0,06	0,2570697	0,44469
MRPL35P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2572342	0,444909
SVIL	2,71	3,56	2,87	3,52	0,2572365	0,444909
ARL6	0,00	0,18	0,00	0,03	0,2572752	0,444941
FBXO27	0,94	0,65	1,40	1,52	0,2573595	0,445052
RP11-16E23.4	5,31	0,75	3,75	4,59	0,2573794	0,445052
EXOC3L4	0,48	1,41	0,15	0,29	0,2574141	0,445078
RP11-518K17.3	0,00	0,36	0,32	0,30	0,2574768	NA
PLOD1	3,43	3,33	3,91	3,55	0,2575704	0,445313
CDC42SE1	6,17	5,96	5,75	5,31	0,2576257	0,445374
RP11-414B7.1	0,00	1,93	0,00	0,21	0,2576499	0,445381
RP11-752G15.7	0,06	0,18	0,07	0,09	0,257787	0,445584
NIPSNAP3A	6,40	6,96	6,01	5,24	0,2578216	0,445609
CTD-2270F17.1	0,06	0,00	0,00	0,00	0,2579363	NA
GBF1	1,82	2,75	2,02	1,46	0,2580273	0,44589
TAS2R30	0,73	0,17	0,35	0,19	0,2580359	0,44589
BOLA2	2,65	2,00	2,57	3,14	0,2580447	0,44589
AP000997.3	0,08	0,06	0,30	0,59	0,2580936	0,44594
ACPP	5,02	3,93	4,99	2,66	0,2581135	0,44594
RP11-664D7.4	1,98	0,82	1,09	0,84	0,2581765	0,446014
LY75-CD302	0,00	0,00	0,00	2,14	0,2582074	0,446033
ERMP1	1,35	1,15	1,41	0,49	0,2582739	0,446082
NCBP2	5,14	4,87	4,50	4,41	0,2582762	0,446082
DDO	0,06	0,00	0,11	0,37	0,258302	0,446092
SLC52A2	3,05	3,14	3,97	3,32	0,2583264	0,4461
RP11-1376P16.1	2,65	3,07	3,21	1,58	0,2583618	0,446126
RP11-138I1.2	0,08	0,58	0,00	0,37	0,2583942	0,446136
ZNF76	3,23	0,80	1,79	2,11	0,2584075	0,446136
MRPS25	4,65	5,13	4,95	3,44	0,2584467	0,446169

RP11-452K12.6	0,00	0,00	0,71	0,70	0,2585328	0,446234
DYTN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2585549	0,446234
EEF1A1L1	2,76	3,12	2,81	1,10	0,258563	0,446234
RP11-264L1.2	0,29	0,98	0,79	0,58	0,2585648	0,446234
OR8G2P	0,00	0,20	0,00	0,00	0,2585922	NA
LRMP	6,53	6,06	5,69	3,62	0,2587015	0,446409
PANX1	0,06	0,05	0,33	0,19	0,2587065	0,446409
DNAJB14	5,14	4,52	4,68	3,96	0,2587913	0,446521
RP11-1334A24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2588441	NA
RP11-439A17.4	2,22	0,00	0,00	0,00	0,2589288	0,446677
RP11-9307.5	1,56	1,66	1,25	1,26	0,2589291	0,446677
FOXC2	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2589972	0,446677
SOX7	0,13	0,49	0,15	0,40	0,2590008	0,446677
AP4M1	1,95	2,06	2,02	1,43	0,2590087	0,446677
ZZZ3	4,90	4,85	4,01	3,32	0,2590157	0,446677
CRTC1	1,00	1,38	1,14	0,32	0,2590336	0,446677
RN7SL664P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2590903	NA
ZNF580	2,88	3,02	3,89	3,84	0,2590973	0,446677
VNN2	1,35	0,38	1,02	2,92	0,2591144	0,446677
PCED1B	2,11	0,28	0,77	1,28	0,2591499	0,446677
RNF126	3,91	3,94	3,80	3,84	0,2591514	0,446677
COL9A2	2,97	3,51	2,69	2,23	0,2591594	0,446677
RP11-95P2.1	0,31	0,76	0,41	0,38	0,2591911	0,446677
POLL	3,15	0,82	3,56	3,39	0,2592175	0,446677
CHEK1	1,57	2,66	1,87	1,65	0,2592247	0,446677
IGKV3D-20	0,00	1,53	0,00	0,00	0,2592266	0,446677
COMTD1	3,33	3,32	3,38	2,93	0,2592618	0,446677
RP11-218M22.1	0,33	0,00	0,13	0,35	0,2592743	0,446677
TRHDE	0,01	0,68	0,04	0,09	0,2592818	0,446677
SCN5A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2592834	0,446677
NUDT14	4,26	3,02	5,10	3,90	0,2593577	0,446677
NFU1	4,40	4,91	3,89	4,51	0,2593933	0,446797
AC007192.6	3,98	3,79	3,74	4,76	0,2594264	0,446819
TNFRSF12A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2595015	0,446914
LINC00461	0,00	0,44	0,00	0,31	0,2595139	NA
DUX4L32	0,00	0,23	0,00	0,00	0,2596555	NA
TEX14	2,93	0,71	2,72	1,27	0,2596796	0,447186
RP11-678G15.1	1,73	0,00	2,12	1,32	0,2598366	0,447421
ETF1	5,87	4,74	5,40	3,67	0,2598966	0,447476
MIR181A1HG	4,24	3,24	3,51	1,86	0,2599086	0,447476
CTD-2224J9.2	1,68	2,08	1,20	0,82	0,2599321	0,447482
RP11-128N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2599774	0,447523
C5orf30	0,03	0,05	0,19	0,16	0,2600007	0,447523
SERPINB11	0,00	0,00	0,16	0,21	0,2600408	NA
HIST1H1E	5,00	2,39	5,59	4,84	0,260044	0,447523
CTD-3220F14.2	0,00	0,00	0,00	0,69	0,2600792	NA
INSIG2	4,77	2,23	2,18	3,86	0,2600817	0,447523
SRRT	5,16	6,59	5,83	6,18	0,2600892	0,447523
MED20	1,11	0,42	0,76	1,74	0,2600949	0,447523
RBBP7	5,45	3,92	5,74	5,34	0,2600967	0,447523
HSD17B7P2	2,52	1,63	0,86	3,15	0,2601318	0,447545
ZSCAN22	0,19	0,04	0,16	0,23	0,2601499	0,447545
IGLV1-40	1,03	2,92	0,87	0,57	0,2601943	0,447587
RP11-265F19.1	0,00	0,36	0,01	0,00	0,2602288	0,447611
NOD1	2,92	1,01	1,42	2,08	0,2603205	0,447734

ASB11	0,13	0,05	0,07	0,12	0,2603727	0,447789
RP11-454E5.4	1,73	2,43	1,90	1,61	0,2604432	0,447857
RP11-932O9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2604609	0,447857
CFP	8,29	8,01	8,56	8,47	0,2604901	0,447857
RP11-398H6.1	0,84	1,10	0,26	0,16	0,2604927	0,447857
UBE2E1	4,18	4,92	4,52	4,48	0,2605171	0,447865
RP11-492D6.3	0,18	0,18	0,27	0,31	0,2606131	0,447995
ACP1	6,02	6,05	5,63	4,50	0,2606393	0,448005
RP11-654A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2607845	0,44822
RP3-467K16.2	0,00	0,04	0,06	0,04	0,2608845	NA
ITPK1-AS1	0,27	0,11	0,32	0,34	0,2609428	0,448458
ACO19185.4	0,00	1,22	0,00	0,38	0,2610538	NA
CFHR3	0,00	0,00	0,00	0,10	0,2610713	0,448629
FNBP1	6,64	5,11	6,77	6,33	0,2611086	0,448629
AARD	0,66	1,09	1,13	0,35	0,2611087	0,448629
METTL10	4,30	4,05	3,18	0,93	0,261143	0,448629
ACO90018.3	0,44	0,26	0,00	0,00	0,2611514	0,448629
ARGFXP2	0,79	0,48	1,04	2,13	0,2612244	0,448629
ACVR2A	0,79	1,22	1,81	1,00	0,2612254	0,448629
RP11-417B4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2612415	0,448629
RP11-195E11.2	0,27	1,44	0,43	0,42	0,2612597	0,448629
CPEB3	0,54	1,11	1,10	1,31	0,2612643	0,448629
NRAP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2612647	0,448629
AP2S1	8,22	8,04	8,23	7,87	0,2613377	0,44872
PRDM13	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2613691	0,448739
RP11-54C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2613961	0,448751
ARL16	5,32	2,98	5,19	5,93	0,2614548	0,448769
LINC01080	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2614586	0,448769
RP11-483F11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2614591	NA
NFS1	3,58	1,68	2,28	2,08	0,2614824	0,448769
ZNF529	2,88	2,19	2,65	2,47	0,2614961	0,448769
FAM20B	2,15	1,04	1,80	1,26	0,2615077	0,448769
RP11-415C15.2	0,07	0,84	0,12	0,12	0,2615347	0,448781
TCERG1	6,21	6,46	6,03	5,57	0,2616464	0,448931
MUC12	0,00	0,00	0,00	0,69	0,2616786	0,448931
HSPA4	4,96	2,56	4,29	4,31	0,2616829	0,448931
GLUDP3	1,13	1,76	1,59	0,39	0,2617381	0,448991
ANTXR1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,2617744	NA
DHX29	4,37	3,60	3,78	3,64	0,2617951	0,449021
PPP2R3A	0,81	0,92	0,60	0,83	0,2617957	0,449021
MTCP1	2,82	3,57	3,26	0,42	0,2618755	0,449098
LLOXNC01-237H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2618855	0,449098
KTN1-AS1	0,06	0,37	0,16	0,87	0,2619062	0,449098
PTCSC3	3,32	4,52	3,74	4,49	0,2619304	0,449098
OSBP2	1,38	2,17	0,66	0,30	0,2619418	0,449098
ZNF808	3,14	1,29	2,02	2,38	0,2619753	0,449116
RP11-104G3.2	1,23	0,00	0,00	0,00	0,2619987	0,449116
ZNF354B	1,77	0,75	1,78	1,97	0,2620128	0,449116
PRPF6	3,59	3,49	3,67	3,68	0,2620525	0,449139
TERF1	4,73	4,35	4,25	4,26	0,262067	0,449139
RP11-49K24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2621096	0,449178
PGBD4	0,66	0,95	1,15	1,37	0,2621448	0,449203
EML3	3,02	4,18	3,19	3,06	0,2621657	0,449205
BTG3	3,28	5,02	4,20	1,34	0,2621979	0,449225
NUDT8	0,81	0,00	0,21	0,00	0,2622227	0,449233

RP11-330O11.2	0,00	0,00	0,00	0,55	0,2622625	0,449252
AIP	7,41	6,31	7,01	5,97	0,2622742	0,449252
ZNF219	0,03	0,09	0,18	0,00	0,2622952	0,449253
INPP5F	3,59	2,95	2,95	2,78	0,2623462	0,449254
RP5-1181K21.4	0,19	0,23	0,22	0,46	0,2623482	0,449254
RP11-475A13.1	0,94	1,82	1,35	1,14	0,2623718	0,449254
RP11-6O2.3	0,07	0,30	0,07	0,18	0,2623773	0,449254
SUCLA2	5,08	5,07	4,47	3,71	0,2623966	0,449254
CTD-2555A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2624632	NA
CTA-268H5.14	0,00	0,11	0,00	0,00	0,2624869	0,449374
RP11-875O11.1	0,45	1,01	1,29	1,67	0,2625175	0,449392
LRP10	2,90	1,79	2,46	2,51	0,2626248	0,449541
RBM27	3,53	2,56	2,61	2,48	0,2626543	0,449556
AC009499.1	0,10	0,49	0,27	0,20	0,2626882	0,44958
FOSL1	1,10	1,02	0,89	0,61	0,262787	0,449714
TMSB4XP4	2,71	2,72	2,65	1,89	0,2628361	0,449764
NAMPTL	1,53	0,48	1,07	0,58	0,2628837	0,449811
AGL	1,74	1,88	1,27	0,66	0,2630599	0,450041
CEP78	2,89	1,66	1,86	2,19	0,2630776	0,450041
ELL3	0,00	0,00	0,11	0,78	0,2630793	0,450041
AC002116.8	0,00	0,00	0,00	0,15	0,263199	0,450204
SELO	4,43	2,27	5,08	4,40	0,263215	0,450204
PPEF2	0,94	0,35	0,30	0,18	0,2632499	0,450229
MRPL2	5,39	3,84	5,34	4,71	0,2633227	0,450266
CMP21-T1230.1	0,32	0,18	0,19	0,12	0,2633312	0,450266
WDR62	0,43	0,29	0,63	0,90	0,2633323	0,450266
DCUN1D5	4,42	2,22	3,26	1,96	0,2633966	0,450321
AC103563.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2634177	0,450321
RP11-169K16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2634249	0,450321
FZR1	1,75	0,35	1,08	1,10	0,2635292	0,450464
RP11-701P16.1	0,00	0,00	0,00	2,79	0,2635671	0,450491
IFT172	1,54	0,09	1,45	0,96	0,2635855	0,450491
CTD-2341M24.1	0,00	2,27	1,62	0,00	0,2636211	0,450517
TOMM20	5,07	4,53	4,53	4,28	0,2637127	0,45062
GP2	0,13	0,20	0,13	0,40	0,2637215	0,45062
TRAF4	1,67	0,51	1,47	0,78	0,2637837	0,450691
SLC22A2	0,05	0,45	0,02	0,03	0,2638283	0,450733
RP11-671C19.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,2638489	NA
PPP1R8	2,70	2,59	3,31	2,96	0,2638817	0,450789
SH3TC1	4,78	6,46	5,26	5,27	0,2639732	0,450911
RP11-69E11.7	0,00	0,09	0,00	0,00	0,2640501	0,451008
APPBP2	2,84	1,62	2,55	2,99	0,2641483	0,451121
PSMG4	4,45	3,42	4,32	4,01	0,2641568	0,451121
RP11-277P12.10	0,00	0,00	0,00	0,46	0,2643038	0,451337
TAS2R10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,264331	0,451349
RP5-1112D6.4	1,89	0,96	0,84	3,36	0,2643941	0,451422
RP11-55K22.5	0,19	0,00	0,11	0,11	0,2644627	0,451504
RP11-483P21.2	1,66	1,60	1,02	0,59	0,2645329	0,451559
RP11-403A21.2	0,00	0,56	0,00	0,00	0,2645351	0,451559
RP11-532F12.5	1,59	0,00	0,30	0,31	0,2646112	0,451605
RP11-178L8.9	0,00	1,15	0,00	0,66	0,2646133	0,451605
PRPF38B	5,96	5,45	5,94	5,21	0,2646235	0,451605
PGAP1	1,14	0,25	0,27	0,32	0,2646617	0,451636
RP11-93O14.3	3,22	0,47	0,00	0,00	0,2647652	0,451778
CPA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2647854	NA

RP11-438B23.2	0,02	0,00	0,03	0,05	0,2648432	0,451843
CBS	0,18	1,08	0,72	0,79	0,2648443	0,451843
ENDOG	0,72	0,27	1,44	2,94	0,264968	0,45202
CEACAMP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2649951	NA
CACNA1F	0,20	0,52	0,45	1,07	0,2650137	0,452063
KCTD12	5,42	5,24	4,96	4,77	0,2650348	0,452064
GSPT2	2,34	0,42	1,15	0,40	0,2650592	0,452071
RP11-85I21.1	0,76	0,00	1,79	0,55	0,2650859	0,452082
RF00561	2,57	1,76	0,00	1,65	0,2651486	0,452154
ELP2	6,29	7,22	6,54	4,82	0,2652384	0,452273
HIST1H3G	0,05	0,00	0,00	0,00	0,2652607	0,452276
UBE2D2	6,58	5,92	6,60	5,45	0,2653128	0,45233
AC007036.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2653223	NA
C9orf9	0,39	0,48	0,42	0,34	0,2653511	0,452337
SNAPC4	0,94	0,81	0,94	0,55	0,2653575	0,452337
PAPOLA	6,37	6,49	6,22	6,28	0,265381	0,452342
C1orf50	2,03	2,28	2,15	2,49	0,265429	0,45239
RIPK2	6,28	5,50	5,89	4,24	0,265635	0,452672
FAM201A	0,03	0,12	0,04	0,00	0,2656356	0,452672
PIDD1	0,32	0,77	2,15	2,12	0,2656557	0,452672
STAT4	2,72	4,29	2,00	2,99	0,2657729	0,452837
IDI1	5,79	4,13	5,31	5,06	0,2658544	0,452941
AC094020.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2658893	0,452966
ERO1B	3,31	2,91	2,28	1,80	0,2659183	0,45298
TMEM165	5,91	6,58	6,18	5,87	0,2659654	0,453026
MIRS48AD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2659972	NA
PLK4	0,10	0,60	0,00	1,68	0,2660446	0,453126
ZBP1	4,33	3,02	3,22	4,49	0,2661145	0,45321
FRG2	0,05	0,00	0,00	0,06	0,2661674	NA
GCGR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2661813	NA
RHOT1	4,97	3,18	4,51	3,51	0,2662686	0,453393
PSMB6	8,45	8,51	8,44	7,62	0,2662769	0,453393
CTA-315H11.2	0,44	0,80	0,76	0,91	0,2663024	0,453393
CHMP1A	3,18	1,43	3,57	4,21	0,2663265	0,453393
GRAMD2	0,37	0,87	1,10	0,97	0,266347	0,453393
GBE1	3,01	4,28	2,92	1,48	0,2663559	0,453393
RP11-342K6.2	0,96	0,92	0,18	1,25	0,2663819	0,453393
RP11-69C13.1	0,24	0,46	0,27	0,34	0,2663852	0,453393
RNF165	0,07	0,44	0,09	0,18	0,2664521	0,453473
MTUS1	0,00	0,93	0,02	0,04	0,2664856	0,453495
AC107982.4	0,35	0,00	0,00	0,00	0,2666188	0,453652
PDCD5	5,86	6,39	5,53	5,87	0,2666188	0,453652
CTD-2256P15.2	0,00	0,00	0,59	0,21	0,2666847	0,453711
RP11-166B2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,266723	0,453711
ZDHHC5	2,40	0,97	3,19	2,79	0,266731	0,453711
RP11-431K24.2	0,00	0,61	0,00	0,00	0,2667351	0,453711
CTB-43P18.1	3,47	4,98	3,53	5,30	0,2667968	0,453781
RP11-214O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2668432	0,453825
CTC-453G23.7	0,99	0,45	0,90	1,29	0,2668636	0,453825
RNU6-1333P	4,75	0,00	2,73	0,00	0,2669443	0,453885
ATP6AP1L	0,25	0,47	0,54	0,64	0,266951	0,453885
RN7SL774P	2,07	2,88	1,97	1,23	0,26696	0,453885
RNU4ATAC11P	0,00	0,00	0,00	2,79	0,2669813	NA
AGA	3,55	0,07	3,09	2,40	0,2670193	0,453951
AC007250.4	0,64	2,82	0,23	1,25	0,2671004	0,454054

CTA-345G4.1	0,00	1,31	0,00	0,00	0,2671571	0,454113
DHRS9	4,06	1,83	3,36	1,89	0,2671813	0,454113
INPP5B	3,23	1,64	3,00	2,70	0,2671961	0,454113
RP11-147L13.8	0,07	0,11	0,05	0,17	0,2672693	0,454202
CH17-264B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2673102	0,454237
MED25	2,79	4,11	2,79	2,85	0,2673473	0,454266
SDF2L1	5,61	2,38	6,10	4,80	0,2673808	0,454285
ISCA1	3,45	4,30	3,40	3,12	0,2673998	0,454285
RP11-7F17.8	0,69	0,79	0,95	0,64	0,2674888	0,454369
RNA5SP498	1,46	3,06	2,41	2,93	0,2674899	0,454369
ARSK	0,61	0,42	0,37	0,67	0,2675259	0,454395
RP11-636O21.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,2675618	0,454422
RNU1-33P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2675929	NA
P2RX7	3,82	4,29	4,25	3,58	0,2677059	0,454632
ICA1	2,06	1,61	0,78	1,56	0,2677347	0,454646
C4orf47	0,00	2,09	0,00	0,00	0,2677827	0,454693
CA12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2678398	0,454755
ODF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2678953	0,4548
CMC2	6,31	4,94	6,35	5,98	0,2679238	0,4548
DCHS1	0,00	0,02	0,00	0,00	0,2679365	0,4548
SART1	3,45	2,29	4,23	4,35	0,2679535	0,4548
ATAD2B	5,94	5,62	5,68	4,33	0,267969	0,4548
SLC13A4	0,06	0,27	0,17	0,11	0,2680069	0,45483
AC005954.3	0,73	0,71	1,93	2,54	0,26817	0,455072
AP000442.4	0,00	0,55	0,20	0,70	0,2682055	0,455092
CYBRD1	3,11	1,98	3,54	3,11	0,2682393	0,455092
CEP76	1,00	0,33	0,62	0,88	0,2682435	0,455092
RP11-32K4.1	1,47	1,12	0,99	2,69	0,2682912	0,455139
ALKBH4	1,41	3,30	1,95	0,84	0,2683868	0,455266
MIR6077	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2684357	0,455309
BDH1	2,44	1,83	1,57	1,68	0,2684762	0,455309
RP11-640N11.2	0,32	0,66	0,13	0,17	0,2684806	0,455309
RPS2P5	5,95	5,67	5,33	4,83	0,2684966	0,455309
PRPF40B	0,00	2,60	0,02	0,22	0,2685167	0,455309
DLX2	0,00	0,00	0,00	0,12	0,2685657	0,455309
TMEM237	0,61	0,00	0,62	0,12	0,2686003	0,455309
RCL1	1,69	2,25	1,68	1,52	0,2686421	0,455309
STAT1	6,06	3,70	5,37	5,74	0,2686551	0,455309
RP4-635A23.6	1,74	0,82	2,50	1,89	0,268661	0,455309
MMP25	0,20	0,04	0,36	0,00	0,2686749	0,455309
C4orf32	1,97	2,03	1,96	2,00	0,2687001	0,455309
ATP1B3	7,82	6,85	7,62	6,41	0,2687256	0,455309
TIMM10	5,94	6,20	6,04	5,79	0,2687278	0,455309
CTC-457E21.3	0,00	0,26	0,00	0,00	0,2687457	0,455309
RP11-97C16.1	0,37	0,00	0,00	0,00	0,2687459	0,455309
AWAT2	0,00	2,62	0,00	0,00	0,2687605	0,455309
SERGEF	5,06	3,79	4,39	0,82	0,2688064	0,45533
THTPA	0,30	0,00	0,00	0,00	0,2688136	0,45533
CRY2	2,96	3,07	3,63	3,55	0,268872	0,455394
MICU1	3,64	2,28	3,87	3,02	0,2689128	0,455419
HECTD2	0,18	1,32	0,18	0,25	0,2689479	0,455419
HNRNPAB	3,98	4,62	3,85	3,34	0,2689483	0,455419
ADGRL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2689706	0,45542
RP11-122G18.11	0,00	0,67	0,00	1,49	0,26899	0,45542
LRP8	1,71	0,69	1,59	0,92	0,2690236	0,455435

CTD-3025N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2690399	0,455435
TPK1	4,95	5,30	4,94	4,58	0,2690795	0,455468
RP11-396K3.1	2,99	4,23	3,21	1,62	0,2691114	0,455487
MPND	2,79	1,70	2,90	2,83	0,2691875	0,455581
TNFRSF11A	0,06	0,11	0,04	0,42	0,2692975	0,455733
LAT2	6,63	5,96	6,23	5,46	0,2695443	0,456074
ZNF185	0,35	1,64	0,07	0,17	0,2695733	0,456074
SH3BP4	3,33	2,34	2,55	2,33	0,2695734	0,456074
RP11-356N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2695812	0,456074
NPDC1	0,00	0,65	0,00	0,00	0,2696331	0,456089
UBTFL5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2696407	0,456089
AC005355.2	0,32	0,39	0,51	0,13	0,2696519	0,456089
RN7SL472P	0,00	0,00	0,43	0,00	0,2697275	0,456183
DNER	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2697899	NA
RP11-475C16.1	0,68	1,21	1,15	1,40	0,2698055	0,456214
RP11-684B2.4	0,00	0,00	0,00	0,13	0,2698096	NA
RAB3IP	1,64	1,63	1,72	2,30	0,2698149	0,456214
RRAGC	4,49	4,84	3,95	2,92	0,2698176	0,456214
CCDC79	0,25	0,93	0,54	0,67	0,2698282	0,456214
PLEKHH2	0,11	0,51	0,34	0,50	0,269904	0,456307
MIR555	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2699495	NA
HPS3	5,11	3,13	4,07	4,20	0,2703218	0,456979
CTB-58E17.1	0,09	0,85	0,30	0,00	0,2704228	0,457091
TGFBRAP1	2,15	0,20	1,92	2,74	0,2704346	0,457091
AC013267.2	3,80	1,86	3,01	4,97	0,2704736	0,457091
RAB27B	0,00	0,02	0,00	0,00	0,2704774	0,457091
UNC119B	1,04	0,00	0,97	0,08	0,2704907	0,457091
RP5-900K19.2	1,46	0,00	0,23	0,16	0,2705377	0,457135
RP11-153I24.4	1,37	0,58	0,00	1,32	0,2706357	0,457266
RP11-420A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2707173	0,457268
AC108142.1	0,10	0,32	0,12	0,22	0,2707485	0,457268
RP11-70C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2707546	0,457268
RP11-749H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2707612	0,457268
AP001597.1	1,81	1,08	1,90	1,94	0,270769	0,457268
PRDM10	0,13	0,07	0,44	0,70	0,2707792	0,457268
FTHL10	1,68	1,56	1,83	1,24	0,2707806	0,457268
UBAC1	4,82	5,51	4,59	2,33	0,2708078	0,457269
TAF12	5,51	5,08	3,98	4,91	0,2708355	0,457269
OR8A1	1,43	0,21	1,20	0,35	0,2708429	0,457269
RP11-32B5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2709191	NA
BTK	5,97	3,98	5,07	5,08	0,2709655	0,457346
FBXO38	5,14	3,30	3,56	4,00	0,2709667	0,457346
RTCB	5,97	4,13	5,63	4,73	0,2709681	0,457346
RP11-691H4.3	0,00	0,48	0,21	0,76	0,2709833	0,457346
CH17-353B19.1	0,51	0,00	0,29	0,09	0,2709916	0,457346
CCT6B	1,15	3,95	0,65	1,36	0,2710164	0,457353
GPD1L	2,74	2,96	1,17	2,33	0,2710973	0,457455
HACD3	4,08	2,85	2,97	2,12	0,2711288	0,457473
FAM122C	2,34	1,44	2,60	1,80	0,2712015	0,457561
RP11-317N12.1	2,15	1,83	2,52	2,08	0,2713037	0,457685
SLC25A32	3,43	2,09	2,96	1,95	0,2713184	0,457685
RPF2	5,02	2,19	4,01	4,51	0,2713364	0,457685
RP11-406H23.2	1,14	2,33	0,00	0,00	0,271431	0,457809
C4orf50	0,00	0,03	0,00	0,02	0,2715394	0,457957
VPS35	5,82	5,58	5,35	5,29	0,2715877	0,458004

HEMGN	0,77	0,39	0,55	0,47	0,2716197	0,458023
RGP1	0,89	0,20	0,41	0,98	0,2716446	0,458031
RP11-861A13.4	1,00	0,15	0,87	0,25	0,271681	0,458057
RP11-157E16.1	0,00	0,30	0,00	0,16	0,2718128	NA
AC144833.1	0,00	0,00	0,01	0,00	0,2718748	NA
RBPMS	0,43	0,05	0,15	0,36	0,2718863	0,458369
OR9G1	0,00	0,00	0,00	0,04	0,2719387	0,4584
C17orf102	0,00	0,00	0,00	0,07	0,2719589	0,4584
RP11-732A19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2719636	NA
ACSL1	2,92	4,32	3,66	4,58	0,2719667	0,4584
AP001626.2	0,07	0,05	0,11	0,07	0,2720437	0,458469
DUX4	0,00	1,05	0,00	1,16	0,2720582	0,458469
PLEKHA3	2,93	2,60	2,36	2,11	0,2720883	0,458469
RP11-26J3.1	0,05	0,14	0,22	0,22	0,2720902	0,458469
SH3BGR	0,00	0,33	0,00	0,28	0,2721148	0,458476
AC009948.3	4,53	2,73	2,54	4,58	0,2721994	0,45855
HPCAL1	3,78	4,18	4,79	3,43	0,2722004	0,45855
AC004623.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2722877	NA
CCDC82	4,32	1,78	4,08	4,21	0,2722988	0,458639
ZNF763	1,85	1,20	1,18	0,45	0,2723063	0,458639
AC009495.4	0,53	0,00	0,00	0,00	0,2723152	0,458639
SALRNA2	0,00	0,07	0,00	0,00	0,272323	NA
PIGB	4,57	5,50	4,44	3,65	0,2723374	0,458642
ZBED4	1,55	0,24	1,46	0,38	0,272366	0,458655
XXbac-BPG254F23.7	0,00	0,00	0,00	0,25	0,2723769	NA
TTC23L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2724288	NA
VGLL4	3,45	4,37	4,04	4,06	0,2727033	0,459189
CYB561	0,65	0,59	1,28	0,85	0,2727627	0,459254
GCDH	2,52	4,02	3,79	2,31	0,2729618	0,459554
TNS3	3,32	3,61	3,33	3,58	0,2730482	0,459665
RP11-503E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2731144	0,459742
RP11-67L2.2	0,25	0,07	0,87	1,35	0,2731479	0,459763
RP11-1057B6.1	0,00	3,59	0,21	0,00	0,2732768	0,459945
FER1L5	0,31	0,41	0,27	0,26	0,2733146	0,459974
FAM136A	5,02	4,45	3,96	3,33	0,273385	0,460058
KCTD15	1,32	1,59	1,91	1,07	0,2734209	0,460083
DCAF4L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2734948	0,460109
GTF2IRD2	1,86	2,21	2,83	2,52	0,273495	0,460109
IRAK3	4,09	2,87	4,33	4,95	0,2735124	0,460109
ACAD9	3,21	3,27	2,00	1,46	0,2735191	0,460109
CCDC168	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2735434	0,460112
RP11-746M1.1	4,63	4,49	5,02	5,17	0,2735623	0,460112
RP11-445O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2735757	NA
CTD-3064C13.1	0,73	0,70	1,20	1,56	0,2735942	0,460131
AC005154.7	0,00	0,21	0,00	0,56	0,2736222	0,460143
HSF2	3,10	0,16	0,67	0,28	0,2736436	0,460144
RP1-30M3.5	1,20	0,00	0,30	0,18	0,2736993	0,460203
CACNB2	0,84	0,25	0,57	1,69	0,2737742	0,460251
ACTA2	3,78	1,63	1,83	2,33	0,2738019	0,460251
RP3-337D23.3	0,59	1,45	0,84	0,82	0,2738055	0,460251
RP11-395G23.3	0,99	0,00	0,36	0,85	0,2738104	0,460251
PRAMEF25	0,00	0,47	0,00	0,00	0,2738627	NA
TAS2R19	0,00	0,17	0,00	0,00	0,2738722	0,46032
RP11-286N3.1	0,69	0,37	1,66	0,00	0,2739231	0,460371
RP5-1180E21.5	3,12	1,54	3,36	4,32	0,2740508	0,460527

OR51B8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2740515	NA
RP11-629E24.1	0,36	0,00	0,00	0,00	0,2740578	0,460527
ZNF24	4,62	3,80	4,11	4,29	0,274098	0,46056
GPI	5,75	5,02	4,75	4,62	0,2741599	0,460629
SLAMF9	1,65	0,30	0,51	0,00	0,274195	0,460653
RP11-323F24.5	2,47	2,90	2,23	2,96	0,27422	0,460661
SPINK8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2742439	0,460666
UZAF1	6,60	5,66	6,43	5,27	0,2742717	0,460678
RN7SL544P	0,43	0,00	0,66	0,33	0,2743791	NA
RN7SL763P	0,43	0,00	0,66	0,33	0,2743791	NA
AC007318.5	0,57	0,32	0,30	0,00	0,2744925	0,460993
RP11-1006G14.1	0,00	0,00	0,00	0,29	0,2745187	0,460993
YEATS4	3,92	1,79	2,70	2,08	0,2745216	0,460993
PPP1R32	2,58	0,51	1,91	4,61	0,274668	0,461153
DUSP14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2747037	0,461153
PLEKHJ1	5,55	5,68	5,96	6,16	0,2747053	0,461153
CTD-3064H18.4	0,20	0,08	0,05	0,07	0,2747163	0,461153
CTD-2235C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2747204	0,461153
RP11-30E17.3	0,08	0,35	0,16	0,07	0,2747965	0,461169
RGPD5	6,10	6,30	6,82	5,90	0,2747988	0,461169
AC000068.9	0,48	0,00	0,00	0,00	0,274847	0,461169
RP11-269F21.3	0,24	0,46	0,14	1,65	0,2748505	0,461169
SNORD17	0,00	0,00	0,00	1,73	0,2748549	0,461169
FAM83A	0,05	0,07	0,01	0,04	0,2748716	0,461169
RP11-276H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2748757	0,461169
TOLLIP	4,42	1,62	4,15	3,29	0,2750285	0,461391
OR10AE1P	0,00	0,00	0,00	0,38	0,2750868	0,461428
TUBG2	0,03	0,24	0,10	2,78	0,2750923	0,461428
RP11-787D18.2	0,00	0,60	0,00	0,00	0,2751245	0,461448
RP11-253E3.1	0,96	0,96	0,78	0,77	0,2751748	0,461497
RP11-236P2.2	0,50	0,27	0,33	0,52	0,2752165	0,461505
NCOA4	6,41	6,17	5,85	5,53	0,2752503	0,461505
GAGE12F	0,00	2,93	0,00	0,00	0,2752728	0,461505
THUMPD3	4,64	3,12	4,73	3,74	0,2753044	0,461505
RP11-159H10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2753226	0,461505
PDPK2P	0,66	1,37	0,86	1,75	0,2753318	0,461505
HDDC2	4,54	2,89	3,25	4,83	0,2753415	0,461505
LMOD3	0,05	0,23	0,07	0,13	0,2753453	0,461505
DUSP18	3,45	1,90	3,47	1,68	0,2753974	0,461557
RP11-151A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2754357	0,461586
TBCEL	2,24	0,75	1,96	1,28	0,275491	0,461644
ABO	0,82	1,29	0,81	1,52	0,2755791	0,461686
DIABLO	5,48	5,32	5,25	2,77	0,2755912	0,461686
RARA	2,54	2,48	3,08	2,83	0,2756026	0,461686
C1orf21	1,55	0,46	0,16	1,58	0,2756053	0,461686
RP11-124N14.3	3,00	0,34	3,44	3,19	0,2756357	0,461686
RP11-263K4.5	1,72	0,55	1,39	0,62	0,2756408	0,461686
ABCB10P1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,2759078	NA
RP11-844P9.5	0,04	0,08	0,12	0,13	0,2759192	0,462118
PRMT7	4,01	3,11	3,10	4,34	0,2759458	0,462128
RP11-179A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,275966	NA
RP11-618K13.2	0,00	0,00	0,00	1,38	0,2760784	0,462315
NAGA	5,79	4,82	5,00	4,28	0,2761685	0,462431
RP4-760C5.5	0,09	0,43	0,23	0,47	0,2762398	0,462515
GDF6	0,00	0,07	0,00	0,00	0,276274	NA

GABPB1-AS1	3,36	4,99	4,11	3,04	0,2762799	0,462547
RP11-274H2.3	0,00	2,20	0,27	0,53	0,2763244	0,462547
CTD-2142D14.1	0,00	0,76	0,00	0,00	0,2763423	0,462547
MYO1F	6,38	6,35	6,37	6,75	0,2763532	0,462547
CTD-2600O9.1	0,52	1,22	1,17	0,47	0,2763794	0,462547
ZNF367	0,00	0,00	0,00	0,04	0,2763834	0,462547
CTD-2313F11.3	0,00	0,00	0,00	0,49	0,2764144	NA
SMU1	4,16	3,43	3,44	3,09	0,2764796	0,462673
SEMA3F	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2767025	NA
SLC4A1AP	4,41	4,22	4,02	4,07	0,2767173	0,463036
HTT	5,59	4,20	4,44	3,55	0,2768202	0,463173
DYNLRB1	6,69	5,49	6,54	6,65	0,2768788	0,463236
AP000550.1	0,17	0,20	0,22	0,00	0,2769158	0,463248
PNMA1	0,00	0,63	0,05	0,26	0,2769275	0,463248
FAM196A	0,03	0,00	0,00	0,03	0,2769512	0,463253
CLDN15	1,09	2,70	1,89	1,07	0,2770627	0,463405
RP11-397E7.6	0,60	0,72	0,63	0,55	0,2771346	0,463489
RP11-347C12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2771735	0,463489
C17orf107	0,12	2,78	1,19	0,63	0,2771757	0,463489
AQP7	0,50	2,52	1,42	1,12	0,2772655	0,463604
TTC27	3,57	2,26	0,94	0,70	0,2773143	0,463651
XXbac-B33L19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,277414	0,463742
PLAA	4,00	1,77	3,36	2,89	0,2774144	0,463742
RP11-44N21.3	0,84	1,76	1,00	1,74	0,2774314	0,463742
CTD-2562J15.6	1,99	1,49	2,73	3,37	0,2775533	0,463911
HNRNPH1	9,13	8,63	8,86	8,66	0,2775913	0,463939
RP11-483E23.3	0,00	0,00	0,00	0,25	0,27768	NA
GOLGA2	2,47	4,08	3,14	3,06	0,2777039	0,464093
AP001055.8	0,67	0,04	0,24	0,19	0,2777524	0,464139
RP11-702L6.4	1,04	1,73	1,27	1,09	0,277831	0,464235
DRG2	4,51	4,33	4,44	5,40	0,2779158	0,464342
RNU2-45P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2780379	NA
AC007050.9	0,27	0,25	0,37	0,21	0,2780788	0,464501
CTD-2117L12.1	0,78	2,38	1,39	1,14	0,2781288	0,464501
SHQ1	3,82	1,40	3,70	3,00	0,2781306	0,464501
EDRF1	3,19	2,60	3,52	1,90	0,2781395	0,464501
ESYT1	6,29	5,13	6,06	5,00	0,2781424	0,464501
GK	4,57	3,80	4,28	4,01	0,2781444	0,464501
CAPRN1	5,81	3,93	5,14	4,38	0,2781732	0,464501
RNF38	3,37	3,48	2,59	1,80	0,2781808	0,464501
FGFR4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2781854	NA
CHRNB1	3,29	0,85	1,75	1,56	0,2781991	0,464501
RP11-710F7.3	0,04	0,00	0,00	0,00	0,2783278	0,464639
CRNKL1	3,58	2,20	2,73	1,62	0,2783655	0,464639
AC007566.10	0,28	0,00	0,55	0,00	0,2784319	0,464639
RP11-57P14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2784519	0,464639
RN7SL487P	0,00	1,30	0,31	0,68	0,2784576	0,464639
TMEM184A	1,82	3,48	2,28	2,29	0,2784653	0,464639
RN7SL402P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2784674	0,464639
FGF13-AS1	0,00	0,53	0,08	0,39	0,2784835	0,464639
KB-1517D11.4	0,00	0,05	0,00	0,00	0,2784837	0,464639
RP11-181E22.4	0,18	0,29	0,06	0,08	0,2784906	0,464639
AC002127.4	0,15	3,89	0,00	0,00	0,2785977	0,464783
RP11-153A23.6	1,00	1,70	1,25	1,89	0,2786515	0,464836
EPC2	2,92	1,26	2,00	2,71	0,2786751	0,464836

NOMO3	3,37	2,85	3,01	4,13	0,2786927	0,464836
IGF2	0,00	0,06	0,00	0,02	0,2787567	NA
DICER1	4,31	3,57	4,35	4,51	0,2790316	0,465367
RP11-16L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,279076	NA
RN7SL503P	1,03	0,00	1,28	0,85	0,2791263	0,46549
CTD-2017C7.2	2,22	0,00	0,51	1,51	0,2791555	0,465499
ZCCHC17	4,64	0,95	4,60	4,30	0,2791963	0,465499
RP11-358L16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2792133	0,465499
MYCBP	5,23	4,38	4,57	2,84	0,2792158	0,465499
RP11-505P4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2792717	NA
TRPC5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2793497	0,465672
RP11-105D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2793615	0,465672
NAV1	3,27	2,10	3,16	2,82	0,2794044	0,465709
AC007040.11	0,17	0,17	0,20	0,55	0,2795266	0,465861
AC087430.1	0,04	0,10	0,25	0,07	0,2795543	0,465861
RP11-268G13.1	0,07	0,11	0,09	0,07	0,2795585	0,465861
SPDYE4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2795813	NA
RP11-50C13.1	0,35	0,00	0,00	0,38	0,2797052	0,466071
RN7SL618P	1,19	3,71	0,79	0,63	0,2797271	0,466072
RP11-611E13.2	3,44	0,63	3,70	4,43	0,2797968	0,46612
ATP13A1	4,40	2,94	4,22	4,15	0,279811	0,46612
PMVK	2,76	1,58	3,60	3,72	0,2798187	0,46612
DUS3L	4,60	5,64	5,05	4,23	0,2799015	0,466223
RP11-810P12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2800269	0,466363
RP11-706C16.8	0,59	1,11	1,20	0,79	0,2800279	0,466363
RP11-270B14.1	0,00	2,41	0,00	0,00	0,2800529	NA
MAP4	3,79	3,70	3,97	3,86	0,280128	0,466495
C5orf58	2,12	0,00	3,18	1,21	0,280244	0,466653
RP11-169D4.1	1,39	2,12	1,38	1,97	0,2803261	0,466708
IL8RBP	0,05	0,06	0,36	0,28	0,2803441	0,466708
RFC5	1,92	0,90	0,76	1,04	0,2803448	0,466708
ZNF740	0,54	1,27	0,45	1,16	0,280361	0,466708
FPR3	3,19	1,23	3,39	2,73	0,2803999	0,466738
KDM6A	4,83	4,92	4,44	3,65	0,2804329	0,466758
RP11-347C12.3	1,16	1,68	1,69	1,68	0,2804815	0,466804
RP11-625H11.2	0,00	0,35	0,00	0,69	0,2806068	0,466937
FXYD5	8,98	8,62	8,88	8,34	0,2806242	0,466937
OR4E2	0,07	0,14	0,05	0,08	0,2806242	0,466937
ZBTB18	2,04	2,42	2,74	2,45	0,2806726	0,466982
TCF4	5,32	3,12	4,57	5,05	0,2807049	0,466982
FEZ1	0,13	0,66	0,08	0,19	0,2807446	0,466982
WASHC3	6,44	6,28	6,17	5,07	0,2807474	0,466982
RN7SL300P	0,00	0,00	0,00	0,85	0,2807567	0,466982
ELL2	0,24	0,22	0,67	2,49	0,2809026	0,46719
AC005062.3	1,84	1,86	1,48	1,90	0,2809538	0,46724
RNU6-957P	2,33	0,00	0,00	0,00	0,2810548	0,467373
RP11-563N6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2811631	0,467518
RP11-31I22.2	0,00	0,52	0,00	0,17	0,2812315	NA
LCLAT1	3,74	3,89	3,72	3,60	0,2812559	0,467595
RP11-445O16.3	2,16	2,36	1,19	2,46	0,2812746	0,467595
Z69666.2	0,43	0,42	0,39	0,41	0,2812854	0,467595
NFATC2IP	4,47	2,92	4,24	3,78	0,2813065	0,467595
RP11-297C4.2	0,00	0,00	0,00	0,62	0,2813143	0,467595
KBTBD8	3,90	0,48	3,10	2,32	0,2813607	0,467637
TPPP3	3,40	2,31	3,92	2,73	0,2814766	0,467795

USP40	4,18	2,40	4,20	3,93	0,2815283	0,467846
GLRA1	0,15	0,00	0,18	0,21	0,2815527	0,467848
SENP6	5,43	5,22	5,36	4,33	0,2815792	0,467848
AC017116.11	0,22	0,00	0,00	0,00	0,2816232	0,467848
IBTK	3,97	3,28	3,55	4,07	0,2816269	0,467848
LENG1	2,75	3,24	2,78	4,16	0,2816398	0,467848
SFT2D2	4,71	3,85	4,30	2,94	0,2816563	0,467848
FAM65A	3,39	3,90	4,30	3,68	0,2816778	0,467849
RIT2	0,00	2,62	0,00	0,00	0,2817251	0,467871
RRP9	2,95	2,49	2,33	3,26	0,2817333	0,467871
NAA30	1,58	2,13	1,75	0,38	0,2819033	0,468119
TDRP	0,00	1,00	0,00	0,00	0,2820428	0,468236
EFCAB13	1,57	0,92	1,36	2,40	0,2820809	0,468236
RP3-354N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2820828	0,468236
B3GALNT2	3,18	2,88	2,76	1,53	0,2820975	0,468236
NBPF8P	3,67	3,55	3,09	3,55	0,2821013	0,468236
FANCD2	2,94	1,98	3,45	2,49	0,2821194	0,468236
RP11-670P16.3	0,73	2,11	0,57	1,10	0,2821212	0,468236
RAB33B	1,81	0,57	0,85	1,31	0,2821676	0,468278
RNU6-878P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2823072	0,468474
ACVR1C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2824142	0,46859
BCL2L1	1,74	1,81	1,11	3,11	0,2824327	0,46859
RP5-1074L1.1	0,04	0,00	0,17	0,16	0,2824657	0,46859
RP4-671O14.5	0,57	0,20	0,48	0,45	0,2824661	0,46859
SENP7	3,97	3,81	4,09	4,62	0,2824822	0,46859
ANGPT4	0,09	0,23	0,22	0,08	0,2825172	0,468613
CTD-2385L22.2	0,13	0,48	0,32	0,35	0,2825855	0,468642
RP5-1086D14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,282594	0,468642
SPRNT	2,87	2,16	2,32	3,22	0,2825979	0,468642
RP13-650J16.1	2,59	2,03	0,78	0,38	0,282655	0,468702
GTF2I	5,26	3,81	4,92	5,44	0,282677	0,468703
RP11-1017G21.6	0,48	0,42	0,36	0,91	0,2827536	0,468768
HSPB11	4,33	3,70	3,73	2,83	0,2827703	0,468768
HSD11B1L	0,92	2,06	1,18	1,22	0,2827886	0,468768
AHCYL2	3,53	1,92	2,56	2,30	0,2828006	0,468768
RP11-256P1.1	3,86	2,20	4,04	4,43	0,2828742	0,468855
MRPL19	4,45	3,76	2,52	3,78	0,2829215	0,468899
RIMS4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2829493	NA
CSTL1	0,00	0,00	0,03	0,76	0,2829672	NA
FBXL16	0,00	0,00	0,00	0,10	0,2829838	NA
SIGLEC15	0,33	1,50	0,42	0,31	0,2830219	0,46903
AC007277.3	0,00	0,00	0,00	0,06	0,2830322	NA
TMEM143	1,00	1,38	0,64	1,22	0,2830951	0,469116
RP5-857K21.6	1,55	1,39	1,66	1,82	0,2831322	0,469143
ZNF83	3,63	3,04	3,03	2,52	0,2832339	0,469259
ANKRD36BP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2832445	0,469259
CTC-366B18.2	0,17	2,22	0,00	1,60	0,2832969	0,46931
R3HDM2	4,07	3,77	4,14	3,52	0,2833174	0,46931
HLF	0,00	0,00	0,00	0,02	0,2833813	NA
TGOLN2	4,98	4,82	5,18	5,11	0,2833835	0,469384
CXCR1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,2834688	NA
RP11-497D6.4	0,13	0,34	0,22	1,01	0,283497	0,469537
RP11-1H8.5	1,16	0,62	1,26	1,25	0,283559	0,469605
AC092296.1	3,15	2,63	1,72	2,96	0,283761	0,469905
CCDC146	3,07	2,61	2,31	3,76	0,2838318	0,469987

CTD-2630F21.1	0,00	0,31	0,00	0,15	0,2838565	0,469993
RN7SL371P	0,98	1,22	1,05	2,29	0,2838953	0,470022
MAPRE3	0,00	0,00	0,10	0,22	0,2840916	0,470312
RP1-8B1.4	0,49	0,68	0,00	0,00	0,2840919	NA
ACD	3,33	1,85	2,64	1,56	0,2841574	0,470366
RP11-507J18.5	1,44	0,87	1,44	1,79	0,284167	0,470366
FES	5,66	5,76	5,84	5,78	0,2842375	0,470448
RP11-409K20.6	0,41	0,00	0,00	0,00	0,2843275	0,470562
BYSL	1,10	0,00	0,14	0,58	0,2843691	0,470596
ENPP3	0,12	0,00	0,10	0,11	0,2844271	0,470649
AC093323.3	0,37	2,77	0,57	0,35	0,2844435	0,470649
RP11-536P6.3	0,00	0,00	0,01	0,38	0,2844578	NA
SLC37A2	1,67	0,88	1,41	2,83	0,284535	0,470756
RP11-388C12.8	0,72	2,13	0,83	1,66	0,2845505	0,470756
ERLEC1	4,54	4,06	3,90	3,61	0,2846608	0,470903
RP11-837J7.3	0,00	0,08	0,00	0,00	0,2848083	0,471112
SEMA6D	0,04	0,37	0,05	1,08	0,2848854	0,471175
RP11-366H4.3	0,37	1,49	0,91	2,06	0,2848889	0,471175
IRF2BPL	0,76	1,57	1,11	1,05	0,2849262	0,471202
FAM86C2P	0,07	0,14	0,02	0,60	0,2849486	0,471204
RP11-77I22.3	0,00	0,27	0,09	0,29	0,2850164	0,471281
RP11-65D17.1	0,23	0,33	0,35	0,19	0,2850814	0,471354
RP11-264E18.1	0,00	1,96	0,00	1,01	0,285117	0,471377
RN7SL607P	0,00	0,82	0,00	0,00	0,2851177	NA
KPTN	1,57	0,46	2,16	0,90	0,2851837	0,471452
DPM2	5,58	3,50	5,43	4,76	0,2852518	0,471529
NOB1	4,75	2,73	4,19	2,98	0,2852725	0,471529
RP11-867G2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2853533	0,471628
AF038458.5	0,56	1,41	0,62	0,90	0,2854489	0,471751
RPH3AL	1,26	0,11	0,61	0,22	0,2855198	0,471815
BCO2	1,79	1,17	1,67	0,56	0,2855305	0,471815
RP13-444H2.1	0,67	3,41	1,72	2,28	0,2855597	0,471829
RP11-637O19.2	0,88	0,30	0,58	0,28	0,2856057	0,471832
IFT140	0,09	1,46	0,05	0,05	0,2856342	0,471832
PRDX1	7,50	7,35	7,46	8,10	0,2856426	0,471832
IRAK4	4,31	3,23	4,23	3,74	0,2856591	0,471832
CTD-2024I7.13	2,27	1,05	1,07	1,96	0,2856679	0,471832
TOP2A	0,40	0,98	0,34	0,37	0,2857686	0,471963
RP4-671O14.6	0,54	0,49	0,84	0,73	0,285859	0,472077
RP11-708I19.2	0,00	0,38	0,00	0,00	0,28587	NA
RP1-111C20.4	3,40	3,93	3,93	3,54	0,285917	0,472138
ATP23	3,69	1,26	1,20	1,27	0,2859604	0,472175
CTD-2337I7.1	0,00	0,00	0,00	0,07	0,2860392	0,47227
RN7SL683P	0,00	1,49	0,00	0,00	0,2860784	0,472276
MIA2	4,46	5,13	4,66	4,57	0,2860854	0,472276
CTSA	4,34	4,19	4,45	5,18	0,2862488	0,47251
TEX30	4,12	0,49	3,40	0,00	0,2862708	0,472512
HES7	0,00	0,26	0,00	0,00	0,2863016	NA
KIF13A	2,19	3,05	2,61	2,18	0,2863623	0,472628
AKR1B1	6,10	5,52	5,70	4,68	0,2864071	0,472666
NDUFA6	6,76	5,47	6,15	5,50	0,2866309	0,472999
LMF1	1,17	0,59	0,69	1,48	0,2866818	0,472999
SLK	2,91	3,22	3,33	2,49	0,2867048	0,472999
RP11-146F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2867245	0,472999
C20orf96	2,25	0,60	1,55	2,16	0,2867303	0,472999

TRMT61A	0,00	3,17	1,41	0,49	0,286743	0,472999
CD300A	6,79	4,45	6,36	5,77	0,2867575	0,472999
ADORA2B	1,80	2,04	0,99	0,21	0,2867901	0,473017
YAE1D1	0,00	0,20	0,07	0,00	0,2868773	0,473126
RP11-57A19.5	0,00	0,68	0,00	0,54	0,2869008	NA
ANP32A	5,96	5,10	6,08	5,70	0,2869434	0,473177
MAP1S	2,91	4,15	3,46	3,08	0,2869541	0,473177
RP11-178A10.1	0,05	0,00	0,06	0,20	0,2869721	0,473177
RP1-222E13.10	1,11	2,93	2,44	1,21	0,2871116	0,473372
RP11-691H4.4	0,99	1,08	2,52	3,83	0,2871626	0,47342
MICAL1	5,11	5,82	5,19	5,39	0,2871976	0,47342
RP11-208G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2872049	0,47342
HORMAD1	0,00	0,00	0,25	0,20	0,2872687	0,473491
RP11-395L14.11	0,63	0,07	0,00	0,00	0,2873214	0,473542
ARGFXP1	0,00	0,57	0,14	0,00	0,2873683	NA
UIMC1	4,40	2,34	3,85	3,39	0,2873824	0,473573
GPR141	4,04	1,23	2,87	5,08	0,2873826	0,473573
OR10A2	0,02	0,19	0,08	0,06	0,287524	0,473771
CH17-302M23.1	0,11	0,15	0,16	0,09	0,2875699	0,473811
JMJD6	5,64	3,72	5,64	5,42	0,28764	0,473892
ZNF622	5,02	3,06	4,47	4,27	0,2876679	0,473903
RN75L810P	0,00	0,97	0,00	0,95	0,2876872	NA
KRT18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2877776	0,474015
ADORA2A	0,00	1,02	0,00	0,04	0,2878162	0,474015
CTD-2290C23.1	0,80	1,61	0,74	0,72	0,287818	0,474015
ARHGAP12	1,89	0,63	1,67	1,48	0,2878238	0,474015
RP11-927P21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2878426	0,474015
RP11-276H1.3	0,29	0,37	0,40	0,42	0,2879519	0,47416
USP50	0,00	1,11	0,00	0,00	0,2879807	0,474172
PRRC2B	3,38	2,83	4,26	3,57	0,2880129	0,47419
RP11-145E17.3	0,09	0,00	0,01	0,09	0,2881267	0,474307
TMEM87B	3,06	1,15	2,27	2,69	0,2881269	0,474307
LSM5	5,22	5,05	5,20	4,48	0,2882441	0,474465
SYT5	1,32	1,06	0,81	1,04	0,2883065	0,474533
SNHG15	7,29	7,30	6,96	6,70	0,288427	0,474696
RP4-706G24.1	0,15	0,19	0,00	0,78	0,2884646	0,474722
APOBEC2	0,61	0,00	0,28	0,58	0,2885352	0,474803
EEA1	3,34	2,73	3,31	3,83	0,2886353	0,474933
SUCO	3,68	2,88	3,54	2,69	0,2887874	0,475132
ZNF623	1,54	1,80	1,20	0,83	0,2887991	0,475132
RP11-59C5.3	0,00	0,02	0,00	0,02	0,2888373	0,47516
CEP85	2,68	2,51	2,19	1,08	0,2888737	0,475185
POLR3C	5,19	3,63	4,23	3,15	0,2890192	0,475389
LIN7A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2890687	NA
RP3-521E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2891027	NA
RP11-40H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2891046	NA
AL133245.2	0,40	0,60	0,77	1,21	0,2891577	0,475581
CTB-111F10.1	0,00	0,00	0,00	1,77	0,2892011	0,475608
RP11-426J22.1	1,12	0,25	0,37	0,48	0,2892301	0,475608
SYAP1	3,84	4,25	3,77	3,26	0,2892381	0,475608
RP11-180M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2893689	0,475788
RNASEK-C17orf49	1,59	0,65	1,92	2,65	0,2894026	0,475808
RP4-646B12.2	0,50	0,95	0,00	0,00	0,2894602	NA
KREMEN1	0,24	0,28	0,57	0,44	0,2894701	0,475884
IGHV1-69-2	0,00	0,00	0,00	1,24	0,2895393	NA

RP11-140L24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2895503	NA
FEM1B	3,20	2,02	3,67	1,79	0,2896034	0,476068
RNU6-199P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,28967	0,476127
CDK5RAP2	4,09	3,84	4,11	4,91	0,2896823	0,476127
RP11-690I21.2	0,00	0,05	0,00	0,00	0,2896984	NA
CEP112	1,89	3,58	1,61	0,84	0,2897521	0,476207
PLAT	0,07	0,12	0,09	0,13	0,2898127	0,476271
CEP44	1,92	1,52	2,62	1,29	0,2898376	0,476277
SPTBN1	3,02	1,02	2,46	1,56	0,2899874	0,476487
RP11-732M18.4	1,16	0,85	1,64	1,40	0,2900252	0,476512
APOL1	1,84	0,44	1,32	1,82	0,2900453	0,476512
RPS6KA2	1,52	0,47	0,88	1,37	0,2901918	0,476718
HPS4	3,65	3,60	3,05	2,56	0,290239	0,47676
AC104113.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2902832	0,476768
ARFRP1	4,03	1,75	3,60	4,85	0,2902925	0,476768
ZNF446	1,41	0,00	0,71	0,22	0,2903084	0,476768
ONECUT1	0,02	0,13	0,00	0,00	0,2903523	0,476796
RP11-944C7.1	0,00	0,95	0,82	0,98	0,2903684	0,476796
GPR4	0,04	0,13	0,05	0,15	0,2904507	0,476896
G3BP1	4,93	5,46	4,48	4,94	0,2905342	0,476998
RP11-841C19.6	0,14	0,20	0,19	0,10	0,2905779	0,477035
GNA13	5,00	3,82	4,45	4,14	0,2906632	0,477088
RP11-455O6.9	0,00	0,40	0,00	0,00	0,2906642	0,477088
LLNLR-222A1.1	3,06	4,78	3,62	2,48	0,2906748	0,477088
RP11-31F15.1	2,33	1,46	2,29	1,87	0,2907133	0,477116
ACO10894.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2908003	0,477223
CH17-431G21.1	0,00	0,18	0,00	0,00	0,2909848	0,477467
MATN1	0,08	0,07	0,03	0,32	0,2909916	0,477467
LRRC45	0,10	0,62	0,59	0,24	0,2910904	0,47759
ZGPAT	3,35	2,24	4,14	2,46	0,2911094	0,47759
CYP2A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2913286	0,477914
MARCO	0,80	0,99	2,19	2,75	0,2913656	0,477939
ZNF831	0,00	0,19	0,00	0,03	0,291389	0,477942
RP11-79I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2914262	NA
AC090421.1	1,81	0,72	0,35	2,52	0,2914493	0,478006
RP11-498C9.16	0,08	1,33	0,00	0,00	0,2914774	0,478015
CMC4	3,05	3,87	3,72	0,00	0,2914976	0,478015
AGAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2915734	NA
TFCP2	3,87	3,25	3,07	2,98	0,2916348	0,478204
ANTXR2	4,67	3,58	4,70	4,62	0,2916581	0,478204
POLR2F	5,43	5,90	5,80	5,78	0,2916796	0,478204
CD28	0,09	0,18	0,20	0,31	0,2916988	0,478204
KMT2A	3,75	3,30	3,96	4,44	0,2917623	0,478272
ATP5SL	4,65	4,02	4,30	3,14	0,2918175	0,478328
MRPS17	3,32	3,66	3,00	2,20	0,2918576	0,478358
PARG	3,02	2,22	2,90	2,11	0,2918931	0,478381
DSEL	0,09	0,18	0,12	0,21	0,2919856	0,478497
CHRNA10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2920934	0,478639
RP11-1008C21.2	0,94	0,41	3,02	3,50	0,2921454	0,478689
TTC21B	3,50	2,35	3,42	2,04	0,2921708	0,478695
ST18	3,97	2,14	2,53	2,05	0,2922274	0,47872
ZKSCAN5	0,36	2,34	1,08	1,49	0,2922387	0,47872
RP11-468E2.11	2,92	3,54	2,96	3,55	0,2922613	0,47872
GNPDA2	1,70	0,09	0,67	0,56	0,292272	0,47872
RP11-354I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2922968	0,478725

ANGPTL7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2923089	NA
PXMP4	2,38	2,22	1,05	0,51	0,2924262	0,478867
RP11-879F14.1	0,59	0,36	0,92	0,00	0,2924265	0,478867
POLR2K	5,74	4,44	4,69	4,84	0,2924782	0,478916
EPB41	4,44	2,88	3,89	3,93	0,2925063	0,478927
ACAA2	5,89	1,23	5,26	5,61	0,2926082	0,479058
RAB9A	4,11	3,48	1,48	1,36	0,2927117	0,479192
LRRC34	1,11	1,06	1,17	1,41	0,2927739	0,479229
RP11-271C24.3	2,16	2,49	2,75	1,03	0,2927771	0,479229
RP1-224A6.6	0,91	0,96	1,26	1,90	0,292849	0,479311
RP11-16M8.2	0,00	0,36	0,00	1,30	0,2929227	0,479397
RBM7	3,98	4,80	4,07	4,90	0,2929722	0,479442
PINK1	1,93	2,02	1,89	2,08	0,2930033	0,479458
OTUD7A	0,00	0,27	0,04	0,01	0,2930975	0,479536
RP11-348A11.4	1,03	0,96	1,15	1,01	0,2931065	0,479536
RP11-227P3.1	0,83	1,96	1,46	1,06	0,2931267	0,479536
ZNF547	0,99	0,43	1,24	0,66	0,2931412	0,479536
DDI2	2,38	1,35	2,17	1,61	0,2931587	0,479536
RP3-431A14.4	0,00	0,17	0,00	0,00	0,2931941	NA
RP11-402K9.2	0,00	0,18	0,16	0,00	0,2932126	NA
WSB2	4,12	4,88	3,72	3,48	0,2932261	0,479577
TMED8	2,08	1,48	2,00	2,34	0,2932268	0,479577
RP11-96K19.2	0,38	0,11	0,26	0,26	0,2933137	0,479683
PRICKLE3	0,96	0,49	0,59	0,47	0,2933619	0,479727
SV2A	0,22	0,47	0,46	0,29	0,2934138	0,479777
RP11-505F3.4	0,86	0,58	0,52	0,60	0,2934272	NA
CTC-444N24.11	2,24	3,50	2,25	2,41	0,2935422	0,4799
RAB3GAP1	4,03	3,85	3,77	2,92	0,2935562	0,4799
HIBADH	2,51	1,73	1,32	0,33	0,2935605	0,4799
RP5-1121E10.2	0,24	0,75	0,36	0,00	0,2935757	0,4799
ASB2	2,32	0,72	0,89	1,18	0,2936329	0,479927
CDKAL1	1,43	1,72	2,15	2,03	0,2936355	0,479927
IL11	0,05	0,09	0,20	0,21	0,2937064	0,480007
CC2D1B	0,89	0,56	1,53	1,70	0,2937373	0,480007
FRS2	3,19	1,27	3,20	1,28	0,293753	0,480007
IGF1R	0,49	0,36	0,46	0,62	0,2937709	0,480007
ARHGAP23	0,00	0,00	0,00	0,36	0,2938247	NA
RP3-368A4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2938886	0,480163
CNTD1	0,05	0,00	0,07	0,00	0,2939092	0,480163
CTD-2015G9.2	0,07	0,11	0,07	0,09	0,2939774	0,480233
MCAT	1,33	0,39	3,41	1,64	0,2940044	0,480233
SPDYE6	0,00	0,14	0,00	1,35	0,2940173	0,480233
CTD-2177J2.2	0,30	0,00	0,00	0,35	0,2940406	NA
FAM86DP	0,40	0,41	0,30	0,65	0,2940671	0,480279
JAGN1	4,12	3,96	4,22	1,82	0,2943056	0,480634
MRPL4	4,60	2,10	4,10	2,75	0,2943484	0,480657
ENTPD4	4,17	2,16	3,49	3,00	0,2943634	0,480657
ASPHD2	3,93	2,49	3,16	1,04	0,2943963	0,480676
SOX6	0,02	3,52	0,04	3,13	0,2944295	0,480695
GORASP1	3,90	3,25	3,22	3,10	0,2945905	0,480922
ZNF131	5,25	3,54	4,72	4,44	0,2946214	0,480937
ZNF69	1,69	1,48	2,45	0,45	0,2946681	0,480978
POLR3G	0,48	0,04	0,03	1,23	0,2947008	0,480996
RN7SL357P	0,65	0,00	0,00	0,00	0,294798	NA
PBDC1	5,44	1,51	5,47	4,22	0,2948982	0,481275

COMMD10	5,40	5,99	4,79	3,94	0,2949146	0,481275
YY1AP1	4,93	3,45	5,21	4,90	0,2949635	0,481319
SCO2	6,34	5,68	7,07	7,84	0,2950124	0,481363
SNORA59B	0,00	1,06	0,00	0,00	0,2950689	NA
CCT7	7,16	7,03	7,03	6,05	0,295141	0,481535
RP11-316C12.2	2,82	0,57	2,14	1,01	0,2951609	0,481535
FGF2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,2952078	NA
AC064834.1	0,00	0,00	0,06	0,30	0,2952297	NA
AC100802.3	0,14	0,00	0,07	0,81	0,2952399	0,481577
FAM204A	6,51	4,98	5,95	5,86	0,295257	0,481577
RAD51D	1,39	2,50	2,33	1,93	0,2952641	0,481577
RP11-122M14.1	0,40	0,75	0,45	0,07	0,2952742	0,481577
DBP	1,53	3,41	2,72	2,04	0,295298	0,481577
PRG4	0,00	0,03	0,05	0,90	0,2953164	0,481577
RP11-649G15.2	0,00	5,73	0,00	1,50	0,2953556	0,481605
NOMO2	5,04	2,34	3,98	4,29	0,2954709	0,481743
NFKBID	4,52	4,66	4,83	3,88	0,2954835	0,481743
STXBP5	2,67	2,83	2,30	2,55	0,2955394	0,481799
CTD-3110H11.1	0,90	2,86	1,51	2,22	0,2955811	0,481831
RNU6-494P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2956612	0,481927
RP11-603K19.2	0,00	0,00	0,00	0,16	0,2956871	0,481933
ATP5L2	0,18	1,92	0,99	0,71	0,295725	0,481939
LYST	5,54	4,82	5,33	5,84	0,295734	0,481939
RP11-309L24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2957373	NA
RP11-756A22.5	0,00	0,73	0,47	0,00	0,2957979	NA
NDUFAF2	3,85	4,23	4,02	5,05	0,2958323	0,481997
NF1	4,21	3,14	4,27	3,20	0,2958403	0,481997
TERF2IP	5,17	4,49	5,24	4,50	0,2958416	0,481997
C6orf123	0,32	0,34	0,32	0,65	0,2958761	0,481997
CTD-2036A2.1	1,01	1,87	1,04	1,57	0,295878	0,481997
HIST1H3D	0,19	0,06	0,00	0,00	0,2959322	0,48205
TIMM8A	2,05	1,94	1,05	0,60	0,2960855	0,482265
MC2R	0,28	0,61	0,42	0,34	0,2961772	0,482379
CAMK2G	4,69	3,87	4,53	2,24	0,2962365	0,482402
ITGBL1	0,07	0,06	0,02	0,00	0,2962439	0,482402
CTA-384D8.34	3,95	0,00	3,21	3,87	0,2962566	0,482402
IRAK1BP1	3,70	3,73	3,52	3,40	0,296294	0,482405
RGPD6	5,32	5,18	5,72	4,27	0,2963018	0,482405
ATAD2	2,08	1,75	2,46	2,03	0,2963603	0,482437
RP11-95G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2963653	0,482437
CLASP1	3,20	1,61	2,83	2,19	0,2964141	0,48246
CPEB4	3,56	1,89	2,07	1,53	0,2964223	0,48246
RP11-823P9.4	0,80	0,49	1,02	0,67	0,2964514	0,482472
KB-1568E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,296553	0,482602
IL17RE	0,25	0,00	0,31	0,42	0,2966591	0,482739
RP11-114H24.3	0,00	0,00	0,00	0,47	0,2967974	0,482929
RN7SL732P	0,69	0,00	0,37	1,20	0,296904	NA
RP11-138C24.1	0,00	0,10	0,02	0,00	0,2969048	0,483068
CTC-527H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2969474	NA
MRPS6	6,20	4,41	5,60	5,10	0,2969796	0,483154
RP11-60I3.5	1,80	0,00	0,00	1,52	0,29716	0,483412
AC002511.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2971859	NA
AHR	6,23	4,76	5,77	3,80	0,2972243	0,483414
MIR4434	0,00	0,00	0,00	0,00	0,297244	0,483414
AC005593.2	0,00	0,00	0,62	0,41	0,2972461	0,483414

G6PC3	5,30	4,84	5,03	3,91	0,2972479	0,483414
RP11-442J21.2	1,42	0,00	0,56	0,00	0,2972951	0,483455
ATP6V0B	9,44	8,79	9,61	9,58	0,2973678	0,483538
MRPL24	5,56	5,99	5,61	6,51	0,2973924	0,483543
WRNIP1	4,54	2,70	3,62	3,27	0,2975519	0,483767
NOTO	1,16	0,37	0,81	0,32	0,2976043	0,483816
HOGA1	0,35	0,17	0,34	0,29	0,2977121	0,483956
SGF29	5,25	1,11	4,37	4,77	0,2977531	0,483961
NOL10	3,78	1,78	3,01	2,42	0,2977592	0,483961
AP000295.7	2,15	0,91	3,03	1,68	0,2977925	0,483961
RP11-285F7.2	1,99	4,64	2,97	2,18	0,2978021	0,483961
CTB-129P6.11	0,00	1,17	0,00	0,34	0,2979202	0,484118
CASP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2979868	0,48419
ABHD2	4,13	2,57	3,38	2,81	0,2980318	0,484211
RP11-396O20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,298043	0,484211
CH17-260O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2980984	0,484253
AKR1D1	0,14	0,08	0,26	0,35	0,2981188	0,484253
RP11-804F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2981403	NA
RNF220	3,68	3,18	3,82	3,42	0,2981436	0,484253
C15orf61	1,99	2,15	2,56	1,97	0,2981563	0,484253
RP11-111F5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2981664	NA
U51244.2	0,59	0,00	0,31	0,00	0,2982654	0,484352
PCMTD1	5,22	2,24	4,69	4,04	0,2982992	0,484352
CHKB-CPT1B	0,79	0,65	0,17	0,07	0,2983018	0,484352
IDE	3,45	4,08	3,13	3,40	0,298304	0,484352
RP5-966M1.6	0,00	1,78	0,01	0,00	0,2984142	0,484495
LRRC4C	0,00	0,00	0,00	0,42	0,2984791	0,484565
RP11-504I13.3	2,83	1,05	2,54	3,59	0,2985409	0,48463
HILPDA	0,61	0,40	0,70	2,27	0,2985704	0,484643
AC108449.2	0,00	0,00	0,00	0,66	0,2985885	NA
LINC00539	0,15	0,18	0,00	0,30	0,2986519	0,484719
ZNF174	0,54	0,06	0,06	0,24	0,2986608	0,484719
RP11-138E24.1	0,14	0,22	0,25	0,59	0,2988025	0,484913
TMEM178B	0,00	0,01	0,00	0,00	0,2988291	NA
PAFAH1B2	4,72	3,90	4,78	4,60	0,2988978	0,485032
FM05	3,09	1,62	1,89	1,88	0,2989418	0,485068
MIR4737	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2989654	0,485071
DHFRL1	1,91	1,33	1,32	0,95	0,2991153	0,485279
EZH2	3,47	4,19	2,85	3,54	0,2991437	0,48529
AP000459.4	0,40	1,38	0,37	0,12	0,299256	0,485436
TRIM31	0,31	1,53	0,41	0,00	0,2992935	0,485462
RP11-1277A3.2	0,00	0,00	0,14	0,00	0,2993458	0,485511
TMEM194A	1,18	0,21	0,08	1,15	0,2994196	0,485596
BFSP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,299522	NA
ZNF90	0,85	1,44	0,69	1,32	0,2996079	0,485865
EGFLAM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,2997049	0,485945
EXOC4	4,80	6,25	4,55	3,84	0,2997081	0,485945
RP11-400L8.2	0,00	0,00	0,00	2,74	0,299729	0,485945
RP1-34B21.6	0,18	1,66	0,86	0,42	0,2997446	0,485945
SLC7A6OS	4,08	0,71	3,20	2,54	0,2999676	0,486262
SLC39A9	3,66	3,96	3,52	3,28	0,299984	0,486262
RP11-867G23.12	0,00	0,00	0,00	0,39	0,2999927	NA
RP11-533E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3000067	0,486264
LSM10	7,15	7,51	6,75	6,99	0,3000488	0,486297
RP11-390F4.3	1,33	1,46	1,56	1,49	0,3001784	0,486471

DHRS4-AS1	2,86	1,50	2,42	3,20	0,3002097	0,486486
SATB2	0,10	0,36	0,17	0,44	0,300431	0,486723
RP11-15G8.1	1,38	1,21	1,14	1,80	0,3004413	0,486723
GRTP1	0,09	0,29	0,16	0,29	0,3004443	0,486723
FUBP1	6,33	6,15	6,37	6,30	0,3004486	0,486723
SIAH3	0,03	0,10	0,03	0,02	0,3004652	0,486723
C11orf95	0,00	0,00	0,00	0,00	0,300505	0,486752
RP11-324P9.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,3005215	NA
RP11-767I20.1	0,05	0,14	0,07	0,31	0,3005651	0,486814
SIK3	3,93	5,07	4,68	5,03	0,3005948	0,486826
USH1G	0,00	0,07	0,00	0,00	0,3006186	NA
PHGDH	1,23	2,28	1,44	1,22	0,3006396	0,486864
RP11-313D6.3	0,00	1,31	0,00	0,00	0,3007905	0,48704
PDPK1	3,78	3,46	3,72	3,80	0,3008124	0,48704
AC006518.7	0,00	0,31	0,00	0,00	0,3008281	0,48704
RP13-44L19.2	0,00	0,00	0,06	0,30	0,3008367	0,48704
AOX3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3008582	0,48704
CTC-338M12.3	2,79	4,25	2,43	1,51	0,300901	0,487071
RP11-166O4.5	1,35	0,47	1,92	2,67	0,3009214	0,487071
APC	3,84	2,44	3,01	3,35	0,3010134	0,487185
RN7SL55P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3010483	0,487206
CTC-524C5.2	2,39	0,73	1,54	0,59	0,3011684	0,487365
AC104532.4	0,47	0,00	0,68	0,00	0,3013064	0,487528
RP11-295D4.4	0,51	1,38	1,02	0,53	0,3013206	0,487528
RP11-61O11.1	0,32	0,75	0,51	0,68	0,3013348	0,487528
RP2	3,46	2,33	2,88	1,93	0,3013933	0,487563
XXcos-LUCA16.1	0,00	0,00	2,66	2,07	0,3014117	0,487563
RAB3B	0,26	0,53	0,22	0,22	0,3014266	0,487563
CTB-119C2.1	0,08	0,00	0,00	0,00	0,3014446	0,487563
RP11-2J18.1	1,19	1,39	2,24	2,82	0,3015045	0,487625
RP11-293B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3015306	NA
RP11-20I23.5	0,13	1,16	0,91	0,18	0,3015432	0,487627
DNMT3L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3015616	0,487627
TBC1D22A	4,58	4,20	4,89	4,16	0,3015717	0,487627
RP11-268P4.4	0,00	0,19	0,00	0,00	0,3015985	NA
ZNF285	0,20	0,07	0,14	0,17	0,3016183	0,487667
FMNL3	0,31	1,08	0,95	0,30	0,3016728	0,487717
RAB17	0,17	0,00	0,11	0,05	0,3016932	0,487717
HNRNPA0	2,46	2,54	2,65	2,57	0,3017188	0,487723
UBTD1	0,00	2,78	0,83	1,15	0,3017744	0,48777
TMEM261	4,28	4,52	4,24	3,83	0,3018062	0,48777
AC010150.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3018141	0,48777
PDE6G	4,26	0,41	2,62	4,17	0,3019984	0,488033
RPL39P26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3020697	0,488112
MAZ	4,34	4,56	4,98	4,80	0,3021931	0,488162
PPP3R1	1,62	0,45	2,00	2,22	0,3022282	0,488162
RP5-842K24.2	0,75	0,92	0,34	0,35	0,3022291	0,488162
EBLN2	1,95	1,15	2,59	0,64	0,3022435	0,488162
ABHD10	4,61	4,31	3,88	3,65	0,3022441	0,488162
BRF1	2,13	2,40	2,59	1,91	0,3022671	0,488162
ULK4	3,09	2,76	2,62	1,62	0,3022674	0,488162
RP11-342D14.1	0,21	0,00	0,61	1,16	0,3022763	0,488162
NINJ1	5,11	1,33	5,55	5,80	0,3023075	0,488177
RN7SL361P	0,00	1,23	0,00	0,00	0,3024102	NA
COL15A1	0,22	0,45	0,26	1,03	0,3024707	0,488405

LMF2	2,71	1,54	2,20	2,51	0,3025009	0,488419
SEC23IP	3,77	5,51	3,37	4,40	0,3026262	0,488586
ABRA	0,09	0,00	0,37	0,31	0,3026548	0,488596
ACO18462.2	0,41	0,45	0,55	0,27	0,3026987	0,48861
RP3-431P23.5	0,00	0,21	0,00	0,00	0,3027073	0,48861
ZNF519	2,07	1,45	1,25	0,93	0,3027827	0,488681
XXbac-BPG296P20.15	1,03	0,49	1,69	0,61	0,30281	0,488681
U47924.6	0,95	0,82	1,09	0,93	0,302824	0,488681
TLL5	3,54	2,68	3,42	2,54	0,3028449	0,488681
WDR5	2,08	0,98	2,36	1,44	0,3028613	0,488681
CSF2RB	3,63	2,18	3,19	2,34	0,3028954	0,4887
FZD8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3029032	NA
SHB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3029373	0,4887
CH507-513H4.4	14,57	14,80	14,86	14,73	0,3029575	0,4887
CH507-513H4.3	14,57	14,80	14,86	14,73	0,3029613	0,4887
MPV17L2	4,25	0,76	2,94	1,66	0,3030353	0,488784
SLC25A40	3,43	1,40	3,50	1,98	0,3031065	0,488864
PLGLB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3031966	0,488974
CH507-513H4.6	14,57	14,80	14,86	14,73	0,3033689	0,489216
PER2	2,53	2,62	2,17	1,26	0,3034287	0,489277
TM9SF3	4,85	4,17	4,86	3,16	0,3034872	0,489336
MYOG	0,00	0,19	0,05	0,19	0,3035175	NA
CTD-2290P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3035447	NA
CTC-251D13.1	0,25	0,28	0,90	0,78	0,3036355	0,489539
FMO4	0,00	0,00	0,00	1,09	0,3039287	0,489949
RP11-353N4.5	0,08	0,00	0,18	0,16	0,3039334	0,489949
PRKD1	0,00	0,54	0,00	0,38	0,3039642	0,489963
RP11-118B23.7	0,89	2,21	0,26	0,48	0,3039907	0,48997
RP11-196H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3041156	0,490136
RAB8A	5,44	4,00	5,07	4,30	0,3042787	0,490363
RP11-2201.5	0,00	0,00	0,00	0,17	0,3043504	NA
ZSWIM3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3043659	NA
NBPF14	7,27	6,87	7,11	6,68	0,3043921	0,49051
ACER1	0,23	0,00	0,05	0,19	0,3044875	0,490628
ACACA	2,93	0,75	2,55	3,64	0,3045249	0,490653
CTD-2538G9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3046791	NA
RP11-338L22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3047001	NA
FBXO40	0,19	0,00	0,14	0,18	0,3047728	0,491017
IGKV1-17	0,00	1,47	0,00	0,00	0,3048144	NA
ALS2CR10	1,90	3,11	2,16	2,30	0,304867	0,491133
PAFAH1B1	5,17	4,91	5,36	5,31	0,3049772	0,491247
TMEM101	4,24	1,72	4,71	4,13	0,3049823	0,491247
RP13-516M14.4	0,76	0,75	1,10	0,95	0,3050981	0,491396
ANKRD23	0,84	0,00	0,39	0,51	0,3051318	0,491396
SIGLEC9	4,40	4,96	4,47	3,61	0,3051412	0,491396
ACO18470.3	0,16	0,00	0,00	0,17	0,3051549	NA
SSR2	8,20	7,44	7,97	7,50	0,3051694	0,491406
ZMYND15	0,26	0,92	0,06	0,00	0,3052078	0,491418
MMS22L	2,81	2,30	1,90	2,72	0,3052212	0,491418
SBF2	3,65	3,61	3,91	2,95	0,3053181	0,491507
TCEA2	1,21	1,66	2,24	3,81	0,3053304	0,491507
FCRL3	0,00	1,99	0,57	1,27	0,3053424	0,491507
CWF19L2	2,89	3,87	1,65	2,39	0,3053931	0,491553
COASY	5,13	4,72	5,48	4,44	0,3055968	0,491821
MGST2	6,91	5,91	6,64	5,89	0,3056037	0,491821

RP11-706O15.7	0,09	0,00	0,43	1,26	0,3056756	0,491901
MGAT1	5,80	6,18	6,17	6,02	0,3058313	0,492116
FOXM1	0,71	1,22	0,85	1,53	0,3059199	0,492165
ANKRD18A	0,00	1,70	0,13	1,01	0,3059265	0,492165
MIRLET7BHG	0,06	0,38	0,20	0,74	0,3059284	0,492165
AC083900.1	0,00	2,22	0,00	0,00	0,3059731	0,492201
AC112229.7	0,00	0,48	0,00	0,00	0,3059866	NA
GPR3	0,13	0,07	0,31	0,06	0,3060353	0,492257
RN7SKP166	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3060521	0,492257
RP11-1415C14.4	0,77	0,00	0,00	0,00	0,3062729	0,492577
LIMS1	6,16	6,40	5,56	5,38	0,3063326	0,492637
KANK2	0,71	1,08	0,81	1,40	0,3063644	0,492652
TSPAN13	0,17	0,38	0,16	0,29	0,3064391	0,492737
PCNP	5,32	5,43	4,92	4,70	0,3064785	0,492765
CTD-2547L24.3	0,36	1,46	0,44	0,53	0,3066238	0,492963
FNTB	2,38	0,21	0,81	1,71	0,3067092	0,493042
PSME4	5,11	4,22	4,63	3,47	0,3067178	0,493042
RP11-402L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3068195	0,493123
SLC8A3	0,00	0,11	0,00	0,04	0,3068399	NA
ITM2A	0,37	1,83	0,19	1,10	0,3068438	0,493123
AC006538.1	0,12	0,52	0,53	0,46	0,3068708	0,493123
RP11-11N9.4	3,73	3,91	3,45	2,33	0,3068887	0,493123
IFI16	7,17	5,54	6,74	6,32	0,3068998	0,493123
HMGCR	4,40	6,42	4,92	4,91	0,3069012	0,493123
TRPC2	0,00	3,54	0,53	0,71	0,3069289	0,493132
AC092610.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3070112	NA
RP11-196G18.22	0,14	0,03	0,23	0,39	0,3070196	0,493242
RN7SL711P	1,37	0,89	1,03	2,30	0,3070565	0,493266
RNU6-298P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3071491	NA
CNTNAP3	2,68	1,85	2,80	2,91	0,3071781	0,49342
BRSK2	0,00	0,00	0,00	0,33	0,3071968	0,49342
SUN2	2,86	2,93	4,09	2,75	0,3073168	0,493519
KCNJ2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3073223	0,493519
AF121898.3	0,54	0,25	0,83	1,60	0,3073253	0,493519
CTD-2203K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3073564	0,493533
RBM5	6,01	6,20	6,38	5,75	0,3074912	0,493705
NECTIN4	0,17	0,07	0,08	0,07	0,3075076	0,493705
IGHV4-39	0,00	1,44	0,00	0,00	0,3075612	NA
RP11-1007O24.3	0,50	0,06	1,05	0,51	0,3076351	0,493851
MFSD2A	0,29	2,07	2,11	1,94	0,3076428	0,493851
NIN	5,29	4,50	4,94	4,93	0,3076666	0,493853
PHF6	3,20	2,16	3,13	2,66	0,3077039	0,493877
ALDOC	3,18	0,00	1,09	0,18	0,3077316	0,493886
PDXDC2P	3,25	0,77	3,69	3,45	0,3078045	0,493967
NAA10	6,21	6,31	5,98	5,85	0,3078358	0,493982
SERPINB5	0,00	0,15	0,00	0,10	0,3079069	NA
AP5S1	0,96	0,98	0,76	1,07	0,3079555	0,494128
AC004837.5	0,00	1,01	0,00	0,00	0,307971	0,494128
RP11-345J4.4	0,02	0,00	1,36	0,28	0,3081122	0,494251
RP11-347C12.4	0,02	0,00	1,36	0,28	0,3081122	0,494251
CTD-2002J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3081363	0,494251
APBB1	0,00	1,66	0,00	0,11	0,308137	0,494251
CCT4	6,54	6,83	6,20	5,43	0,3082749	0,494437
EBF2	0,00	0,00	0,00	0,05	0,3082966	NA
NUDT7	1,77	0,88	0,34	0,30	0,3083061	0,494451

FOXP2	1,31	0,73	0,99	1,27	0,3083462	0,49448
INCENP	0,00	0,00	0,02	0,23	0,3084281	0,494548
RP3-340N1.2	0,24	1,66	0,82	0,68	0,3084336	0,494548
JOSD2	4,72	5,43	4,96	5,44	0,3084777	0,494584
RP11-677O4.2	0,00	0,07	0,00	0,00	0,3085524	NA
AC009120.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3085759	0,494654
AC005276.1	0,00	0,72	0,13	0,50	0,308588	0,494654
ADAMTS13	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3086019	0,494654
NME7	3,68	3,44	3,62	2,16	0,3086104	0,494654
ATP9A	0,03	0,42	0,03	0,08	0,3086808	0,494727
WDR6	4,82	0,66	4,91	3,85	0,3087008	0,494727
ZNF132	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3087942	0,494841
SPPL3	4,96	3,18	4,49	3,77	0,3088299	0,494863
CTC-490E21.14	0,41	1,46	0,92	1,16	0,3088829	0,494912
MYCBP2	6,10	5,21	5,89	5,04	0,3089842	0,495012
FBXL4	1,24	0,86	1,25	0,94	0,3089896	0,495012
RP11-356M20.3	0,65	0,80	0,84	1,46	0,3090812	0,495123
LGR4	0,00	0,00	0,34	0,02	0,3091106	0,495134
RAB36	0,06	0,07	0,07	0,13	0,309152	0,495165
AGAP4	4,62	5,51	4,09	3,44	0,3092078	0,495216
MUSTN1	0,00	4,93	1,77	0,39	0,3092289	0,495216
ADAT3	0,00	0,00	0,10	0,00	0,3093496	0,495374
RP11-70D24.1	0,21	0,46	0,39	0,36	0,3093806	0,495388
MCOLN3	2,12	2,19	2,06	2,35	0,3094365	0,495442
L1TD1	0,03	0,03	0,02	0,00	0,3095121	0,495465
GMPPA	4,82	5,56	4,37	4,82	0,3095191	0,495465
RP11-401F24.4	0,09	0,12	0,09	0,08	0,3095258	0,495465
RDH10	1,02	0,07	0,11	0,07	0,30954	0,495465
XAB2	1,70	2,10	2,02	2,26	0,3095665	0,495471
AC007950.2	0,09	0,27	0,06	0,05	0,3095898	0,495473
DSTNP2	0,77	1,53	0,80	0,42	0,3096368	0,495513
RP11-6D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3096533	NA
AMPH	0,83	2,15	0,71	1,33	0,309683	0,495551
CLIP2	1,96	1,13	2,20	1,79	0,3097393	0,495605
THAP5	3,67	2,50	2,97	1,93	0,3097941	0,495621
TMIE	0,00	0,00	0,00	0,15	0,3098299	0,495621
GMFB	4,60	2,59	3,79	4,27	0,3098358	0,495621
RP3-339A18.6	2,37	0,53	1,91	1,02	0,3098387	0,495621
AC010145.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3098625	NA
RN7SL378P	0,00	0,85	0,00	1,00	0,3098685	0,495634
DNAJB12	4,47	4,42	3,96	4,09	0,3100109	0,495826
TXNIP	8,76	8,56	8,17	7,94	0,3101614	0,496031
PIM2	4,14	3,82	3,86	3,39	0,3102889	0,496199
GAPDHP42	0,00	1,90	0,19	0,00	0,3103409	0,496212
RCC2	5,16	5,27	5,49	5,41	0,3103417	0,496212
RNF151	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3103791	NA
MIR27A	0,00	0,00	0,00	2,41	0,3104467	NA
ARL8B	5,49	6,04	5,85	5,02	0,3104527	0,496354
ZMAT2	4,05	3,46	4,41	4,46	0,310555	0,496481
CFHR1	0,00	1,05	0,00	0,96	0,3106099	NA
FAM109A	2,96	3,48	3,28	3,44	0,3106139	0,49654
RP11-223110.1	0,21	0,37	0,37	0,00	0,3106562	0,496572
RP11-820I16.4	0,00	0,00	0,00	0,03	0,310772	NA
FOXRED1	4,39	2,90	3,36	3,36	0,3107731	0,496688
AC104777.1	0,00	3,49	0,00	0,00	0,3107736	0,496688

ABCG4	0,00	0,11	0,00	0,00	0,3107984	NA
C2CD2L	2,06	3,37	2,44	2,21	0,3108136	0,4967
RP11-514012.4	0,00	0,00	0,00	1,48	0,3108256	0,4967
TPM2	1,09	0,50	0,85	2,05	0,310849	0,496701
ASAP1-IT2	1,64	2,01	1,24	0,65	0,3108766	0,49671
RN7SL841P	0,00	0,89	0,00	0,80	0,3109595	NA
TYRO3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3110959	NA
ACKR2	0,22	0,82	0,56	0,27	0,3111235	0,497069
MEIOB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3112122	0,497105
RP11-521C20.4	0,34	0,44	1,33	0,68	0,311221	0,497105
CTC-207P7.1	0,00	0,00	0,22	0,82	0,3112311	0,497105
CLPTM1L	4,76	6,05	4,87	4,95	0,3112483	0,497105
ATP1A4	0,15	0,13	0,52	0,42	0,3112581	0,497105
FAM153C	0,68	0,00	0,66	2,47	0,3113065	0,49714
PNO1	4,50	5,34	3,90	2,90	0,3113247	0,49714
TAT	0,11	0,13	0,03	0,10	0,3114217	0,497259
ANOS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3114236	NA
SHISA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3115097	0,497328
MFSD6	3,31	1,70	2,64	2,19	0,3115457	0,497328
C15orf39	4,05	3,35	4,23	4,32	0,3115472	0,497328
S1PR1	0,00	2,41	0,00	0,04	0,3115544	0,497328
DDX18	4,76	3,92	3,88	3,76	0,3115784	0,497331
C1orf112	0,07	0,04	0,04	0,59	0,3117611	0,497557
AC007383.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3117653	0,497557
HINT1	8,43	8,43	8,28	7,78	0,3118364	0,497635
RP11-907D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3120285	NA
KIF3C	0,00	0,21	0,00	0,13	0,312048	0,497937
ALDOB	0,00	0,06	0,00	0,00	0,3120975	NA
RBM38	2,08	3,72	1,22	2,25	0,3121135	0,498006
RN7SL531P	0,85	2,41	1,04	1,55	0,3121522	0,498032
GATAD1	3,62	3,11	4,02	3,19	0,3122219	0,498107
C8orf49	0,78	0,65	1,08	0,67	0,3122965	0,49819
HCG25	3,18	1,69	3,82	3,54	0,3123992	0,498319
OR2T6	0,00	0,30	0,00	0,10	0,3124242	0,498323
RP11-254N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3124554	0,498337
SLC39A4	4,42	3,56	4,65	4,40	0,3126766	0,498654
FAM155A	0,02	0,00	0,03	0,06	0,3127798	0,498782
CTC-458G6.2	0,00	0,26	0,08	0,00	0,3128125	NA
RP11-95O2.1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,3128519	0,498862
GTF2B	5,84	3,52	4,73	4,92	0,3130441	0,499132
WDR19	2,81	1,29	2,64	2,86	0,3131109	0,499203
RN7SL847P	0,00	0,99	0,77	1,04	0,3131488	NA
SOWAHD	0,00	1,06	0,00	0,00	0,3131821	0,499281
TEKT4	0,00	0,10	0,00	0,00	0,3131857	NA
FAM208B	4,74	4,19	4,72	5,11	0,3132788	0,499399
PIAS4	1,18	0,36	1,43	0,96	0,3133247	0,499436
DUSP5	4,07	3,60	3,03	1,99	0,3133595	0,499456
CREB1	5,56	4,86	4,79	5,80	0,3134013	0,499471
AC113189.5	0,00	1,61	0,00	0,93	0,3134279	0,499471
RP11-48112.4	0,31	0,00	0,33	0,06	0,3134365	0,499471
RPL13P2	0,00	0,28	0,24	0,50	0,3134452	NA
NUMA1	5,10	5,70	5,12	5,34	0,3135303	0,499585
ANKRD50	2,11	0,90	1,62	2,49	0,3136138	0,499662
HDAC8	3,90	4,64	3,95	2,62	0,3136374	0,499662
PELO	0,01	1,29	0,63	0,17	0,3136953	0,499662

TSEN15	5,07	4,64	4,89	4,57	0,3137098	0,499662
DNAL4	0,68	0,36	0,95	0,21	0,3137224	0,499662
CTC-525D6.1	0,70	0,38	1,15	1,69	0,313731	0,499662
RP11-53B2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3137771	0,499662
RP11-342K6.1	1,73	1,12	0,55	0,23	0,3137788	0,499662
RP11-1319K7.1	0,94	0,00	0,00	0,00	0,3137808	0,499662
RP11-673C5.2	0,00	0,64	0,00	0,00	0,313785	NA
RP11-932O9.8	0,00	0,41	0,00	0,00	0,3138078	NA
CCL22	0,25	1,22	0,42	0,31	0,3138128	0,499677
CTD-3222D19.8	0,17	0,70	0,44	0,23	0,3138862	0,499758
TMBIM6	8,34	7,88	7,71	7,48	0,3139719	0,499835
PCDH24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3139794	NA
MND1	0,16	0,42	0,00	0,14	0,3139794	0,499835
PIGW	0,26	0,49	0,60	0,27	0,3140527	0,499886
TOR2A	6,01	5,77	5,49	2,74	0,3140563	0,499886
ACL29778.2	2,78	1,09	3,23	0,13	0,3141407	0,49996
AP4S1	1,63	2,40	1,93	1,47	0,3141482	0,49996
E2F8	0,11	0,24	0,14	0,05	0,314217	0,500034
RSPH1	0,00	0,00	0,04	0,00	0,3142289	NA
PHF19	3,47	3,71	4,04	2,80	0,3143655	0,500212
FANCC	0,60	0,71	0,43	0,60	0,3143946	0,500212
EID1	7,18	7,51	7,21	6,73	0,3143962	0,500212
NR2F2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3144664	NA
NDUFAF7	3,75	3,69	3,15	4,04	0,3144763	0,500303
AC068490.1	0,00	0,06	0,06	0,00	0,3145443	0,500376
MS4A10	0,36	0,12	0,36	0,51	0,3146219	0,500454
IL6R	5,16	5,52	5,24	4,56	0,3146387	0,500454
PASK	0,32	0,44	0,08	0,41	0,3147078	0,500516
NPHP3	3,33	2,51	3,34	3,73	0,314723	0,500516
L29074.5	3,23	1,62	2,29	2,23	0,3147967	0,500598
METTL1	4,11	2,61	3,13	0,31	0,3148456	0,50064
IARS2	3,82	4,00	3,96	1,53	0,3150885	0,500973
CDH12P2	2,85	0,00	0,00	4,84	0,3151001	0,500973
TSNAX	5,02	3,87	4,32	3,81	0,3151265	0,500979
RP1-149A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3151535	0,500986
RP11-147C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3152216	NA
RHOJ	0,08	0,08	0,17	0,11	0,3152343	0,501079
RP11-47A8.5	0,00	0,00	0,00	0,76	0,3153953	0,501299
CRLS1	4,11	4,99	4,42	5,29	0,3155524	0,501509
RP11-779O18.1	0,34	3,69	0,22	4,12	0,3155728	0,501509
NKX3-1	0,14	0,24	0,24	0,36	0,3156051	0,501525
FLOT1	5,62	5,12	5,66	5,26	0,3156907	0,501625
DCT	0,00	0,73	0,00	0,00	0,3157904	0,501747
ORC2	2,71	2,40	3,37	3,25	0,3158224	0,501762
DSE	4,73	3,62	4,07	4,79	0,315866	0,501764
TNFSF12	2,57	1,58	1,37	1,94	0,3158689	0,501764
RP11-849H4.2	2,17	2,03	2,01	2,74	0,3159977	0,501933
RP11-139K1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3161154	0,502083
RP1-20N2.4	2,52	1,91	2,54	1,52	0,316137	0,502083
RP11-382E15.1	0,00	0,00	0,25	0,35	0,3161445	NA
RN7SL7P	0,00	5,92	0,00	0,00	0,3162117	0,502165
RP11-667M19.10	0,75	1,48	1,56	2,82	0,3164219	0,502451
RP11-332H14.2	0,48	0,18	0,26	0,17	0,3164537	0,502451
PAPSS2	2,80	0,88	3,64	4,58	0,3164672	0,502451
ZDHHC6	4,71	5,60	4,47	4,07	0,3164822	0,502451

SASS6	0,35	1,06	0,34	0,08	0,3165078	0,502456
MIR663A	0,00	3,45	0,00	0,00	0,3165553	NA
KLHL9	2,31	0,88	2,00	1,93	0,31659	0,502551
MED1	2,85	1,39	2,94	2,25	0,3166668	0,502622
MEIS1	1,73	0,15	0,67	0,37	0,316693	0,502622
RP11-576D8.4	0,27	0,38	0,36	0,22	0,3167024	0,502622
INTS6	3,63	4,05	3,61	3,38	0,3167409	0,502647
RPL10P1	0,28	0,73	0,31	0,00	0,3167988	NA
AKR1A1	7,83	6,74	7,42	7,37	0,3169042	0,50287
BNIP3L	6,46	4,80	6,01	6,06	0,3169798	0,502945
SLC1A4	2,66	1,35	2,34	1,43	0,3169966	0,502945
VPS52	3,80	0,55	3,68	1,59	0,3170443	0,502985
ABC7-42404400C24.1	0,00	1,18	0,00	0,24	0,317102	0,503005
TUBA4B	0,00	1,39	0,00	0,00	0,3171024	0,503005
RNA5SP199	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3171082	NA
IMPA1	3,33	2,53	2,43	1,65	0,3173542	0,503368
RN7SL737P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3174292	0,503451
SHF	0,06	0,11	0,52	0,31	0,3175263	0,503553
ERVMER34-1	0,08	0,20	0,14	0,03	0,3175389	0,503553
ALOX15B	0,08	0,47	0,22	0,62	0,317577	0,503578
BTBD3	1,49	0,11	1,33	0,57	0,3176617	0,503607
RP11-364F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3176719	0,503607
AC092684.1	0,20	1,74	0,00	0,96	0,3176732	0,503607
FUT1	1,12	1,57	1,29	1,83	0,3176857	0,503607
RP11-310J24.3	0,00	0,00	0,32	0,00	0,3177281	0,503621
FAR5B	3,43	1,05	3,42	2,04	0,3177401	0,503621
RAB20	3,54	0,49	2,63	1,12	0,3177858	0,503658
CEP131	1,58	0,27	0,83	1,68	0,3178121	0,503663
FASTKD2	3,80	2,42	3,57	2,24	0,3178542	0,503664
RP11-485G7.5	1,40	0,49	1,12	0,67	0,3178581	0,503664
RN7SL49P	0,00	0,00	0,67	0,00	0,3179439	NA
RP11-671J11.2	1,33	0,00	1,35	0,00	0,3179445	0,503696
BOLA3	3,76	2,83	3,64	3,16	0,3179506	0,503696
TOR1A	5,15	3,68	4,10	4,59	0,3179638	0,503696
RP11-674E16.4	0,11	0,00	0,02	0,16	0,3179687	0,503696
VWA2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3180404	NA
TMEM106A	2,84	1,83	3,32	3,80	0,3181146	0,503871
METTL21B	0,29	0,26	0,75	0,84	0,3181245	0,503871
ANP32E	5,48	5,36	4,67	4,64	0,3181508	0,503877
HEG1	0,70	0,31	0,59	0,58	0,318185	0,503895
AC104451.2	0,00	0,00	1,30	3,65	0,3182847	0,504017
RP11-182B22.2	0,13	0,00	0,00	0,00	0,3183103	0,504022
PKP2	1,01	0,78	1,62	0,73	0,3183637	0,504035
RP5-940J5.6	0,05	0,00	0,20	0,73	0,3183641	0,504035
RP11-112J1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3184508	0,504136
SUMF2	5,00	4,35	4,78	4,35	0,318479	0,504145
MYH14	0,09	0,39	0,09	0,14	0,3186694	0,50441
CTD-2091N23.1	0,00	0,94	0,00	0,00	0,3186918	NA
RP11-6D1.6	1,09	1,78	1,13	1,38	0,3188592	0,504675
METTL16	3,66	2,79	3,36	2,42	0,3188862	0,504682
C9orf114	3,95	3,12	3,39	4,18	0,3189242	0,504706
NUP155	2,62	0,78	2,56	1,45	0,3190313	0,504813
RP1-134E15.3	0,00	0,00	0,00	0,54	0,3190373	0,504813
RP11-269F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3190656	NA
CNOT7	7,08	7,31	6,57	5,61	0,3190871	0,504845

TMEM102	0,07	0,00	0,08	0,90	0,3191043	0,504845
ASMTL	3,16	3,67	4,11	1,80	0,3191351	0,504845
RP11-195B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3191481	0,504845
LRGUK	0,00	0,70	0,00	0,00	0,3193085	0,505062
LOXL2	1,04	1,41	1,53	1,25	0,3194404	0,505235
RP11-527E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3194915	0,505258
ACO90505.4	1,06	1,10	0,98	0,73	0,3195206	0,505258
RP11-408P14.1	2,67	2,27	2,34	2,01	0,3195234	0,505258
RP11-567C20.5	0,54	0,33	0,41	0,48	0,3196499	0,505422
RABEP2	3,36	2,47	2,57	2,72	0,3196962	0,50546
AGPAT6	5,06	4,87	4,74	3,64	0,3197391	0,505469
KRT8P12	1,37	0,00	0,32	0,23	0,3197475	0,505469
GPR21	0,16	0,14	0,31	0,00	0,3198057	0,505525
RN75L12P	0,00	0,85	0,00	0,00	0,3199054	NA
RP11-426C22.5	5,19	3,83	4,91	4,41	0,3199292	0,505657
DNASE1L1	3,65	2,29	2,82	3,50	0,3199349	0,505657
RNU2-28P	0,00	0,00	0,00	1,23	0,3200026	0,505728
RNU6-225P	0,00	0,00	0,00	2,06	0,3200336	NA
FAM175A	3,23	1,62	3,23	2,47	0,3200465	0,505762
PRKRA	5,40	4,47	4,22	4,71	0,3201261	0,505837
AZIN2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3201394	0,505837
CTD-2545M3.8	0,00	0,00	1,25	3,58	0,3202107	0,505899
RP11-861E23.2	0,64	0,70	0,66	0,61	0,3202247	0,505899
ABCA9	2,00	2,32	1,67	2,60	0,3203328	0,506034
U52111.14	0,00	0,37	0,00	0,00	0,3203505	NA
PIANP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3203727	NA
RP11-661D19.3	0,33	0,00	0,00	0,70	0,3204474	0,50605
ARMC10	3,28	2,52	3,44	2,03	0,3204906	0,50605
CTSS	9,10	8,08	8,73	8,99	0,3204907	0,50605
ZMYND11	1,74	3,37	2,44	1,63	0,3204935	0,50605
RN75KP163	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3205083	0,50605
RWDD2B	3,61	3,39	3,32	2,49	0,3205151	0,50605
HMGCS1	4,56	3,18	4,57	3,22	0,3205193	0,50605
PCTP	2,30	3,22	3,76	1,62	0,3205247	0,50605
ZNF497	0,59	0,41	0,48	0,24	0,3205837	0,506107
CTD-3065J16.6	0,00	0,11	0,00	0,00	0,3206029	NA
RN75KP247	0,00	0,00	0,14	0,76	0,3206162	NA
MCUR1	3,03	2,18	2,91	2,29	0,3206432	0,506116
SENP5	3,61	2,27	2,98	3,27	0,3206506	0,506116
TOMM22	6,14	5,88	5,79	5,45	0,3206847	0,506116
AC018642.1	0,25	0,22	0,49	0,22	0,3206887	0,506116
MIR548C	5,98	6,92	5,54	5,26	0,3207258	0,506116
MIR548Z	5,98	6,92	5,54	5,26	0,3207258	0,506116
AKR1C4	0,00	0,36	0,00	0,00	0,3207616	0,506136
MCM6	2,61	2,20	1,98	0,59	0,3207977	0,506157
RP11-452H21.2	0,58	1,08	1,33	1,52	0,3209177	0,506311
POC1B-GALNT4	0,00	1,60	0,01	0,00	0,3210026	0,506389
NIF3L1	3,40	0,52	1,92	2,45	0,3210174	0,506389
NOP58	6,75	6,10	6,32	5,29	0,321036	0,506389
LOC440461	0,00	0,00	0,00	0,00	0,321067	0,506402
GMCL1	3,06	3,37	3,06	3,23	0,3213085	0,506747
TSKS	0,00	0,40	0,00	0,00	0,3213863	NA
VN1R2	0,04	0,12	0,13	0,22	0,3213946	0,506847
RP11-489O18.1	2,23	0,36	2,23	1,20	0,321422	0,506854
RP11-420K14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3214605	0,506879

CCDC28B	4,05	1,97	3,58	2,40	0,3214885	0,506887
RP11-10J21.6	0,00	1,93	0,00	0,00	0,3215383	0,50693
RILPL2	3,83	4,24	4,14	2,99	0,3215988	0,50697
AP1B1	3,93	4,27	4,39	3,73	0,3216595	0,50697
CLDN9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3216632	0,50697
RGL1	1,03	1,15	2,31	1,70	0,321665	0,50697
RNF185	1,07	0,16	1,34	2,69	0,3216779	0,50697
ATP2C2	0,00	0,18	0,00	0,00	0,3217518	0,50705
COL23A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3217876	0,507071
CCDC120	0,18	0,10	0,08	0,18	0,3218511	0,507135
ST20	3,40	3,29	3,16	4,03	0,3218935	0,507139
PEX10	0,00	1,54	0,49	0,00	0,3219103	0,507139
DPH6	2,98	2,53	2,22	2,20	0,3219217	0,507139
PLA2G4F	0,00	0,02	0,00	0,05	0,3220779	0,507349
POTEH	0,13	0,16	0,09	0,07	0,3222096	0,50752
PI4K2A	2,03	1,64	2,55	2,74	0,3222792	0,507575
MVB12A	4,31	1,14	3,74	4,16	0,3222904	0,507575
CRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3223444	0,507606
BAZ1B	3,55	3,68	2,95	2,35	0,3223694	0,507606
RP4-552O12.2	1,14	1,38	1,40	1,24	0,3223782	0,507606
ARRB2	5,49	5,30	5,71	5,58	0,3224193	0,507634
RP5-998N21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3224895	NA
AARS	2,80	1,60	2,65	2,03	0,3226631	0,507982
RP11-369L4.1	0,00	0,00	0,00	0,74	0,3227152	NA
CTA-992D9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3227348	0,508031
AC022007.5	0,93	1,81	1,41	1,95	0,3227399	0,508031
RP11-464O2.2	0,08	0,00	0,02	0,32	0,3228546	0,508144
GINS2	0,14	0,41	0,10	0,16	0,3229096	0,508144
FGFBP2	0,00	0,14	0,34	3,82	0,3229193	0,508144
XXyac-YRM2039.3	0,78	1,09	0,68	0,58	0,3229341	0,508144
RP11-107O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3229486	NA
ESRRA	1,36	3,49	1,71	1,30	0,3229495	0,508144
CTC-564N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3229695	0,508144
TRMT1L	3,17	2,87	1,78	1,39	0,3229847	0,508144
RHOU	2,68	0,60	1,85	0,80	0,3229952	0,508144
GTDC1	0,44	0,57	0,75	0,61	0,3230171	0,508144
AC020594.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3230716	0,508149
PFKFB4	0,31	0,00	1,05	2,15	0,3230885	0,508149
SNORD59A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,323089	0,508149
VRK1	4,13	4,51	3,80	2,93	0,323115	0,508154
SLC3A1	0,40	0,64	0,37	0,43	0,3233782	0,508532
BMS1	3,07	2,77	2,81	1,28	0,3234795	0,508646
RP11-795F19.1	0,56	0,40	0,61	0,24	0,3234967	0,508646
RP11-255G21.1	0,09	0,00	0,00	0,06	0,3235408	0,50868
SAMD3	2,45	3,79	0,98	2,67	0,3235996	0,508728
TBL1X	4,13	2,11	3,68	4,17	0,3236175	0,508728
CCDC90B	5,52	5,94	5,30	5,28	0,3237846	0,508955
RP1-59D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3238352	0,508972
UBQLN2	3,16	1,95	2,04	1,95	0,3238414	0,508972
RP11-307L3.2	0,00	0,45	0,00	0,00	0,3239368	NA
AC006145.4	3,57	4,02	4,14	2,99	0,3239565	0,509088
AC003077.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3239611	0,509088
RP11-390F4.8	0,18	0,00	0,03	0,00	0,324003	0,509096
RP3-496C20.1	0,12	0,00	0,53	0,34	0,3240118	0,509096
DSCAM	0,00	0,12	0,00	0,03	0,3240827	0,509144

RPP25	0,04	0,28	0,05	0,04	0,3240883	0,509144
RP11-538I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,324099	NA
AC009487.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3241706	NA
GS1-324M7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3241979	0,50928
SYCP2L	0,31	0,21	0,70	0,24	0,3242665	0,509335
WDR37	2,46	2,50	3,09	2,91	0,3242788	0,509335
HERPUD2	4,03	2,91	3,01	3,27	0,3243115	0,509351
JAM2	0,39	1,52	0,19	0,34	0,3243459	0,509365
RP11-504P24.3	2,68	1,53	3,00	3,07	0,3243667	0,509365
PPIL6	0,27	0,31	0,33	0,40	0,3245544	0,509624
RP11-501O2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3246394	NA
CTB-77H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3246455	NA
MED24	4,20	1,49	4,53	4,45	0,3246976	0,509813
RP11-611O2.3	0,52	0,00	0,35	0,00	0,3247855	0,509915
ADAMTS7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3249089	NA
SUPT6H	3,20	4,18	3,94	3,48	0,3249749	0,510163
GPM6B	0,11	0,10	0,21	0,20	0,3249896	0,510163
ZNF114	0,55	2,00	0,80	1,65	0,3250497	0,510222
ENDOV	4,99	5,05	4,39	4,95	0,3250746	0,510225
SLC25A14	3,44	5,49	1,56	0,94	0,3251037	0,510234
CREBL2	3,65	3,11	3,32	1,72	0,3251453	0,510264
ACBD6	4,30	2,57	4,82	4,82	0,3251683	0,510264
RP11-20I23.6	1,69	2,94	2,93	4,02	0,3253829	0,510542
RP11-333I13.1	0,10	0,35	0,12	0,46	0,3253918	0,510542
CTD-2234N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3254231	NA
MARCH8	3,41	2,53	2,81	2,75	0,3254526	0,510602
CYP4A22	0,00	0,01	0,00	0,00	0,3255158	0,510665
RP11-171I9.1	0,88	0,00	0,00	0,00	0,325597	NA
CSNK1G3	3,26	3,29	3,23	3,95	0,3256053	0,510769
UQCRFS1	6,28	5,93	5,84	5,52	0,3257764	0,510938
TMEM185A	2,96	3,37	2,24	3,06	0,3257987	0,510938
UPF2	3,54	3,26	3,29	3,70	0,325812	0,510938
RP11-218M11.7	1,42	2,27	1,75	2,72	0,3258599	0,510938
RP11-173A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,325869	0,510938
LYRM1	3,64	1,64	2,32	3,38	0,3258718	0,510938
RGS14	4,82	4,71	4,89	4,02	0,3258817	0,510938
RP13-20L14.10	0,00	0,24	0,00	0,00	0,325898	0,510938
TAF9B	3,29	1,61	2,51	3,49	0,3259557	0,510938
RAB1B	4,56	5,05	4,35	3,86	0,3259699	0,510938
AMER3	0,02	0,04	0,00	0,08	0,3259886	0,510938
RP11-391A7.1	0,17	0,25	0,12	0,34	0,3259888	0,510938
CTD-2017C7.1	1,12	0,84	0,86	0,86	0,3262217	0,511267
CTD-2021H9.3	0,00	0,95	0,00	0,00	0,3262664	NA
ARL11	2,24	2,27	1,01	1,65	0,3262993	0,511134
DCC	0,00	1,26	0,00	0,21	0,3263145	0,511134
ZNF212	2,43	0,86	1,47	0,72	0,3263673	0,511387
NID1	0,02	0,23	0,42	0,67	0,3263948	0,511394
RP11-363E7.4	0,00	0,00	0,00	0,06	0,3263969	NA
ISYNA1	0,08	0,29	0,69	0,00	0,3264641	0,511448
RN7SL230P	0,36	2,72	0,00	0,78	0,3264755	0,511448
RUFY2	3,39	2,29	3,71	2,12	0,3265036	0,511456
SLC30A10	0,03	0,04	0,03	0,14	0,3265975	0,511565
FAM229A	0,24	0,64	1,79	0,62	0,3266483	0,511565
CHAF1A	1,85	1,19	1,89	2,16	0,3266619	0,511565
RP11-133F8.2	0,95	1,62	1,24	0,70	0,3266953	0,511565

RP11-532F6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3267017	0,511565
ACOT1	0,21	0,00	0,00	0,00	0,3267112	0,511565
NRIP1	4,47	1,96	5,12	3,88	0,3267893	0,511651
PHLDA3	0,00	0,28	0,07	0,21	0,3268504	0,511691
GPN2	3,17	1,21	1,85	0,83	0,3268605	0,511691
RP11-734I18.1	0,00	0,00	0,00	0,26	0,3269716	0,511799
RP11-380P13.2	0,45	0,46	0,19	0,00	0,3269756	0,511799
RALGAPB	3,04	3,73	2,73	2,03	0,3271014	0,511932
DNAJC17	4,45	2,97	4,97	4,26	0,3271064	0,511932
HECTD4	3,78	3,81	3,86	3,41	0,3271326	0,511937
PDF	0,00	0,00	0,22	0,00	0,3272113	0,512024
ZW10	1,54	0,09	0,57	1,95	0,3272544	0,512034
RP11-586D19.1	0,15	0,16	0,23	0,28	0,3272637	0,512034
LDHAL6A	0,15	0,31	0,50	0,99	0,3273338	0,512107
AP000235.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3273667	NA
RP11-404O13.4	0,00	0,00	0,00	0,47	0,327434	0,512228
BCL6B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3274796	NA
LIMS4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3275008	NA
RP11-82O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3275428	0,512292
CCDC191	1,59	0,33	1,31	3,02	0,3275552	0,512292
AP5B1	0,23	0,48	0,38	1,11	0,3275823	0,512292
RP11-580I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3275835	0,512292
HABP4	0,05	0,03	0,33	0,04	0,3275905	0,512292
ZNF682	0,22	0,14	0,35	0,28	0,3276788	0,512394
HNRNPD	6,59	6,63	6,28	6,14	0,3277597	0,512485
BICC1	0,14	0,29	0,17	0,27	0,3278301	0,512559
NOMO1	2,99	1,87	3,20	2,22	0,3278806	0,512602
RP11-274B21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3279215	0,51263
RP11-574F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3279604	0,512654
FOXK2	4,57	3,73	4,90	3,91	0,328017	0,5127
PDCD10	5,94	3,67	5,07	5,38	0,3280559	0,5127
WDR55	3,46	2,18	3,07	1,92	0,3280587	0,5127
RP11-575L7.4	2,08	3,73	1,87	1,34	0,328138	0,512788
CTD-2258A20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3281702	NA
RP11-196G11.4	0,00	1,13	0,00	2,17	0,3282109	0,512866
AC002115.7	0,55	1,12	0,63	0,28	0,3282491	0,512889
LLNLF-158E9.1	0,76	2,23	0,79	0,45	0,3286338	0,51342
RP13-15M17.1	0,00	0,36	0,15	1,95	0,3286347	0,51342
ANKRD46	2,46	3,60	0,90	0,05	0,3286747	0,513446
AF196972.3	2,04	0,00	0,00	0,00	0,3287731	0,513564
CD164L2	0,00	0,00	0,00	0,11	0,3288172	0,513593
HTR3B	0,55	0,80	0,47	0,49	0,3288382	0,513593
UBE3C	3,47	4,12	3,77	2,90	0,3288668	0,5136
RP11-165J3.6	0,00	0,00	0,00	0,07	0,3288975	0,5136
RPLP1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3289117	0,5136
PRKXP1	0,00	0,15	0,00	0,00	0,3289559	0,513632
E2F3	1,85	1,99	3,07	1,84	0,3289988	0,513656
RP3-468B3.3	0,53	1,11	0,94	1,30	0,3290174	0,513656
HP	0,15	1,88	0,24	0,80	0,3290518	0,513674
AC007276.5	0,08	0,00	0,18	0,00	0,329077	0,513677
GGNBP1	2,01	4,52	1,84	0,00	0,329115	0,5137
TEX12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3291417	0,513706
RPUSD1	2,37	0,31	2,32	0,48	0,3291785	0,513727
AC140481.1	1,32	0,00	0,81	0,75	0,329234	0,513778
RP11-440G9.1	0,47	0,00	0,00	0,74	0,3293398	0,513907

AC073869.1	0,00	0,05	0,00	0,00	0,3294207	NA
SCIMP	6,08	4,44	5,50	5,55	0,3294822	0,514091
SSH3	1,42	3,15	2,16	3,45	0,329504	0,514091
RN7SL414P	0,00	0,00	0,00	0,82	0,3295108	NA
RP11-252E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,329522	NA
MSRB3	0,35	0,46	0,99	0,49	0,329552	0,514111
SLFN13	1,82	1,03	1,55	1,40	0,3295627	0,514111
CTD-2184D3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3297469	NA
RP11-803F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3297562	NA
SPTB	0,38	0,11	0,38	0,98	0,3298342	0,514498
RP11-550A5.2	2,13	0,96	1,91	0,77	0,3300458	0,514788
RP11-651P23.5	0,80	0,78	0,92	2,82	0,3300668	0,514788
ALOX15	0,17	0,38	0,00	0,06	0,3301382	0,514864
STAC2	0,31	0,07	0,24	0,44	0,3301676	0,514873
RP11-656D10.6	0,00	0,00	0,00	0,92	0,3302037	0,514877
KAT6A	2,94	3,99	2,50	2,67	0,3302265	0,514877
SMPD2	3,50	1,89	2,46	1,43	0,3302393	0,514877
MIR570	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3302723	0,514892
RP11-496D24.1	0,00	0,83	0,00	0,79	0,3303998	NA
PCSK7	3,78	4,32	3,77	3,15	0,3304333	0,515026
ARGFX	0,00	0,03	0,00	0,15	0,3304339	NA
TMEM184B	2,09	1,35	1,83	1,75	0,3304355	0,515026
RP11-504P24.2	0,76	0,99	1,54	1,23	0,3304413	0,515026
C16orf86	0,04	0,12	0,22	1,25	0,330451	0,515026
ING2	2,35	2,30	1,54	3,24	0,3305707	0,515167
DSG3	0,05	0,21	0,04	0,00	0,3305959	0,515167
VPS37A	4,49	0,35	3,55	2,63	0,3306241	0,515167
FKBP11	3,42	3,66	3,17	2,07	0,330634	0,515167
FARP2	4,55	4,03	3,90	1,37	0,3306761	0,515196
C17orf63	2,39	0,87	1,67	2,65	0,3307219	0,515232
TMEM65	2,03	0,37	1,58	1,16	0,3307545	0,515246
RP11-387A1.6	0,06	0,00	0,08	0,06	0,3308158	0,515306
MAFG	1,99	3,03	2,21	2,70	0,3308795	0,515369
RP11-977B10.2	1,41	0,21	0,60	0,18	0,3309557	0,515451
AC091969.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3309678	NA
PAM16	4,62	5,95	4,71	4,82	0,3310138	0,515493
RP11-386J22.3	2,20	1,22	2,41	1,80	0,3310402	0,515493
AC064852.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3310521	0,515493
RP11-398E10.1	0,36	0,88	0,52	0,41	0,3313071	0,515854
CTC-426B10.1	0,65	1,25	0,37	0,02	0,331357	0,515896
AC027612.3	1,53	0,00	0,90	1,50	0,3315594	0,516175
UGT2A1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3316047	NA
RP11-54B9.2	0,00	0,12	0,00	0,10	0,3316407	NA
RP1-20N2.8	1,88	0,23	0,62	0,60	0,3316674	0,516307
RP11-446J8.1	0,38	0,87	0,00	0,00	0,3318538	0,516561
AC002117.1	1,09	0,00	0,86	0,00	0,3318876	0,516577
PRR12	0,00	0,00	0,25	0,10	0,3319642	0,516666
ELFN2	0,00	0,03	0,00	0,00	0,3321294	NA
DENND4B	5,52	6,11	5,34	5,18	0,3321698	0,516936
RP11-455F5.6	0,16	0,35	0,28	0,34	0,3321878	0,516936
MPI	3,67	2,11	3,50	2,29	0,332249	0,516995
SLC17A9	2,88	2,79	3,34	3,13	0,3323156	0,517062
GBP6	1,57	1,27	1,85	1,29	0,3323533	0,517065
POLE	2,31	1,88	2,65	3,84	0,332364	0,517065
RNF212B	0,00	0,00	0,00	0,15	0,3323748	NA

RP11-453E17.1	0,99	1,25	1,01	0,95	0,3324043	0,517091
LEPROTL1	6,04	5,86	6,57	5,66	0,3324462	0,51712
AC010761.13	1,00	5,45	0,36	1,89	0,3324968	0,517163
FBXO28	3,68	1,81	2,12	2,16	0,3325404	0,517194
RN7SL731P	2,52	4,31	1,15	2,77	0,3327092	0,517421
TBC1D30	0,05	0,05	0,35	0,86	0,3327428	0,517437
C15orf57	5,54	3,95	4,40	3,56	0,332849	0,517566
N4BP2L2-IT2	0,62	0,03	0,05	0,05	0,3328857	0,517587
RP1-97J1.2	0,00	1,46	0,00	0,00	0,3329913	0,517715
NUDT21	5,20	5,40	4,70	4,51	0,3330554	0,517778
OR9A2	0,00	0,15	0,00	0,00	0,3330821	NA
RP11-96D1.3	0,00	0,00	0,27	0,00	0,3331855	NA
TMEM191B	0,67	0,10	0,11	1,45	0,3332286	0,518011
RP11-510M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3333866	0,518163
PML	3,44	2,91	3,94	3,21	0,33339	0,518163
KIAA0922	4,31	3,28	4,08	3,87	0,3333966	0,518163
KIAA1715	2,08	1,27	2,57	1,85	0,3334252	0,518163
WDR54	5,70	2,70	4,50	3,84	0,3334426	0,518163
CTC-480C2.1	0,07	0,23	0,00	0,00	0,3334715	NA
TPD52L2	4,64	4,71	5,40	4,95	0,3335188	0,518245
DHPS	5,87	5,68	5,59	5,42	0,3335421	0,518245
CTD-2195M18.1	0,03	0,05	0,05	0,00	0,3336806	0,518424
EDDM13	1,09	0,00	1,12	0,00	0,3337717	0,518514
RP4-739H11.4	0,07	0,00	0,19	0,08	0,3337851	0,518514
IL1R1	2,24	2,60	1,00	2,18	0,3338478	0,518557
AC004057.1	7,49	7,21	7,61	7,84	0,3338599	0,518557
RPL10P15	0,00	1,64	0,95	0,68	0,3339676	NA
C5orf55	0,00	0,10	0,09	0,38	0,3340157	0,518721
RNU7-133P	0,00	0,00	3,84	0,00	0,3340174	0,518721
RP11-2C24.7	0,00	2,43	0,00	0,00	0,3340356	0,518721
NR4A2	6,41	6,44	6,73	5,86	0,3340641	0,518729
TMEM86B	1,94	0,00	2,20	2,20	0,3341505	0,518827
NRG2	0,00	0,07	0,00	0,00	0,3341951	0,51886
WFDC3	0,00	0,00	0,07	0,57	0,334245	0,518902
RP3-430N8.11	0,00	1,89	0,00	0,00	0,3342621	NA
MLLT1	1,58	0,33	1,99	2,93	0,3342745	0,518911
RP11-719K4.4	0,00	1,00	0,00	0,00	0,3343114	NA
ZBED3-AS1	2,31	2,73	2,31	1,90	0,3344389	0,51913
SNX4	4,29	5,04	3,67	3,01	0,3344698	0,519142
NUDCD1	3,01	2,89	2,00	1,64	0,3346821	0,519435
RP11-159D12.8	0,89	1,84	0,71	1,06	0,3347073	0,519438
CCDC157	0,60	1,87	1,00	0,46	0,3347663	0,519493
RP11-546B15.1	1,36	0,00	0,00	0,00	0,3347941	0,5195
RP11-124A7.2	0,00	0,83	0,00	1,32	0,3348134	NA
MIPEP	1,99	3,96	0,49	0,48	0,3348932	0,519618
SLC35A4	4,68	2,98	4,40	3,87	0,3350408	0,5198
POLA2	2,29	2,33	3,94	2,59	0,3350576	0,5198
HLA-E	8,12	8,25	8,07	8,22	0,335146	0,519861
TMEM191A	2,78	0,93	3,30	3,96	0,3351597	0,519861
PCMTD2	4,84	3,37	3,78	3,94	0,335167	0,519861
TST	5,00	3,28	4,57	5,31	0,3352067	0,519886
CCL16	0,13	0,57	0,37	1,09	0,335237	0,519897
FAM98A	1,38	0,15	1,70	2,22	0,3353218	0,519975
SNAI1	1,22	0,24	1,74	0,00	0,3353339	0,519975
ARHGAP33	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3353791	0,520008

GPD2	2,65	2,15	2,66	2,10	0,335423	0,52004
MIER3	2,42	2,17	1,23	0,52	0,3354913	0,52011
LINC01374	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3355622	0,520183
SLC25A17	3,28	0,87	2,03	1,74	0,335599	0,520204
RP11-500M8.7	4,29	3,77	1,98	0,91	0,3356308	0,520217
AF228730.14	0,45	0,78	0,80	0,41	0,3356693	0,520222
FAN1	1,44	0,00	0,55	0,05	0,3356805	0,520222
RP5-928E24.4	0,00	0,00	0,00	0,08	0,3357581	NA
CTD-2384A14.1	0,00	0,00	0,00	0,28	0,3357984	NA
CEBPA-AS1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,3358265	0,520391
RP11-717F1.2	0,17	0,06	0,23	0,12	0,3358365	0,520391
CTD-2653M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3358848	0,520429
KCNIP4-IT1	0,29	0,24	0,35	0,25	0,335953	0,520467
RAB3A	0,54	0,00	1,38	0,26	0,3359664	0,520467
RP11-447D11.2	0,27	1,16	0,56	0,58	0,3359792	0,520467
RP11-259N19.1	0,83	1,97	0,37	0,42	0,3361192	0,520617
GTSE1	1,31	1,76	1,19	0,93	0,3361229	0,520617
AC131097.3	0,42	0,00	0,37	0,61	0,3361617	0,520641
FTCD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3361677	NA
NEXN-AS1	0,05	0,19	0,08	0,17	0,3362074	0,520675
CTC-513N18.6	0,00	0,21	0,23	0,40	0,3362601	0,52072
RN7SL387P	0,78	0,92	1,01	2,01	0,3363994	0,5209
RP11-181F12.1	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3364507	NA
BCORP1	0,06	0,04	0,07	0,14	0,3365122	0,521038
CPSF6	4,68	4,62	4,69	3,67	0,3366356	0,521164
TFDP1	3,41	2,89	3,43	2,86	0,3366495	0,521164
ZNF267	4,08	4,28	4,49	4,30	0,3366638	0,521164
RP11-495P10.1	0,85	0,52	0,70	1,24	0,3367139	0,521205
SMYD4	2,55	1,50	1,48	2,46	0,3367515	0,521214
LA16c-OS12.2	0,00	0,00	0,17	1,42	0,3367661	0,521214
SLC7A2	0,00	0,00	0,02	0,00	0,3368099	NA
RP11-428O18.6	1,94	2,10	2,26	2,41	0,3368137	0,521251
MVB12B	1,33	0,22	2,51	0,17	0,3368551	0,521256
HSD3B7	0,20	0,59	0,31	1,62	0,3368818	0,521256
SLC4A10	0,00	3,59	0,00	0,00	0,3368995	0,521256
RP11-837J7.4	0,48	0,00	0,00	2,24	0,336911	0,521256
SFTPB	0,47	0,39	0,81	0,82	0,3369685	0,52127
ZNF284	1,24	0,76	0,46	0,20	0,3369738	0,52127
RN7SL38P	0,00	0,00	0,00	1,22	0,3369902	NA
CENPE	0,69	0,08	0,37	0,24	0,3369914	0,52127
TASP1	3,66	2,14	3,24	0,84	0,3370268	0,52127
MTMR2	2,02	0,69	1,14	0,19	0,3370373	0,52127
RBM23	5,41	4,20	5,34	6,04	0,337061	0,521271
MROH8	0,65	0,59	0,50	0,15	0,3371333	0,521346
CTD-2339M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,337169	0,521365
CTDSPL2	3,29	0,96	3,04	3,68	0,3372849	0,521481
THAP1	2,72	0,74	2,73	0,53	0,3372911	0,521481
USP35	0,00	0,00	0,00	0,91	0,3373265	0,521495
SNORA7A	0,00	2,30	0,00	0,00	0,3373355	NA
PALD1	0,02	1,43	0,37	0,00	0,3373618	0,521495
RP11-165M6.1	0,28	1,51	0,12	0,07	0,3373701	0,521495
GNB1L	0,56	4,31	0,95	0,49	0,3375097	0,521674
RN7SL822P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3376212	NA
AL121653.4	0,51	0,12	0,35	0,57	0,3376695	0,521855
MYCNOS	0,63	1,16	0,67	1,71	0,337691	0,521855

SLC37A4	0,04	0,05	0,15	0,07	0,337697	0,521855
CABLES1	0,00	0,35	0,00	0,00	0,3377574	0,521912
E2F1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3377972	0,521934
AC073052.1	0,21	0,00	0,11	0,00	0,3378353	0,521934
RP11-82L7.4	0,00	0,00	0,00	1,51	0,3378636	0,521934
AC006132.1	0,00	0,21	0,00	0,00	0,337866	0,521934
FDXR	0,00	0,00	0,08	0,32	0,3379197	0,521981
RNU6-1057P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3379228	NA
RP13-735L24.1	0,00	0,00	0,02	0,00	0,3379357	NA
RP11-540K16.1	0,00	2,86	0,00	2,78	0,3379658	0,522016
CSPG4P10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3380086	NA
LARP1B	1,50	1,39	1,96	0,70	0,3380223	0,522067
RP11-182I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3381286	0,522195
RNU1-46P	2,13	0,00	1,84	0,00	0,3381868	0,522249
CTD-2218G20.1	0,00	1,50	0,00	0,00	0,3382907	NA
C8orf58	0,44	0,78	0,20	0,47	0,3383061	0,522383
UTP15	2,78	0,98	1,13	1,40	0,3383208	0,522383
RNF216P1	3,39	2,83	2,75	3,67	0,3384235	0,522505
RP4-753D10.5	0,52	0,00	0,32	1,05	0,338471	0,522542
RP1-158P9.2	0,10	0,54	0,10	0,27	0,3386314	0,522724
KAT2A	3,76	3,70	4,06	3,61	0,3386356	0,522724
CTC-277H1.6	0,23	0,76	0,33	0,69	0,3386608	0,522726
UBN2	2,79	2,28	2,11	2,81	0,3387126	0,52277
bP-21201H5.1	0,34	1,50	0,34	0,52	0,3387702	0,522823
LRRC8C	3,65	4,36	3,01	3,89	0,3388325	0,522882
PPP1R15A	6,12	6,17	6,43	6,02	0,3389993	0,523059
AC093590.1	0,00	0,39	0,00	1,20	0,3390116	0,523059
SYTL3	2,67	3,74	2,94	2,94	0,3390178	0,523059
ZNF670	0,08	0,07	0,09	0,18	0,3390795	0,523118
RP13-49I15.5	0,95	0,61	0,62	1,63	0,3391405	0,523176
AC016735.1	0,00	2,90	0,00	0,00	0,3393326	0,523416
NHSL2	2,04	2,89	1,67	2,23	0,3393636	0,523416
RP11-297N6.4	0,73	0,90	0,91	1,25	0,3393669	0,523416
RP11-697H9.3	1,06	1,29	1,43	0,52	0,3394128	0,523451
RP11-33A14.1	0,21	0,00	0,03	0,12	0,3394458	0,523465
MRPS34	6,14	5,61	6,08	6,12	0,3395407	0,523575
RAP2A	3,42	1,16	3,01	2,56	0,3395909	0,523616
FAM78B	0,03	0,00	0,00	0,05	0,339635	NA
PA2G4P4	0,00	0,00	0,24	0,00	0,3396695	0,52369
RP5-1112D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3397006	0,52369
AC012513.6	0,72	0,57	0,90	0,79	0,3397093	0,52369
PRPS1	3,40	2,71	2,62	3,87	0,3398276	0,523816
CTD-2196E14.3	0,00	0,00	0,00	0,65	0,3398379	0,523816
ALS2CR11	0,00	0,00	0,00	0,70	0,3399459	0,523925
TMEM41B	3,07	0,94	2,75	2,23	0,3399561	0,523925
RN7SL382P	0,00	0,00	2,42	2,89	0,340001	0,523958
AC136289.1	0,53	0,66	0,70	1,11	0,3400381	0,523979
AC005264.2	0,32	0,43	0,74	0,84	0,3401886	0,524174
AC010127.5	1,14	0,00	0,00	0,06	0,3402332	0,524207
PDXP	3,07	2,38	3,72	2,26	0,3403472	0,524346
MAP4K3	4,29	3,47	3,30	3,62	0,3403942	0,524382
CTA-286B10.8	0,00	0,00	0,18	0,00	0,3404735	NA
IZUMO2	0,54	0,98	0,32	0,50	0,3404907	0,524494
IL18RAP	1,87	0,59	0,04	0,17	0,3405167	0,524498
PCSK6-AS1	0,31	0,73	0,00	0,00	0,3405718	NA

RP11-73B2.7	0,00	0,00	0,00	0,04	0,3406723	0,524701
ZSCAN21	1,02	0,31	0,88	0,71	0,3407585	0,524798
SF3B5	7,99	8,11	7,93	8,06	0,3408964	0,524974
RP11-459O16.7	0,00	0,86	0,00	0,00	0,3410159	NA
TPST2	3,48	4,54	3,97	3,18	0,3410686	0,525203
RP11-1060G2.2	0,04	0,19	0,32	0,09	0,3411814	0,52534
ACO12314.20	0,00	0,00	0,49	0,00	0,3412412	0,52538
SERPINB9	3,52	2,14	3,09	2,55	0,3412892	0,52538
RP11-98D18.9	0,76	0,32	0,80	0,77	0,3412893	0,52538
RP11-666I19.2	0,00	0,00	0,00	0,70	0,3413274	NA
CCBL1	1,62	0,35	1,06	0,75	0,34133	0,52538
RP11-486M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3413453	0,52538
CTD-2006C1.13	0,56	0,73	0,74	1,76	0,3413492	0,52538
RP11-168P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3414098	0,525437
MAPT	0,10	0,33	0,10	0,03	0,3417063	0,525826
RP11-304M2.2	0,00	0,28	0,10	0,12	0,3417101	0,525826
ACO10127.3	2,71	3,93	2,05	0,77	0,341769	0,525869
FUT6	0,04	0,25	0,06	0,06	0,3418154	0,525869
FBXO8	2,88	0,28	1,25	1,77	0,3418421	0,525869
MFAP1	1,82	0,06	1,52	2,25	0,3418542	0,525869
ACO68522.4	0,00	0,00	0,68	0,00	0,3418845	0,525869
RP11-445N18.2	0,30	0,60	0,34	0,61	0,3419032	0,525869
CYCSP40	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3419051	0,525869
RP11-576N17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3419156	NA
TFE3	2,50	2,38	2,27	3,33	0,3419423	0,525869
CTC-479C5.10	0,08	0,07	0,02	1,14	0,3419508	0,525869
RP11-180I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3419846	0,525884
YY2	0,08	0,00	0,08	0,06	0,3421555	0,526009
OR6B1	0,13	0,22	0,13	0,41	0,3421628	0,526009
NPIPA3	0,00	0,00	0,00	0,31	0,3421665	0,526009
RP11-479O16.1	0,83	0,90	1,52	0,77	0,3421726	0,526009
RP11-488I18.10	4,75	4,05	4,09	4,12	0,3422046	0,526009
RP11-507B12.2	0,29	0,63	0,40	0,28	0,3422383	0,526009
ZNF233	1,07	1,73	1,08	1,24	0,3422486	0,526009
COG2	3,70	3,03	3,21	2,47	0,3422551	0,526009
MTX3	1,06	0,28	0,55	0,21	0,342363	0,526139
APOB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3424343	NA
ACO06296.3	0,72	0,25	1,50	2,20	0,3424684	0,526264
RP11-291I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3424799	NA
FAM72B	1,07	0,00	1,03	0,52	0,3425423	0,526279
CTNBL1	5,81	2,70	5,70	5,28	0,3425741	0,526279
TXNRD1	4,94	4,88	5,01	3,04	0,3425818	0,526279
ARHGAP18	3,50	0,84	2,89	2,80	0,3425823	0,526279
ZCCHC3	1,88	1,11	2,20	0,49	0,3425964	0,526279
ACO92301.3	0,00	0,00	0,00	0,67	0,3426526	NA
RP11-416A17.6	1,17	1,27	3,78	2,60	0,342655	0,526322
PAQR8	2,24	0,96	1,85	2,47	0,3426715	0,526322
RP11-489P20.1	0,00	0,00	0,37	0,00	0,3426865	NA
INTS4	4,36	3,03	3,81	3,53	0,3427798	0,526429
ACO12309.5	0,19	0,00	0,00	0,18	0,3427889	0,526429
ACO12123.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3428528	NA
SLC28A3	0,00	0,00	0,00	0,02	0,3428695	NA
RNPEPL1	4,30	4,12	5,08	3,94	0,3428961	0,526533
RP1-256G22.1	0,00	0,00	0,00	0,15	0,342897	NA
GRM4	0,03	0,00	0,06	0,10	0,342904	0,526533

UBAP1	3,66	1,11	3,47	1,40	0,3429281	0,526534
RP11-35J10.7	1,80	0,51	0,55	0,49	0,3429835	0,526571
RP3-322G13.7	0,00	0,40	0,00	0,00	0,3429998	0,526571
PDZD2	0,11	0,21	0,34	0,05	0,343042	0,526599
MED14	3,88	3,90	4,16	1,99	0,3431111	0,526669
GPC5-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,343156	NA
XXyac-YX155B6.5	1,44	1,12	1,43	1,17	0,3432647	0,526751
CTU2	1,94	0,00	2,52	0,72	0,3432662	0,526751
OR8D1	0,14	0,28	0,03	0,16	0,3432805	0,526751
RP11-385E5.5	0,91	0,96	0,43	0,73	0,3432881	0,526751
RP11-382J24.2	0,00	2,01	0,00	0,89	0,3432896	0,526751
MRPL47	5,07	4,00	4,94	3,11	0,3433105	0,526751
ZNF467	3,49	4,61	4,32	4,49	0,3433303	0,526751
RP11-326C3.14	1,60	0,00	1,80	3,85	0,3434152	0,526845
PRKACB	4,19	4,61	3,55	3,00	0,3435414	0,52697
PTPRO	3,63	0,22	2,71	0,88	0,3435703	0,52697
GPR135	0,57	0,08	0,19	0,23	0,3435982	0,52697
CCND3	7,18	6,35	6,60	6,78	0,3436113	0,52697
AC093415.2	3,13	2,12	3,41	2,71	0,3436155	0,52697
ARID1B	4,72	5,32	4,76	3,78	0,3436677	0,527014
SIGLEC18P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3437376	0,527085
RP11-279N8.3	0,59	0,48	0,85	0,36	0,3437694	0,527097
RP11-744N12.2	1,77	0,42	0,80	0,54	0,3439105	0,527277
WNK4	0,14	0,18	0,14	0,27	0,3439515	0,527304
RP1-102E24.10	0,00	0,59	0,28	2,66	0,3439974	0,527338
RPL15P20	0,32	0,00	0,28	0,00	0,3440168	NA
RB1CC1	4,05	3,23	3,59	3,19	0,3440846	0,527435
RP11-946P6.6	0,00	0,35	0,00	0,00	0,344112	NA
TMEM263	1,50	3,24	1,31	1,69	0,3441213	0,527455
AC004549.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3442529	0,52762
SEC16A	4,02	4,37	3,67	2,58	0,3442949	0,527648
RP11-1041F24.1	0,94	0,00	1,02	0,00	0,3443395	0,52768
RP11-711C17.2	0,00	0,38	0,00	1,96	0,3444184	0,527765
ACOT11	0,98	1,55	1,27	1,65	0,3444578	0,527789
CYP27B1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3446873	0,528104
NELL2	0,00	4,25	0,00	0,14	0,3447417	0,528151
RP11-15B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3447848	NA
ANKS6	1,15	0,14	1,88	1,62	0,344788	0,528185
RP11-773D16.1	5,26	4,14	5,13	5,09	0,3448888	0,5283
RP11-27J8.3	0,05	0,21	0,50	0,17	0,3449102	0,5283
RP11-416N2.4	0,32	0,71	0,40	0,24	0,344943	0,528303
RAB10	5,60	6,53	5,35	5,45	0,3449598	0,528303
EEF1B4	1,18	1,81	1,33	0,94	0,3450307	0,528371
CTA-113A6.2	0,00	0,63	3,06	1,60	0,3450521	0,528371
ELK1	0,89	0,28	1,27	1,63	0,3451283	0,528452
ZNF862	1,92	0,33	1,12	1,53	0,3452167	0,528519
RP11-805J14.3	0,31	0,00	0,10	0,00	0,3452197	0,528519
AC007880.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3452522	0,528532
CREB3L2	3,44	4,25	3,17	2,89	0,345336	0,528624
RP11-288L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3453657	0,528633
CTC-344H19.4	0,99	1,61	1,65	0,57	0,3453915	0,528636
RP11-894P9.1	1,13	1,50	1,50	1,03	0,3454845	0,528742
RP5-1042K10.10	0,63	2,40	1,58	2,57	0,3455531	0,528811
MAP10	0,06	0,07	0,05	0,00	0,3456133	0,528833
RP11-557L19.1	2,10	0,94	0,28	0,61	0,3456151	0,528833

SNORD38A	0,00	0,00	2,35	2,46	0,3456885	NA
OR4F4	0,00	0,29	0,00	0,00	0,3458344	NA
ILKAP	5,33	4,60	5,16	5,61	0,3460465	0,529456
PRR14L	3,73	3,56	3,49	3,13	0,3460832	0,529476
OR6M2P	0,05	0,00	0,00	1,08	0,3461163	0,52949
C20orf100	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3461465	0,5295
ZCCHC24	1,15	1,07	1,40	0,35	0,3462043	0,529539
HNRNPUL2	2,19	0,81	1,74	1,24	0,3462195	0,529539
NDUFS8	7,90	7,91	7,80	7,56	0,3463068	0,529603
RP11-977G19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3463229	0,529603
GAPT	6,52	5,25	6,15	5,55	0,3463333	0,529603
AC012442.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3464753	NA
RP11-316O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3465044	NA
RPE	4,71	1,17	3,60	5,01	0,3465309	0,529808
RAI1	0,82	0,32	0,57	1,58	0,3465336	0,529808
RP11-193H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3465394	0,529808
LPAR1	0,00	0,00	0,08	0,00	0,3465626	0,529808
BVES	0,28	0,21	0,23	0,30	0,3466155	0,529853
TEK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3466401	0,529854
GGA3	3,34	3,00	3,58	3,09	0,3467095	0,529915
RP4-547N15.3	0,24	0,22	0,20	0,32	0,3467278	0,529915
SLC2A6	2,42	3,51	3,93	2,89	0,3467689	0,529941
AC090602.1	0,00	0,38	0,00	0,00	0,3468402	NA
RP11-501M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3468695	0,530049
TAGAP	5,72	4,28	5,31	4,95	0,3469108	0,530049
AGPAT5	2,96	2,12	3,14	2,42	0,3469315	0,530049
RP1-313I6.12	2,85	3,60	2,57	3,38	0,3469488	0,530049
ADGRF1	0,92	1,47	1,13	1,23	0,3469607	0,530049
IL19	0,09	0,00	0,09	0,10	0,346992	0,530049
AF230666.2	0,34	0,43	0,04	0,23	0,3470063	0,530049
SLC35A1	4,64	4,13	4,18	5,49	0,3470619	0,530098
ADGB	0,47	0,04	0,24	0,52	0,3471656	0,530199
LARP6	0,02	0,18	0,05	0,03	0,3471908	0,530199
MYH7B	0,60	0,76	0,66	0,74	0,3472001	0,530199
RP11-244F12.2	0,52	0,49	0,63	1,24	0,3472538	0,530211
TMEM35	0,14	0,07	0,12	0,06	0,3472557	0,530211
LGALS9C	0,00	0,23	0,00	0,00	0,3474204	NA
KTN1	5,51	5,65	5,39	4,85	0,3474316	0,530444
EPHA4	2,43	1,92	2,46	3,41	0,3475306	0,530523
AC009505.2	0,65	0,36	0,06	1,88	0,3475312	0,530523
ICE1	2,56	1,59	2,70	2,46	0,3477105	0,530744
FAM90A1	0,00	0,06	0,08	0,00	0,3477572	0,530744
BGN	0,00	0,00	0,06	0,00	0,3477903	0,530744
PA2G4	6,05	5,66	5,57	4,70	0,347795	0,530744
ZNF582	0,00	0,00	0,01	0,00	0,3478209	0,530744
PAAF1	3,83	1,81	3,42	2,93	0,3478809	0,530744
TBRG4	4,45	5,42	4,16	5,08	0,3478847	0,530744
RP11-577B7.1	3,23	3,26	3,23	3,96	0,3478921	0,530744
HS2ST1	1,08	0,67	1,53	1,03	0,3479022	0,530744
GLB1L	1,67	1,26	1,91	1,78	0,3479224	0,530744
CLEC19A	1,28	1,96	1,35	1,26	0,3479389	0,530744
RP11-450H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,347984	0,530774
NOC4L	3,81	3,68	4,23	4,36	0,348006	0,530774
MTMR9L	0,00	0,05	0,04	0,06	0,348139	NA
CRELD2	3,74	3,06	4,11	4,25	0,3481892	0,531017

SYS1	4,36	4,49	3,09	4,34	0,3482564	0,531083
DGKQ	1,03	1,28	1,86	2,81	0,3482813	0,531084
AC004166.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3484135	0,531249
DNAJC16	3,14	1,51	1,73	1,58	0,3484374	0,531249
RP11-496N17.2	2,52	2,70	2,59	2,95	0,3484805	0,531279
P2RX5-TAX1BP3	1,33	0,76	1,04	0,74	0,3485302	0,531284
RP11-634B22.4	0,48	4,04	0,20	0,23	0,3485315	0,531284
RP11-783K16.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3486867	0,531363
ORC1	0,00	0,10	0,08	0,37	0,3487236	0,531363
RP1-224A6.8	0,35	0,00	0,43	0,00	0,3487471	0,531363
STAM	3,60	0,98	2,49	2,56	0,348749	0,531363
RABEPK	4,01	4,82	4,02	4,92	0,3487492	0,531363
TMCO6	2,48	2,83	1,73	3,45	0,3487494	0,531363
RP11-154D6.1	0,99	0,84	0,95	0,97	0,348751	0,531363
PALM	0,37	0,67	0,36	0,83	0,3488928	0,531507
DDX43	0,63	0,00	0,00	0,16	0,3489029	0,531507
RP11-342M3.5	0,00	0,04	0,21	0,73	0,3489222	0,531507
RN7SL582P	0,00	0,00	0,00	1,12	0,3489605	0,531507
USP32	5,62	5,07	5,09	3,83	0,348972	0,531507
DDX10	3,87	3,47	3,86	4,44	0,3489893	0,531507
VENTXP4	0,71	1,09	0,94	0,42	0,349015	0,53151
AF121898.1	0,10	0,08	0,10	0,11	0,3491179	0,531614
PRC1	2,74	3,63	3,60	2,53	0,3491736	0,531614
ADGRL3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,3491845	0,531614
RBMXL1	2,64	1,01	1,91	2,38	0,3491873	0,531614
RP11-676J12.4	0,51	0,91	0,37	0,98	0,3492025	0,531614
RHOQ	4,87	4,18	5,03	5,45	0,3492874	0,531706
CTD-2333M24.1	0,33	0,00	0,44	0,38	0,3493781	0,531799
VEZF1	4,42	3,95	4,11	3,28	0,3493971	0,531799
ILF2	7,45	7,28	6,84	6,67	0,3494585	0,531799
GS1-410F4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3494645	0,531799
GOLGA8F	0,00	0,01	0,00	0,00	0,349483	0,531799
INPP5D	5,87	6,32	5,91	5,17	0,349492	0,531799
ITGB1BP1	6,36	6,32	6,29	5,63	0,3495313	0,531823
UBE3B	3,18	1,02	2,67	2,33	0,349648	0,531964
RP1-278C19.3	3,35	3,97	3,51	3,39	0,3496831	0,531978
AP000350.5	0,00	0,00	0,03	0,00	0,3497054	0,531978
FRMD4A	0,53	1,13	0,53	0,95	0,3497388	0,531993
MIR320A	0,00	0,00	0,00	2,42	0,3498236	NA
AC008984.2	0,89	0,00	0,37	0,57	0,3498565	0,532135
RP5-1056H1.2	0,22	0,24	0,29	0,28	0,350006	0,532326
AP003774.6	3,81	0,95	2,43	2,72	0,350031	0,532328
COG1	3,50	4,07	2,60	2,50	0,3500614	0,532338
LARGE	0,30	1,06	0,19	0,37	0,3502478	0,532585
RP11-823P9.1	3,20	2,55	1,26	2,51	0,3502774	0,532587
RP11-426C22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3502974	0,532587
MIR548H3	0,00	1,77	0,00	0,00	0,3503089	NA
TCEAL1	3,80	2,48	3,42	0,61	0,3504965	0,532805
RP11-65F13.2	0,06	0,11	0,10	0,11	0,350504	0,532805
P3H1	4,37	4,04	3,87	4,95	0,3505126	0,532805
BZRAP1	3,34	4,12	3,77	1,60	0,3505597	0,53284
RP11-686D22.4	0,55	2,19	0,61	3,43	0,3506433	0,532896
AC090627.1	0,14	0,53	0,00	1,05	0,3506446	0,532896
SLC35C2	4,30	3,40	3,93	2,65	0,3507001	0,532922
KIF1BP	1,61	1,12	1,32	1,48	0,3507097	0,532922

CTC-351M12.1	0,34	0,99	0,64	0,61	0,3507629	0,532967
PLA2R1	0,07	0,18	0,11	0,14	0,3508244	0,533024
SNTB1	0,69	0,82	1,64	2,35	0,3508682	0,533054
RP1-72A23.3	0,79	0,00	1,07	0,00	0,3508864	NA
RP11-1129I3.1	0,00	0,19	0,00	0,00	0,3509001	0,533066
TWSG1	1,68	1,58	2,43	1,05	0,3509976	0,533161
ZFP69	0,06	0,31	0,03	0,31	0,3510106	0,533161
SUGT1	5,24	3,25	5,04	4,14	0,3511267	0,533301
AQP3	0,00	0,15	0,00	0,00	0,3512006	0,533377
RP11-215A21.2	0,35	0,67	0,45	0,77	0,3512149	NA
C6orf229	0,00	0,00	0,00	0,19	0,3512307	0,533386
GOT1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,351248	NA
SLC8A1	4,49	3,35	4,64	4,38	0,3513109	0,533445
GEMIN2	3,01	2,82	2,68	2,69	0,3513178	0,533445
RP11-536I6.1	0,59	1,10	0,52	1,24	0,3513573	0,533447
RP11-319E12.2	0,17	0,00	0,18	0,25	0,3513667	0,533447
EIF3J	4,31	3,85	4,26	4,30	0,3514064	0,53347
UPK3BL	5,08	4,70	5,06	5,21	0,3514522	0,533504
RP13-198D9.4	0,12	0,00	0,00	0,00	0,3514804	NA
RP11-154C3.2	0,05	0,08	0,01	0,08	0,3514988	0,533538
TBC1D12	2,06	1,91	2,66	2,31	0,3515494	0,533578
GS1-115G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3515997	0,533618
CTD-2162K18.4	0,10	1,12	0,22	0,19	0,3517089	0,533747
RP11-973H7.5	0,00	2,32	0,00	0,00	0,3517497	NA
BCL2L11	4,00	3,47	3,85	2,82	0,3517787	0,533814
NSD3	4,72	4,57	4,31	3,49	0,351801	0,533814
RP11-543P15.3	0,00	0,00	0,00	0,17	0,3518562	0,533862
RANBP3	4,06	3,56	4,22	4,56	0,3519378	0,533948
GALNT7	4,02	2,48	3,25	3,25	0,3519613	0,533948
ACP2	0,21	0,53	0,61	1,89	0,3520132	0,53399
SETDB1	4,16	5,56	4,12	3,90	0,3520536	0,534015
RP11-121E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,352086	NA
C1QB	0,39	0,00	0,78	0,00	0,3521553	0,534092
PHC2	3,25	3,80	4,05	3,23	0,3521584	0,534092
ZBTB20	5,10	4,27	5,26	5,58	0,3521766	0,534092
RP11-331G2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3522448	NA
NPC1	4,30	5,99	4,46	2,37	0,3523285	0,534286
EVI2A	6,61	5,56	6,15	5,86	0,3524451	0,53441
RP11-834C11.3	0,45	0,78	0,13	0,06	0,3524581	0,53441
RNU7-18P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3525039	0,534443
RP11-185E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3525382	0,534448
RP11-389E17.1	0,00	0,00	0,00	0,30	0,3525553	0,534448
ZNF430	3,56	3,12	3,81	3,59	0,3527217	0,534664
NPTX1	0,00	0,42	0,01	0,02	0,3527632	0,534673
RP11-100L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3527899	0,534673
CTD-2026K11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3528026	0,534673
KLHL23	0,13	0,24	0,18	0,26	0,3528241	0,534673
ZNF182	1,15	1,60	0,31	0,35	0,3529446	0,534819
RP11-227G15.11	0,00	0,39	0,00	0,34	0,3530076	NA
GNRH1	0,00	0,00	0,45	0,78	0,3530203	0,534897
SLC4A4	0,00	0,00	0,00	0,21	0,3530956	0,534975
RP5-832C2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3531157	NA
RP11-687M24.3	0,03	0,12	0,05	0,04	0,3531838	0,535072
RAB40C	0,05	1,39	0,62	2,90	0,3533078	0,535224
SAPCD1	0,17	0,00	0,39	0,00	0,3536078	0,535642

IGHD	0,00	1,72	0,00	0,32	0,3536872	0,535725
DAPK1	3,95	2,92	3,20	2,02	0,3537387	0,535767
CTC-499B15.8	0,00	0,00	0,00	0,89	0,3537628	NA
RP3-470L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3537732	0,535783
RPS6KA1	5,61	5,00	5,26	4,53	0,3538644	0,535884
SHPRH	3,42	1,64	2,87	3,94	0,3539301	0,535934
TMEM199	3,83	3,02	3,00	3,54	0,3539456	0,535934
SLC5A6	2,21	0,69	2,53	2,08	0,3540766	0,536076
SLFN11	3,59	2,92	2,86	4,07	0,354102	0,536076
GMPS	4,74	3,24	4,11	1,91	0,3541119	0,536076
IGLV3-25	0,00	1,96	0,00	0,00	0,3541284	NA
RP11-465N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3541383	0,53608
RP11-1102P22.3	0,08	0,81	0,31	0,51	0,3542348	0,536189
RP1-27O5.3	0,00	0,04	0,08	0,10	0,3543181	0,536252
LTB4R2	0,00	0,00	0,03	0,00	0,3543242	0,536252
AC009495.2	0,34	0,45	0,26	0,66	0,3544208	0,536361
ZNF208	0,71	1,18	0,73	0,87	0,3544514	0,536371
RP11-354E11.2	0,60	0,57	0,68	0,67	0,3545801	0,536502
SCAMP2	6,08	4,97	5,82	4,95	0,354586	0,536502
RP5-1125A11.4	1,22	2,92	0,33	1,66	0,354643	0,536551
CREB3	4,54	5,54	3,48	3,20	0,3547577	0,536688
OR10AC1P	0,03	0,18	0,00	0,12	0,3548232	0,536747
RP11-704M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3548577	NA
MOB3C	0,55	2,89	0,44	0,37	0,3548804	0,536747
AC005532.5	1,09	0,00	1,22	1,55	0,3549024	0,536747
GLI2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3549061	0,536747
RP3-488M23.3	0,00	0,00	0,00	0,92	0,3549171	0,536747
RP11-1149O23.3	1,03	0,59	0,34	0,28	0,3549787	0,536804
PPP1R3B	0,58	0,38	0,37	0,68	0,3550157	0,536817
MRPL28	5,88	5,78	5,74	6,01	0,3550359	0,536817
GRHL3	0,00	0,76	0,00	0,00	0,3551158	NA
RP11-2N1.1	0,32	0,98	0,43	0,00	0,3551724	0,536927
ARF1	7,78	7,84	7,70	7,23	0,3551957	0,536927
AC007064.24	0,34	0,00	0,46	1,11	0,355197	0,536927
CBFB	4,52	3,61	3,85	3,17	0,3552052	0,536927
NR2E3	0,07	0,00	0,00	0,00	0,3552535	0,536963
AC093627.10	0,50	0,74	1,60	0,36	0,3554099	0,537163
ATF4P3	0,00	0,00	0,22	0,26	0,3554756	0,537226
FAM76B	3,78	1,77	3,29	3,68	0,3555353	0,53728
DKK2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3556178	0,537335
RP11-138I1.3	1,24	1,39	2,23	1,66	0,3556201	0,537335
RP11-10N23.5	0,00	0,40	0,00	0,00	0,3556982	NA
RP11-802O23.4	0,00	3,61	0,00	0,83	0,3557027	0,537417
RP11-343C2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,355743	0,537417
CTB-89H12.4	3,74	3,24	3,58	2,79	0,355747	0,537417
RP11-775G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3557929	NA
RP5-905H16.2	3,46	1,25	3,86	2,79	0,3558194	0,537462
PHTF1	4,51	3,70	4,67	2,85	0,3558255	0,537462
APLP1	0,25	0,32	0,34	0,11	0,3558923	0,537497
RP11-513I15.6	4,59	2,30	3,73	3,17	0,3558966	0,537497
CAMLG	4,83	4,88	4,67	3,98	0,3559619	0,537559
RP11-39E3.6	0,26	0,54	0,37	0,44	0,3560865	0,537664
CTD-3014M21.1	5,59	5,46	5,18	6,30	0,3560942	0,537664
RP11-511H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3561038	0,537664
CALD1	2,28	3,73	1,51	3,10	0,3561423	0,537685

RP11-363G2.5	1,31	0,13	0,49	0,84	0,3561686	0,537688
RNY4P34	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3562036	NA
ZNF385C	0,73	1,61	1,24	0,49	0,3562595	0,537789
MDH2	6,82	6,75	6,93	6,29	0,3563516	0,537892
C1D	5,26	4,60	4,66	4,13	0,3564202	0,537898
BPTF	5,56	4,56	4,86	5,35	0,3564369	0,537898
RP11-114G11.4	0,39	0,52	0,38	0,73	0,3564537	0,537898
CTD-3032J10.2	0,00	2,59	0,63	0,00	0,356501	0,537898
RP11-98D18.17	0,00	1,94	0,00	0,00	0,3565056	0,537898
HAT1	4,73	3,29	3,82	2,89	0,3565303	0,537898
FAM102B	3,78	2,53	3,17	2,63	0,356536	0,537898
CRYGS	0,00	4,88	0,09	0,92	0,3565884	0,537898
ALDH4A1	0,17	0,07	0,41	0,96	0,3565905	0,537898
RP13-228J13.1	0,11	0,00	0,00	0,00	0,3565978	0,537898
AP1G2	6,34	6,68	6,12	6,23	0,3566418	0,537928
PUS1	2,78	0,65	2,76	2,24	0,3567283	0,538022
CTD-2331D11.4	0,00	0,00	0,00	0,20	0,3567836	NA
AC040160.13	0,00	2,34	0,06	0,00	0,356787	0,538074
RP5-1086K13.3	0,00	0,13	0,56	0,24	0,3568154	0,53808
MIAT	0,10	0,42	0,03	0,05	0,3568726	0,538103
RP1-99E18.2	0,28	0,00	0,00	0,00	0,3568792	0,538103
SUSD1	4,39	4,86	4,27	2,53	0,3569673	0,538199
SNORD15B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3571181	0,53839
FAM134C	2,71	2,70	2,30	1,34	0,3571812	0,538449
RP11-433M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,357197	NA
NFKBIE	3,77	4,73	4,77	4,92	0,3572651	0,538509
RP11-346I3.4	0,01	0,23	0,02	0,03	0,3572783	0,538509
PRKAR2B	2,30	2,04	2,97	3,37	0,3572935	0,538509
RP3-424M6.4	0,37	1,76	0,64	0,78	0,3574365	0,538688
RP11-856M7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3575649	NA
AC087069.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3576348	0,538826
HIBCH	4,75	4,16	3,90	4,52	0,3576535	0,538826
AC093106.7	0,44	0,53	0,71	0,00	0,3576909	0,538826
USP31	0,78	0,59	0,41	0,17	0,3577035	0,538826
PADI2	3,07	3,16	2,47	2,09	0,3577042	0,538826
RN7SL836P	0,00	0,00	0,00	1,32	0,3577061	NA
RP11-769O8.1	0,53	1,14	0,41	0,45	0,357712	0,538826
SIVA1	6,80	7,57	6,95	7,13	0,3577298	0,538826
RP11-438N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3577306	0,538826
CPA6	0,00	0,31	0,00	0,00	0,3577596	0,538826
TNNT2	0,53	0,52	0,55	1,13	0,3577884	0,538826
SDHAF4	1,10	0,80	0,96	1,36	0,3578019	0,538826
CHORDC1	4,07	4,09	3,68	3,09	0,3578191	0,538826
CASP9	3,99	3,01	3,28	2,07	0,3579408	0,538972
CTD-2147F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3579483	NA
FCRLB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3579699	0,53898
STX17	4,71	3,15	3,67	4,95	0,3581935	0,539227
FBLN7	0,05	0,09	0,06	0,06	0,3582008	0,539227
RP11-382A20.4	0,76	0,68	0,91	1,90	0,3582068	0,539227
B3GNT4	0,03	0,00	0,04	0,04	0,3582347	0,539232
TPPP	0,00	0,12	0,00	0,00	0,3582753	NA
CTD-2514K5.4	4,79	3,86	4,81	5,38	0,3583004	0,539295
EPB41L4A	0,31	1,61	0,37	0,28	0,3583246	0,539295
ARID5B	2,72	4,10	2,65	3,78	0,3583994	0,539371
MMGT1	3,57	1,52	3,43	1,46	0,3586036	0,539586

PAQR3	3,06	0,95	1,85	1,55	0,35861	0,539586
AC068491.1	5,28	3,76	5,06	4,78	0,358615	0,539586
ZNF615	2,85	0,46	2,46	1,96	0,3586597	0,539616
THEG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3587039	NA
SFXN5	3,34	3,17	2,95	2,60	0,3587098	0,539633
C12orf72	0,98	0,31	1,59	1,88	0,3587191	0,539633
FAM65C	0,23	0,15	0,35	0,07	0,3588215	0,53975
PIM3	3,76	3,32	4,17	2,64	0,3589588	0,53991
CDC73	4,14	3,52	4,59	4,01	0,3589762	0,53991
U47924.27	0,00	0,73	0,30	0,00	0,3590218	NA
RP11-806011.1	0,23	0,26	0,21	0,00	0,3590966	0,540032
CD180	3,34	1,36	2,66	3,55	0,359106	0,540032
RN7SL552P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3591959	0,540131
PCDHA9	0,07	0,09	0,07	0,05	0,3593127	0,54027
RP11-326C3.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3593526	NA
RP11-399D6.2	1,37	1,29	1,56	1,02	0,3593704	0,54032
MLLT4-AS1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,359485	NA
RPS4XP22	0,53	0,88	0,40	0,21	0,3595339	0,540423
CTD-2525I3.3	0,00	0,00	0,42	0,00	0,359534	0,540423
IL3RA	3,46	1,92	3,61	3,38	0,359564	0,540423
IARS	4,50	3,37	4,28	3,08	0,3595895	0,540423
CIPC	1,98	0,90	1,39	0,42	0,3595943	0,540423
SPATA31A7	1,30	0,87	1,51	1,33	0,3596251	0,540423
RP11-19O2.2	0,00	0,10	0,00	0,00	0,3596388	0,540423
AC005616.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3596418	0,540423
SCFD1	6,38	5,81	6,45	6,49	0,3596601	0,540423
PARP8	4,92	5,71	4,40	5,24	0,3596962	0,540423
MIR3140	1,93	0,00	0,00	0,00	0,3597062	0,540423
RP11-29H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3597624	0,54047
RMDN1	6,24	5,90	5,21	3,91	0,3598031	0,540495
MYSM1	3,54	2,88	3,26	2,28	0,3598423	0,540517
NINJ2	4,92	3,21	4,00	5,09	0,3599553	0,540651
MXD4	2,38	1,64	2,86	2,39	0,3600464	0,540751
CCDC106	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3602096	0,54092
LINC01176	4,15	0,25	1,88	2,97	0,3602312	0,54092
CXCL8	6,82	7,10	6,83	6,12	0,3602322	0,54092
DAD1	7,75	7,69	7,48	7,37	0,3603424	0,541049
RP11-161M6.4	0,55	0,25	0,56	0,46	0,360371	0,541056
SLC2A10	0,02	0,04	0,01	0,05	0,360403	0,541067
RP11-274H2.2	2,06	0,00	1,83	0,76	0,3605141	0,541197
DNAJC5	3,18	3,77	3,33	2,18	0,3605859	0,541269
SET	7,23	6,13	7,14	6,76	0,360635	0,541306
RP11-689P11.3	0,26	0,51	0,53	0,93	0,3607149	0,541376
AIMP1	5,11	4,52	4,69	3,81	0,3607656	0,541376
ZMYND19	0,19	0,00	1,25	2,30	0,3607665	0,541376
RP11-159D12.2	1,34	0,71	1,03	0,34	0,3607796	0,541376
SOD2	6,27	6,06	6,01	6,37	0,3608502	0,541446
MEGF6	0,00	0,00	0,00	0,03	0,3608917	NA
LIX1L	3,10	2,70	2,80	2,17	0,3609394	0,541543
RP11-561B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3609635	0,541543
RP13-968A2.1	1,79	1,40	1,71	2,02	0,3610148	0,541583
RP11-156P1.3	2,12	1,57	1,17	1,61	0,3610481	0,541597
RP11-314P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3611148	NA
RP11-357N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3611174	0,541664
GMIP	3,03	4,16	3,43	4,00	0,3611435	0,541667

UBE2T	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3611723	0,541673
RP11-80H5.9	1,15	0,80	1,65	1,48	0,3612219	0,541711
RNF8	3,18	2,89	2,56	3,20	0,3612482	0,541714
EIF5	8,76	8,08	8,46	7,72	0,3612765	0,541718
AMDHD1	0,00	0,50	0,07	0,61	0,3612994	0,541718
RASGRP1	1,46	2,90	1,53	0,41	0,3613365	0,541737
C1QTNF12	0,00	0,00	0,00	2,09	0,3614119	0,541813
RP1-149A16.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3614697	0,541839
RP11-651P23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3615051	0,541839
U2AF2	1,14	0,72	1,12	1,18	0,3615359	0,541839
POGZ	4,52	4,34	4,36	3,53	0,3615515	0,541839
RP11-530C5.4	0,00	0,00	0,20	0,00	0,361571	0,541839
GSTA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3615733	NA
TRIB1	4,93	4,32	5,07	4,22	0,3615752	0,541839
RP11-1055B8.4	0,00	0,00	0,68	0,94	0,3616407	0,541859
ACO05921.2	0,34	0,87	0,46	1,05	0,3616535	0,541859
CTSL	1,10	0,70	2,16	3,52	0,361662	0,541859
NPPA-AS1	0,00	1,26	0,22	0,00	0,3616896	0,541864
RP11-330H6.5	0,00	0,08	0,00	0,00	0,3617228	0,541877
ZNF417	1,30	2,25	2,12	3,49	0,3617717	0,541906
METTL17	5,85	6,57	4,91	5,27	0,361793	0,541906
VN2R19P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3618255	0,541906
RP4-635E18.8	4,95	3,33	4,81	1,55	0,3618399	0,541906
RP11-94C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3618785	NA
ARHGEF7	3,80	2,86	3,60	2,38	0,361914	0,541981
AP001065.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3621008	NA
AP000462.2	0,00	0,00	0,00	0,21	0,3621326	NA
RN7SKP110	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3622182	0,5424
PHF1	2,35	2,04	2,09	2,45	0,3622721	0,542444
RP11-876N24.3	2,43	0,00	0,00	0,00	0,3623553	0,542532
SCARNA20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3625081	NA
RP11-2N5.2	0,78	1,25	0,70	0,95	0,3625629	0,542806
RP11-1C8.4	0,00	1,17	0,00	0,00	0,3625778	NA
ITGB1	5,16	3,62	5,09	4,98	0,3626223	0,542845
ACO10240.2	0,11	0,14	0,19	0,41	0,3626373	0,542845
RP11-274E7.2	0,32	0,27	0,30	0,21	0,3626532	NA
ZC3H10	0,69	0,25	0,92	0,72	0,3626717	0,542859
KB-1254G8.1	0,00	0,00	0,00	0,57	0,362729	NA
PSKH1	1,09	0,29	0,77	0,93	0,3627343	0,542917
PES1	2,53	1,54	3,14	2,64	0,3629583	0,54317
RP11-669I1.1	0,10	0,92	0,15	0,17	0,3629737	0,54317
LMO4	3,83	3,99	3,40	1,89	0,3629768	0,54317
ARHGEF15	0,25	0,56	0,00	0,40	0,3630974	NA
BORCS8	4,20	1,54	3,94	4,30	0,3631558	0,543401
RP11-87C12.5	0,10	0,00	0,00	0,00	0,3632124	0,543432
ACO03973.4	0,00	0,11	0,00	0,10	0,3632254	0,543432
RP11-127O4.3	0,00	0,24	0,00	0,00	0,3632637	NA
RP11-57H14.4	0,05	0,06	0,04	0,44	0,3632885	0,54349
CTD-2130O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3633002	NA
RP11-400K9.1	0,00	0,83	0,00	0,00	0,3633559	NA
MORC2	1,97	0,51	2,30	2,31	0,3635125	0,54377
ACTN1	4,74	2,97	3,89	3,10	0,3635249	0,54377
RP11-133M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3635711	0,543803
PLA2G4C	2,17	4,11	2,53	1,62	0,3636278	0,543831
STX11	5,11	5,41	5,12	3,98	0,3636388	0,543831

RN7SL558P	0,00	0,00	0,39	0,00	0,3636665	0,543836
RP11-660L16.2	0,39	0,00	0,00	0,00	0,3638231	0,544033
RP4-710H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3639445	0,544178
ZNF438	0,18	0,04	0,67	0,69	0,3640036	0,54423
MIR601	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3640411	0,54425
RP11-1023P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3640802	0,544271
RP11-80K21.3	0,03	0,00	0,00	0,13	0,364166	NA
C16orf87	3,90	1,05	2,81	1,72	0,3642158	0,54438
FADS1	3,35	4,17	3,34	2,75	0,3642254	0,54438
TCL6	1,23	1,74	1,23	1,36	0,3642265	0,54438
RP3-476K8.3	0,00	0,00	0,16	0,00	0,3642817	0,544399
SOCS4	2,26	2,25	1,98	1,24	0,3642994	0,544399
CTC-342M10.2	0,00	0,44	0,08	0,00	0,3643125	0,544399
MFF	6,18	3,01	6,01	4,56	0,3643649	0,544437
CHRNA7	2,84	0,52	1,34	0,90	0,3644413	0,544437
RP11-325F22.2	2,81	0,00	2,74	4,62	0,3644702	0,544437
BRDT	0,00	0,67	0,36	0,78	0,364475	0,544437
CGRRF1	3,43	1,43	1,43	1,06	0,364493	0,544437
XXbac-B444P24.8	0,00	0,15	0,01	0,18	0,3644955	0,544437
CTD-2227C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3645147	0,544437
APO00560.3	1,73	0,86	1,41	0,37	0,3645338	0,544437
RP11-734K2.4	0,11	0,55	0,14	0,48	0,3646327	0,544548
TGFBR3	0,16	0,55	0,06	2,61	0,3646891	0,544596
ATP6V0A4	0,00	0,00	0,00	0,18	0,3647249	NA
PSMC5	6,39	5,28	6,15	5,67	0,3648152	0,544712
AC073130.3	0,00	0,00	0,28	0,00	0,3648164	0,544712
USP41	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3649587	0,544862
THRIL	0,00	0,00	0,98	0,00	0,3649655	0,544862
MGAT2	1,55	0,32	0,00	0,00	0,3650158	0,5449
AC016722.3	0,81	0,28	1,05	1,19	0,3650964	0,544984
RPL24P2	0,46	0,85	0,11	0,44	0,3651288	NA
SUGT1P3	1,71	0,89	1,12	1,16	0,3651865	0,545048
SUCLG2	4,07	3,69	3,06	2,11	0,3651938	0,545048
AF131215.9	0,15	0,30	0,24	0,23	0,3652128	0,545048
CTB-63M22.1	0,89	0,00	0,43	0,92	0,3652516	NA
CTD-3137H5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3654198	0,54532
TBPL1	4,90	3,43	4,29	3,40	0,3655347	0,545428
FAM83D	1,05	1,73	1,00	0,12	0,3655442	0,545428
PRDM5	2,67	3,79	2,70	3,13	0,3655654	0,545428
CREBZF	3,16	1,38	2,54	2,41	0,365602	0,545446
C1orf74	0,23	0,07	0,03	0,13	0,3656373	0,54545
CNPY1	0,00	0,00	0,00	0,21	0,3656543	0,54545
DNMT1	5,91	5,78	5,90	5,95	0,3657307	0,545528
TWISTNB	4,97	3,49	4,72	4,45	0,3658506	0,54567
PARD3B	0,00	0,00	0,00	0,24	0,3658856	0,545686
RP11-89M22.3	0,00	0,00	0,00	0,24	0,3659504	NA
KIAA1524	0,23	0,00	0,88	0,77	0,3659554	0,545709
RP3-454G6.2	0,21	0,36	0,25	0,17	0,3659958	0,545709
TGFBR1	5,46	5,90	4,80	2,18	0,3660096	0,545709
KIF26B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3660168	0,545709
RP11-14C22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,366024	0,545709
CTB-157D17.1	0,65	1,03	1,77	2,12	0,3661513	0,545862
CNOT4	3,48	4,40	3,62	3,87	0,3661874	0,545879
RPUSD3	4,90	3,85	4,77	4,09	0,3662195	0,545891
RP11-554A11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3663057	NA

RP11-434H6.7	1,44	0,00	2,54	0,62	0,366375	0,546086
NDFIP1	4,81	4,92	4,47	3,91	0,3664254	0,546123
RP11-164J13.1	1,17	0,04	0,00	0,31	0,3664545	0,546123
RP11-483E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3664861	NA
CSNK2A1	5,22	4,64	5,01	4,20	0,3664891	0,546123
TIMMDC1	5,95	6,20	5,49	5,29	0,3664983	0,546123
RP4-781K5.4	0,21	0,00	0,06	0,00	0,3665362	0,546143
RP1-46F2.3	0,77	0,00	0,18	0,74	0,3666545	0,546252
AC007041.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3666736	0,546252
MGC2752	0,00	0,61	1,08	3,95	0,3667023	0,546252
CUTA	7,09	6,98	7,10	7,10	0,3667165	0,546252
ZNF718	1,80	0,20	0,22	0,65	0,3667321	0,546252
FOLR3	0,00	0,00	0,00	0,22	0,3668262	0,546332
KCTD9	3,25	2,38	2,69	2,89	0,366872	0,546332
ISG20L2	2,85	1,52	3,26	3,14	0,366877	0,546332
RP11-417L19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3668847	0,546332
RP11-622O11.2	0,04	0,64	0,08	1,67	0,3669466	0,546388
TEAD3	0,00	0,00	0,00	0,05	0,3669519	NA
RP3-477O4.14	4,26	4,65	4,54	3,60	0,3670144	0,546452
FLYWCH2	4,35	5,06	2,79	1,42	0,3671423	0,546606
CTD-2050B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3671913	0,546643
RP11-573J24.1	0,00	0,00	0,00	0,22	0,3672223	NA
METTL7B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,36724	0,546678
ARHGAP32	2,08	0,22	2,15	0,22	0,3672919	0,546719
RP11-109D9.3	0,00	0,35	0,00	0,00	0,3673798	NA
RSF1	5,60	4,20	5,69	6,15	0,3675529	0,547071
COX6A1	8,08	7,61	8,16	8,12	0,3676058	0,547113
RP11-513C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3676599	NA
CROT	0,95	0,49	1,16	2,47	0,3676688	0,54717
MED29	3,98	1,00	3,71	2,74	0,367704	0,547183
RP5-1065O2.4	0,33	0,28	0,13	0,12	0,3677527	0,547183
DDX19A	3,72	2,26	3,23	3,07	0,367769	0,547183
TNFRSF10D	1,38	0,97	2,87	1,90	0,3677837	0,547183
CTAGE1	0,00	0,03	0,00	0,00	0,3677849	NA
CLK4	5,00	5,18	4,03	4,67	0,36781	0,547183
AC021068.1	1,35	0,99	1,50	0,18	0,367825	0,547183
RIBC1	0,00	0,20	0,00	0,00	0,3678444	NA
FAM216A	2,46	2,39	1,16	2,48	0,3679571	0,547323
SGK3	5,07	5,11	4,84	3,96	0,3679687	0,547323
PAX8-AS1	3,35	1,31	2,34	1,67	0,3680323	0,547381
VPS26B	2,69	0,99	3,24	3,14	0,3681776	0,547561
ACBD3	2,75	3,71	2,36	2,31	0,3682393	0,547589
LTV1	5,32	4,62	4,92	1,94	0,3682461	0,547589
SDHAP1	3,27	2,30	3,96	3,00	0,3682766	0,547598
PHACTR4	4,06	4,69	3,57	4,59	0,3683267	0,547636
RN7SL47P	1,84	2,60	1,76	2,24	0,3684443	0,547774
ARMC7	1,40	0,13	2,75	1,33	0,3685264	0,547859
ANKLE2	3,82	4,02	4,03	4,34	0,3686069	0,547942
MAST1	0,20	0,23	0,29	0,49	0,3687509	0,54812
RP13-554M15.2	3,66	3,44	4,44	2,78	0,3689122	0,548317
BCL7A	2,53	3,41	2,31	1,96	0,3689524	0,548317
RP11-430H10.2	0,06	0,00	0,09	0,42	0,3689575	0,548317
ZNF696	0,03	0,22	0,14	0,11	0,3690109	0,54836
RP11-506N2.1	4,41	5,40	4,12	5,40	0,3690639	0,548402
C7orf25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3691066	0,548405

HENMT1	3,33	1,22	3,03	1,81	0,3691474	0,548405
GABRG3	0,03	0,06	0,02	0,06	0,3691552	0,548405
ADORA3	0,47	0,00	0,10	0,12	0,3691646	0,548405
RP11-556113.2	0,06	0,09	0,00	0,08	0,369179	NA
ZNF84	1,31	1,61	2,47	1,06	0,3692747	0,548532
RP11-231P20.6	0,19	0,45	0,20	0,19	0,3693234	0,54854
RP11-80O3.1	0,00	0,00	0,00	0,76	0,3693298	0,54854
CYSTM1	5,72	3,40	5,36	4,74	0,3694437	0,548673
ABHD13	3,04	1,44	2,64	2,32	0,3695572	0,548801
RP11-726G1.2	2,46	3,24	1,80	0,73	0,3695797	0,548801
RP11-269G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3696073	NA
RP11-54O7.2	1,05	0,74	1,24	1,21	0,3697287	0,548986
RP11-680F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3698299	NA
RP11-390B4.5	0,18	0,10	0,30	0,52	0,3698683	0,549156
LLPH	4,65	4,16	4,39	5,05	0,3699132	0,549186
CNNM1	0,00	0,00	0,01	0,00	0,3699752	NA
RELT	4,06	4,37	4,44	3,87	0,3700639	0,549373
RP11-44D19.1	3,50	3,18	2,88	3,62	0,3700957	0,549384
MRPS18A	6,45	3,68	5,79	6,57	0,3702229	0,549531
STAMBPL1	1,65	1,30	0,89	0,71	0,370244	0,549531
CTB-50L17.16	0,00	0,00	0,75	0,00	0,3702995	0,549576
CCNYL2	0,22	0,31	0,15	0,10	0,3703404	0,549589
FGF7	0,00	1,27	0,00	0,08	0,3703572	0,549589
CTD-2008L17.2	0,63	0,00	0,76	0,83	0,3703978	0,549612
RP11-375D13.2	0,00	0,43	0,24	0,00	0,3705947	NA
TJAP1	1,95	2,24	3,05	3,58	0,3706249	0,549855
CCDC88C	2,23	3,30	3,33	2,73	0,3706295	0,549855
RUNDC3B	1,00	0,00	1,46	0,39	0,3706531	0,549855
MFAP3L	0,00	0,00	0,00	0,35	0,3706602	0,549855
SOS1	3,66	2,45	3,36	3,04	0,3707087	0,54986
RP11-73M18.8	1,63	4,90	3,94	2,88	0,3707276	0,54986
NGDN	6,33	5,87	5,96	5,45	0,3707379	0,54986
LRFN3	0,00	0,37	0,02	0,12	0,3707766	0,549881
RPL21P129	0,00	0,00	0,00	0,43	0,3708116	NA
GPR82	1,23	0,59	0,55	1,39	0,3708648	0,549975
CDK5	4,86	2,91	4,58	3,35	0,3709164	0,550014
RP4-657E11.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3709449	0,55002
BISPR	4,15	3,03	3,57	2,38	0,371119	0,550242
ANKRD62	0,03	0,04	0,03	0,09	0,3711669	0,550261
ADCY3	2,73	0,29	3,28	0,16	0,3711914	0,550261
THADA	4,22	4,51	3,86	2,97	0,3712064	0,550261
UPK1A	0,11	0,00	0,16	0,34	0,3714582	0,550561
BCAT1	2,67	2,63	2,90	2,49	0,3714586	0,550561
LINGO3	0,00	0,06	0,05	0,00	0,3715096	NA
RP11-968A15.8	0,35	0,00	0,00	0,41	0,3715648	NA
AC016995.3	0,00	0,00	0,11	0,54	0,3717014	0,550885
FAM207A	1,91	3,96	2,78	3,49	0,3717828	0,550968
RP11-379C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3719001	NA
CDAN1	0,82	0,32	0,95	0,72	0,3719188	0,551105
OR7D2	0,89	0,69	0,51	1,18	0,3719246	0,551105
CUL7	0,79	1,06	0,71	1,28	0,3719683	0,551133
RP11-555E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3720517	0,551217
CTC-559E9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3720828	NA
BIN3	2,76	1,75	4,05	2,79	0,3720959	0,551217
MED18	1,09	0,83	0,84	0,93	0,3721128	0,551217

RP11-392B6.1	1,11	0,00	0,70	2,73	0,3721243	0,551217
ARPC4-TLL3	2,33	1,54	1,98	0,95	0,3721856	0,551271
C4orf22	0,12	1,03	0,18	0,48	0,3722713	0,551361
PPP2R3C	5,96	5,35	5,58	5,58	0,3723177	0,551393
RNF25	1,54	0,39	0,49	0,17	0,372436	0,551497
PRNP	5,07	5,23	4,70	4,38	0,3724562	0,551497
BBOF1	0,00	0,00	0,06	0,00	0,3724624	0,551497
FOXD4L4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3725269	NA
INAFM1	1,89	0,80	2,27	2,72	0,3725843	0,551641
ACTRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3726117	0,551645
HDC	0,00	2,09	0,00	0,00	0,3726413	0,551652
CTC-503J8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3726774	NA
AK6	5,19	5,05	3,84	1,74	0,3727201	0,551732
AP1M1	5,17	2,67	4,50	3,67	0,3727671	0,551765
ZNF263	2,89	1,80	3,25	2,42	0,3728282	0,551801
HSBP1L1	1,23	3,39	2,01	2,52	0,3728468	0,551801
PAH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3729012	0,551801
SNAI2	0,07	0,00	0,00	0,06	0,3729058	0,551801
SLC9A8	0,88	1,90	1,78	0,81	0,372916	0,551801
HMBBOX1	5,08	5,60	5,20	2,78	0,3729908	0,551834
RP11-342K6.4	0,28	0,00	0,10	0,00	0,3730107	0,551834
GCSH	2,16	1,73	1,06	0,91	0,373025	0,551834
RP11-432N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3730395	NA
CTA-221G9.11	0,65	1,65	0,45	1,03	0,3730559	0,551834
CEACAM22P	0,20	0,18	0,18	0,30	0,3730621	0,551834
RP5-1049G16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3731313	0,5519
RP11-643M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3732327	NA
PLEKHN1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,3732779	NA
RP6-109B7.2	0,00	1,01	0,00	0,11	0,3734442	0,552326
RP4-612B18.1	0,51	1,21	0,60	0,71	0,3734923	NA
PKD1P1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,3735217	0,552401
SGIP1	0,00	0,38	0,23	0,38	0,373545	0,552401
TRIAP1	5,51	6,10	4,53	3,84	0,3736426	0,552509
SLC35A3	2,66	1,95	2,98	2,18	0,3736765	0,552522
CHP2	1,10	0,53	1,14	0,30	0,3737614	0,552611
LRRC75B	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3738688	0,552733
RP11-68I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3739218	NA
OR5M1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3740001	NA
GPRIN3	2,91	2,82	2,56	1,44	0,374004	0,552896
GRIK2	0,23	0,61	0,34	0,29	0,3740876	0,552983
RP11-366M4.7	0,43	0,57	0,50	0,33	0,374147	0,553034
CTD-2298J14.2	2,54	4,24	1,62	1,04	0,3741899	0,553061
RP11-134P9.3	0,73	0,24	0,21	0,65	0,3742213	0,55307
PLEKHA4	1,07	2,59	1,26	2,24	0,3742801	0,55312
GLUDP7	0,00	0,47	0,00	0,00	0,3743925	0,553199
RP4-761J14.10	1,27	1,37	0,62	0,92	0,3744136	0,553199
PSENN	6,13	5,75	6,37	6,26	0,3744279	0,553199
PLA2G16	2,64	3,11	3,20	1,77	0,3744332	0,553199
GAPDHP44	0,00	0,16	0,00	0,00	0,3744534	NA
TIPIN	1,37	1,01	0,49	0,34	0,3745633	0,553355
RP11-603J24.6	0,00	0,00	0,00	1,05	0,3745968	NA
CYP4V2	2,25	1,79	2,15	1,43	0,3746409	0,553384
RP3-322G13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3746457	0,553384
CENPL	0,34	0,36	0,82	0,57	0,374658	0,553384
C1orf198	0,08	0,36	0,24	0,00	0,3747293	0,553434

CALB1	0,10	0,49	0,07	0,23	0,3747593	0,553434
RP3-486I3.4	0,84	1,17	1,36	0,82	0,3747663	0,553434
DNAJC5G	0,00	0,33	0,00	0,00	0,3749864	NA
GTPBP2	4,26	2,68	4,61	3,75	0,3750015	0,553671
SRPK1	4,14	3,13	4,05	3,91	0,3750225	0,553671
RP13-467E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3750563	0,553671
FAM192A	6,34	7,06	6,05	5,67	0,3750624	0,553671
RP11-133K1.12	4,25	2,33	5,12	4,88	0,3750823	0,553671
LRRC47	2,97	2,72	2,68	2,87	0,3750967	0,553671
RP13-131K19.6	0,49	0,00	1,91	0,00	0,375101	0,553671
RP3-364I1.3	0,31	0,00	0,41	0,40	0,3751019	NA
USF3	2,81	3,08	2,34	1,85	0,3751813	0,553752
CTB-87J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3752137	NA
RNU6-1135P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3752137	NA
RP11-466I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3752137	NA
CNBD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3752603	0,553807
COA6	5,25	5,35	4,77	5,38	0,3752683	0,553807
RP11-54F2.9	0,81	0,00	0,73	1,00	0,3752969	0,553813
AC139099.3	0,00	0,00	0,00	0,07	0,3754572	NA
RP11-43F13.1	0,21	0,00	0,97	1,32	0,3754988	0,554074
RC3H1	3,40	2,24	3,25	2,82	0,3755366	0,554093
MOCS2	4,50	3,51	3,86	1,57	0,3755842	0,554124
HGH1	1,60	0,88	0,17	0,87	0,3756077	0,554124
PCDH12	0,04	0,00	0,13	0,00	0,3757033	0,554228
AC068831.16	0,40	0,79	0,41	0,00	0,375704	NA
RP11-203M5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,375872	NA
FAM120C	1,94	2,37	3,07	1,85	0,3758727	0,554442
TRAF6	1,12	0,39	1,21	1,51	0,3759022	0,554448
RP5-1136A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3760628	NA
RINT1	2,63	3,17	2,70	1,69	0,3760769	0,554669
ZIK1	0,09	0,10	0,14	0,14	0,3761293	0,55471
RP11-521I2.3	0,18	0,00	0,00	0,00	0,3762261	0,554813
CDK2	0,25	0,00	0,42	0,43	0,3762697	0,554813
RP11-108M21.1	1,04	0,88	1,34	0,33	0,376276	0,554813
SUMO3	5,89	5,26	5,44	5,35	0,3762991	0,554813
CTC-499B15.7	0,05	0,89	0,31	0,39	0,3763956	0,554918
AC108676.1	1,15	1,91	1,02	1,15	0,3764816	0,555008
RP11-16N10.2	0,08	0,25	0,18	0,10	0,3765379	0,555054
POGK	3,29	2,29	3,15	1,45	0,3766222	0,555142
MST1L	0,00	0,17	0,00	0,00	0,3766589	0,555159
RP1-190J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3767306	NA
RP11-2010I0.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3768237	NA
RAPGEF1	3,61	3,31	3,62	3,21	0,3769142	0,555463
PCYT2	0,33	0,43	2,51	0,75	0,3769559	0,555463
USP10	5,81	4,85	5,60	4,67	0,3769607	0,555463
ITGB5	0,77	0,30	0,79	0,74	0,3769654	0,555463
DBI	8,23	8,50	8,50	7,88	0,37699	0,555463
THOC6	4,95	4,67	4,98	3,27	0,3770273	0,555481
RP11-727A23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3770801	0,555522
SEC61B	7,97	7,96	8,25	7,84	0,3771259	0,555553
RBX1	6,21	5,88	5,98	6,05	0,3771986	0,55562
RP11-16E23.3	4,10	4,92	5,24	3,81	0,3772214	0,55562
PSMD5	3,75	4,55	3,18	1,15	0,3772559	0,555634
RP11-275F13.1	0,00	1,03	0,23	0,00	0,3772934	0,555652
RP13-36G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,377509	NA

SAT1	11,29	10,42	11,01	10,93	0,3776018	0,556069
NEMF	7,09	6,33	6,22	5,65	0,3776668	0,556128
AC006987.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3777387	NA
DPH2	3,01	0,09	1,45	0,31	0,3777623	0,556232
SEC63	5,37	5,16	5,38	4,29	0,3777938	0,556242
ABHD8	0,37	0,07	0,95	0,16	0,3778293	0,556257
RP11-18A15.1	1,46	2,93	1,18	1,71	0,3781313	0,556643
RP11-91P24.1	0,00	0,00	0,98	0,00	0,3781416	0,556643
GDPD1	1,25	0,83	1,14	0,63	0,3782418	0,556754
LMBRD1	5,20	2,42	4,60	5,26	0,3783072	0,556777
C18orf8	5,14	5,44	3,24	3,73	0,3783076	0,556777
ANAPC2	0,38	0,28	0,15	0,07	0,3783489	0,556801
RN7SL213P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3783496	NA
SLC6A12	0,05	1,08	0,41	0,48	0,3784227	0,556872
FRMD1	0,03	0,10	0,06	0,06	0,378476	0,556914
AC008746.11	1,48	3,16	1,86	2,40	0,3785024	0,556916
DNAJC1	3,43	4,76	3,74	3,78	0,3785495	0,556948
RP11-461A8.1	0,00	1,26	0,00	0,00	0,3786285	NA
ZNF429	2,92	3,92	2,43	3,31	0,37876	0,557221
KIAA0825	1,32	0,60	1,01	0,20	0,378836	0,557296
TACC1	5,88	6,16	5,90	5,55	0,3788654	0,557303
AC018462.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3789602	0,557405
ARF3	5,03	2,70	5,15	3,69	0,3790195	0,557455
RP11-89K11.1	0,00	0,41	0,32	0,00	0,3790691	0,557484
CTGF	0,00	0,11	0,00	0,00	0,379085	NA
GPSM1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,3790893	0,557484
C6orf54	0,19	0,20	0,31	0,33	0,3791614	0,557553
RN7SL418P	0,69	1,88	1,29	0,00	0,3792322	0,557605
AC010093.1	1,61	4,08	3,19	3,13	0,3792465	0,557605
C9orf172	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3793144	0,557668
RP11-305D15.6	0,00	0,00	0,00	1,05	0,3793798	0,557705
MLH1	4,71	5,06	4,24	2,75	0,3794112	0,557705
RP11-338K17.10	0,00	0,00	0,45	0,00	0,3794153	0,557705
SNORD91A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3794377	NA
RP11-713M15.1	0,00	0,00	0,03	0,31	0,3794968	0,557788
COL18A1	0,24	0,00	0,21	0,04	0,3795557	0,557809
AC091062.2	0,30	0,41	0,43	0,65	0,3795613	0,557809
ZNF865	0,00	0,00	0,01	0,06	0,379618	0,557819
ORC4	4,72	3,33	4,00	3,47	0,3796182	0,557819
P2RX1	3,32	3,98	3,74	3,70	0,3796563	0,557838
AC068044.1	0,00	0,00	0,00	0,12	0,37969	NA
RP11-25D3.1	0,29	0,00	0,47	0,35	0,3797636	0,557928
MIR4482	0,00	0,00	2,54	0,00	0,3797678	0,557928
RP11-253M7.4	0,00	1,02	0,06	0,72	0,3797718	NA
RP4-669L17.8	0,00	1,69	0,00	0,00	0,379848	0,558009
DNM1P46	0,14	0,05	0,28	0,29	0,3798994	0,558048
CYP27A1	0,00	0,00	0,00	2,15	0,379977	0,558125
CEP170P1	0,21	0,00	0,05	0,22	0,380028	0,558163
RP11-110G21.2	5,47	3,71	3,77	2,38	0,3800698	0,558188
RP11-298E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3801231	0,558213
BORCS5	3,72	1,29	4,13	4,45	0,3801667	0,558213
RP11-131L23.1	0,00	2,38	0,75	2,04	0,3801685	0,558213
RP11-104E19.1	3,53	3,21	3,26	1,66	0,3801875	0,558213
ZNF891	0,44	0,39	0,60	0,59	0,3802217	0,558226
C9orf66	2,09	1,03	1,99	1,42	0,3803221	0,558337

RN7SL658P	0,00	0,00	0,78	0,00	0,3803528	NA
ETNPPL	0,00	0,70	0,00	0,18	0,3804098	NA
C12orf40	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3805334	NA
SLCO6A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,380589	0,558692
EBNA1BP2	5,74	1,92	4,96	3,40	0,3806641	0,558765
CA14	0,51	0,38	0,87	1,18	0,3806981	0,558778
TMEM136	0,09	0,29	0,19	0,06	0,380811	0,558907
CTD-2105E13.16	0,00	2,29	0,00	0,00	0,3808706	0,558919
RCBTB2	3,81	5,21	3,90	4,27	0,380905	0,558919
BANP	4,60	4,40	4,72	3,17	0,3809102	0,558919
RPL9P9	11,01	10,84	11,02	9,97	0,3809198	0,558919
RF00045	1,01	0,00	0,00	0,00	0,3810796	0,559108
RAB4A	4,88	3,98	4,32	2,57	0,3810994	0,559108
C12orf66	2,46	0,66	1,06	0,41	0,3811731	0,559161
C18orf63	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3811853	0,559161
RP11-343J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3813019	0,559268
DDX28	2,91	1,46	0,89	0,33	0,381309	0,559268
RP11-284A20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3813686	NA
bP-21201H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3814403	0,55939
CLPTM1	3,00	2,32	3,34	3,54	0,3814423	0,55939
TTC39A	0,29	1,20	0,54	0,09	0,3814925	0,559427
GLIPR2	7,12	7,01	6,81	6,66	0,3815566	0,559484
MED30	5,87	3,57	5,09	5,69	0,3816507	0,559572
FABP5	5,82	6,33	5,55	6,32	0,3816673	0,559572
RP11-248C1.2	0,00	0,00	0,01	0,05	0,3817805	0,559701
ACO16831.6	0,00	0,38	0,00	0,00	0,3818423	NA
MAP9	0,01	1,29	0,00	0,00	0,3818878	0,559822
RP11-90M2.4	0,47	0,37	0,41	0,31	0,3821096	0,560019
CTB-13F3.1	1,10	1,17	0,97	0,86	0,3821104	0,560019
WDR12	5,06	2,33	4,50	5,52	0,3821369	0,560019
BBS9	2,92	0,31	0,98	1,71	0,3821693	0,560019
HNRNPH3	5,82	5,54	5,58	4,28	0,3821713	0,560019
RP13-1056D16.2	0,00	0,00	2,42	0,00	0,3821736	0,560019
DYDC1	0,00	0,00	0,00	0,07	0,3821831	NA
RP11-70I4.1	0,00	2,75	0,09	0,00	0,3822318	0,560039
FBL	6,21	6,37	6,14	6,27	0,3822384	0,560039
CTD-2011F17.2	1,89	2,27	2,80	3,72	0,3822884	0,560039
PNKP	3,54	4,01	4,06	3,82	0,3822885	0,560039
APAF1	4,88	4,54	4,52	4,43	0,3823131	0,560039
RP11-547D24.1	0,26	0,14	0,41	0,41	0,3824109	0,560145
TFAP2C	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3824152	NA
AC007365.3	0,00	1,61	1,97	0,29	0,3824689	0,560193
ATL2	3,94	2,80	3,85	2,07	0,3825512	0,560275
DHX36	5,38	4,21	5,19	5,25	0,3825754	0,560275
RP11-67H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3826058	0,560283
PLXNA2	0,00	0,00	0,06	1,11	0,3826457	0,560296
MIR3175	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3826788	0,560296
DTWD2	0,23	0,75	0,73	0,49	0,38269	0,560296
RP11-613D13.10	3,21	4,07	2,14	0,41	0,3827726	0,560375
AC006042.7	1,43	0,00	0,16	0,00	0,3827945	0,560375
RP11-492M23.1	0,75	1,17	1,38	0,78	0,3828463	0,560414
FDPSL5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,382914	0,560476
HAGHL	0,04	2,93	0,54	0,74	0,3830143	0,560586
BIRC6-AS2	2,68	1,01	1,24	1,53	0,3831589	0,56076
GNL2	5,49	4,48	5,04	4,51	0,3831836	0,56076

SURF4	4,80	5,03	4,32	4,78	0,3833025	0,560897
DGCR11	0,19	0,13	0,17	0,40	0,3833986	0,561
OR10H4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3834209	NA
RP4-814D15.2	4,35	5,94	3,59	4,04	0,3834682	0,561065
ARID4B	6,10	4,12	5,78	5,68	0,3835357	0,561105
RP11-138H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3835461	0,561105
AC073283.7	0,18	0,00	2,09	1,02	0,3835867	0,561128
RP11-382E9.1	0,10	0,35	0,16	0,06	0,383674	0,561219
RUSC1	2,56	1,54	2,19	3,61	0,3837168	0,561244
C2orf80	0,20	0,74	0,23	0,59	0,3837639	0,561263
CLIC1	10,05	9,63	9,84	9,66	0,3837799	0,561263
AC104135.3	0,00	0,04	0,18	0,93	0,3838698	0,561327
CTC-539A10.4	3,33	4,42	3,89	3,86	0,3839036	0,561327
ENTPD6	4,33	2,83	4,81	3,88	0,383922	0,561327
TCTE1	0,08	0,21	0,17	0,08	0,3839323	0,561327
TMEM220-AS1	0,00	0,71	0,00	0,00	0,38395	0,561327
MTPN	6,63	6,27	6,61	6,26	0,3840007	0,561364
MYPOP	1,51	0,00	1,27	0,46	0,3841988	0,561617
RP11-78O7.2	0,23	0,44	0,00	1,99	0,3842363	0,561634
MMP11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3843359	NA
EML6	0,37	0,20	0,54	0,41	0,3843711	0,561795
HSD17B13	0,40	0,64	0,61	0,37	0,3844574	0,561853
POLR3D	1,85	1,16	1,61	0,41	0,3844833	0,561853
MCC	0,11	0,20	0,14	0,25	0,3845184	0,561853
PPFIA4	1,00	0,70	0,79	0,65	0,3845424	0,561853
RP11-648O15.1	0,08	0,00	0,00	0,28	0,3845455	0,561853
FTH1	12,89	12,65	12,82	12,44	0,3845629	0,561853
RP11-629O1.2	0,00	2,77	1,25	0,31	0,3846975	0,562013
DTWD1	5,06	4,57	5,11	5,85	0,3847925	0,56211
TMED7-TICAM2	0,57	0,00	1,30	0,93	0,3848147	0,56211
RP11-26F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3848636	0,562145
RP11-304L19.3	1,00	1,42	0,69	1,13	0,3849566	0,562244
FBXL19-AS1	0,32	0,45	0,33	0,44	0,3849903	0,562256
PAX8	0,00	0,00	0,00	0,06	0,3851311	0,562424
RP11-92A5.2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3851604	0,56243
SF3B3	5,32	5,90	5,37	4,97	0,3854304	0,562755
RNU6-354P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3854795	0,562755
RNU6-610P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3854795	0,562755
BPHL	3,07	1,41	2,10	1,92	0,3854838	0,562755
RNU6-233P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3854875	NA
RP11-677M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3855242	0,562777
EFCAB11	2,58	2,52	1,74	1,85	0,3856031	0,562828
AC090286.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3856097	0,562828
NUTM2G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3857148	0,562944
RP11-24F11.2	3,51	1,57	1,75	0,33	0,3859352	0,563216
RP11-752G15.8	0,10	0,00	0,26	0,16	0,3859593	0,563216
SDCBP2	0,00	1,96	0,00	0,00	0,3859814	0,563216
MORN1	0,73	1,16	0,37	0,76	0,3860027	0,563216
RP11-395F4.1	0,00	0,00	0,00	0,63	0,3860892	0,563306
MOSPD3	3,64	5,68	3,25	3,13	0,3861623	0,563329
RP11-2E17.2	0,64	1,49	1,41	1,14	0,3861697	0,563329
RP11-386B13.3	0,00	0,29	0,10	0,26	0,3861846	0,563329
CTD-2224J9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3862159	0,563329
GMEB2	1,56	2,97	1,38	1,00	0,3862522	0,563329
ZNF781	1,62	0,56	1,31	1,91	0,3862577	0,563329

KIF12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3862597	NA
TNFRSF17	0,01	0,60	0,09	0,14	0,3862802	NA
FAM199X	2,06	1,01	1,33	0,79	0,3862856	0,563333
RP11-130C19.3	0,32	1,33	0,37	1,03	0,3863366	0,563371
PRR33	0,12	0,15	0,06	0,03	0,3864393	0,563451
CTC-529I10.1	4,33	0,00	2,31	0,76	0,3864422	0,563451
ACO16712.1	0,77	1,49	0,82	1,03	0,3865515	0,563536
ANKRD36B	3,16	2,84	2,35	1,78	0,3865517	0,563536
RP11-762L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3866051	0,563563
KHDC1	1,05	1,09	0,79	1,55	0,3866206	0,563563
RP13-204A15.5	0,00	0,00	0,75	0,00	0,3867097	0,563606
P2RY8	3,24	3,21	3,13	2,28	0,3867197	0,563606
BCAS3	4,10	4,37	4,10	3,81	0,3867263	0,563606
OSBPL6	0,81	1,17	1,09	2,04	0,3867883	0,563635
RNU1-106P	0,00	0,00	0,00	2,04	0,3867967	0,563635
CXCL2	1,12	2,63	4,35	2,66	0,3869341	0,563757
RP11-203I2.2	0,00	0,84	0,05	0,13	0,3869408	0,563757
CDCA4	1,44	1,33	2,47	0,30	0,3869995	0,563757
FN3KRP	3,30	1,14	2,86	0,07	0,3870054	0,563757
LINC00677	0,00	0,00	0,00	0,45	0,3870411	0,563757
VAMP2	4,40	4,16	4,17	3,39	0,3870436	0,563757
RP11-313P13.3	1,11	0,18	0,00	0,00	0,3870581	0,563757
POMGNT1	3,06	1,81	2,67	3,97	0,3871654	0,563857
RP13-270P17.2	2,35	0,15	0,57	0,00	0,3871774	0,563857
RP11-319E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3872459	NA
SCYL1	3,99	3,91	4,36	4,55	0,3874441	0,564208
RP11-1105G2.3	2,67	0,41	1,47	3,38	0,387652	0,564474
CDC42EP1	0,00	0,70	0,12	0,38	0,3877098	0,564511
RN7SL577P	0,00	0,00	0,41	0,71	0,3877281	0,564511
MAST4	0,25	1,18	0,55	0,34	0,3877734	0,56454
BUD13	2,86	2,67	3,17	3,20	0,3879128	0,564706
RP11-529E10.7	0,32	1,02	0,37	1,00	0,3879797	0,564766
RN7SL498P	1,11	0,85	0,00	1,91	0,3880579	0,564818
CH507-254M2.3	0,38	0,00	0,00	0,00	0,3880658	0,564818
RP11-29H23.1	0,27	0,00	0,29	0,00	0,3880989	0,564829
GPR18	3,80	3,43	3,14	1,40	0,3883164	0,565108
RP11-1035H13.3	1,10	4,38	0,00	2,62	0,3883535	0,565125
SMCO3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3885535	NA
KLRC3	0,00	0,00	0,00	0,22	0,3886061	0,565452
RP11-483G21.3	0,77	0,33	0,18	0,77	0,388629	0,565452
CCDC77	3,84	3,85	3,38	3,11	0,3886774	0,565485
RP5-947P14.1	1,46	1,80	1,35	0,48	0,3887106	0,565497
CPNE2	1,43	0,54	1,27	1,37	0,3888675	0,565615
INO80D	2,24	2,84	2,79	3,10	0,3888681	0,565615
NCCRP1	0,49	0,39	0,44	0,14	0,3888931	0,565615
RP11-373I16.1	0,00	0,00	0,24	0,00	0,3888934	0,565615
CD99L1	3,50	0,81	2,26	0,67	0,3889418	0,565634
BCL3	2,67	2,49	3,32	2,25	0,3889711	0,565634
OSGEPL1	1,58	1,07	0,97	2,50	0,388983	0,565634
NDUFAF1	3,09	1,26	1,39	1,19	0,389055	0,565701
DBT	0,65	0,47	0,88	1,24	0,389126	0,565768
CTD-2017D11.2	0,51	1,38	1,06	0,76	0,3892128	0,565857
RF00086	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3894536	0,56614
RP11-73M18.10	0,00	0,00	0,71	0,00	0,3894586	0,56614
CHRFAM7A	1,83	0,00	1,36	0,29	0,38951	0,566178

ESPL1	0,15	0,07	0,15	0,08	0,3895739	0,566234
RP11-1191J2.5	0,00	0,00	0,00	1,18	0,3896223	0,566267
C22orf42	0,00	0,11	0,00	0,08	0,3896289	NA
RHBDL1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,389833	0,566536
RNU4-86P	2,55	1,17	2,75	3,58	0,3898973	0,566593
RP11-231D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3899358	0,566612
CHST15	0,02	0,05	0,11	2,37	0,3899917	0,566656
RP11-277B15.2	0,64	0,00	0,53	0,74	0,3900456	0,566697
RP11-541N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3900573	NA
ACO11293.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3901243	NA
OR1J1	0,00	0,00	0,00	0,35	0,3901735	NA
RP4-569D19.5	0,11	0,13	0,15	0,08	0,3902086	0,566897
RP11-17P16.1	0,65	0,30	0,54	0,51	0,3902515	0,566922
RP11-764K9.1	0,33	0,09	0,43	0,45	0,3903103	0,56697
ZNF107	1,46	0,39	0,39	1,95	0,390429	0,567106
RP11-219A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3904959	0,567166
CBLC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3905121	NA
RP5-864K19.4	1,12	0,19	0,29	0,75	0,3905418	0,567195
RP11-417E7.1	0,00	0,31	0,00	0,00	0,3905723	NA
RP11-645C24.3	2,36	3,30	3,18	2,55	0,3906127	0,567261
MAPK8IP1	0,00	0,61	0,02	0,00	0,3906469	0,567274
TXLNB	0,05	0,00	0,00	0,02	0,3907322	0,567332
KB-1410C5.3	2,10	1,74	2,30	2,34	0,3907381	0,567332
RP11-307C12.13	0,00	3,30	0,00	1,45	0,3907971	0,567363
RMDN3	3,48	1,67	1,77	1,32	0,3908107	0,567363
RP3-324O17.8	0,00	0,00	0,19	0,00	0,3908418	0,567372
CTD-2377D24.6	0,00	0,30	0,57	0,31	0,3910239	0,567574
RP11-537A6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3910262	NA
DNMT3B	0,00	0,03	0,00	0,07	0,3910324	0,567574
AGBL5	0,32	0,06	0,52	0,58	0,391103	0,567592
RP11-1072C15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3911445	0,567592
CEP152	3,10	1,79	3,27	2,57	0,3911502	0,567592
KCTD1	0,94	0,92	1,29	0,82	0,391155	0,567592
GTF2H5	1,29	0,97	1,40	1,57	0,3911729	0,567592
MFSD10	4,07	2,44	4,92	4,35	0,3911976	0,567592
RP11-358H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3912609	NA
NOXO1	0,00	0,00	0,00	0,23	0,3913107	NA
DDIAS	1,69	1,00	1,31	0,85	0,3913675	0,567801
RP11-753H16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3914047	0,567818
RP11-113J24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3914734	0,567881
AGPAT2	3,46	2,67	3,99	4,64	0,3915021	0,567885
SLC22A10	0,00	3,06	0,00	0,00	0,3915674	0,567943
KB-1958F4.1	0,73	0,00	0,52	0,00	0,3916869	0,568042
IGSF8	0,33	3,21	2,86	1,85	0,3916881	0,568042
CFAP206	0,35	0,00	0,26	0,00	0,3917126	0,568042
ACO93690.1	0,67	0,46	0,26	0,69	0,3917537	0,568065
SMAD1	1,11	0,07	1,13	1,07	0,3918867	0,56819
RP5-940J5.8	1,51	0,88	0,91	0,49	0,3918912	0,56819
RP11-73B2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3919423	NA
CPE	0,00	0,00	0,00	0,06	0,3919428	NA
RP11-434C1.1	0,07	0,14	0,16	0,36	0,3920083	0,568314
ELP5	5,76	2,17	4,79	5,89	0,3920281	0,568314
RP11-94B19.3	0,00	0,19	0,00	0,00	0,3921119	NA
RP11-302M6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3922522	0,568602
STAB2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3923152	0,568649

SIK2	1,05	0,62	0,59	0,52	0,39234	0,568649
BET1L	3,25	3,36	2,98	3,65	0,3923611	0,568649
RP11-57H14.3	0,00	0,80	0,00	0,00	0,3924478	NA
RP11-455J20.2	1,81	2,60	1,81	1,74	0,3925225	0,56883
INSRR	0,00	0,05	0,00	0,00	0,3925275	NA
MOGS	1,74	0,58	1,81	2,24	0,3925786	0,56883
HOXA-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3925867	0,56883
EPB41L3	5,46	5,15	5,79	4,61	0,3926106	0,56883
LAGE3	3,64	3,04	3,59	4,18	0,3926332	0,56883
KIF11	0,13	0,15	0,34	0,21	0,3926396	0,56883
CD58	6,75	7,03	6,00	6,65	0,3927336	0,568929
RP11-38L15.3	0,00	0,96	0,37	0,00	0,3928155	0,568989
SMS	5,49	4,49	4,76	3,36	0,3928374	0,568989
AC104135.4	0,00	0,00	0,00	0,12	0,3928518	0,568989
NUDT12	0,00	0,00	0,00	0,58	0,3929023	0,569025
RP11-90J7.3	0,00	0,00	0,00	0,57	0,3929326	0,569032
SLC38A9	3,59	2,33	3,38	3,12	0,3931177	0,569263
RP11-121L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3932369	NA
DHRS4	4,70	5,06	5,02	4,18	0,393465	0,569728
IL1RL2	0,00	0,00	0,00	0,41	0,3934989	0,56974
RN7SL310P	0,00	2,23	0,00	0,00	0,3935489	NA
SPDYE5	0,99	0,91	0,36	1,06	0,3936085	0,569835
APTX	4,73	5,39	4,42	3,71	0,3936156	0,569835
RP11-525G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3937471	0,569988
ADAT2	3,39	3,23	3,59	3,09	0,3937863	0,570008
RP11-196G4.2	0,00	0,00	0,01	0,03	0,3938047	NA
KCTD20	3,67	3,50	3,95	3,59	0,3939399	0,570193
RP11-89K21.1	0,00	0,00	0,00	0,04	0,3939445	NA
LPCAT2	5,18	3,86	4,71	4,74	0,3940061	0,570226
RP11-400F1.1	0,00	0,17	0,09	0,14	0,3940137	0,570226
UBE2J1	4,00	4,75	3,71	3,41	0,3941038	0,570319
AC009237.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3942303	0,570465
RN7SL122P	2,08	1,20	2,07	1,93	0,3942597	0,57047
ZNF598	2,16	2,35	2,08	0,38	0,3944033	0,570603
RP4-647J21.1	2,71	1,26	2,71	0,44	0,3944169	0,570603
TIMM10B	4,35	3,73	3,05	2,93	0,394432	0,570603
GATA6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3944459	NA
ANG	2,57	4,74	1,15	3,96	0,3944545	0,570603
KRT18P18	0,00	0,13	0,00	0,00	0,3944652	NA
RP11-764D10.2	0,00	0,00	0,44	0,99	0,3945432	0,570695
GOLGA8H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3945659	NA
RP11-226E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3946173	NA
PRRC1	3,50	1,28	4,27	2,97	0,3946217	0,570771
TXNDC15	4,21	4,62	3,87	3,29	0,3946483	0,570772
CTD-2013N17.4	0,00	0,00	0,00	0,60	0,394666	NA
RP11-114N1.1	0,00	1,33	0,00	0,00	0,3947229	NA
RP11-173B14.5	0,00	0,80	0,00	1,03	0,3947393	0,570861
AC007422.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,394758	NA
SYT10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3947835	0,570861
TSNAX-DISC1	0,00	1,44	0,00	0,00	0,3947863	0,570861
RNASE9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3948029	NA
DRC7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3948112	NA
RP11-151N17.1	0,00	0,00	0,15	1,28	0,3948818	0,570961
ZNF202	0,40	0,56	0,12	0,21	0,3951485	0,57131
DYNC1I1	0,45	0,41	0,27	0,28	0,3951856	0,571326

RN7SL297P	0,00	0,84	0,00	0,00	0,3951942	NA
CLCN5	2,73	1,61	2,26	1,76	0,3952589	0,571395
CTD-2013N24.2	2,45	0,61	1,28	0,93	0,3953306	0,571458
RSPH9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3953733	0,571458
RP11-863P13.4	0,74	0,00	1,66	0,86	0,3953985	0,571458
RP11-202D20.1	1,62	0,00	0,00	0,00	0,3954294	0,571458
AC005300.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3954514	0,571458
BPNT1	2,40	0,74	2,21	1,03	0,3954564	0,571458
GJAS	0,00	0,12	0,00	0,00	0,395464	NA
SCAI	1,87	2,23	1,43	2,17	0,3955017	0,571486
RP13-188A5.1	0,34	1,40	0,46	0,53	0,3955577	0,57153
TM2D2	4,03	1,37	3,49	2,67	0,3955947	0,571546
RP11-160N1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,395707	NA
RP11-266J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3957307	0,571674
FAM20A	0,17	1,23	0,15	0,34	0,3957347	0,571674
TRGV4	0,24	0,86	0,00	0,00	0,3957914	0,571719
RP11-93H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3958162	NA
PNLIPRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3958453	NA
RBFOX1	0,13	0,18	0,39	0,00	0,3958465	0,571761
RP11-348A11.5	0,00	0,00	0,00	1,49	0,3959238	0,571836
TTPA	0,07	0,27	0,13	0,15	0,3960838	0,572029
RP11-363G15.2	0,12	0,29	0,00	0,17	0,3961546	NA
ERMARD	4,90	1,34	4,20	3,63	0,3961831	0,572136
CRX	0,27	0,24	0,42	0,35	0,3962567	0,572205
RP11-596C23.2	3,36	1,06	3,28	1,42	0,3963262	0,572268
RNU6-1284P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3963787	0,572307
GPR132	0,98	0,60	1,67	1,21	0,3964123	0,572318
RP11-665C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3964444	NA
RP5-1154L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3964871	NA
ZDHH4	5,14	5,11	4,78	5,64	0,3965606	0,572427
CCDC56	6,82	6,67	6,56	7,32	0,396564	0,572427
AJ011931.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3965652	0,572427
CTD-2066L21.3	0,28	0,00	0,28	0,38	0,3965996	0,57244
COL4A3BP	4,91	5,05	5,42	5,37	0,3967666	0,572644
EIF3LP2	0,17	0,00	0,18	0,22	0,3968662	NA
AC024619.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3969065	NA
CTC-428G20.5	0,53	0,46	0,92	1,28	0,3969413	0,572859
CELF6	1,00	1,39	0,54	0,64	0,3970018	0,572889
FAM118B	4,36	1,41	3,77	2,43	0,3970142	0,572889
RP1-7G5.6	0,40	0,51	0,28	0,63	0,3970984	0,572974
RP11-74E22.8	0,00	0,12	0,05	0,04	0,3971457	NA
CTD-2334D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3972357	NA
CDC42BPA	0,55	0,35	0,45	0,09	0,3972704	0,573163
KLHL4	0,00	0,00	0,00	0,02	0,397282	NA
CTD-2173L22.4	0,00	0,32	0,00	0,00	0,3972825	0,573163
METRNL	6,27	7,14	6,80	6,69	0,3973289	0,573163
CP	0,61	0,16	0,20	0,10	0,3973329	0,573163
LL22NC03-79E2.1	1,02	0,94	1,48	0,99	0,3973959	0,573217
RP11-548M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3974237	NA
RP11-370F5.4	0,00	0,57	0,31	1,74	0,3974928	0,573319
STAG3L5P	3,24	2,36	2,99	3,46	0,3975483	0,573362
RP11-798M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,397574	0,573362
RP11-198D23.2	0,00	2,34	0,00	0,00	0,3975977	NA
NCAPD3	2,12	1,15	1,31	0,69	0,397656	0,573413
MGAT5B	0,00	0,09	0,00	0,00	0,3976611	0,573413

RP11-78J21.2	0,42	0,60	0,42	0,19	0,3978305	0,573618
TPM1	3,41	4,19	3,26	1,80	0,397901	0,573618
MIR4637	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3979163	0,573618
PREX2	0,18	0,02	0,12	0,24	0,3979251	0,573618
CFAP73	0,00	0,00	0,00	0,00	0,397932	0,573618
LINC00304	0,33	0,84	0,30	0,38	0,3981071	0,573833
LINC00266-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3981416	NA
TSPAN16	0,00	0,00	0,00	0,52	0,3981495	0,573857
ZNHIT6	2,96	1,98	2,28	2,27	0,3981999	0,573891
AC062029.1	0,88	0,00	0,07	0,47	0,3982249	0,573891
AC096921.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3983385	0,574018
PAOX	1,43	1,66	2,29	3,81	0,3984465	0,574063
SPAG5	2,03	0,59	2,93	0,20	0,3984552	0,574063
GGACT	0,16	0,00	0,00	0,15	0,3984582	0,574063
FAM102A	0,03	3,31	0,06	0,63	0,3984736	0,574063
RN7SL191P	0,76	0,00	0,79	1,36	0,3985952	0,574201
FAM197Y3	0,00	0,00	0,03	0,00	0,3986108	NA
RP5-875O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3988349	NA
DRC3	3,12	1,65	3,43	2,28	0,3989103	0,574618
PKIG	3,38	1,45	1,31	1,06	0,3989797	0,574681
RP5-1022I14.1	0,47	0,12	0,38	0,30	0,3990579	0,574725
RP11-667K14.5	1,94	1,24	1,76	3,64	0,3990621	0,574725
RN7SL535P	0,00	0,00	0,00	0,80	0,3990974	0,574733
AC022201.4	0,27	0,85	0,14	0,00	0,3991196	0,574733
MATR3	6,31	6,08	5,93	5,43	0,3991914	0,574799
NAB1	3,17	2,72	2,98	3,54	0,3992551	0,574854
LAMA2	0,00	0,66	0,00	0,00	0,3993446	0,574946
VN1R81P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3993738	0,574947
MRP63P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3994217	0,574947
SLC4A8	1,67	1,73	1,41	1,21	0,3994235	0,574947
RP11-716O23.2	0,00	0,29	0,00	0,26	0,3994253	NA
GPER1	0,11	0,47	0,08	2,17	0,3996447	0,575229
UBR7	3,15	1,12	2,41	1,63	0,3996959	0,575265
NCAM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,3998187	NA
CTD-2515O10.6	3,54	2,74	2,64	3,34	0,399846	0,575423
RMND5B	1,80	0,45	2,41	2,06	0,3998578	0,575423
SLC22A5	1,13	2,23	1,29	1,00	0,3998888	0,575431
NAGLU	0,98	0,54	3,11	2,66	0,4000768	0,575664
RP11-775H9.3	0,00	0,37	0,00	0,00	0,4001243	0,575695
RP11-330L19.2	0,38	1,11	0,00	0,41	0,4003351	0,575961
SLC38A11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4004014	0,576019
RP11-533K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4004803	0,576095
C12orf42	0,00	3,76	0,00	2,67	0,4005298	0,576121
RP11-231P20.2	1,75	1,47	1,97	1,03	0,4005501	0,576121
RP11-154D17.1	0,28	0,51	0,42	0,88	0,4006297	0,576198
AP000609.2	0,31	0,00	0,33	0,30	0,4007073	0,576273
FARP1	2,57	1,83	2,77	2,20	0,4009912	0,576604
RP11-21L23.2	0,07	0,14	0,10	0,12	0,4010304	0,576604
CENPH	0,77	0,35	1,20	1,35	0,4010495	0,576604
CDK9	3,16	2,88	3,39	2,87	0,4010619	0,576604
RP11-384E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4010892	0,576604
C21orf67	0,23	0,00	0,00	0,00	0,401093	0,576604
MPP2	0,00	0,40	0,00	0,00	0,4011767	NA
RP11-316C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4011833	0,576673
UBAP2	3,51	3,27	2,81	2,06	0,4011929	0,576673

CDC20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,401334	0,576838
RP11-454P21.1	0,00	2,88	0,00	1,47	0,4013633	0,576843
KCNE1B	0,00	0,00	0,00	0,25	0,4014539	0,576862
AC012507.3	2,96	4,66	2,21	0,00	0,4014703	0,576862
FN1	0,14	0,70	0,26	0,19	0,4014787	0,576862
PKD1	0,58	0,92	0,64	0,58	0,4014803	0,576862
ARHGEF10	0,53	0,32	0,96	0,88	0,4016101	0,576991
CDCA7L	3,93	1,73	2,71	0,77	0,401622	0,576991
PCNX1	4,54	2,95	4,38	4,06	0,4017676	0,577163
KCNC4	0,23	0,32	0,27	0,89	0,4018286	0,577213
TBC1D29	0,00	0,68	0,00	0,54	0,4018789	0,577248
MIR5095	0,00	2,21	0,64	0,00	0,4018894	NA
MIR5708	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4019889	NA
RP11-737O24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4020423	0,577445
MAGEB3	0,00	0,23	0,00	0,00	0,4020969	NA
SLC39A1	3,42	2,77	2,90	2,19	0,4022182	0,577661
MIR103A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4022227	NA
IPO9	3,76	2,19	3,13	2,47	0,4023439	0,577804
STARD8	3,22	3,64	3,34	2,75	0,402556	0,578034
RP11-502I4.3	0,00	0,00	0,00	0,12	0,4025769	0,578034
RP11-39K24.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4026053	0,578034
CTD-2331H12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4026081	0,578034
TARBP2	3,58	1,53	3,19	3,83	0,4027784	0,578206
RP11-309H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4028036	0,578206
AC068533.7	0,00	0,00	0,82	1,03	0,402824	0,578206
CTC-454M9.1	0,82	0,36	0,37	1,20	0,4028318	0,578206
RP1-37E16.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4029079	0,578241
RP11-1060J15.7	1,45	1,27	2,23	1,57	0,4029081	0,578241
DZIP1L	0,03	0,00	0,10	0,06	0,4029596	0,578277
RP11-798M19.6	0,75	0,87	1,02	0,40	0,4030163	0,578321
AC093620.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4030366	NA
RP11-277I20.2	1,96	0,00	0,87	0,68	0,4030457	0,578326
RP11-454H13.5	0,42	0,67	1,11	0,45	0,4030845	0,578344
RP4-706A16.3	0,00	0,40	0,17	0,47	0,403085	NA
CTD-2521M24.13	0,24	0,19	0,37	0,15	0,4031545	0,578384
HAGH	4,96	5,23	4,71	4,68	0,403164	0,578384
RP11-477B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4032233	NA
RP11-123O10.1	1,00	0,00	1,56	1,93	0,403296	0,578536
SCARNA23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4034876	0,578733
RP11-108M9.6	0,00	0,00	0,26	2,52	0,4035065	0,578733
RP11-1099M24.6	0,33	0,68	0,76	0,52	0,4035314	0,578733
CASC10	0,08	0,07	0,08	0,06	0,4035663	0,578733
SNX32	0,00	0,07	0,00	0,00	0,4035825	0,578733
RP11-10E18.7	0,00	0,15	0,68	0,15	0,4035898	0,578733
SETD9	4,13	2,43	1,28	0,53	0,4036576	0,57875
RNU6-1152P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,403673	0,57875
ZNF614	1,72	1,70	1,59	1,16	0,4037194	0,57875
KIF18B	0,13	0,20	0,19	0,09	0,4037452	0,57875
LA16c-316G12.2	3,06	2,71	2,91	1,93	0,4037454	0,57875
RP11-159F24.4	0,40	0,56	0,38	0,35	0,403758	0,57875
RP11-326K13.5	0,00	1,31	0,00	0,00	0,4040678	0,579157
RP11-862L9.3	0,00	0,00	0,00	0,29	0,4040944	NA
RP11-449K6.4	0,00	0,00	0,00	0,05	0,404118	0,57918
ATG9A	2,60	1,95	2,71	3,74	0,4041472	0,57918
CTD-2553L13.10	0,00	0,00	0,16	0,38	0,4041621	0,57918

PDRG1	3,11	1,12	1,83	0,92	0,4043902	0,579469
AC011551.3	0,77	0,77	0,58	0,91	0,4044345	0,579496
RP13-638C3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4046222	NA
HPRT1	6,06	6,05	4,93	2,40	0,4046379	0,579745
TRIM55	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4046491	NA
ZNF215	0,19	1,13	0,27	0,40	0,4046609	0,579745
CYP39A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4046744	NA
RP1-68D18.4	3,95	3,78	4,13	4,42	0,4047064	0,579769
SLC35B2	3,14	3,98	3,11	1,96	0,4047297	0,579769
CTA-243E7.3	0,39	0,49	0,54	0,64	0,4048256	0,579852
RP6-65G23.1	0,15	0,59	0,30	0,31	0,4048511	0,579852
RP11-480D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4048792	NA
RP11-1H15.2	0,28	0,00	0,15	0,56	0,4049313	0,579852
C1orf52	4,73	4,17	4,72	3,35	0,4049339	0,579852
SENP1	3,29	0,54	2,20	3,05	0,404988	0,579852
AC078937.4	1,54	2,07	1,48	0,91	0,4049906	0,579852
RP11-334C17.5	0,83	1,18	1,27	2,08	0,4049945	0,579852
MBNL3	4,14	2,82	3,08	2,05	0,4049963	0,579852
RP11-286N22.6	2,08	1,96	2,68	2,90	0,4051778	0,580075
SGSM2	3,81	3,54	4,06	2,86	0,4054418	0,580415
RP11-159F24.3	0,00	0,00	0,46	0,42	0,4055137	0,580481
FAM234B	1,45	0,50	0,66	0,17	0,4055527	0,580499
EEF1A19	0,47	0,39	0,57	0,27	0,4056276	0,580569
AC130469.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4056316	NA
LINC00158	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4057773	NA
SRPK2	5,27	4,61	5,07	5,34	0,405818	0,580804
RPL7AP31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4058839	0,580861
OR11N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4058936	NA
RP1-202O8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4059065	NA
RP11-512M8.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4059348	NA
BTN3A2	4,05	4,53	3,97	4,28	0,4059735	0,580951
RP11-422N19.3	0,00	0,54	0,00	0,00	0,4060195	0,580951
RP11-544M22.13	2,38	3,20	1,93	0,51	0,4060603	0,580951
USP20	1,97	2,61	2,11	3,11	0,4060736	0,580951
RP11-946P6.4	0,00	0,00	0,00	0,73	0,4060777	0,580951
DCDC1	0,08	0,19	0,09	0,31	0,4061472	0,581013
SNX27	4,15	4,24	4,13	3,96	0,4061851	0,58103
CTD-2267D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4062249	0,58105
TBC1D10C	4,49	5,63	3,96	4,04	0,4062541	0,581054
RP11-221J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4063111	0,581069
SYCE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4063416	0,581069
ERCC6	3,96	2,36	2,85	1,03	0,406343	0,581069
RPS12P26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4063579	NA
RP1-272E8.1	0,08	0,64	0,32	0,31	0,4063715	0,581072
PDAP1	3,36	3,11	3,35	3,04	0,4064178	0,581101
RP11-471M2.3	0,09	0,07	0,04	0,56	0,4066188	0,581351
SPIN2B	0,82	0,26	0,37	0,28	0,4066642	0,581379
TM6SF1	3,94	2,67	3,49	1,99	0,4067049	0,581399
RP11-126O22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4067536	0,581432
CTB-36O1.4	0,00	1,39	0,00	1,00	0,40676	NA
RP11-439C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4068551	NA
RP11-834C11.7	0,00	0,00	0,00	0,17	0,4068833	NA
CHFR	4,97	4,35	4,77	3,99	0,4069424	0,581631
MDM2	4,73	5,63	4,68	5,57	0,4069975	0,581631
FCMR	2,33	0,68	0,67	0,00	0,4070106	0,581631

CTC-428H11.2	0,45	0,52	0,44	0,54	0,4070337	0,581631
TAF5	0,19	0,04	0,08	0,22	0,407043	0,581631
RP11-204J18.3	0,52	0,35	0,48	0,43	0,4070499	0,581631
RP1-197B17.7	0,04	0,06	0,02	0,33	0,4071756	0,581773
DIO1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4072762	0,581879
FBXO4	3,99	3,08	2,01	0,34	0,4074492	0,582089
C10orf76	3,40	3,92	3,42	3,05	0,4074929	0,582096
ICK	0,68	1,56	0,74	0,96	0,4075063	0,582096
AP005901.1	0,23	0,71	0,19	0,33	0,4076655	0,582286
RNU6-939P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,407666	NA
RP11-777J24.1	0,54	1,14	0,72	0,76	0,4076733	NA
KLF4	8,25	7,99	8,03	7,50	0,4077312	0,582312
RP11-838N2.5	0,18	0,84	0,18	0,00	0,407736	0,582312
ALS91893.1	1,84	1,47	1,34	1,69	0,4078422	0,58239
CH17-268I9.2	3,08	0,92	3,06	2,89	0,4078551	0,58239
RP1-308E4.1	0,00	0,00	0,00	0,49	0,4078699	0,58239
RP11-561C5.3	0,28	0,31	0,32	0,66	0,4080657	0,582633
LRRC31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4081045	NA
NCRNA00106	5,81	5,01	5,69	4,62	0,4081131	0,582663
PUS10	2,49	1,95	1,58	1,29	0,4082612	0,582746
AFG3L1P	4,45	3,90	4,70	4,19	0,4082704	0,582746
MDM1	2,14	1,56	2,71	0,81	0,4082909	0,582746
RP11-1008C21.1	0,00	0,00	0,00	2,04	0,4083075	0,582746
TLR10	3,62	1,35	2,46	0,25	0,4083282	0,582746
ACO13271.7	0,16	0,08	0,24	0,16	0,4083287	0,582746
ACO06039.4	1,47	2,11	1,53	2,02	0,4084547	0,582889
RN7SL375P	0,00	0,89	0,00	0,00	0,4085	NA
ASCC1	5,12	3,93	4,25	4,27	0,4086355	0,583109
P3H3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4087072	NA
KIAA0430	3,64	3,70	3,73	3,13	0,4088003	0,583307
RBM4B	3,56	2,26	2,06	3,00	0,4088901	0,583397
RP11-567L7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4089206	NA
AIFM1	5,02	5,64	4,14	2,74	0,4089827	0,583492
RP11-166N6.3	0,00	0,26	0,00	0,00	0,4090392	NA
TUBA1C	6,47	6,64	6,27	5,18	0,4090437	0,583531
RP11-627K11.3	0,32	0,00	0,00	0,68	0,4090625	0,583531
HIST2H3PS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4090908	NA
PSMA5	7,01	6,54	6,41	6,30	0,4091118	0,583539
SLF1	3,44	0,79	3,35	2,65	0,4091208	0,583539
RP11-2H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,409164	NA
TMEM87A	6,20	6,12	5,48	5,82	0,4092177	0,583627
OR51AB1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4092557	NA
RP11-354P17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4092557	NA
RP11-350G24.1	0,48	1,05	0,00	0,35	0,4092703	0,583627
RNU6-807P	0,00	2,70	0,00	0,00	0,4092978	0,583627
ACO16735.2	0,24	0,05	0,16	0,20	0,4093082	0,583627
THBS3	0,42	1,21	2,89	2,15	0,4093139	0,583627
RP11-544M22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,409391	NA
BHMG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4093955	NA
RP1-29C18.8	0,80	0,43	0,41	0,25	0,4095194	0,583752
RGCC	5,77	5,65	5,99	5,92	0,4095484	0,583752
PMM1	5,48	4,43	5,09	3,39	0,4095561	0,583752
CTD-2561B21.7	0,00	2,54	1,30	3,14	0,4095566	0,583752
DRAM1	4,54	4,21	4,94	3,76	0,4095587	0,583752
MTURN	0,57	0,13	1,72	2,26	0,4095828	0,583752

AFAP1	1,35	2,19	1,28	1,60	0,4095853	0,583752
RP1-234P15.4	0,17	0,50	0,06	0,00	0,4097641	0,583967
CTD-3137H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,409805	0,583967
MYB	0,11	0,40	0,14	0,17	0,409831	0,583967
STRC	0,31	0,41	0,56	0,28	0,4098413	0,583967
WNT7B	0,00	0,04	0,00	0,00	0,4099551	NA
ZYG11A	0,23	0,11	0,31	0,40	0,4099752	0,584121
FAM160B2	2,23	2,62	2,12	3,12	0,4100847	0,584236
RP11-266L9.1	0,08	0,10	0,08	0,09	0,4101088	0,584236
NDNF	0,00	0,00	0,00	0,15	0,4102128	NA
RP11-165J3.5	0,00	0,32	0,00	0,00	0,410325	NA
RP11-429B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4103444	NA
ANKK1	0,00	0,11	0,13	0,17	0,4103798	0,584585
ACO73236.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4105388	0,584774
MEFV	2,90	2,19	3,22	3,08	0,4105935	0,584814
ERVK3-1	6,12	6,35	5,77	5,69	0,4106824	0,584855
RP11-428J1.5	0,00	0,00	0,00	0,14	0,4107076	0,584855
RP11-1035H13.2	3,13	2,30	1,39	0,56	0,4107246	0,584855
MRPL45	4,98	3,96	4,14	2,64	0,410748	0,584855
CR769776.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4107594	NA
RP11-794M8.1	1,44	0,57	0,99	1,33	0,4107607	0,584855
PPP2R5E	3,67	2,28	3,95	2,82	0,4107802	0,584855
RNF34	4,91	3,63	4,66	3,46	0,4108233	0,584858
FAM86B1	0,07	0,38	0,25	0,00	0,4108351	0,584858
SPX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4109145	0,584934
IGKJ5	0,00	4,27	0,00	0,00	0,4109221	NA
RP11-804A23.4	0,79	2,24	0,63	1,28	0,4109669	0,584971
GFPT1	2,22	1,18	2,47	2,12	0,4110059	0,584989
SCARNA2	0,00	0,00	0,00	0,45	0,4111113	NA
RP11-565J7.3	0,45	0,90	0,68	0,49	0,411163	0,585175
HMGA1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,41118	NA
CTA-85E5.10	0,00	0,00	0,00	0,84	0,4112068	0,5852
RP11-120C12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4113307	NA
RASAL2	0,07	0,31	0,16	0,46	0,4113337	0,585343
CTD-2054N24.2	1,00	0,41	1,31	0,97	0,4114949	0,585535
MARCH4	0,00	0,34	0,00	0,00	0,4115376	0,585558
RP13-46G5.4	0,00	0,00	0,00	0,41	0,4116249	0,585645
MGAT4B	2,00	1,84	4,04	2,75	0,411668	0,585669
SLITRK4	0,08	0,15	0,42	1,50	0,4117691	0,585775
DYRK4	5,06	2,64	4,71	4,39	0,4118073	0,585792
RP11-393I2.2	0,00	0,19	0,00	0,00	0,4118845	NA
RP11-400N9.1	0,56	0,96	0,45	0,59	0,4118894	0,585871
ZNF436	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4119302	0,585888
PSMB5	5,93	2,69	5,57	5,95	0,4119536	0,585888
RP11-317N8.5	0,04	0,15	0,05	0,10	0,4120462	0,585982
PPP1R3D	0,15	0,15	0,26	0,24	0,4121103	0,586036
CLN8	3,79	2,59	3,88	3,28	0,4121648	0,586076
MIR4661	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4122303	NA
P2RX6	0,00	0,27	0,00	0,00	0,4123974	NA
GNB1	5,95	5,77	5,81	4,93	0,4124117	0,586389
PCNX4	3,55	2,24	3,30	2,37	0,4124698	0,586434
GAS6-AS2	0,12	0,36	0,16	0,25	0,4125241	0,586474
ZG16	0,00	0,14	0,05	0,04	0,4126112	0,58656
RP11-298E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4126129	NA
RP11-662B19.2	0,00	0,40	0,00	0,00	0,4127397	NA

CHMP3	6,07	5,89	5,44	6,21	0,4127431	0,58671
AC079584.3	0,84	0,00	0,04	0,08	0,4127852	0,586733
RP11-311F12.1	0,00	0,00	0,10	0,00	0,4128831	0,586796
LAMC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4128976	0,586796
LL22NC03-23C6.13	0,00	0,22	0,00	0,00	0,4129201	NA
RP11-90K6.1	0,13	0,00	0,00	0,17	0,4129319	0,586796
CHURC1	6,15	6,39	5,75	5,28	0,4129357	0,586796
RP11-73M18.7	0,00	0,00	1,36	2,74	0,4130047	0,586857
FAM154B	0,04	0,20	0,15	0,31	0,4130678	0,586909
ALAS1	3,85	1,82	3,51	1,38	0,4131902	0,587046
RP11-588L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4132636	0,587112
KLF9	3,86	3,89	3,39	2,54	0,4132939	0,587118
LATS2	2,08	0,98	1,84	1,21	0,4134051	0,587238
IFRD2	4,29	2,96	4,36	4,48	0,4134587	0,587277
ZC3H12A	2,65	1,81	2,89	1,88	0,4135805	0,587412
RP11-420K14.7	0,00	0,24	0,00	0,00	0,4136047	NA
RP11-456J20.1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,4136097	NA
RP1-300G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4136281	0,587442
MIR3180-4	0,43	0,63	1,02	0,00	0,4138385	0,587703
RP13-580B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4138542	NA
PHOSPHO1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,413884	0,587703
LINC01138	2,25	2,00	2,55	3,22	0,413891	0,587703
DDX58	2,82	1,58	2,66	2,57	0,4141095	0,587939
RP11-197N18.8	0,25	0,58	0,38	0,91	0,4141101	0,587939
CCNO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4141726	NA
BANCR	0,57	0,47	0,11	0,00	0,4141747	0,587993
AC009236.1	0,05	0,00	0,00	0,00	0,4142597	0,588076
TNPO1	4,56	2,18	4,11	4,11	0,4143559	0,588175
DCD	0,25	0,29	0,35	0,49	0,414403	NA
CBWD5	5,98	6,25	6,09	6,31	0,4144336	0,588248
TIMELESS	0,68	0,24	1,06	0,13	0,4145277	0,588274
AC005037.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4145292	NA
MAP1B	0,02	0,02	0,03	0,01	0,4145553	0,588274
FAM163A	0,10	0,08	0,00	0,00	0,4145565	0,588274
ANXA2P2	2,27	2,25	2,25	1,53	0,4145577	0,588274
RN7SL148P	0,00	0,00	0,43	3,32	0,4147073	0,588449
CD200	0,26	0,00	0,36	0,00	0,4148034	0,588547
ELMOD2	2,11	0,03	2,31	1,23	0,4148622	0,588585
RP11-662J14.2	0,80	0,31	0,84	0,00	0,4148832	0,588585
ASAP3	2,06	3,95	2,38	2,83	0,4150203	0,588742
PRDM11	0,03	0,68	0,07	0,09	0,4150595	0,588751
LA16c-359F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4150661	NA
TRBV9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4151034	0,588751
CES3	0,00	0,16	0,04	0,00	0,4151349	0,588751
AC019109.1	0,00	0,24	0,06	0,10	0,4151514	0,588751
IAH1	6,05	3,80	6,03	5,00	0,415172	0,588751
RP11-272L13.1	0,90	3,75	1,28	2,64	0,4151853	0,588751
RNU1-103P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4154115	NA
WAPL	4,59	4,56	4,49	3,86	0,4154266	0,589056
RP11-93G23.2	2,26	2,36	2,01	1,99	0,415463	0,58907
ANKHD1-EIF4EBP3	1,89	0,18	2,40	2,98	0,4154962	0,589079
RN7SL689P	1,32	0,00	1,79	0,80	0,4156896	0,589316
ACRBP	2,52	0,21	3,21	3,23	0,4159449	0,58964
RP11-144F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4160182	0,589706
RND3	0,00	0,00	0,00	0,11	0,4160674	NA

TUBGCP4	2,49	1,46	2,73	1,44	0,4162392	0,589958
RP11-426L16.8	0,27	0,39	0,44	0,90	0,4162726	0,589958
C16orf72	3,79	3,21	3,65	3,65	0,4163009	0,589958
AC018755.18	0,00	1,05	0,00	0,00	0,416323	0,589958
CTD-3193O13.12	0,07	0,14	0,07	0,08	0,4163282	0,589958
RFPL4A	0,00	0,00	0,00	0,17	0,4164446	0,590085
RP11-199H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4164561	NA
MMP24	0,02	0,04	0,19	0,12	0,4164865	0,590104
EMX2	0,27	1,26	0,37	0,68	0,4165161	0,590104
VILL	1,34	0,36	0,60	0,13	0,4165377	0,590104
RP5-965G21.3	0,45	0,74	0,42	0,76	0,4168121	0,590455
AC005041.9	0,33	0,13	0,09	0,56	0,4168616	0,590465
RNF144A	0,09	0,20	0,07	0,07	0,4168719	0,590465
FOXN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4171016	0,590751
TOE1	2,84	1,77	3,10	2,78	0,4171274	0,590751
LEMD3	2,90	2,76	1,99	3,24	0,4171729	0,590778
RPSAP57	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4171816	NA
AC010149.2	2,72	1,86	3,57	1,64	0,417247	0,590799
RP11-1082L8.3	0,00	0,10	0,00	0,00	0,4172734	0,590799
RP11-555K2.3	0,00	0,33	0,00	0,00	0,417283	0,590799
UNG	0,25	0,07	0,30	0,21	0,4172944	0,590799
AC096767.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4173272	NA
SMC1B	0,13	0,03	0,00	0,03	0,4173341	0,590818
CTD-2651B20.7	0,30	0,41	0,00	0,00	0,4174063	0,590883
AC010890.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4175753	0,591074
RP11-775C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4175944	0,591074
RP11-81A1.3	0,00	0,00	0,00	0,13	0,4176547	NA
PKD2	2,11	0,79	2,69	1,78	0,417664	0,591134
TRMT10B	3,17	3,85	2,67	2,60	0,4180888	0,591698
IL7	2,40	1,27	1,15	0,54	0,4182	0,591818
ELK3	3,46	4,18	3,81	3,11	0,4183346	0,591946
MIRLET7D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4183439	0,591946
RP11-26E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4183784	0,591957
AC087294.2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,418453	0,592025
RN7SL744P	1,57	3,09	1,72	2,69	0,4186142	0,5922
RASGRF2	0,00	0,07	0,00	0,09	0,4186358	0,5922
FITM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4186396	NA
AC073464.10	0,07	0,94	0,28	0,37	0,4186565	0,5922
RP11-368I7.4	0,00	0,00	0,00	0,05	0,4187712	NA
CTD-3032J10.4	0,00	1,71	0,00	1,64	0,418783	NA
RP11-689D3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4188091	0,592378
CWF19L1	3,85	4,85	3,35	3,20	0,4189	0,592469
SFT2D3	0,75	0,52	0,00	0,86	0,418962	0,592519
DHX33	1,23	2,55	1,10	0,84	0,4191108	0,592662
UGGT1	2,78	2,51	3,19	1,86	0,4191169	0,592662
RP3-417G15.1	0,00	0,00	0,25	0,00	0,4191835	NA
CTD-2036P10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4192203	NA
NCRNA00105	2,00	1,87	3,24	2,18	0,4194006	0,592996
RPS3AP49	0,32	0,40	0,34	0,42	0,4194217	0,592996
RP5-973N23.4	0,54	1,31	0,59	0,00	0,4194331	0,592996
RP11-362F19.1	0,00	1,95	0,00	0,05	0,4194878	0,593007
CARD17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4194943	0,593007
RP11-248G5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4195382	NA
RP11-48B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4195884	NA
AC005614.3	0,30	0,23	0,17	0,19	0,4196803	0,593232

RP11-324I22.4	2,33	3,38	2,32	2,65	0,4199557	0,593584
SLC36A3	0,09	0,09	0,07	0,03	0,4200721	0,593711
RP11-403B2.7	0,00	0,09	0,00	0,08	0,4201341	NA
RP5-1022P6.5	0,57	0,47	0,53	0,00	0,4202008	0,593855
ZCCHC11	3,54	3,07	2,92	3,50	0,4203077	0,593956
bP-2189O9.2	0,00	0,65	0,10	0,09	0,4203487	0,593956
ERC1	4,10	3,42	4,27	3,05	0,4203525	0,593956
NDOR1	0,00	0,86	0,64	0,52	0,4204027	0,593989
ACTR3C	0,32	0,09	0,47	0,14	0,4205801	0,594202
ACO15969.3	0,47	0,16	0,75	0,69	0,4206208	0,594222
RP11-588L15.2	0,00	0,00	0,00	2,61	0,4206593	0,594238
RP11-854K16.3	0,00	3,35	0,00	0,00	0,4207052	0,594265
ACO73343.13	0,82	1,84	1,31	1,60	0,4207525	0,594295
BEST3	0,59	2,01	0,14	0,87	0,4207815	0,594298
ARHGFEF19	0,58	0,00	0,06	0,45	0,4208567	0,594353
CSTB	6,10	6,10	6,16	5,30	0,4208906	0,594353
NUP205	4,54	3,21	3,78	3,04	0,4209196	0,594353
ZBTB7C	0,00	1,66	0,20	0,41	0,4209273	0,594353
TAZ	4,31	0,88	4,96	5,04	0,4210083	0,594397
CLRN1OS	0,05	0,13	0,08	0,21	0,4210124	0,594397
RP11-37E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4211032	NA
RP11-395B7.2	0,06	0,00	0,08	0,07	0,4211718	0,594562
SH3GL1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4211825	0,594562
OCRL	0,53	0,09	0,83	0,14	0,4212138	0,594568
UROC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4212512	NA
RP11-59D5_B.2	0,09	0,21	0,26	0,10	0,4212824	0,594627
ACO09404.2	1,25	1,98	1,88	2,51	0,4213405	0,594668
RP11-637O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4214307	0,594668
RP11-452F19.3	2,20	2,19	2,96	1,13	0,4214315	0,594668
HLA-J	1,29	2,38	1,49	1,20	0,4214359	0,594668
RP11-269G24.2	0,00	0,00	0,00	0,36	0,4214453	0,594668
ZNF639	2,33	1,75	1,77	2,70	0,4215577	0,594737
RBM25	5,77	5,00	5,83	5,60	0,4215733	0,594737
RNF125	4,65	5,28	4,26	4,35	0,421574	0,594737
RP5-1099E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4216008	NA
PRPF4B	5,01	4,11	4,59	4,49	0,4216683	0,594808
IFT27	4,31	4,47	4,33	2,17	0,4216778	0,594808
RN7SL819P	1,45	1,49	1,25	2,09	0,4218794	0,595054
LLNLR-259H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,421914	NA
NUP160	4,13	3,73	3,38	2,86	0,4219375	0,595068
HIST1H2BN	3,47	0,50	2,26	0,59	0,4219426	0,595068
CTD-3131K8.2	3,32	4,76	3,30	3,98	0,422031	0,595155
CTC-276H5.1	0,13	0,35	0,00	0,70	0,4220649	0,595165
WDR89	2,02	1,04	1,01	1,51	0,4221153	0,595198
RP1-228P16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4222042	0,595232
ARHGAP17	6,07	6,68	6,08	5,33	0,4222206	0,595232
NDUFAF5	4,34	4,64	4,00	4,09	0,4222269	0,595232
GMPPB	1,68	1,10	2,73	2,66	0,4222462	0,595232
HDAC11	0,00	0,00	0,02	0,06	0,4223089	0,595279
CTRC	0,19	2,12	0,22	0,48	0,4223336	0,595279
RP11-26N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4224394	NA
NAPB	1,07	0,24	1,09	0,46	0,4226703	0,595716
H2AFV	6,52	5,83	6,55	5,75	0,4227078	0,595731
C2orf50	0,10	0,46	0,10	0,21	0,4228203	0,595831
RP11-66N24.4	1,82	1,38	2,25	1,95	0,422832	0,595831

DDX3X	7,16	6,48	6,92	6,51	0,4229076	0,595877
RPL29P33	0,00	0,84	0,00	0,81	0,4229088	NA
MRTO4	3,69	2,18	3,23	1,37	0,4229187	0,595877
RP11-613D13.5	0,16	0,25	0,03	0,00	0,4230885	0,59605
CNDP2	6,83	5,93	6,63	6,03	0,4231025	0,59605
TTC37	4,63	4,09	4,23	4,57	0,4231214	0,59605
HOXC6	0,00	0,05	0,00	0,00	0,4231547	NA
RN7SL416P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4231595	0,596065
TGFB3	0,05	0,25	0,02	0,06	0,4232617	0,596172
ACO05534.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,423359	0,596271
PMS1	3,93	2,52	2,92	2,56	0,4234464	0,596356
MAN2A2	3,31	2,79	2,74	1,82	0,4235114	0,59641
LIMA1	1,85	1,14	2,29	2,35	0,4235876	0,596479
ZNF653	0,00	0,30	0,00	0,00	0,4237071	0,596578
RP11-330L19.1	0,29	1,26	0,00	1,21	0,4237448	NA
RP11-14N7.2	1,01	1,80	0,75	2,19	0,4237638	0,596578
CDK16	2,24	3,01	3,53	3,87	0,4237744	0,596578
RP11-12A20.7	1,61	1,75	1,45	1,57	0,4237863	0,596578
RP11-320N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4238052	0,596578
RP1-253P7.4	0,77	1,46	1,15	0,83	0,4238184	0,596578
RP11-177H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4239724	0,596757
KLK11	0,39	0,20	0,32	0,46	0,4240167	0,596781
RP4-736L20.4	1,17	2,17	1,76	1,71	0,424102	0,596863
RP3-331H24.7	0,05	0,91	0,00	0,68	0,4241653	0,596904
EMC8	3,90	3,41	3,39	3,04	0,4242061	0,596904
CHL1	0,00	0,00	0,00	0,26	0,4242113	0,596904
IGHV3-33	0,00	0,51	0,00	0,00	0,424251	NA
RP5-1073O3.5	0,56	0,24	0,79	0,17	0,4243245	0,597002
RP11-1134I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4243308	NA
RN7SL597P	2,01	0,83	1,12	1,27	0,4243415	0,597002
RP11-333E13.4	0,29	0,35	0,39	0,26	0,4243619	0,597002
RP11-711K1.8	0,00	0,00	0,00	0,48	0,4243986	NA
TDRD7	3,53	2,18	2,03	1,82	0,4244131	0,597002
RP11-617F23.1	3,30	3,14	3,60	2,31	0,4244156	0,597002
RP11-552M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4244968	0,597079
FAM182A	0,02	1,05	0,15	0,00	0,4246057	0,597194
MIR1273E	0,00	0,00	0,13	0,00	0,42465	NA
NCAPH	0,00	0,00	0,07	0,00	0,4246762	0,597255
MIR23A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4247183	NA
CEP85L	3,89	1,82	4,32	3,20	0,4248291	0,59741
WASF3	0,00	0,00	0,00	0,09	0,424851	0,59741
RNF40	4,05	4,56	4,82	4,60	0,424872	0,59741
RP11-497H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4248932	0,59741
SNORD65B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4249645	NA
RP11-445P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,424986	NA
NFIL3	4,11	4,84	4,12	4,06	0,4251315	0,59767
CTA-125H2.1	1,34	1,09	1,41	1,95	0,4251335	0,59767
GABPA	3,01	1,23	2,50	1,85	0,425186	0,59767
CYP4F3LP	0,00	0,00	0,00	0,61	0,4251942	0,59767
RP11-212P7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4252132	0,59767
RP11-180M15.6	1,59	0,58	2,15	1,58	0,4253086	0,597767
RPL10P5	0,00	0,00	0,00	0,34	0,425501	NA
JAKMIP3	0,00	0,38	0,00	0,00	0,4256086	0,59815
MS4A6E	2,39	0,00	0,44	1,61	0,4256572	0,598176
RN7SL426P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4257011	NA

RP11-344N10.5	0,42	0,94	0,78	1,14	0,4257099	0,598176
ST20-MTHFS	0,03	0,00	0,00	0,00	0,425726	0,598176
RP4-753P9.3	1,48	0,00	0,00	0,82	0,4257347	0,598176
RP11-506B4.4	0,00	6,10	0,18	0,33	0,4258156	0,598252
ZNF343	0,23	0,32	0,17	0,87	0,4259839	0,598451
RP11-248M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4260475	NA
GS1-166A23.2	0,25	0,00	0,00	0,00	0,426128	0,598567
RP11-197O15.1	2,28	1,02	2,48	3,67	0,4261704	0,598567
RP11-1148O4.2	0,61	0,00	0,00	0,00	0,4261721	0,598567
DUSP16	3,13	1,43	1,58	2,17	0,426174	0,598567
CEBPE	0,00	0,00	0,00	0,08	0,4263954	0,59884
RP11-188D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4264548	NA
RP11-305A4.3	0,12	0,43	0,23	0,54	0,4264893	0,598934
ZC3H7A	5,10	5,55	4,85	4,90	0,4265227	0,598943
RP11-413G22.2	0,00	0,89	0,00	1,85	0,4266008	0,599015
RP11-245C17.2	0,62	1,12	0,74	2,05	0,4267515	0,599164
TMEM242	2,96	1,32	2,28	2,37	0,4267612	0,599164
ARNTL	4,51	3,16	4,40	3,06	0,4267942	0,599173
MSH6	3,54	3,59	3,22	2,34	0,4269558	0,599359
RP11-290D2.5	0,00	0,00	0,00	3,53	0,4269727	NA
RP11-44N11.1	3,19	0,73	2,69	2,07	0,4270221	0,599359
RP11-46I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4270232	NA
RP11-694I15.7	0,00	0,15	0,00	0,00	0,4270514	0,599359
OXNAD1	3,80	2,69	3,61	4,19	0,42706	0,599359
RP11-57P19.1	0,28	0,28	0,71	0,35	0,4270616	0,599359
CBWD2	5,71	4,40	5,50	5,74	0,4271038	0,59938
RRP7A	4,65	4,17	4,22	4,20	0,4271362	0,599388
SNORD116-8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4271516	NA
RP11-76C10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,427159	NA
RP11-271K21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4272035	0,599444
KIAA0895L	2,92	0,69	1,96	1,67	0,4272584	0,599483
BST2	7,86	7,25	7,99	7,97	0,4273387	0,599497
RP11-981P6.1	2,49	1,09	2,74	2,07	0,4273598	0,599497
PPP3CA	4,93	4,13	4,71	4,96	0,4273744	0,599497
RP11-701H24.6	0,04	0,09	0,00	0,04	0,4273944	0,599497
ZMAT4	2,95	0,86	0,35	0,00	0,4274033	0,599497
RP11-763B22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,427424	NA
LYSMD1	0,29	0,00	0,41	0,13	0,42746	0,599508
IQCG	3,67	4,42	2,28	2,10	0,4274644	0,599508
ZNF354C	0,00	0,00	0,02	0,15	0,4276001	0,59966
ITPA	6,56	6,97	6,52	6,08	0,427694	0,599747
MGST1	5,27	1,96	5,17	5,37	0,4277163	0,599747
RP11-113C12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4277392	NA
RP11-241F15.3	0,00	0,00	0,00	2,52	0,4278387	0,599881
RP11-83M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4278394	NA
RPS18P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4279536	NA
SULF2	7,00	6,48	6,85	6,24	0,4279595	0,600007
AC105749.1	0,00	0,00	0,00	0,43	0,4279986	NA
RP5-1198O20.5	0,33	1,25	0,66	0,60	0,428005	0,600007
APELA	1,03	1,11	0,98	1,75	0,4280093	0,600007
PLEKHB2	5,78	5,15	5,73	5,10	0,4280845	0,600028
CESSA	0,00	0,30	0,00	0,00	0,4281524	0,600028
DPH1	3,27	4,12	2,30	1,09	0,4281696	0,600028
RP3-391O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4281732	0,600028
NEU3	1,65	2,23	1,78	1,44	0,4281787	0,600028

AC011294.3	0,70	1,86	0,39	0,39	0,4281867	0,600028
RAB24	7,15	6,02	6,83	6,93	0,4283962	0,600284
RP3-354J5.2	0,40	0,00	0,76	0,57	0,4285389	0,600446
RP11-596D21.1	0,32	0,17	0,00	0,00	0,4286032	0,600471
GPATCH1	1,32	3,17	0,88	1,40	0,428633	0,600471
AC004067.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4286376	0,600471
TLR1	3,47	3,55	4,88	3,68	0,4287678	0,600615
RP11-197P3.5	1,37	1,72	1,15	0,54	0,4288552	0,6007
JPX	5,02	1,17	4,73	3,20	0,4289924	0,600839
CTD-2282P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4290085	0,600839
RP4-777O23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4290694	NA
GPLD1	1,04	0,73	1,08	0,97	0,4291659	0,601021
SNORD14A	6,91	0,00	7,03	2,03	0,4292137	0,601021
GDPD2	0,05	0,06	0,13	0,05	0,4292194	0,601021
AP000473.6	0,00	0,00	0,00	0,53	0,4292316	NA
AC139103.1	0,00	0,15	0,00	0,00	0,4292658	NA
R3HDML	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4292726	NA
AC068831.15	4,86	5,68	4,75	5,41	0,4292797	0,601067
C16orf96	0,00	0,03	0,00	0,00	0,4293575	0,601101
IL27RA	3,50	3,40	3,08	3,03	0,4293581	0,601101
RP11-757G14.4	0,31	0,10	0,33	0,78	0,4294259	0,601158
STK32C	3,73	4,83	3,42	3,35	0,4295041	0,601229
RP11-843A23.1	0,00	0,00	0,10	0,00	0,4295307	0,601229
AC021224.1	0,22	0,00	0,00	0,00	0,4295839	NA
RP11-14C22.4	0,08	0,05	0,00	0,07	0,42959	0,601275
MARK3	6,22	5,64	5,66	5,72	0,4297126	0,601408
RP11-401F2.3	0,00	0,00	0,00	0,55	0,4297263	NA
MRAP2	0,00	0,74	0,10	0,00	0,4298379	0,601534
RP11-617D20.2	0,00	0,67	0,32	1,79	0,4298566	0,601534
RP11-386G11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4298771	NA
KIAA1549	0,06	0,10	0,22	0,06	0,4299606	0,601554
TMEM67	1,53	1,75	1,94	2,53	0,4299751	0,601554
RP11-167P22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4300286	NA
ATXN7L3	1,96	1,82	2,26	2,88	0,4300372	0,601554
RP1-199J3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4300465	0,601554
DEPDC1B	0,00	0,76	0,02	0,65	0,4300651	0,601554
AC002044.3	0,28	0,59	0,00	0,34	0,430067	0,601554
PGAP2	3,54	2,45	2,04	0,66	0,4300705	0,601554
RNU6-268P	2,97	4,16	2,98	1,80	0,4301119	0,601554
KCNJ1	0,04	0,00	0,00	0,79	0,4301142	0,601554
CTD-2368P22.1	0,83	1,35	1,35	1,61	0,4302161	0,601658
RN7SL336P	0,00	0,00	0,74	0,00	0,4302465	0,601663
MT-TA	5,88	5,58	5,87	6,46	0,4302856	0,60168
PPP6R2	2,40	2,74	2,53	2,92	0,4304584	0,601883
RP11-231P20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4304883	NA
CD27-AS1	3,32	2,67	3,31	2,08	0,4305557	0,601982
RP11-359K18.4	0,70	1,02	1,41	0,00	0,4306214	0,602036
OR52N1	0,06	0,06	0,08	0,05	0,4306625	0,602055
RAB31	6,98	6,60	7,22	6,89	0,43069	0,602056
AC093642.5	1,80	2,40	1,24	1,06	0,4307571	0,602096
P4HA2	2,93	2,49	2,90	3,29	0,4308208	0,602096
SNAPC3	1,40	1,83	2,27	1,30	0,4308418	0,602096
CTC-369A16.2	0,29	1,26	0,56	1,02	0,4308485	0,602096
AC007563.5	0,57	1,97	0,78	1,14	0,430854	0,602096
KIR2DP1	0,00	0,22	0,00	0,00	0,4308949	NA

RP11-500G10.1	2,69	0,81	1,19	0,98	0,430994	0,602222
CCDC94	4,19	5,13	4,01	2,21	0,4309989	0,602222
CCDC114	0,04	0,08	0,05	0,21	0,4310498	0,602256
AC100830.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4310821	NA
RP4-737A23.2	0,00	1,54	0,50	0,49	0,4311544	0,602363
ROGDI	4,49	4,80	5,14	4,73	0,4311809	0,602363
RNA5SP435	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4312931	0,602482
RP11-162G10.5	4,31	0,55	3,32	0,61	0,4314425	0,60263
RP11-136H19.1	0,77	0,96	2,10	1,68	0,4314796	0,60263
LRP11	0,00	0,00	0,00	0,08	0,431504	0,60263
IKZF5	3,53	0,43	2,85	1,21	0,4315074	0,60263
RP11-475D10.4	1,50	0,97	0,87	1,14	0,4316878	0,602788
RP11-309N24.1	0,99	0,19	1,10	0,75	0,4317391	0,602788
AC053503.6	0,00	0,00	0,14	2,18	0,4317416	0,602788
ITPRIPL1	0,22	0,45	0,24	0,23	0,4317574	0,602788
CABP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4317739	NA
SLC18B1	4,48	3,05	3,80	1,82	0,4317785	0,602788
RP11-968A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4317867	0,602788
RP11-228B15.4	0,37	0,21	0,43	0,51	0,4318103	0,602788
KCNJ12	0,00	0,02	0,00	0,00	0,431867	NA
TMEM217	0,00	0,00	0,12	0,00	0,4319137	0,602877
SLC18A1	0,18	0,47	0,08	0,21	0,4319349	0,602877
AC105053.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4319558	0,602877
JARID2	3,58	3,81	3,74	3,22	0,4321463	0,603075
TLK1	4,81	4,01	4,43	4,10	0,4321521	0,603075
TCEAL9	0,00	0,00	0,00	0,25	0,4322034	NA
MAMDC4	0,00	0,82	0,21	0,06	0,4322233	0,603133
RP5-858L17.1	0,00	0,00	0,12	0,00	0,4322479	0,603133
RP11-434P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4323526	0,603242
RP11-105C19.1	0,00	0,00	0,21	0,11	0,4324347	NA
RP11-477I4.4	0,00	0,00	0,00	0,71	0,4324794	NA
RP11-145J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4325619	0,603467
RP11-818F20.1	0,56	0,56	0,74	1,29	0,4326151	0,603467
TRAPPC10	3,20	3,96	3,65	2,98	0,4326595	0,603467
GPBP1	6,28	5,01	5,81	5,62	0,4326638	0,603467
GCNT7	0,05	0,14	0,08	0,06	0,4326985	0,603467
SEPT7L	0,51	0,84	0,53	2,64	0,4327022	0,603467
RP11-209M4.1	0,16	0,00	0,20	0,22	0,4327039	0,603467
UGT2B7	0,00	0,00	0,00	0,11	0,4328036	NA
NFYC	5,65	4,90	5,12	4,57	0,4329347	0,603751
RP11-131L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4330101	NA
MTATP6P2	0,00	0,00	0,12	0,26	0,4330416	NA
ADPGK	6,23	6,26	5,98	5,54	0,4330965	0,603938
RP11-465N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4332015	NA
AC010096.1	0,00	0,00	0,07	0,17	0,4332385	NA
RP11-488C13.5	3,79	2,31	3,46	1,55	0,4332533	0,604119
MIR4309	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4333277	NA
TRAM1	6,16	5,27	5,68	5,40	0,4333961	0,604428
TRIP4	4,39	5,11	4,00	2,84	0,4335702	0,604473
RP11-6B19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4335704	NA
AC079742.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4335859	NA
MBD1	2,86	1,37	3,12	1,92	0,4336263	0,604473
RP11-48G14.2	0,27	1,35	0,00	0,00	0,4336318	0,604473
DHRS2	0,21	0,17	0,21	0,66	0,4336428	0,604473
RP11-1281K21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4336542	NA

WNT9A	0,05	0,04	0,03	0,04	0,4336823	0,60449
ASAH2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4337622	NA
RP11-666E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4337689	NA
REXO1	0,10	0,72	1,00	0,76	0,4338455	0,604679
RP11-1140I5.1	0,00	0,00	0,00	0,24	0,4338583	NA
RP3-487J7.2	1,96	1,42	1,53	2,47	0,4338981	0,604715
RP11-574K11.29	0,13	0,00	0,00	0,20	0,4339889	0,604803
AC010524.4	0,00	0,00	0,00	0,48	0,4340187	NA
CTD-2525I3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4340513	0,604852
CTD-2535L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4341565	NA
RP11-477G18.2	0,00	0,84	0,00	0,00	0,4341879	NA
MIR5194	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4342009	0,605023
AC092580.4	0,00	1,06	0,00	2,72	0,4343404	0,605179
RALGPS1	0,76	0,80	0,87	1,18	0,4345299	0,605351
AC092316.1	1,70	3,02	1,55	2,56	0,4345453	0,605351
RP11-966I7.3	0,63	0,00	0,68	1,13	0,4345576	0,605351
RNU6-866P	1,96	3,65	2,77	2,90	0,4345727	0,605351
RP11-49I4.3	0,49	1,48	1,42	0,00	0,4347534	0,605565
RPL7P47	0,48	0,00	0,37	0,00	0,4348409	NA
RASSF7	3,57	3,77	3,28	1,65	0,434846	0,605653
PTK6	0,51	0,22	0,38	0,31	0,4348709	0,605653
CITF22-49D8.1	0,00	0,00	0,00	0,03	0,434878	NA
ATP2A2	2,89	3,93	2,65	3,53	0,4349134	0,605674
EMILIN3	0,00	0,07	0,00	0,00	0,4350068	NA
RP11-536O18.2	0,07	0,06	0,08	0,17	0,4352813	0,606148
DCPS	5,13	5,42	5,00	3,60	0,4353493	0,606187
MRPL37P1	3,45	3,17	3,80	2,74	0,4353638	0,606187
IGKV3D-15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4353919	NA
SNX22	1,15	0,48	0,73	1,49	0,435463	0,606287
RP11-885N19.7	0,00	0,00	0,00	1,12	0,4355891	0,606425
VASN	0,04	0,05	0,07	0,16	0,4356512	0,606473
RN75L291P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4357036	0,6065
RP11-632K5.3	0,05	0,07	0,05	0,07	0,4357265	0,6065
RPA4	0,00	0,00	0,22	0,11	0,4357523	0,6065
AUP1	6,25	5,80	5,97	5,89	0,4358401	0,606572
SARS2	4,21	4,43	3,83	3,15	0,4358811	0,606572
GGA2	4,91	5,09	4,48	4,37	0,435886	0,606572
RP11-88N11.1	0,75	0,67	1,79	0,53	0,4360947	0,606825
ZC3H4	2,78	1,48	2,58	2,38	0,4361929	0,606923
RP11-352B15.1	0,00	2,14	0,00	1,34	0,4362237	0,606928
NFATC1	2,29	2,85	1,71	1,45	0,4362712	0,606956
CTD-2251F13.1	2,32	3,53	3,36	2,66	0,4363013	0,60696
RP11-544A12.5	0,00	0,44	0,00	0,00	0,4363144	NA
GLT8D1	3,81	2,73	3,43	2,03	0,436456	0,607112
CCDC97	1,85	0,36	2,17	3,42	0,4364649	0,607112
KCTD7	2,06	1,10	1,15	0,44	0,4365255	0,607134
CBLN3	0,00	0,06	0,01	0,78	0,4365482	0,607134
RP11-23J9.5	0,00	0,00	0,00	0,07	0,4365977	0,607134
CCR1	3,18	1,32	3,97	2,08	0,4366285	0,607134
RP11-958N24.1	0,00	0,21	0,00	0,00	0,4366364	0,607134
DNAH12	0,09	1,24	0,20	0,60	0,4366749	0,607134
SSBP2	5,32	3,69	5,40	4,16	0,4366963	0,607134
VRK2	5,56	2,89	4,15	4,43	0,4366996	0,607134
RP11-204M4.4	0,87	0,00	0,08	0,00	0,4367299	0,607138
PIGZ	0,04	0,07	0,33	0,06	0,4368177	0,607223

AP000223.41	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4368437	NA
BGLT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4368437	NA
ZNF566	1,79	2,31	1,58	1,46	0,4369142	0,607319
THNSL1	0,00	0,00	0,07	0,04	0,4369668	0,60732
CASS4	3,92	3,07	2,59	2,35	0,4369697	0,60732
FBXO17	0,22	0,24	0,22	0,06	0,4370126	0,607341
RP1-179N16.6	1,84	2,46	2,12	2,69	0,4371455	0,607488
RP11-318E3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4371799	0,607498
MADD	4,01	2,82	3,74	3,37	0,4372396	0,607543
PBLD	0,88	0,98	1,51	1,06	0,4372895	0,607574
RP11-282I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4373133	NA
CENPJ	1,00	0,21	0,22	0,11	0,4374331	0,607736
CRYL1	4,71	3,20	5,15	2,06	0,4375175	0,607815
RP11-126K1.2	0,00	0,00	0,34	0,00	0,4376056	0,607873
GIT1	3,46	3,90	3,55	3,42	0,4376139	0,607873
TP53I11	0,30	0,04	0,29	0,42	0,4378441	0,608155
RP11-122L9.1	0,00	0,84	0,82	0,37	0,4378785	0,608165
PFKFB2	1,72	2,07	0,98	1,04	0,4379475	0,608208
PPIAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4379644	0,608208
RNF215	0,13	0,40	0,18	0,80	0,4380174	0,608243
AC003051.1	0,07	0,16	0,10	0,28	0,4380575	0,608247
RNU6-94P	0,00	1,89	1,85	0,00	0,4380959	0,608247
RN7SL812P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4381021	0,608247
RN7SL510P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,438157	NA
LGALS9B	0,00	0,00	0,00	0,75	0,4382242	0,608359
FAM91A1	4,17	2,62	3,82	3,86	0,4382399	0,608359
RP11-293K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4382647	0,608359
ABLIM3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4383766	NA
PRSS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4384473	NA
ARF4-AS1	1,53	2,72	1,27	0,75	0,4384508	0,608536
KCNMB3	0,31	0,18	0,30	1,30	0,4384666	0,608536
HIST1H4I	2,35	1,69	1,68	0,25	0,4384745	0,608536
DNTTIP1	5,92	2,67	5,42	4,58	0,4385615	0,608619
HCG27	0,00	0,00	0,00	0,19	0,4386499	0,608703
PDE6A	1,24	0,41	1,34	0,82	0,4386912	0,608723
TANC2	1,62	2,45	1,64	1,97	0,438728	0,608736
GAD2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4387972	NA
RP11-153M7.5	0,00	0,39	0,00	0,00	0,4388283	NA
PLA2G2F	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4388842	NA
NAA50	4,54	5,39	4,05	3,90	0,4389162	0,60892
RP11-665J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4389491	NA
ENPP5	0,00	0,27	0,00	0,23	0,4389603	0,60892
CNDP1	0,97	0,86	1,05	1,04	0,4389632	0,60892
CD4	6,04	5,03	5,91	5,54	0,4389881	0,60892
TLR7	2,24	0,95	2,85	2,82	0,438998	0,60892
FASN	0,35	0,50	0,51	0,27	0,4390325	0,60893
AC104134.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4391377	0,609009
RP5-865N13.1	0,00	0,04	0,01	0,06	0,4391444	0,609009
GUSBP2	1,15	1,43	1,32	1,00	0,4391974	0,609045
BMX	0,00	0,57	0,00	0,00	0,43924	0,609061
BEND3	0,29	0,82	0,26	0,69	0,4392835	0,609061
SAAL1	4,12	2,36	4,42	5,24	0,4392909	0,609061
AGAP14P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4393176	NA
CTC-303L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4393384	0,609088
RP11-745L13.2	2,04	3,27	2,76	0,81	0,4393783	0,609106

RP11-48B3.5	0,56	0,00	0,22	0,27	0,4394339	0,609145
RP11-295M3.2	0,00	1,19	0,00	0,00	0,4394636	NA
RP11-171I2.5	0,00	0,00	0,00	0,23	0,4395263	0,609206
RNY1P15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4395531	0,609206
RP3-475N16.1	2,62	2,75	3,31	3,53	0,4395601	0,609206
THNSL2	0,31	0,49	0,30	0,41	0,4396812	0,609336
XXbac-BPG250I8.4	0,52	0,93	0,93	0,35	0,4397145	0,609344
RP11-564A8.4	0,52	0,80	0,31	0,48	0,4397684	0,60938
CSRNP2	0,04	0,23	0,29	0,83	0,439814	0,609406
ZNF826P	1,29	1,83	1,09	0,66	0,4398799	0,609459
HIC2	0,75	0,10	0,57	1,29	0,4399778	0,60954
B4GALT4	3,38	1,77	3,54	1,19	0,439993	0,60954
RP11-368J21.1	5,25	5,16	5,12	4,26	0,4400299	0,609553
RP11-101P17.5	0,00	0,23	0,00	0,00	0,440039	NA
AC058791.1	3,73	2,19	3,14	1,35	0,4402691	0,609846
ZNF365	0,03	0,34	0,10	0,14	0,4403092	0,609864
AC004980.9	3,19	2,93	2,05	2,86	0,4403458	0,609876
UBE2Q2P1	0,95	0,60	0,71	1,43	0,440419	0,60994
RP5-1113E3.3	0,00	0,00	0,46	0,91	0,4404619	0,609953
SUSD2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,44047	NA
RDH14	1,49	1,65	1,47	0,37	0,4404835	0,609953
CTC-425O23.5	0,49	0,70	0,64	0,63	0,4405742	0,610041
RN7SL100P	1,10	1,41	1,35	1,33	0,4406248	0,610072
SLC35D2	3,21	1,93	3,92	1,98	0,4406742	0,610072
RP11-398K22.12	0,86	0,99	1,26	1,38	0,440706	0,610072
TUBB	5,35	3,86	5,01	4,86	0,4407068	0,610072
PODXL	0,00	0,15	0,06	0,08	0,440789	0,610141
SAA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4408073	NA
STAT5A	4,36	4,48	4,44	3,94	0,4408115	0,610141
GDAP1	0,09	0,04	0,21	1,90	0,440895	0,610219
RP11-1217F2.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4409455	NA
AC021107.3	0,00	0,00	0,07	0,07	0,4411061	NA
CHIC1	0,08	0,05	0,02	0,03	0,4411707	0,610517
CTC-559E9.1	0,75	1,68	0,62	0,32	0,4412118	0,610517
AL163953.1	0,26	0,27	0,32	0,51	0,4412577	0,610517
ACTR5	2,54	2,82	2,22	1,06	0,4412611	0,610517
RP11-404F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4412878	0,610517
CGB2	0,00	2,33	0,00	0,00	0,4412923	0,610517
TMC6	5,41	5,83	5,93	5,93	0,4413028	0,610517
RP11-946L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4413897	NA
ZNF737	1,08	1,28	0,97	0,57	0,4414024	0,61056
MANEA	1,12	0,79	0,89	0,53	0,441451	0,61056
PRKAR1A	6,22	6,36	5,89	5,75	0,4414551	0,61056
LLNLR-470E3.1	6,33	4,63	6,05	6,23	0,4414799	0,61056
RP11-688I9.5	1,43	2,56	1,20	1,10	0,4414847	0,61056
RP11-305L7.7	0,81	0,46	0,51	0,88	0,4414986	0,61056
ARL4A	6,11	4,80	5,91	5,16	0,4415525	0,610596
CTD-2363C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4415764	NA
CTC-451P13.1	0,86	0,98	0,84	0,65	0,4415872	0,610606
EIF2B4	5,43	5,77	5,52	5,06	0,4416473	0,610631
ZMYM5	4,33	0,36	3,47	2,81	0,4416719	0,610631
RP11-1038A11.1	1,33	0,97	1,79	0,12	0,4416877	0,610631
RP11-285G1.15	0,00	0,00	0,00	0,23	0,441855	NA
ISG20	6,59	6,98	5,67	5,75	0,4419382	0,61093
PPP4R1	4,65	3,55	5,16	5,55	0,4419588	0,61093

LDOC1L	0,08	0,78	0,62	0,27	0,4420556	0,611012
RHEBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4420728	0,611012
RCVRN	0,00	1,05	0,52	0,39	0,4422735	0,611251
CARNS1	0,00	0,00	0,22	0,05	0,4423289	0,611271
PCDHGA10	0,15	0,09	0,14	0,30	0,4424166	0,611271
RP11-231E4.4	3,06	4,23	2,39	3,98	0,4424249	0,611271
ZNF765	0,96	0,59	1,08	0,64	0,4424434	0,611271
DCTN6	5,43	4,31	4,98	4,53	0,4424626	0,611271
ALKBH1	2,61	1,99	0,70	2,30	0,4424654	0,611271
RP11-10017.2	1,82	2,19	0,44	2,46	0,4424803	0,611271
TANGO2	4,47	3,34	4,23	3,37	0,442573	0,611361
RMI1	2,50	0,62	1,01	0,30	0,4426092	0,611373
TUBD1	1,56	2,07	1,51	2,28	0,4426508	0,611392
CLK2	4,56	5,40	4,46	4,74	0,4428214	0,611576
WDR43	6,40	6,40	5,30	5,07	0,442839	0,611576
CTC-425F1.4	2,15	2,39	3,07	2,86	0,4428893	0,611608
MRPL55	7,06	7,52	6,85	7,03	0,4429539	0,611659
AC005758.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4429621	NA
MAX	5,20	5,51	5,08	4,34	0,4430156	0,611706
C3orf58	4,67	4,18	4,32	3,16	0,4431146	0,611775
RP11-1046B16.3	3,31	0,38	3,00	4,15	0,4431203	0,611775
RP11-659P15.1	1,45	0,87	1,60	2,27	0,4431677	0,611792
RP11-252M21.4	1,65	1,81	1,57	1,19	0,4431882	0,611792
ZCCHC8	4,12	1,82	4,01	2,84	0,4433151	0,611193
CTD-2526A2.4	0,00	0,00	0,00	0,06	0,4434507	NA
RP11-401119.2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,4435302	NA
AC006947.1	0,44	0,43	0,00	0,63	0,4435571	0,612165
CH507-42P11.1	2,14	2,13	1,14	0,21	0,443568	0,612165
H2BFS	2,14	2,13	1,14	0,21	0,443568	0,612165
CTB-91J4.1	0,00	0,00	0,00	0,45	0,4436535	NA
RP11-111K18.1	0,41	0,00	0,00	0,15	0,4436695	0,612267
CTD-2116N20.1	0,48	0,00	0,00	0,67	0,4437104	0,612285
CTD-2325P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4438428	0,612419
IWS1	5,36	4,16	4,56	4,62	0,4438623	0,612419
NPHP3-AS1	0,05	0,11	0,09	0,24	0,4439045	0,612439
CTC-329D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4440273	0,612524
ZNF506	2,99	3,00	2,95	1,93	0,44403	0,612524
MIR3690	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4440602	0,612524
WASH3P	2,87	3,31	3,91	3,52	0,4441011	0,612524
MED13	5,07	4,03	4,54	4,53	0,4441041	0,612524
RP1-321O10.2	0,05	0,00	0,00	0,00	0,4441109	NA
RP11-571E6.3	0,97	0,00	0,46	0,68	0,4441666	0,612572
RN7SL329P	0,86	2,83	1,75	2,64	0,4442056	0,612588
RP11-148G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4442232	NA
AC016749.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4442341	0,612589
AC021016.6	0,00	0,00	0,00	1,41	0,4442652	0,612594
CTD-3080P12.3	0,05	0,32	0,07	0,09	0,4443111	0,61262
DNAJC24	2,84	2,64	1,89	2,73	0,4443804	0,612677
RP11-573M3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,444417	NA
AC009133.21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4444509	0,612736
RP11-727F15.9	1,66	2,68	2,53	4,23	0,4445189	0,612766
DGCR6	1,78	1,18	1,29	0,72	0,4445273	0,612766
AC008132.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4446055	NA
ZNF714	2,56	1,80	2,58	2,32	0,4447737	0,613067
WAC	6,39	5,39	6,07	5,23	0,444928	0,6132

RP6-201G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4449462	0,6132
NR2C2	3,25	1,14	3,02	1,83	0,4449531	0,6132
P2RX3	0,15	0,27	0,19	0,39	0,4451485	0,613432
VEPH1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4451712	NA
CD81	4,65	5,07	4,80	4,57	0,4453451	0,613665
TNS2	0,08	0,28	0,15	0,24	0,4454048	0,613709
RP11-343H5.4	0,80	0,50	0,84	1,05	0,4455613	0,613853
UFD1L	5,81	2,79	5,73	4,94	0,4455647	0,613853
RP11-415J8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4457297	NA
HSP90B1	7,68	6,66	7,21	6,56	0,4459032	0,614281
AC097495.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4460666	0,614457
C1orf174	4,09	3,60	3,00	3,36	0,4460892	0,614457
SERPINB2	0,00	0,50	0,00	0,00	0,4461391	0,614457
DEPTOR	3,26	1,00	3,42	0,37	0,4461416	0,614457
RP11-714M23.2	0,00	0,00	0,02	0,03	0,4461539	NA
RP11-65N13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4461732	NA
RP1-71L16.2	1,56	1,91	1,51	2,38	0,4464359	0,614778
RP11-318E3.9	0,83	0,00	0,00	0,00	0,4464424	0,614778
SCEL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4464692	0,614778
RP11-438N16.1	3,21	2,91	3,18	2,75	0,4464854	0,614778
GTF2F1	3,42	3,22	3,49	3,24	0,4466059	0,614906
TTC32	5,33	4,88	4,24	3,78	0,4468711	0,615233
AC004066.1	0,39	0,66	0,40	0,37	0,4469088	0,615247
RDX	4,50	4,16	3,90	4,91	0,446972	0,615296
RPL6P27	1,09	1,13	0,86	0,80	0,4470058	0,615304
RP11-252E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4471698	0,615492
NPPC	0,00	0,15	0,00	0,00	0,4471828	NA
HIST1H4C	7,12	7,22	7,06	6,94	0,4471975	0,615492
RP11-305N23.1	0,05	0,08	0,12	0,46	0,4473497	0,615663
RNU7-30P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4473644	NA
SNX11	3,10	2,56	3,16	3,90	0,4474868	0,615777
AC008592.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4474931	0,615777
CSK	6,19	5,07	6,39	5,79	0,4475151	0,615777
HSD17B12	4,92	4,72	4,32	3,42	0,4476958	0,615987
CTB-50E14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4477361	NA
RP11-125B21.2	0,05	0,20	0,10	0,24	0,4477534	0,616028
KIAA0226L	0,38	1,08	0,21	0,77	0,4478105	0,616069
ICAM4	2,15	0,00	0,96	0,59	0,4478389	0,61607
PHOSPHO2	0,75	0,18	1,65	0,00	0,4478862	0,616097
SIRT5	2,78	2,00	2,03	2,88	0,4479287	0,616117
KIAA1958	1,36	0,16	1,42	0,68	0,4480064	0,616186
RP11-690G19.4	0,24	0,36	0,62	0,30	0,4483407	0,616607
RP11-550P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4485291	NA
AC012075.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4485856	NA
FCGRT	8,60	8,52	8,55	8,33	0,4486333	0,616971
RPGRIP1	0,44	1,96	0,75	2,28	0,4487033	0,61703
CTD-2026K11.3	0,64	0,00	0,00	0,25	0,448747	0,617051
RP5-1069P2.4	0,16	0,07	0,22	0,19	0,4488148	0,617107
RP11-983G14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,448889	NA
RP11-434D11.1	0,60	1,94	1,14	1,49	0,4488894	0,617146
CTA-407F11.6	0,93	0,30	1,75	0,76	0,4488989	0,617146
KNG1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,4489496	0,617159
RP1-197J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,448956	NA
IDSP1	0,51	0,09	0,71	0,71	0,4489641	0,617159
SPAG9	5,59	4,96	5,17	4,52	0,4490564	0,617248

CTA-392E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4491422	NA
RP11-484L7.1	0,69	1,11	0,68	1,17	0,4492152	0,617428
RP11-480I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4493201	0,617534
PHIP	4,48	4,30	4,15	3,94	0,4493925	0,617571
CHP1	6,74	6,01	6,48	6,01	0,4494031	0,617571
CTD-2125J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4494302	NA
LRRC38	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4494727	NA
APPL1	4,90	4,37	5,06	3,52	0,4494732	0,617582
AC084117.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4494908	0,617582
RP11-471B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4494943	0,617582
DCTD	5,10	1,04	3,93	2,92	0,4495554	0,617628
OR3A3	0,09	0,10	0,11	0,23	0,4496219	0,617681
CTD-2227I18.1	0,00	0,00	0,00	0,33	0,4496558	NA
RP11-707O23.1	0,00	0,00	0,00	0,40	0,4498011	0,617889
RP11-329N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4499896	NA
RN7SL294P	0,00	0,00	0,00	0,81	0,4501762	NA
ZNF664	2,31	2,86	1,77	1,34	0,4501928	0,618389
ZCRB1	5,60	4,38	5,10	4,32	0,4503414	0,618555
AC000370.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4503452	NA
RNU2-63P	6,84	5,71	6,86	6,24	0,4504828	0,618689
RP11-434H14.1	5,02	4,75	4,71	4,87	0,4504948	0,618689
RP11-544M22.1	0,81	0,73	1,01	1,52	0,450616	0,618817
GDNF	0,05	0,07	0,07	0,10	0,4507459	0,618958
AGFG2	0,14	0,36	0,29	0,50	0,4507967	0,618989
RP5-1085F17.3	3,03	0,89	1,70	0,31	0,4509278	0,619131
RP11-218F10.3	0,71	0,34	1,44	1,14	0,4510347	0,619197
ACKR3	0,05	0,00	0,05	0,00	0,4510455	0,619197
TTL	2,66	1,86	2,22	1,76	0,4510594	0,619197
OAZ2	5,90	5,18	5,41	4,76	0,4511247	0,619248
CTD-2073O6.1	0,00	0,00	0,00	0,20	0,4511513	NA
RP11-50D16.4	1,34	0,39	0,73	0,30	0,4511813	0,619288
RP11-403F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4512061	NA
CTD-3076O17.2	0,76	0,96	0,95	0,64	0,4512889	0,619392
RP5-1057J7.6	0,04	0,05	0,02	0,02	0,4513237	0,619392
RP11-15A1.3	0,40	0,00	0,18	0,11	0,4513411	0,619392
RP11-18H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4513888	NA
RP4-667H12.3	0,10	0,00	0,00	0,00	0,4514699	NA
CTA-481E9.4	3,13	3,78	2,01	3,53	0,45154	0,619627
UFSP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4515937	NA
SLC25A1	3,95	2,53	4,58	3,51	0,4516297	0,619712
TRIM54	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4517817	NA
KB-1205A7.2	0,00	0,88	0,00	0,00	0,4517917	0,619896
KRTCAP3	0,00	0,00	0,00	0,97	0,4519485	0,620073
TBX6	0,13	0,22	0,17	0,48	0,4520046	0,620111
CPT1B	3,30	1,51	3,11	2,33	0,4520676	0,620159
AC008132.15	0,00	0,68	0,00	0,00	0,4521521	NA
RP11-709A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4522153	NA
AC010492.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4522807	NA
RHBDD2	5,36	4,05	5,09	6,14	0,452342	0,620439
SIGLEC2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4523521	0,620439
RP11-582H21.1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,4523596	0,620439
RP11-43D4.2	5,11	3,78	6,10	5,19	0,4523831	0,620439
PROX2	0,00	0,00	0,62	0,00	0,4524747	0,620516
AC011737.2	0,56	0,04	0,51	0,00	0,4524947	0,620516
FANCG	0,00	1,06	1,03	1,78	0,4525299	0,620526

RP11-84E24.3	0,00	0,04	0,04	0,00	0,4525576	NA
CTD-2616J11.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4526958	NA
INHBE	0,05	0,17	0,06	0,05	0,4527632	0,620807
RP5-1039K5.16	0,50	1,04	0,80	1,29	0,4528368	0,62087
MNAT1	3,96	2,70	3,36	1,51	0,4529594	0,621
FAM118A	6,01	6,11	5,89	6,52	0,4530058	0,621025
DND1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4530343	NA
RP11-706J10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4530628	NA
RP1-138B7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4531022	NA
POLR2I	5,07	5,59	5,15	4,79	0,4531326	0,62116
RP11-83J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4531538	NA
ALG5	5,79	4,97	4,72	2,79	0,4531839	0,621192
PRND	0,09	0,03	0,10	0,09	0,4532285	0,621215
SNX29	4,50	3,98	4,59	3,30	0,4532839	0,621253
CTC-525D6.3	0,00	0,07	0,19	0,08	0,453372	0,621335
RNU6-1003P	2,72	3,26	0,00	0,00	0,453455	0,621411
RP11-141M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4535359	NA
FOXO4	0,00	0,08	0,03	0,04	0,4535684	0,621528
SKIL	3,94	1,96	3,44	4,12	0,4536515	0,621603
ZNF823	0,04	0,00	0,07	0,00	0,4536981	0,62161
RIMS3	0,01	0,10	0,02	0,00	0,4537127	0,62161
RP11-241F15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4537404	NA
ETV7	1,16	0,11	0,11	0,74	0,4537669	0,621646
RP11-40H20.2	0,00	0,00	0,00	0,18	0,4537822	NA
RPN1	6,38	6,10	6,05	5,84	0,4538249	0,621688
RP11-61A14.4	0,37	0,76	0,54	0,54	0,4538824	0,621714
SYNE1	4,02	3,87	3,08	4,34	0,4539355	0,621714
MAP3K5	3,52	2,64	3,35	3,04	0,4539363	0,621714
RN7SL351P	5,14	5,42	4,60	5,12	0,4539563	0,621714
RP4-563E14.1	0,00	0,00	0,14	0,00	0,4540249	0,62177
UBA1	5,70	5,16	5,63	5,10	0,4541076	0,621845
MYO1C	0,91	0,25	1,47	1,65	0,4541777	0,621903
SFXN4	4,53	4,83	4,10	4,11	0,4542144	0,621914
YIPF1	4,84	4,11	4,47	4,51	0,4543468	0,622007
GSR	3,03	2,37	3,25	3,30	0,454362	0,622007
RBP2	0,00	1,57	0,00	0,00	0,4543656	0,622007
ACO12314.19	0,00	0,00	1,86	0,82	0,4544242	0,622044
RP1-1J6.2	0,09	0,11	0,49	0,00	0,454449	0,622044
LINC00654	0,07	0,02	0,09	0,21	0,4545868	0,622194
RP4-742C19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4545901	NA
RN7SL401P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4546351	NA
RPS10-NUDT3	2,83	4,67	1,54	2,93	0,4547374	0,622335
PHLDB2	0,11	1,64	0,08	0,09	0,454748	0,622335
SEH1L	4,59	5,13	4,10	3,86	0,4547738	0,622335
FPGT	2,00	0,20	0,84	1,76	0,4548178	0,622357
MTERF4	4,71	1,62	4,02	3,32	0,4549542	0,622505
N6AMT1	0,47	0,52	0,41	0,37	0,4549819	0,622505
BMS1P2	0,70	2,32	1,76	1,03	0,4551019	0,622617
SOHLH2	0,00	0,00	0,00	0,34	0,4551196	0,622617
RP11-958J22.1	1,98	1,37	2,06	2,16	0,4551491	0,622619
PROCR	2,29	2,42	2,67	0,78	0,4551822	0,622626
RNA5SP465	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4552455	0,622654
SMIM15	3,67	3,00	2,83	4,09	0,455275	0,622654
CH17-118O6.2	1,18	1,28	2,12	0,86	0,4552871	0,622654
IGHV3-15	0,00	0,94	0,00	0,00	0,455347	NA

GFOD1	0,52	0,67	0,72	0,87	0,4553893	0,622756
OR6C66P	0,01	0,03	0,00	0,03	0,4554489	0,622799
GAS6-AS1	0,11	1,34	0,32	0,71	0,4555881	0,622904
CYP2B7P1	0,16	0,23	0,25	0,35	0,4556045	0,622904
ANO5	0,01	0,04	0,05	0,04	0,4556097	0,622904
ANKRD29	0,00	0,04	0,02	0,00	0,4556712	NA
AC144652.1	1,84	0,00	1,76	0,17	0,4557564	0,623066
MED15P1	0,00	0,18	0,00	0,00	0,4558335	NA
RP11-69H7.3	0,00	0,29	0,00	0,00	0,4559571	NA
RP11-560A15.3	0,00	0,96	0,36	0,00	0,4559648	0,623313
HDAC4	2,95	3,58	3,01	3,86	0,4561224	0,62349
MMACHC	0,77	0,60	0,85	0,69	0,4562633	0,623644
SMCHD1	7,09	6,70	6,62	6,47	0,4563204	0,623658
CDK6	2,41	2,17	2,19	0,97	0,4563295	0,623658
MYO1H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4565034	NA
SLC10A5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4565196	NA
RP11-622O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4565271	NA
NFYB	3,25	0,40	2,85	2,61	0,4567416	0,624098
AC005162.4	2,63	0,00	1,53	2,16	0,4567521	0,624098
RP13-858C7.1	0,00	0,55	0,76	0,24	0,4567735	0,624098
SMC6	3,71	2,92	3,55	2,61	0,456786	0,624098
RP11-91P17.1	0,64	2,19	0,67	0,00	0,4567922	0,624098
RP11-329N15.3	1,47	2,47	0,91	0,43	0,4568273	0,624099
HMGXB4	4,45	1,69	4,00	3,15	0,4568486	0,624099
IGLV2-11	0,00	1,13	0,00	0,00	0,4568624	NA
RP11-555K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4569047	0,624137
GAS2L3	2,36	3,22	2,22	1,16	0,4569502	0,624137
RP11-286E11.1	0,04	0,00	0,07	1,49	0,4569608	0,624137
GAPVD1	4,48	2,87	3,85	3,27	0,4569955	0,624142
IKZF4	0,88	0,40	0,90	0,55	0,4570211	0,624142
RP11-248E9.6	0,00	0,42	0,00	0,00	0,4570249	NA
RNU6-416P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4571132	NA
RP11-865I6.2	0,76	0,75	0,98	0,00	0,4571633	0,62427
DNAJC11	3,79	3,01	2,59	1,62	0,4571755	0,62427
GDPD3	0,63	0,12	0,91	2,47	0,4571985	0,62427
PRKCE	5,09	2,20	4,71	4,01	0,4573268	0,624406
ARMCS	0,65	0,49	0,23	1,26	0,4574548	0,624543
CTD-2562G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4574971	0,624552
ZNF490	2,63	2,79	3,35	2,45	0,4575177	0,624552
RP11-266K4.14	0,03	0,12	0,06	0,00	0,4576285	0,624633
RN7SL619P	2,37	0,00	1,85	4,19	0,4576404	0,624633
RP11-181D18.2	0,14	0,18	0,12	0,30	0,4576612	0,624633
AC068831.18	1,98	0,97	1,56	0,59	0,4577018	0,62465
RNU7-151P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4577725	NA
SUN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,457796	NA
ZDHHC20	3,62	2,86	4,15	3,60	0,4579333	0,624843
AC004016.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,457937	0,624843
INO80C	5,03	5,39	4,71	5,27	0,4579437	0,624843
LA16c-3G11.5	0,00	0,20	0,00	0,17	0,4579561	0,624843
RP11-758P17.2	0,00	1,07	0,00	0,00	0,4579872	NA
KPNA3	3,70	2,36	3,41	2,87	0,457988	0,624849
AC126118.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4580819	0,624924
ACO2	4,97	2,96	4,75	3,51	0,4580998	0,624924
CCDC60	0,00	0,48	0,49	0,00	0,4581496	0,624954
ADHFE1	3,41	1,35	2,60	1,80	0,4582152	0,625005

AC100802.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,458236	NA
RP11-670E13.3	1,23	0,00	1,89	0,00	0,4583087	0,625094
WDHD1	0,03	0,59	0,00	0,07	0,4583426	0,625102
RP11-132G19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4583702	NA
RNA5SP128	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4584344	NA
GP1BA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4585027	NA
RP11-34F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4585883	NA
CEP97	0,56	2,09	0,93	1,22	0,4585898	0,625364
FRMD8	3,13	3,66	2,94	2,53	0,4586045	0,625364
TAS2R31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4586192	0,625364
TEKT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4587165	NA
RPL31P61	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4587921	NA
IL411	0,07	0,36	1,93	2,84	0,4589011	0,625686
EMC2	3,97	0,63	3,83	2,95	0,4589117	0,625686
AF127577.8	0,00	0,00	0,07	0,41	0,4589981	0,625766
AC010746.2	3,96	2,81	4,22	3,12	0,4590392	0,625783
PANK3	2,64	1,74	2,69	1,04	0,4590872	0,62581
KANSL1	5,39	5,07	5,69	4,62	0,4591204	0,625817
AC078941.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4591627	NA
CENPT	3,16	1,59	2,64	2,95	0,45923	0,625924
RP11-27H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4592552	0,625924
MRPL17	3,11	2,66	3,15	0,47	0,4592983	0,625945
RF00410	0,00	2,39	0,00	1,73	0,4593768	NA
RP11-805J14.5	0,00	0,00	0,00	0,28	0,4594929	0,626111
AC083884.8	3,27	3,55	2,51	4,16	0,4594966	0,626111
CTC-510F12.4	0,00	3,87	0,49	1,22	0,459505	0,626111
HIPK1	3,84	3,06	4,10	3,79	0,459745	0,626353
FBXL15	4,77	4,41	4,81	5,54	0,4597857	0,626353
POLR3GL	5,10	3,26	4,84	4,04	0,4598722	0,626353
LINC00836	0,42	0,68	0,20	0,29	0,4598748	0,626353
CTD-2643K12.1	0,33	0,00	0,38	0,00	0,4598792	NA
TMEM123	6,86	5,79	6,27	5,99	0,4598873	0,626353
RP11-398A8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4598956	NA
PLXDC1	0,36	0,48	0,75	0,95	0,4599563	0,626353
CTD-2270P14.5	0,05	0,05	0,05	0,09	0,4599601	0,626353
RP1-267L14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4599631	0,626353
TMEM126B	5,32	4,25	5,36	4,74	0,4599871	0,626353
AATF	5,10	4,44	4,82	4,09	0,459992	0,626353
MIR548AA1	3,06	3,03	2,88	2,04	0,4600266	0,626353
MIR548D1	3,06	3,03	2,88	2,04	0,4600266	0,626353
RP11-110J1.5	0,00	1,38	0,00	0,00	0,4600491	0,626353
SNHG16	4,89	3,89	4,72	3,29	0,4601361	0,626404
ZGRF1	1,56	0,17	2,50	1,18	0,4601424	0,626404
CMTM4	0,03	1,35	0,26	0,52	0,4601813	0,626418
RP1-241P17.3	0,00	0,12	0,00	0,00	0,4602423	NA
AC096574.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4602888	0,626526
TRIM33	5,37	4,51	4,56	4,21	0,4607398	0,627035
RP11-182J1.3	0,00	0,00	0,17	0,11	0,4607424	0,627035
CTD-2371O3.2	0,10	0,00	0,45	0,46	0,4607473	0,627035
AC007464.1	0,87	0,35	1,27	0,00	0,4608406	0,627113
AS3MT	0,40	0,48	0,57	0,00	0,4608609	0,627113
FMO6P	0,00	0,38	0,00	0,06	0,4608838	NA
RP11-81H14.2	2,80	3,52	2,22	1,96	0,4609277	0,627165
MOB3B	2,72	1,38	3,23	2,30	0,46096	0,627171
MIA-RAB4B	1,47	0,45	1,52	1,35	0,460994	0,627179

RP11-649A16.1	0,00	0,34	0,00	0,00	0,4611194	NA
CUEDC1	1,47	0,14	0,76	0,68	0,4612017	0,627423
MCMBP	4,56	3,85	4,18	4,11	0,4613036	0,627523
RN7SL596P	0,94	0,01	0,83	1,00	0,4613605	0,627562
BAHCC1	0,10	0,02	0,11	0,01	0,4614797	0,627686
ARHGAP21	4,04	3,97	3,96	2,51	0,4615345	0,627694
C1orf109	1,78	1,87	1,97	2,28	0,4615644	0,627694
SRSF10	6,18	5,26	5,86	5,77	0,4615706	0,627694
RP11-175G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4616037	0,627701
MED22	2,02	0,30	2,58	3,64	0,4617393	0,627847
RGS20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4617818	NA
RN7SL728P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4617869	NA
GPR75	0,00	0,00	0,00	0,07	0,4618074	NA
MSTO1	2,93	0,75	2,49	0,70	0,4618589	0,627971
RP11-21K12.2	0,49	0,28	0,68	0,88	0,4619872	0,628107
RP11-1080G15.1	0,00	0,71	0,00	0,00	0,4619919	NA
RRAD	0,00	0,00	0,00	0,90	0,4620185	0,628111
HIST1H1PS1	0,66	0,00	0,16	0,00	0,4620818	0,628124
RP11-392E22.6	0,28	0,30	0,19	1,06	0,4620843	0,628124
RPS4XP17	0,00	0,25	0,00	0,00	0,4621825	NA
RP11-354M20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4622344	0,628289
ITCH	4,09	5,00	4,62	4,32	0,4623215	0,628369
MPPE1	5,33	5,61	5,10	4,54	0,4623849	0,628417
PYCR1	0,00	0,00	0,00	0,08	0,4624218	0,628429
AC068491.4	0,83	0,94	1,64	1,67	0,4625378	0,628548
CTC-559E9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4626096	NA
ROR2	0,00	0,24	0,00	0,00	0,4626825	NA
CANX	6,42	6,18	6,08	5,65	0,4627466	0,628761
TMEM135	1,57	1,43	1,27	1,91	0,4627512	0,628761
CTA-256D12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4628135	NA
ANKDD1A	1,13	0,39	1,02	1,35	0,4628446	0,62885
MIR4306	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4628466	NA
RHOBTB3	0,06	0,74	0,86	0,43	0,4628954	0,628879
C21orf91	2,94	4,27	2,46	1,68	0,4629227	0,628879
PCBD2	2,46	0,85	2,88	2,20	0,4629778	0,628915
CTD-2192J16.26	0,00	0,00	0,24	0,00	0,4630382	NA
ANLN	0,02	0,00	0,30	0,28	0,4631158	0,629064
RP11-286H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4632144	NA
RP11-44D5.1	0,37	0,75	0,78	0,00	0,4632822	0,629252
CARF	1,41	0,90	0,91	1,03	0,4633377	0,629289
MMAA	0,57	0,50	0,51	0,54	0,4634594	0,629378
RP5-1092A3.4	1,84	2,31	1,56	1,38	0,4634598	0,629378
RP11-332M2.1	1,99	0,00	2,55	0,73	0,4635101	0,629408
MIR635	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4635236	NA
KCNJ10	0,14	0,29	0,12	0,05	0,4636182	0,629516
RP11-85K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,46369	0,629575
RP11-453N18.1	2,22	1,57	1,94	2,13	0,4637429	0,629608
GTF2IRD2P	0,00	0,00	0,00	0,14	0,4638237	0,629612
LYZ	12,45	11,67	12,33	11,94	0,4638372	0,629612
TBL1XR1	5,86	4,92	5,83	5,14	0,4638474	0,629612
RP11-662I13.3	0,48	1,22	0,58	0,80	0,4638593	0,629612
TULP3	0,03	0,00	0,25	0,08	0,4639625	0,629714
RP11-18E13.1	0,19	0,00	0,09	0,00	0,4639726	NA
RN7SL623P	1,67	0,00	1,15	0,69	0,463992	0,629716
FAM183B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4640966	0,629819

SCRN2	1,33	1,29	2,21	1,30	0,4641555	0,629861
MAP2K5	4,00	4,99	4,27	3,97	0,4642253	0,629917
NAT6	1,94	2,62	1,85	2,82	0,4642925	0,629947
STK25	5,18	3,79	5,60	5,20	0,4643039	0,629947
DISP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4643957	NA
AK9	2,77	2,11	1,89	1,94	0,4644595	0,630085
GSTM3	0,41	0,40	0,39	0,44	0,4644628	0,630085
GS1-519E5.1	0,12	0,09	0,24	0,16	0,46452	0,630103
NPIP8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4645207	NA
NR2C2AP	2,79	1,55	0,06	2,52	0,4645324	0,630103
ZNF394	5,43	5,98	5,48	5,36	0,4645841	0,630134
AC007347.2	0,00	2,06	1,53	1,27	0,4647478	NA
CKAP2	3,36	3,87	2,68	3,63	0,4648229	0,63042
RNF39	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4648542	NA
RP11-275F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4648944	NA
RP11-214F16.2	0,63	0,22	0,21	0,74	0,4649497	0,630491
RP11-42L13.1	0,00	0,64	0,18	0,66	0,4649567	0,630491
RP11-244H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4649603	0,630491
EIF2AK3	2,45	1,14	1,43	1,86	0,4651023	0,630645
RP11-1391J7.1	0,30	0,41	0,33	0,28	0,465187	0,630721
MAGT1	4,00	1,92	3,66	3,97	0,4652414	0,630741
CTD-2521M24.6	0,67	0,27	0,75	0,56	0,4652586	0,630741
TIMM23B	4,10	2,61	3,12	2,13	0,4653501	0,630827
RPL7L1	4,93	4,17	4,10	4,67	0,4654395	0,630883
RP11-354E23.4	0,00	0,00	0,14	1,78	0,4654669	0,630883
DUSP10	2,15	2,56	2,18	1,63	0,4654767	0,630883
GOPC	2,31	0,58	2,66	2,13	0,465514	0,63089
RP3-415N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4655501	0,63089
COPB1	5,55	5,54	5,34	5,03	0,465567	0,63089
PLD1	0,97	0,61	1,90	1,30	0,4656775	0,631001
TTYH2	2,73	3,17	2,07	1,89	0,465742	0,631034
IQCH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4657583	0,631034
IL17RA	3,74	3,67	3,95	4,20	0,4658876	0,63117
AC008062.1	0,00	0,00	0,12	2,05	0,4659428	0,631207
SMIM8	2,91	2,81	1,15	2,30	0,4660483	0,631277
GJB7	0,00	0,07	0,02	0,07	0,4660517	0,631277
RNU6-190P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4661157	0,631326
CTD-2118P12.1	1,62	1,37	1,60	1,09	0,4661661	0,631355
FAM13A	3,68	3,73	3,60	4,59	0,4661942	0,631355
RP11-774O3.2	0,00	1,00	0,00	0,00	0,4661969	NA
TMTC4	2,98	3,67	1,61	2,03	0,4663546	0,631518
OR8Q1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4663666	NA
MED7	3,44	2,56	2,05	2,12	0,4663957	0,631518
RP11-731K22.1	0,17	0,35	0,26	0,37	0,4663996	0,631518
ZNF610	0,52	2,54	0,81	0,59	0,4664819	0,631591
LA16c-349E10.1	0,47	0,29	0,46	0,88	0,4666208	0,63174
FCGR2C	5,46	3,86	5,58	5,12	0,4667812	0,631919
RP11-94B19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4668154	NA
RN7SL778P	0,24	0,00	0,21	1,14	0,4668627	0,63199
RN7SL622P	1,00	0,00	0,25	0,93	0,4668634	NA
RNU6ATAC27P	0,00	0,00	0,00	2,67	0,4668907	NA
SIRPA	4,31	4,41	4,44	3,82	0,4668942	0,63199
HAX1	6,44	4,59	5,32	5,10	0,4669273	0,63199
FAM177B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4669472	0,63199
RP11-329B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4671828	0,632248

RP1-134M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,467194	NA
ZNF619	0,34	0,26	0,35	1,05	0,4671947	0,632248
MORF4L1	7,18	6,29	6,67	6,59	0,4672392	0,632269
GATAD2B	3,13	2,51	3,22	2,88	0,4672676	0,632269
AP3S1	6,51	5,87	6,23	5,71	0,467383	0,632352
AC007790.4	0,00	0,00	0,00	0,20	0,4673988	0,632352
MTFP1	3,55	3,93	3,93	4,40	0,4674142	0,632352
RP11-730B22.1	0,00	3,50	0,00	0,00	0,4674886	NA
AC097635.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4675348	NA
CASBP	5,15	5,32	5,16	5,33	0,4675455	0,632488
UGT8	0,06	0,12	0,00	0,15	0,4675713	0,632488
RP11-206M11.7	0,00	0,00	0,00	0,41	0,4675837	NA
RP11-687F6.4	0,76	0,83	0,54	0,33	0,4676184	0,632513
ZDHHC3	4,84	5,24	4,08	4,05	0,4676886	0,632569
ANKRD20A4	0,45	0,12	0,44	0,00	0,4677205	0,632574
RP3-404F18.2	0,00	0,00	0,00	0,04	0,4677919	0,632632
XXbac-B562F10.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4679714	NA
UTP14A	2,70	0,72	2,60	1,87	0,467989	0,63286
ARHGAP35	0,17	2,33	1,26	1,16	0,4680418	0,632893
AC008073.7	0,00	0,00	0,05	0,36	0,4680626	NA
RP11-20E24.1	0,51	2,01	0,00	0,00	0,4681376	0,632984
RP11-99H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4684553	NA
CH17-437K3.1	0,03	0,11	0,00	0,12	0,4684761	0,633277
AF127577.10	0,00	0,79	1,24	0,00	0,4684782	0,633277
PFDN2	5,86	5,38	6,09	5,80	0,4684785	0,633277
RP11-627D16.1	0,00	0,66	0,00	0,69	0,4684965	0,633277
RP1-33E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,468497	0,633277
RP11-128A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4685697	NA
XXbac-BPG249D20.9	0,00	0,37	0,00	0,00	0,4686205	0,633373
RP11-407B7.1	0,10	0,00	0,00	0,00	0,4686398	0,633373
AC072062.3	0,00	0,87	0,29	0,00	0,4686533	0,633373
RP11-92F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4689706	0,633763
AC018464.3	1,37	1,93	0,10	0,00	0,4690305	0,633806
RP11-22B23.1	0,00	0,00	0,00	0,09	0,4690697	0,63382
KB-1410C5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4691646	0,63391
MIR760	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4691657	NA
RP11-1029F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4692514	NA
NPB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4692931	0,634045
ZNF101	3,67	3,95	2,89	2,19	0,469422	0,634181
NPIP5	7,56	6,87	7,52	7,32	0,4697236	0,634549
CTD-2021H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4697432	NA
PARK2	0,18	0,46	0,18	0,26	0,4697828	0,634591
GAS6	3,67	3,89	4,08	3,97	0,4698331	0,63462
TMEM43	4,86	2,99	4,50	4,43	0,4698715	0,634633
C2orf74	4,14	4,40	3,78	2,14	0,4699241	0,634666
RP11-115H15.2	2,85	1,59	3,14	2,42	0,4701139	0,634884
GYG2	0,00	0,11	0,00	0,00	0,4701327	NA
RN7SL380P	0,00	0,85	0,80	0,00	0,4701867	NA
GPR34	0,05	0,56	0,14	0,13	0,4702186	0,634952
RP11-437L7.2	0,89	0,25	0,98	0,99	0,4702215	0,634952
RP11-350N15.5	3,39	2,48	3,07	1,12	0,4702963	0,63499
CDK8	2,24	1,01	1,63	2,73	0,4703072	0,63499
RP11-13N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4703506	NA
VRK3	5,41	2,99	4,46	4,63	0,4704131	0,635095
AC092839.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4704184	NA

ZNF26	2,61	2,19	1,82	1,72	0,4705468	0,635237
PTPRS	0,33	0,24	0,27	0,17	0,4706882	0,635381
CH507-145C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4707111	0,635381
RP11-255A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4707779	NA
IGHV3-7	0,00	0,96	0,00	0,00	0,4709368	NA
CTA-384D8.28	6,10	7,97	6,86	6,62	0,4709843	0,635699
TSPYL4	2,37	1,52	1,70	1,58	0,4710242	0,635699
DUSP28	3,08	1,36	3,60	2,48	0,4710492	0,635699
GIPC1	0,62	0,17	0,79	2,11	0,4710605	0,635699
RP11-574K11.28	0,12	0,07	0,42	0,34	0,4711789	0,63582
CYP4F43P	0,00	0,00	0,06	0,07	0,4715109	NA
CTD-2340D6.1	1,01	0,62	1,20	0,97	0,4715273	0,636236
ACTR3B	1,06	0,41	0,35	1,40	0,4715913	0,636236
RF00096	1,48	5,09	0,00	3,32	0,4716027	0,636236
MRPS18C	4,69	4,73	4,97	4,55	0,4716079	0,636236
RP11-262N9.3	0,21	1,06	0,70	0,37	0,4716306	0,636236
C6orf59	0,00	0,00	0,07	0,21	0,4716971	0,636287
TNIP2	3,41	4,01	3,40	1,15	0,4718598	0,636407
CCDC137	1,23	1,92	1,95	3,37	0,4718827	0,636407
PMS2CL	1,98	0,85	1,76	1,53	0,4718959	0,636407
TRRAP	2,88	1,88	2,52	2,20	0,4719213	0,636407
ACO06129.1	6,89	7,00	7,13	5,91	0,471929	0,636407
TMEM249	0,00	0,08	0,00	0,00	0,4719801	0,636437
IL27	0,00	0,00	0,86	0,71	0,4721362	0,636609
CH507-24F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4722034	0,636661
NOX3	0,00	0,19	0,00	0,00	0,4722179	NA
CDH24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,472304	NA
RP11-276H19.2	0,00	0,00	0,00	0,07	0,472409	0,6369
RNU6-1020P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4724799	NA
RP11-613D13.2	0,00	0,00	0,05	0,00	0,4725338	0,637029
RP11-66N11.8	0,71	2,66	0,43	1,33	0,4725845	0,637035
NHP2	7,18	7,19	7,11	6,86	0,4725955	0,637035
POU6F2	0,02	0,43	0,00	0,00	0,4726529	0,637074
AGPAT4	1,30	1,27	0,79	1,43	0,4726949	0,637092
LSM3	3,34	2,83	3,26	3,17	0,472731	0,637102
HERC2P2	2,64	3,59	2,62	1,56	0,4727878	0,63714
ZNF2	0,38	0,21	0,18	0,22	0,472847	0,637181
NAF1	4,21	3,10	3,93	4,61	0,4728905	0,637201
SCAF8	3,47	3,92	3,28	2,80	0,4729483	0,637228
AEN	2,72	1,88	3,05	2,69	0,4729789	0,637228
GRM2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,4729967	0,637228
RP11-629E24.2	0,25	0,00	0,00	0,00	0,4730478	0,637251
CTD-2175M1.1	0,00	3,44	0,00	0,00	0,4730707	0,637251
RP1-86D1.5	0,33	0,72	0,36	0,00	0,4731067	0,63726
NPRL3	2,49	3,65	2,64	1,87	0,4731805	0,637293
FAM71F2	2,12	2,29	2,18	2,49	0,4731881	0,637293
RP11-290O12.1	0,00	0,00	0,00	0,52	0,4732645	NA
HYI	2,92	1,50	1,33	1,11	0,4732992	0,637395
SLC10A3	0,57	0,66	0,58	0,52	0,473321	0,637395
RAB22A	2,80	1,46	2,55	2,29	0,4733573	0,637405
KLRC1	1,22	1,18	0,94	1,12	0,4734275	0,63743
FHIT	2,22	0,42	2,27	2,97	0,4734331	0,63743
SLC19A2	1,09	0,24	0,85	2,26	0,4734932	0,637472
ANKDD1B	0,00	0,00	0,00	0,14	0,4735976	0,637574
RN7SL591P	0,00	0,84	0,00	0,00	0,4735997	NA

CYTH4	5,05	4,20	4,89	4,63	0,4736472	0,637602
RN7SL265P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,473727	NA
SMYD2	3,18	1,83	3,48	4,03	0,4737617	0,637692
MED6	5,30	3,88	4,87	4,93	0,4737909	0,637692
RP11-514P8.11	0,64	0,00	0,00	0,00	0,4738158	0,637692
RP11-1070N10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4738435	0,637692
SDF2	5,61	5,97	5,17	4,58	0,4739085	0,637692
LRRC23	0,61	0,46	2,50	0,68	0,4739191	0,637692
TMEM121	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4739421	0,637692
SNX24	0,08	0,10	0,00	0,00	0,4739436	0,637692
FAM127A	4,34	3,24	4,43	4,22	0,4740092	0,637742
RN7SL156P	2,10	2,25	2,61	1,96	0,4740981	0,637802
RNA5SP37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4741112	0,637802
HCG4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4741314	NA
RP11-235D19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4741325	NA
CTC-359M8.1	0,00	0,65	0,00	0,00	0,4741925	0,63782
EGLN1	3,05	2,34	2,58	2,54	0,4741999	0,63782
RP11-91P24.7	0,31	0,38	0,00	0,00	0,4742113	0,63782
RP11-3K24.1	0,00	0,00	0,00	2,55	0,4742916	0,637834
NR1D2	2,90	1,63	2,42	0,79	0,4743045	0,637834
PPOX	4,33	3,94	3,65	3,10	0,4743071	0,637834
ECI2	4,82	4,04	4,39	1,86	0,4745862	0,638151
RNU4-78P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4746079	0,638151
TTC13	3,58	2,79	3,42	2,61	0,4746295	0,638151
KHSRP	2,09	0,99	2,43	1,64	0,4747695	0,638301
LAIR1	3,46	2,86	2,88	4,15	0,4749143	0,638457
RP11-173C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4750018	0,638536
TBX5	0,00	0,15	0,00	0,00	0,4750696	NA
RP11-49O14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4750738	NA
CTD-2135J3.2	2,73	0,85	1,32	0,56	0,47509	0,638616
RP11-332L18.4	0,10	0,00	0,06	0,00	0,4751461	NA
RP11-35O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4751713	0,638687
RN7SL502P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4751896	NA
OR7E108P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4752014	NA
CUL4B	3,36	2,48	3,37	1,95	0,475265	0,638774
GS1-114I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4753011	0,638784
HIPK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4754417	NA
CTD-2062A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4754593	NA
SNORD63B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4755418	0,63904
MRPS27	4,81	4,41	3,73	2,17	0,4755494	0,63904
TNFRSF19	0,00	2,24	0,00	0,28	0,4756403	0,639097
RP11-761I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4756593	0,639097
LAS1L	3,60	0,82	2,45	2,48	0,4756984	0,639097
PDE7A	5,01	3,73	4,15	3,50	0,4757065	0,639097
XXbac-BPG181M17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4757391	NA
ZBTB46	1,07	1,33	1,03	0,60	0,475908	0,639329
RP1-179P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4759804	NA
RP11-311P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,476012	0,639418
LYPD5	0,67	0,88	0,59	0,58	0,4760317	0,639418
RP11-382H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,476034	NA
FAM72C	0,00	0,00	0,00	0,22	0,4760707	0,639431
MKRN9P	0,18	0,00	0,12	0,00	0,4762399	0,63962
SLC25A34	0,27	0,33	0,25	0,22	0,4763241	0,639662
PMF1-BGLAP	2,37	1,70	1,55	0,67	0,4763291	0,639662
PPP1R36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4763443	NA

HCN1	0,07	0,15	0,11	0,12	0,4763707	0,63968
SNORD36C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4763981	NA
CLPP	5,35	4,08	5,28	4,80	0,4764401	0,639702
SEC23A	3,37	4,01	2,75	2,13	0,4764447	0,639702
RP11-685B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4764873	NA
CTB-61M7.2	1,05	1,09	1,40	2,00	0,4765321	0,639752
AQP11	0,10	0,00	0,13	0,00	0,4765397	0,639752
ME3	0,44	1,85	2,36	0,96	0,4766884	0,6399
RP4-537K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4767023	NA
CTB-92J24.2	0,08	0,10	0,15	0,31	0,4767074	0,6399
LINC00200	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4767856	NA
FKTN	2,10	0,57	1,01	1,89	0,4767864	0,63996
RP11-846C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4768248	NA
C1RL	2,81	0,55	3,76	2,54	0,4768259	0,63996
TSTA3	4,24	5,47	4,22	3,95	0,4768513	0,63996
NIFK	5,28	4,78	4,60	4,83	0,4768675	0,63996
RP11-408H1.3	1,90	2,00	1,83	1,50	0,4768964	0,63996
RP11-507M3.1	0,22	0,07	0,32	0,30	0,4769795	0,640004
COL5A3	0,00	0,04	0,00	0,00	0,4769807	NA
RP11-96D1.11	0,35	0,00	1,19	1,01	0,4769864	0,640004
RP11-335I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4771503	0,640185
RP11-343N15.1	0,65	0,93	0,84	0,65	0,4772457	0,640273
SSB	6,46	5,95	6,16	5,53	0,4772731	0,640273
MYBPC3	0,20	1,24	0,41	0,27	0,4773381	0,640321
CTD-2022H16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4774032	NA
PPIEL	2,90	4,24	2,79	2,15	0,4774511	0,640434
XX-FW81066F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4774938	NA
HSPA12A	0,83	1,71	1,08	0,73	0,477575	0,640535
KCNIP3	0,00	0,07	0,00	0,07	0,477584	0,640535
ZNF397	2,31	1,52	1,84	1,62	0,4776204	0,640545
USP44	0,04	0,03	0,00	0,00	0,4777416	0,640669
RP11-1151B14.3	0,43	0,33	0,18	0,65	0,4778199	0,640685
KAT2B	4,37	3,21	3,97	3,57	0,4778235	0,640685
ACAD10	2,85	3,13	2,43	3,27	0,4778401	0,640685
CRTC2	4,06	4,75	4,08	4,22	0,4779631	0,640811
ARHGAP39	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4780068	NA
LIPM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,47816	NA
FGD5P1	0,03	0,09	0,04	0,05	0,4781848	0,64107
RP11-480I12.4	0,09	0,09	0,13	0,57	0,4782238	0,641083
IGFBP2	0,05	0,28	0,04	0,11	0,4782628	0,641094
LPO	1,06	0,71	0,97	0,77	0,4782893	0,641094
IFNK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4783696	0,641163
SLC5A4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4785879	NA
SHOC2	5,21	4,58	4,91	5,49	0,4786196	0,641456
APOF	0,16	0,09	0,34	0,46	0,4786457	0,641456
DNASE1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4786851	NA
TRIM9	0,00	0,35	0,00	0,00	0,478694	NA
SLC30A5	4,08	3,35	4,01	3,40	0,4786968	0,641485
AC006960.7	0,92	0,94	0,87	0,67	0,4787414	0,641507
RP11-443B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4788539	NA
TRIQK	2,24	1,60	2,35	1,83	0,4788733	0,641645
RF00139	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4789394	0,641695
AC012363.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4789807	NA
RN7SKP26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4789848	0,641695
RNU6-944P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,478999	NA

RBM43	1,08	1,06	1,13	0,98	0,4790733	0,641695
ATP5J2LP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4790757	NA
AP000688.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4790822	NA
DERL3	0,24	0,40	0,24	0,14	0,4790938	0,641695
RP5-849H19.3	0,06	0,16	0,13	0,09	0,4790999	0,641695
UBE2G2	5,58	5,58	5,60	5,06	0,4791008	0,641695
IFT88	3,04	0,64	2,57	3,74	0,4791129	0,641695
TRAPPC12	5,64	5,88	5,77	6,08	0,479231	0,641814
AC013409.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4792573	NA
RP11-115J16.1	0,26	0,39	0,26	1,97	0,4794551	0,642076
AC006994.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,479479	NA
ADAMTS18	0,00	0,02	0,02	0,00	0,4795265	0,642122
FAR1	6,07	5,71	5,56	4,86	0,4795747	0,642122
MS4A14	2,61	1,89	2,97	1,89	0,4795949	0,642122
CTD-307407.5	1,16	0,00	0,94	0,43	0,4796053	0,642122
FRS3	0,84	0,79	0,85	1,14	0,4796613	0,642158
QDPR	5,31	1,39	4,29	4,18	0,4798138	0,642292
C3orf33	0,73	1,42	0,48	0,37	0,4798305	0,642292
ZNF592	2,66	2,96	2,22	1,67	0,4798475	0,642292
RP11-397P13.7	0,00	0,00	0,00	0,71	0,4798821	NA
SLC2A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4799428	NA
PTGS1	4,33	2,95	3,63	3,49	0,4799939	0,642449
RP11-280K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4800213	NA
CTC-551A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4800417	NA
MRFAP1L1	5,05	4,08	4,17	4,81	0,4802129	0,642703
RP1-257I20.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4803006	0,642778
PDHA1	6,28	5,77	5,68	5,54	0,4803263	0,642778
PARP4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4803888	NA
THBS4	0,27	0,00	0,40	0,99	0,4804079	0,642802
NTAN1	3,93	1,47	3,73	3,24	0,4804508	0,642802
NR2F1	0,00	0,07	0,03	0,00	0,480464	0,642802
HIGD2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4804762	NA
RN7SL842P	0,70	0,00	1,37	1,69	0,4804843	0,642802
CTC-497E21.4	0,84	0,78	1,13	0,58	0,4804891	0,642802
RNU6-652P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4805546	0,642851
AC008565.1	0,07	0,00	0,09	0,35	0,4805886	NA
MT1JP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4806122	0,642889
PHF13	0,00	0,00	0,00	0,65	0,4806651	0,642921
RP11-258C19.6	0,27	0,26	0,17	0,80	0,4807252	0,642963
RP11-64I5.1	0,76	0,00	0,34	0,24	0,4808144	0,643044
RP11-8P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4808946	NA
RP11-147L13.2	2,99	2,46	3,13	2,00	0,4808952	0,643113
CREB5	4,92	4,42	4,32	3,42	0,4809717	0,643177
LG14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4810503	0,643243
UTP11	5,05	1,40	4,40	3,53	0,4811303	0,643299
RPL5P29	0,00	0,34	0,00	0,00	0,4811641	NA
NSUN5	3,07	2,82	3,01	3,65	0,4811655	0,643299
PBX3	4,35	1,74	3,51	2,85	0,4811786	0,643299
RP4-635E18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4812085	NA
RAB26	0,00	0,00	0,20	0,22	0,4812387	0,64334
RP4-543J19.8	0,60	0,98	0,54	1,05	0,4813245	0,64341
SEPSECS	2,69	1,32	1,98	2,04	0,4813556	0,64341
RP11-713M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4813774	0,64341
RN7SL202P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4814096	NA
UNC5D	0,00	0,01	0,00	0,00	0,4814584	NA

CLU1	0,12	0,06	0,13	0,12	0,4814702	0,643495
RP11-230B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4815236	NA
RP11-257O5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4815277	0,643533
C13orf45	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4816067	NA
RNF216	4,05	2,67	3,98	3,81	0,4816188	0,64358
SYCP3	0,51	0,31	0,86	0,33	0,4816206	0,64358
RN7SKP19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4816268	NA
RP11-116B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4816307	NA
RNU5F-6P	0,00	0,00	0,00	1,66	0,4816683	0,643581
RP11-543E8.1	3,53	0,61	2,45	0,48	0,4816797	0,643581
RP11-90P5.2	0,00	2,42	0,00	0,00	0,4817718	0,643666
GADD45B	7,09	7,10	7,22	7,12	0,4818321	0,643708
RP11-307E17.11	0,00	0,00	0,00	0,81	0,4818754	NA
AAR2	4,26	4,14	3,38	1,93	0,4818761	0,643728
ALMS1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4819334	NA
CTC-205M6.2	0,81	1,23	0,64	0,49	0,4820139	0,643844
NBR1	3,43	1,65	3,53	3,72	0,482042	0,643844
CTB-43P18.3	0,00	2,95	0,02	0,00	0,4820504	0,643844
RP11-158D2.2	1,61	2,07	1,76	1,93	0,482166	0,64396
RP11-745L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4823608	NA
DISC1	3,40	2,39	3,48	2,80	0,4824034	0,644238
RP11-572M11.4	1,36	0,25	2,11	1,76	0,4825362	0,644341
RP11-863K10.4	0,00	0,00	0,00	0,57	0,4825495	0,644341
OR4K17	0,54	0,96	0,38	0,16	0,4825669	0,644341
AC093826.2	0,00	0,00	0,99	0,00	0,4826476	0,644408
SNHG7	2,47	4,26	3,06	3,17	0,4826792	0,644408
NKAPP1	2,47	2,63	1,45	1,17	0,482704	0,644408
RP11-454L9.2	0,00	0,00	0,00	1,49	0,4827629	NA
RP11-255G12.5	0,00	1,22	0,00	0,00	0,4827963	0,644492
RN7SKP224	2,43	1,61	2,40	2,39	0,4828368	0,644507
TRIOBP	3,18	2,22	2,00	2,94	0,4828762	0,644521
RP11-360F5.1	0,45	0,00	0,44	0,18	0,4829329	0,644558
AP000959.2	0,00	0,18	0,00	0,00	0,4829625	0,644559
RP11-474G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4830466	0,644633
RP11-443G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4830478	NA
RP11-316P21.1	0,36	0,27	0,27	0,26	0,4831405	0,644719
COG8	1,49	2,39	1,19	1,08	0,4832504	0,644811
RNF181	7,22	7,32	7,46	7,27	0,483282	0,644811
SCARNA5	1,33	3,33	1,08	3,94	0,4832967	0,644811
GLUL	5,08	4,99	4,73	3,99	0,4833324	0,64482
RP11-530C5.2	2,26	2,78	2,91	3,36	0,483376	0,64484
RP5-1182A14.8	0,00	0,00	0,00	1,11	0,4835055	NA
C2orf76	4,01	3,55	3,19	3,24	0,4836323	0,64511
SPCS3	5,24	4,60	5,10	4,62	0,4836366	0,64511
ALS89743.2	0,92	0,00	0,71	0,75	0,4836768	0,645125
AC083843.1	0,15	0,08	0,02	0,06	0,4838031	0,645255
TDG	3,86	3,06	3,57	3,17	0,4839618	0,645428
ZNF550	0,26	0,50	0,20	0,36	0,48405	0,645507
RP11-112L6.4	0,00	0,00	0,00	0,28	0,4840734	NA
MYLPF	2,52	2,88	2,47	2,39	0,4841086	0,645546
SNHG14	2,98	2,11	2,29	2,47	0,4842825	0,645739
BAIAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4843088	NA
RP11-4K3__A.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4843494	NA
MPO	0,00	0,00	0,00	0,18	0,4844103	0,645871
MTERF3	3,94	1,33	2,68	1,27	0,4844849	0,645905

RNU2-68P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4844939	0,645905
PTPN3	2,97	3,37	2,70	2,78	0,4845483	0,645938
TLR8	3,24	0,36	2,72	3,24	0,4846224	0,645999
RP1-43E13.2	0,00	0,40	0,00	0,00	0,4846734	0,646028
RPL17-C18orf32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4848109	0,646103
PDE6D	5,09	5,76	4,49	2,39	0,4848405	0,646103
RN7SL145P	3,24	3,64	3,15	2,87	0,4849161	0,646103
AP000640.2	2,95	3,91	2,52	2,33	0,4849405	0,646103
SIGLEC5	2,53	2,72	1,88	1,90	0,4849426	0,646103
RN7SL127P	2,05	1,42	2,61	3,43	0,4849478	0,646103
AF129408.14	0,00	2,32	0,00	2,65	0,4849489	0,646103
CNIH4	4,75	4,33	5,17	4,04	0,4849627	0,646103
RPL23AP53	2,21	2,41	2,86	2,97	0,4850188	0,646139
CTD-2561J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4852179	NA
CTC-436K13.3	1,11	0,66	1,03	0,74	0,4852484	0,646406
UBE2SP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4852949	NA
LLNLF-173C4.2	0,00	0,59	0,00	0,00	0,4853296	0,64645
TAF4	1,00	0,86	1,19	0,63	0,4853389	0,64645
C10orf95	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4853863	NA
GOLGA80	0,34	0,00	0,00	0,00	0,4854129	0,646476
AC123886.2	3,84	4,44	3,50	2,42	0,485417	0,646476
DKC1	4,31	6,00	5,15	4,65	0,4855048	0,646554
RP11-345J4.3	0,74	1,62	0,58	0,90	0,4856147	0,646662
CDK3	1,12	3,66	2,49	3,10	0,4857008	0,646713
NCRNA00277	0,00	0,00	0,00	0,00	0,485703	NA
RP11-299J3.8	4,46	3,16	3,87	3,45	0,4857116	0,646713
RP11-171I2.4	0,00	0,36	0,00	0,00	0,485732	NA
RP11-31E22.1	0,08	0,09	0,09	0,09	0,485753	0,64673
AC096775.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4858034	NA
AC095067.1	0,09	0,10	0,07	0,00	0,4859127	0,646904
RP11-12C17.3	1,47	2,21	1,87	1,33	0,4859862	0,646963
DTNB	2,48	0,18	0,74	0,00	0,4860246	0,646975
ZNF839	2,14	1,07	2,81	1,59	0,4861571	0,647113
RP11-13B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4862075	NA
AP000476.1	2,30	1,45	1,99	2,01	0,4863021	0,647143
CTC-499J9.1	0,00	0,00	0,00	0,48	0,4863103	0,647143
RP11-390M11.1	0,08	0,35	0,07	0,18	0,4863294	0,647143
PWP2	0,23	0,59	0,25	0,36	0,4863501	0,647143
TXNDC11	4,74	2,56	5,06	3,19	0,4863555	0,647143
AC005027.4	0,62	0,59	1,04	0,71	0,4863731	0,647143
NCALD	3,16	2,80	2,08	1,65	0,4863833	0,647143
OR6T1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4863987	NA
RP11-345J4.8	2,39	2,03	1,67	0,80	0,4865357	0,647307
TBX15	0,00	0,05	0,00	0,00	0,4865734	NA
CTC-441N14.2	1,18	1,17	1,81	1,90	0,4866125	0,64734
ADAM33	0,05	0,17	0,13	0,27	0,4866255	0,64734
RP11-793H13.11	0,00	3,08	0,23	1,63	0,486679	0,64734
RP11-1415C14.3	1,87	0,00	0,24	0,89	0,4866969	0,64734
RP11-142C4.6	0,00	0,27	0,00	0,48	0,4867284	0,64734
GSTCD	0,62	0,74	0,81	0,78	0,4867447	0,64734
ARL2BP	4,88	5,40	4,86	4,82	0,4867923	0,64734
SNHG8	7,22	7,75	7,31	7,13	0,4867936	0,64734
ANGPT2	1,14	0,49	0,86	0,94	0,4868672	0,647399
RP1-102G20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4869488	0,647469
CTA-929C8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4869625	NA

MIR22HG	3,88	1,82	3,82	3,34	0,4870172	0,64748
OGT	5,66	4,59	5,37	4,86	0,4870343	0,64748
SIRPB1	4,14	2,17	3,70	4,09	0,487045	0,64748
RP3-455J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4870661	NA
PABPC3	0,09	0,08	0,04	0,04	0,4870935	0,647496
KRT222	0,00	0,77	0,00	0,00	0,4871151	0,647496
RP11-37111.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4871788	NA
GLYATL1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4872669	NA
ASL	4,54	4,16	4,85	5,26	0,487351	0,647771
RP11-605P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4873848	NA
RP11-1376P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4875897	NA
RP11-1334A24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4876157	NA
RP11-1023L17.1	3,96	4,09	3,46	2,87	0,4876689	0,648155
WASHC2C	3,95	3,35	4,64	4,20	0,4877177	0,648181
RP11-395N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4878477	NA
PIK3C3	5,13	2,37	4,73	4,89	0,4878586	0,648327
RP11-298O21.5	0,00	0,00	0,00	0,96	0,4878863	0,648327
AC073346.2	5,34	3,22	5,11	3,43	0,4881337	0,648589
MITD1	5,59	5,59	4,81	4,94	0,4881413	0,648589
RP11-468B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4882507	0,648695
KIRREL2	0,00	0,05	0,00	0,00	0,4882859	NA
AP000350.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4882891	NA
MTA3	1,56	1,19	0,92	0,88	0,4884324	0,648898
RP11-686F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4885213	NA
RP11-30L3.2	0,00	0,00	0,80	0,00	0,4885557	0,648977
TADA3	4,47	4,76	4,18	3,83	0,488562	0,648977
EAF1	3,44	3,54	3,46	3,47	0,4885799	0,648977
RP11-151N17.2	3,17	0,67	2,91	2,42	0,4886422	0,649021
LOC100421166	0,00	0,00	0,00	0,00	0,488662	NA
RNU6-402P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4888009	0,649193
AC012314.8	0,57	0,15	0,50	0,35	0,4889433	0,649344
RP4-717I23.3	5,64	5,27	5,13	4,53	0,489068	0,649446
PPP1R1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4890792	0,649446
SNCAIP	0,40	0,36	0,51	0,51	0,4891823	0,649545
TAS1R1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4893165	NA
RP11-281A20.2	0,10	1,08	0,15	0,05	0,4893622	0,649721
COMMD2	5,21	5,37	4,53	2,84	0,4893738	0,649721
RP11-863K10.7	0,54	0,39	0,81	0,90	0,4895272	0,649875
PLEKHH1	0,40	0,41	0,39	0,18	0,4895485	0,649875
PIGL	4,23	3,04	3,23	3,95	0,4895875	0,649888
FRG1	5,57	3,72	5,44	5,62	0,489638	0,649917
AC005786.6	0,82	1,28	1,33	1,09	0,4897037	0,649934
SPP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4897201	0,649934
RN7SL790P	0,00	0,00	0,77	0,00	0,4897258	NA
PGBD1	0,03	0,04	0,04	0,00	0,4897536	0,649934
RP11-347I19.7	0,79	0,00	0,00	0,08	0,4897677	0,649934
RP11-737O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4898083	NA
ABC12-49244600F4.3	2,03	2,21	2,26	2,92	0,4899023	0,65002
POLR1D	7,09	6,92	7,14	7,15	0,4899074	0,65002
MLF1	1,13	0,00	0,28	0,76	0,4899209	0,65002
CTD-3051L14.15	0,16	0,48	0,10	0,11	0,4899683	0,650024
AC006011.4	3,54	0,00	3,30	0,45	0,4899825	0,650024
AC139712.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4900716	NA
GLUD2	0,00	0,11	0,00	0,00	0,4900917	NA
RP11-627K11.6	1,25	3,96	2,84	2,87	0,4901807	0,650249

RP11-430C7.5	0,26	0,75	0,12	0,25	0,4902434	0,650269
AP000688.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4902546	0,650269
HIST1H2APS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4903403	NA
AC083875.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4903709	NA
RNU6-1099P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4904952	NA
RPGR	2,86	1,85	2,55	2,01	0,4905693	0,650648
RIBC2	0,00	0,00	0,00	0,09	0,4906202	0,650653
RP11-624J6.2	0,25	0,60	0,39	0,64	0,490651	0,650653
DOCK1	0,18	0,47	0,18	2,35	0,4906608	0,650653
RP4-549L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4907134	NA
RP11-2K6.1	0,00	1,10	0,00	0,00	0,4907663	NA
EMC10	2,26	2,40	2,43	2,61	0,4909727	0,651008
MAD1L1	6,32	6,22	5,89	5,99	0,4909874	0,651008
ARHGAP30	5,41	4,15	5,39	5,30	0,4911519	0,651187
CMPK2	4,65	4,87	2,75	2,84	0,4913212	0,651351
GNL1	1,45	2,59	1,52	1,85	0,4913344	0,651351
THEM6	0,00	0,00	0,03	0,35	0,4915994	0,651664
RP11-707F2.1	0,00	0,41	0,00	0,00	0,492023	NA
CTD-2037K23.2	1,35	0,84	2,24	1,43	0,4920683	0,652209
RP11-37B2.1	3,11	2,42	2,19	2,97	0,4920695	0,652209
AC110619.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,492071	NA
CCNK	3,71	3,92	4,02	4,65	0,4921347	0,652257
IKBKAP	3,34	1,60	2,64	0,82	0,492167	0,652261
ZNF426	2,34	2,05	2,32	1,87	0,4922884	0,652383
RP13-516M14.1	1,73	1,21	1,80	1,45	0,4924625	0,652575
RP11-122G18.12	2,16	1,51	1,87	2,16	0,4925038	0,65259
C1orf146	0,37	0,20	0,44	0,35	0,4925671	0,652635
RP11-956E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4925947	NA
FOXL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4926606	NA
RP4-680D5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4926736	NA
CTD-3022G6.1	0,00	1,13	0,00	0,00	0,4927024	0,652776
SPATA21	0,28	0,00	0,55	1,13	0,4927672	0,652823
RP5-1112D6.5	2,34	0,60	2,29	1,14	0,4928135	0,652845
CITF22-92A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4928977	0,652894
AF003626.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4929095	0,652894
LYRM5	3,53	3,06	3,67	4,17	0,4930053	0,652982
AC114788.2	0,00	0,04	0,04	0,00	0,4930111	NA
CTD-2619J13.8	0,04	0,04	0,03	0,18	0,4931836	0,653162
CTD-2036P10.3	1,61	3,05	1,99	2,99	0,4931999	0,653162
RP11-75C10.6	0,05	0,30	0,09	0,11	0,4932839	0,653213
KDM5A	5,67	5,99	5,40	5,34	0,4932971	0,653213
FAM117A	1,11	1,46	1,39	1,90	0,4933545	0,65325
ADAM3A	0,22	0,15	0,25	1,03	0,4933943	0,653264
PIBF1	3,99	2,28	2,97	2,34	0,4934852	0,653339
SNORA23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4935054	NA
SESN1	3,41	4,29	1,57	2,44	0,4935098	0,653339
NOC3L	3,26	3,09	2,24	2,43	0,4935504	0,653354
RP11-213H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4936942	0,653477
COMMD5	4,92	1,42	5,08	2,48	0,4937019	0,653477
MRFAP1	6,98	6,18	6,50	6,05	0,4937513	0,653488
RP11-218M22.2	0,37	1,47	0,43	0,77	0,4937924	0,653488
RP11-629N8.4	0,00	0,16	0,07	0,27	0,4937989	0,653488
FSD2	0,05	0,19	0,08	0,04	0,4938548	0,653523
AL928742.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4939077	0,653554
SMCO4	6,25	5,66	5,81	6,09	0,4940107	0,653639

CTNNB1	5,74	5,39	5,58	5,03	0,4940519	0,653639
PROSER1	4,12	4,97	3,94	4,01	0,4940601	0,653639
QSOX2	0,63	1,19	0,58	0,22	0,4941181	0,653677
CLIC4	2,57	0,36	2,28	1,74	0,4942332	0,65379
RP11-486M23.3	0,07	0,10	0,00	0,00	0,494392	0,653962
AC007050.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4944469	NA
NEK9	4,29	4,32	4,54	3,06	0,4944649	0,653996
RP11-324H6.6	0,00	0,00	0,01	0,43	0,4944772	0,653996
CIDEC	0,00	0,19	0,00	0,00	0,4945716	NA
RN7SL172P	2,70	0,87	2,93	3,18	0,494608	0,65413
SLC51B	0,00	0,19	0,00	0,00	0,4946179	NA
ZNF577	2,43	1,43	2,26	1,48	0,4946527	0,654151
ZNF518A	5,64	5,48	5,15	5,10	0,4947016	0,654176
RP11-723O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4947451	NA
CTD-3046C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4947638	NA
HMGB1L10	0,00	0,38	0,00	0,00	0,4949171	NA
RP1-40E16.2	1,67	0,00	1,44	2,05	0,4949181	0,654408
CTC-428G20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4949304	NA
RERGL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4949782	0,654408
RP1-168L15.6	0,08	0,08	0,07	0,33	0,4950162	0,654408
RP11-1072A3.3	0,04	0,04	0,04	0,03	0,4950196	0,654408
FBXW4P1	0,64	0,24	0,11	0,08	0,4950236	0,654408
GLDC	0,39	0,79	0,47	0,64	0,4950943	0,654462
RRM2B	4,65	2,69	4,58	4,48	0,4952055	0,65457
RP5-1033H22.2	0,00	0,00	0,00	0,44	0,4953018	0,654645
ZCWPW2	1,07	0,85	1,15	1,55	0,495336	0,654645
CTC-378H22.1	0,71	0,61	0,54	0,22	0,4953508	0,654645
RP11-434D2.10	0,00	0,71	0,00	0,57	0,4955141	NA
CEACAM6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4956128	NA
RP11-245J9.4	0,00	0,00	0,68	0,00	0,4957158	0,655044
PKMYT1	0,56	0,00	0,89	0,25	0,4957243	0,655044
GSTZ1	3,89	0,73	4,06	3,03	0,4957406	0,655044
RP11-15F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4958442	NA
AC004593.3	0,15	2,67	0,98	0,00	0,4958651	0,655169
SENP8	0,15	0,03	0,15	0,04	0,4959413	0,655197
RP11-723P16.2	0,00	0,38	0,00	0,00	0,4959453	0,655197
SPC24	1,27	0,67	1,49	1,75	0,4959899	0,655217
RP11-674J14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4959901	NA
TRANK1	1,39	1,49	1,01	1,60	0,4961462	0,655329
TAB3	2,29	2,65	2,31	1,03	0,4961552	0,655329
M6PR	7,51	7,28	7,06	6,93	0,4961639	0,655329
OR5BA1P	0,07	0,24	0,06	0,23	0,4961928	0,655329
FURIN	2,57	1,06	2,94	2,02	0,4962652	0,655386
WASF2	5,50	5,79	5,84	5,17	0,4963322	0,655436
RP13-452N2.1	1,51	0,77	1,49	2,67	0,4963894	0,655472
CTC-546K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4963901	NA
PDGFRL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4964151	NA
AIPL1	0,00	0,07	0,10	0,22	0,4964539	0,655519
LRRC61	0,07	2,05	0,17	0,00	0,4964851	0,655519
ASB6	2,10	1,01	1,70	1,38	0,4965129	0,655519
RP11-196P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4965549	0,655524
PAWR	0,45	1,74	0,95	0,11	0,4965756	0,655524
RP11-126O22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4966496	NA
RP11-568J23.2	0,13	0,06	0,12	0,09	0,496712	0,655623
TMEM132B	0,05	0,33	0,12	0,04	0,4967218	0,655623

RP11-21M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,496729	NA
VCP	5,88	5,09	5,96	5,72	0,4967542	0,655623
AC007161.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4967692	0,655623
FBXL3	3,19	4,08	2,88	2,17	0,496802	0,655628
ZBTB11	3,99	3,69	3,83	3,38	0,4969166	0,65574
FAM156A	4,29	5,25	4,50	4,58	0,496971	0,655773
RP11-219F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4970099	NA
TMEM140	2,29	1,67	2,76	1,94	0,4970352	0,655787
CTD-2619J13.19	0,64	0,57	0,69	0,48	0,4970578	0,655787
RNU6-805P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4971228	0,655787
CTB-37A13.1	0,91	0,87	0,45	1,55	0,4971443	0,655787
TMEM232	0,02	0,62	0,96	1,09	0,4971779	0,655787
WASH7P	0,26	0,13	0,00	0,00	0,4972037	0,655787
RP11-434P11.1	1,12	2,77	1,92	2,39	0,497217	0,655787
THYN1	6,00	6,01	5,47	6,04	0,497245	0,655787
SCARNA21	0,00	2,37	0,00	0,00	0,4972497	NA
RP5-1039K5.17	0,37	1,59	0,60	0,39	0,4972601	0,655787
RP11-93I21.3	0,00	0,08	0,00	0,07	0,4972769	NA
ITK	1,13	3,97	1,75	1,66	0,497287	0,655787
RP11-649E7.5	2,50	0,00	1,10	2,52	0,4973165	0,655787
RP11-168F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4973799	0,655787
PIKFYVE	3,90	2,63	3,47	3,13	0,4973907	0,655787
ADCY4	1,66	3,67	1,18	2,68	0,4974415	0,655787
RP4-761J14.8	4,00	3,67	3,80	1,43	0,4974821	0,655787
AC138430.4	0,11	0,17	0,14	0,07	0,4974835	0,655787
C1QL3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4974924	0,655787
GPR180	0,71	0,31	0,36	0,02	0,4975132	0,655787
SLC35G6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4976313	NA
CTD-2035E11.5	1,25	0,29	0,97	1,09	0,497707	0,656004
PPP3CC	3,98	3,88	3,67	1,30	0,4978707	0,656158
RP11-630A13.4	0,71	0,69	0,83	0,65	0,4978977	0,656158
ITM2B	8,47	8,23	8,10	7,55	0,4979128	0,656158
RP5-1102E8.2	0,19	0,00	0,00	0,00	0,4979474	NA
RP11-193E15.4	0,00	0,00	0,00	0,85	0,49797	NA
RP11-15I11.2	0,00	0,00	0,00	0,48	0,4980101	NA
AC027612.6	0,87	0,78	2,00	0,24	0,4980231	0,656265
U91328.19	0,50	1,68	0,64	1,56	0,4980869	0,656284
MBD3L4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4981432	NA
CDH19	0,32	0,33	0,30	0,49	0,49816	0,656284
CTB-50L17.14	0,38	0,41	0,54	0,41	0,4981626	0,656284
DSG2	0,02	0,13	0,05	0,02	0,4981698	0,656284
RP11-420K14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4981774	NA
ZNF85	1,22	2,09	1,48	1,46	0,4982148	0,656284
GAREM1	2,89	3,69	0,94	3,42	0,4982554	0,656284
NFIX	0,09	0,19	0,24	0,69	0,4982757	0,656284
BARD1	2,72	0,77	3,25	2,73	0,4982826	0,656284
RP1-187B23.1	0,28	0,24	0,25	0,31	0,4983037	0,656284
RP5-1057B20.3	0,24	0,18	0,25	0,42	0,4983399	0,656293
RNF4	5,06	3,79	4,19	4,07	0,4983726	0,656297
RP11-758N13.3	1,96	1,24	2,97	1,97	0,4985017	0,656386
SYT2	0,06	0,07	0,07	0,04	0,4985122	0,656386
GTF2A1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4985242	NA
ARHGEF18	1,84	1,50	1,69	2,75	0,4985285	0,656386
APEH	5,16	5,64	5,26	5,62	0,4986419	0,656482
MBD3L3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4986478	NA

RP13-297E16.4	1,11	3,24	1,81	1,35	0,4986603	0,656482
PSEN2	1,66	0,21	0,85	0,73	0,4987139	0,656486
ALDH1A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4987192	NA
RF00493	0,00	2,60	0,00	2,49	0,4987225	0,656486
RP11-50E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4987264	NA
HIST2H2BD	0,00	0,33	0,00	0,00	0,4987394	NA
MIRLET7DHG	0,00	0,15	0,00	0,15	0,4988278	0,656586
MUC1	0,00	2,17	0,23	0,00	0,4989497	0,656707
KIAA1967	3,22	3,14	3,37	3,03	0,4990053	0,656714
PITPNA	4,89	2,83	4,95	5,46	0,4990142	0,656714
AC083843.2	0,00	0,00	0,45	0,00	0,4990457	0,656717
GNAI2	7,20	7,33	7,46	7,21	0,4991494	0,656814
ZNF530	0,78	0,22	0,41	1,27	0,4991843	0,656821
CLEC4GP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4994085	NA
FDX1L	0,84	0,80	1,93	1,30	0,4994354	0,657113
RP11-357H14.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4995054	NA
CTD-2169H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4995407	NA
RP11-673D15.7	3,72	2,08	0,00	4,67	0,4995498	0,657225
THAP10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,4996137	NA
RP11-774D14.1	0,00	0,79	0,00	0,00	0,4997542	0,657442
CNOT3	2,30	2,42	2,04	1,87	0,4997978	0,657442
RP11-67K19.3	0,77	0,34	0,58	1,02	0,4998041	0,657442
RNU6-469P	0,00	0,00	2,01	0,00	0,499838	0,657448
SCLY	2,19	1,46	2,57	3,08	0,4999545	0,657562
POLR2G	7,89	6,96	7,98	7,32	0,4999871	0,657566
IGKV3D-11	0,00	0,94	0,00	0,00	0,5000065	NA
PLET1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5000575	NA
RP11-738E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5001287	NA
RP11-575C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5001978	NA
AC022173.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5002547	NA
OS9	6,08	5,56	5,98	5,14	0,5003375	0,657988
RP11-350J20.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5004122	NA
AC016747.2	4,99	1,75	4,11	3,90	0,500462	0,658113
HSPA12B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5005073	0,658133
RP11-574K11.5	0,00	0,00	1,29	0,00	0,5005367	0,658133
NUMB	5,60	4,68	5,45	5,66	0,500604	0,65818
ZNF329	0,78	0,57	0,93	1,05	0,5006317	0,65818
ZBTB21	4,50	4,99	4,99	5,50	0,5006695	0,658191
RP11-128M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,500808	0,658334
SIT1	0,21	0,36	0,14	0,13	0,5008724	0,658342
WFDC11	2,72	1,09	2,36	1,40	0,5008733	0,658342
AC006262.6	0,50	1,16	0,68	0,55	0,5009987	0,658448
PCDHB11	0,39	0,41	0,36	0,48	0,5010132	0,658448
RP11-1110F20.1	0,00	0,00	0,00	0,16	0,5011283	NA
DCBLD1	1,87	2,68	1,95	0,95	0,5011747	0,658581
BAP1	4,85	4,70	5,01	4,94	0,501193	0,658581
RP11-613D13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5012031	0,658581
SMCR2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5014243	NA
PCDHAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,501479	NA
AC046143.5	3,93	0,39	1,72	2,78	0,5015439	0,658963
WDR24	0,12	0,60	0,33	1,02	0,5015533	0,658963
CTB-139P11.2	0,72	1,85	0,82	1,40	0,5016334	0,658997
RP11-169E6.4	0,38	1,67	0,37	0,70	0,5016382	0,658997
RGS13	0,30	0,22	0,23	0,22	0,501686	0,65902
AC005062.2	2,85	2,62	2,76	2,38	0,5017148	0,65902

RP11-429P3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5019062	0,659232
LIMD1	2,63	2,10	3,14	3,28	0,5019907	0,659304
C1orf122	2,89	3,26	2,91	3,76	0,5020608	0,659357
NBPF3	0,96	1,58	1,52	2,41	0,5020971	0,659366
TRIM4	3,18	2,93	3,24	3,21	0,5023323	0,659612
RP11-629B11.5	0,00	1,13	0,00	0,00	0,502344	0,659612
RELL1	3,42	2,42	3,12	1,77	0,5024737	0,659733
RN7SL30P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5025231	0,659733
RP5-968D22.3	2,87	3,02	0,67	0,95	0,5025635	0,659733
MRPL57	4,18	4,46	4,10	3,67	0,502568	0,659733
ZNF14	1,03	0,05	0,34	0,37	0,5025948	0,659733
CTB-175E5.4	2,54	1,82	2,09	1,39	0,5026138	0,659733
ACO23590.1	0,80	0,64	0,57	1,15	0,5027359	0,659751
RP11-333E13.1	0,24	0,00	0,00	0,00	0,5027504	0,659751
DUX4L9	0,00	0,30	0,00	0,00	0,5027631	0,659751
SNRNP35	4,91	5,05	4,62	5,14	0,5027684	0,659751
SDC4	0,18	0,16	0,40	0,37	0,502776	0,659751
KIF23	0,89	1,41	0,62	0,58	0,5029823	0,659982
RP11-341D18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5030318	NA
ZNF260	0,36	0,47	0,76	0,08	0,5030937	0,660054
PPFIA1	4,83	2,60	4,35	5,35	0,5030961	0,660054
RP11-401.2	1,68	3,02	1,58	2,19	0,5031585	0,660097
SLMAP	3,43	1,87	3,46	3,09	0,5031905	0,6601
RP11-627K11.7	0,09	0,00	0,40	0,17	0,5033347	0,66025
CEP295	2,12	0,48	1,74	2,10	0,5034137	0,660315
RP11-225B17.2	0,81	0,45	0,83	0,88	0,5035529	0,660455
RP11-16E18.4	0,00	0,25	0,71	0,91	0,5036095	0,660455
RP11-567M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5036098	0,660455
RP11-108E14.1	0,34	0,00	0,00	0,41	0,5036511	0,66047
OSBPL10	1,41	1,31	1,33	0,90	0,5036849	0,660475
PRR14	3,92	4,52	4,16	4,02	0,5037236	0,660484
RP11-328G15.2	0,73	0,98	0,82	0,78	0,5037508	0,660484
RP11-426L16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5037857	NA
RP11-58D2.1	0,91	1,13	1,54	2,59	0,5039264	0,660644
RP11-463O9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5039271	NA
AKAP17A	3,29	4,24	3,61	3,00	0,5039325	0,660644
ACO02451.3	0,68	3,22	0,37	0,98	0,5041664	0,660912
RP5-981L23.7	0,00	0,04	0,00	0,00	0,5042109	NA
RP11-1085N6.3	0,33	0,42	0,74	0,39	0,5042123	0,660933
CEP192	4,02	3,09	3,57	3,95	0,5042962	0,660974
RP11-634H22.1	2,38	0,37	1,40	0,35	0,5043028	0,660974
ACO06539.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043308	NA
RP11-389J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043308	NA
RP11-672L10.2	0,01	0,00	0,00	0,00	0,5043339	NA
RNU6-672P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043379	0,660981
CSN1S2AP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043804	NA
RP11-627C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043804	NA
RP11-713C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5043804	NA
ALKBH3	5,67	3,02	4,86	4,02	0,5044527	0,661092
RP11-517H2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5044744	NA
RP11-359N11.2	0,03	0,25	0,02	0,19	0,5045483	0,661148
DPP3	2,68	1,27	2,51	3,12	0,5045751	0,661148
PKIA	0,00	0,09	0,00	0,00	0,5046289	NA
ZCCHC7	4,69	3,59	3,85	3,72	0,5046326	0,661148
RP11-717F1.1	0,00	2,21	0,00	0,00	0,5046378	0,661148

COLEC10	0,00	0,00	0,00	0,85	0,5046438	0,661148
RP11-841C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5047242	NA
COPS8	5,43	4,13	4,73	3,24	0,5048019	0,661307
HOMER1	0,03	0,15	0,16	0,04	0,5048252	0,661307
MDM4	6,60	6,69	6,70	5,71	0,5048872	0,661319
ACVR1B	0,06	0,11	0,86	1,89	0,5048938	0,661319
RP11-551G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,504945	NA
HSP90AA1	8,10	7,93	8,14	8,03	0,5049949	0,661413
FCGR2A	6,09	6,05	6,33	5,91	0,5051273	0,661511
RP11-567J20.2	0,00	1,90	0,10	0,58	0,5051292	0,661511
RP11-14I17.3	0,00	0,00	0,00	0,61	0,5052015	0,661566
RP11-511I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5052536	NA
ZFC3H1	5,36	4,17	4,73	4,19	0,5053035	0,661661
CHST10	0,00	0,73	0,09	0,37	0,5053399	0,66167
RP11-30L15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5053798	NA
AC103828.1	0,00	0,84	0,00	0,00	0,5054109	0,661723
FAM225A	0,00	0,00	0,02	0,17	0,5056204	0,661932
SERPINB1	6,21	5,65	6,01	6,47	0,5056299	0,661932
CTA-29F11.1	5,77	6,21	6,23	6,07	0,505716	0,662006
RP11-678L1.1	0,63	0,28	0,36	0,28	0,5058207	0,662104
RNU6-226P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5060566	0,662374
PROSER2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5061424	0,662447
FITM2	0,19	0,19	0,33	0,34	0,5062682	0,662573
CTD-3075F15.1	0,95	0,00	0,19	1,00	0,5065879	0,662952
AC066692.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5068094	0,663203
RP11-716O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5072325	NA
RP11-150O12.4	0,00	0,00	0,00	0,40	0,5072646	NA
XXyac-YR38GF2.1	0,06	0,00	0,01	0,05	0,5072906	0,663764
SMCR8	0,88	0,73	1,19	0,69	0,5072975	0,663764
RP11-384G23.1	0,15	1,60	0,16	0,47	0,5073465	0,663781
RP4-547C10.1	0,32	0,11	0,20	0,21	0,5074069	0,663781
FAM149A	0,24	0,37	0,44	0,36	0,5074291	0,663781
LUZP6	4,31	3,81	2,94	0,00	0,5074305	0,663781
AC079325.8	0,49	0,21	0,50	0,43	0,5076381	0,664014
MCM9	3,76	1,91	2,97	2,50	0,5076906	0,664041
KIAA0391	3,28	1,99	2,78	3,24	0,5077184	0,664041
RP11-553L6.2	0,06	0,09	0,05	0,60	0,5077769	0,664078
MIR205HG	2,47	3,12	2,81	2,54	0,5078366	0,664117
CTA-941F9.10	0,47	0,48	0,51	0,65	0,5078976	0,664151
IMPDH1	4,82	5,24	5,06	4,88	0,507986	0,664151
AC074391.1	0,00	0,86	0,00	0,00	0,5079989	0,664151
RP11-927P21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5080189	0,664151
RP11-83A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5080292	0,664151
VPS50	3,08	2,62	2,84	4,09	0,508042	0,664151
TREML2	0,06	0,12	0,15	0,70	0,5081502	0,664254
AP003068.22	0,00	0,40	0,10	0,08	0,5083131	0,664427
RP11-474P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5083863	0,664484
MRPL36	5,40	0,61	5,02	4,52	0,508492	0,664583
AC005776.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5085117	NA
RP11-250H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5085672	NA
RP11-598F7.1	0,00	0,46	0,00	0,00	0,5088287	0,664961
RP11-122C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5088305	NA
CTC-523E23.3	0,78	0,00	0,25	0,11	0,5088408	0,664961
DNAH100S	0,24	0,13	0,27	0,13	0,5089309	0,664967
RPS2P45	0,65	0,56	0,47	0,53	0,5089333	0,664967

PTPRE	6,31	5,53	6,18	5,78	0,5089356	0,664967
RNU6-1294P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5089515	NA
RP11-34514.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5089548	NA
RP11-190A12.9	0,00	0,00	0,80	0,00	0,5091454	0,665202
RP11-823E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5092083	NA
AC002519.8	1,55	0,66	1,32	1,20	0,5092435	0,665291
PMS2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5092992	NA
TRBV14	0,00	0,55	0,00	0,00	0,5093834	NA
S100A7A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5094332	NA
DCDC2C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5095671	NA
PSMD11	5,27	5,31	5,28	5,62	0,5095734	0,665683
RP11-552E20.4	0,00	0,55	0,00	0,00	0,5096883	NA
ALG1	4,33	4,43	3,07	0,99	0,5096884	0,665794
VNN1	2,57	1,44	0,67	1,55	0,5097733	0,665858
CXorf31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5097746	NA
ADGRF5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5097969	0,665858
AP000240.4	0,16	0,20	0,28	0,33	0,5098609	0,665902
ALAD	2,84	1,60	1,90	2,29	0,5099068	0,665923
LZTS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5099436	NA
WLS	0,00	0,00	0,00	0,00	0,509981	NA
NPHP3-ACAD11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5100063	0,666014
RP11-1157N2_B.2	0,17	0,00	0,00	0,00	0,5100951	NA
RP11-271K11.5	0,33	0,00	0,00	0,00	0,5101058	0,666103
MEGF10	0,00	0,06	0,00	0,00	0,510114	NA
PRRG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5101347	0,666103
RP11-4C20.3	0,00	0,00	0,00	0,42	0,5102389	0,666171
AL773604.8	0,00	0,17	0,40	0,14	0,5102603	0,666171
RP11-390D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5102763	0,666171
C19orf73	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5103526	0,666231
CTD-3137H5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,510492	NA
RP13-890H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5104998	0,666384
SIGLEC14	4,41	3,38	3,91	2,80	0,5105469	0,666407
GATSL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5105837	NA
GUCY2D	0,03	0,20	0,07	0,03	0,5106615	0,666517
CTC-250I14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5106979	NA
POLR2M	4,01	4,47	3,23	1,09	0,5107107	0,666542
OGDH	3,66	3,45	3,68	3,05	0,5108352	0,666665
DNHD1	1,99	2,29	2,03	0,95	0,510872	0,666674
RP4-599G15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5108833	NA
MIR3662	0,00	0,00	0,00	0,00	0,510915	NA
PTPN5	0,00	0,00	0,00	0,13	0,5109723	0,666689
RP5-1039K5.12	0,23	0,66	0,46	0,23	0,5109875	0,666689
RN7SL663P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5110147	NA
RBM8A	7,86	7,38	7,57	7,34	0,5110561	0,666689
UBE2I	5,28	4,54	5,08	4,29	0,5110568	0,666689
PGP	1,82	1,68	1,95	1,42	0,5110583	0,666689
CTD-3083F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5110872	0,666689
ARHGAP19-SLIT1	0,00	0,00	0,08	2,58	0,5110933	0,666689
DUX4L50	0,23	0,96	0,00	0,53	0,5111622	0,666674
RP11-256L11.1	0,22	0,00	0,30	0,00	0,5111745	NA
TADA2A	3,86	2,68	3,41	3,34	0,5112164	0,666771
SLC9A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5112476	NA
SULT1A4	4,44	4,64	3,58	5,10	0,511333	0,666884
RP11-170L3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5115352	NA
RP4-773N10.4	0,00	0,00	0,00	0,07	0,5115452	0,667122

IPO11	2,69	0,91	1,60	0,79	0,5116544	0,667225
PDCL3	5,72	4,73	5,15	4,54	0,5117262	0,66728
PRH1-PRR4	2,69	0,00	0,83	1,62	0,5118927	0,667458
RP11-789C2.1	0,00	0,66	0,32	0,34	0,5120321	0,6676
PCDHB2	0,00	0,00	0,00	0,05	0,5121233	NA
RF00443	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5121326	NA
CCDC117	2,09	1,58	2,48	1,72	0,5122693	0,66787
RP4-568C11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,512397	NA
ICOSLG	1,65	1,48	2,10	1,85	0,5124145	0,668007
RP11-996F15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5124553	0,668007
FGD2	6,24	5,69	6,24	5,93	0,512464	0,668007
RN7SL242P	0,00	2,97	0,00	0,00	0,5125106	0,668028
IDNK	3,15	0,93	3,75	2,03	0,5126761	0,66815
TNFSF13B	7,71	7,11	7,67	7,70	0,5126899	0,66815
RP11-798K3.3	0,18	0,00	0,00	0,24	0,5126945	0,66815
RP13-726E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5127988	NA
MRLN	2,14	2,08	1,42	0,87	0,5128253	0,668206
RP6-109B7.4	0,07	0,00	0,24	0,00	0,5128449	0,668206
RP11-173A16.2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,5128827	0,668206
CTA-363E6.3	0,26	0,36	0,38	0,64	0,5128874	0,668206
AC084018.1	2,22	1,34	1,80	1,33	0,5128877	0,668206
CDHR5	0,00	0,12	0,00	0,00	0,5129292	NA
LA16c-3G11.7	0,11	0,00	0,00	0,00	0,5129884	NA
RP11-432J24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5131207	NA
RNF213	6,66	5,76	6,70	6,70	0,5131248	0,668441
RP11-345P4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5132082	0,668441
RP11-473J6.1	0,80	0,00	0,48	1,05	0,5132278	0,668441
PLPP3	0,05	0,13	0,09	0,19	0,5132532	0,668441
AP003419.11	0,79	3,74	3,96	4,85	0,5132742	0,668441
RP11-460N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,513278	NA
RP11-72M14.1	5,02	2,48	5,84	6,37	0,5132816	0,668441
TIMP1	9,01	9,23	9,27	9,13	0,5132857	0,668441
ANKFY1	2,89	3,08	3,62	3,67	0,5133085	0,668441
RAB6A	4,75	3,89	4,26	4,31	0,5134784	0,668601
RP11-373D23.3	0,00	0,00	0,00	0,19	0,5134919	0,668601
PHF14	3,91	3,48	3,74	4,38	0,5137606	0,668892
RAP1A	6,38	5,77	5,95	5,96	0,5137753	0,668892
RP11-213P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,513875	NA
MSN	6,68	5,56	6,36	5,93	0,5138906	0,669003
DNTTIP2	6,32	5,57	5,89	5,38	0,5139637	0,669059
AC010900.1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,5140142	NA
RN7SL806P	1,65	0,00	2,14	2,09	0,514127	0,669232
RP11-45A17.3	0,04	0,16	0,02	0,10	0,5141871	0,669271
CHD2	6,45	5,76	6,53	6,53	0,5142267	0,669284
PEX6	2,12	2,26	2,01	0,91	0,5143142	0,669322
DZIP3	2,17	0,32	0,88	1,12	0,5143312	0,669322
RP11-35G9.3	3,97	1,12	2,88	3,10	0,5143465	0,669322
MIR7848	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5143583	NA
RP4-647C14.3	3,06	1,65	2,45	1,15	0,5144182	0,669356
DNAJB4	3,48	2,25	1,30	1,88	0,514433	0,669356
DPCD	3,78	0,38	4,40	1,42	0,5145071	0,669413
RPL36A-HNRNPH2	0,00	0,57	0,00	0,00	0,5146036	NA
DPH5	4,35	3,09	3,82	2,67	0,5146366	0,669543
RP11-624L12.1	0,30	0,36	0,42	0,33	0,5146835	NA
APH1B	2,91	3,64	2,62	1,13	0,5147545	0,669652

ODF3	0,00	0,05	0,00	0,00	0,5147733	NA
RP11-680F8.3	0,17	0,13	0,31	0,40	0,5147807	0,669652
RP11-16C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5147896	NA
ETV1	0,00	1,30	0,10	0,00	0,5148389	0,669675
CEP350	4,43	4,34	5,00	4,47	0,5148587	0,669675
RP11-562L8.1	0,00	0,00	0,00	0,32	0,51488	NA
RP11-115P16.4	0,83	0,47	0,62	0,98	0,514919	0,669709
RP11-552M6.1	0,00	0,00	0,05	0,00	0,5149482	0,669709
RP11-505C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,514975	0,669709
HNRNPR	6,16	6,57	5,91	5,47	0,515016	0,669723
RP11-275B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5151513	NA
AC004957.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5151915	NA
RN7SL346P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5151928	NA
GLB1L3	2,27	1,48	2,33	1,82	0,515199	0,669894
CDKN1A	5,55	6,32	6,29	5,26	0,5152778	0,669894
MFSD12	3,56	2,88	4,21	2,97	0,5152958	0,669894
RP11-110I1.13	1,33	0,00	0,00	2,92	0,5152962	0,669894
LRRC20	0,00	0,27	0,00	0,04	0,5152981	0,669894
VIMP	5,25	5,42	5,43	4,64	0,5153774	0,669957
RP11-278H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5154415	0,670002
RP11-18M11.2	0,07	0,00	0,00	0,04	0,5155384	0,670088
IPCEF1	3,48	2,89	3,57	3,31	0,5156471	0,67019
PP2D1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5156802	0,670194
RP11-701B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,515712	NA
LRRC69	2,47	1,34	1,60	1,11	0,5157551	0,670252
RN7SL236P	0,00	0,84	0,00	0,00	0,5157822	NA
YPEL1	0,29	0,43	0,48	0,53	0,5158806	0,670376
ULBP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,515921	0,67039
T	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5159494	NA
RNY1P11	0,00	0,00	0,00	1,86	0,5159624	NA
AK8	0,00	0,00	0,00	0,07	0,5160219	NA
RP11-182L21.6	2,00	2,20	1,89	0,63	0,5161249	0,670582
THAP2	2,44	0,53	2,93	2,53	0,5161291	0,670582
NCF4	5,39	4,47	5,80	5,41	0,5161785	0,670603
XXbac-BPG308K3.5	0,43	0,00	0,24	0,42	0,5162555	0,670603
MIR1273A	2,33	2,85	2,48	3,36	0,5162622	0,670603
DEF8	5,13	3,69	5,15	4,56	0,5162661	0,670603
RF00264	0,00	2,40	0,00	0,00	0,516308	NA
ARNT	4,13	2,51	3,74	3,99	0,5163699	0,670641
RP11-10L12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5163789	0,670641
NEURL1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5163862	0,670641
KIFC1	0,35	0,00	0,24	0,70	0,516459	0,670674
TIGD7	0,00	0,00	0,00	0,03	0,5164873	0,670674
MRPS9	5,39	5,62	4,28	3,88	0,5165017	0,670674
RHOXF2B	0,33	0,22	0,33	0,30	0,5165427	0,670688
IGHV1-18	0,00	0,96	0,00	0,00	0,5166009	NA
IRF9	6,54	5,93	6,56	6,79	0,5166143	0,670742
RP5-886K2.3	0,46	0,00	0,08	2,49	0,5168154	0,670963
RP11-303E16.8	0,31	0,16	0,25	0,00	0,5168927	0,671013
UST	1,52	0,43	0,74	0,21	0,5169143	0,671013
RP11-255C15.1	0,29	2,37	0,40	1,02	0,5169703	0,671047
TULP2	1,36	0,00	0,92	1,43	0,5172533	0,671375
RP4-747G18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5172865	NA
RP11-12A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5172938	NA
MRPS14	4,77	4,73	4,55	4,29	0,517302	0,671399

RP1-34L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5173492	NA
RP11-546K22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5173539	0,671427
RP11-298I23.10	1,57	0,00	0,57	0,62	0,5173972	0,671436
RP11-14C10.6	0,05	0,00	0,07	0,07	0,517423	0,671436
BRD1	2,59	2,78	2,14	2,70	0,5174511	0,671436
CTC-554D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5175155	NA
SH3BP5	3,69	3,43	3,80	3,39	0,5175524	0,671487
RP11-337N6.2	3,06	2,17	2,72	3,90	0,5175873	0,671487
AP001505.10	1,46	1,55	1,37	1,53	0,5176002	0,671487
NOM1	2,25	4,04	2,00	2,67	0,5176115	0,671487
KLF18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,517646	NA
SEPT9	4,29	3,58	4,62	3,96	0,5177085	0,671571
RP11-638F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5177499	0,671571
RP1-37N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5177934	0,671571
TINAGL1	0,86	1,07	0,56	0,75	0,5177971	0,671571
GINS3	2,33	2,77	2,31	1,99	0,5178872	0,671619
PPP1R26	0,00	0,12	0,53	0,25	0,5178948	0,671619
RP11-44F14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5179359	NA
POLDIP3	4,67	4,34	4,19	4,35	0,5179376	0,671636
FTX	3,58	3,96	3,61	3,20	0,5180031	0,671681
RF02124	1,76	0,00	0,69	1,30	0,5180302	NA
RP5-855D21.3	0,24	0,00	0,74	0,00	0,5180455	0,671697
TRBV27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5180822	NA
CTB-12O2.1	0,11	0,11	0,09	0,93	0,5181975	0,671855
RP11-586E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5182197	NA
RN7SL134P	0,00	0,00	0,00	0,75	0,518243	NA
RN7SL342P	0,00	0,66	0,00	1,40	0,5182598	0,671897
IPP	0,40	0,49	0,30	1,15	0,518367	0,671996
USP17L15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,518399	NA
ANKRD20A7P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5184322	NA
NCRNA00051	0,00	0,00	0,00	0,13	0,5184512	NA
FAP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5184558	NA
RP11-753G20.1	1,26	0,73	1,12	1,25	0,5184806	0,672072
RP11-153I24.5	0,37	0,73	0,55	0,44	0,5185098	0,672072
RP11-82L2.1	1,00	1,01	0,90	1,80	0,5185157	0,672072
RP11-700H6.2	0,17	0,41	0,27	0,44	0,518575	0,672109
RP11-11N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,518586	NA
CEMP1	3,19	0,00	1,72	4,34	0,5186446	0,672155
RP11-147I3.1	2,98	2,94	2,12	2,63	0,5186709	0,672155
BNC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5187467	NA
CDK7	4,32	4,34	3,79	2,17	0,5187688	0,672243
RP11-281O15.8	0,30	0,00	0,00	0,47	0,5187938	NA
UTS2B	2,66	2,89	1,68	2,06	0,518954	0,672377
RP11-142G7.1	0,32	0,81	0,38	0,33	0,5189585	0,672377
RP11-392O17.2	0,25	0,47	0,38	0,34	0,5189967	0,672377
ZNF500	1,39	2,39	1,11	1,29	0,5190072	0,672377
RSPH4A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5190251	0,672377
ZNF195	4,32	2,76	2,69	3,84	0,5190539	0,672377
AC007240.1	0,05	0,00	0,08	0,14	0,5192783	0,672628
ETNK1	5,52	4,99	4,73	4,90	0,5193215	0,672645
RP11-351A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5193433	NA
RP11-266O8.1	1,35	1,74	0,40	0,37	0,5193875	0,672692
RN7SL604P	0,00	1,83	0,00	0,81	0,5194696	0,672759
TESK1	2,93	4,12	3,12	1,33	0,5195065	0,672767
CITF22-62D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5195578	NA

GOLT1B	4,83	4,24	4,56	3,84	0,5196344	0,672894
TMCC1	2,74	2,65	2,96	2,98	0,5197317	0,67298
RP11-589M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5197401	NA
HPS6	0,10	0,00	0,08	0,31	0,5197679	0,672988
RP11-102N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5198441	NA
RP11-94H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5199199	NA
NDRG3	3,43	2,37	2,94	1,70	0,5199684	0,673192
TRIM21	3,86	2,62	2,59	2,13	0,5199857	0,673192
AC104695.3	0,06	0,12	0,09	0,09	0,5200471	0,673215
UBE2F	6,47	5,32	6,14	5,92	0,5200644	0,673215
RN7SKP190	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5200942	NA
GLIPR1L2	0,46	0,47	0,52	1,20	0,5201707	0,673268
TMEM214	2,43	0,63	2,38	2,70	0,520193	0,673268
RP11-274B21.1	1,07	0,23	0,50	0,90	0,520218	0,673268
FHL2	0,63	0,70	0,68	0,53	0,5202505	0,673268
XCR1	0,05	0,12	0,05	0,69	0,5202569	0,673268
RP11-778D9.8	0,41	1,39	0,73	0,61	0,520347	0,673341
SNORD13E	5,31	4,20	4,98	4,42	0,5203738	0,673341
RP11-389G6.4	0,00	0,00	0,00	0,37	0,520468	NA
PEX14	0,91	2,29	0,38	0,47	0,5205813	0,673541
RP11-96D1.10	0,26	0,39	0,54	1,87	0,5205886	0,673541
RP11-762H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5207567	0,673719
MMEL1	0,00	0,60	0,00	0,00	0,5208406	0,673788
CTD-3203P2.2	0,81	1,12	0,80	0,87	0,5208718	0,673789
FMNL1	5,94	6,28	6,10	5,85	0,5209258	0,67382
PPP2R1B	2,17	2,49	1,76	1,84	0,5211206	0,67403
CTC-338M12.4	1,65	0,51	0,49	0,00	0,521149	0,67403
EHD4	2,57	1,35	2,32	1,64	0,5212012	0,674059
AC006378.2	0,00	0,00	0,36	0,00	0,5212346	NA
PDE1A	0,09	0,00	0,09	0,06	0,5212612	0,674097
SGCZ	0,00	0,19	0,00	0,00	0,5214945	0,674359
DNMT3A	1,80	1,66	1,33	1,79	0,5215656	0,674412
CELA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5215676	NA
MID1	0,03	0,02	0,01	0,21	0,5216182	0,674441
NIT1	4,57	3,10	3,32	3,03	0,5217727	0,674562
AC007272.2	0,06	0,00	0,00	0,00	0,5217799	NA
AC145124.2	0,00	0,22	0,00	0,12	0,5217853	0,674562
DIRAS2	0,57	0,38	0,00	0,61	0,5218223	0,674562
RP11-500C11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5218889	0,674562
CRTC3	2,65	1,79	2,88	2,39	0,5218937	0,674562
SNRPE	6,81	6,40	6,97	7,15	0,5218942	0,674562
RP11-234A1.1	0,97	1,17	0,88	1,33	0,5219244	0,674562
RP11-356J5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5219387	NA
RN7SL801P	0,63	0,00	0,00	2,08	0,5219625	0,674572
RP11-218L14.4	3,62	4,80	4,67	3,38	0,5220072	0,674591
RP11-474D1.3	0,06	0,12	0,05	0,10	0,522064	0,674625
ALPL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5220662	NA
U82670.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5220888	NA
RP11-659O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5220996	NA
RP11-850A17.1	0,55	1,42	0,40	1,03	0,5221439	0,674656
C3orf62	2,16	2,37	2,53	2,90	0,5221491	0,674656
RP11-509J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5222168	NA
RP11-123O1.1	0,00	1,21	0,00	0,00	0,5222483	NA
RP11-609D21.3	0,00	3,67	1,65	3,38	0,5222824	0,674789
MRAP	0,00	0,50	0,00	0,00	0,5223769	NA

AC104653.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5224299	NA
RP11-291C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,52244	NA
RP11-343L5.2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,5224589	0,674978
RP11-757G14.1	1,65	0,78	1,74	0,00	0,5225059	0,67498
AC093388.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5225154	NA
GRIA3	0,04	0,05	0,00	0,10	0,5225411	0,67498
BSDC1	3,63	3,73	4,15	3,97	0,5225518	0,67498
RP11-667K14.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5227769	0,675232
AC007875.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5228243	NA
RNU2-36P	0,00	1,27	0,00	0,00	0,5228413	NA
TNRC6B	4,95	5,25	4,67	5,10	0,5229457	0,675366
RP11-363N22.3	0,26	0,83	0,21	0,45	0,5229601	0,675366
BACE1-AS	0,10	0,23	0,00	0,26	0,5229815	0,675366
RP11-1017G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,523002	0,675366
RP11-166B2.3	0,82	0,89	1,02	1,09	0,5230499	0,675388
SNX30	4,30	3,34	3,95	4,62	0,5231738	0,675475
RP11-528D24.3	0,00	0,39	0,34	0,35	0,5231777	0,675475
RP11-518I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5232999	NA
CTD-2310F14.1	0,41	0,38	0,32	0,35	0,5233876	0,675707
CDT1	0,36	0,26	0,17	0,51	0,5234185	0,675707
GNA11	0,49	0,15	1,00	1,49	0,5235036	0,675778
CTB-83J4.2	0,00	0,52	0,00	0,00	0,5237732	0,676087
RP11-361L15.3	0,00	0,00	0,00	0,90	0,5239465	0,676271
TFIP11	3,86	4,88	4,24	3,97	0,524013	0,676318
RP11-680F20.4	0,26	0,00	0,32	0,88	0,524137	0,676384
RP11-210M15.1	0,00	0,00	0,00	0,15	0,5241537	0,676384
CD44	8,17	7,60	7,85	7,36	0,5241558	0,676384
ZFAND2A	6,29	5,56	5,91	5,45	0,5241894	0,676388
DLAT	2,49	2,85	1,67	2,33	0,5242422	0,676417
RN7SKP287	0,00	0,00	0,00	0,00	0,524278	0,676424
GPT2	0,41	0,38	0,60	1,00	0,524331	0,676429
TRIM17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5243554	NA
HELLS	1,35	2,23	1,26	0,84	0,5243591	0,676429
FRRS1	0,83	0,62	0,74	1,20	0,5244269	0,676429
MIR644A	5,76	0,00	0,98	0,00	0,5244357	0,676429
NAALADL1	0,00	3,37	0,73	0,25	0,5244656	0,676429
HDHD3	2,08	2,18	0,30	1,05	0,5245241	0,676429
COL21A1	0,00	3,70	0,00	0,00	0,524535	0,676429
GEMIN7	6,17	6,51	5,64	4,81	0,5245513	0,676429
LMAN2L	0,84	0,82	0,29	0,13	0,5245794	0,676429
AC074338.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5245859	0,676429
RP11-278J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,524597	NA
RP11-182N22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5246859	NA
RNU6-1190P	0,00	4,60	0,00	0,00	0,5247814	0,676607
RP11-254A24.2	0,00	0,07	0,03	0,22	0,5247857	0,676607
TNFRSF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5248132	NA
RP5-951N9.2	0,31	0,00	0,00	0,35	0,5248155	0,676607
HSPB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,524822	NA
RP5-1063M23.3	0,42	1,20	0,44	0,45	0,5249158	0,676697
PKP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5249202	NA
RPLP1P11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5249725	NA
RP11-113C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,525003	NA
ERH	4,96	3,79	4,69	4,58	0,5250223	0,676795
ZNF321P	0,75	0,36	0,93	0,98	0,5251152	0,676872
CFAP20	5,60	4,30	3,92	2,67	0,525146	0,676872

RP11-517B11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,525195	0,676872
SMPD1	2,91	2,70	2,98	4,57	0,5252036	0,676872
RP11-434D12.1	0,00	0,00	0,00	0,23	0,5253517	0,676988
AC016722.1	0,53	0,26	0,71	0,62	0,5253552	0,676988
RPA3	4,53	4,40	4,27	3,81	0,5254535	0,677076
MIR5096	0,00	1,14	0,00	3,31	0,5255389	NA
RP11-463I20.4	0,54	1,49	0,62	1,03	0,5256049	0,677207
RP11-326A19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5256359	0,677207
CRLF1	0,00	0,00	0,00	0,15	0,525708	0,677207
GS1-484O17.5	1,53	0,57	1,83	1,03	0,5257205	0,677207
RP11-325K4.3	0,89	0,00	0,78	0,00	0,5257326	0,677207
RP11-597A11.5	0,00	0,00	0,04	0,07	0,5257399	NA
NBN	4,58	2,52	4,38	3,67	0,525751	0,677207
RP11-144A16.3	0,07	0,00	0,07	0,16	0,5257688	0,677207
EIF4EBP3	4,51	4,55	5,10	4,54	0,5258184	0,677227
DLEU2	3,50	0,83	2,12	2,03	0,5258448	0,677227
DEFB122	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5259315	NA
UBE2F-SCLY	0,00	0,00	0,00	0,04	0,525938	0,677307
LRRN4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5259656	NA
AF131216.8	0,20	0,00	0,20	1,01	0,5260475	0,677369
ARL2	5,81	5,19	5,53	5,27	0,5260495	0,677369
KMT5A	3,32	3,66	3,61	3,48	0,5260772	0,677369
RP11-1000B6.5	0,00	0,51	0,00	0,22	0,5261442	0,677416
DPF2	4,23	4,13	3,62	3,70	0,5262007	0,677434
AP000459.7	1,88	0,40	2,02	1,25	0,5262194	0,677434
TAF3	1,88	1,37	1,95	2,29	0,5262524	0,677438
TAF1C	2,47	2,02	2,94	2,35	0,5263438	0,677505
RP11-844P9.6	0,00	0,91	0,00	0,00	0,5263713	NA
GDF9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5263912	0,677505
C4orf17	0,82	0,00	0,90	1,37	0,5263961	0,677505
ZNF738	2,78	2,23	2,69	1,39	0,5264851	0,677535
REEP1	0,00	0,00	0,00	0,03	0,5264855	NA
CALML4	3,09	0,00	2,42	2,42	0,5264995	0,677535
RN7SL617P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5265029	NA
KCNQ5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5265109	0,677535
RP11-101E3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5265281	NA
AC006116.22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5265844	NA
ARFGAP3	4,35	2,36	4,40	4,16	0,5267636	0,6778
REXO1L2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5267749	NA
C10orf11	5,83	5,95	6,20	5,39	0,5267779	0,6778
RP11-645C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5268847	0,677881
RP11-34P13.9	1,05	0,82	1,75	2,25	0,526902	0,677881
AC005324.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5270064	NA
DSCC1	0,00	1,50	0,00	0,00	0,5272092	0,678215
CTNNBIP1	2,85	3,58	2,72	3,58	0,5272232	0,678215
AC008277.1	0,68	0,55	0,00	0,00	0,5272528	0,678215
RP11-14D22.5	0,00	0,23	0,00	0,00	0,5272571	NA
OXCT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,527346	0,678295
RPS27AP1	0,00	0,45	0,00	0,38	0,5274226	NA
RP11-182E7.1	1,84	3,35	1,60	1,90	0,5274261	0,678359
AC079779.4	1,12	1,01	1,04	1,69	0,5274729	0,67838
RP11-661O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,527588	0,678489
RN7SL162P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5276879	NA
TROAP	0,77	0,66	0,77	0,76	0,5277153	0,678613
RP11-823P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5277617	NA

KDM4D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5277919	NA
HSD17B1	0,20	0,12	0,23	0,37	0,5278078	0,678682
PSORS1C3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5278087	NA
ARHGEF38	0,99	2,96	0,43	2,05	0,5278297	0,678682
SLC22A18	4,07	4,87	4,55	4,67	0,5278771	0,678704
OTUD3	1,03	0,04	1,34	0,74	0,5279398	0,678731
DYDC2	0,67	0,08	0,45	0,34	0,5279597	0,678731
RP11-483F11.5	0,00	0,00	0,00	0,36	0,5280689	NA
TSSK4	0,00	0,00	0,68	0,00	0,528076	0,678841
RNU6-12P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5280983	NA
RNU6-13P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5280983	NA
RNU6-32P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5280983	NA
COPS2	4,65	3,71	4,47	3,88	0,5281077	0,678843
C21orf128	0,00	0,06	0,00	0,00	0,5282092	NA
DACH2	0,00	0,14	0,03	0,00	0,5282504	NA
RP11-15G16.1	0,00	0,96	0,37	0,36	0,5282758	0,678988
ACTR1B	4,02	4,55	4,21	4,29	0,5282821	0,678988
CTB-113P19.5	0,34	0,39	1,00	0,00	0,5283338	0,679016
RP5-888M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5284133	0,679064
RP11-513I15.5	1,06	0,70	1,07	1,33	0,5284492	0,679064
SPDEF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5284798	NA
HES2	0,39	0,00	0,41	0,66	0,5284831	0,679064
OR7A17	0,14	0,33	0,15	0,36	0,5284939	0,679064
XPR1	2,26	2,09	2,05	1,67	0,5285819	0,679134
C9orf135	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5285827	NA
RP11-598F7.3	0,33	0,33	0,16	0,00	0,5286266	0,679134
PARP14	5,08	4,84	4,98	5,55	0,5286399	0,679134
USP3	7,10	6,39	6,45	6,28	0,5287491	0,679235
RP11-297B17.3	0,00	0,00	0,00	0,25	0,5287789	NA
RP11-403N16.4	0,26	0,48	0,00	0,06	0,5288842	0,679354
RP11-191L17.1	2,92	1,41	2,70	3,58	0,5289029	0,679354
PART1	0,31	0,40	0,30	0,37	0,5289809	0,679415
AC123788.3	0,36	0,73	0,60	1,10	0,5290466	0,679437
ING3	5,98	4,53	4,88	4,73	0,5290736	0,679437
DYM	4,94	5,36	4,48	4,42	0,5290898	0,679437
RP4-621B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,529125	NA
AC008533.1	0,00	0,00	0,11	0,79	0,529157	0,679484
RP11-474D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5291751	NA
RP11-276M12.1	0,00	0,00	0,00	0,40	0,5292482	NA
EID2	0,45	0,68	0,50	0,17	0,5292623	0,67958
RPS3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5292761	NA
GCNA	0,13	0,31	0,07	0,07	0,5292969	0,679585
AP001189.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5293866	0,679661
CTD-3128G10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5295422	NA
IGHMBP2	2,71	2,44	2,46	1,80	0,5295868	0,679777
SLC25A26	4,71	3,21	5,15	3,73	0,5295926	0,679777
KIF4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5296386	NA
SPAM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5296416	NA
RNA5SP295	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5296525	0,679777
LYAR	4,21	3,54	3,98	3,54	0,529664	0,679777
GPATCH11	2,63	1,52	2,86	2,37	0,5296643	0,679777
RP11-444I9.2	0,00	0,20	0,00	1,08	0,5297069	0,679777
ZFPL1	4,20	2,77	3,81	3,96	0,5297131	0,679777
INGX	0,08	0,29	0,49	0,84	0,529721	0,679777
RP1-301L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5297681	NA

RRS1	0,36	0,68	1,04	0,93	0,5298483	0,679901
RN7SKP165	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5298522	NA
CTC-325J23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5298988	NA
AC007919.19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5299421	NA
MFAP3	0,68	0,64	0,74	1,29	0,5299587	0,679965
MSANTD3	0,96	0,60	0,61	0,50	0,5299595	0,679965
RP11-44F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5300689	NA
BLZF1	3,75	2,76	2,94	1,36	0,5302534	0,6803
ZC3H13	4,53	4,15	3,94	3,80	0,5302816	0,6803
RP1-71L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5304014	0,680414
AC004538.3	0,82	0,62	0,75	1,69	0,5304864	0,680456
OVCA2	5,94	0,00	5,46	5,78	0,5304955	0,680456
RNU6-1011P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,530538	NA
HSP90AB1	7,88	7,99	7,79	7,63	0,5305921	0,680541
FTSJ3	2,51	1,71	2,32	1,68	0,5306316	0,680552
CDKN2D	4,70	3,77	4,52	4,06	0,5307321	0,680592
RPUSD2	0,16	1,25	0,53	0,42	0,5307383	0,680592
C1orf56	5,40	5,32	5,58	5,55	0,5307547	0,680592
CCDC102B	0,42	0,13	0,02	0,50	0,5307962	0,680606
LRCH1	2,28	0,65	1,26	1,77	0,5308701	0,680662
ERICH6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,530899	NA
ENGASE	2,18	2,84	2,50	2,01	0,5309131	0,680677
SULT1A3	6,01	5,64	6,02	6,22	0,5309615	0,6807
RP11-554E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5310206	NA
BMP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5310919	0,680828
BTRC	2,23	1,90	2,04	2,35	0,5311984	0,680925
MIR602	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5312032	NA
PAK4	1,04	0,60	0,77	0,75	0,5313366	0,681018
CTC-273B12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5313656	NA
RP13-122B23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5313709	NA
ATG10	4,11	3,20	3,72	2,72	0,531374	0,681018
RP11-38J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5313786	NA
RP11-395L14.18	0,06	0,32	0,00	0,00	0,5313849	0,681018
ADGRG7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5314602	0,681018
AC067945.4	0,00	3,06	0,00	0,57	0,5314705	0,681018
CTD-2140G10.2	0,00	1,76	0,00	0,00	0,5315379	0,681018
RP11-568G20.1	1,44	0,95	1,01	0,72	0,5315543	0,681018
NFATC3	3,20	3,60	3,25	3,13	0,5315698	0,681018
ABCD4	3,53	3,58	3,24	4,25	0,5315716	0,681018
RP5-882O7.1	0,00	1,47	0,00	4,27	0,5315773	0,681018
LAMP3	0,11	0,12	0,23	0,33	0,5316631	0,681048
CTD-2201G3.1	0,00	0,08	0,00	0,35	0,5316809	0,681048
RP11-25K21.4	3,46	0,15	3,29	2,17	0,5316922	0,681048
MIR606	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5317817	NA
STXBP4	0,58	0,50	0,34	1,74	0,5317982	0,681144
RP11-111D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5318158	NA
MPZ	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5318274	NA
RNU7-79P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5321038	0,681496
RP11-438H8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5322062	NA
RP4-799P18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5322241	0,681611
RNA5SP39	0,00	0,00	0,00	1,68	0,5323227	0,681626
RP11-532F12.7	0,05	0,39	0,45	0,49	0,5323246	0,681626
ABCF3	3,60	3,55	4,32	5,08	0,5323276	0,681626
RP11-354K1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5323834	NA
RP11-1275H24.3	0,00	0,10	0,00	0,00	0,5324446	NA

CTD-2021A8.3	0,00	1,10	0,00	0,00	0,5324787	0,681719
TPRG1L	3,23	3,98	3,27	3,42	0,532514	0,681719
RP11-479H16.1	0,00	0,53	0,05	0,87	0,532583	0,681719
MYH3	0,30	1,64	0,08	0,02	0,5325956	0,681719
TXNDC9	4,26	3,24	4,13	3,69	0,5325969	0,681719
PPT2-EGFL8	0,08	0,03	0,04	0,09	0,5326102	0,681719
TLN1	5,09	4,48	4,75	4,88	0,5326314	0,681719
BMP1	0,32	0,38	0,93	0,57	0,5326453	0,681719
RPL21P122	0,00	0,00	0,00	0,96	0,532708	NA
TTBK1	0,02	0,19	0,01	0,00	0,5327439	0,681718
EFCAB7	0,21	0,00	0,07	0,32	0,532755	0,681718
AC023347.1	0,00	0,74	0,24	0,54	0,5329104	NA
RP11-314A20.1	0,54	0,97	0,61	0,56	0,5329461	NA
MPST	5,02	5,66	5,18	4,43	0,532964	0,682009
CCDC154	0,37	0,00	0,86	3,33	0,5330038	0,68202
CPHL1	0,00	0,33	0,00	0,00	0,5330382	NA
IZUMO4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5330551	NA
RP11-460G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5330552	NA
RP3-368A4.6	0,50	0,66	0,46	0,49	0,5330987	0,682074
RASGEF1B	5,28	4,34	5,33	5,04	0,5331069	0,682074
RTN2	0,25	0,08	0,55	0,00	0,5331413	0,682078
RP11-177C12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5331592	NA
XXyac-R12DG2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5331924	NA
RP11-317B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5335247	NA
RP11-5G9.5	0,00	0,00	0,00	0,94	0,5335665	0,682565
THAP3	3,64	3,51	4,57	3,17	0,5336015	0,682565
RP11-722C17.1	0,64	0,93	0,86	0,65	0,5336137	0,682565
S100P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5336276	NA
TMEM161B	2,85	2,09	2,58	1,90	0,5337067	0,682645
CPXM2	0,00	0,00	0,00	0,05	0,5337118	NA
RPS15AP16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5337186	NA
CTA-276F8.1	1,00	0,26	0,87	0,11	0,5337453	0,682645
HIST1H2AE	1,93	0,00	0,34	1,86	0,5337688	0,682645
PANK4	1,49	2,00	0,70	2,50	0,5338056	0,682653
RIIAD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5339012	NA
MIP	0,00	0,00	0,00	0,05	0,5339133	NA
UCHL5	5,33	1,57	4,73	4,69	0,5339803	0,682815
AL133243.4	1,20	0,43	1,15	1,73	0,5339977	0,682815
SLC44A3	0,00	0,67	0,00	0,00	0,534071	0,682815
USP22	4,74	4,16	4,56	4,18	0,5340844	0,682815
GRM3	0,02	0,10	0,05	0,03	0,5340854	0,682815
AC009478.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5340872	NA
LCA5L	0,73	0,47	0,43	0,29	0,534151	0,682821
HOXA-AS2	0,00	0,16	0,00	0,00	0,5341753	0,682821
RP11-334J6.7	2,79	2,66	3,48	3,56	0,5341826	0,682821
PHC1	0,55	0,36	0,16	0,09	0,5342455	0,682862
CLTB	4,86	5,63	5,16	5,13	0,5343128	0,682884
RP11-57J16.1	0,00	0,36	0,37	0,99	0,5343242	0,682884
RNU6-315P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5343266	NA
ELP3	4,05	3,03	3,14	2,16	0,534433	0,682974
RP5-1096D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5344567	NA
RP11-295D4.1	0,09	0,35	0,28	0,53	0,5344819	0,682974
PIK3C2A	2,99	2,18	3,33	2,62	0,5344891	0,682974
CETN2	3,98	1,02	2,45	2,77	0,5345178	0,682974
RP11-119B16.2	1,89	2,10	0,90	1,06	0,5346667	0,683125

MNS1	0,00	0,00	0,00	0,70	0,5347766	0,683214
RP11-260M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5348025	NA
DGKH	1,20	1,24	1,74	2,20	0,5348287	0,683214
GPR39	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5348417	0,683214
RP4-583P15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5348587	0,683214
DIS3	3,22	2,66	3,20	3,26	0,5351275	0,683386
AC003989.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5351399	0,683386
OR7E38P	0,98	2,29	1,54	3,04	0,5351462	0,683386
RP11-640L9.2	0,18	0,27	0,13	0,38	0,5351859	0,683386
TMEM30A	4,24	2,45	3,99	2,88	0,5351978	0,683386
RFPL4AL1	0,00	0,00	0,00	0,29	0,5352039	0,683386
RP11-215N21.1	1,13	2,17	1,26	1,30	0,535209	0,683386
BDNF	0,00	0,03	0,00	0,00	0,5352219	NA
CASC3	4,21	4,39	4,23	3,35	0,5352397	0,683386
RP11-478J18.1	1,84	2,04	2,16	2,31	0,5352985	0,683422
RP11-806J6.1	0,00	1,78	0,57	0,00	0,5355043	0,683645
RNU6-942P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5355309	NA
CEBPA	2,41	2,39	2,69	2,36	0,5356366	0,683374
MUC17	0,00	0,01	0,00	0,35	0,5356691	0,683374
RP13-52K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,53568	NA
RP11-701H24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5357125	0,683374
TIMM9	5,09	3,98	4,69	4,07	0,5357294	0,683374
RP11-1143G9.4	5,28	10,68	10,66	11,50	0,535732	0,683374
AF003529.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5357948	NA
HNRNPU	6,98	6,80	6,95	6,84	0,5358428	0,683842
SUCLG1	6,60	6,50	6,11	6,44	0,5359066	0,683884
RF00416	0,00	2,82	0,00	0,00	0,5359229	NA
RP11-85B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5359831	NA
SPICE1	0,48	0,18	0,47	0,23	0,5360095	0,683976
RP11-365N19.2	0,00	0,22	0,00	0,32	0,5360292	NA
RP4-732G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5361445	NA
MRGBP	1,87	0,18	1,39	0,10	0,5361639	0,684134
RP11-356B19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5362024	NA
UBE3A	5,32	2,78	5,30	5,10	0,5363175	0,684224
RP11-538C21.2	0,18	0,05	0,09	0,18	0,5363598	0,684224
PSMC3IP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5363675	0,684224
YDJC	3,64	2,88	4,02	3,46	0,5363828	0,684224
SNX21	0,22	1,25	0,70	0,82	0,536397	0,684224
GS1-590J6.3	0,00	0,18	0,00	0,00	0,5364413	NA
TSC22D3	8,37	7,70	8,33	8,30	0,5364436	0,684224
RP11-711K1.7	0,00	0,00	0,00	0,79	0,53645	0,684224
RP11-363E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5364844	NA
SNX5	6,58	6,12	6,02	5,18	0,5365487	0,684296
ZNF710	3,89	3,68	3,85	3,69	0,5365684	0,684296
POTEE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5365885	NA
TYK2	7,72	7,62	7,84	7,19	0,5366632	0,684378
RP11-548K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5368004	NA
RP11-346J10.2	0,00	0,24	0,00	0,00	0,5368636	NA
CHN2	5,79	5,10	6,07	5,57	0,5369613	0,684719
MB21D2	0,64	0,00	0,21	0,77	0,5370457	0,684787
NDN	0,00	1,62	0,08	0,00	0,5371504	0,68488
AC092431.2	0,00	0,00	0,08	0,15	0,5371799	0,68488
MYOM3	0,46	0,98	0,71	0,34	0,5372667	0,68492
UCA1	1,83	0,90	1,99	3,02	0,5372733	0,68492
RAPSN	0,00	1,53	0,05	0,47	0,5374052	0,685049

MKRN2	3,64	1,20	1,48	0,20	0,5375193	0,685155
RP11-567C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5377176	NA
CCT6P1	1,83	1,53	1,35	0,00	0,5377265	0,68538
TDRKH	0,04	1,55	0,00	0,55	0,5377674	0,685393
RP11-271K21.12	0,72	0,82	0,72	0,58	0,5378008	0,685396
TIMM44	3,33	3,37	4,22	3,96	0,5378533	0,685424
LINC00271	3,50	3,46	3,20	4,07	0,5379073	0,685453
RP11-242P2.2	2,15	1,31	2,60	1,65	0,5379992	0,685531
AC000123.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5380357	0,685538
RP11-46A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5381321	NA
RP11-253I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5381407	0,685622
FICD	0,25	0,26	0,22	0,08	0,5381631	0,685622
SPN	3,23	2,83	3,28	3,03	0,5381976	0,685627
RP1-38C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5382088	NA
CTD-322D19.5	0,00	0,14	0,00	0,00	0,5384252	NA
MIR137HG	0,32	0,36	0,58	0,37	0,5384726	0,685938
RP11-3N2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5385459	NA
AC087501.1	0,00	0,00	0,23	0,00	0,5386158	0,686081
RP11-602M11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5387035	NA
SDR16C6P	0,68	1,11	1,23	1,20	0,5387114	0,686137
C1orf180	0,16	0,27	0,15	0,08	0,5387219	0,686137
RP11-308B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5390061	NA
CAD	1,82	1,49	2,25	2,11	0,5390129	0,686469
SLC6A6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5390254	NA
NOS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,539122	NA
RP4-593M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5391786	0,686638
RP11-82O19.1	0,32	0,43	0,33	0,32	0,5392079	0,686638
YAF2	4,16	3,61	4,39	4,04	0,5393946	0,686837
ELMO2	3,52	2,77	3,78	2,08	0,5394559	0,686875
CC2D2B	2,37	2,30	2,72	2,62	0,5395468	0,686952
WDR27	3,45	3,24	3,48	4,25	0,5396736	0,687074
RP11-514P8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5399072	NA
RP11-218M11.6	0,00	0,61	0,00	0,00	0,5400105	NA
RP11-298A10.3	0,00	0,00	0,00	0,08	0,5400272	0,687485
RP5-844F9.1	0,00	1,04	0,00	0,00	0,5401914	0,687654
GFAP	1,70	2,68	2,51	1,57	0,5404498	0,687944
RN7SL743P	0,85	0,85	0,21	1,71	0,5406061	0,688103
PHLDB1	0,90	1,18	1,33	1,69	0,5406616	0,688135
AC087163.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5408443	NA
NAA60	4,42	4,00	4,69	3,54	0,540859	0,688346
RP11-165D7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5409762	0,688379
LYSMD3	2,27	0,47	2,00	1,51	0,5409793	0,688379
ANK3	1,14	1,33	0,68	0,74	0,5409963	0,688379
RP11-584P21.2	0,38	0,00	0,35	0,34	0,5410084	0,688379
SNORD27	0,00	0,00	0,00	3,15	0,5410141	NA
PITX2	0,00	0,00	0,00	0,04	0,5410434	NA
PCYT1A	4,84	4,51	4,25	4,05	0,5410706	0,688386
ADCK3	3,54	2,20	3,77	2,56	0,5410884	0,688386
CHTF8	4,25	3,87	2,68	3,07	0,5411074	0,688386
APOL2	3,35	4,06	3,03	3,79	0,5411545	0,688407
SPOCD1	0,13	0,43	0,23	0,18	0,5412684	0,688513
ATAT1	0,26	1,58	1,20	0,93	0,5413437	0,688569
RP3-508I15.20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5414081	NA
RP3-425C14.5	0,47	0,23	0,29	0,68	0,5414702	0,688662
RP4-781K5.5	0,29	3,82	0,00	0,00	0,5415424	0,688662

SYTL4	0,26	0,29	0,46	0,24	0,5415649	0,688662
ZNF883	0,21	0,25	0,48	0,55	0,541567	0,688662
ISOC2	4,72	3,14	4,72	5,39	0,5415719	0,688662
GAL3ST2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,54161	NA
PODNL1	1,11	1,62	1,95	1,46	0,5416287	0,688695
AC021188.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5416973	NA
NFRKB	3,82	4,13	2,72	2,63	0,541751	0,688811
GOLGA6L6	0,00	0,17	0,00	0,00	0,5418218	NA
SDK2	1,64	1,01	0,07	1,03	0,5418772	0,688907
CTC-518B2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5418889	0,688907
GLA	5,76	4,44	5,11	4,75	0,5420505	0,689073
ABCC6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5420981	NA
RP11-157L3.11	3,48	3,11	2,37	2,80	0,5421062	0,689105
NFAT5	2,74	3,22	2,64	2,51	0,5422709	0,689275
AIF1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5422892	NA
OR6B3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5423293	NA
DQX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5423511	NA
RP11-118B18.2	0,00	0,36	0,45	0,00	0,5423679	0,689359
SCN4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5424862	0,689463
SLC39A11	5,61	5,08	5,02	4,69	0,5425117	0,689463
RP11-5G9.6	0,00	0,00	0,00	0,28	0,5425125	NA
GTF2E2	4,30	2,56	3,97	4,31	0,5425598	0,689484
RP1-138B7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5425937	0,689488
RP11-496B10.7	0,00	0,09	0,00	0,35	0,5426333	0,689496
RN7SL561P	0,00	0,00	1,48	1,68	0,5426913	0,689496
ZNF8	0,60	1,02	0,91	0,95	0,5426933	0,689496
SLC25A16	2,65	2,49	1,94	1,93	0,5427628	0,689545
AC007386.4	1,21	1,90	0,62	0,77	0,5427952	0,689547
C10orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5428186	NA
RP11-356K23.1	3,82	2,38	3,21	4,25	0,5428279	0,689549
RNU6-198P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5428615	NA
RP11-380M21.4	0,00	0,94	2,26	0,85	0,5429179	0,689624
RP11-345I18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5430088	NA
LYNX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5430176	NA
RNU6-903P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5430188	NA
UHRF1BP1	1,42	0,23	1,41	0,64	0,5430294	0,689674
RP11-403P17.3	2,59	0,73	2,47	1,70	0,5430497	0,689674
RP11-73B2.4	0,27	0,00	0,07	0,44	0,5430538	NA
RP5-905H7.8	0,27	0,00	0,07	0,44	0,5430538	NA
RP11-87M1.1	0,11	0,32	0,10	0,00	0,5430826	NA
U47924.32	0,00	0,00	0,00	0,39	0,5430988	0,689674
MPC2	6,30	5,78	5,70	4,09	0,5431097	0,689674
RP11-90D11.1	0,15	0,00	0,10	0,16	0,5431126	0,689674
RNU6-196P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5431727	NA
IGHV1-68	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5432719	NA
RP3-468O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5432719	NA
CDC6	0,06	0,00	0,08	0,05	0,5433675	0,689948
VSIG10	1,38	2,94	2,22	1,39	0,5433907	0,689948
CTD-2012I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5434278	NA
RP4-613A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,543463	NA
ABHD14A	4,76	2,95	4,49	3,42	0,5435174	0,69007
LPAR2	4,24	4,70	4,38	4,61	0,5435973	0,690116
RP11-54D18.1	0,24	0,30	0,10	0,00	0,5435995	NA
RP11-84A14.4	0,87	2,11	1,11	1,89	0,5436351	0,690116
RP1-142L7.5	0,00	0,00	0,00	0,24	0,5436428	NA

CLDN18	0,05	0,18	0,00	0,07	0,5436468	0,690116
CLDN23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5436776	NA
FBLN5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5437092	NA
RP11-846F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5437285	NA
CTD-2023N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,543844	NA
RNPEP	5,20	5,19	5,30	5,36	0,543925	0,69043
H1FOO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5439355	NA
RP11-511P7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5439435	NA
NAP1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5440085	NA
DDX11L8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5440549	NA
CRY1	1,11	1,47	0,50	0,81	0,5440645	0,690559
USP17L11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5440831	NA
SMIM11A	0,64	0,09	0,50	0,67	0,5441294	0,690559
LXN	1,99	0,24	0,81	0,63	0,544144	0,690559
CLDN11	0,52	0,64	0,67	1,06	0,5441621	0,690559
ZNF568	1,72	1,32	1,68	1,61	0,5441819	0,690559
RP11-12G12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5441842	NA
ST14	4,33	3,78	3,75	3,17	0,5442232	0,690572
MIR7843	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5443175	NA
HERC1	5,73	4,52	5,69	5,38	0,5443561	0,690674
RP11-280F2.2	0,30	0,72	0,32	0,72	0,544366	0,690674
LPIN1	3,73	4,17	4,07	3,64	0,5444233	0,690707
RAPGEFL1	0,21	0,09	0,30	0,32	0,5444554	0,690708
RN7SL678P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5445049	NA
ACO10884.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,544806	NA
GS1-124K5.12	4,12	4,51	4,01	4,57	0,544919	0,691257
THSD4	0,63	1,51	0,35	0,48	0,5450575	0,691393
RN7SKP149	0,00	0,00	0,00	0,68	0,5451265	0,691441
RP1-155D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5454244	NA
KEAP1	3,77	3,52	3,82	3,16	0,545476	0,691845
FGR	7,29	6,29	7,08	7,14	0,5455235	0,691852
CTD-2583P5.1	0,21	0,22	0,00	0,56	0,5455436	0,691852
CEP89	3,11	2,74	3,32	2,85	0,5456078	0,691894
SMC5	4,03	4,11	3,58	3,54	0,5457229	0,692
VWA3A	0,00	0,00	0,00	0,06	0,5457819	NA
RP11-529F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5457868	NA
RP11-398F12.1	0,25	0,27	0,17	0,58	0,5457976	0,692056
FAM19A2	5,24	2,64	5,09	4,54	0,5459439	0,692166
ZDHH8	1,19	1,88	1,39	1,31	0,5459469	0,692166
RP11-174G17.3	0,00	0,02	0,00	0,00	0,5460434	NA
ARRDC5	0,93	3,10	1,02	0,92	0,546054	0,692209
SH3RF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5460552	0,692209
ARRDC4	2,80	0,50	2,30	1,93	0,5460739	0,692209
RP11-291L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5460903	NA
RP4-740C4.7	1,53	0,00	0,50	1,87	0,5461882	0,692314
SOCS1	0,00	0,00	0,00	0,10	0,5462543	0,692358
CD84	2,45	2,91	2,34	1,93	0,5462885	0,692362
SNAP47	3,92	2,16	2,42	0,92	0,5463522	0,692403
CHCHD6	0,28	3,73	0,26	2,19	0,5464028	0,692403
CTD-2616J11.10	0,00	0,49	0,00	0,00	0,5464295	NA
WI2-89031B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5464397	NA
ACO17006.3	0,90	0,00	1,01	1,06	0,5464806	0,692403
RP11-773H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5464837	0,692403
PIN1	5,85	4,85	5,32	6,16	0,5465544	0,692403
WDFY3	3,51	2,33	3,28	3,60	0,5465897	0,692403

TSNARE1	0,07	0,08	0,04	1,76	0,5466142	0,692403
SLC38A6	3,41	3,24	2,97	4,55	0,5466155	0,692403
CTD-2081C10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5466202	0,692403
RP11-798G7.8	2,03	1,11	0,96	1,49	0,5466321	0,692403
PDCL	2,88	1,45	1,02	1,90	0,5466886	0,692435
ERAL1	5,42	5,31	4,60	3,90	0,5468388	0,692586
RPS2P4	0,00	0,42	0,00	0,00	0,5470214	NA
AGXT2	0,00	0,33	0,00	0,00	0,5470492	0,692813
ZAN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5471683	NA
USP53	3,00	2,92	3,55	3,45	0,5472115	0,692951
AC068134.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5472207	0,692951
RP11-1079K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5473109	NA
RAD9B	0,42	1,27	1,47	0,13	0,5473389	0,693061
SNORA50A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5473903	NA
CTD-2116N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5474103	NA
ALG9	2,62	2,75	3,14	3,55	0,5474787	0,693142
PNRC2	5,91	4,69	5,75	4,61	0,5475002	0,693142
AP000318.2	0,00	0,23	0,20	0,49	0,5475101	0,693142
RP11-145E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5475598	NA
CHURC1-FNTB	2,47	2,05	2,08	2,87	0,5475682	0,693142
CYB5D1	0,28	0,56	0,88	0,00	0,5475775	0,693142
RP11-196G18.24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5475902	0,693142
NCOA3	4,82	4,56	4,48	4,05	0,5476684	0,693202
ZHX2	0,16	0,19	0,18	0,78	0,5478245	0,693336
CTD-2561J22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5478412	NA
RP11-295D4.5	0,28	0,00	0,00	0,54	0,5479194	0,693441
WIPF2	3,18	0,72	2,68	2,43	0,5480312	0,693542
CHMP4C	0,11	0,15	0,13	0,07	0,5480799	0,693547
CTB-89H12.1	0,00	4,14	1,74	3,30	0,5480969	0,693547
SNX7	0,00	0,18	0,00	0,00	0,5481602	0,693587
RP11-12K11.2	0,18	0,78	0,00	0,00	0,5482963	0,69372
UMODL1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,5483465	NA
RP11-10G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5484748	NA
RP1-313L4.3	0,23	0,00	0,00	0,25	0,5484818	0,693915
SH3TC2	0,10	0,14	0,16	0,25	0,5486811	0,694128
PSAT1	0,00	0,11	0,00	0,37	0,5487264	0,694146
RP11-542M13.3	0,27	0,29	0,00	0,00	0,5487647	0,694155
RP11-388M20.6	0,45	2,84	0,00	1,94	0,5488453	0,694206
TAB1	1,26	1,64	1,73	2,46	0,5488677	0,694206
ART3	0,23	0,29	0,28	0,29	0,5490849	0,694441
GPR33	0,00	0,00	0,00	0,00	0,549123	0,69445
TRBV7-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5492206	NA
USP49	0,96	0,82	0,98	0,75	0,5492579	0,694581
RNU6-977P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5493038	0,694599
DYNLT3	3,47	1,99	2,39	1,86	0,5493511	0,69462
RP11-1105G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5493529	NA
RP4-559A3.5	0,00	2,42	0,00	0,00	0,5493983	NA
NR2C1	4,46	4,88	4,79	5,01	0,549578	0,694867
SURF2	4,16	4,59	4,32	3,91	0,5496288	0,694892
LTBP1	0,00	0,44	0,00	0,03	0,5496689	0,694895
AC003002.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5496718	NA
SH3YL1	3,65	3,68	3,61	2,68	0,5496939	0,694895
OR6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5498006	NA
DTNBP1	3,90	3,92	3,53	3,47	0,5499583	0,695148
OR9M1P	0,55	0,39	0,07	0,04	0,549983	0,695148

ALG6	3,99	2,57	3,03	2,28	0,5500276	0,695148
SLC39A3	4,72	3,22	3,78	4,89	0,5500278	0,695148
VAPB	2,86	1,55	2,23	2,31	0,5500504	0,695148
AC005682.6	0,00	0,10	0,00	0,00	0,5500597	NA
DEPDC7	0,00	0,00	0,07	0,37	0,5500925	0,695155
RP13-158L7.1	0,15	0,70	0,21	0,23	0,5501393	0,695155
NPIPA5	1,74	0,23	1,30	0,64	0,55015	0,695155
RP11-188P20.3	0,00	0,00	0,00	0,28	0,5502336	0,695221
RP11-575I8.1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,5503433	NA
PSPC1	5,16	4,18	4,88	4,64	0,5504039	0,695397
TBL2	1,73	2,28	1,70	1,38	0,5504571	0,695425
CDRT15P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5505397	NA
RP11-438E5.1	0,52	1,29	0,50	0,50	0,550583	0,695544
RP11-104C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5506242	NA
AP001464.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,550648	NA
NFIA	0,52	0,28	0,40	1,09	0,550657	0,695598
BRD3	3,40	3,94	3,82	3,65	0,5507168	0,695634
ABCB4	2,98	0,47	1,85	0,12	0,5508054	0,695668
ATXN8OS	0,41	0,26	0,21	0,67	0,5508066	0,695668
CDKN2A	0,00	0,00	0,00	0,69	0,5509419	0,6958
RELL2	1,21	0,12	1,06	0,45	0,5509813	0,69581
AC007948.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,551038	NA
MIR339	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5510495	NA
RP11-203B9.4	3,88	3,14	3,42	2,37	0,5510839	0,6959
RP11-126O22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5511562	NA
S100A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5512847	NA
LSM1	5,56	2,86	5,16	5,52	0,5512876	0,696118
RP3-428L16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5514325	0,696253
TCHH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5514574	0,696253
RP11-109G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5514576	NA
LINC00338	1,62	2,36	1,64	1,68	0,5516081	0,696367
ZNF227	2,65	2,54	0,75	0,62	0,5516101	0,696367
RPL23AP77	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5517607	NA
RP11-803P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5517991	0,696527
LINC00205	0,29	0,66	0,64	1,01	0,5518405	0,696527
CPA4	0,08	0,29	0,07	0,09	0,5518614	0,696527
LRG1	0,70	1,37	0,85	0,54	0,5518626	0,696527
RP4-791K14.2	0,00	0,00	0,00	0,08	0,5519378	0,69657
PPME1	3,08	1,74	3,22	3,55	0,5519589	0,69657
RP11-259K5.3	0,43	0,26	0,95	0,94	0,5520308	0,696621
RNU4ATAC17P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5520681	NA
FOXD2	0,00	0,03	0,00	0,00	0,5520785	NA
RPL23AP1	0,05	0,00	0,00	0,00	0,5521416	0,696652
RP11-317F20.3	0,10	0,09	0,12	0,34	0,5521484	0,696652
RF00402	7,33	5,31	7,26	6,40	0,5521666	0,696652
RP11-121A14.2	0,00	0,00	0,00	3,26	0,5521812	0,696652
RF00591	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5522124	NA
RP11-124N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5522196	NA
AC016737.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,552389	NA
RP11-447H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,55245	NA
RP11-111M22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5525156	NA
NELFE	5,81	3,17	5,20	5,44	0,5525985	0,697139
RP11-540O11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5526067	NA
NME5	0,00	1,59	0,00	0,00	0,5526587	0,697147
TGFB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5526672	0,697147

RP1-178F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5528773	NA
RP11-1028N23.2	0,00	0,37	0,00	0,52	0,552894	0,697392
RP3-453C12.15	0,08	0,00	0,14	0,22	0,5529241	0,697392
RP11-117F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5529417	NA
RP11-345M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5530019	NA
AC079586.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5531279	NA
RP11-85P9.3	0,00	0,97	0,80	1,23	0,5531963	0,697695
PLP2	7,60	6,57	7,43	6,71	0,5534628	0,697992
RP11-4N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5534764	NA
AC006547.8	0,00	1,82	0,00	0,00	0,5536029	0,698129
AC000095.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5536803	NA
RP11-101C21.1	0,70	1,69	1,46	2,19	0,5536861	0,698194
SMAD2	5,23	3,71	4,05	5,46	0,5537775	0,69827
ZNF680	2,31	2,81	1,34	1,69	0,554011	0,698525
ZNF595	2,44	1,73	0,38	1,22	0,5540768	0,698567
HOXA7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5541104	0,698567
SNORD43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,554139	0,698567
TKTL1	0,00	0,05	0,00	0,00	0,5541886	NA
AC055740.2	1,16	0,80	0,54	1,99	0,554253	0,69864
XXbac-BPG32J3.22	1,56	2,00	2,43	0,36	0,5542598	0,69864
RP11-247I13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5543897	NA
CTC-512J12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5544049	NA
HOXC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5544128	0,698793
RP11-298A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,554525	NA
RP11-56B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5545759	NA
RMRP	0,00	0,95	1,03	2,51	0,5546305	0,699028
ZNF479	0,00	0,00	0,00	0,00	0,554784	NA
DNAI1	0,00	0,19	0,00	0,00	0,5548278	0,699237
AC010906.1	0,00	1,11	0,00	0,00	0,554845	NA
OR52K2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5548522	NA
RP11-1058B10.1	0,00	0,34	0,11	0,26	0,5548673	0,699247
LHFPL2	0,28	1,65	0,39	0,50	0,5549206	0,699275
AC005943.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5549867	NA
RP11-397P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5550333	NA
POM121L4P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,555049	NA
RP11-344B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5551622	NA
KCTD16	0,00	0,00	0,00	0,01	0,5551999	NA
CTA-246H3.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5552111	NA
RP11-440K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5552712	NA
PRKAR2A	3,95	3,94	3,51	4,01	0,5553322	0,699754
XBP1	5,54	5,73	5,91	4,97	0,5554055	0,699779
IGSF11	0,09	0,00	0,00	0,93	0,5554153	0,699779
AC079834.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5554364	NA
LASP1	4,04	3,57	3,89	3,22	0,5554509	0,69978
TAF1A	0,20	0,25	0,29	0,38	0,5554786	0,69978
RNU5B-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5555323	0,699808
RP11-72I8.1	4,32	4,29	4,27	2,82	0,5556415	0,699905
EIF1AX	6,04	4,83	5,76	5,61	0,5557047	0,699945
RP11-468E2.5	0,77	0,63	0,28	0,00	0,5558122	0,700006
ACVR1	2,45	1,69	1,08	0,26	0,5558276	0,700006
MYOM1	2,86	1,25	2,14	2,95	0,5558473	0,700006
CTB-187L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5558544	NA
TAC4	3,73	2,97	4,07	2,93	0,5559397	0,700065
SZRD1	4,24	3,58	4,23	3,47	0,5559568	0,700065
RN7SL797P	0,00	3,18	0,75	1,58	0,5560788	0,700166

RP5-1092A3.5	0,00	0,00	0,00	0,44	0,5561005	0,700166
RF02217	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5561211	NA
RN7SL602P	1,90	0,87	0,97	2,03	0,5561622	0,700189
CTD-2562J17.6	4,27	4,33	4,44	3,77	0,5561818	0,700189
RP11-247A12.2	0,60	1,25	0,49	0,68	0,5563243	0,700323
RP4-737E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5563757	0,700323
CUEDC2	6,30	6,62	6,25	5,87	0,5563914	0,700323
AC005752.10	0,16	0,12	0,19	0,11	0,5564141	0,700323
HCG9	0,01	0,00	0,00	0,00	0,5565468	0,700427
RP1-69B10.3	0,00	0,16	0,00	0,00	0,5565526	NA
AF254983.5	0,24	1,24	0,09	0,37	0,5565644	0,700427
OR7E128P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5566013	0,700427
RP11-665C16.1	4,02	3,94	3,36	0,00	0,5566227	0,700427
CTC-448F2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5566344	NA
ZSWIM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5572589	NA
AC062028.1	0,00	0,37	0,10	0,20	0,5572716	0,701204
H3F3C	0,25	0,44	0,25	0,13	0,5574741	0,701419
DFFA	2,66	2,12	2,46	1,56	0,5575173	0,701434
RP11-225N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5575878	NA
ZNF569	2,42	0,90	1,45	0,67	0,557593	0,701489
RN7SL141P	0,00	0,00	0,00	1,76	0,557635	0,701502
AC002398.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5577414	NA
RP11-637C24.2	0,00	0,00	0,00	0,02	0,5577916	NA
CTD-2325M2.1	2,76	1,58	2,18	2,67	0,5578638	0,701746
C21orf131	0,00	0,68	0,00	0,00	0,5578918	0,701746
TMEM99	0,00	0,53	0,00	1,08	0,5579611	0,701793
GON4L	5,27	4,93	4,92	3,92	0,5580998	0,701888
CTD-2510L9.2	0,32	0,31	0,16	1,06	0,5581288	0,701888
RP11-674E16.5	0,09	0,00	0,06	0,00	0,5581311	0,701888
URB1	0,42	0,26	0,53	0,19	0,558176	0,701905
RP11-843B15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5581767	NA
LSM6	5,65	5,88	5,41	5,03	0,5582105	0,701908
RNU4-80P	0,00	0,00	0,00	1,69	0,5582638	NA
YWHAH	5,44	4,98	5,54	3,04	0,5583505	0,701974
RP11-85G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5583694	0,701974
RP11-474P2.5	2,22	1,15	1,47	0,96	0,5583756	0,701974
AC011893.3	0,00	0,00	0,00	0,08	0,5584018	NA
PDE4D	2,26	2,44	2,12	3,72	0,5584169	0,701974
LRRC58	2,95	3,09	2,70	3,26	0,5584211	0,701974
ST8SIA5	0,19	0,42	0,17	0,35	0,558454	0,701976
AC068831.6	0,71	1,21	0,79	0,94	0,5585231	0,702023
BACE1	0,12	2,01	0,38	0,17	0,558691	0,702195
EDARADD	0,00	0,00	0,04	0,04	0,5586989	NA
RP11-131H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5588144	NA
C11orf84	0,05	0,00	0,18	0,12	0,5588944	0,702382
RP1-102G20.2	0,00	0,00	0,61	0,00	0,5589034	0,702382
RP11-7N10.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,5589402	NA
RN7SL322P	1,01	2,07	0,53	1,47	0,5589412	0,70239
AKNA	4,98	5,13	5,29	4,64	0,55904	0,702454
RP11-452J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5590947	NA
MS4A4A	4,82	5,02	4,88	5,06	0,5591088	0,702454
CSGALNACT1	1,51	2,10	2,02	2,38	0,5591096	0,702454
TMEM71	5,16	2,54	5,77	5,19	0,559119	0,702454
ZNF799	0,37	0,72	0,23	0,60	0,5593152	0,702661
EGR4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,559386	NA

PUS7	0,77	0,91	0,78	0,07	0,5594174	0,70272
CMTR1	1,50	1,03	1,36	2,47	0,5594249	0,70272
RP11-600F24.2	0,00	0,00	0,00	0,24	0,559471	NA
RP5-1042I8.7	3,43	3,14	2,72	2,99	0,5595333	0,702816
RP11-375N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5595436	NA
RP3-473L9.3	0,00	0,08	0,00	0,07	0,5595882	0,702845
RP11-923I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5595985	NA
VPS72	4,87	2,40	4,12	1,51	0,5597446	0,703002
RP11-486M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5597979	NA
FBXO11	5,27	4,63	4,84	3,71	0,5598602	0,703108
RP11-14I2.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,5599847	NA
RP11-443B7.1	0,84	2,64	1,57	0,00	0,5600729	0,703335
APO01092.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5600787	NA
RP4-583P15.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5601665	0,703413
RP11-163N6.2	0,71	0,80	1,22	1,27	0,5603464	0,703599
C19orf38	5,95	5,35	5,51	5,51	0,5605455	0,703788
RP11-136I14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5605605	0,703788
C11orf74	0,89	2,26	3,66	0,34	0,5606058	0,703793
ZFP92	0,14	0,02	0,12	0,22	0,5606538	0,703793
MYC	0,00	0,19	0,32	0,37	0,5606615	0,703793
LA16c-312E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5606959	NA
RP11-718B12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5606983	0,703793
CD79B	4,27	2,52	3,05	4,71	0,5607225	0,703793
PEX3	0,88	1,84	0,34	0,97	0,5608004	0,703851
RP11-160E2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5608457	NA
CTB-52I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5608679	NA
GYPE	0,07	0,09	0,12	0,00	0,5609459	0,70396
SMCO2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5609504	0,70396
BAALC	0,00	0,25	0,00	0,00	0,5609908	NA
RP9P	0,83	0,62	0,86	0,69	0,5610727	0,704056
DLX4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5610904	0,704056
SMKR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5612177	NA
AC007970.1	0,19	0,21	0,00	0,00	0,5612708	0,704195
AC093038.1	0,31	0,00	0,18	0,00	0,5612895	0,704195
BMS1P4	2,09	0,43	0,42	1,37	0,5612967	0,704195
TOP3A	5,10	3,40	4,46	2,37	0,5613298	0,704197
RP11-143C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5613683	NA
CTD-3065B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5615673	0,704413
DNAH11	2,67	3,35	2,40	2,45	0,5615732	0,704413
RP11-792A8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5616192	0,704413
RP11-900F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5616468	0,704413
BATF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5616609	NA
SDHAF1	4,18	1,57	4,94	4,11	0,5616656	0,704413
ZBTB10	2,11	2,02	2,03	0,94	0,5616921	0,704413
PIP5K1C	1,22	0,90	1,64	0,72	0,5617472	0,704442
MYOT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5617602	NA
RP11-447M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5617923	NA
LINC00216	2,08	2,34	1,72	1,19	0,5618142	0,704487
PRIMPOL	3,92	4,31	3,27	1,70	0,5619406	0,704605
RP11-835E18.2	4,05	1,98	3,42	1,39	0,5622125	0,704828
TMEM30B	0,00	0,03	0,00	0,03	0,5622241	0,704828
ACSM6	0,56	0,22	0,22	0,32	0,5622289	0,704828
PI4KAP1	3,03	2,74	2,97	0,67	0,5622467	0,704828
SCUBE2	0,74	0,98	0,81	0,66	0,5623113	0,704828
RP11-881M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5623376	0,704828

AC066692.4	0,00	0,26	0,00	1,97	0,5623398	0,704828
OSER1	6,02	6,16	5,69	5,39	0,562372	0,704828
MFSD4A	0,25	0,04	0,15	0,49	0,5624386	0,704872
SLC37A1	2,16	2,41	2,12	0,94	0,562514	0,704897
PKLR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5625245	NA
AC097374.2	1,59	0,19	0,71	0,96	0,5625351	0,704897
EIF2AK1	4,70	4,62	4,68	4,06	0,5625538	0,704897
AC022182.3	1,36	2,10	1,04	1,75	0,5626146	0,704933
AC002480.6	2,12	1,85	1,82	1,09	0,5626803	0,704976
TTI1	2,17	1,33	0,83	0,97	0,5627699	0,705049
NFXL1	2,96	0,68	1,51	0,24	0,5629265	0,705205
EIF3G	7,40	7,43	7,32	6,85	0,5630258	0,705231
WDR35	0,47	0,11	0,07	0,02	0,5630442	0,705231
AC092431.3	1,23	2,54	0,41	3,15	0,5630508	0,705231
CNTN5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5630558	NA
PRKAG1	5,70	4,01	5,37	5,26	0,5630738	0,705231
TGIF2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5631346	NA
PHYH	1,59	3,87	1,61	1,15	0,5631372	0,70527
CTC-527H23.3	0,00	0,00	0,09	0,00	0,5631915	0,705298
RP11-193H5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5632185	NA
QKI	6,87	6,94	6,95	6,75	0,5632482	0,70533
NDRG1	4,63	3,84	4,67	4,24	0,5633927	0,705395
ALG8	5,46	3,28	4,75	5,33	0,5633982	0,705395
DOLPP1	1,52	0,14	0,17	1,74	0,5634155	0,705395
RP11-54611.1	1,31	2,66	0,68	0,18	0,5634269	0,705395
AC008067.2	0,00	0,67	0,00	0,00	0,5634302	NA
TUFM	7,07	6,34	6,98	6,44	0,5635166	0,705467
AL022344.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5635882	NA
CTD-2576D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5636438	NA
CFB	0,00	0,00	0,00	0,51	0,5637652	NA
SNORA20	0,00	0,00	0,75	1,76	0,5637814	NA
AC019118.2	0,00	0,00	0,10	0,00	0,5637876	0,705767
RNU2-17P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5637907	NA
RP11-300I18.3	0,00	0,54	0,00	0,91	0,5638565	0,705813
RP1-131F15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5639182	NA
AAED1	4,01	3,39	3,64	2,39	0,5639614	0,705884
TMEM218	5,22	1,56	4,24	5,44	0,563977	0,705884
CTA-415G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5641085	NA
RP11-403E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5642334	NA
RP13-582O9.5	1,46	0,00	3,00	4,25	0,5642966	0,706225
ADH1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5643823	NA
RP11-267M23.1	0,17	0,00	0,13	0,00	0,5643833	0,706225
CCDC187	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5644145	0,706225
SMARCE1	5,75	4,21	5,37	5,19	0,5644512	0,706225
MRPL22	6,07	4,53	5,38	5,23	0,5644889	0,706225
DBR1	1,90	1,23	1,65	0,71	0,5645025	0,706225
PJA2	5,17	4,82	5,58	4,50	0,5645072	0,706225
ETV2	0,00	0,91	0,00	0,17	0,5645574	0,706225
FER	4,30	4,21	4,64	4,16	0,5645658	0,706225
AC007040.5	0,52	0,31	0,42	0,62	0,5645671	0,706225
RP11-478C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5646306	NA
RP11-157D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5647072	NA
CEP290	2,06	1,87	2,03	2,85	0,5648118	0,706392
PARD6G	0,06	0,09	0,09	0,06	0,5648202	0,706392
RP11-513M16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5648412	NA

EDC4	3,25	3,31	3,74	3,25	0,5648487	0,706392
RP11-373M8.2	0,14	0,35	0,00	0,00	0,5648678	0,706392
RNAS5P68	0,00	1,76	0,00	0,00	0,564887	0,706392
CTD-2342N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5648912	0,706392
RAB12	1,42	2,55	1,68	2,15	0,5649381	0,706411
RBM4	6,61	6,70	6,59	6,71	0,5652838	0,706804
AC097495.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5654942	0,707027
PRRC2C	6,45	5,88	6,23	6,22	0,5657362	0,70729
CTD-2033A16.1	0,43	0,38	0,26	0,00	0,5657477	NA
RNF14	3,55	3,14	2,31	3,01	0,5658211	0,707356
RAD51L3-RFFL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5658387	NA
RP11-278A23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5658895	NA
RP11-514P8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,56603	NA
RP11-463J7.2	0,05	0,06	0,00	0,18	0,5660508	0,707564
RP11-4B16.1	0,55	0,06	0,65	0,26	0,566062	0,707564
ZNF784	0,17	0,32	0,52	1,22	0,5660921	0,707564
SNRK	3,86	2,60	3,61	2,11	0,5661255	0,707564
FBXO33	3,40	1,84	2,82	3,83	0,5661483	0,707564
NPAP1P2	0,00	0,44	0,00	0,00	0,566174	NA
RP11-680G24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5661786	0,707564
RN7SL251P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5662041	NA
RP11-245G13.2	0,00	0,00	0,00	1,31	0,5663411	0,707727
RP3-499B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5663942	0,707754
CTB-31O20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5663982	NA
RP11-54O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,566416	NA
RP11-9E17.1	0,00	0,05	0,00	0,00	0,5664703	0,707809
AC074286.1	3,46	3,68	3,41	4,65	0,5665314	0,70781
RNF13	6,45	7,09	6,55	6,58	0,5665349	0,70781
LINC00443	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5667665	NA
CDK20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5667845	0,708082
RP11-406D1.2	0,00	0,21	0,00	0,00	0,5668226	NA
WASF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5668545	NA
RP11-638I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5668655	NA
TGFB1	2,17	1,03	2,13	2,14	0,5668794	0,708161
RP11-556O5.4	0,19	0,00	0,00	0,00	0,5668961	NA
RP11-446E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5669064	NA
RP11-251G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5669268	NA
RP4-693M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5669505	NA
CXCR5	0,29	0,17	0,16	0,33	0,5669947	0,708237
RP11-323P17.1	0,23	1,17	1,15	1,30	0,5670106	0,708237
SPG20	4,26	3,65	3,71	4,36	0,5670655	0,708237
AC051649.16	2,47	0,88	1,27	1,01	0,5670677	0,708237
RP11-710E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5671303	NA
RP11-484D2.5	0,00	0,53	0,00	0,00	0,5671609	0,708314
RP11-267A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5672948	NA
NLRP11	0,17	0,00	0,18	0,40	0,5673799	0,708547
RP1-292B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5673852	NA
QTRT1	3,86	1,96	3,67	4,25	0,5674236	0,708562
TRIM64B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5674758	NA
RN7SL521P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5675187	NA
GINM1	4,50	2,93	3,82	3,70	0,5675324	0,708606
PHF3	4,45	2,99	4,16	4,43	0,5675419	0,708606
RN7SL125P	0,00	2,25	0,96	1,00	0,5675542	0,708606
GOT2	4,07	2,58	3,96	1,96	0,5676455	0,708628
MTG1	5,02	5,40	5,04	5,32	0,5676642	0,708628

RP11-595B24.1	0,00	0,00	0,60	1,79	0,5676855	0,708628
RP11-337C18.10	0,15	0,00	0,00	0,00	0,5676992	0,708628
RP11-403C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,567761	NA
COL14A1	0,06	0,00	0,04	0,00	0,5677756	0,708683
MS4A8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,567778	NA
MPP4	0,70	0,50	0,97	0,32	0,5679226	0,708803
OR7D4	0,19	0,47	0,21	0,34	0,5679352	0,708803
RP11-400F19.6	1,07	0,00	0,08	0,00	0,5681617	0,708979
BAIAP2-AS1	1,51	1,72	1,77	1,62	0,5681742	0,708979
RP1-102E24.8	0,07	0,08	0,00	0,07	0,5681881	0,708979
PCNX3	1,85	2,92	2,31	1,27	0,5682043	0,708979
RP5-834N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5682313	NA
GPR137	1,18	0,87	1,77	2,22	0,5682499	0,708997
RP3-509I19.11	0,00	0,35	0,00	0,42	0,5682568	NA
RPS3AP39	0,15	0,24	0,00	0,22	0,5683331	NA
LINC00921	0,62	0,73	0,62	0,32	0,568404	0,709149
PKN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5684193	NA
RP11-981G7.6	0,08	0,00	0,00	0,12	0,5685029	0,709207
FAM90A24P	0,00	0,00	0,00	0,06	0,5685227	NA
RP11-243M5.3	0,42	0,84	0,49	0,33	0,5685328	0,709207
RP11-93K22.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5685391	NA
SOST	0,00	0,00	0,00	0,25	0,5685509	0,709207
ABCA3	0,00	0,00	0,00	0,68	0,5685785	0,709207
C19orf40	2,16	2,18	1,78	2,46	0,5686267	0,709228
RP4-803J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5687261	NA
RP11-214K3.24	0,06	0,52	0,28	0,23	0,568743	0,709333
IGFBP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5688104	NA
SMARCD1	2,94	2,83	2,17	1,05	0,5689356	0,709486
ALKBH8	1,09	0,68	1,48	0,82	0,5689469	0,709486
DHFR	0,82	1,76	0,67	0,72	0,5689796	0,709486
RP11-187O7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5690171	0,709486
NOP16	5,47	4,47	5,31	5,92	0,569038	0,709486
TBCK	3,80	2,54	4,23	2,10	0,5690574	0,709486
SH3RF1	2,83	0,62	2,58	1,10	0,569094	0,709492
AP002856.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5691694	NA
CTA-21C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5691694	NA
RP11-137L10.6	1,89	3,94	2,67	1,69	0,56926	0,709659
RN7SLS7P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5693691	0,709755
LL22NC03-N95F10.1	0,00	0,35	0,00	0,00	0,5694525	NA
AC016909.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5694931	0,709849
AC006042.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5694987	NA
CEACAM3	0,23	0,00	0,00	0,00	0,5695084	0,709849
RP11-231G3.1	0,00	0,00	0,00	0,28	0,5695406	NA
CCT8P1	0,07	0,00	0,00	0,00	0,5695778	0,709896
IRGQ	2,59	1,78	2,85	1,84	0,5696303	0,709918
RP11-380O24.1	1,32	0,79	0,15	1,15	0,5696898	0,709918
EME1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5696987	0,709918
DDX47	5,33	4,14	4,25	3,49	0,5697229	0,709918
GPR1	0,34	0,09	0,19	0,45	0,5698067	0,709982
HIGD1C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5698794	NA
BEST2	0,37	1,09	0,41	0,55	0,5699267	0,710085
C1orf101	0,00	0,00	0,04	0,00	0,5699534	0,710085
CTC-281F24.3	1,00	1,45	1,11	1,18	0,5699969	0,7101
ZNF764	0,89	0,11	1,14	0,56	0,5701223	0,710216
LL22NC03-2H8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5701271	NA

RP11-699C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5703161	NA
MAP2K1	5,67	4,00	5,50	4,72	0,5704661	0,710605
RP3-508115.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5705157	0,710627
BMPR2	2,11	1,49	2,63	2,01	0,5706414	0,710731
RP11-40C6.3	0,95	0,59	0,76	0,31	0,570663	0,710731
RP11-324H7.1	0,00	0,00	0,09	0,10	0,5706993	NA
AC006129.4	0,78	0,88	1,16	0,00	0,5707099	0,710745
TEX15	0,00	0,47	0,00	0,00	0,5707385	0,710745
ROBO3	3,38	4,19	2,54	2,93	0,5708087	0,710792
TRDN	0,00	0,03	0,00	0,08	0,5708331	NA
RN7SKP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5708505	NA
AC002472.11	1,71	0,64	1,05	2,59	0,5708713	0,710831
ADTB1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5709932	NA
CASP16P	0,20	0,14	0,37	0,28	0,5710069	0,71096
SNORD53B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5710189	NA
HMGB1P14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5710321	NA
RP11-632K5.5	0,40	0,00	0,28	0,70	0,5710548	0,710976
ERI1	2,13	1,68	2,09	1,83	0,5711157	0,710976
ZNF559	3,61	1,21	1,14	0,54	0,571116	0,710976
SLC35G2	0,13	0,05	0,17	0,11	0,5711856	0,711
CMC1	5,28	4,59	4,76	5,11	0,5711994	0,711
HSD17B14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5712939	NA
MLN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5713685	NA
YRDC	3,14	1,10	3,41	1,25	0,5713883	0,711195
HNRPCP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5714114	NA
RP11-25619.3	0,00	0,39	0,00	0,00	0,5714212	NA
CTC-526N19.1	0,22	0,21	0,10	0,06	0,5716946	0,711537
SLC25A31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5717309	NA
CTC-378H22.2	0,21	0,22	0,08	0,30	0,5717373	0,71155
IL15	3,14	3,59	3,70	2,78	0,5718969	0,711709
SLC6A1	1,54	1,48	1,36	0,62	0,5719332	0,711714
CTD-2313110.1	0,31	0,77	0,51	0,46	0,5720137	0,711775
SNORD14E	1,92	0,00	3,35	0,00	0,5720682	0,711798
CFAP45	0,00	0,62	0,00	0,00	0,5720965	0,711798
ALS2CR12	0,47	0,20	1,04	2,16	0,5722036	0,711891
STRIP1	4,04	4,96	3,65	3,78	0,5722542	0,711914
IFT80	2,89	3,65	2,31	3,22	0,5722965	0,711927
RP11-545N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5723445	NA
RP11-290D2.6	0,00	0,00	0,30	0,00	0,5723937	0,712008
AC098817.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5724036	NA
RP11-301L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5724101	NA
MIR616	4,79	5,03	3,95	0,00	0,5725102	0,712113
RP11-91G21.1	0,00	0,00	0,00	0,40	0,5725943	0,712178
DNAJB2	1,18	2,73	1,22	2,81	0,5726759	0,71224
GOLGA7B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5727259	0,712241
FTH1P15	3,46	2,72	3,65	3,34	0,5727415	0,712241
RN7SKP292	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5728059	NA
RP11-176N18.2	0,00	0,39	0,00	0,00	0,5728147	NA
MUS81	3,16	3,14	2,66	2,47	0,5728246	0,712305
RP11-612B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5729845	NA
RP5-836N10.1	3,30	4,32	3,43	2,89	0,5729895	0,71247
AC015849.15	0,04	0,12	0,05	0,05	0,5730526	0,712507
LTA4H	6,56	4,57	5,95	5,86	0,5730835	0,712507
AC013400.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,573146	NA
YEATS2	2,99	2,55	3,02	1,10	0,5731828	0,712591

RP11-250B2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5732006	NA
CRHR2	0,00	0,17	0,00	0,00	0,5732264	0,712605
RP11-108P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5735022	NA
CTD-3020H12.4	0,61	0,00	0,84	0,69	0,5735071	0,712914
ACAD11	2,91	1,38	1,41	2,07	0,5736564	0,713047
RP11-746M1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5736837	NA
RP11-697N18.4	0,23	0,00	0,00	1,18	0,5737001	0,713047
RP11-486B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5737057	NA
TBC1D25	0,94	0,72	1,65	0,27	0,5737102	0,713047
CADM4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5737927	NA
USP46	1,78	1,42	2,53	1,57	0,5738325	0,713159
CTD-2060L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5739182	NA
RNA5SP82	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5739259	NA
AP000892.6	1,29	0,11	1,31	1,34	0,5739416	0,713222
RP1-56L9.7	0,54	0,07	0,67	0,37	0,5739471	0,713222
NAXD	1,98	1,97	1,92	1,81	0,574077	0,713343
RP1-240K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5741633	NA
MOB4	4,81	1,40	4,69	4,11	0,5742207	0,713339
PLD2	2,66	1,40	3,34	2,91	0,5742749	0,713339
WDR81	2,59	3,07	3,45	2,93	0,5743154	0,713339
CTB-193M12.3	1,29	0,41	0,91	0,69	0,574319	0,713339
OR10V3P	0,36	0,51	0,26	0,81	0,5743597	0,713339
PRDM12	0,00	0,00	0,00	0,05	0,574368	0,713339
MAU2	2,81	2,21	3,26	2,70	0,5743899	0,713339
ENOSF1	2,75	2,60	1,92	1,64	0,5744013	0,713339
GIMAP5	0,07	0,00	0,09	1,63	0,5744035	0,713339
RNU5F-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5744169	NA
USP17L20	0,00	0,01	0,00	0,00	0,5744434	NA
STX2	2,01	2,61	2,30	2,66	0,5744773	0,713442
ADAMTS8	0,00	0,00	0,00	0,06	0,5745454	NA
RPP14	2,70	2,58	2,29	3,22	0,5745514	0,713494
F8A1	3,08	3,02	3,23	3,37	0,5746329	0,713556
RP11-1020A11.1	0,00	0,39	0,00	0,00	0,5746636	NA
DNPH1	6,16	6,24	6,28	5,74	0,5748884	0,713799
ENDOD1	1,52	0,18	1,14	0,67	0,5748931	0,713799
SNX13	4,19	3,93	3,87	3,10	0,5749658	0,713849
GUCD1	4,35	4,29	3,81	4,34	0,5750563	0,713909
RP4-675C20.4	0,00	0,00	0,00	0,09	0,575078	0,713909
RP11-459F6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5751442	NA
RP11-91A18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5751943	NA
C9orf16	5,96	5,98	6,00	6,03	0,5752003	0,714021
XXbac-B135H6.15	1,67	1,92	0,52	0,30	0,5752387	0,714029
GAL3ST1	0,00	0,37	0,08	0,00	0,5752886	NA
AE000662.92	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5753273	NA
CH17-340M24.3	2,80	4,25	2,44	2,17	0,5753351	0,714088
CTD-2162K18.3	0,07	0,24	0,00	0,00	0,5753512	0,714088
TEX37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5753621	NA
SRRM4	0,10	0,16	0,09	0,11	0,5754274	0,714141
STEAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5754395	NA
HSD17B11	6,23	4,69	5,53	5,50	0,575458	0,714141
OR2J4P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5754643	NA
RP11-121L10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5754702	NA
AC114812.8	0,34	0,30	0,43	0,88	0,575595	0,714271
RP11-484L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5756492	NA
CHI3L2	1,21	2,57	2,02	1,46	0,5757245	0,714384

CTD-3030D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5757418	NA
RP11-160H22.1	0,91	0,97	1,78	1,61	0,575758	0,714384
MRPL10	4,97	4,18	3,88	3,76	0,5757824	0,714384
SHMT1	1,08	1,62	1,00	0,44	0,5759535	0,714557
CBX3	5,99	6,00	5,41	5,40	0,5760647	0,714655
RP11-718O11.1	0,67	1,12	1,04	1,55	0,576158	0,71473
RP11-155D18.13	0,41	0,80	0,44	0,39	0,5762872	0,714851
TYW3	4,11	4,14	4,46	4,53	0,5763881	0,714936
RP11-345M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5764044	NA
YIPF2	1,99	0,35	3,27	2,87	0,5764738	0,715003
DNAJC13	4,10	3,32	3,84	3,27	0,576565	0,715076
OR4N3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5765816	NA
CTC-336P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5766199	NA
RP11-753N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5766247	NA
C15orf58	1,40	0,73	1,63	1,74	0,5766293	0,715116
RP11-242C19.2	0,00	0,00	1,14	0,33	0,5766695	0,715125
RNU6-510P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5766716	NA
C11orf70	0,19	0,37	0,40	0,12	0,5767081	0,715134
RP11-115K3.2	0,00	0,11	0,00	0,00	0,5769094	NA
RP4-777D9.2	0,56	0,90	0,52	0,41	0,5769417	0,715383
NOP2	3,34	3,22	3,17	2,92	0,5769918	0,715406
CD2AP	3,83	2,95	3,28	2,47	0,5770662	0,715458
SMG5	2,41	2,87	2,52	3,00	0,5771581	0,715532
RNU4ATAC18P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5772345	NA
RGPD8	1,07	0,49	0,98	1,08	0,5772901	0,715656
RP3-448I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5772914	NA
RP11-1148L6.9	0,00	0,00	0,00	0,36	0,5774892	0,715862
FAM120A	4,87	4,44	4,93	4,98	0,5775241	0,715866
SLC32A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5775724	NA
RP4-568F9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5776118	NA
RP11-315A16.3	0,00	0,00	0,00	1,44	0,5777281	0,716049
CTB-118N6.2	0,00	0,00	0,00	0,39	0,577736	0,716049
RN7SL578P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5777743	NA
RP1-80N2.3	0,07	0,11	0,13	0,09	0,5777754	0,716057
RP3-407E4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5778047	NA
RP11-401L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5778379	NA
RP11-458J1.1	0,13	0,46	0,26	0,30	0,577861	0,716124
RP11-459I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5780355	NA
RP11-520M5.5	0,58	0,28	0,62	1,19	0,5780723	0,716346
EYA3	4,13	3,54	3,98	2,26	0,5781376	0,716387
CTB-167B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5781544	NA
RP1-172N19.2	0,00	2,65	0,00	0,00	0,5782189	0,716421
CTD-2653B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5782881	NA
RP11-702L15.4	0,61	0,63	0,66	0,00	0,5783245	0,716421
CTD-3092A11.1	2,96	2,07	2,65	2,88	0,5783329	0,716421
RP11-350G13.1	0,24	0,36	0,29	0,34	0,5783419	0,716421
ZNF780A	3,89	4,52	3,55	4,25	0,5783515	0,716421
CTD-2651B20.5	0,21	0,65	0,56	0,48	0,5783634	0,716421
SC22CB-1E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,578432	0,716421
AC073333.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5784372	0,716421
CTD-2081C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5784389	NA
RP11-802O23.3	1,88	0,00	0,38	0,30	0,5784773	0,716421
KB-1995A5.5	0,24	0,35	0,29	0,38	0,5784874	0,716421
RNU6-593P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5785328	NA
AC096579.14	1,07	1,57	1,03	1,05	0,5787612	0,716691

NDUFAF3	5,80	6,65	5,77	5,98	0,5787862	0,716691
RP4-549L20.2	0,00	0,00	0,00	0,52	0,5788023	0,716691
RAD23A	5,75	4,72	5,59	5,18	0,5789779	0,716868
RP11-532F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5790561	NA
MESTIT1	0,11	0,13	0,10	0,09	0,5791713	0,717068
TNNC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,579306	NA
SLC50A1	5,67	4,81	5,01	5,25	0,5793692	0,717273
DMAP1	4,90	4,22	4,90	4,55	0,5794048	0,717277
ZNF81	1,51	0,02	1,85	1,57	0,5794669	0,7173
AC139887.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5794692	NA
ARSF	0,05	0,00	0,07	0,07	0,5794873	NA
AC138517.6	0,05	0,00	0,13	0,14	0,5794877	0,7173
RNU5F-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5796589	NA
RP11-433J8.1	0,07	0,35	0,08	0,13	0,5797639	0,717602
CTRB1	0,00	0,00	0,00	0,11	0,5797866	NA
EML5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5798411	0,717657
RP13-136L2.1	0,14	0,00	0,00	0,00	0,5798736	NA
RNU6-319P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5799128	0,717706
SYTL1	5,53	4,49	5,75	5,64	0,5800017	0,717741
RP11-343C2.12	0,93	0,37	0,60	2,19	0,5800182	0,717741
C21orf81	0,00	0,04	0,08	0,00	0,5800377	0,717741
RP11-727M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5800987	NA
UBAP2L	5,28	4,97	5,25	5,07	0,5801269	0,717811
TECPR2	1,12	0,89	0,92	0,98	0,5801722	0,717827
RP11-700F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5803102	NA
ROM1	0,00	1,01	0,00	0,00	0,5803204	0,717933
SPEN	4,62	3,79	3,98	3,82	0,5803916	0,717933
RP1-85F18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5804005	0,717933
TRAIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5804074	0,717933
XPOT	2,69	3,10	2,26	1,99	0,5804197	0,717933
AC111200.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5804492	NA
RP11-705O24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5805223	NA
CPT2	2,67	2,39	2,36	2,24	0,5805462	0,71805
KRTAP5-8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5805506	NA
RP11-294N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,580573	NA
AC084193.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5805787	NA
AC104537.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5806023	NA
TYSND1	2,97	2,62	2,09	2,37	0,5806473	0,718135
RP11-304L19.5	2,38	2,28	2,16	3,36	0,5807056	0,718167
RP3-402G11.27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5807104	NA
SNORA77	0,00	2,49	0,00	0,00	0,5808085	NA
AOC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,580965	NA
RP11-144L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5809739	NA
RADIL	0,08	0,19	0,05	0,10	0,5810509	0,718549
AC079305.10	2,58	2,15	2,95	2,64	0,5810791	0,718549
MIR6724-1	0,00	1,42	0,00	0,00	0,5811405	NA
MIR6724-2	0,00	1,42	0,00	0,00	0,5811405	NA
MIR6724-3	0,00	1,42	0,00	0,00	0,5811405	NA
MIR6724-4	0,00	1,42	0,00	0,00	0,5811405	NA
ARL10	0,50	0,40	0,39	0,71	0,5811772	0,71863
MIR4425	0,00	2,24	0,00	0,00	0,5812982	NA
MASTL	2,33	1,33	1,23	0,84	0,5813064	0,71875
ARCN1	5,09	5,32	5,18	4,31	0,5813637	0,718762
RP11-585F1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5814032	0,718762
ITGAV	1,61	2,25	1,20	1,71	0,5814128	0,718762

CCDC180	0,55	1,31	0,65	0,41	0,5814834	0,718809
RP11-1055B8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5816383	NA
RP5-855D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5816786	0,71901
POMGNT2	0,05	0,05	0,08	0,09	0,5817415	0,719048
TMEM183A	4,81	4,86	4,24	4,62	0,5818219	0,719107
RP11-735G4.1	0,00	0,13	0,00	0,00	0,5818597	NA
RP11-454P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5818716	NA
GATB	4,17	2,75	3,53	4,04	0,5819641	0,719243
RP11-616L12.1	1,14	0,36	1,03	0,34	0,5820262	0,71928
RP1-206D15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5820714	0,719296
ZNF157	0,30	0,21	0,13	0,14	0,5822063	0,719423
RP1-283E3.4	0,00	0,00	0,00	0,03	0,5823051	0,719505
CTB-193M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,58231	NA
Z95114.8	0,00	0,00	0,08	0,00	0,5824775	0,719678
RP11-316M21.8	0,34	0,45	0,35	0,59	0,5825612	0,719741
SLC4A7	4,09	2,22	3,85	4,02	0,5826237	0,719771
RP11-134E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5826752	NA
APOM	2,46	0,00	0,77	0,29	0,5827196	0,719771
RP4-756H11.5	1,90	1,48	1,59	1,85	0,5827247	0,719771
FAM120B	3,34	3,51	2,94	3,06	0,582735	0,719771
RP11-378A13.1	0,39	0,67	0,82	0,76	0,5827476	0,719771
OR14L1P	0,29	0,64	0,31	0,00	0,582812	0,719796
TGFBR2	4,30	5,03	3,99	3,53	0,5828746	0,719796
PLA2G4A	2,28	0,85	1,16	0,38	0,5828804	0,719796
PLEKHO2	2,71	2,35	3,17	3,44	0,582897	0,719796
FTCDNL1	2,43	0,00	2,19	0,97	0,5829359	0,719804
RP11-404E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5829498	NA
CTD-2083E4.6	0,00	0,00	0,00	0,82	0,5830577	0,719914
LINC00896	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5830711	NA
ZNF433	3,36	3,29	2,74	1,87	0,58309	0,719914
RP13-685P2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5832528	NA
VHL	2,73	3,48	3,03	2,94	0,5832723	0,720072
DNAJC9-AS1	0,00	2,73	0,25	0,06	0,5832858	0,720072
AC099535.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5832963	NA
HIST2H2BC	1,81	0,00	0,00	0,35	0,5833153	0,720072
FAM217A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5833613	NA
RP11-770J1.4	0,39	0,56	0,41	0,31	0,5833617	0,72009
SRPX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5836403	0,720393
CTD-2061E19.6	0,00	0,00	0,00	0,47	0,5836544	NA
RF00015	0,00	0,00	1,11	0,00	0,5837361	0,720472
RP4-657D16.6	1,10	3,16	2,21	2,47	0,5837761	0,720473
OGG1	1,96	2,90	2,67	0,74	0,5838016	0,720473
RP4-809F18.1	0,06	0,18	0,00	0,00	0,5838695	0,720492
RP11-617F23.2	2,85	1,83	2,09	1,76	0,5838863	0,720492
RP11-473O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5839533	0,720492
ITGB2	7,78	7,95	8,00	7,88	0,583956	0,720492
RBM33	5,22	5,98	5,08	4,44	0,5839793	0,720492
PADI1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5839825	NA
RP11-316M21.6	0,00	0,00	0,00	0,21	0,5840027	NA
SNORA32	0,00	0,00	0,00	1,78	0,5840161	NA
RP11-59H1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5840454	NA
RP11-496H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5841061	NA
RP11-597D13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5841375	NA
LRRC37A3	3,08	1,36	3,10	2,23	0,5841539	0,720667
CTD-2235C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5842004	0,720672

ADAM11	0,00	0,00	0,00	0,14	0,5842225	0,720672
MIR337	0,00	0,00	0,00	0,00	0,584319	NA
RP11-881L2.1	1,54	2,67	1,27	0,64	0,5843213	0,720714
MTERFD3	0,35	0,09	0,26	0,21	0,5843214	0,720714
SCAMP5	0,06	0,04	0,16	0,39	0,5843922	0,720761
CTD-2195B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5844269	NA
CCT3	6,49	6,34	6,32	5,07	0,5845189	0,720877
RIMBP3C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5845544	0,720881
NOXRED1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5846028	NA
NAAA	6,37	4,52	5,90	5,08	0,5846236	0,720915
RN7SL587P	4,05	0,00	4,81	2,47	0,5846466	0,720915
RP11-214K3.25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5848326	NA
RP1-85F18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5848769	NA
LINC00299	2,03	0,12	0,12	2,14	0,5849336	0,721191
C18orf21	3,92	3,00	4,06	2,92	0,5849371	0,721191
USP24	5,44	3,60	5,38	3,48	0,5849676	0,721191
PGLYRP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5849837	NA
ZNF317	4,02	4,13	3,97	3,83	0,5850754	0,72125
RP11-692N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5850805	0,72125
MAPKBP1	1,35	1,62	1,18	0,90	0,5851709	0,721321
RP11-508O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5851736	NA
CTD-2540L5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,585198	NA
NDUFA4	6,59	6,51	6,52	5,88	0,5852442	0,721372
C11orf68	1,33	0,74	1,13	1,09	0,5853012	0,721402
HIST1H1B	1,52	0,00	0,37	0,77	0,5853876	0,721468
PUS3	2,64	3,82	1,39	2,01	0,5856082	0,7217
TAPBPL	5,21	5,98	5,17	4,15	0,5856971	0,72177
ITIH3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,585702	NA
CCDC71L	0,36	0,20	0,91	0,29	0,5857302	0,721771
ZMAT1	2,54	0,92	3,03	3,08	0,585842	0,721868
RP11-301O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,585881	0,721876
RP11-774O3.3	0,03	0,00	0,00	0,00	0,5859376	0,721906
AC087431.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5860153	NA
CTC-281F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5860381	NA
NR5A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5860698	NA
MIR5009	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5860778	NA
ADSSL1	0,88	0,15	0,56	0,75	0,5861269	0,722099
RP11-181K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5861345	NA
RP11-452L6.5	0,19	0,00	0,29	0,80	0,5861866	0,722101
RP11-687F6.5	0,00	0,10	0,05	0,18	0,5862485	0,722101
RP4-816N1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,586283	0,722101
KCNMB3L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5863124	0,722101
PRR4	0,81	1,62	0,00	0,00	0,5863273	0,722101
CTB-25B13.12	0,52	0,20	0,91	0,68	0,5863379	0,722101
SPTAN1	5,27	4,31	5,22	5,15	0,5863555	0,722101
RP3-337H4.9	0,00	0,67	0,00	0,00	0,5863839	NA
FOXI3	0,05	0,00	0,00	0,05	0,5864259	NA
RP11-149F8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5865478	NA
RP5-966M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5866229	NA
RP11-546M21.6	0,65	1,15	1,27	2,04	0,5866374	0,722375
F2RL2	1,36	1,26	1,93	1,59	0,5866429	0,722375
RP11-394O4.3	0,00	0,33	0,00	0,00	0,5866542	NA
AC026150.6	0,00	0,00	0,00	0,40	0,5867293	0,722441
SULF1	0,00	0,14	0,00	0,64	0,5868205	0,722513
PYDC1	0,00	1,26	0,00	0,00	0,5868239	NA

MDK	0,00	0,00	0,00	0,11	0,5868634	0,722526
CTC-467M3.1	0,00	0,00	0,00	2,16	0,5869353	0,722574
CTD-2014B16.4	0,00	0,00	0,00	0,17	0,5869482	NA
SLC43A1	0,00	0,33	0,36	0,66	0,5870615	0,72269
RP11-849F2.5	2,14	2,46	1,04	0,80	0,5871287	0,722733
RP11-347E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5871398	NA
RP11-959F10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5871493	NA
MCCD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5871642	NA
HIST1H1C	5,23	3,76	5,42	4,36	0,5871747	0,722749
RP11-554D13.1	0,00	0,00	0,00	1,12	0,5871755	NA
PCM1	6,34	6,11	6,35	6,42	0,5872348	0,722783
AC096669.1	0,00	0,00	0,06	0,33	0,5872705	0,722787
FRZB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5873746	NA
MIR5186	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5873813	NA
CTC-445B21.1	0,02	0,04	0,00	0,02	0,5874314	NA
SEPSECS-AS1	3,35	4,32	3,15	3,38	0,5874484	0,722966
RP11-440L14.4	0,21	0,00	0,00	0,82	0,58752	0,723014
RP11-432M8.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5875803	NA
COX5A	8,59	7,69	8,30	8,20	0,5877061	0,723188
LONRF1	3,58	2,78	2,73	2,60	0,5877266	0,723188
NCRNA00111	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5877407	NA
RAMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5877708	NA
CTC-459F4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5877711	NA
ARMCX4	2,13	2,63	2,14	2,11	0,5878397	0,723287
ZFHX3	2,12	2,78	2,35	3,35	0,5880228	0,723473
SIRT4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5880469	NA
RP11-1157N2_A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5881385	NA
CTD-2524L6.3	0,00	0,24	0,00	0,00	0,5881603	NA
RP11-799D4.2	0,00	0,26	0,00	0,00	0,5881878	NA
RFC4	1,28	0,37	0,99	0,88	0,5881923	0,723641
LA16c-358B7.4	0,11	0,11	0,16	0,26	0,5882581	0,723682
AC002456.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5883499	0,723747
RP4-545K15.5	0,00	0,29	0,00	0,00	0,5883568	NA
PRR3	2,69	5,12	2,49	1,75	0,5883762	0,723747
AP001412.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5884355	0,72378
RP11-174O3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5885012	NA
VWA5B2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,5885021	NA
CTC-265N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5885147	NA
GLCE	2,79	3,48	1,95	1,34	0,5885375	0,723859
LIN52	2,59	2,73	2,02	2,83	0,5885879	0,723859
CLCN3	3,61	3,03	3,24	2,79	0,5885972	0,723859
RP11-521C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5886506	NA
RP11-16B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5886767	0,723916
RP5-945F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5887736	NA
XX-C2158C12.2	0,00	0,25	0,00	0,00	0,588876	NA
TAF6L	0,09	0,58	0,25	0,21	0,5889954	0,724268
RP11-702N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5890209	NA
NEUROG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5891086	NA
RP11-320M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5891282	NA
CYP51A1	3,99	2,85	3,78	3,18	0,5891783	0,724453
RP11-570L15.2	1,39	0,46	0,71	0,98	0,5893143	0,72457
LPCAT3	3,61	3,25	3,37	4,54	0,5893387	0,72457
MAP4K4	3,98	2,70	3,86	4,39	0,5893843	0,724586
OR5B12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5893868	NA
RP11-159M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5894004	NA

XXbac-BPGBPG55C20	0,33	0,00	0,00	0,00	0,5894418	0,724617
TMEM179B	7,63	6,80	7,54	6,60	0,5894986	0,724646
MIR3137	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5895042	NA
BMF	3,24	3,66	3,59	3,45	0,5895908	0,72472
RP5-1050D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5897388	NA
RACK1	10,45	10,38	10,30	10,25	0,5897949	0,72493
PHB2	6,61	5,80	6,59	6,10	0,58985	0,724944
RNF111	3,92	1,68	3,22	3,68	0,5899121	0,724944
RP11-293M10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5899289	0,724944
MSANTD1	0,24	0,27	0,28	0,45	0,5899363	0,724944
RP11-136C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5900547	NA
RP11-565F19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,590075	NA
RP11-420A23.1	0,00	0,00	0,00	0,22	0,5901666	0,725187
NBL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5902128	NA
RNU6-920P	0,00	0,00	0,00	2,83	0,5902672	0,72527
AGTPBP1	4,84	5,24	4,53	4,41	0,5903522	0,725318
OCLN	0,91	0,44	0,76	0,39	0,5903864	0,725318
PFN1P4	0,00	0,63	1,05	0,00	0,5904041	0,725318
RP11-468E2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5904599	NA
HLA-DPA2	3,36	3,38	2,94	1,04	0,590467	0,725347
RP11-820I16.3	2,65	3,57	2,76	3,03	0,590493	0,725347
CTD-2516F10.2	2,41	3,72	2,58	2,55	0,5906464	0,725496
KRT7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5906811	NA
RNU6-38P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5907041	NA
RP11-215P8.2	0,00	0,53	0,00	0,00	0,5907457	0,725564
RP1-102G20.5	0,00	1,88	0,00	0,00	0,5907672	0,725564
CHMP6	3,67	2,45	3,84	3,75	0,5909538	0,725719
AC093726.6	1,39	1,49	1,93	1,25	0,5909587	0,725719
RP11-110G21.1	1,29	1,60	1,37	0,88	0,5910078	0,725739
CA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5910585	0,725745
RP11-78J21.7	0,57	0,00	0,00	0,00	0,5910783	0,725745
HIVEP3	0,71	0,82	0,95	1,20	0,5911851	0,725836
CTD-2547L16.3	0,00	0,39	0,26	0,33	0,5912244	0,725844
CH507-210P18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5913084	NA
RP11-140L24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5913344	0,725939
XPOTP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5913604	NA
RP11-480I12.5	0,24	0,33	0,18	0,17	0,5914605	NA
SLC35B3	1,61	3,04	1,83	0,52	0,5915126	0,726118
RP11-165F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5915569	NA
GABRQ	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5916131	NA
FASLG	0,19	0,29	0,25	0,07	0,5916496	0,726246
AC002044.4	0,00	0,00	0,00	1,52	0,5917037	NA
ZNF730	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5917095	NA
RP5-908M14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5917304	0,726305
RP11-146I2.1	0,33	0,70	0,56	0,83	0,5917628	0,726305
MRC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5917652	NA
CHCHD4	3,29	1,17	2,23	1,61	0,5918708	0,726377
HNRNPA1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5918732	NA
RP1-229K20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5918871	0,726377
CTD-2340E1.2	0,00	0,00	0,00	0,66	0,5919687	NA
MICALL1	1,41	0,59	1,93	1,36	0,5919991	0,726475
TRAP1	5,31	5,56	5,11	4,93	0,59211	0,72657
LPGAT1	3,86	3,76	3,79	2,55	0,5921447	0,726573
RP11-507J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5921754	NA
SDHAF2	5,44	4,72	5,14	5,41	0,5922802	0,726666

ARPC5L	4,57	4,27	4,07	3,82	0,5922857	0,726666
AC114763.1	0,22	1,67	0,79	0,41	0,5924166	0,726762
AC104024.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5924315	NA
SLC30A9	4,54	3,69	4,44	4,16	0,5924479	0,726762
RP11-12M9.3	0,00	0,00	0,00	0,28	0,5924558	NA
RELN	0,00	0,24	0,00	0,01	0,5924623	0,726762
NFKBIL1	0,35	0,00	0,36	0,39	0,5925441	0,726822
RP11-771K4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5927806	NA
CRYBA1	0,00	0,00	0,00	0,34	0,5927823	0,727074
RP11-589O3.1	0,17	0,00	0,00	0,00	0,5927959	NA
AC026166.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5928007	NA
POU5F1B	0,07	0,19	0,10	0,10	0,5928892	0,727165
CTB-55B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5929209	NA
DEFB103A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5929746	NA
DEFB103B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5929746	NA
RP11-524O1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5930329	NA
RP1-111D6.5	0,19	0,42	0,32	0,35	0,5931462	0,72744
CMB9-94B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5931762	NA
SIGIRR	6,00	6,02	5,81	6,19	0,5931791	0,727441
CTU1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,5932174	NA
MYH10	3,20	1,02	1,53	1,40	0,5932525	0,72749
GNMT	0,64	0,43	0,58	0,32	0,5933389	0,727529
FXN	5,07	3,81	4,82	3,61	0,5933717	0,727529
SNAP29	4,12	2,24	4,24	2,50	0,593382	0,727529
ACP7	0,18	0,23	0,19	0,22	0,5934722	0,727532
LTBR	4,62	4,05	4,97	4,53	0,593477	0,727532
PIGBOS1	4,16	3,83	4,18	2,67	0,5934827	0,727532
COX20	3,98	2,06	3,66	3,15	0,5936239	0,727629
CD3E	1,17	1,19	0,13	0,21	0,5936412	0,727629
SEC62	5,40	5,89	5,26	5,03	0,5936601	0,727629
RP11-1334A24.5	0,11	0,41	0,12	0,27	0,5937869	0,727744
PTGES	0,32	0,34	0,49	0,65	0,5938469	0,727769
SUN1	3,51	3,77	3,93	3,18	0,593873	0,727769
RNU6ATAC14P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5938907	NA
AC017048.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5938939	NA
RP11-452G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5939162	NA
NMRK1	3,25	4,58	2,88	2,61	0,5939237	0,727791
RP1-202O8.2	0,00	1,21	0,00	0,00	0,5940015	NA
C5orf66	1,94	1,17	2,05	2,60	0,5940726	0,727845
NSG1	2,04	3,94	2,40	2,22	0,5940936	0,727845
RP5-1017O19.1	2,08	0,00	0,00	0,00	0,5941009	0,727845
RP6-91H8.3	3,14	1,47	3,14	1,70	0,5941032	0,727845
RP11-245M24.1	0,26	0,41	0,39	0,29	0,5941314	0,727845
AC083884.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5941402	NA
ADAP2	4,44	5,17	4,28	4,55	0,5941827	0,72786
SESN2	2,08	1,21	1,97	0,98	0,5942086	0,72786
SMIM6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5944034	NA
FAM32A	6,92	4,93	6,16	6,38	0,5944318	0,728093
ITGB4	0,00	0,09	0,00	0,00	0,5944559	NA
RP11-826N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5944954	NA
RP11-265D19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5945501	NA
IGHV5-51	0,00	1,34	0,00	0,47	0,5948317	0,728517
CTA-363E6.7	0,00	0,71	0,01	0,00	0,5948593	0,728517
RNU6-960P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,594882	NA
RP11-121C6.5	0,00	2,36	0,15	0,81	0,5948968	0,728517

CRYZL1	5,25	6,14	5,05	4,77	0,5949094	0,728517
FAM167A-AS1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,5949108	NA
PPP1R1C	0,14	0,36	0,54	0,19	0,594945	0,728521
RP11-87E22.2	0,48	0,55	0,49	0,42	0,5949954	0,728542
RN7SL132P	1,39	2,08	1,48	0,82	0,5950419	0,728559
IDH1	4,16	2,12	3,89	2,48	0,5951917	0,728666
RP11-572C21.1	0,12	0,41	0,26	0,24	0,595195	0,728666
CBFA2T2	2,18	1,38	2,48	1,35	0,5952625	0,728709
RP11-566H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5952645	NA
CTD-2542C24.5	0,37	0,15	0,37	0,52	0,5953105	0,728727
RAB30	1,10	1,14	0,45	0,45	0,59539	0,728785
AC012087.2	0,00	0,19	0,00	0,00	0,5953956	NA
RP11-169E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5954404	0,728792
CTD-2175A23.1	0,36	0,39	0,00	0,00	0,5954619	0,728792
RP11-716H6.1	0,28	0,00	0,31	0,00	0,5955185	0,728822
COPS7B	3,98	2,72	3,47	2,19	0,5956021	0,728836
CTB-159G17.3	0,85	1,07	0,00	1,12	0,5956094	0,728836
ZNF266	4,21	4,28	3,69	3,90	0,5956283	0,728836
RP11-303E16.3	0,00	0,52	0,00	0,54	0,5958087	0,728991
CTD-2547E10.4	1,12	0,62	1,16	0,75	0,5958211	0,728991
RP11-77P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5958228	NA
AC004069.2	2,34	2,73	3,04	3,45	0,5959571	0,729117
ALX3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5960608	NA
AF131216.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5960903	0,729216
GAP43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5960911	NA
RP11-462P6.1	0,00	0,00	0,00	0,59	0,5961037	0,729216
DHX58	4,33	0,22	4,41	4,33	0,5961749	0,72924
ATN1	0,55	0,60	1,34	1,14	0,5961885	0,72924
RP11-169D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5963379	0,729382
TRPC4AP	4,25	4,25	4,53	3,48	0,5965037	0,729545
RP11-649A18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5966062	NA
ZGLP1	2,83	0,30	3,07	1,86	0,5966118	0,729637
GFM1	4,65	3,85	4,02	3,87	0,5967181	0,729686
VAMP4	2,84	2,69	2,24	0,92	0,5967202	0,729686
RP11-455J20.3	0,00	2,84	0,00	0,00	0,5968037	0,729686
TM6SF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5968076	NA
RNU1-13P	1,14	0,00	0,00	1,37	0,5968087	0,729686
AC073072.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5968276	NA
RP11-269F19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5968351	0,729686
HMGB2	6,83	6,57	6,82	7,11	0,5968488	0,729686
IGKJ4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5969989	NA
RP11-16P20.4	0,00	0,00	0,01	0,05	0,5970428	NA
CTD-2003C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5971003	NA
ZNF440	1,84	2,80	2,02	1,47	0,5971065	0,729927
CTB-1144G6.6	0,70	0,38	0,78	0,87	0,5971354	0,729927
RP11-17A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5971445	0,729927
RBP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5972163	0,729975
RP3-406P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,597485	NA
RP11-133M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,597534	NA
CTD-2033C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5976333	NA
RP11-167N5.5	0,82	1,32	1,06	1,29	0,5978746	0,730739
RP11-367G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5979085	NA
RP11-531F16.4	1,74	1,59	0,41	0,85	0,5979516	0,730793
RP11-458B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5979668	NA
HOXB6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,598039	NA

RNU1-77P	0,00	1,47	0,00	0,00	0,5980514	NA
WASL	1,76	1,30	1,57	1,32	0,5981261	0,730966
RPP38	4,29	1,25	2,96	2,67	0,5981868	0,731
RP11-532L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5982052	NA
SLC23A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,598288	0,73106
COX15	4,64	4,80	3,98	3,07	0,5983017	0,73106
RNU5A-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,598317	NA
RP4-633I8.2	0,39	0,26	0,24	0,46	0,5983856	0,731067
PTGR1	1,45	2,27	1,54	0,76	0,5984059	0,731067
RN7SL180P	0,72	2,85	1,07	1,48	0,5984063	0,731067
GABARAPL1	4,54	4,39	4,49	4,74	0,5984723	0,731094
MAGIX	0,26	0,39	0,61	0,22	0,5984936	0,731094
RP1-84D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5985224	NA
POLR2J4	1,56	0,15	0,80	1,09	0,5986148	0,731202
NTNG2	0,52	0,28	0,15	0,15	0,5987629	0,731342
CTD-2256P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5988866	NA
FRMD4B	5,17	5,34	5,05	4,72	0,5989864	0,731575
MT-TL2	3,06	2,54	2,32	2,46	0,5990824	NA
MUC15	0,00	0,07	0,01	0,30	0,5991068	0,731682
RN7SL19P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5991231	NA
RP11-302F12.10	0,00	0,48	0,00	0,45	0,5991384	NA
RP1-167O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,5991943	NA
CTD-3126B10.2	0,15	0,22	0,38	0,33	0,5992018	0,731728
ZNF512B	0,02	0,00	0,07	0,07	0,5992537	0,731728
EXOC3L2	0,12	0,14	0,09	0,17	0,5992856	0,731728
RP11-305E6.4	0,51	1,34	0,68	0,70	0,5993055	0,731728
TCTEX1D2	3,43	1,04	2,57	0,46	0,5993308	0,731728
RP11-451G4.2	0,17	0,37	0,09	0,44	0,5993419	0,731728
RP11-254F7.2	3,39	2,16	1,77	1,56	0,5994202	0,731783
RPA1	4,06	3,92	3,72	3,07	0,5995029	0,731844
METAP1D	0,74	0,00	0,00	1,02	0,5995797	0,731897
WDR45	5,58	5,10	5,54	5,13	0,5996397	0,731931
RP11-759A24.1	0,00	0,00	0,03	0,03	0,5997036	NA
RP11-266K4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,599814	0,732077
ZNF292	5,67	5,25	5,72	4,94	0,5998255	0,732077
RP4-616B8.5	0,75	1,41	0,75	1,15	0,599908	0,732137
DCAF5	3,72	3,23	3,33	3,17	0,5999602	0,732161
RP11-85G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6000578	NA
FAM72D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6002098	0,732425
RPL13AP3	0,00	0,31	0,00	0,30	0,6002465	NA
LLOXNC01-116E7.2	0,00	0,00	0,00	0,11	0,6003627	NA
CTD-2035E11.3	4,58	1,75	4,58	3,48	0,6003855	0,7326
RP11-54O7.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6003888	NA
RP11-561B11.1	0,06	0,00	0,00	0,00	0,6004138	NA
MSH3	2,75	3,50	3,06	3,28	0,600536	0,732676
SLC7A14	3,33	2,81	3,31	3,79	0,6005591	0,732676
RF00001	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6005644	NA
RP11-222A11.1	2,76	1,47	2,94	1,94	0,6005744	0,732676
RP11-144I2.1	0,39	0,16	0,33	0,46	0,6005798	0,732676
RP11-872D17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6006576	NA
RP11-356C4.3	1,13	2,03	1,60	1,73	0,6007483	0,732841
RP11-886H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6007722	NA
EIF5A	6,91	6,32	6,98	6,61	0,6007902	0,732852
RP11-50D9.1	0,51	0,97	0,78	0,78	0,6008307	0,732861
CTC-490G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6008579	NA

RP11-542G1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6009433	0,73292
RP11-43P5.1	0,60	0,93	0,58	0,56	0,6009447	0,73292
SKA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6012261	0,733209
CTD-2555K7.2	0,57	1,86	0,18	0,73	0,6012478	0,733209
RP11-356I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6012934	0,733224
RP11-395N21.2	0,00	0,00	0,09	0,00	0,6013778	0,733253
ZNF562	3,21	1,51	1,70	1,58	0,6013829	0,733253
RP11-173M11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6013834	NA
RP11-363N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6014183	NA
CEACAM20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6015359	NA
RP11-783K16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6015466	NA
CPNE7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6017982	NA
AC195454.1	0,00	0,00	0,00	0,64	0,6018022	0,733724
RP11-129B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6018634	NA
RP3-497J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6018797	NA
RP11-1260E13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6019079	NA
AC004049.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6019682	NA
RP1-45C12.1	0,00	0,00	0,00	0,60	0,6019796	0,7339
IGLV3-9	0,00	1,32	0,00	0,00	0,6019871	NA
FAM219B	4,14	4,51	4,20	4,35	0,6022153	0,734147
RP11-190D6.1	0,00	0,00	0,00	0,07	0,6022299	NA
AC011558.5	6,34	6,73	6,53	6,41	0,6023591	0,734282
SNORA80E	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6026354	0,734567
RP11-255L13.1	0,55	1,06	0,59	0,50	0,6026464	NA
C14orf178	1,46	0,53	1,38	1,35	0,6026589	0,734567
RP11-395I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6026604	NA
RP11-259P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6027769	0,73467
AC009404.5	0,00	0,13	0,00	0,00	0,6028095	0,73467
RP1-125I3.2	1,03	1,09	0,92	0,38	0,6028641	0,734676
PTTG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6028651	NA
RP1-71H24.1	1,15	1,96	1,07	1,02	0,602904	0,734676
NCRNA00102	0,00	0,00	0,07	0,00	0,6029147	0,734676
PJA1	0,05	0,00	0,03	1,83	0,6029465	0,734676
CD300LF	5,23	4,93	4,89	5,19	0,6031169	0,734843
HIGD2A	8,54	8,52	8,45	8,48	0,6031548	0,734849
CTC-512J14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6032889	NA
C20orf24	6,46	7,05	7,04	7,17	0,6033084	0,734979
RP11-166O4.1	2,50	2,66	1,67	2,18	0,6033277	0,734979
RP11-439L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6033461	NA
GRK7	0,03	0,13	0,09	0,10	0,6034015	0,735029
CTC-512J14.4	0,21	0,18	0,07	0,00	0,6034363	NA
CTD-2586B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6035098	NA
MTX1	5,56	5,45	6,13	5,43	0,6035409	0,735123
SGCG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6035489	NA
IL12RB1	1,97	1,89	2,61	1,77	0,6035813	0,735123
HOXA-AS4	0,25	0,00	0,03	0,00	0,6035885	0,735123
ELFN1	0,00	0,04	0,00	0,03	0,6036384	0,735123
HCCS	5,45	4,21	4,64	4,32	0,6036445	0,735123
RP11-415C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6036461	NA
RP11-240M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6037261	NA
OPRPN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6038085	NA
RP11-473M20.16	0,60	1,07	0,90	1,14	0,603819	0,735295
NDST1	2,52	3,76	2,18	1,91	0,6038587	0,735303
RDH12	0,00	0,00	0,09	0,00	0,6039058	0,735321
RP11-547D13.1	0,06	0,17	0,09	0,11	0,6039684	0,735356

AC015922.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6039872	NA
RP11-133L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6040049	NA
FCHO2	2,32	1,74	2,13	1,76	0,6040907	0,735435
INPP5A	0,37	0,99	1,14	0,52	0,6040988	0,735435
RP11-422P24.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6041178	NA
SEPT11	3,50	4,64	3,88	3,69	0,6041932	0,735483
AL355093.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6042134	0,735483
GYPB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6042614	0,735483
RP11-738E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6042729	NA
RP11-51O6.1	0,71	0,66	0,48	0,85	0,6042829	NA
PRR22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6042939	NA
RP11-338E21.2	0,74	1,88	1,22	2,29	0,6043096	0,735483
C4orf36	0,00	0,38	0,04	0,00	0,6043444	0,735483
KIF18A	0,76	0,58	0,75	0,54	0,604378	0,735483
KLHDC7B	0,25	0,05	0,20	0,24	0,6043878	0,735483
RP11-36B6.2	1,71	2,89	2,10	2,25	0,6044035	0,735483
SPATA31A6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6044046	NA
RP3-333A15.1	0,49	0,26	0,37	0,40	0,6045203	0,735585
RP11-521D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6046079	NA
CYB561D2	5,93	4,73	5,41	5,06	0,6046179	0,735663
CDH9	0,00	0,08	0,00	0,35	0,6046507	0,735663
SNORA74C-1	0,00	2,40	0,00	0,00	0,6047232	0,735711
MEF2A	5,74	5,05	5,62	5,65	0,6047856	0,735742
MYL9	0,00	0,58	0,00	0,00	0,6048169	0,735742
AC066593.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6048459	NA
MIB1	1,73	0,82	1,33	1,53	0,6048476	0,735742
BCAS2	5,88	5,37	4,90	5,37	0,6048849	0,735747
BCL2L12	2,31	0,54	1,30	0,96	0,6049226	0,735752
RP11-83A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6049348	NA
RP11-384C4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6050636	NA
RP11-472K22.2	3,01	2,87	3,16	2,50	0,6051327	0,735968
CETP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6051928	0,735992
RP11-456P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6051943	NA
RP11-555K12.3	0,00	1,10	0,00	0,05	0,6052185	0,735992
CTB-31O20.2	4,26	5,48	3,79	2,15	0,6052657	0,736009
RP11-227J5.3	0,00	0,21	0,00	0,00	0,6054343	NA
RP11-204M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6054602	NA
MIR7-3HG	1,35	0,35	0,98	1,79	0,6054669	0,736213
VENTXP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,605545	NA
COPB2	5,24	4,93	5,39	4,23	0,6055838	0,736299
RFTN2	0,10	0,14	0,16	0,14	0,6056037	0,736299
CTD-2340D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6056456	NA
WDR47	2,63	2,20	2,50	1,71	0,6056925	0,736366
CTC-543D15.8	0,00	0,23	0,00	0,00	0,6056988	NA
HIST1H2AH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6057831	NA
NLGN4X	0,00	0,02	0,00	0,00	0,6058721	NA
RNU6-422P	0,00	0,00	0,00	1,16	0,6059065	NA
RP1-178F15.4	0,00	0,00	0,00	0,50	0,6059841	NA
RP11-4B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6060148	NA
ROBO1	0,27	0,16	0,30	0,31	0,6060897	0,736809
RP11-378J18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6061139	NA
CTD-2015H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6063777	NA
CD101	5,78	6,01	5,71	4,07	0,6063934	0,737138
OSBPL9	4,85	4,65	4,48	3,02	0,6066151	0,737342
OR10A6	0,12	1,20	0,33	0,54	0,606651	0,737342

CTSO	3,76	2,44	3,12	2,46	0,6067176	0,737342
RP11-488C13.7	0,00	0,99	0,00	0,00	0,6067438	0,737342
RP1-118J21.28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6067526	0,737342
DPP9	2,95	3,96	3,32	3,12	0,6067696	0,737342
AP2M1	6,77	6,85	6,45	6,21	0,6067937	0,737342
TP63	0,00	0,06	0,25	0,23	0,606881	0,737408
POTEB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6069622	NA
CTD-2132H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6069979	NA
PLEKHM1	4,28	4,08	3,76	3,58	0,607139	0,737635
RP11-1217F2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,607183	NA
GLOD4	5,05	4,85	4,62	4,02	0,6072113	0,737635
AC137932.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6072279	0,737635
WDTC1	1,48	1,54	1,43	1,33	0,6072328	0,737635
ANKRD36	3,36	4,43	3,17	3,06	0,607234	0,737635
WDR73	3,75	2,06	2,82	1,75	0,6072869	0,737654
APO00708.1	1,49	1,07	1,52	1,39	0,6073305	0,737654
NUDC	5,75	5,60	5,51	4,20	0,6073569	0,737654
RNU6-946P	6,01	0,00	6,01	4,66	0,6073823	0,737654
GSTP1	10,94	10,88	10,79	10,44	0,6076052	0,737885
RNA551	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5510	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5511	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5512	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5513	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5514	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5515	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5516	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA5517	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA552	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA553	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA554	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA555	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA556	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA557	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
RNA558	0,00	1,67	0,20	1,34	0,6076424	NA
VASH1	2,41	1,81	2,62	1,28	0,6077963	0,738075
RPS15AP18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6078052	NA
RP11-517O13.1	0,00	0,00	0,24	0,52	0,6078201	NA
RP11-85A1.3	0,00	0,20	0,46	0,00	0,607845	0,738075
CCDC78	0,00	0,04	0,00	0,00	0,6078457	NA
RP11-148B6.1	2,75	0,92	2,32	2,84	0,6078855	0,738075
AC063976.7	0,12	0,46	0,17	0,35	0,607895	0,738075
DKK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6079637	NA
PRPSAP1	4,31	3,02	4,13	2,15	0,6079862	0,738113
CTD-2278I10.4	0,00	0,89	0,09	1,18	0,6079923	0,738113
ZNF695	0,28	0,52	0,37	0,27	0,6080283	0,738116
RP11-932O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6081031	NA
CRYM	0,00	0,64	0,00	0,00	0,6081594	0,738235
RP11-138I18.2	0,26	1,33	0,20	0,43	0,608261	0,738318
RP11-100G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,608277	NA
CTD-2331H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6082982	NA
FXR1	4,93	5,09	4,56	3,61	0,6083364	0,738369
RP11-101C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6083802	NA
RN7SL280P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6086624	NA
TRAFD1	3,98	4,49	2,86	4,26	0,6086929	0,738747

NUP62	4,49	4,01	4,38	4,58	0,6087144	0,738747
TARSL2	1,42	1,62	1,43	1,69	0,6088046	0,738766
PCNT	3,32	1,34	2,75	1,99	0,608807	0,738766
UBLCP1	4,60	2,64	3,73	2,30	0,6088299	0,738766
RP11-333A23.4	0,84	0,22	0,85	0,80	0,6090532	0,738995
CPSF4	3,49	0,92	3,14	3,19	0,6090849	0,738995
SLC24A3	0,00	0,00	0,00	0,04	0,6091383	NA
IGHJ4	0,00	3,65	0,00	3,59	0,6091713	NA
RP11-516C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6093442	0,739269
AL353662.3	1,61	1,42	1,61	1,71	0,6096114	0,739553
RP11-600P18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6097889	NA
AF241726.4	0,05	0,14	0,06	0,06	0,6099328	0,739894
CTC-248O19.1	1,52	0,00	0,00	0,00	0,609974	0,739894
RP11-108P20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6099857	NA
RP11-329J18.5	0,00	0,45	0,00	0,00	0,6099923	0,739894
ROBO4	0,06	0,00	0,07	0,00	0,6100837	0,739964
RP4-682C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6102428	NA
RP11-762I7.5	0,00	0,00	0,00	1,38	0,6102621	0,740141
AC007679.1	0,39	0,52	0,11	0,00	0,6102641	NA
AB019441.29	0,24	0,30	0,00	0,29	0,6102745	NA
AC004453.8	0,00	0,00	0,49	0,00	0,6102876	NA
RP11-487E1.1	0,00	5,68	0,29	0,00	0,6103578	0,740216
RNU6-613P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,610469	0,740311
USP21	3,40	2,15	2,81	2,31	0,6105326	0,740347
RP11-480G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6106029	NA
RP11-333J10.3	1,02	0,00	0,58	1,22	0,6106104	0,740362
ZFP91	3,47	3,17	3,51	3,31	0,6106109	0,740362
STAG3L5P-PVRIG2P-P	2,27	2,07	1,64	0,37	0,610715	0,740447
HAUS4	5,83	6,12	5,22	4,19	0,6108094	0,740521
LBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6108837	NA
AC025477.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6109534	0,740626
LINC00314	0,59	0,35	0,96	1,37	0,6109711	0,740626
SLC25A10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6109956	0,740626
RNU6-1181P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,611061	NA
CTD-2514K5.2	0,28	0,00	0,00	0,00	0,6111472	0,740769
DDX46	4,38	4,36	4,35	4,13	0,611217	0,740814
SERPINI1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,611265	0,740831
RN7SL556P	0,00	0,00	0,00	0,80	0,6112874	NA
RP11-79E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,61144	NA
FRG1EP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6114547	NA
RP11-576I22.2	0,00	0,00	0,00	0,65	0,611494	0,741068
CLEC5A	0,00	0,69	0,00	0,00	0,6115602	0,74109
UBE2H	3,60	3,45	3,12	2,65	0,611599	0,74109
ARRDC3	4,64	3,27	4,68	4,45	0,6116332	0,74109
RP11-539G18.3	1,21	2,74	1,90	1,65	0,6116606	0,74109
GABRG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6116763	NA
RP11-573G6.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6116787	0,74109
RP11-30L15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6117477	NA
B3GNT2	2,62	1,22	2,29	0,40	0,6117478	0,741125
CTD-2561J22.5	1,22	1,67	1,37	1,49	0,6117741	0,741125
RP1-223H12.5	1,87	2,49	1,59	0,00	0,6118464	0,741166
ING1	3,12	2,54	2,98	2,27	0,6118749	0,741166
NHSL1	1,69	0,74	0,97	0,71	0,6119763	0,741249
IGLV6-57	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6120171	NA
CTC-359M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6120705	NA

SGCA	1,62	0,42	0,32	0,00	0,6121054	0,741334
NHLH1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6121496	0,741334
ODC1	4,12	4,11	4,21	4,06	0,6121647	0,741334
RP11-677M14.7	1,66	2,23	1,53	1,43	0,6121805	0,741334
AC144836.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6122084	NA
RP13-635I23.4	0,00	2,80	0,00	0,71	0,6124579	0,74163
ANK1	0,00	0,16	0,00	0,00	0,6126695	0,741815
GS1-124K5.4	2,48	0,00	2,24	3,60	0,6126784	0,741815
GPSM2	3,75	2,49	3,90	4,54	0,6127111	0,741815
CTD-2619I13.17	0,46	0,23	0,42	0,21	0,612812	0,741897
MYL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6129989	NA
RP11-473C18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6130137	0,742031
AMPD2	6,40	7,08	6,48	5,91	0,6130138	0,742031
NCRNA00093	0,61	1,51	0,66	0,36	0,6130229	0,742031
PANK2	4,28	4,16	4,79	4,70	0,6131727	0,742158
KIAA0753	1,63	1,64	1,67	0,38	0,6131947	0,742158
RP3-417L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6132779	NA
ATG4C	4,84	4,82	4,04	3,97	0,6133002	0,742232
RP11-573D15.3	0,00	0,74	0,00	0,00	0,6133689	NA
RP11-454F8.4	0,10	0,54	0,29	0,25	0,613414	0,742232
RP5-1028K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6134508	NA
RP11-20G6.2	1,03	1,33	0,86	0,77	0,61347	0,742232
RCN1	4,25	3,55	3,75	3,43	0,6135129	0,742232
RP11-689C9.1	0,00	0,31	0,00	0,00	0,6135337	0,742232
XXbac-BPG252P9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6135477	NA
RNU6-8	0,00	2,49	0,00	0,00	0,6135645	0,742232
RNU6-7	0,00	2,49	0,00	0,00	0,6135645	0,742232
C19orf10	7,10	6,41	6,91	6,94	0,6135781	0,742232
RP4-569M23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6135841	0,742232
TUG1	5,03	4,49	4,80	3,92	0,6135894	0,742232
SERINC3	5,76	5,24	5,26	4,34	0,6136374	0,742249
PTGER2	2,29	3,19	1,61	2,53	0,6136782	0,742258
RP11-205K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6137086	NA
ADO	2,57	1,93	2,78	2,47	0,6138235	0,74232
LARP7	5,30	5,00	5,34	5,23	0,6138518	0,74232
RP13-941N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6138662	NA
RP11-108O10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6138721	0,74232
NSUN2	4,69	3,40	4,13	3,02	0,613884	0,74232
NUCB2	4,69	4,49	3,84	2,97	0,613896	0,74232
RP11-478C6.4	0,00	0,00	0,00	1,63	0,613899	NA
LCAT	1,36	0,93	2,25	2,92	0,6139886	0,742391
KRT123P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6140767	NA
DRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6140903	NA
GBAP1	0,00	0,34	0,03	1,53	0,6140952	0,74248
RP11-399C16.3	0,59	0,34	0,43	0,00	0,6141379	0,742491
RP11-302M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6142084	NA
RP11-1109M24.16	0,00	2,65	0,00	0,80	0,6143354	0,742621
B3GALT5	0,06	0,10	0,06	0,02	0,6143637	0,742621
RP11-392P7.6	0,00	0,27	0,00	0,47	0,614373	0,742621
RTN3	5,35	5,13	5,60	5,07	0,6143786	0,742621
RP11-667K14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6144631	NA
RP11-124N19.3	0,00	0,33	0,00	0,32	0,6144747	NA
RN7SL423P	0,00	0,00	0,00	0,67	0,614516	NA
ZBTB24	2,12	1,09	1,56	2,16	0,614584	0,742828
OR7A19P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6146352	NA

ATG5	4,48	2,62	4,46	3,42	0,6146486	0,742866
RP11-173A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6147675	NA
C1orf54	4,25	5,56	4,39	4,35	0,6148543	0,743068
MS4A2	0,33	0,43	0,32	0,47	0,6148821	0,743068
RP11-707F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6150434	NA
RP11-76C10.3	0,69	0,75	0,52	0,32	0,6150878	0,743276
HTATSF1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,615141	0,743294
RP11-567F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6151701	0,743294
USP48	5,14	4,68	5,46	4,59	0,6152388	0,743337
RP13-580F15.2	0,63	0,29	0,29	0,33	0,6152862	0,743354
Z69720.3	0,00	0,95	0,00	0,00	0,615463	NA
PYCR2	3,29	3,12	2,78	2,28	0,6154644	0,743529
RP11-144G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6155065	NA
SMAD3	3,29	3,89	2,81	2,55	0,6155258	0,743555
RP11-474G23.2	0,00	0,00	0,88	0,30	0,6155695	0,743555
TMEM9	5,04	0,78	4,30	2,43	0,6155862	0,743555
RP3-433F14.3	1,73	0,85	1,80	1,39	0,6156489	0,74359
RN7SKP151	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6157406	NA
RP11-61L14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6157553	NA
RP11-554J4.1	2,34	4,42	1,32	3,64	0,6157691	0,743695
RP11-263K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6158285	NA
TFAP2E	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6159585	0,743883
RP11-390E23.6	0,08	0,30	1,56	2,34	0,6160355	0,743935
MUT	2,27	0,76	1,26	0,33	0,6160732	0,743941
SPATA31D1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6160757	NA
NTRK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6161968	NA
RP11-474G23.3	0,69	0,90	1,46	1,01	0,6162169	0,744074
RP11-497G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6162391	NA
RP11-482G13.1	0,95	0,79	0,34	0,00	0,6163414	0,744184
RP11-451N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6164134	NA
RP11-211N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6165026	NA
RN7SL441P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6165187	0,744336
RRAGA	4,26	2,52	4,13	2,98	0,6165343	0,744336
RP11-211G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6166264	0,744406
RP11-329B9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6166506	NA
CCDC190	0,00	0,10	0,00	0,00	0,6166985	NA
ZNF322	1,57	0,00	1,32	1,16	0,6168098	0,744587
BAAT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6168396	NA
TTC41P	0,11	0,00	0,02	0,00	0,6168471	0,744592
SPACA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6168535	NA
RP11-505K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6169879	0,744721
AC005307.5	0,00	0,04	0,00	0,04	0,6170377	NA
GDNF-AS1	0,02	0,00	0,01	0,00	0,6170666	NA
XXbac-B476C20.9	0,00	0,16	0,09	0,09	0,6171084	0,744826
USP17L22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,617194	NA
GYS1	3,61	3,21	3,74	3,28	0,6172249	0,744927
OR2N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6173384	NA
CTA-407F11.7	0,59	3,49	1,22	2,89	0,6173732	0,745065
MRPS5	4,99	5,32	5,12	4,56	0,6174687	0,74514
WDPCP	2,40	3,24	3,23	2,99	0,6175043	0,745142
CD79A	0,00	0,21	0,11	0,11	0,6175929	0,745209
RN7SL504P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6176154	NA
GHRLOS	0,44	0,65	0,64	0,00	0,6176642	0,745254
AC018442.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6177157	NA
RP11-524F11.2	1,00	0,00	1,24	1,52	0,6177217	0,745283

AC109631.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6177468	NA
RP11-63G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,617756	NA
CT45A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6177756	NA
RP11-498P14.3	0,00	0,00	0,00	0,66	0,6179116	NA
RP11-90P13.1	0,00	0,39	0,00	0,00	0,6179239	0,745487
RP11-734J24.1	0,00	0,50	0,00	0,00	0,6179785	NA
OVOS	0,03	0,03	0,05	0,08	0,6179919	0,745528
VANGL2	0,00	0,03	0,00	0,00	0,618095	NA
RP11-560F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6181053	NA
RP11-324L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6181126	NA
RP11-187O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6181564	NA
RP11-348N5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6181791	0,745714
CTD-209O113.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6182276	NA
SPATA33	0,96	0,51	0,85	1,04	0,6183486	0,745838
SIRPB2	2,68	5,04	4,06	3,77	0,6183496	0,745838
RP11-317B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6183873	NA
MIR548AL	2,00	0,00	0,00	0,00	0,6184121	0,745873
CTB-79E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6184247	NA
CKMT1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6184271	NA
UCP1	0,00	0,37	0,00	0,00	0,6184903	NA
C4A	0,00	2,37	0,03	0,00	0,6184903	0,745927
NBPF25P	0,91	0,47	0,75	0,89	0,6185306	0,745935
NKAPL	0,00	0,17	0,00	0,00	0,6185497	NA
CTD-254O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6185611	NA
RP11-372E1.4	0,51	0,57	0,63	0,42	0,6185991	0,745942
RP1-153G14.4	2,26	2,28	2,44	2,17	0,6186028	0,745942
HSD17B4	6,07	5,28	5,75	5,89	0,6186716	0,745971
TMEM18	4,49	3,51	3,68	3,63	0,6186947	0,745971
RP5-1107A17.2	0,00	0,54	0,00	0,00	0,6187908	NA
RP11-295P9.12	0,00	0,00	0,15	0,72	0,6187985	NA
FAM60A	5,35	5,02	4,97	3,18	0,6188697	0,746138
CTGLF10P	0,32	0,51	0,16	0,12	0,6189003	0,746138
SCARNA7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,61902	NA
CTC-529I10.2	1,35	1,08	1,33	0,92	0,6191167	0,746237
ANKRD33B	0,00	0,03	0,00	0,00	0,6191431	0,746237
RECK	1,03	0,58	0,88	1,36	0,6191694	0,746237
PHKB	5,50	5,54	5,37	4,71	0,6191742	0,746237
RP11-402J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6191777	NA
IRF2BP2	5,40	4,94	5,17	4,78	0,6191967	0,746237
RP11-128N14.5	4,43	0,00	2,02	2,94	0,619216	0,746237
RP11-299H22.5	0,90	1,11	0,92	0,47	0,619245	0,746237
KB-226F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6192511	0,746237
RP11-820K3.3	0,56	0,26	0,20	1,10	0,6193131	0,746272
SULT6B1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6193567	NA
AC016734.2	0,50	0,30	0,61	0,28	0,6193839	0,746303
RPL10AP6	0,00	0,28	0,25	0,00	0,6193862	NA
TRMT6	4,77	4,49	4,58	3,64	0,6194064	0,746303
C4B	0,00	2,37	0,05	0,00	0,6194692	0,746309
SLC35G5	0,11	0,17	0,12	0,00	0,6194788	0,746309
ALDH8A1	0,07	0,60	0,43	0,78	0,6195791	0,74639
RP11-1055B8.2	0,20	0,87	0,00	0,00	0,6197294	0,746492
RP11-474N24.6	2,09	0,73	0,72	0,44	0,619731	0,746492
SEPT1	1,67	1,23	0,94	1,73	0,6198442	0,746575
SERPINA10	2,02	1,17	2,18	0,83	0,6198674	0,746575
MIR597	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6199433	NA

RP11-142J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6199435	NA
RP11-1250I15.1	2,04	0,00	1,17	0,00	0,6199644	0,746652
ANPEP	3,09	3,19	3,87	3,27	0,6200414	0,746704
RP1-137K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,620155	NA
KB-1836B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6201748	NA
TBC1D21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6201992	NA
FAM156B	2,72	2,65	2,95	1,04	0,6202423	0,746868
RP11-493K19.3	2,52	0,55	2,66	1,47	0,6202452	0,746868
RP11-63A11.2	0,00	0,06	0,06	0,17	0,6204805	0,747094
RP11-792A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6204845	NA
ABCB7	4,95	4,15	4,27	3,43	0,6204994	0,747094
RP11-16C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6206001	NA
MME	0,15	0,22	0,19	0,97	0,6206936	0,747287
TRIML1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,620719	NA
GGTLC2	0,00	0,20	0,00	0,00	0,6207371	NA
RP3-406P24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6209036	NA
HCG24	0,24	0,77	0,30	0,00	0,6209266	0,747527
RPL39P38	0,00	0,00	0,00	0,00	0,62098	NA
RN7SL508P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6209805	NA
LDHAL6B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6210258	NA
RP1-59B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6210269	NA
RAD50	4,43	3,14	3,77	2,78	0,6210403	0,747597
NUDT9	3,25	2,44	3,01	3,76	0,6210521	0,747597
RP11-62J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6211245	NA
IGLV3-21	0,00	0,32	0,00	0,00	0,6211399	0,747662
RNU6-413P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6212345	NA
RP11-16B9.1	4,50	2,53	2,22	1,54	0,6212844	0,74778
AC074389.9	0,00	1,59	0,00	0,00	0,6213047	0,74778
MIR933	0,00	0,00	0,00	0,00	0,62132	NA
RP11-450H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,621422	NA
RN7SL34P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6214306	NA
UNC13B	0,00	0,00	0,01	0,10	0,6214707	0,747939
ANKS1A	1,50	1,35	1,07	1,99	0,6215328	0,74794
CXorf56	2,37	1,60	2,51	1,89	0,6215623	0,74794
RP11-535A19.1	0,00	1,57	0,00	0,00	0,621573	0,74794
AC010907.3	3,48	3,83	3,08	2,72	0,6217588	0,748123
AFF4	5,06	4,11	4,53	3,81	0,6218829	0,748232
BOLA2B	4,14	3,96	4,37	4,57	0,6219948	0,748326
RP11-241F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6220681	0,748374
RP11-24P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6221103	NA
LA16c-306E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6221654	NA
TMEM189-UBE2V1	0,14	0,15	0,00	0,00	0,6222219	0,748512
RN7SL385P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6222546	NA
ZNF28	2,95	2,69	2,72	2,37	0,6222926	0,748512
AMIGO3	0,00	0,00	0,00	0,16	0,6222951	0,748512
TET1	0,04	0,01	0,01	0,02	0,622329	0,748512
TMED4	5,68	5,53	5,25	4,98	0,6223509	0,748512
AC147651.4	3,50	5,00	2,66	3,56	0,6223928	0,748522
FUT8-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6224181	NA
STIP1	4,73	4,13	4,08	4,85	0,622509	0,748606
TP53TG1	4,35	4,17	4,29	1,78	0,6225301	0,748606
CTC-425O23.2	0,00	0,00	0,00	0,09	0,6225347	NA
MGAT4D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6225741	NA
RP11-552F3.4	0,00	0,20	0,00	0,00	0,6226206	NA
CTD-3162L10.1	0,18	0,59	0,01	0,64	0,6227039	0,748756

TRBJ1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6227072	NA
RP11-192H23.5	0,00	0,00	0,41	0,00	0,6227205	NA
NDUFS3	7,43	7,30	7,11	6,73	0,6227395	0,748756
RP11-77K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6227562	0,748756
AL121652.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6227563	NA
RNU7-152P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6227902	NA
CHAC2	0,09	0,00	0,00	0,00	0,6228178	0,748779
RP11-454H13.6	0,00	0,48	0,00	0,00	0,6228426	0,748779
TAPBP	6,32	6,03	6,40	5,92	0,6230414	0,748977
RP11-310A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6230616	NA
PCDH10	0,06	0,03	0,05	0,03	0,6230999	0,749001
TAF4B	0,87	0,00	0,78	0,87	0,6231283	0,749001
RP3-522P13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6231879	0,74903
OR2AG1	0,24	0,23	0,29	0,12	0,6232197	0,74903
RNASP452	0,00	3,40	0,00	0,00	0,6232559	NA
RP11-4B16.4	2,32	2,37	1,51	0,69	0,623267	0,749046
CTB-181H17.1	0,28	0,43	0,46	0,82	0,6233273	0,749075
HNFB1A-AS1	1,99	1,95	1,97	1,35	0,6233593	0,749075
ZNF689	1,78	1,06	0,40	1,25	0,6233978	0,749075
API5	5,24	4,68	4,02	4,40	0,6234256	0,749075
RP4-791M13.3	0,15	0,39	0,04	0,22	0,6235905	0,749232
RNU6-1157P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6236028	NA
NUBP2	5,24	5,99	4,99	3,03	0,6237023	0,74928
RP11-473M20.9	2,75	3,73	3,80	4,11	0,6237092	0,74928
RP11-69L16.5	1,08	1,20	1,16	1,05	0,6237458	0,74928
RN7SL615P	1,40	0,00	1,23	0,88	0,6237951	0,74928
RP11-156P1.2	0,68	0,00	0,58	0,90	0,623799	0,74928
PDK1	2,81	2,72	2,44	0,82	0,6239604	0,749434
AC132008.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6239787	NA
ACO12506.4	0,00	0,00	0,00	0,28	0,6240169	NA
RP11-72H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6240253	NA
ACO34228.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6241164	NA
RN7SL850P	0,00	0,00	0,00	1,08	0,6241935	NA
CTD-2542L18.1	0,58	0,61	0,45	0,41	0,6244266	0,749933
RP11-328P23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6244279	NA
AF129075.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,624515	0,749933
POLR3K	4,61	3,85	4,18	3,61	0,6245242	0,749933
GALE	3,80	2,38	4,13	1,12	0,6245324	0,749933
RP1-140C12.2	0,09	0,17	0,10	0,09	0,6245446	0,749933
RPL31P52	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6246531	0,750022
RAB23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6247539	0,750103
RP11-493G17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6247745	NA
RP11-460B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6249256	NA
RP5-1101C3.1	0,00	0,00	0,00	0,51	0,6249296	0,750273
RP11-24C3.2	0,35	0,94	0,42	0,36	0,6250015	0,750319
RP11-557H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6250029	NA
RP11-631M6.1	0,00	0,00	0,05	0,00	0,6250331	NA
MALAT1	12,69	12,27	12,48	12,42	0,6250622	0,750322
EMC1	3,73	2,53	3,24	2,85	0,6251	0,750322
RNU5B-1	2,32	3,78	2,49	4,09	0,6251051	0,750322
CTD-2231E14.8	4,72	4,91	4,00	3,80	0,6251916	0,750375
OR55B1P	0,42	0,53	0,17	0,05	0,625241	0,750375
RP11-213G2.3	0,29	0,00	0,17	0,20	0,625251	0,750375
RP11-1078H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6252569	NA
RP11-419P8.1	0,10	0,00	0,12	0,00	0,6253114	0,750386

NOV	0,00	0,29	0,00	0,00	0,625327	0,750386
RP11-141I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6254695	NA
IGSF6	7,20	6,99	7,05	6,83	0,6254752	0,750523
CTD-3193K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6254762	NA
CTD-2194F12.1	0,52	0,54	0,44	0,49	0,6255476	0,750569
TTC5	3,58	1,89	3,30	2,57	0,625582	0,75057
ZFR2	0,09	0,94	0,23	0,43	0,6257039	0,750676
PLEKHA6	0,05	0,36	0,10	0,15	0,625777	0,750723
RP11-889L3.1	0,33	0,59	0,34	0,56	0,6258098	NA
CTA-747E2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6258691	NA
DUXAP7	0,47	1,03	0,56	0,26	0,6259436	0,750861
RP11-419L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6259624	0,750861
CCSER2	4,32	4,04	3,63	3,78	0,6259936	0,750861
PDCD11	2,71	2,56	2,31	2,83	0,6260683	0,75091
RP11-322D14.2	0,00	0,00	0,00	0,23	0,6260995	NA
RP11-467C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6261294	NA
RP11-669M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6261791	NA
C15orf40	4,55	5,36	4,59	5,03	0,6262654	0,751106
AC083949.1	0,00	0,52	0,00	0,26	0,6264747	0,751278
SMG6	2,21	2,95	2,67	3,68	0,6264763	0,751278
IL6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6264869	NA
RP11-315J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6265816	NA
KIF2C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6266884	NA
RP11-231E4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6267917	0,751568
AC018816.4	1,26	1,37	1,29	1,45	0,6268091	0,751568
RP11-493P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6268196	0,751568
PMS2	2,04	2,25	1,60	0,30	0,6269081	0,751578
ERP29	6,42	6,56	6,42	5,33	0,6269231	0,751578
AP001271.2	1,48	0,20	0,96	0,81	0,6269292	0,751578
RP11-118B22.2	0,23	0,06	0,13	0,10	0,6270977	0,751739
CH17-80A12.1	0,11	0,24	0,20	0,29	0,6271926	0,751812
RP3-355L5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6272259	NA
RP5-965G21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6272506	NA
VPS25	6,39	5,73	6,17	5,56	0,6272694	0,751864
RP11-79E3.3	0,00	0,06	0,00	0,00	0,6272855	NA
CTC-534A2.2	1,17	4,04	0,27	0,71	0,6273382	0,751906
TRIP10	2,21	0,74	1,70	1,91	0,6274301	0,751976
RP11-873E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6274517	NA
RP11-176F3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6275306	NA
MIR941-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6276162	NA
RP11-163O17.1	5,44	4,74	5,12	4,61	0,6277077	0,752268
RP13-614K11.1	0,05	0,04	0,07	0,08	0,6278501	0,752285
RCBTB1	2,61	2,73	2,81	1,04	0,6278744	0,752285
OTUB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6278805	0,752285
RP11-777B9.4	1,26	0,00	1,33	0,80	0,6278864	0,752285
LAMTOR5	7,63	6,92	7,10	7,30	0,6278912	0,752285
RP11-152K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6279249	NA
CTD-2231E14.5	0,00	0,00	0,34	0,87	0,6281525	0,752557
RPL29P19	0,43	0,46	0,55	0,00	0,6282891	NA
RP11-626G11.5	0,00	0,92	0,00	0,00	0,6283134	NA
AKAP11	2,64	0,84	2,12	1,93	0,6284557	0,75288
TAOK1	3,80	4,07	3,63	3,02	0,6285313	0,75293
RP11-92G12.3	1,14	1,66	0,89	0,81	0,6286529	0,753035
RP11-629N8.3	0,00	0,62	0,00	0,00	0,6287265	NA
RP11-337C18.8	0,49	0,12	0,57	0,28	0,6287334	0,753072

RP11-498P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6287412	NA
AC004985.13	0,52	0,45	0,78	0,79	0,6287558	0,753072
RP11-800A3.3	0,00	0,30	0,00	0,00	0,6288157	0,753072
SUSD5	0,08	0,18	0,03	0,05	0,6288193	0,753072
BLACE	0,12	0,00	0,21	0,21	0,6288661	0,753087
DIP2A	3,76	4,06	3,45	3,22	0,6289145	0,753105
RP6-24A23.7	0,03	0,05	0,02	0,05	0,6289722	0,753133
AC000095.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6290214	NA
RP11-8L8.2	3,84	3,24	4,11	0,72	0,6290339	0,753167
RP4-617A9.4	0,00	0,33	0,00	0,73	0,6291123	0,75322
RNU4-20P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6291234	NA
RP1-261D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6291652	0,753243
RP3-326I13.1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,6292072	NA
XXyac-YR21IF11.3	0,65	0,94	0,63	0,65	0,6292276	0,753243
RP11-706D8.2	0,05	0,14	0,08	0,13	0,6292331	0,753243
RP11-479O17.12	0,18	0,15	0,10	0,24	0,6292718	0,753249
AWAT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6292797	NA
AP000469.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6293491	NA
CTBP2	4,78	3,84	4,96	4,07	0,6294789	0,753456
AC003005.2	0,57	1,00	0,37	0,51	0,6295619	0,753515
OAS2	4,66	2,88	4,43	4,31	0,6297482	0,753678
RP11-277A4.4	0,97	1,45	0,72	1,44	0,6297664	0,753678
IL10RB	5,83	5,45	5,38	5,72	0,6298308	0,753715
RP11-409I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6298974	NA
RP11-276H19.1	0,00	0,09	0,00	0,04	0,6299351	0,753799
HIST1H2BH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6299819	0,753814
OR4K8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6300137	NA
SLC7A11	0,17	0,10	0,10	0,20	0,6300309	0,753832
AC005785.5	1,36	0,41	0,50	1,26	0,6302408	0,754043
TCP10	0,00	0,24	0,00	0,00	0,6303185	NA
SLC38A3	0,00	0,00	0,31	0,00	0,6303461	NA
RP11-284N8.3	0,11	0,26	0,08	0,22	0,6303736	0,754161
RN7SL190P	1,02	1,01	1,15	1,60	0,6304351	0,754193
ZNF766	2,83	1,84	2,94	2,76	0,6304677	0,754193
RP11-458I7.1	0,00	0,21	0,00	0,00	0,6304723	NA
TMEM175	4,09	3,37	3,80	3,07	0,6305392	0,754238
RP11-182I1.13	0,00	0,13	0,00	0,00	0,6307406	NA
RP11-292E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,630867	NA
ACO1	0,27	0,47	0,74	0,39	0,6308713	0,754552
RP11-876K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6308739	0,754552
RP11-348P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6308951	NA
FAM104B	3,56	0,94	3,01	2,63	0,6309038	0,754552
RN7SKP248	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6309417	NA
C17orf67	0,24	0,26	0,23	0,08	0,6310353	0,754669
SDHA	5,51	5,60	5,28	4,44	0,6311152	0,754723
AC016745.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6311678	NA
RP11-290F5.2	0,12	0,00	0,09	0,12	0,6312135	0,754769
METTL5	5,28	5,99	5,34	3,46	0,6312214	0,754769
THG1L	3,80	2,22	3,32	1,41	0,6312957	0,754817
RNU6-539P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6313371	NA
RN7SL840P	0,89	0,93	1,14	1,33	0,6314068	0,75491
CNBD2	3,93	5,23	3,93	1,13	0,6315946	0,755038
LTBP4	2,96	4,29	3,62	1,62	0,6316003	0,755038
RCAN3	2,66	2,05	1,85	1,61	0,6316158	0,755038
FIGNL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6316281	NA

AC079922.3	0,00	0,07	0,00	0,00	0,6316767	0,75507
RP11-11N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6317516	NA
CR1L	0,00	0,28	0,00	0,00	0,6317794	NA
LGALS3	7,56	7,51	7,62	7,37	0,6317827	0,755156
RP11-501J20.2	0,00	0,22	0,06	0,00	0,6319322	0,755294
RP11-505D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6319536	NA
AC016629.8	1,18	1,25	1,94	1,78	0,6319705	0,755299
AC131180.4	0,00	0,76	0,00	0,00	0,6320305	NA
ZNF75A	4,34	5,04	4,90	4,33	0,6321782	0,755506
CSMD2	0,13	0,54	0,07	0,11	0,6322111	0,755506
AC007131.1	0,05	0,00	0,00	0,06	0,6322716	NA
RNY3P13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,632309	NA
HINT3	2,73	2,49	2,87	2,66	0,632372	0,755634
SCN3B	0,77	0,44	0,51	0,82	0,6323882	0,755634
RP11-479O17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6324184	NA
PXK	4,42	2,94	3,94	3,79	0,6324206	0,755634
AC068718.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6324965	NA
SRCAP	1,59	1,87	1,39	0,83	0,6325618	0,755762
RP11-42I10.1	0,00	0,28	0,16	0,27	0,6325711	NA
B3GNT7	2,80	0,31	2,42	0,32	0,632661	0,75584
RP11-347C12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6327638	NA
CTD-2021K4.1	5,37	3,15	4,97	4,78	0,6329682	0,756146
AP000692.9	2,66	0,84	3,41	3,42	0,6329851	0,756146
AP006621.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6329919	NA
RP11-402B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,633186	NA
GSKIP	3,07	1,18	1,27	0,33	0,633231	0,756364
AC098824.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6332585	NA
RP11-705O3.1	0,61	1,52	0,95	1,23	0,6332637	0,756364
TBL3	3,61	2,71	3,58	3,24	0,6332901	0,756364
ADCK1	2,12	2,78	1,98	1,34	0,6333035	0,756364
RP11-96H19.1	1,73	0,00	0,88	0,09	0,6333712	0,756396
KCNK13	0,00	0,10	0,06	0,00	0,633399	0,756396
ARFGAP2	5,61	4,88	5,01	4,25	0,6335104	0,756489
FAM222A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6335767	NA
AC009961.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6336109	0,756568
RP11-467L19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,633659	NA
SLC46A3	3,60	2,22	3,40	3,13	0,633703	0,756637
AC008440.5	0,00	0,64	0,00	0,00	0,6337404	NA
RNU6-748P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6337468	NA
RP11-297A16.4	0,00	0,16	0,00	0,59	0,6340039	0,756949
SKINT1L	0,00	0,56	0,24	0,00	0,6340319	0,756949
IFT74	3,35	1,93	3,78	3,49	0,6341176	0,75701
RP5-1031D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6341845	NA
RP11-268P4.6	1,53	0,96	1,32	0,91	0,6341849	0,75705
PUDP	3,67	5,18	3,48	2,24	0,6342426	0,757078
ATOH8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6344385	0,757272
CT45A8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6344974	NA
RP4-635E18.9	0,34	2,00	0,18	0,00	0,6345716	0,757349
RP11-609L23.1	0,10	0,00	0,20	0,55	0,6345882	0,757349
COG3	3,36	4,30	4,06	3,07	0,6346059	0,757349
RP11-657O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6346881	NA
RP11-408H20.3	0,00	0,16	0,00	0,00	0,6347262	NA
ERP44	4,56	4,15	4,26	3,75	0,6347293	0,757456
RP11-15E18.5	0,00	3,20	0,00	0,00	0,6348126	0,757515
RN7SL523P	0,00	0,00	0,37	0,00	0,6348547	NA

CTD-2547L24.4	0,00	0,00	0,00	0,46	0,6348717	NA
CXXC1	4,55	4,66	5,11	3,62	0,6348913	0,757568
RAB35	1,86	1,11	1,34	1,05	0,6349455	0,757581
ACO04878.8	0,00	0,00	0,00	1,56	0,6350225	NA
RP11-81H14.1	0,13	0,11	0,17	0,13	0,6350255	0,757581
SENP2	3,86	3,80	2,98	3,74	0,6350336	0,757581
LSS	0,41	0,62	0,81	0,58	0,6350611	0,757581
CTB-113D17.1	1,82	1,47	2,24	1,25	0,6350724	0,757581
MT1G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6350959	NA
ACO13474.4	0,27	0,39	0,31	0,32	0,6351409	0,757622
AFG3L2	4,20	4,67	3,84	2,59	0,6351918	0,757639
RP11-337N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6352669	0,757639
RP11-317M11.1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,6352846	NA
RP11-380N8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6353099	0,757639
CTD-2020K17.4	0,00	0,00	0,00	0,15	0,635319	0,757639
RNU6-430P	1,57	4,55	4,69	5,07	0,6353256	0,757639
RP11-34C15.2	1,03	0,00	0,55	0,49	0,6353877	0,757672
RP11-344A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6354083	NA
ACO06978.6	5,45	5,98	5,81	4,98	0,6354683	0,757717
RP11-77K12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6354938	0,757717
DDX50	4,62	3,47	4,13	3,51	0,6356468	0,757859
RP11-298P6.1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,6357376	NA
URM1	3,57	2,99	3,26	2,73	0,6357381	0,757927
ZNF221	0,00	0,06	0,06	0,00	0,6357428	NA
MT-TT	4,38	5,07	4,17	4,69	0,6358799	0,758033
RN7SL381P	0,00	1,34	0,00	0,00	0,6358952	0,758033
RP11-977G19.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,63595	NA
RP11-165M1.1	0,13	0,09	0,72	0,50	0,636028	0,758151
RP4-654C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6360287	NA
MED28	4,88	4,07	4,47	3,57	0,6360875	0,758181
PRCD	0,00	0,04	0,00	0,00	0,6361046	NA
RP11-115D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6361297	NA
RP11-38C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6361348	NA
RP1-89D4.1	0,00	0,00	0,00	0,55	0,6361788	NA
KDM4A	1,68	0,46	1,62	2,63	0,636208	0,758284
RP11-429P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6362417	NA
ACO09005.2	2,21	0,00	1,63	0,00	0,6362756	0,758324
FAM215A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6363423	0,758363
RP11-263K19.4	0,00	0,60	0,00	0,00	0,6364738	NA
RP5-901A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6365679	0,758552
C3	1,73	1,90	2,03	1,73	0,636569	0,758552
RP11-598F7.4	0,06	0,00	0,05	0,00	0,6366146	0,758565
RP11-443N24.2	0,00	0,00	0,00	0,21	0,6367102	NA
ACO02044.1	0,31	1,10	0,88	2,10	0,6367113	0,75864
ACO03029.1	5,04	5,99	5,11	5,01	0,6368062	0,758712
RP11-51A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6368128	NA
MST1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6368326	NA
C3orf49	0,21	0,24	0,31	0,28	0,636859	0,758727
ACO06486.10	0,10	0,25	0,24	0,58	0,6368872	0,758727
CTD-2293H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6369813	NA
RP11-43N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6370186	NA
UPF3B	3,58	2,20	3,58	2,95	0,637028	0,758835
RP11-661A12.12	0,87	1,07	1,07	1,30	0,637098	0,758835
TMF1	4,08	3,41	3,75	4,08	0,6370989	0,758835
DZANK1	1,10	0,70	0,87	0,78	0,6371145	0,758835

C11orf21	3,86	3,04	3,79	4,30	0,6371759	0,758868
RP11-173P15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6371808	NA
RP13-753N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,637398	0,759073
SEC31B	3,82	3,50	4,08	3,27	0,6374304	0,759073
RP11-165H20.1	0,00	0,00	0,00	0,24	0,6374504	0,759073
RP11-479G22.8	0,06	0,00	0,00	0,00	0,6375268	0,759103
KTI12	3,20	1,13	2,13	0,51	0,6375438	0,759103
RTP1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,637574	NA
SCAANT1	0,00	0,00	0,00	0,95	0,637638	0,759162
AMPD3	2,01	3,24	1,90	2,61	0,6376623	0,759162
RNU6-50P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6377728	NA
RN7SL471P	0,00	0,82	0,00	0,00	0,6377731	NA
MYBPC2	0,00	0,04	0,00	0,03	0,6378761	0,759376
RP5-1010E17.2	0,05	0,23	0,10	0,12	0,6379889	0,75947
RANBP17	2,91	3,01	2,95	3,17	0,6380953	0,759556
SPOP	6,59	4,93	6,35	5,99	0,6381646	0,759588
WNK3	0,02	0,01	0,02	0,02	0,6381908	0,759588
AP000925.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6381912	NA
XX-CR54.1	0,00	1,45	0,96	0,23	0,6382584	0,759628
RP11-348J12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6384292	NA
ARRDC1	5,61	5,13	5,74	4,88	0,6384588	0,759793
GIT2	5,58	4,31	5,49	4,88	0,6384657	0,759793
RP11-474P2.4	0,00	0,35	0,00	0,00	0,6385367	NA
PSTK	2,56	0,53	1,02	0,20	0,6385749	0,759829
MAP7D2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,638594	0,759829
RHOH	1,71	1,94	1,95	2,31	0,6385983	0,759829
RABL2B	3,10	1,19	2,95	2,21	0,6386451	0,759842
RNU6-101P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6386776	0,759842
MS4A5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6387184	NA
RN7SKP192	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6387221	NA
NQO1	0,06	0,00	0,06	0,41	0,6388077	0,759956
SCARNA12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6388299	NA
RP11-578O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6389988	NA
RNU6-628P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6390531	NA
KIAA0232	2,38	3,65	2,52	1,12	0,6390753	0,760204
RP1-261G23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6390955	NA
CPSF1	5,61	3,43	5,19	4,76	0,6391521	0,760204
CTC-563A5.2	0,83	0,00	0,00	0,61	0,6391655	0,760204
APOBR	3,78	1,29	3,63	3,70	0,6391772	0,760204
CTD-2196E14.9	3,96	3,55	3,45	3,99	0,6391869	0,760204
PGM5P4-AS1	0,96	2,12	1,35	1,64	0,6392801	0,760274
MIR1268A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6393589	NA
RP11-85K15.3	0,56	0,78	1,12	0,55	0,6394123	0,760354
CTD-2284O10.1	0,34	0,44	0,23	0,20	0,6394491	0,760354
AD001527.7	2,88	0,00	1,96	2,21	0,6394504	0,760354
RP11-125M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6394666	NA
CTC-559E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6395238	0,760401
FGF18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6395829	NA
RP1-256G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6395949	NA
HKR1	3,35	3,37	3,46	2,35	0,6397014	0,760566
CUL5	5,42	4,17	5,34	5,42	0,6397309	0,760566
C22orf15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6397634	NA
RNVU1-7	0,00	0,00	0,00	1,66	0,6398751	0,76066
ZNF717	1,06	0,23	1,75	2,66	0,6398785	0,76066
CTD-2537I9.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,640091	NA

C17orf51	0,40	0,44	0,45	0,35	0,6401073	0,760802
RP11-26L16.1	0,49	0,00	1,47	1,16	0,6401191	0,760802
CCDC14	3,48	2,17	2,85	2,92	0,6401428	0,760802
RP11-91K9.1	0,00	0,60	0,35	0,38	0,640155	0,760802
RP11-1299A16.3	0,02	0,00	0,00	0,05	0,6401693	0,760802
FZD5	0,02	0,06	0,03	0,02	0,6402409	0,760847
DHRS12	2,82	1,47	2,14	2,92	0,6404027	0,760998
RP11-361D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6404253	NA
RP11-408I18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6405104	NA
AC000111.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6405144	NA
RAB18	5,78	4,68	5,02	5,17	0,640577	0,761115
ZNF468	2,01	1,28	2,24	0,68	0,6405985	0,761115
ARHGEF35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6406715	0,761195
JPH4	0,00	0,00	0,00	0,13	0,6407057	0,761195
PTRH2	4,12	1,99	3,43	3,30	0,6408869	0,761336
RP11-758M2.1	1,19	1,80	0,76	1,12	0,6408924	0,761336
AC009963.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6410073	NA
PRMT2	6,70	6,55	6,58	6,58	0,6410906	0,761493
C11orf45	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6410935	0,761493
AL121656.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6411232	NA
TDGF1	0,14	0,26	0,22	0,25	0,6411318	0,761498
RP11-204C23.1	0,00	0,00	0,00	0,69	0,6411592	NA
RP1-273N12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6412971	NA
RP11-332H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6414305	NA
RP11-259G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6414319	NA
RP11-68I3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6414467	NA
DHRS13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6414531	0,761839
THOC1	4,75	3,86	4,42	5,16	0,6414947	0,761848
C17orf53	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6417345	NA
CTD-2650P22.2	0,00	1,03	0,00	0,00	0,64175	NA
PCGEM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6418731	NA
RN7SL282P	0,70	0,85	0,76	0,00	0,6419772	0,76238
ZNF532	3,26	3,59	3,03	2,46	0,6420541	0,762395
RNF122	0,31	0,92	0,43	0,90	0,6420584	0,762395
CTC-523E23.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6420995	NA
IGHV5-78	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6421447	NA
RN7SL788P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6422471	NA
ZNF155	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6422523	0,762585
RN7SKP195	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6423122	NA
RP11-398I13.1	0,29	0,10	0,36	1,25	0,6424405	0,762767
RP1-297M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6425095	NA
RN7SL608P	0,39	1,88	1,16	2,09	0,6426234	0,762944
RN7SL690P	1,61	1,55	0,85	2,08	0,6426586	0,762945
CASC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6426751	NA
AC133785.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6427131	NA
EPRS	4,65	4,80	4,20	3,75	0,642776	0,763043
RP11-307C12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,642792	NA
MTMR14	6,30	6,64	5,74	5,28	0,642838	0,76305
CDKL3	1,69	2,10	0,96	1,10	0,6428774	0,76305
ADH1B	0,02	0,19	0,07	0,16	0,6429043	0,76305
RP11-503N18.5	0,93	2,47	1,31	1,03	0,6429366	0,76305
RP4-569M23.5	0,06	0,07	0,14	0,11	0,6429732	0,76305
PRKCG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6430572	0,76305
HES1	0,00	0,00	0,00	0,09	0,6430614	0,76305
CDC45	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6430803	0,76305

SMUG1	4,38	0,86	4,79	3,67	0,643091	0,76305
RN7SL636P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6431708	NA
RP11-278C7.4	1,20	2,11	0,00	1,00	0,6431879	0,763125
RP11-218E20.3	0,38	0,71	0,53	0,87	0,6432405	0,763146
RP11-439L18.3	0,00	0,06	0,00	0,05	0,643341	NA
AC073842.19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6433499	NA
CTD-2201E18.5	1,10	1,02	0,73	1,07	0,6433547	0,763241
RP11-466A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6435372	NA
RP11-736K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6436119	NA
NEIL2	1,51	0,47	0,68	0,68	0,6436878	0,763596
RP11-315O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,643781	NA
SNORD94	0,00	0,00	0,00	0,00	0,643808	NA
NRN1L	0,00	0,00	0,00	0,25	0,6439282	0,763764
RP11-35G9.5	2,62	3,97	2,88	2,55	0,6439368	0,763764
RPAIN	5,44	5,27	5,01	4,50	0,6439659	0,763764
EDEM3	3,66	2,25	3,32	2,78	0,6439676	0,763764
RP11-553P9.3	0,00	0,00	0,00	0,26	0,6441026	NA
RP11-17H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6441295	NA
CCDC51	0,71	0,44	1,61	2,48	0,6443318	0,764138
RN7SL733P	0,50	0,73	0,11	0,00	0,6443514	0,764138
LIME1	0,85	1,14	1,25	0,97	0,6443898	0,764143
TBC1D3D	0,00	0,09	0,00	0,00	0,6444756	NA
RP11-1228E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6445853	NA
RP11-466I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6446344	NA
CH507-9B2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,644668	NA
RP11-77H9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,644681	NA
TRGV10	0,00	0,40	0,00	0,00	0,6446969	NA
RP11-716D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6446973	NA
AC007796.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6447734	NA
RBM14-RBM4	2,82	0,10	3,47	2,65	0,6448583	0,764568
LINC00960	1,22	0,85	1,15	1,57	0,6448623	0,764568
SLC36A4	2,50	2,67	2,08	3,03	0,6448959	0,764568
C12orf4	3,66	3,68	3,59	2,31	0,6449146	0,764568
RP11-123C21.2	3,76	2,58	3,09	1,04	0,6449203	0,764568
MIR4530	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6449557	NA
CTC-471F3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,644958	NA
ZNF597	0,11	0,02	0,04	0,03	0,6450475	0,764678
RNU6-606P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6451766	NA
RP11-594N15.2	0,00	0,68	0,00	0,00	0,6452583	0,764848
DRAXIN	0,19	0,32	0,28	0,35	0,6452598	0,764848
SNORD56B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6453457	0,764876
VCP1P1	2,79	0,88	2,37	2,05	0,6453886	0,764876
PLAUR	7,70	7,49	8,03	7,60	0,6454133	0,764876
RP11-10N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6454213	0,764876
RN7SL220P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6454282	NA
RP11-322E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,64553	NA
C12orf54	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6455905	NA
CTC-360P9.4	0,00	1,48	0,16	0,08	0,6455958	0,765012
CDC26	6,26	5,24	5,73	5,39	0,6456049	0,765012
RNU6-987P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6456077	NA
RP11-295G24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6456254	NA
RP11-512F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6456394	NA
AC105396.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6456523	NA
CTC-250P20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6456528	NA
ATP5O	8,59	8,35	8,52	7,85	0,6457073	0,765093

RP11-470H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6457777	NA
PTPN1	4,07	4,30	3,91	3,34	0,6458264	0,765193
PEPD	4,92	5,76	5,18	4,83	0,6459257	0,76527
RP11-71L14.4	0,42	0,49	0,64	0,54	0,645998	0,765315
C5orf27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6460007	NA
RP11-380D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,646019	NA
RP11-16O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6460265	NA
RP11-392M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6461795	NA
FAM64A	0,35	0,79	0,84	0,97	0,6461912	0,765484
TMEM51	0,00	0,00	0,27	1,46	0,6462093	0,765484
GNB5	3,28	1,44	2,41	1,85	0,6462635	0,765507
RP11-405A12.2	0,00	0,27	0,00	0,00	0,6462928	NA
NOLC1	4,59	4,30	4,27	4,26	0,6463272	0,765537
OSCP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,646358	0,765537
RFLNB	2,11	1,21	1,49	1,64	0,6464351	0,765588
C14orf28	0,10	0,05	0,11	0,14	0,6465051	0,76563
TMA16	4,33	4,81	4,12	4,36	0,6466836	0,765801
RNU7-28P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6467212	NA
CTD-2538G9.6	1,25	2,36	0,95	1,87	0,646883	0,765996
RP11-667F14.1	0,12	0,79	0,44	0,12	0,647	0,766003
RP11-755B10.3	0,11	0,71	0,32	0,29	0,6470042	0,766003
SYNDIG1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6470433	NA
RLIM	3,86	2,51	2,88	2,93	0,6470439	0,766003
STAP2	1,12	0,69	1,11	0,49	0,6470806	0,766003
HAPLN4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6471099	NA
RP5-1112D6.8	0,90	0,68	0,64	0,58	0,6471457	0,766003
RP11-3D4.3	0,96	0,32	0,52	0,71	0,6471477	0,766003
AC093495.4	2,21	2,17	2,37	3,52	0,6471552	0,766003
U82695.5	0,00	0,05	0,00	0,00	0,6471574	NA
OR2A3P	0,00	0,00	0,14	0,08	0,6471719	0,766003
FUT7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6471996	0,766003
CXorf40A	4,80	3,85	5,26	4,10	0,6472514	0,766024
C14orf80	0,21	0,98	1,32	1,50	0,6474224	0,766183
PCF11	5,06	4,16	4,42	4,74	0,6474937	0,766183
NCK2	2,24	2,36	1,35	1,80	0,6475757	0,766183
NR3C2	0,00	0,05	0,00	0,07	0,6475806	0,766183
EFNA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6476036	NA
RP4-669L17.4	3,15	4,23	3,78	3,89	0,6476234	0,766183
RP1-101D8.1	0,15	0,48	0,25	0,32	0,6476256	0,766183
NOS3	0,76	0,94	0,41	0,56	0,6476272	0,766183
AC027601.1	0,00	0,03	0,00	0,00	0,647672	NA
AC074367.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6477266	NA
CTC-232P5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6477465	NA
RP5-1091N2.9	4,92	2,61	3,95	2,47	0,6478343	0,766387
RC3H2	4,45	4,24	3,77	3,92	0,6478734	0,766393
SUMF1	4,87	3,86	4,20	4,11	0,6480178	0,76647
PCDHB19P	0,00	0,05	0,00	0,00	0,6480226	NA
RP4-621B10.8	0,00	0,23	0,10	0,10	0,6480381	0,76647
KCNA3	0,04	0,15	0,05	0,00	0,648042	0,76647
LEFTY1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6481058	NA
TMCC3	1,17	0,15	1,62	1,33	0,6482466	0,766654
RP11-676I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,648267	0,766654
DMRTC1B	0,07	0,00	0,05	0,06	0,648403	NA
RP11-428B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6484354	NA
MECP2	3,78	4,45	4,29	4,59	0,6485544	0,766953

RPS3AP47	0,56	0,73	0,41	0,56	0,6486057	0,766973
RNU6-512P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,648613	NA
RN7SL173P	2,79	3,35	2,83	3,66	0,6487253	0,767044
GJD4	0,00	0,11	0,12	0,20	0,6487394	0,767044
LRRC43	0,00	0,40	0,00	0,00	0,6487805	NA
ARHGEF12	1,76	2,61	1,63	1,46	0,6487862	0,767044
PHKG1	0,72	1,05	1,05	2,00	0,6488035	0,767044
RP11-525K10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,648845	NA
FAF1	4,36	2,91	4,42	4,02	0,6488635	0,767074
MIR4481	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6489333	NA
C10orf82	0,33	0,38	0,20	0,39	0,6489995	0,767194
ZNF705C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,649115	NA
PXT1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,6491566	0,767335
RP11-268I9.2	0,00	1,53	0,59	0,09	0,6492116	0,767335
RP3-461F17.3	3,99	4,18	3,11	3,29	0,6492222	0,767335
CTD-2036P10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6492971	NA
OR52U1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6493291	NA
SNORD3E	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6493304	NA
MIR6877	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6493536	NA
RN7SL468P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6494255	NA
ADAM1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6494814	0,7676
CTD-2007L18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6495117	NA
MIR4802	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6497751	NA
RP1-20N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6497907	NA
RP11-274H24.1	0,00	0,00	0,01	0,06	0,6498092	NA
RP11-537P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6498144	NA
NME6	5,15	3,84	4,70	3,09	0,6498307	0,767972
RP11-397E7.4	0,00	0,14	0,00	0,00	0,6499199	0,768012
FSIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,649952	0,768012
TREX1	7,23	6,08	6,98	6,66	0,6499855	0,768012
RP4-734G22.3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,6500028	0,768012
RNA5SP302	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6501291	NA
MIF-AS1	0,10	0,13	0,10	0,00	0,6501614	0,768159
MTQ1	3,47	2,44	3,33	2,35	0,6503578	0,76835
RP11-533E19.2	0,00	0,53	0,00	0,00	0,6503742	NA
LOXL3	0,18	0,67	0,92	0,95	0,650413	0,768374
RP11-191G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6504254	NA
CTD-2583A14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6504754	NA
RBM26	3,94	3,61	3,52	2,64	0,650567	0,768516
ITPRIPL2	1,70	1,05	1,75	0,92	0,6506247	0,768543
RP11-321E8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6506938	NA
KLK15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6508548	NA
ABCA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,650876	NA
OR1AB1P	0,00	0,45	0,00	0,00	0,6508804	NA
PHF20	6,86	6,30	6,66	6,01	0,6508844	0,768801
RP11-543N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6508942	NA
RP11-154J22.1	0,48	0,49	0,44	0,83	0,6509177	0,768801
LRRTM4	0,78	0,66	0,59	1,61	0,6509472	0,768801
CTD-3195I5.4	0,00	0,96	0,00	0,00	0,6509986	NA
ZUFSP	3,72	2,10	3,05	2,48	0,6511012	0,768942
LRRC41	3,74	4,01	3,22	2,90	0,6511477	0,768956
SLC6A14	0,00	0,03	0,00	0,03	0,6512619	0,76905
RP3-439I14.1	0,07	0,16	0,26	0,23	0,6515263	0,769322
RP11-798G7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6515748	NA
RP11-995C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6515748	NA

RP11-169K17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6516682	NA
RP13-137A17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6516708	NA
PPARD	1,31	1,75	1,18	1,23	0,6517341	0,769526
RNF115	2,62	2,05	2,48	2,28	0,6517872	0,769536
UBE2Q2P2	2,80	2,32	1,00	1,64	0,6518116	0,769536
CEACAM5	0,00	0,05	0,00	0,05	0,6518212	NA
RP11-467L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6518652	NA
CTD-2104P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6518935	NA
RP11-181C21.5	0,00	0,00	0,00	0,52	0,6519046	0,769605
RP11-513G11.3	0,00	0,13	0,00	0,00	0,651936	NA
OR6N1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6519403	NA
USH1C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6519423	NA
RNA5SP455	0,00	0,00	0,00	0,00	0,651963	0,769633
RP11-203M5.2	0,00	0,00	0,00	0,68	0,6519873	NA
AF064858.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6520036	NA
RP11-386I8.5	3,03	3,23	3,50	3,31	0,6520766	0,769641
RNU6ATAC24P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6520807	0,769641
NCSTN	5,83	5,86	5,36	4,93	0,6520999	0,769641
KLHL24	4,99	5,33	4,89	4,42	0,6521086	0,769641
CTD-2369P2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6521303	NA
KCNH8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6522223	NA
ZHX1-C8orf76	0,00	1,11	0,36	2,70	0,652238	0,769753
GZMM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6522534	NA
RP11-463D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6523103	NA
RN7SL96P	1,32	1,66	1,25	0,78	0,6523633	0,769763
RP11-417F21.1	1,58	0,10	1,59	0,08	0,6523868	0,769763
AC000068.5	0,14	0,93	0,25	1,20	0,6523899	0,769763
TMPRSS11B	1,01	0,13	1,17	0,42	0,6524017	0,769763
MLH3	3,38	1,45	2,95	2,23	0,6524194	0,769763
BTBD8	0,00	0,69	0,08	0,24	0,6524548	0,769764
MCRS1	5,34	5,47	5,11	5,37	0,6525235	0,769804
RP11-805F19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6525934	NA
RP1-229K20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6526838	NA
AC112198.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6527151	NA
RNU4-34P	1,43	1,74	1,78	1,63	0,6527235	0,769999
RP11-707A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6527341	NA
CEP70	0,07	0,31	0,03	0,19	0,6527665	0,770009
TPTE2P6	0,63	0,24	0,39	0,04	0,6528116	0,770021
PPIAL4E	1,61	0,27	2,51	1,88	0,6529942	0,770196
PDZD4	0,00	0,00	0,00	0,08	0,6530018	NA
RN7SL868P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6530135	NA
RP5-1037N22.2	0,78	1,34	0,27	0,00	0,6531374	0,770324
RP11-611O2.1	0,00	0,00	0,55	0,60	0,6532818	0,770453
RP11-19E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6533403	0,770481
SLC45A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6533497	NA
ZFP69B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6533667	NA
RP11-893F2.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6534034	NA
C7orf60	1,22	0,31	1,63	2,12	0,6536882	0,770814
RP11-143E21.7	0,04	0,09	0,06	0,06	0,6536943	0,770814
CMP21-97G8.2	0,03	0,00	0,53	0,00	0,6537398	0,770814
RP11-556H2.1	0,34	0,76	0,65	0,65	0,6537615	0,770814
CYP2F1	0,00	0,00	0,00	0,10	0,6537886	NA
RTEL1-TNFRSF6B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6538033	NA
RN7SL769P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6538848	NA
RP11-252C15.1	0,00	0,00	0,00	1,18	0,6539088	0,770879

UFSP2	4,01	3,71	2,36	2,33	0,6539183	0,770879
RP11-449P15.1	0,08	0,26	0,28	0,00	0,6539201	0,770879
RP11-134G8.6	1,27	2,66	0,93	1,05	0,6539975	0,770929
HSP90AB4P	0,61	0,00	0,53	0,95	0,6540482	0,770948
RNA5SP280	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6542395	NA
ZCCHC10	4,81	4,20	3,94	4,27	0,6542981	0,771201
SYCE1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,654438	NA
RP11-159L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6546309	NA
ANKRD26P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,654666	NA
RP4-601K24.1	0,90	0,30	0,26	0,38	0,654703	0,771638
CDKL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6547367	NA
RP5-867C24.4	1,45	1,57	3,00	4,07	0,654852	0,771736
RN7SL791P	2,66	0,00	2,26	0,97	0,6548895	0,771736
CTA-797E19.1	0,00	0,98	0,00	0,50	0,6548901	0,771736
RP11-143M1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6549208	NA
RF02102	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6549888	NA
EIF4ENIF1	3,61	2,88	3,17	3,54	0,6549976	0,771821
RP11-475I24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6549984	NA
GS1-279B7.1	0,00	0,97	0,00	0,88	0,6551161	0,771863
SCARB1	3,66	1,56	2,67	2,53	0,6551628	0,771863
AMOT	0,04	0,05	0,00	0,00	0,6551824	0,771863
AC005519.4	0,14	0,00	0,10	0,21	0,6551938	0,771863
RP11-578F21.12	0,99	1,87	1,12	0,60	0,6552066	0,771863
ASIC4	0,27	0,12	0,30	0,22	0,6552704	0,771897
RP11-863P13.1	0,00	0,34	0,00	0,73	0,6553574	0,771959
SLC6A19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6553958	NA
AC000032.2	0,00	1,15	0,00	0,00	0,6554234	NA
AC009264.1	2,16	1,37	2,20	1,40	0,6554725	0,772053
RP11-522L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,655606	NA
DNAJB11	5,20	4,19	4,88	3,48	0,6556658	0,772229
RP11-112J1.1	0,00	0,00	0,00	0,60	0,6557104	NA
ZFYVE1	1,33	0,74	0,99	1,17	0,6557601	0,772229
RP4-765A10.2	1,88	0,00	0,00	0,00	0,6557613	0,772229
VPS41	5,89	6,15	5,94	5,40	0,6557903	0,772229
RP11-331F9.3	0,10	2,21	0,00	0,00	0,6558017	0,772229
IRF3	5,15	5,06	5,46	4,88	0,6558302	0,772229
AC012358.7	0,90	0,78	1,18	0,48	0,6558679	0,772233
RN7SL499P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6558815	NA
AC006030.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,655925	NA
RP11-802E16.3	4,37	3,98	4,94	4,89	0,6560234	0,772346
SNORD118	2,11	0,00	1,18	2,22	0,6560603	0,772346
LL22NC03-63E9.3	0,13	0,37	0,34	0,40	0,6560681	0,772346
RP11-677O4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6560876	NA
RNF169	1,14	0,26	1,14	0,23	0,6563034	0,772582
AC007787.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6563158	NA
RTKN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6563748	NA
RP11-81H3.2	1,60	1,63	1,10	1,12	0,6564434	0,772667
C4orf45	0,00	0,00	0,00	0,78	0,6564457	0,772667
MIR3134	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6564853	NA
RP11-752G15.6	2,37	4,41	1,74	0,00	0,6565156	0,772709
RP11-240E2.2	0,00	0,60	0,00	0,00	0,6566205	NA
RP11-434D2.2	0,00	0,84	0,00	0,00	0,656678	NA
AL157902.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6567549	NA
ABCC12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6568902	NA
AC019201.1	2,91	3,46	3,77	2,56	0,6569479	0,773169

ZNF678	2,42	2,39	1,31	1,41	0,6569759	0,773169
AP3B2	2,39	2,33	2,46	2,22	0,6570148	0,773174
RNU6-150P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6570834	NA
AC074092.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6570986	NA
POLD1	2,29	2,57	1,69	2,03	0,6572262	0,773381
NUP107	4,35	2,28	3,57	2,31	0,65734	0,773465
RP11-55L3.1	0,73	0,55	0,88	0,56	0,657367	0,773465
AC011516.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6573679	NA
CCDC59	5,46	5,38	5,65	4,84	0,6574448	0,773501
RP11-269F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,657467	0,773501
RP11-192H23.4	0,45	0,89	0,60	0,86	0,6575611	0,773571
RN7SL58P	0,00	1,09	0,00	0,00	0,6576118	NA
PREX1	4,70	4,05	4,92	4,58	0,6576714	0,773659
RN7SL306P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6578406	NA
SPRN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6578678	0,77385
RNA5SP131	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6579088	NA
PCDHGB1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6579382	NA
TRAV6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6579735	NA
PRR5-ARHGAP8	0,00	0,00	0,00	0,18	0,6579835	NA
NUDT5	5,97	4,12	5,77	5,79	0,6580383	0,773968
CNRIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6580461	NA
CALCOCO2	5,75	4,69	5,93	5,57	0,6580603	0,773968
VP53	3,66	3,32	3,17	2,50	0,6580727	0,773968
RP11-127L20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6582582	0,774145
LSMEM1	0,06	0,00	0,00	0,04	0,6584043	0,774276
NP1PA1	3,96	3,92	4,37	3,87	0,6584536	0,774292
LCP2	6,39	6,40	5,74	5,81	0,6584879	0,774292
RP11-357N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6585124	NA
CTD-2232E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6585813	NA
ETS2	4,74	4,92	4,78	4,74	0,6586482	0,774413
UHRF1	0,50	0,43	0,48	0,21	0,6586972	0,774413
CYTH2	3,63	2,45	3,10	1,87	0,6587662	0,774413
CENPO	0,63	0,48	1,28	0,62	0,6587752	0,774413
IFNA10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,658786	NA
ALG12	0,06	0,80	0,22	0,27	0,6588212	0,774413
CETN3	2,36	1,64	1,48	0,90	0,6588294	0,774413
GID4	1,35	1,45	1,38	1,04	0,658835	0,774413
PAK7	0,00	0,03	0,00	0,03	0,6588517	NA
HAS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6588649	NA
IST1	6,96	6,41	6,46	6,05	0,6589667	0,774527
SLC37A3	1,16	3,20	1,70	1,72	0,6590314	0,774562
RN7SL865P	0,37	0,00	0,00	0,95	0,659088	NA
SLC35F4	0,59	0,05	0,04	0,38	0,659096	0,774597
RP11-100M12.2	0,00	0,00	0,00	1,31	0,6592819	0,774667
C5	1,32	0,54	1,33	2,25	0,6592891	0,774667
RP11-416H1.2	0,34	0,34	0,39	0,45	0,6592976	0,774667
BSCL2	5,28	6,29	5,41	5,21	0,6593016	0,774667
RP11-211N11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6593294	NA
HIST1H2BB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,659353	0,774667
RP11-192H23.8	3,03	1,16	3,39	1,11	0,6593647	0,774667
PDILT	0,00	0,35	0,00	0,00	0,6593991	NA
FCRLA	0,14	0,00	0,00	0,00	0,6596019	0,774878
CRYBG2	0,00	0,27	0,00	0,68	0,6596137	0,774878
NUFIP1	1,19	0,87	0,94	0,35	0,6597015	0,77494
RP11-126O1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6597252	NA

TMEM134	5,50	5,57	6,04	5,52	0,6597529	0,77496
BX470102.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6598652	0,775015
SNX8	5,39	5,15	5,11	3,72	0,6598701	0,775015
MIR4263	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6599534	NA
RNA5SP217	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6600424	NA
RP11-98J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6602098	0,775373
GLS	5,67	5,54	5,73	5,82	0,6602687	0,775401
POLD4	6,90	6,42	6,51	6,57	0,6603513	0,775457
RN7SL478P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,660452	NA
ZNF727	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6604973	NA
SPSB3	4,79	5,40	4,84	5,03	0,6605173	0,775611
RP11-488L18.4	4,18	4,41	4,36	3,71	0,6606051	0,775659
AC093642.3	4,56	3,41	4,25	4,94	0,6606301	0,775659
SLC25A20	4,55	4,10	3,78	4,01	0,6606756	0,775659
PBX2	2,02	1,86	2,17	1,44	0,6606978	0,775659
RP11-373E16.4	0,76	1,52	1,28	1,00	0,6608477	0,775789
RP11-235E17.3	0,35	0,35	0,00	0,42	0,6608782	0,775789
CTD-3065B20.1	0,00	0,00	0,00	0,81	0,6609848	0,775873
RN7SL205P	0,79	0,93	1,04	1,37	0,6610898	0,775956
DENND5A	5,42	4,63	4,87	4,69	0,6611281	0,77596
MUC16	0,00	0,01	0,00	0,02	0,6613002	0,776121
ZNF32OS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6613462	NA
RNU6-20P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6613849	NA
RP11-642A1.1	0,59	1,49	1,43	1,28	0,6613876	0,776126
FAAH	2,87	2,39	1,99	2,64	0,6614092	0,776126
CCDC69	4,69	4,93	4,54	4,48	0,6614138	0,776126
SCARNA21B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6614183	NA
ANKRD20A3	1,10	2,11	1,37	1,60	0,6614443	0,776126
RP11-381K20.2	0,00	0,27	0,00	0,00	0,6614866	0,776135
CTD-2283N19.1	1,66	1,30	1,51	0,55	0,6615834	0,776207
RP11-157H10.4	0,00	0,00	0,00	0,09	0,6615966	NA
RP11-107F6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6616514	NA
ESPN	0,00	0,50	0,00	0,00	0,6617501	NA
DTD2	3,23	3,06	1,89	1,35	0,6617754	0,776391
OR6R2P	0,00	0,00	0,00	0,91	0,6618777	NA
AC093724.1	0,00	0,47	0,00	0,00	0,6618872	0,776482
GLRX5	2,77	2,28	2,95	3,04	0,6619527	0,77649
RAB34	6,18	6,89	6,17	6,26	0,6619645	0,77649
MESP2	0,00	0,25	0,00	0,00	0,6619987	NA
AC004988.1	0,07	0,10	0,10	0,00	0,6622755	NA
C4orf27	4,25	1,68	4,36	3,99	0,6622865	0,776803
RNF19B	3,53	3,36	3,54	3,34	0,6623332	0,776803
MPDU1	5,58	4,82	5,07	3,52	0,6623363	0,776803
RP11-111L24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6625117	NA
PDCD7	1,62	1,14	1,82	2,34	0,6626104	0,777041
WNK1	5,37	5,57	5,55	4,90	0,6626432	0,777041
ADGRG2	0,24	0,47	0,33	0,19	0,6626436	0,777041
EXOSC9	5,64	5,01	5,34	3,22	0,6627021	0,777068
TLK2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6627072	NA
RP5-1021120.2	1,40	0,82	1,26	0,82	0,6628003	0,777142
SCARNA16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6628211	NA
CTD-2023J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6628288	NA
NOL8	4,44	3,36	4,50	4,38	0,6628782	0,777193
RP11-1094M14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,662912	NA
OR5P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6630103	NA

IQGAP3	0,02	0,08	0,02	0,00	0,6630288	0,777294
ZBTB34	1,82	0,14	0,76	0,73	0,663034	0,777294
RP11-268G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6631006	NA
AC121253.1	4,17	4,12	4,21	3,95	0,6631307	0,777366
RP11-55L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6632359	NA
GOSR2	4,43	3,03	4,08	3,49	0,663269	0,777486
CTD-2349P21.7	0,00	0,00	0,00	1,88	0,6633033	0,777486
RP11-672A2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6634887	NA
RP11-18B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6634973	0,777673
HSD17B2	1,44	1,33	1,34	1,20	0,6636826	0,777813
DESI1	3,18	2,79	3,52	3,56	0,6636869	0,777813
RP11-638L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6637905	NA
OR10J2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6638041	0,777909
CDH13	0,92	0,95	1,30	1,11	0,6638956	0,777946
RP11-91P24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6639054	0,777946
RNA5SP190	0,00	0,00	0,00	0,00	0,663914	NA
RNU6-85P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6639711	NA
RP5-977B1.7	0,31	0,78	0,12	0,52	0,6640152	0,778033
AC064834.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6640664	NA
RP11-557N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6641097	NA
RP13-585F24.1	0,00	0,00	0,19	0,41	0,6642417	NA
MIR3671	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6642642	NA
BTBD2	3,26	3,92	3,14	2,06	0,6643875	0,778429
AC018634.9	0,00	0,00	0,00	1,00	0,664482	0,778476
RP11-654D12.3	0,00	1,57	0,00	0,55	0,6644977	0,778476
RP11-565N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6645753	NA
NT5CP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6645799	NA
MIR5585	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6646563	NA
CTA-211A9.5	4,53	0,67	3,89	2,41	0,6646753	0,778643
RBAKDN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6647325	NA
AC007000.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6647341	NA
OR51I1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6647355	NA
ZNF32OS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6647878	0,778733
RNA5SP283	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6649242	NA
AC093484.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6649312	NA
RP4-612B15.2	0,00	0,36	0,00	0,00	0,6650295	NA
TFPT	4,38	4,49	4,25	4,30	0,665053	0,779003
GRIP2	0,00	0,03	0,00	0,00	0,6651269	NA
AC104600.1	0,00	0,00	0,05	0,19	0,6651781	0,779108
BATF	3,90	1,36	3,78	2,79	0,6653186	0,77921
AC005363.9	0,00	0,00	0,58	0,00	0,6653353	0,77921
MUCL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6653968	NA
SLC17A8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,665457	NA
SAMD13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,665523	0,779389
AAMP	5,96	5,54	5,68	5,67	0,6656619	0,779511
RP11-226E21.4	2,99	1,06	1,39	2,06	0,6659631	0,779822
RP11-625B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6660246	NA
AC002553.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,666031	NA
RHBDL3	0,00	0,06	0,00	0,00	0,6660358	0,779866
LDLRAD4	5,36	2,77	5,13	3,65	0,6662013	0,779996
TSKU	0,39	0,85	0,34	0,74	0,6662166	0,779996
RP11-572M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6663033	NA
AC001226.2	0,42	0,44	0,51	0,24	0,6663255	0,780038
AC137934.1	1,67	1,55	1,27	2,25	0,66634	0,780038
MRPS26	5,12	6,35	5,07	3,04	0,6663917	0,780038

RP11-864N7.4	0,14	0,66	0,32	0,49	0,666393	0,780038
AC007381.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6664373	NA
TRIM27	4,45	4,95	4,47	4,69	0,6664803	0,780099
HIVEP1	3,19	2,37	3,19	2,53	0,6665517	0,780142
FGA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6666651	NA
CTD-2147F2.1	0,61	0,00	0,40	1,15	0,6666824	0,7802
RP11-341D18.3	0,71	0,00	0,34	0,33	0,6666853	0,7802
TROVE2	5,37	5,77	5,12	5,20	0,6667066	0,7802
DYSF	0,00	0,36	0,00	0,19	0,6667605	0,780222
ASS1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6667664	NA
RP4-614O4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6668341	NA
RP11-259P20.1	0,00	0,31	0,00	0,00	0,6668882	NA
RN7SL408P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6669187	NA
PARL	6,57	6,11	6,13	6,45	0,6670257	0,780489
S1PR4	4,02	3,61	4,20	4,18	0,6670588	0,780489
AC005251.3	0,00	0,00	0,00	0,44	0,667111	NA
ADRB2	2,94	0,93	2,80	2,93	0,6671859	0,780596
RP11-295P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,667272	NA
RP11-55J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6673332	0,780716
RP11-3J10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6673583	0,780716
RP11-449H15.3	0,00	0,03	0,00	0,00	0,6673749	NA
AC073133.1	0,00	0,05	0,05	0,00	0,6674164	NA
XXbac-BPG300A18.13	0,00	0,00	0,00	1,02	0,6674495	0,780757
CTD-2574D22.2	0,23	0,25	0,24	0,23	0,6674641	0,780757
RP11-198P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6674965	NA
RP11-350J20.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,667627	0,780907
LRIG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,667651	NA
SPARCL1	0,06	0,00	0,05	0,00	0,6676783	0,780926
RP11-266L9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6677342	0,78095
CTD-2659N19.10	0,00	0,99	0,00	0,00	0,6677469	NA
HESX1	0,55	0,23	0,15	0,41	0,6678736	0,781062
EQTN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6678792	NA
XXbac-BPG248L24.12	1,30	1,43	1,81	0,73	0,6679064	0,781062
UCKL1	4,63	2,96	4,26	3,07	0,6679353	0,781062
XXyac-YX60D10.1	0,00	0,00	0,00	0,18	0,6679512	NA
RP3-460G2.2	0,91	0,74	0,87	0,49	0,6680123	0,781111
AC010729.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6680433	NA
AC003006.7	0,00	0,00	0,00	0,06	0,6680963	NA
RNU7-169P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6681939	0,781282
AHNAK	5,68	6,19	5,59	5,76	0,6682528	0,78131
LIG4	1,20	0,43	0,83	0,59	0,6682951	0,781318
RP11-399K21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,668306	NA
OR4K14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6683235	NA
PSMC3	5,92	5,54	5,72	5,77	0,6684441	0,781372
SCHLAP1	0,69	1,42	0,63	0,50	0,6684723	0,781372
CAPN2	6,85	6,35	6,63	6,33	0,6684746	0,781372
C19orf25	3,46	2,73	2,59	3,99	0,6684819	0,781372
CLDN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6684921	NA
RP11-378E13.4	0,00	0,00	0,00	0,82	0,6686458	NA
MIR3682	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6686521	0,781493
TNFRSF13B	0,16	0,11	0,33	0,00	0,6686558	0,781493
RP11-403I13.5	0,00	1,00	0,07	0,04	0,6686931	0,781496
KAT6B	2,85	3,09	2,72	2,73	0,6687306	0,781498
FAM86HP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6687653	NA
WNT10B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,668898	0,781653

AC010096.2	0,00	0,09	0,00	0,00	0,6689123	NA
ANXA9	0,12	0,08	0,04	1,09	0,6689715	0,781698
RP5-105215.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6690637	NA
RAC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6690844	NA
SH3KBP1	5,74	5,54	5,44	4,82	0,6691777	0,781898
CCDC174	3,30	2,44	3,70	2,83	0,6694039	0,782121
RN7SL248P	0,13	0,00	0,00	0,00	0,6695193	NA
RN7SL453P	0,13	0,00	0,00	0,00	0,6695193	NA
FAM197Y2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6696028	NA
RP11-520H14.7	0,00	0,00	0,00	0,05	0,6696031	NA
FNTA	5,74	5,54	5,58	5,27	0,6696049	0,782288
RP11-81K13.1	0,00	1,40	0,00	0,00	0,6696065	NA
SRGAP2B	3,58	4,03	3,44	3,33	0,6696177	0,782288
LYPLA2	4,25	3,81	4,19	3,48	0,6697134	0,782353
LRP5L	1,35	2,25	1,25	0,50	0,6697437	0,782353
SH3RF3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6697796	NA
TRPV3	0,35	0,33	0,37	0,59	0,6698132	0,782393
RP11-946L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6698594	0,782397
CCNC	5,11	3,17	4,24	3,37	0,6698869	0,782397
MGAM	0,00	0,06	0,00	0,00	0,6699774	0,782462
HSD17B6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6700335	NA
RP11-804M7.1	0,45	0,47	0,51	0,47	0,6702192	0,782703
RNU7-49P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6702324	NA
RP11-739N20.3	1,10	0,00	1,12	3,27	0,6703324	0,782794
SLC9B2	1,93	0,44	0,64	0,47	0,6703694	0,782796
AC005077.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6705823	NA
ZNF75D	1,99	3,18	1,82	0,33	0,6705983	0,782978
CYP2A6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6706329	NA
PIWIL4	0,06	0,16	0,02	0,12	0,6706651	0,782978
HIST2H2AB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6706823	0,782978
RP4-560B9.2	0,96	0,97	0,99	0,52	0,6707005	0,782978
IGLV1-51	0,94	1,35	0,63	1,04	0,6707016	0,782978
AC064847.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6707756	NA
RP11-622L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6707874	NA
RP11-333J10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6708122	NA
RP3-425C14.4	1,87	2,81	1,70	2,43	0,6708474	0,783107
RP11-180P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6711204	NA
RP11-571M6.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6711226	0,783349
TSC1	3,36	1,59	3,19	3,04	0,6711246	0,783349
ECHS1	6,81	5,71	6,00	6,22	0,6712083	0,783405
RP11-174G6.5	1,23	1,76	0,92	1,37	0,6713764	0,78356
RP11-768G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6715193	NA
RP11-1250I15.3	0,70	1,86	1,56	2,08	0,6715844	0,783762
C17orf64	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6716288	0,783773
RP11-314N14.1	0,00	0,00	0,00	0,45	0,6718195	0,783954
HEXA	6,63	6,15	6,61	6,27	0,6718794	0,783983
RN7SKP176	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6718823	NA
RP11-556I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6718844	NA
BTD	2,67	1,98	2,95	2,43	0,6719215	0,783991
CTA-481E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6719278	NA
RP11-302I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6719825	NA
RP4-630C24.3	0,00	0,00	0,00	0,08	0,6720362	NA
RP11-224O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6720941	NA
RP11-34P1.1	0,22	0,49	0,11	0,00	0,6721608	NA
RP11-678K21.3	0,00	0,00	0,00	0,44	0,6722893	NA

MIR320B2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6723127	NA
AC004854.4	2,26	1,92	2,40	2,67	0,6723379	0,784435
AC007362.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6723988	NA
RP11-745A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,672401	0,784468
RIOX2	4,04	1,96	2,35	3,86	0,6724671	0,784504
ARHGAP9	7,53	7,34	7,23	7,42	0,6726082	0,784627
CTD-2006K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6726294	NA
FAM66D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6726302	NA
AC012358.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6726778	0,784667
RP11-40020.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6728185	0,784691
RP11-857B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6728267	0,784691
RP11-298J23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6728306	0,784691
RP11-452H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6728391	0,784691
RP11-26J3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6728659	NA
RP11-144G6.12	3,30	1,82	1,99	2,04	0,6729552	0,784785
AC007349.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,673083	NA
XXbac-B444P24.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6731096	NA
ZNF229	0,00	0,29	0,00	0,00	0,6731429	0,784928
SVBP	5,02	5,06	5,46	4,95	0,6731488	0,784928
RP11-527J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6731873	0,784932
SLC22A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6735126	NA
KCTD9P1	0,00	0,00	0,22	0,00	0,6735636	0,78533
CTB-40H15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,673582	NA
RP11-20I23.2	0,62	0,00	0,19	0,31	0,6736537	0,785376
OR1C1	0,24	0,12	0,17	0,25	0,6736744	0,785376
TUBB2A	0,53	0,09	0,00	0,67	0,6737522	0,78539
CCDC126	2,70	2,28	2,01	1,40	0,673757	0,78539
AC108868.4	0,00	0,03	0,03	0,00	0,6738227	0,785398
GRHL2	0,30	0,14	0,00	0,11	0,6738342	0,785398
GPRASP1	0,00	0,00	0,00	0,02	0,6739195	0,785427
XYLT1	2,40	2,80	2,65	1,12	0,67393	0,785427
RNA5SP216	0,00	0,00	0,69	0,00	0,6740004	NA
AC137932.6	0,00	0,29	0,00	0,00	0,6740293	0,785502
RP11-589N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6740414	NA
RP11-18F14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6742014	NA
SNORA25	0,00	0,00	0,00	1,04	0,674282	NA
APOC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6743582	NA
ATF2	3,75	4,76	4,12	3,11	0,6743651	0,785852
IGKV1D-39	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6744212	NA
RP11-159F24.6	0,00	2,19	0,00	0,00	0,6744477	0,78587
OPRL1	0,18	0,00	0,69	0,51	0,6744519	0,78587
AC007950.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6744645	NA
RP11-646E18.2	0,00	0,00	0,00	0,27	0,6745745	NA
CTD-2568A17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6746159	NA
CTC-329D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6746937	NA
DDX41	5,00	5,68	4,60	3,93	0,6747618	0,78619
RPL24P4	0,00	0,55	0,47	0,00	0,6747765	NA
PAGR1	3,51	3,09	4,09	3,77	0,6748389	0,786239
FOXL2NB	0,69	0,92	0,68	0,72	0,6749533	0,786274
RP11-321G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,674999	0,786274
MMAB	3,61	1,03	1,83	1,73	0,6750211	0,786274
CYTOR	6,90	6,46	6,92	6,47	0,6750338	0,786274
MIR4766	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6750613	NA
CNFN	0,91	0,00	0,64	0,00	0,6750693	0,786274
TRPC1	0,00	0,03	0,00	0,00	0,6750746	NA

RUFY1	4,38	0,93	3,78	3,07	0,6751017	0,786274
RP11-576E20.1	0,00	0,00	0,00	0,45	0,6751164	0,786274
RP11-81K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6751375	NA
EXOSC4	5,02	2,89	4,99	3,44	0,6751861	0,786283
CTB-50L17.9	0,00	0,00	0,00	0,84	0,6751951	0,786283
RF01992	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6752615	NA
RP11-849F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6753708	NA
RP11-74E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6754641	0,786533
HIST2H4B	3,88	2,73	3,93	4,46	0,6754805	0,786533
RP5-1068H6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,675565	NA
POU5F1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6756245	NA
RP11-483I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,675642	NA
RP11-89K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6756488	NA
RP11-356C4.5	0,00	0,00	0,00	0,18	0,6756623	0,786703
RXFP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6756777	NA
ACPT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6757412	NA
RP11-561N12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6757597	NA
TIPRL	4,95	4,54	4,28	2,81	0,6758592	0,786891
RP11-89C3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6760089	NA
GTF2IP1	4,42	3,56	4,28	3,40	0,6760539	0,787056
RP11-103G8.2	2,61	3,24	2,61	2,73	0,6760715	0,787056
RP5-1114G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6761165	NA
POLR1B	2,87	2,65	2,03	2,46	0,6761708	0,787119
AC007308.7	0,00	0,00	0,00	1,07	0,6761847	NA
CAMTA2	3,18	2,55	3,81	3,81	0,6761967	0,787119
RP11-109I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6762643	NA
AP000936.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,676278	NA
RPL31P49	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6763306	NA
SERPINE1	0,43	0,35	0,28	0,53	0,6763332	0,787237
SLC35F1	0,00	0,00	0,00	0,05	0,6764408	NA
RP5-1129I21.3	0,89	0,08	0,51	0,30	0,6765715	0,787473
RN7SL399P	0,00	0,97	0,00	0,00	0,676641	NA
RP11-642N14.1	0,00	0,60	0,00	0,00	0,676693	0,787554
PTTG1	4,78	0,52	4,05	0,60	0,6767464	0,787554
TSC22D4	2,93	3,42	3,21	3,04	0,6767475	0,787554
WT1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,6768642	NA
RP11-108K14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6769331	0,787729
KHDRBS1	5,53	5,31	5,36	5,21	0,6769779	0,78774
OR2A14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6770434	NA
RP13-178D16.2	0,00	0,14	0,00	0,00	0,6770794	NA
PCDHGB5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6771821	NA
RP11-179B15.2	0,00	0,81	0,00	0,00	0,6772047	0,787927
CYB5RL	1,86	1,39	1,48	1,96	0,6772097	0,787927
AC002539.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,677237	NA
RP11-390P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6772831	NA
CDK13	5,44	5,21	5,15	4,57	0,677297	0,787988
RIPK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6773283	NA
ULK4P2	2,83	0,00	1,79	0,00	0,6773935	0,788059
RP11-315H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6775086	NA
ADAM18	0,00	0,27	0,00	0,00	0,6775518	NA
PPP3CB	4,01	2,06	3,23	2,72	0,6775564	0,788207
CBARP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6775578	NA
RP11-474B16.1	0,00	0,37	0,10	0,00	0,677608	0,788226
SNORA22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6776282	NA
PQLC2	2,88	3,64	3,54	0,98	0,6776843	0,788257

AC006372.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6776856	NA
PHACTR2	4,47	3,67	4,09	3,49	0,6777177	0,788257
ANKEF1	1,24	1,85	1,26	1,24	0,677741	0,788257
A1BG-AS1	0,20	0,24	1,59	0,58	0,6778535	0,788346
RP11-791G16.6	0,00	0,00	0,00	0,36	0,6779058	0,788366
ERLIN2	3,33	3,49	3,34	3,41	0,6779567	0,788372
NIM1K	1,83	1,83	2,02	1,99	0,6779818	0,788372
MIR4677	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6780557	NA
RP11-463I20.3	0,00	1,45	0,00	0,00	0,6780606	0,788422
CLEC2B	5,65	5,58	5,74	5,26	0,6781263	0,788457
RP11-708B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6781298	NA
NLRP10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6781389	NA
EHD1	2,75	3,14	1,80	2,12	0,6782418	0,78855
CTC-457L16.1	0,00	0,03	0,00	0,03	0,6782567	NA
GPR27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6783028	0,78858
RP11-549B18.2	0,00	0,06	0,00	0,05	0,6783417	NA
CTD-2320J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,678389	0,788639
FBXW7	5,24	5,57	5,25	5,48	0,6784484	0,788648
TOP2B	5,67	5,14	5,30	5,10	0,678468	0,788648
RP11-212D19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6785798	NA
TMEM255A	0,00	0,00	0,00	0,19	0,6786583	0,788797
FAM219A	0,88	0,18	0,58	0,69	0,6786804	0,788797
FAM181A-AS1	0,00	2,34	0,43	0,00	0,6787024	0,788797
OR10G4	0,21	0,28	0,31	0,15	0,6787524	0,788814
GDAP1L1	0,00	0,00	0,00	0,05	0,6787647	NA
SAP30L	3,67	3,77	2,73	4,21	0,6788405	0,788875
BEND2	0,10	0,10	0,08	0,07	0,6788828	0,788883
CTD-2192J16.20	0,00	0,00	0,00	0,07	0,6789449	0,788899
VAC14	4,67	4,24	5,46	4,09	0,6789681	0,788899
RBM42	2,90	0,59	3,05	2,38	0,6790351	0,788936
SLC45A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6790605	NA
RP11-357H14.16	0,04	0,00	0,00	0,05	0,6791273	NA
ZMYM4	3,79	3,58	3,35	2,52	0,6791458	0,78899
RP11-753H16.3	0,00	1,77	0,00	0,00	0,679153	0,78899
CTD-2062O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6791531	NA
RP4-663N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6791667	NA
MIR4705	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6791679	NA
RP13-614K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6792752	NA
PIGQ	2,59	0,81	3,34	2,49	0,6793262	0,78908
RP11-692C24.2	0,82	0,97	0,71	0,83	0,6793315	0,78908
NBPF10	3,82	3,26	3,67	3,50	0,6793368	0,78908
RP11-24M17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6794767	NA
APBA3	0,83	1,59	1,22	2,13	0,6795061	0,789211
C3orf17	4,70	4,99	4,82	4,88	0,6795201	0,789211
RPS9P1	0,00	0,37	0,28	0,00	0,6795492	NA
AC024168.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6795762	NA
RP11-543P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6796363	NA
RN7SL386P	0,00	0,00	0,24	0,00	0,6796583	NA
CTA-363E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6796868	NA
ANKRD26	2,89	2,14	2,69	1,85	0,6797094	0,789372
CDK2AP1	5,75	4,62	5,47	4,78	0,679747	0,789372
TTC4	2,72	2,29	2,89	1,09	0,6797653	0,789372
FAM187A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6798073	NA
RP11-47I22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6798299	NA
RP11-2P5.4	2,68	2,92	1,57	3,07	0,6798883	0,789473

CTB-180A7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6799082	NA
AC108463.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6799783	0,789536
AC129929.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6800164	NA
RP11-168J18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6801162	NA
RP11-445P17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6801251	NA
RP5-890O3.9	0,00	0,00	0,00	0,51	0,6801724	NA
RN7SL186P	0,00	0,00	0,24	0,00	0,6802256	NA
RP11-474D1.2	0,74	1,10	0,58	0,55	0,6802514	0,789812
RP11-52J3.2	3,90	3,87	3,32	0,64	0,6803138	0,789843
CDC5L	3,42	2,61	3,37	3,76	0,6803806	0,78988
RP11-342I1.2	0,18	0,22	0,00	0,32	0,6805587	0,790045
OR2AH1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6805813	NA
RP11-139H15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6805833	NA
RP11-318C24.2	1,14	1,53	1,71	1,35	0,6806087	0,790062
CTC-518B2.10	0,00	0,50	0,00	0,00	0,6806165	NA
RP11-20L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6807596	NA
TRIM74	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6808061	NA
VEZT	4,71	4,66	4,08	2,57	0,6808183	0,790264
RP11-244H3.4	0,64	0,77	0,27	0,56	0,6808769	0,790291
CTD-3185P2.1	0,06	0,00	0,06	0,06	0,6809815	0,790351
DDX60L	4,72	3,76	4,95	5,31	0,6809999	0,790351
C12orf56	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6810867	0,790411
RP11-380I10.1	0,00	0,19	0,00	0,17	0,6812008	NA
C18orf54	0,00	0,03	0,00	0,21	0,6814025	0,790736
TAS1R3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6814245	NA
RHOBTB2	0,00	0,00	0,20	0,32	0,6814379	0,790736
RP11-350D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6814484	NA
PDXK	3,39	4,54	3,40	4,62	0,6814863	0,79075
RP4-735C1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6816555	NA
RP11-826N14.6	0,29	0,15	0,26	0,21	0,6817106	0,790969
C15orf62	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6817994	NA
TCEAL8	4,86	5,30	4,78	4,38	0,6818718	0,791115
RP1-93H18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6818778	NA
CTD-2619J13.23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6819606	NA
LBH	1,03	1,13	0,60	1,15	0,681962	0,791178
RP11-208G20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6820087	NA
IPMK	1,90	1,60	2,02	1,78	0,6820898	0,791285
RP11-392P7.2	0,96	1,06	0,85	1,18	0,6821827	0,791325
SETD2	4,87	5,10	4,78	4,52	0,682195	0,791325
RP11-102L12.2	0,15	0,45	0,40	0,22	0,6822464	0,791343
RNU6-1280P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6822968	NA
NPRL2	4,69	4,24	4,39	4,53	0,6823068	0,79135
OR9Q2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6823239	0,79135
MIR548E	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6823581	NA
AC112255.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6824617	NA
SPACA5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6824905	NA
AC008063.5	0,22	0,44	0,16	0,42	0,6825078	0,791518
AC002055.4	2,71	2,81	2,22	1,80	0,6825907	0,791518
SNORA80B	4,07	1,61	5,82	6,04	0,6826027	0,791518
A4GALT	1,82	2,17	1,88	1,18	0,6826107	0,791518
RNU6-919P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6826809	NA
RP4-737E23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6827203	NA
RP1-197B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6828324	0,791734
TMEM163	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6828493	NA
RP11-521L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6828707	NA

AC092835.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6829018	NA
NBPF1	3,13	3,33	3,07	2,95	0,682921	0,791771
AC005954.4	0,40	0,38	0,59	0,55	0,6829355	0,791771
AES	5,47	4,67	5,51	5,09	0,6830955	0,791915
RNU6-272P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6831835	NA
EFCAB8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6831985	NA
RP13-507123.2	0,00	0,08	0,00	0,00	0,683221	NA
ZNF408	0,41	0,11	0,06	0,31	0,6832244	0,791986
MIR548Q	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6832284	0,791986
CFAP36	3,16	1,75	2,98	1,67	0,683266	0,791989
ASIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6832916	NA
CTD-2517M22.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6834122	NA
DLK2	0,00	0,14	0,00	0,06	0,683422	0,792128
RP13-131K19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6834484	NA
OR4M2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6834625	NA
RP11-218M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6835353	NA
RP11-158I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6835698	0,792258
C8orf44	2,79	2,11	2,59	1,17	0,6836456	0,792281
AL109767.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6836591	NA
FGFBP3	0,00	0,00	0,00	0,05	0,6836613	0,792281
RP11-746B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6837055	NA
NEK3	5,21	4,26	5,16	4,98	0,6837111	0,792298
RP11-480I12.2	0,00	0,00	0,00	1,43	0,683751	0,792303
RP11-172E10.1	0,00	0,00	0,00	0,38	0,6838149	0,792335
CYSLTR1	4,27	3,35	4,20	3,95	0,683884	0,792374
TBC1D2	0,88	0,07	1,81	2,39	0,6839468	0,792387
PLRG1	4,54	3,26	4,54	2,92	0,6839667	0,792387
MIR548L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6839859	NA
HAS2AS	0,00	0,35	0,00	0,00	0,6841193	NA
TLL2	0,17	0,23	0,16	0,12	0,6845312	0,792964
SPAG11B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,684536	0,792964
RN7SL250P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6846645	NA
INPP5E	0,85	0,29	0,53	0,15	0,6846989	0,793112
CTD-2384B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6847186	NA
RP11-492E3.2	0,00	0,12	0,08	0,44	0,6847396	0,793118
RP11-530C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6847656	NA
RN7SKP127	0,00	0,00	0,00	0,70	0,6848232	0,793136
ENKD1	0,00	0,00	0,05	0,00	0,684827	0,793136
OR1N2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,684855	NA
MIR630	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6848787	NA
APOL3	3,81	2,95	3,55	4,50	0,684894	0,793172
RP11-727F15.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6850403	0,793209
TAS2R14	0,25	0,17	0,16	0,00	0,6850591	0,793209
PIH1D1	6,00	6,00	5,57	6,29	0,6850619	0,793209
FBR5	2,33	2,53	2,72	2,22	0,68511	0,793209
CTC-340D7.1	0,00	0,42	0,00	0,00	0,6851204	NA
GPR108	6,12	5,56	5,84	6,12	0,6851385	0,793209
TMOD1	0,79	0,16	0,12	0,00	0,6851402	0,793209
RPL15P3	2,50	1,58	2,28	1,63	0,6852164	0,793256
RP11-392A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,685251	NA
RN7SL606P	0,00	0,00	0,25	0,00	0,6852834	NA
SALL4	0,25	0,13	0,24	0,33	0,6855092	0,793554
CTD-2192J16.17	0,21	0,36	0,08	0,06	0,6855926	0,793609
RP5-1024G6.2	0,70	1,17	2,30	3,05	0,6856911	0,793682
OR51B5	0,19	0,70	0,42	0,29	0,68576	0,793718

SLC9A1	1,92	2,30	0,80	0,81	0,6857936	0,793718
KIF27	1,80	2,14	0,87	0,70	0,6858318	0,793721
AB015752.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6858515	NA
RP13-216E22.4	1,37	0,89	1,78	2,28	0,6858714	0,793725
LHPP	3,49	2,74	3,20	2,45	0,6859861	0,793817
RP4-740C4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6860407	NA
POU5F2	0,89	1,27	1,29	0,85	0,6860861	0,793891
IGLJ6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6861921	NA
RP11-411B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6862258	NA
RP11-265N6.1	0,89	0,26	2,41	1,93	0,6862659	0,794051
TAC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6862962	0,794051
RP11-21N7.6	0,00	0,53	0,00	0,00	0,6863198	NA
C7orf55	3,53	3,09	3,80	3,84	0,68638	0,794107
HOXA6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,686383	NA
RP11-433J20.1	0,10	0,06	0,35	0,16	0,68644	0,794135
PIK3R4	3,55	1,36	3,56	1,93	0,6866054	0,794285
RP11-63A11.1	0,03	0,58	0,31	0,76	0,6867601	0,794393
RP5-1074L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6867615	NA
RP11-638F5.2	0,54	0,21	0,69	0,21	0,6867765	0,794393
CD1A	1,42	0,07	0,53	0,81	0,6868061	0,794393
RP11-532M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6868227	NA
RP5-1103G7.10	0,08	0,35	0,29	0,33	0,6868813	0,794439
C1QTNF6	1,36	1,04	0,54	1,30	0,6870682	0,794595
CTD-2006C1.2	4,30	3,68	4,06	3,38	0,6871059	0,794595
DPY19L2P2	0,59	1,01	0,63	0,56	0,6871603	0,794595
EMD	2,82	1,96	2,43	1,66	0,687168	0,794595
CCDC107	5,46	5,46	4,98	4,49	0,6872041	0,794595
ZDHC21	0,55	0,46	0,74	0,67	0,6872557	0,794595
CTD-2154I11.2	1,79	1,97	1,75	0,70	0,6872664	0,794595
RP11-797D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6872934	NA
SVIP	1,87	1,63	1,50	1,24	0,6873297	0,794627
RN7SL278P	0,71	0,83	1,22	1,75	0,6874038	0,794671
RNA5SP20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6874451	NA
CENPA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6875088	NA
RAP1GAP2	2,49	2,85	2,31	2,04	0,6875229	0,794767
LINC00934	0,02	0,07	0,06	0,11	0,6876388	0,794835
DUSP7	3,20	2,91	3,02	2,90	0,6876528	0,794835
TNFRSF10B	4,26	2,11	4,34	3,47	0,6877027	0,794851
RP11-371E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6877196	NA
OR1X1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6877368	NA
ACBD4	0,17	0,59	0,95	1,14	0,687836	0,794964
AC005822.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6878658	NA
ANXA2R	3,32	2,49	3,44	4,45	0,6879506	0,795055
OR10G6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6879756	NA
RP11-111J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6879936	NA
UBE2D1	4,70	3,71	4,42	4,04	0,6880744	0,795149
TEN1-CDK3	0,67	0,47	0,46	0,45	0,6881089	0,795149
RP13-638C3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,688139	0,795149
TRIM29	0,00	0,53	0,00	0,00	0,6881991	NA
AC104135.2	0,32	0,65	0,44	0,00	0,6882848	0,795274
RP11-338C15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6883198	0,795274
RP11-380I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6883318	NA
GNA15	3,32	4,24	2,96	2,43	0,6883544	0,795274
RP11-164N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6883831	NA
CTD-2267D19.1	0,00	0,11	0,00	0,00	0,6883915	0,795275

MIRLET7I	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6884786	NA
RP11-468D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6884928	NA
AC007001.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6885028	NA
CTD-3105H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6885046	NA
PRELID2	0,70	0,61	1,07	1,57	0,688512	0,795373
RP11-354M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,68852	NA
RP11-385H1.1	0,08	0,11	0,15	0,04	0,6885702	0,795399
MIR511	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6885786	NA
AC131097.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6886048	NA
AP001258.4	0,50	0,53	1,05	1,01	0,6886675	0,79547
RP5-1139B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,688722	NA
RP11-598P20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6888523	NA
RNU6-517P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6889091	NA
CTA-268H5.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6890724	NA
CTC-384G19.1	1,30	1,51	1,56	2,02	0,6891084	0,795898
SFMBT2	3,94	4,34	3,82	1,40	0,6891096	0,795898
RP11-80I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6892322	NA
RP11-565F19.4	1,91	1,41	1,07	1,14	0,6892537	0,796023
LIPJ	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6892676	NA
C9orf116	0,00	0,00	0,00	0,00	0,689285	NA
RP11-246E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6893452	NA
RP11-728G15.1	0,12	0,43	0,16	0,00	0,6893806	0,796128
RP11-418H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6895054	NA
THSD7B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6895173	0,796244
RP11-285G1.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,689542	NA
RP1-151F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6896325	0,796336
CTD-2561B21.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6897316	NA
RP11-2I17.1	0,72	0,93	1,19	0,53	0,689757	0,796439
L3MBTL4	0,05	0,36	0,19	0,13	0,6897934	0,796439
CTA-276O3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6897941	NA
AP000766.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6898654	NA
RP11-429K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,689887	NA
RP5-968P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6898981	NA
RP11-707M3.3	0,00	0,50	0,27	0,48	0,6899549	0,796549
JMJD1C	7,05	6,49	6,94	6,38	0,6899604	0,796549
RP11-293B20.1	0,00	0,00	0,26	0,00	0,6900547	0,796617
APOA2	1,25	0,58	1,34	0,89	0,6901921	0,796725
TRAF3IP3	6,61	5,46	6,12	5,79	0,6902299	0,796725
TEX40	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6902817	0,796725
RN7SL784P	1,57	2,99	1,44	1,62	0,690292	0,796725
TPRKB	5,72	4,21	5,00	4,42	0,6903811	0,796787
KRT18P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6903948	NA
RNU6-380P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6904673	NA
RP11-632C17__A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6905143	NA
KRBA1	0,00	0,15	0,00	0,28	0,6905281	0,796915
RP11-335I12.4	0,00	0,37	0,00	0,76	0,6907785	0,797162
RP5-842K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6908345	NA
RP11-331G2.8	0,30	0,41	0,42	0,60	0,6909392	0,797225
RP11-175P8.1	1,60	2,80	1,24	1,16	0,6909441	0,797225
RP5-1068E13.3	1,79	0,96	1,64	1,35	0,6909551	0,797225
PRR13	8,55	8,10	8,45	8,09	0,6909761	0,797225
CTA-363E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6910662	NA
C8orf51	0,23	0,85	0,59	0,35	0,691125	0,797287
RNU1-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6911299	NA
RP11-737O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6911329	0,797287

RNU6-375P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6912095	0,797287
SNORA70G	6,52	6,49	4,94	5,08	0,6912235	0,797287
XXbac-BPGBPG55C20	1,27	0,12	0,60	0,77	0,6912267	0,797287
ASB14	1,19	1,22	1,01	0,88	0,6912454	0,797287
AC105935.1	0,00	0,00	0,04	0,00	0,6912859	NA
USB1	4,42	5,38	4,10	4,48	0,6913725	0,797393
RP11-535C21.3	0,00	0,98	0,00	0,00	0,691383	NA
HEXIM1	3,03	3,57	3,07	3,08	0,6916282	0,79763
AC000120.7	0,79	0,11	1,23	1,70	0,6916548	0,79763
TRO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6916629	NA
AP000240.9	0,40	0,00	1,34	0,47	0,6916862	0,79763
RP13-554M15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6917637	NA
C16orf13	6,66	6,33	6,68	6,53	0,6918423	0,797738
RP11-454H19.2	0,00	0,02	0,00	0,00	0,691854	NA
NARF	6,39	6,16	6,62	6,50	0,6918591	0,797738
RP5-965G21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6918963	0,797738
RP5-1053E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6919109	NA
USP45	2,73	1,38	2,64	1,41	0,6919237	0,797738
RP11-1360M22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6921752	NA
CYTH1	5,77	5,02	6,08	5,85	0,6921906	0,797991
OR6K3	0,66	0,10	0,51	0,58	0,6922218	0,797991
TRAV19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6922241	NA
RP11-411B6.6	3,10	2,55	3,01	2,41	0,6922918	0,797991
RP11-308D13.2	0,64	0,00	0,72	0,97	0,69232	0,797991
RP11-333E1.2	0,00	1,02	0,00	0,00	0,692322	0,797991
AC007317.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6923262	NA
DCAF13	4,51	3,40	3,99	4,86	0,6923667	0,798001
RP11-334E6.10	0,00	0,55	0,05	0,82	0,692375	NA
IGLV2-8	0,00	0,74	0,00	0,00	0,6923802	NA
NPIP15	2,10	1,83	2,51	0,56	0,6924454	0,79805
RP4-677H15.4	0,00	3,05	0,00	0,00	0,6925057	0,798078
RP11-154C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6925599	NA
RP11-631N16.4	0,00	0,43	0,45	0,00	0,6925989	0,798108
CTD-2047H16.4	0,80	0,18	0,59	0,14	0,6926032	0,798108
RP11-23F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6926851	NA
NBAS	4,04	4,32	4,24	3,71	0,6929447	0,79846
SRGAP1	0,69	1,71	0,50	1,71	0,6929935	0,798475
RP13-210D15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6930826	NA
RP11-927P21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6931772	NA
RP11-478K15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,693206	NA
BANK1	3,85	3,73	2,96	1,93	0,693484	0,798998
RN7SL566P	0,00	0,83	0,40	1,09	0,6935721	NA
C1orf95	0,00	0,02	0,00	0,00	0,6936104	NA
RP4-561L24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6936238	NA
HADHA	6,71	5,82	6,42	6,42	0,6938255	0,799317
GBP4	3,83	3,67	3,29	3,16	0,6938324	0,799317
RN7SL3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6938559	NA
RP11-493E12.2	0,75	2,53	1,06	0,71	0,6939334	0,799392
RP11-157G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6939411	NA
RP11-350G24.2	0,09	0,00	0,00	0,00	0,6940545	NA
AC011380.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6940707	NA
AC092535.3	0,04	0,24	0,03	0,00	0,6941783	0,799633
LL22NC03-24A12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6942523	NA
RP11-54A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6943314	0,799768
CTD-3057O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6943519	NA

RP1-155D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6944475	NA
RP11-586K12.11	0,00	1,13	0,73	1,50	0,6944641	0,799879
SNORA74C-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6944805	NA
DMRTC1	0,07	0,00	0,03	0,06	0,6944955	NA
SMNDC1	3,73	3,79	3,17	2,60	0,6945468	0,799933
FAM174B	0,73	0,40	1,92	4,02	0,6946819	0,800047
HIST1H4J	5,44	4,18	4,79	4,42	0,6948813	0,800235
PHF20L1	5,15	4,29	4,95	5,11	0,6949572	0,800281
RP11-597D13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6950641	NA
RP11-794A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6951601	NA
CCDC136	0,00	1,20	0,00	0,00	0,6951705	0,800485
LINC00596	0,17	0,48	0,17	1,01	0,6954118	0,800722
RP11-269G24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6954477	NA
SNRPA	5,62	4,14	5,18	4,76	0,6955992	0,800869
RN7SL333P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6956118	0,800869
WBSCR27	0,00	0,00	0,00	0,33	0,6956527	NA
AC010525.4	0,00	0,00	0,36	0,89	0,6957204	NA
RASA3	0,24	0,20	0,94	0,73	0,6957428	0,800917
CENPP	0,50	0,00	0,09	0,16	0,6957551	0,800917
USP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6957555	NA
OARD1	4,70	5,67	4,00	4,51	0,695762	0,800917
RN7SL798P	0,00	0,00	0,94	3,48	0,695863	0,800981
TP53TG5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6958898	0,800981
RP11-125H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,695916	NA
RP11-665C16.6	0,00	0,00	0,00	0,42	0,6959877	0,801053
GIPC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6959999	NA
MIRS4802	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6961114	NA
RP11-757F18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6961447	NA
MSI2	3,59	4,48	3,11	2,08	0,6962549	0,801319
AC009303.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6963994	NA
RP11-304L19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6964	0,801415
PRAMEF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6964073	NA
NFE2L3	3,27	0,92	3,47	2,54	0,6964456	0,801415
SPAG6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,696447	0,801415
RP11-561I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,696489	NA
SCGB3A1	2,31	3,26	2,93	0,00	0,6965657	0,80151
LIMS1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6966033	NA
LMAN2	6,69	6,02	6,18	5,89	0,696617	0,801528
ABCG5	0,04	0,31	0,02	0,05	0,696676	0,801554
RP11-383H13.1	0,64	0,72	0,32	0,31	0,6967759	0,801589
BRE	5,50	5,84	5,20	5,04	0,6968277	0,801589
RP11-62E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6968929	NA
RN7SL370P	0,00	0,90	0,00	0,00	0,696897	NA
ZNF609	3,31	3,77	3,07	3,45	0,6969031	0,801589
CTD-2538C1.3	0,81	0,72	0,20	1,30	0,6969243	0,801589
POMT1	2,37	2,86	2,63	2,91	0,6969278	0,801589
TOMM40	2,37	2,57	2,74	2,42	0,6969424	0,801589
RP11-292D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6969515	NA
RP11-4K3_A.3	0,00	0,88	0,00	0,00	0,696964	0,801589
MTRF1L	2,94	1,03	2,25	2,68	0,6970057	0,801589
RP5-898I4.1	0,12	0,31	0,32	0,38	0,6970308	0,801589
AL162151.1	0,00	0,00	0,76	0,00	0,6970726	0,801596
CTD-3193O13.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6971282	NA
TEX13C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6971857	NA
CTD-2002H8.2	0,57	0,50	0,78	1,19	0,6972137	0,801716

RF01233	0,00	2,96	0,00	0,00	0,6972319	NA
C1orf64	0,34	0,52	0,11	0,32	0,6972985	0,801772
RP11-47G4.2	0,44	1,53	0,00	1,96	0,6973903	0,801837
MRPL40	4,74	4,74	5,30	4,76	0,697441	0,801853
RP11-260G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6974854	NA
MAP1A	0,01	0,02	0,00	0,01	0,697545	NA
NCLP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,697563	NA
GS1-21A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6976276	NA
RN7SL692P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6977379	NA
PPM1K	4,23	4,26	3,62	2,69	0,6978022	0,802201
LRFN4	0,00	0,50	0,16	0,46	0,6978153	0,802201
PFN2	1,66	0,00	0,35	1,52	0,6978905	0,802246
RP11-3J1.1	0,29	0,00	0,00	0,30	0,6980908	NA
ACO16831.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6981076	NA
RP11-59K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6981317	NA
TMEM128	4,70	2,13	4,76	0,95	0,698181	0,802538
RNU6-234P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6981958	NA
RNU6-10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6983589	NA
TRAJ16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6984955	NA
RP4-796I17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6985428	NA
RP11-593P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6985983	NA
RP11-231G15.2	0,00	0,00	0,00	0,80	0,6986136	0,802994
RP4-779E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6986559	0,802998
RP11-177B4.1	0,42	0,92	1,10	1,30	0,6986895	0,802998
RP11-1114I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6987202	NA
OR7E162P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6987378	NA
RP11-814E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6987846	NA
CTB-113P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6988103	NA
AC097532.1	0,00	0,95	0,00	0,00	0,6989113	0,803125
SLC20A1	5,84	4,16	5,98	5,02	0,6989279	0,803125
UPK2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6989326	NA
RASSF1-AS1	0,90	2,96	2,19	0,00	0,6989334	0,803125
RP11-23P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6989448	0,803125
AC097468.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6989513	NA
RP11-135J2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6990079	0,803154
IGKV1OR2-6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6990081	NA
ADCY5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,699042	0,803154
RNU6-431P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6991653	NA
RP11-629O1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6992038	NA
RP11-45L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6992999	NA
RP11-285E9.5	0,00	0,00	0,00	0,71	0,6993408	0,803456
AZGP1	0,21	0,24	0,20	0,58	0,6994158	0,8035
CTB-36O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6996049	NA
ADGRE3	2,95	0,78	0,37	0,07	0,699621	0,803694
TEX21P	0,27	0,00	0,22	0,12	0,6997831	0,803839
RP11-631N16.2	0,34	0,05	0,12	0,65	0,6998927	0,803924
RP11-265B8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,6999387	NA
RN7SL326P	0,00	1,39	0,00	0,87	0,6999608	NA
CYP3A7-CYP3A51P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7001913	NA
RP11-798K23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7002342	NA
RP11-385F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,700257	NA
TNXB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7002982	NA
DVL3	2,52	1,60	2,36	2,25	0,7004851	0,804562
NECTIN1	0,00	0,07	0,04	0,00	0,7005748	0,804624
RP11-346A3.2	0,00	0,20	0,00	0,00	0,7006535	NA

RP11-439M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7007121	NA
AC016894.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7007305	0,804761
RP11-461L13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7007649	NA
RP11-119H12.2	0,20	0,41	0,38	0,21	0,7007651	NA
MSANTD3-TMEFF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7007902	NA
PAPD5	3,52	4,10	3,55	4,43	0,7008632	0,804856
TNFSF13	6,59	3,84	6,33	5,68	0,7008854	0,804856
RP4-673D20.6	0,00	0,00	0,00	0,06	0,7009225	NA
RP5-855D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7010265	NA
CT45A6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7011574	NA
CTD-3051D23.4	0,31	1,05	0,56	0,47	0,7012282	0,805208
RP11-32P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7012556	NA
RP11-213G21.1	0,00	0,00	0,00	0,21	0,7012736	NA
RPL9P33	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7012874	0,805225
GPR151	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7013028	NA
RP13-158L7.3	0,32	0,19	0,23	0,00	0,7013159	0,805225
CENPN	3,55	0,79	3,23	2,25	0,7014109	0,805293
RP11-142C4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7014321	NA
RP11-67C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7014392	NA
SEC24C	2,50	0,14	2,00	2,29	0,7014495	0,805295
RP11-930P14.2	0,37	0,60	0,69	0,80	0,7015006	0,805313
LYG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7016015	0,805357
XXbac-BPG170G13.33	1,26	1,87	0,83	0,49	0,7016149	0,805357
AC104777.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7016422	NA
RASL10A	0,25	1,51	0,42	1,95	0,7016481	0,805357
PSME2	9,18	8,72	8,86	8,88	0,7016849	0,805358
PDE5A	3,12	2,06	2,52	0,61	0,7017545	0,805396
SUZ12	3,75	3,37	3,15	3,20	0,7018079	0,805416
SRSF10P1	0,00	0,23	0,00	0,00	0,7018259	NA
MRPS2	3,85	2,08	4,34	3,35	0,7020163	0,80558
MYO1A	0,00	2,11	0,02	0,04	0,7020235	0,80558
RP11-669M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7020499	NA
RP11-650L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7020903	NA
ISCU	6,58	6,63	6,11	5,75	0,7021633	0,805658
TCEA1P	0,00	0,22	0,00	0,85	0,7021642	0,805658
AC012358.8	4,45	4,19	4,71	4,28	0,702231	0,805666
AB019438.55	1,92	1,95	1,81	1,78	0,7022433	0,805666
SRP68P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7022681	NA
C2orf91	0,87	0,93	0,67	0,79	0,7022845	0,805672
RP11-134P9.1	0,12	0,21	0,52	0,70	0,7024057	0,805705
PEG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7024173	0,805705
CELSR2	0,00	0,05	0,00	0,72	0,7024221	0,805705
RN7SL444P	0,00	0,82	0,77	2,22	0,7025055	0,805759
RP11-527F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7025136	NA
GS1-256O22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7025639	NA
CTD-2544N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7025669	0,805784
CTD-2049J23.2	0,69	0,71	0,90	0,62	0,7026004	0,805784
TMEM238	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7027025	NA
RN7SL419P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7027427	NA
ZPLD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7028132	NA
RP11-385D13.3	4,09	3,17	3,80	4,25	0,7029284	0,806104
RP11-539L10.4	1,22	0,67	0,89	1,11	0,7029518	0,806104
AP001625.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7030573	NA
RP11-20G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7030748	NA
RP3-466I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7031391	NA

AC115115.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7031664	NA
CTC-457L16.2	0,00	0,03	0,00	0,03	0,703215	NA
RP11-1166P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7033123	NA
TMC1	0,44	1,41	0,46	0,79	0,7033193	0,806484
CH17-262A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7033844	0,806517
CTC-506B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,703547	NA
AC092192.1	0,00	0,00	0,00	0,16	0,7035765	NA
RP11-382J12.1	1,30	1,91	1,50	1,19	0,7035905	0,806712
RNU6-204P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7037743	0,806881
RP11-495K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,703789	NA
MDP1	5,43	4,71	5,27	5,00	0,7038132	0,806884
RP11-739P6.1	0,00	1,07	0,00	0,29	0,7038729	NA
C8orf88	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7039577	NA
RP11-219B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7040355	0,807097
AC013399.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7040498	NA
LRFN5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7040806	NA
FBXO44	1,82	1,19	1,91	2,99	0,7041503	0,807187
CTC-575C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7044561	NA
RP11-568J23.4	0,35	0,00	0,00	0,00	0,7044659	NA
CYP2U1	1,72	0,09	0,51	1,08	0,7045335	0,807585
KB-67B5.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7045918	NA
GOLGA6C	0,00	0,00	0,00	0,06	0,7047511	NA
RP11-803D5.5	0,13	0,00	0,09	0,12	0,7048085	0,807858
TPRA1	4,06	4,23	4,22	3,64	0,7048674	0,807865
AF001548.5	1,61	0,54	0,21	0,17	0,7049021	0,807865
RNU6-574P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,70491	NA
FLNC	0,00	0,01	0,00	0,01	0,7049421	NA
RP11-830F9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7049723	0,807865
RP5-937E21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7049811	0,807865
RP11-458D21.1	0,23	1,44	0,18	0,24	0,7050542	0,807865
RP11-449L23.2	0,15	0,23	0,15	0,28	0,7050929	0,807865
CXorf40B	5,47	2,33	4,58	4,35	0,7051011	0,807865
CDC16	4,57	4,35	4,35	2,86	0,7051056	0,807865
AP000487.6	0,00	0,38	0,69	0,00	0,7051695	0,807897
ATP13A5	0,00	0,03	0,00	0,00	0,7051755	NA
MROH7-TTC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7053945	0,808074
RP11-319G6.1	1,95	2,37	0,86	0,91	0,7054039	0,808074
RF00334	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7054323	NA
NELFA	2,35	3,35	2,88	3,35	0,7054408	0,808074
MCTS1	5,99	5,71	5,55	5,60	0,7054693	0,808074
AC005592.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,705578	NA
AC079896.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7055937	NA
AC009950.2	3,35	4,35	3,13	3,09	0,70565	0,808239
PPARG	0,21	0,21	0,15	0,23	0,7057165	0,808274
RP11-540O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,705717	NA
RABGGTA	5,37	5,68	5,16	4,97	0,7057598	0,808282
SYNJ2	0,92	2,21	1,24	1,42	0,7058025	0,808289
RN7SL811P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7059947	NA
THAP11	3,50	0,43	2,97	1,87	0,7060543	0,808535
RP1-290F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7061131	NA
RN7SL60P	1,26	1,79	1,09	1,87	0,7061409	0,808575
AC106873.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7061452	NA
ASAH2B	0,24	0,44	0,08	0,29	0,7061619	0,808575
RP11-402L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7061699	NA
RNU6-911P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7062298	NA

GPR179	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7064019	NA
MINOS1-NBL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7064212	NA
STX3	4,51	4,76	3,81	3,42	0,7065834	0,809016
RP1-28O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7066236	NA
RP11-133O22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7066443	0,809018
CLCN4	0,02	0,70	0,02	0,34	0,7066578	0,809018
RNY4P25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7067805	NA
RP11-618G20.2	2,44	0,37	1,61	2,83	0,7068224	0,809165
RNU6-212P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7068609	NA
RP11-279N8.1	1,42	0,00	0,52	0,57	0,7068882	0,809199
USP16	5,07	4,30	4,85	4,18	0,7070456	0,809337
RNA5SP383	0,00	1,79	1,72	0,00	0,7071174	0,809378
SMIM13	0,79	0,54	1,22	2,40	0,7072685	0,809509
NME8	3,79	3,32	4,58	4,65	0,7073554	0,809567
RP11-334G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,707361	NA
RF00598	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7074018	0,809578
CTD-3065B20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7074843	0,809631
RP11-183G22.1	0,15	0,49	0,13	0,00	0,7074994	NA
KIF7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7075056	NA
MIR4477A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7075145	NA
TRIB3	0,13	0,38	0,16	1,35	0,7077496	0,809856
LAMA3	0,00	0,05	0,00	0,07	0,7077537	0,809856
RP11-392P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7077811	NA
MIR4727	0,00	0,00	0,00	0,00	0,70781	NA
PIAS3	1,85	0,07	1,80	1,44	0,7079039	0,809986
PPIAP11	0,00	0,43	0,00	0,44	0,7079768	NA
ATP6VOE2	3,15	2,93	1,62	1,33	0,7079801	0,810031
MIR4774	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7082024	0,810244
RP11-589C21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7082797	NA
RP11-115E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7083017	NA
RP11-475N22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7083359	NA
RP11-756J15.1	1,06	0,54	0,83	0,73	0,7084227	0,810454
LTN1	3,32	4,09	3,63	2,89	0,708512	0,810515
CTD-2611K5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7085767	NA
GNL3L	1,28	1,48	2,59	0,95	0,7086891	0,810668
RP11-636O21.2	0,37	0,90	0,49	0,40	0,7087191	0,810668
TMEM8B	3,88	3,89	3,37	3,57	0,7087798	0,810696
RP11-277P12.20	0,09	0,11	0,32	0,19	0,7088306	0,810712
MEX3D	0,00	0,07	0,00	0,00	0,7088557	NA
RF01293	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7088668	NA
RP11-428O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7089414	NA
RP11-160H22.3	4,35	0,00	3,61	4,85	0,7089799	0,810841
RP11-104L21.3	0,00	1,36	0,00	0,79	0,7090093	NA
RNA5SP483	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7090298	NA
RP5-968D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7090519	NA
RP3-388N13.3	0,00	0,42	0,00	0,00	0,7090771	0,810841
TAF1D	6,03	6,07	6,05	5,84	0,709095	0,810841
RP11-138H8.2	0,27	0,47	0,48	0,20	0,7091074	0,810841
MKRN1	5,96	5,29	5,53	5,06	0,7091257	0,810841
CTA-384D8.36	3,38	4,51	3,61	3,53	0,7092518	0,810928
CTD-2228K2.5	1,09	2,04	2,70	2,17	0,7092745	0,810928
RN75L138P	0,85	0,00	2,19	3,23	0,7093744	0,811
ZNF728	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7093853	NA
HVCN1	4,74	4,51	4,50	4,04	0,7094144	0,811004
RP11-159C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7094454	NA

CTD-2382E5.1	0,05	0,00	0,08	0,07	0,7094944	0,811025
RP1-111D6.3	0,08	0,55	0,11	0,31	0,7095053	0,811025
NAA16	3,23	4,09	2,82	1,36	0,7095973	0,811064
RP11-434D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7096254	NA
RP3-414A15.12	0,37	0,33	0,69	0,31	0,7096427	0,811064
SPI1	3,12	2,28	3,37	3,10	0,7096493	0,811064
MIR7705	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7096755	NA
RNU6-341P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7098034	NA
RP11-321G3.1	0,75	0,46	3,04	1,16	0,7099581	0,811375
ACSM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,709961	NA
RPS10P16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7101107	0,811508
ALG1L2	0,00	1,17	0,00	0,55	0,710149	0,81151
RP11-507K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7102024	0,811529
MAGEA8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7102462	NA
RN7SL33P	0,00	1,52	0,70	0,00	0,710252	0,811544
RP11-493E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7104004	NA
RP11-814E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7104155	NA
HELZ	4,48	3,80	4,69	4,97	0,7104251	0,811672
RP5-991G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,710444	0,811672
RP11-1094H24.3	0,00	0,36	0,15	0,31	0,7104728	0,811672
GAS2L1	1,90	0,75	2,52	1,70	0,7105535	0,811722
RP11-697E2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7105699	NA
KIAA0408	0,02	0,04	0,01	0,04	0,7106336	NA
STOM	4,52	4,59	4,59	4,28	0,710669	0,811775
RP11-431N15.2	0,58	0,82	0,58	0,76	0,7106728	0,811775
MKNK1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7108612	NA
TVP23C-CDRT4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7109713	NA
RPL9P30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7109842	NA
RP11-569A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7110081	NA
BOLA1	3,78	0,23	2,11	1,12	0,7110757	0,81216
C9orf131	0,39	1,00	0,00	0,00	0,7110829	0,81216
RP11-248J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7110951	NA
RP11-328C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7111785	NA
AP001442.2	1,00	1,04	1,07	1,64	0,7112001	0,812252
CCDC74A	0,05	0,32	0,08	0,00	0,7113349	0,812333
RP11-1094M14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7113591	NA
RP11-349A22.5	6,41	5,98	6,07	6,27	0,7113726	0,812333
RANBP10	1,20	0,64	0,57	0,82	0,7113807	0,812333
RP11-263K4.3	0,00	0,04	0,05	0,05	0,7114577	0,812379
HEPH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7114867	NA
RP11-556N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7115939	0,812493
DNAJC25-GNG10	3,85	0,44	2,84	0,00	0,7117235	0,812599
RP11-96D1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7117723	NA
ST3GAL1	3,19	2,55	3,01	3,21	0,7118013	0,812611
AC024560.3	3,10	2,93	2,31	3,32	0,7118069	0,812611
RP11-235C23.5	0,00	0,95	0,00	0,00	0,7118125	NA
DGCR12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7118386	NA
RP11-407P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7118431	NA
KDM2B	4,46	4,52	4,11	2,94	0,711865	0,812616
ABALON	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7118711	NA
RP11-298E9.6	0,00	1,07	0,60	0,98	0,7118864	0,812616
TGFB2-OT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7118939	NA
POM121B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7119015	NA
RP11-513M16.8	0,00	0,37	0,00	0,00	0,7119428	0,812616
RP11-68I3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7119826	0,812616

RSBN1L	2,86	1,74	2,53	2,67	0,7119938	0,812616
RP11-553A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7120433	NA
RN7SL369P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7120915	NA
AP001469.5	0,26	0,52	0,00	0,00	0,7122664	NA
RP11-8J9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7123161	0,812942
RP11-103B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,71239	NA
FSCN2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7124379	NA
MIR1200	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7124568	0,81306
RP11-368P15.3	4,16	4,63	4,49	4,94	0,7125873	0,813124
CTD-3222D19.11	0,00	0,00	0,00	0,66	0,7126027	NA
TMEM35B	5,78	5,91	4,82	5,63	0,7126073	0,813124
ZRANB3	2,03	0,19	1,16	1,37	0,7126226	0,813124
RHOG	8,06	7,29	7,87	7,41	0,7128975	0,813388
EDC3	2,59	3,66	2,37	2,17	0,7129269	0,813388
AC083843.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7129392	NA
SLC2A8	3,59	2,50	3,04	2,73	0,7130503	0,813487
RP11-6I2.3	0,00	0,00	0,10	0,00	0,7132313	0,813577
CEBPZOS	3,97	3,75	4,34	3,60	0,7132341	0,813577
SMIM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7132541	NA
ARAF	5,40	4,92	5,24	4,60	0,713289	0,813577
ARMCX3	2,86	2,93	2,89	2,06	0,7133116	0,813577
RP11-408O19.5	0,00	0,31	0,34	0,58	0,7133118	0,813577
GRIPAP1	4,37	4,05	4,31	4,04	0,7133881	0,813622
SLC2A9	3,55	2,63	2,78	4,30	0,7134515	0,813652
RN7SL155P	0,00	0,00	0,00	1,00	0,7135743	NA
MIR7976	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7136421	NA
C1orf194	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7136725	NA
KLHL15	2,41	0,68	2,50	1,16	0,7136875	0,81388
RARRES2P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,713713	NA
ING5	4,69	4,75	4,17	4,00	0,7138172	0,813986
RP11-363E6.3	0,00	0,31	0,00	0,00	0,713861	NA
COL5A1	0,00	0,09	0,00	0,03	0,7138645	0,813998
PPP1R14BP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7138858	NA
RP11-29O13.1	0,00	0,75	0,00	0,00	0,7138957	NA
RP11-326K13.3	0,20	0,13	0,32	0,13	0,7139228	0,814023
C7orf43	2,62	0,69	2,86	2,45	0,7139693	0,814034
RP11-26311.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,71407	NA
AC096670.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7140944	NA
RP11-80F22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7141335	NA
C1orf123	5,51	5,51	5,74	3,07	0,7142907	0,814273
EHMT1	5,13	5,85	5,51	5,29	0,7142909	0,814273
RN7SL118P	1,28	0,84	0,21	3,50	0,7143208	0,814273
RNU6-827P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7143294	NA
RP11-758P17.3	2,40	0,83	0,94	0,00	0,7143494	0,814273
CLEC16A	2,47	3,52	2,30	1,49	0,7143623	0,814273
RP11-141C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7143863	NA
RNU2-10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,714392	NA
RP11-168J18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7144114	NA
RP1-111D6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7144354	NA
NUP50	3,85	3,45	3,68	3,46	0,7144582	0,814331
CLEC1A	1,28	1,62	1,98	2,78	0,7144859	0,814331
OCM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7145288	NA
ICA1L	3,44	1,85	2,88	3,71	0,7145359	0,814346
AC011747.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7145579	NA
SP2	1,98	0,91	2,54	2,09	0,714668	0,814413

AC145110.1	0,80	1,43	0,79	0,81	0,7146942	0,814413
RP11-2A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7146989	NA
AP002884.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7147046	0,814413
RP11-337A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7147909	NA
RP11-875O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,714797	NA
RECQL4	0,00	0,03	0,00	0,00	0,7148253	0,81442
SLC2A3	6,96	6,28	6,52	6,51	0,714828	0,81442
RP11-568A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7148983	NA
RP11-141B14.1	0,29	0,09	0,17	0,24	0,7149044	0,81442
RP11-326L2.1	0,33	0,24	0,57	1,10	0,7149614	0,81442
CRAT	2,54	0,79	1,69	3,49	0,7149786	0,81442
RP11-481E4.2	0,37	0,36	0,36	0,36	0,7149855	0,81442
PDE12	1,56	1,24	1,46	1,56	0,7149898	0,81442
RNU6-151P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7150417	0,81442
IVL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7150487	NA
STAG3L3	4,49	4,42	4,20	4,01	0,7150517	0,81442
RP11-395G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7150763	NA
RNU6-531P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7150771	0,81442
RNU6-1310P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7150909	NA
NEK1	3,45	3,19	2,95	3,02	0,7152313	0,81452
KIF15	0,00	0,48	0,00	0,17	0,7152382	0,81452
PENK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7152878	NA
AC023797.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7153782	NA
RP3-399L15.3	1,04	1,55	2,38	1,27	0,7154866	0,814761
RP11-675P14.2	0,60	0,63	0,73	0,00	0,7155791	0,814825
RNU6ATAC9P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7155914	NA
MIR6087	0,00	0,00	0,00	3,32	0,7156377	NA
ANKRD34B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7156396	NA
RP11-660M5.1	0,00	4,18	0,74	0,00	0,7157086	0,814904
RP11-460N20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7157201	NA
TOM1L2	1,75	1,35	1,84	2,06	0,715735	0,814904
RNU6-534P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7157464	NA
OR2T10	0,00	0,00	0,00	0,07	0,715759	0,814904
RP11-252A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7157729	NA
PCDHGC5	0,00	0,05	0,00	0,00	0,7158116	NA
ADGRL1	0,03	0,03	0,11	0,43	0,7158733	0,814964
RP11-863P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7158808	NA
TNFSF12-TNFSF13	0,00	3,79	1,57	4,48	0,7158848	0,814964
RP11-815J4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7161101	NA
AC012513.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,716225	NA
RP11-874G11.1	0,00	0,00	0,00	0,79	0,7162289	0,815276
OR2A5	1,43	1,49	1,30	1,26	0,7162424	0,815276
CTD-2207A17.1	0,00	0,06	0,00	0,05	0,7162693	0,815276
RP11-113C12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7163188	NA
RP11-362I1.1	0,00	0,30	0,00	0,00	0,7163422	NA
NPIP6	0,41	0,91	0,60	0,00	0,7163503	0,815327
RP1-292L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7164264	NA
ARHGAP36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7164737	NA
RP11-326A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7165303	NA
AGR3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7165861	NA
RP11-152N13.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7165925	0,815459
EXOSC10	4,46	4,33	4,50	4,19	0,7166643	0,815459
RP11-559M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7167073	0,815459
CCHCR1	2,22	1,31	2,59	2,55	0,7167076	0,815459
RNGTT	3,67	1,91	3,06	1,04	0,7167123	0,815459

TJP1	1,83	0,70	1,67	0,45	0,7167417	0,815459
ELMOD1	0,06	0,16	0,09	0,11	0,7167548	0,815459
BCL2L15	0,24	0,03	0,15	0,26	0,7167602	0,815459
RP11-238O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7168826	NA
RNU6-701P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7169252	NA
RP1-76B20.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7169382	NA
TPP2	4,53	4,17	4,89	4,08	0,7170051	0,815696
RP11-161I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,717148	NA
ZNF707	1,25	0,60	0,89	1,18	0,7171709	0,815825
MIR3174	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7171825	NA
RP11-1280N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7171922	0,815825
KLRC4-KLRK1	0,00	0,13	0,00	0,37	0,7172324	0,815829
LILRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7173212	NA
GPR173	0,03	0,13	0,01	0,03	0,7173365	0,815906
RNASP442	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7174652	NA
RP11-707P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7176078	NA
FAM47E-STBD1	0,09	0,11	0,06	0,13	0,717611	0,816176
LUM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7176769	NA
HOXA5	0,42	0,75	0,35	0,58	0,7177336	0,816274
RP11-277E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7177922	NA
RP11-320N21.2	0,90	0,24	0,41	0,62	0,7178164	0,816327
RP11-467L19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7178696	NA
HPN	0,27	0,59	0,43	0,07	0,7178832	0,816357
RNF24	4,50	2,07	3,82	2,82	0,7179296	0,816357
IQSEC1	3,83	3,47	3,82	3,66	0,7179536	0,816357
RP11-373D23.2	6,88	6,45	6,83	5,70	0,7180126	0,816382
RNU6-126P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7180327	NA
RET	0,00	0,03	0,00	0,00	0,7180947	NA
ZNF616	0,34	0,97	0,57	1,39	0,7180956	0,816382
ALDH7A1	2,45	2,35	1,90	2,88	0,7181096	0,816382
RP11-710M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,718115	NA
CEP120	2,27	0,68	1,09	2,28	0,7182008	0,816382
AFMID	4,27	2,74	4,61	3,78	0,7182079	0,816382
ACO06116.12	0,00	0,52	0,41	0,00	0,7182215	0,816382
CTD-2007H13.3	0,00	0,00	0,38	0,46	0,7182698	0,816382
UCK1	1,30	4,31	3,28	0,92	0,7182789	0,816382
CDKN2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7183389	0,816382
SPINT1	4,80	4,54	4,62	3,52	0,7183423	0,816382
RP11-542G1.1	0,46	0,46	0,00	0,41	0,7184258	0,816416
RP11-791J7.2	1,37	0,91	1,84	1,80	0,7184464	0,816416
RNU7-84P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7186082	0,816558
CTD-3116E22.7	0,37	0,32	0,49	0,01	0,7186858	0,816605
RP11-701H24.5	0,00	0,00	0,00	0,69	0,7187915	0,816653
SUDS3	2,71	2,98	2,45	1,86	0,7188015	0,816653
AP000692.10	0,00	0,21	0,00	0,00	0,7188104	NA
RP1-59D14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7188237	NA
RP11-534G20.3	2,13	2,60	3,44	3,08	0,7188745	0,816694
PRADC1	3,30	0,79	2,22	3,50	0,7189643	0,816754
ZBP2	0,44	0,67	0,32	0,00	0,7190601	0,816821
AC104534.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7191054	0,816826
NGRN	3,66	0,53	2,86	2,15	0,7191824	0,816826
RP11-755F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7191959	0,816826
MTFR1L	5,20	3,14	4,94	2,62	0,7192116	0,816826
FAM25G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,719219	NA
RP11-543F8.2	0,00	0,00	0,08	0,99	0,7193373	0,816928

AC112217.2	0,57	0,71	0,68	0,53	0,7194292	0,81699
RP11-64C12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7196478	NA
MIR491	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7196704	NA
SMOX	3,05	3,12	3,21	1,34	0,7197128	0,81727
LIPC	1,12	0,52	0,89	0,55	0,7198111	0,817339
SNORD38C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7198362	NA
RP11-727F15.12	0,00	0,00	0,00	0,21	0,7198471	0,817339
RP11-613D13.8	0,00	0,20	0,00	0,00	0,7198512	NA
HIST1H2BPS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7199612	NA
RP11-179A16.1	0,31	0,35	0,38	0,32	0,7199675	0,817434
CTD-2228K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7200859	NA
RP11-398K22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7201143	NA
RP1-101A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7201563	0,817561
GRXCR2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7201626	NA
FRG1B	1,32	0,00	0,47	0,27	0,7201844	0,817561
CAHM	2,08	0,63	1,25	1,90	0,7201892	0,817561
RP11-305O6.4	0,72	0,00	2,33	0,23	0,7202321	0,817568
SNORD101	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7203292	NA
AC078843.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7203953	NA
RP11-800A3.4	0,00	0,08	0,00	0,00	0,7204334	0,817754
CTD-2311M21.2	1,99	2,31	1,78	2,09	0,7204784	0,817764
MTAP	4,16	4,21	3,83	3,50	0,7205536	0,817791
RP11-732A21.2	0,24	0,46	0,17	0,27	0,7205761	0,817791
RNU2-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7206348	NA
RP11-436D23.1	0,72	0,73	0,42	0,84	0,7208003	0,818004
RP11-809O17.1	3,85	4,14	3,63	2,93	0,7208667	0,818035
RN7SL341P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7208793	NA
CTD-2574D22.4	0,07	0,30	0,10	0,14	0,7209012	0,818035
LLOXNC01-237H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7209067	NA
RP11-497H16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7210508	NA
SLC22A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7210607	NA
RP11-862P13.1	0,00	0,00	0,00	0,39	0,7211067	0,818226
AC005154.6	5,99	5,76	5,80	6,03	0,721187	0,818276
CTD-2302E22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7212	NA
KIF21B	0,45	0,37	0,33	0,12	0,721296	0,818357
CNOT6L	3,77	3,11	3,42	2,82	0,721419	0,818455
RP11-209D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7214707	NA
RP4-683L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7214782	NA
CTC-527H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,721524	NA
OR8D4	0,12	0,09	0,10	0,12	0,7216078	0,818611
IGHV1OR15-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7216086	NA
RP11-294C11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7216086	NA
RP11-251A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7216333	NA
ACOT8	4,81	2,27	3,85	3,74	0,7216539	0,818611
ZNF334	0,00	0,00	0,05	0,10	0,7216666	0,818611
ZNF10	3,69	5,22	3,04	0,67	0,7217393	0,818612
INAFM2	3,67	4,02	3,19	2,91	0,7217413	0,818612
SHCBP1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,721827	NA
RP4-583P15.14	1,02	0,99	0,99	0,77	0,7219558	0,818813
RP11-365D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,722021	NA
RP11-733C7.2	1,93	2,30	2,45	2,59	0,7220723	0,818855
RP11-197K3.1	0,17	0,34	0,00	0,00	0,7220988	0,818855
RP11-481J2.1	1,28	1,91	0,74	1,43	0,7221113	0,818855
RBBP6	5,23	4,75	5,63	5,06	0,7221609	0,818855
RP11-13N13.5	2,87	3,26	3,01	2,62	0,7221781	0,818855

RP11-661A12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7222132	0,818855
RP11-213G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7222757	NA
RPS12P21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7222787	NA
TAP1	6,36	5,80	6,18	6,20	0,722303	0,818915
ZNF33A	4,68	4,80	4,23	3,95	0,7223582	0,818935
DENND1C	3,49	2,58	2,92	2,65	0,7224261	0,818971
BSPRY	0,08	0,18	0,43	0,11	0,7225101	0,81899
C15orf54	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7225137	NA
RNU6-428P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7225159	NA
RP11-399K21.11	1,06	0,66	0,00	0,00	0,7225233	0,81899
ADSL	6,08	5,97	5,68	4,37	0,7225591	0,81899
PAFAH2	2,09	0,58	1,64	1,61	0,7225905	0,81899
RP11-893F2.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7227908	NA
RP4-604G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7228723	NA
IL15RA	0,52	1,37	0,35	0,20	0,7229223	0,819324
GLE1	3,31	3,34	2,66	2,68	0,7229617	0,819327
RP11-39C10.1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,7229914	NA
C12orf79	3,92	4,17	3,85	4,76	0,7230988	0,819359
RNF139	5,13	4,94	4,80	3,90	0,7231448	0,819359
GCKR	1,11	1,80	1,32	1,48	0,723151	0,819359
LIG3	2,48	1,93	2,35	2,07	0,7231788	0,819359
RP11-277P12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7232153	0,819359
RP5-884C9.4	0,00	0,09	0,00	0,00	0,7232641	NA
CTD-3051D23.1	0,03	0,04	0,00	0,07	0,7232668	0,819359
ACO12370.3	0,70	0,74	0,91	1,15	0,7232713	0,819359
PPCDC	3,79	0,39	4,31	3,95	0,7232891	0,819359
ADAL	2,08	1,50	1,56	3,39	0,7233217	0,819359
CLDN16	0,00	0,04	0,02	0,04	0,723389	NA
RP11-454K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7234025	NA
LIN9	0,00	0,00	0,00	0,04	0,7234808	0,819497
RP11-253A20.1	0,00	0,00	0,00	0,28	0,7236112	0,819603
TRIM32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7236304	NA
LL22NC03-N64E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7237636	NA
MIR497HG	0,26	0,19	0,27	0,29	0,7237789	0,819752
STX19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7238057	NA
RP11-450K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7238374	0,819776
AC007319.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7238383	NA
DUX4L17	0,00	0,00	0,00	0,13	0,723899	NA
NPW	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7239229	0,819831
LVRN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7239815	NA
RF00191	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7241278	NA
CDRT1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,7241808	NA
LYG1	0,00	0,00	0,00	0,88	0,7241836	0,820062
OSGEP	5,87	5,44	5,96	5,42	0,7242005	0,820062
RP11-475I24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7242518	NA
RP11-303E16.7	0,10	0,29	0,17	0,71	0,7243262	0,820147
CBX7	0,10	0,36	0,34	0,66	0,7243492	0,820147
RP11-605F22.2	0,00	0,44	0,00	0,00	0,7243889	NA
AP001465.5	0,00	3,29	0,00	0,00	0,7244888	0,820197
KIF17	1,46	3,86	0,99	0,07	0,7245157	0,820197
COIL	2,46	1,45	2,54	2,13	0,7245171	0,820197
RP11-165D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7246163	NA
DMWD	1,39	1,88	1,59	2,01	0,7246235	0,820197
RP11-726G23.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7246332	0,820197
RN7SL685P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7246411	NA

BCAR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7246521	0,820197
ACMSD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7246618	NA
RP4-715N11.2	0,00	0,00	0,57	0,00	0,724731	0,820197
RP11-744K17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7247327	NA
KIAA2026	3,69	2,22	3,70	3,70	0,7247499	0,820197
SLC13A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,724751	NA
CTD-2655K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7247764	NA
RP11-187A9.3	1,32	0,64	1,55	0,72	0,7247927	0,820197
BCAP31	6,95	6,60	6,76	6,13	0,7247967	0,820197
RP11-304M2.3	0,00	0,00	0,00	0,18	0,7247998	0,820197
RP11-178C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7249477	NA
DEPDC4	0,22	0,50	0,21	0,43	0,7250531	0,820442
KLHDC3	4,44	4,61	4,80	4,09	0,7250922	0,820445
RP11-430C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7251627	NA
RP11-204M4.2	0,00	0,24	0,00	0,95	0,7251977	0,8205
TAOK3	6,88	5,99	6,51	5,68	0,7252152	0,8205
RP11-73K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7253217	NA
ATF7IP	5,17	3,57	5,03	4,16	0,7253681	0,820631
RP11-160H22.5	0,96	0,96	1,33	1,14	0,7254393	0,82067
TMEM186	1,11	2,17	1,22	0,72	0,7255385	0,820741
NUDT17	0,61	0,52	0,77	0,44	0,7256222	0,820794
RN7SL4P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7257675	0,820888
RP11-690J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7257797	0,820888
PSMG1	4,46	2,27	4,68	4,71	0,7258213	0,820894
AC004870.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7259031	NA
RP11-244M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7259297	NA
ADAMTS14	0,00	0,00	0,00	0,02	0,726032	NA
CRYGB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7261022	NA
RP11-19P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7261022	NA
RP11-550I24.2	1,64	0,90	1,60	2,56	0,7261963	0,821276
RP11-134L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,726235	NA
RP11-395I6.3	0,19	1,28	0,00	0,26	0,7262387	0,821282
RP11-287D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7262971	NA
RP11-1277A3.1	0,29	0,00	0,29	0,08	0,7263066	0,821317
RP11-214L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7263481	NA
SBF1	2,33	3,54	2,97	2,02	0,726531	0,821529
RP11-15I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7266233	NA
MAF	0,05	0,27	0,25	0,57	0,726641	0,821612
LRRC42	1,31	0,00	1,07	0,36	0,7267306	0,821671
DAPK3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7268708	0,821788
MIR548AC	0,00	0,00	1,63	0,00	0,7269805	0,82187
MBP	5,48	5,27	5,48	4,96	0,7270533	0,82191
CTD-2380F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7270963	NA
RNU2-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7271672	NA
HCG14	0,00	0,00	0,00	0,56	0,7272238	0,822061
RN7SL585P	0,00	0,08	0,00	0,00	0,7272555	NA
AIRN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,727301	NA
RP5-1189D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7273379	0,822149
ATP5EP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7274301	NA
AC097713.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7274322	NA
RP1-92O14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,727456	NA
RP11-613M10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7274637	0,822249
GOLGA8K	0,09	0,03	0,00	0,07	0,7275806	0,822332
CRK	4,23	4,36	4,26	3,74	0,7276112	0,822332
RP11-17L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7276222	NA

AC098817.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7276814	NA
UBXN2A	2,94	1,78	2,54	2,36	0,7276955	0,822385
NOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7277799	NA
Xxbac-B476C20.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7279389	NA
TAS2R15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,727944	NA
LRRN2	0,05	0,08	0,07	0,03	0,7279833	0,822642
TRIM41	2,29	1,32	1,71	1,97	0,7279967	0,822642
STXBP3	4,94	5,02	4,87	4,71	0,728058	0,82267
RP3-471M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7281095	NA
AC093110.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7282213	NA
RP11-768B22.2	0,07	0,22	0,02	0,06	0,7282957	0,82286
CDKN1B	3,88	3,92	3,75	3,23	0,7283288	0,82286
RP11-243M5.2	0,00	0,00	0,06	0,15	0,7283389	0,82286
RP11-436I9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7283414	NA
RP11-558O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7283434	NA
MTHFSD	1,04	3,93	1,05	0,96	0,7283743	0,82286
AC116366.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7283922	NA
MIR429	0,00	0,00	0,00	0,00	0,728449	NA
AC087163.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7284924	NA
RP11-374M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7284939	NA
NBPF11	2,81	2,68	1,53	1,19	0,728507	0,822968
PEX11A	0,34	0,63	0,31	0,46	0,7286704	0,823111
RN7SL290P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7288255	NA
RP11-589M4.3	0,40	0,00	0,00	0,00	0,728857	0,823279
PXDN	0,00	0,85	0,00	0,00	0,728996	NA
RP11-25I15.2	0,28	0,76	0,39	0,77	0,7290218	0,823424
RP11-651P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7290235	NA
RN7SL505P	0,00	0,00	0,00	0,95	0,7290776	NA
RP11-354H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,729186	NA
ADGRV1	2,37	3,24	1,84	2,48	0,7291901	0,823572
RP11-99J16_A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7293622	NA
KB-1592A4.15	0,00	0,23	0,00	0,03	0,7293697	0,823601
ARFIP1	4,00	3,53	3,83	3,12	0,7293739	0,823601
MIR4298	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7293837	NA
PPP2CB	4,22	3,21	4,04	3,49	0,7294136	0,823601
DOK1	2,02	1,78	2,29	3,46	0,7294391	0,823601
RP11-297C4.1	0,00	0,41	0,44	0,31	0,7294428	0,823601
AC005017.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7294737	NA
RSAD2	2,78	0,90	3,52	3,02	0,7295315	0,823601
DDTL	0,09	0,00	0,11	0,09	0,7295394	0,823601
NTHL1	3,79	2,70	2,88	3,57	0,7295476	0,823601
INTS4P1	0,52	0,04	0,13	0,39	0,7295492	0,823601
WDR74	6,07	5,66	5,91	5,82	0,7296026	0,823619
RP11-486I19.2	0,61	0,39	0,64	0,69	0,7296923	0,823679
RP11-689B22.2	0,00	0,32	0,00	0,00	0,7297284	NA
RP11-571I18.5	0,00	0,00	0,04	0,10	0,7298156	0,823776
GOLGA6B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7298965	NA
TCEA1	5,49	3,32	5,18	4,92	0,7299012	0,823831
RP11-70P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7299689	NA
AC012065.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7300041	NA
RP11-544L8_B.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7300536	NA
DCAF10	3,50	1,95	3,20	2,35	0,730071	0,82397
RP11-298A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7300985	0,82397
CHD1L	5,47	4,83	5,41	4,04	0,730245	0,824093
RP11-496N12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7302474	NA

RN7SL570P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,730301	NA
MYO1E	5,69	4,42	5,12	5,12	0,7303698	0,824192
RP11-21M24.3	0,00	0,57	0,00	0,00	0,73038	NA
RP11-274J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7303843	NA
RP11-809N8.4	2,10	1,89	2,43	1,75	0,7304795	0,824274
KARSP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7305277	NA
GPS1	5,98	6,17	5,91	5,92	0,7305458	0,824307
TRBV25-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7305901	NA
HIST1H1D	4,27	3,81	3,83	3,67	0,7306202	0,824349
FOXO1	2,54	2,12	2,71	2,66	0,7306587	0,824351
OXCT1	2,64	2,85	2,04	2,04	0,7306997	0,824355
RP11-268F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7307291	NA
ACO34220.3	1,62	1,03	1,93	1,31	0,73088	0,824517
RP5-1077I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7309281	NA
PTMAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7309282	NA
IGHV3-43	0,00	0,55	0,00	0,00	0,7310437	NA
E2F4	5,18	4,83	4,70	4,34	0,7311095	0,824734
STOX2	0,00	0,01	0,00	0,00	0,7311505	NA
IGLJCOR18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7312039	NA
IGLV5-37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7312054	NA
RP11-983P16.2	0,82	1,33	0,96	1,58	0,7313412	0,824923
CTA-254O6.1	0,00	0,00	0,14	0,07	0,7313515	0,824923
NUB1	4,92	3,46	4,70	4,04	0,7314006	0,824937
STMN1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7314298	NA
SNORD116-21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,731449	NA
RN7SL65P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7314531	NA
ASCC3	4,38	4,44	3,82	2,83	0,7315172	0,825026
SNORA27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7315567	NA
FOXF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7315979	NA
U2AF1L5	6,09	5,76	6,15	5,95	0,731599	0,825077
IQUB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7316589	NA
RF00212	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7316964	NA
RP11-484H12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7317345	0,825188
RP11-327L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7317569	NA
AP000347.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7317638	NA
CTNNA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7317767	NA
RP11-843B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7317783	NA
ZFAND5	7,22	6,70	7,50	7,02	0,731788	0,825206
SCAMP1	3,57	1,96	3,18	2,13	0,7318467	0,825231
CMBL	0,38	0,44	0,43	0,20	0,7318985	0,825247
AC007182.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7319768	NA
MIR576	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7319829	0,8253
LRTM1	0,67	0,95	0,81	1,28	0,7320434	0,825327
SPAG16	1,51	0,88	0,92	1,17	0,7321973	0,82545
WDR18	5,14	2,86	5,63	5,76	0,7322352	0,82545
ZNF337	2,53	0,63	1,24	0,95	0,732264	0,82545
RN7SL231P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7323256	NA
ATP6V1E2	0,25	0,28	0,27	2,22	0,732383	0,825486
ARHGFE2	3,99	3,54	3,99	3,62	0,7323955	0,825486
TMEM42	5,10	5,70	4,67	1,79	0,732408	0,825486
RP11-113K21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,732459	NA
PPIG	6,40	5,98	6,14	6,06	0,7325432	0,825597
SLC2A13	0,01	0,75	0,30	0,34	0,7326471	0,825639
RNU7-45P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,732655	0,825639
RP11-799P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7327259	NA

NUDCD3	3,86	4,55	3,89	3,02	0,7327676	0,825724
AC011330.13	0,00	0,32	0,00	0,29	0,7329056	0,825838
HNRNPUL1	4,90	4,87	5,08	4,72	0,732982	0,825882
OR2H4P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7330261	NA
ADGRA2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,7330771	NA
ETHE1	7,21	6,85	7,15	5,80	0,7330841	0,825932
RFX8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7331101	NA
RP5-849H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,733123	NA
CD70	0,00	0,34	0,00	0,00	0,7331372	0,825932
TAF1L	0,00	0,04	0,00	0,02	0,7331378	0,825932
C22orf34	2,85	0,95	1,03	0,81	0,7332111	0,825973
TRAM2	0,69	0,97	0,47	0,24	0,7333116	0,826028
SECISBP2	5,25	5,22	4,93	3,94	0,7333612	0,826028
RGS9	0,89	2,43	0,93	0,70	0,7333718	0,826028
RYKP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7334105	NA
AC073264.10	0,00	0,53	0,00	0,00	0,7334595	NA
PIGC	4,42	0,58	3,80	3,82	0,7336049	0,826249
RP11-452D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7336081	NA
RN7SL445P	0,00	0,00	0,00	0,55	0,7336756	NA
IGKV1OR10-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7336781	NA
RP11-54O7.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7337345	NA
RP11-117J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7337683	NA
RP11-501E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7337752	NA
CEACAM4	4,59	2,69	4,65	2,80	0,7338479	0,826481
CTD-2544L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7338939	NA
RP11-347C12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7339247	NA
RP11-148B18.1	0,20	0,00	0,25	0,53	0,7339374	0,82654
GRXCR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7339675	NA
RPSAP58	0,55	1,29	0,85	0,84	0,7340404	0,826572
WWP1	3,68	2,23	3,09	3,28	0,7340406	0,826572
RP11-307O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7340434	NA
RP11-21K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7340815	NA
OR56A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7341442	NA
MRPL16	6,90	6,14	6,32	6,78	0,734182	0,826675
RP11-537H15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7342115	NA
LDLRAP1	1,26	1,35	0,52	1,37	0,734225	0,826675
RP1-303A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,734233	NA
POLN	0,51	0,57	0,42	0,75	0,7342443	0,826675
PGS1	4,32	2,18	3,96	3,77	0,7342806	0,826675
RP11-745O10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7342917	NA
RP11-490N5.2	0,00	0,07	0,00	0,00	0,7342917	NA
RP11-883G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7344002	NA
NLRP7	0,00	0,00	0,00	0,05	0,7344163	NA
IGLV2-5	0,00	1,49	0,00	0,00	0,7344798	NA
AC007040.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7345045	NA
DSG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7345131	NA
TSPAN18	0,00	1,14	0,00	0,12	0,7345762	0,82695
NPM1P14	0,00	0,00	0,00	0,16	0,7346143	NA
FBXL6	2,33	0,52	2,89	2,22	0,734636	0,82695
RP11-383C5.4	0,00	1,54	0,00	0,00	0,7346364	0,82695
FCHO1	3,50	3,99	3,90	3,19	0,734686	0,826964
MTRNR2L11	0,00	0,00	0,00	0,09	0,7347615	NA
CH507-39O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7347681	NA
MIR24-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7348345	NA
RPL7AP10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7348397	NA

AC092162.1	0,00	0,00	0,00	0,03	0,7348437	0,827099
SF3A2	0,48	0,69	0,41	0,89	0,7349202	0,82711
ARPIN	2,18	2,82	1,79	2,16	0,7349279	0,82711
CDC42	8,14	8,27	8,09	7,52	0,7349918	0,82714
C20orf191	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7350412	NA
CTD-2318B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7350491	NA
RP4-591C20.9	0,00	0,16	0,02	0,63	0,7351146	0,827237
RP11-348N5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7352225	NA
RP11-488L18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7352263	NA
RP11-579D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7352308	NA
IFNLR1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,7352622	NA
RP11-1084A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7352671	0,827322
RP11-809N8.2	3,43	1,41	3,42	2,40	0,7352698	0,827322
TERF2	2,93	2,97	2,93	2,13	0,7353018	0,827322
RP11-453E17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7355476	NA
RP11-473M10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7356637	NA
RP11-258F1.2	0,00	0,15	0,00	0,00	0,7356941	NA
RP11-114F3.4	0,00	0,00	0,00	0,12	0,7357207	NA
RP11-686D22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7357342	NA
TMLHE	3,73	2,91	3,50	2,83	0,735878	0,827928
DPY19L2P1	0,03	0,05	0,11	0,15	0,735938	0,827954
RP11-257K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7359536	NA
IGHV3-69-1	0,00	0,72	0,00	0,00	0,7360188	NA
ERGIC2	4,97	5,64	4,53	3,98	0,7360505	0,828038
RP11-887P2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7362443	NA
KB-1042C11.5	0,06	0,22	0,00	0,16	0,7362529	0,828224
DGKG	2,10	2,22	1,39	1,35	0,7363175	0,828238
SLX1B	5,10	4,22	4,40	5,21	0,7363728	0,828238
KDM1A	4,34	4,59	3,90	2,83	0,7363771	0,828238
RP11-490D19.8	0,00	1,11	0,00	0,00	0,7364016	NA
RP11-384C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7364871	0,82832
LINC00595	0,07	0,40	0,24	0,04	0,7365388	0,828323
KLHL5	4,49	4,71	3,93	4,15	0,7365642	0,828323
FKBP10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7365721	NA
TRAV12-3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,736581	NA
DDX23	4,16	2,58	4,18	2,43	0,7366905	0,828403
RP11-115C21.2	0,80	0,64	0,77	1,07	0,7367107	0,828403
AC093802.1	0,64	1,30	0,45	0,60	0,7368266	0,828481
DIAPH3	0,04	0,05	0,10	0,21	0,7368544	0,828481
RNU7-10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7369479	NA
FAM189A2	0,00	0,00	0,00	0,03	0,7369558	0,828498
TMEM132A	0,25	0,45	0,69	0,56	0,7369672	0,828498
RP11-249M12.2	0,00	0,35	0,29	0,27	0,7369812	0,828498
RP11-350G8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7369978	NA
CTC-296K1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7370193	NA
RP11-295K2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7370336	0,828515
RP11-144G6.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7370492	NA
RF00432	3,14	3,72	2,29	2,62	0,7372345	0,828699
RP11-1280N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7372993	0,82873
LY6G6C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,737364	NA
LRRC37A	1,48	1,09	1,49	0,60	0,7373927	0,828771
CTB-151G24.1	1,93	1,60	2,24	0,00	0,7374179	0,828771
RP11-515B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7374449	NA
LRRN4CL	0,09	0,11	0,05	0,14	0,7374477	0,828771
RP11-177C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7374491	NA

MAP7D3	2,40	2,48	1,52	2,61	0,7374861	0,828772
AC010894.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7375184	NA
AC073610.5	0,00	0,00	0,00	0,13	0,7375279	NA
FCHSD2	4,19	3,64	3,92	3,74	0,7376497	0,828914
AC093838.4	1,70	0,68	1,22	0,96	0,7377392	0,828973
TNK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7377963	NA
CRTAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7379	NA
AL449209.1	2,44	0,36	2,01	1,01	0,737909	0,829055
RP11-442N24_B.1	0,35	0,78	0,00	0,00	0,7379222	0,829055
CFAP157	0,00	0,00	0,01	0,10	0,7379533	0,829055
NF2	3,42	3,15	3,22	2,55	0,7379615	0,829055
ANKRD34A	0,00	0,07	0,00	0,00	0,7380291	0,82907
GJC3	0,00	0,14	0,00	0,25	0,7380494	0,82907
RP11-686D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7380599	NA
RP11-560I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7383374	NA
RP11-311B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7383414	0,829341
ZNF354A	2,85	2,62	3,12	2,12	0,7383796	0,829341
RP11-486A14.1	0,00	0,82	0,07	0,15	0,7384046	0,829341
RP11-114F10.2	0,00	1,09	0,31	0,00	0,7384668	0,829341
MPP1	5,16	3,86	5,19	4,84	0,7385132	0,829341
RP11-493E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7385144	0,829341
CTC-444N24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7386067	NA
PEX11B	4,44	3,53	2,76	3,44	0,7386707	0,829435
MTMR3	2,63	2,81	3,11	3,02	0,7386732	0,829435
RP11-160E2.21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7386929	NA
RP11-460E7.8	0,00	1,76	0,00	0,00	0,7387234	0,829444
AC005307.1	0,06	0,10	0,04	0,08	0,7387557	0,829444
RP11-130L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7389697	NA
RP11-141B14.2	0,26	2,02	0,80	0,50	0,7389993	0,829676
PHLPP1	2,19	2,05	1,83	1,64	0,7390687	0,829712
RP11-608O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7390919	NA
LLNLR-285B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7391355	NA
VPS18	1,99	2,47	1,78	1,19	0,7392593	0,829852
HSD17B10	7,63	7,14	7,38	7,66	0,7392681	0,829852
RP11-159G9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7392902	NA
ACAP2	6,73	6,98	6,55	5,84	0,7394333	0,829932
DYRK3	0,00	0,00	0,00	0,07	0,7394948	0,829932
RP11-923I11.4	0,15	0,12	0,00	0,00	0,7394949	0,829932
TDRD9	0,83	0,31	0,61	1,44	0,7395	0,829932
BCL2A1	5,94	5,81	5,63	4,33	0,7395262	0,829932
RP11-78A19.3	7,01	5,53	6,77	6,17	0,7395709	0,82994
RNU6-308P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7396166	NA
RP11-115H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7396322	NA
RP11-149J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7396516	NA
AC125238.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7397065	NA
THAP6	2,12	2,98	2,71	2,84	0,7397112	0,830056
RP11-341D18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7397138	NA
PSMB3	9,27	9,05	9,14	9,01	0,739833	0,83015
KCNH1	0,70	1,22	0,97	0,95	0,7398739	0,830154
RP11-394O2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7399442	0,830191
RP11-282O18.3	1,59	2,39	1,43	2,12	0,7400753	0,830296
RNU1-94P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7400998	NA
CETN4P	0,08	0,15	0,14	0,22	0,7401335	0,83032
CWC27	4,90	3,83	4,27	3,70	0,7401711	0,83032
RP11-552D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7402119	NA

RPL10P14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7402521	NA
FSTL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7402864	NA
DHRX	4,98	5,34	4,81	3,56	0,7404731	0,830617
FAS	3,87	2,77	3,03	2,51	0,7405101	0,830617
RP1-41C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7405284	NA
RP11-351J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7405677	NA
SNHG1	6,46	5,55	6,02	5,71	0,7406705	0,830755
AC007792.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7407207	NA
RP11-46H11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7407228	NA
C17orf62	6,57	6,17	6,16	5,65	0,7408784	0,830946
AC004980.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7409322	NA
RALB	4,55	4,81	4,40	3,90	0,7409697	0,831006
AC069213.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7410332	NA
AC005037.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7410644	0,831071
RP11-573G6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7411419	NA
PRIMA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7411614	NA
RP11-196G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7411793	NA
RP11-95M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7412301	NA
FEM1AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7412564	NA
RP11-38O23.5	0,00	0,12	0,00	0,00	0,7412586	0,831122
RP11-1006G14.4	1,95	0,00	1,06	1,58	0,7412725	0,831122
RP1-138A5.1	0,00	0,00	0,00	0,19	0,7413126	NA
RP5-905H7.11	0,00	0,00	0,00	0,01	0,7413582	NA
PFN1P8	2,72	1,85	1,30	2,08	0,7414248	0,831309
MAP2K2	5,18	5,42	5,36	5,69	0,7414331	0,831309
RP11-210K20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7414718	0,831309
ADGRG1	2,45	1,53	1,69	1,78	0,7415091	0,831309
RP11-65J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7415391	0,831309
CTB-31N19.3	2,24	3,04	3,95	2,85	0,7416149	0,831352
GORASP2	4,57	3,80	3,85	4,06	0,7417069	0,831396
GALNT4	1,36	0,17	1,17	1,30	0,741729	0,831396
RP11-520D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,741766	NA
CH507-254M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7417693	NA
PHKG2	5,74	5,81	5,78	5,55	0,7418327	0,831465
TOP3B	1,31	2,11	2,54	2,46	0,7418651	0,831465
RP11-20B24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,741966	NA
CTC-339D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7420606	NA
WDR4	2,38	0,83	1,52	0,46	0,7421874	0,831784
ARL14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,742207	NA
ZNF776	2,37	2,56	2,36	2,53	0,7422883	0,831855
B3GAT3	3,42	3,69	3,74	4,35	0,7424583	0,831996
KCNK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7425151	0,831996
ITPKB	2,42	1,30	1,89	1,55	0,7425575	0,831996
GZF1	3,10	3,79	3,21	3,26	0,7425853	0,831996
ZAR1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7426012	0,831996
RP11-72M17.1	1,62	0,00	1,37	0,13	0,7426771	0,832007
CH507-24F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7426872	NA
RF00573	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7427118	NA
AP001628.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7427189	0,832007
EPHA10	0,06	0,02	0,06	0,00	0,7427234	0,832007
FUT8	3,36	3,89	1,91	2,47	0,7427929	0,832043
RP11-452N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7429989	NA
PDS5A	4,85	4,51	4,38	4,14	0,7430503	0,832252
ARL3	1,60	2,38	1,92	0,84	0,7430542	0,832252
DCUN1D1	4,05	3,52	3,12	2,68	0,7431282	0,832293

RN7SL497P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7431339	NA
RP11-154H17.1	1,00	1,11	0,90	0,86	0,7431871	0,832317
RP11-404F10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7432453	NA
RARG	0,94	0,80	1,79	1,39	0,7432797	0,832379
HMGB1L1	0,21	0,00	0,00	0,27	0,7433668	NA
RN7SL677P	0,00	1,05	0,00	0,00	0,7435332	NA
SCARA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7435665	NA
AC073310.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7435852	NA
DEFB108P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7435852	NA
RN7SKP140	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7435852	NA
RP11-468J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7435852	NA
RP11-15J10.1	0,00	0,00	0,00	2,90	0,743604	0,8327
RNU12	5,53	5,58	5,44	5,32	0,7436464	0,832706
PAR3	0,00	0,06	0,00	0,00	0,7436983	0,832722
SDHAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7437428	NA
CTD-2207O23.3	0,00	1,01	0,00	1,15	0,7438192	0,832766
CCDC144C	2,02	2,29	2,11	1,66	0,7438489	0,832766
AF064858.6	0,07	0,00	0,00	0,02	0,7438501	0,832766
RP11-582E3.6	1,38	2,51	2,22	0,66	0,7438888	0,832767
SNORA1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7439509	NA
XAGE1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7439589	NA
CLCC1	3,85	3,43	2,76	3,32	0,7440115	0,832863
RP11-10J18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7440153	NA
AC135966.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7440744	NA
RP11-56P9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7442254	NA
ZNF414	0,85	1,20	1,14	1,60	0,7442949	0,833138
AP002381.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7444122	0,833227
RP11-124N3.3	0,00	0,28	0,00	0,00	0,744432	NA
RRP8	3,96	1,69	3,41	1,71	0,7444738	0,833254
FIGLA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7444761	NA
VIL1	0,07	0,11	0,11	0,73	0,7446052	0,833359
KRT26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7447139	NA
RP11-523H20.5	0,97	1,25	0,81	0,70	0,7449088	0,833628
RP4-784A16.5	0,00	0,00	0,00	2,32	0,7449391	0,833628
USP8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7449427	NA
RNU6-1127P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7450049	0,833628
CYTH3	0,16	0,36	0,61	0,45	0,7450164	0,833628
AC005229.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7450201	NA
COLQ	0,00	0,09	0,00	0,05	0,7450331	0,833628
CTD-2587M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7450932	NA
SYF2	5,84	4,78	5,36	5,56	0,7451525	0,83372
RP11-77P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7451885	NA
RP5-870F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7451933	NA
ZFAND4	0,48	1,25	1,10	1,29	0,7452051	0,833737
RPS11P5	0,35	0,00	0,42	0,41	0,7453696	0,833787
NMT1	3,96	4,30	3,84	4,13	0,7454403	0,833787
TOMM6	8,11	8,05	8,02	7,56	0,7454557	0,833787
CMTM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7454646	0,833787
RECQL	3,79	3,19	3,22	3,18	0,7454673	0,833787
RP11-410A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7454747	0,833787
RP11-162O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7455182	NA
NBDY	5,84	4,64	5,42	5,46	0,7456105	0,833884
LINC00324	3,72	2,53	2,91	2,14	0,7456365	0,833884
AP000356.8	0,00	0,10	0,00	0,00	0,7457681	NA
ARHGEF17	0,06	0,00	0,01	0,00	0,7457898	0,83401

RNU4-9P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7457913	NA
RPGRIP1L	0,70	0,95	1,18	1,61	0,7458249	0,83401
CTD-2033D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7460578	NA
RP11-39516.2	0,00	2,33	0,18	0,00	0,7462499	0,83442
GABRA5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,74627	NA
ABHD11	3,95	0,93	2,73	2,07	0,7463099	0,83442
NUBPL	5,04	4,53	4,72	3,55	0,7463206	0,83442
SNORD60	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7463213	NA
RP11-229P13.22	1,22	0,84	1,36	2,46	0,7463416	0,83442
RP11-339A7.1	0,38	0,77	0,45	0,00	0,746376	NA
RP11-152O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7463918	NA
KB-176G8.1	0,16	0,00	0,12	0,16	0,7464046	0,834436
CTD-2561F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7464137	NA
XXbac-B562F10.10	0,00	0,12	0,00	0,51	0,7464309	0,834436
RP11-49K4.1	0,00	0,00	0,00	0,85	0,7464386	NA
RP4-662A9.2	0,00	0,23	0,00	0,00	0,7465053	NA
RP11-548H18.2	0,11	0,19	0,11	0,25	0,746543	0,834497
RBM41	3,24	1,80	2,42	2,55	0,7465606	0,834497
RP11-243118.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7465864	NA
RP11-74E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7466175	NA
CTD-2587H24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7466211	NA
VAV2	0,75	0,42	0,89	0,86	0,7466321	0,834535
RP11-358B23.1	0,00	0,52	0,00	0,00	0,7467031	NA
PTMAP5	0,09	0,14	0,00	0,12	0,7467394	NA
KIRREL3-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7468092	NA
RP11-120A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7468556	NA
PBX4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7468678	0,834703
CCNB1IP1	5,02	4,15	4,66	3,39	0,7468688	0,834703
RP11-76E17.3	0,77	0,55	0,00	0,44	0,7469207	0,834703
CTB-43E15.4	1,95	2,45	1,86	1,58	0,7469543	0,834703
CMTM8	0,00	0,00	0,11	0,00	0,74697	0,834703
NLGN3	0,06	0,13	0,12	0,11	0,7470359	0,834735
RP11-229A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7470473	NA
PIWIL3	0,00	0,13	0,00	0,05	0,7470552	NA
RP4-800G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,747082	NA
RN7SL783P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7471545	NA
RP11-65B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7472705	NA
RP11-199F11.1	0,00	0,53	0,00	0,00	0,7472812	NA
RP11-602N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,747311	NA
OR13G1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,747402	NA
RP11-203H2.1	1,97	2,15	0,57	0,90	0,747424	0,835126
PERP	0,00	0,03	0,00	0,03	0,7474995	0,835169
LCN2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7475143	NA
ZNF319	0,03	0,06	0,09	0,36	0,7475783	0,835202
ZNF330	4,79	3,13	5,08	3,87	0,747604	0,835202
RP11-477B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7476501	NA
CTD-3128G10.6	0,38	0,01	0,04	0,79	0,7476717	0,835235
RNU6-742P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,747722	NA
CBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7477582	NA
RP11-244J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,747853	NA
TNFRSF21	2,91	2,31	2,47	1,00	0,7479758	0,835533
XAGE1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7480468	NA
LA16c-17H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7480998	NA
RN7SL863P	0,00	0,86	0,00	0,00	0,7481107	0,835642
OR7E126P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7481656	NA

RP11-536C10.6	0,00	0,10	0,04	0,00	0,7481799	0,835644
LINC00467	1,99	1,56	1,03	1,92	0,748188	0,835644
RP11-262A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7481916	NA
RP11-435I10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7482586	NA
RP11-814P5.1	0,10	0,10	0,13	0,04	0,7482607	0,835646
CTSF	0,00	0,00	0,00	0,09	0,7482824	0,835646
RP11-574K11.24	3,61	2,66	3,86	2,78	0,7483023	0,835646
RP1-155G6.4	0,75	0,74	0,77	1,28	0,7484034	0,835648
GP6	0,35	0,36	0,56	0,52	0,748405	0,835648
GALP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7484056	NA
OR52K3P	0,00	0,00	0,00	0,78	0,7484173	0,835648
RP11-863P13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7484197	NA
TAOK2	0,28	1,07	0,53	1,44	0,7485412	0,835672
ZNF142	0,29	0,26	0,55	0,45	0,7486317	0,835672
RP11-181C3.1	0,12	0,09	0,19	0,36	0,7486399	0,835672
RP11-646I6.3	0,67	0,66	1,06	1,03	0,7486423	0,835672
RP11-85B7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7486544	0,835672
FAM27C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7486921	0,835672
RP11-15E1.5	0,00	0,06	0,00	0,05	0,748702	0,835672
RP11-263G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7487248	NA
CTC-575N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,748734	NA
RP11-673E1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7487863	0,835715
RP11-319G5.1	0,00	0,34	0,00	0,10	0,7488042	NA
BORCS7	4,99	3,61	4,71	5,29	0,7488174	0,835715
AP000648.5	0,36	0,33	0,62	0,47	0,7488537	0,835715
RP11-568G11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7489064	NA
RP11-85O21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7489245	NA
RP5-967N21.11	1,67	2,44	1,42	1,96	0,7489997	0,83576
ZNF816	0,43	0,44	0,44	0,46	0,7490056	0,83576
ZNF273	1,13	1,42	1,35	1,57	0,7490683	0,83576
RP11-241I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7491036	NA
UQCRC1	8,08	7,50	7,76	7,90	0,7491067	0,83576
DOCK4	0,06	0,56	0,15	0,57	0,7491089	0,83576
RP11-254B13.4	3,76	1,30	2,71	1,07	0,7491193	0,83576
MIR548AA2	2,90	3,16	2,88	0,00	0,749393	0,835982
MIR548D2	2,90	3,16	2,88	0,00	0,749393	0,835982
FOX51	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7495051	NA
IGKV2D-36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7495051	NA
RP11-138C9.1	2,27	1,99	2,55	3,05	0,7495869	0,836156
CELA2A	0,51	0,72	0,50	1,17	0,7496523	0,836187
SELV	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7496871	NA
RN7SL835P	1,50	0,97	1,05	1,41	0,749749	0,836247
DBNDD2	3,75	0,88	1,37	1,14	0,7497815	0,836247
RP5-930J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7498253	NA
RAB2A	6,30	6,27	6,29	5,27	0,7499903	0,836422
LMNB2	1,54	0,29	1,10	1,45	0,7500139	0,836422
MIA3	5,04	3,46	4,90	4,74	0,7503136	0,836715
RP1-117O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7503373	NA
TMUB2	4,88	3,50	5,14	4,68	0,7503643	0,836729
RP11-746L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7504448	NA
MIR548X2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7505275	0,836779
SETMAR	2,77	2,53	2,47	3,11	0,7505445	0,836779
RP11-205M5.3	4,66	3,36	3,18	1,00	0,750559	0,836779
CRIP1	2,46	3,52	1,76	1,60	0,7505596	0,836779
CTC-265F19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,750573	NA

RIMBP2	0,00	0,23	0,00	0,00	0,7506918	NA
CTC-429L19.3	0,00	0,00	0,16	0,00	0,7508228	NA
MIR4437	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7508778	NA
RP11-429B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7508816	NA
RP11-100G15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7508975	NA
RP4-539M6.20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7510699	NA
LSM2	5,60	5,22	5,46	5,16	0,751128	0,837371
CENPV	1,35	1,79	1,52	0,36	0,7512523	0,837371
EPST1	5,72	4,12	5,45	4,99	0,7512993	0,837371
RP11-5316.2	5,37	0,00	4,38	0,00	0,7513035	0,837371
HYAL3	1,42	0,80	0,07	1,14	0,7513124	0,837371
CTD-3105H18.14	0,00	0,05	0,00	0,00	0,7513169	0,837371
AC005351.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7513447	NA
PICALM	6,76	6,35	6,34	6,06	0,751429	0,837454
RP11-301G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7514802	NA
CTC-450M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7515083	NA
RP4-675G8.3	0,00	0,14	0,00	0,14	0,7516295	NA
TRBV20-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7517094	NA
GUCA1C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7517377	NA
AC006538.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,751786	NA
STARD9	1,37	1,44	1,34	2,20	0,7518457	0,837838
RP11-464D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7518501	NA
PTPN20	0,03	0,00	0,00	0,53	0,7518736	0,837838
RP11-184F3.1	0,38	0,82	0,41	0,00	0,7518766	NA
RP11-120I21.2	0,95	1,67	1,64	1,44	0,7518865	0,837838
RP11-498C9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7519057	NA
RP5-1092A11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7519398	NA
RNA5SP195	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7519886	NA
HTR1DP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7519961	0,837918
RN7SKP89	0,00	0,00	0,00	0,00	0,752032	NA
TNFAIP8L1	0,73	1,38	1,27	1,20	0,7520502	0,837936
ZNF675	3,31	3,87	2,98	2,72	0,7521001	0,83795
RP11-369E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7521316	NA
AC005682.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7521767	NA
RP11-360L9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7522005	0,838013
RORB	0,03	0,08	0,04	0,04	0,7522325	0,838013
RP11-438P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7522749	NA
AC003104.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7523173	0,838066
CTC-459F4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7523805	NA
SNORA58	0,00	0,00	0,00	0,00	0,752433	NA
TTC28-AS1	3,33	1,47	3,25	3,33	0,7524765	0,838201
RP11-369C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7527071	0,838416
CDH11	0,00	0,73	0,00	0,00	0,752784	0,83846
FAM197Y9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7528015	NA
RP11-274J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7528191	NA
RP11-10L12.1	1,62	1,04	0,00	0,00	0,7528672	0,838481
ZNF649	2,03	2,02	1,97	1,12	0,7528783	0,838481
C1QC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7530178	NA
AC073046.25	0,00	2,44	0,00	0,00	0,7530315	0,838579
PHF2	1,71	0,42	1,72	0,59	0,753042	0,838579
PIM1	1,84	3,41	2,24	2,54	0,7530817	0,838581
RP11-281J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7530824	NA
FXYD4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,75313	NA
GHRHR	0,00	0,58	0,00	0,00	0,7531544	0,83862
RN7SL254P	0,00	2,69	0,00	0,84	0,7531962	0,838625

RP11-38M8.1	0,00	0,00	0,81	0,00	0,7532436	0,838635
RP11-282K24.1	0,50	0,80	0,43	0,28	0,7532856	0,83864
OSTCL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7532975	NA
PNN	5,65	4,65	5,76	5,69	0,7534282	0,838757
KCNC3	0,00	0,04	0,04	0,00	0,7535097	0,838806
RP11-461C13.1	0,00	0,00	0,00	0,43	0,7535673	0,838828
KIR2DL3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7535836	NA
RP11-485G7.4	0,16	0,00	0,00	0,00	0,7535874	NA
ETFDH	4,52	5,32	4,22	1,68	0,7537061	0,838893
KRT73	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7537902	NA
DCLK2	0,03	0,06	0,09	0,00	0,7537978	0,838893
ZNF281	1,97	1,52	2,29	2,97	0,7538254	0,838893
CCL4L2	3,56	3,78	4,49	6,30	0,7538307	0,838893
BNIP3	1,24	1,52	0,86	1,09	0,7538423	0,838893
RP11-49K24.6	0,93	0,00	2,49	0,00	0,7538528	0,838893
DNAJA3	3,71	2,76	3,26	3,56	0,7538919	0,838895
RNA5SP479	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7539643	NA
KNDC1	0,00	0,02	0,00	0,00	0,7539764	NA
RP11-406A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7540093	0,838983
AC129492.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7540494	NA
HPYR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7540541	NA
IGHV3-16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7541735	NA
CASC1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,7542294	0,839186
LINC00479	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7542328	NA
RPL10AP2	0,24	0,31	0,00	0,00	0,7542913	NA
CTD-2302E22.6	0,00	0,00	0,00	1,25	0,7542954	0,839218
RP11-1149O23.1	0,00	0,00	0,00	0,50	0,7543441	NA
RP11-142L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7544797	0,839342
RP11-262H14.4	1,23	1,01	1,20	0,07	0,7544827	0,839342
AL355480.3	0,00	2,03	0,00	0,00	0,7545074	NA
RP11-389O22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7545379	NA
RPL26P30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7545744	NA
RN7SL713P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,754593	NA
GLO1	5,37	4,52	4,89	3,89	0,7547228	0,839567
RP11-93B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,754822	NA
AC115522.3	0,25	0,00	0,00	0,33	0,7548605	0,839678
RP11-231C14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7548861	NA
PKD1L3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7549329	NA
AP000884.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7549636	NA
CCNB1	0,00	0,06	0,16	0,22	0,7551513	0,83996
RP11-407G23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7551573	NA
CITF22-24E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7552007	NA
RP11-17A1.3	1,72	1,46	1,79	0,72	0,7553686	0,84016
RP11-126H7.3	0,38	0,33	0,35	0,31	0,7554104	0,840164
HSFX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7554209	NA
RP11-367G18.2	0,80	0,72	0,00	0,82	0,7554433	NA
TMPRSS9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7554552	NA
TMED11P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7555609	NA
SGK2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,755666	0,840406
RP11-963H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7556735	NA
RP11-278A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,755757	NA
RP11-643G5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7557634	NA
RP11-414H23.2	0,00	0,36	0,00	0,34	0,7557976	NA
OR2F1	1,36	1,03	1,14	1,05	0,7558464	0,840565
RP11-554D15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7560332	NA

UTP6	5,31	1,95	4,74	5,23	0,756124	0,840831
FAM110D	0,59	0,24	0,59	0,33	0,7562319	0,840909
RP11-333H9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,756234	NA
AC073641.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7562537	NA
RP11-512M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7562728	0,840913
NAP1L3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7563184	NA
RP11-383G10.3	0,61	0,64	0,57	0,73	0,756641	0,84128
PCDHB15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7566676	NA
RP11-300D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7566998	NA
PMS2P10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7567269	NA
LL09NC01-139C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7567343	NA
ADRB1	0,12	0,18	0,14	0,10	0,7568366	0,841455
RNU6-374P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7569058	NA
RP11-466F5.10	0,28	0,00	0,47	0,00	0,7569435	0,841532
RP11-462D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7570113	NA
AL109761.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7570256	NA
RP11-118H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7570691	NA
DDX24	5,57	5,58	5,63	5,14	0,7571274	0,841648
RP11-770G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7571397	0,841648
RP11-435I10.4	1,55	1,05	1,31	1,15	0,7571616	0,841648
RP11-599B13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,757223	NA
METTL4	1,24	0,40	0,86	2,27	0,7572353	0,841688
VN1R12P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7573413	NA
TMPO	3,81	2,83	3,26	2,90	0,7573414	0,84176
SNORD6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7573545	NA
GPALPP1	3,97	3,73	3,35	2,76	0,7573755	0,84176
PYGO2	1,07	1,55	1,32	1,21	0,7575427	0,841896
SART3	4,34	3,74	3,49	4,42	0,7575774	0,841896
RP11-430B1.1	0,00	0,60	0,00	0,68	0,757592	NA
DIP2B	3,56	1,68	3,37	2,78	0,7576117	0,841896
CTC-471J1.9	0,00	1,95	0,00	0,56	0,7576826	NA
RP11-223E19.1	0,00	0,10	0,00	0,09	0,7577051	NA
TAF1B	4,05	2,60	3,91	2,68	0,7579405	0,842161
RP11-527D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7579406	NA
CDH12P1	2,46	0,33	0,17	3,04	0,7579642	0,842161
CDH12P3	2,46	0,33	0,17	3,04	0,7579642	0,842161
RALGAPA1	4,19	3,49	3,62	4,12	0,7580464	0,842211
RP11-357K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,758085	NA
PTCD3	5,20	3,95	4,06	3,72	0,7581417	0,842248
CPSF2	3,87	3,83	3,72	2,83	0,7581704	0,842248
TXLNA	2,82	2,39	2,58	2,54	0,7582113	0,842248
RP11-574K11.32	2,77	3,74	2,63	2,07	0,7582314	0,842248
CARM1	2,84	2,08	2,12	0,96	0,7582955	0,842277
CILP	0,00	0,09	0,00	0,00	0,758303	NA
RP11-50D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7584429	NA
AC009542.2	0,00	0,00	0,00	0,29	0,7586956	0,842674
CAMK2N1	0,20	0,06	0,11	0,20	0,7587286	0,842674
LA16c-321D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,758751	NA
RP11-20J15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7587796	NA
ARSG	3,48	3,12	3,26	2,93	0,7588306	0,842745
RP1-138O17.1	1,28	0,72	1,22	1,32	0,7588843	0,842762
KB-1552D7.2	0,28	0,00	0,41	0,12	0,7589233	0,842764
RP11-309M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7589335	NA
RP11-375I20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7590295	NA
RP4-633I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,759113	NA

CTD-2575K13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7591406	NA
AC019055.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7592292	NA
RP11-44503.3	0,65	0,33	0,91	0,99	0,759243	0,843034
WNT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7592743	NA
CTC-431G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7593182	NA
LRRC75A-AS1	9,41	8,81	9,34	8,94	0,7593381	0,843034
DIMT1	4,82	3,03	4,02	4,18	0,7593416	0,843034
RP11-513G19.1	1,86	0,42	1,84	0,94	0,7593666	0,843034
RHBDD3	0,63	1,44	0,83	1,80	0,7593706	0,843034
HYOU1	2,99	2,84	3,52	2,22	0,7594213	0,843034
RP11-63P12.7	0,67	2,77	1,52	1,14	0,7594325	0,843034
MFSD4B	0,46	0,30	0,40	0,25	0,7595325	0,843103
WI2-80269A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7596126	NA
RNU1-130P	2,98	3,01	3,72	2,47	0,7596325	0,843172
RP11-21J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7596603	NA
MIR4477B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,759669	NA
RP11-58C22.2	1,27	1,90	1,08	1,33	0,7596808	0,843183
NUP133	4,54	3,70	4,06	3,02	0,7598224	0,843299
RP1-62D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7598353	NA
RP11-393N4.2	0,00	0,23	0,00	0,00	0,7598913	NA
RP11-344P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7599062	0,843349
SNORA30B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7599126	NA
RP11-2H8.4	1,82	3,43	2,76	2,12	0,7600931	0,843488
CTD-2006K23.1	5,63	3,23	4,17	2,70	0,760107	0,843488
RP11-434C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7601476	NA
RP11-429H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7602058	NA
AP001046.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,760239	NA
RP5-1056L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7604099	0,843782
RP4-777O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7604287	NA
RP11-848P1.5	0,41	0,00	0,00	0,00	0,7604663	0,843791
APOE	0,21	0,49	0,60	0,55	0,7604943	0,843791
RP11-449H3.3	2,08	1,42	1,71	0,73	0,7606367	0,843869
ATG14	1,91	1,73	1,54	1,47	0,7606483	0,843869
CTD-2050B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7606698	NA
SLF2	3,67	2,51	3,03	2,30	0,760721	0,843869
RNF11	3,55	2,51	3,18	2,73	0,7607476	0,843869
RP11-1070N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7607525	NA
RP11-3P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7607544	0,843869
RP11-522L3.1	0,00	0,00	0,00	0,15	0,7608065	NA
SRI	7,02	6,75	6,43	6,71	0,7608464	0,843922
ZNF749	3,71	2,10	2,02	1,00	0,7609027	0,843922
CH17-264L24.1	0,36	1,15	0,36	0,42	0,7609202	0,843922
RP11-586K12.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7609236	NA
LCTL	0,10	0,09	0,12	0,23	0,760954	0,843922
AC016700.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7609562	NA
WI2-89927D4.1	0,41	2,81	1,82	0,00	0,7610175	0,843951
RP11-75L1.2	0,00	0,00	1,00	3,77	0,7610623	0,843958
CTB-50L17.8	0,79	1,68	1,25	1,63	0,7612033	0,844014
RN7SL283P	0,00	0,00	0,00	0,78	0,7612495	NA
CTD-2349P21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7612598	0,844014
URI1	5,47	4,71	4,80	4,96	0,7612606	0,844014
RP11-15F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,761265	0,844014
CCR9	0,00	0,39	0,00	0,00	0,7613735	0,844062
RPL13AP6	0,31	0,00	0,00	0,30	0,7613839	0,844062
RP11-552F3.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7614325	NA

RP11-90L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7614513	NA
DMTN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7615253	NA
MEF2D	1,38	2,28	2,74	1,87	0,7615297	0,844182
RNU4-10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7615348	NA
MS4A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7615449	NA
CXCL3	0,00	2,30	0,19	0,00	0,7616829	0,844246
RP11-219B4.5	0,21	0,00	0,39	0,50	0,7616948	0,844246
NES	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7617239	NA
RP11-554F20.1	0,00	0,09	0,00	0,08	0,7617665	0,844246
CTD-2503I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7617775	0,844246
RP11-678K21.2	0,17	0,10	0,11	0,31	0,7617775	0,844246
RP11-75A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7618101	NA
RP11-118E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,761814	NA
CORO1B	3,85	2,63	4,06	2,93	0,7618626	0,844298
RP11-288E14.2	0,00	0,68	0,00	0,65	0,7619143	NA
CTB-96E2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7619344	NA
OR5D3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7619845	NA
RP4-816N1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7620469	NA
CREB3L4	1,00	1,06	0,58	0,89	0,7620485	0,844453
CTB-176F20.3	0,06	0,10	0,04	0,03	0,7620782	0,844453
AC104306.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7620986	NA
CTC-492K19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7623	NA
CCKBR	0,00	0,16	0,00	0,00	0,7624143	NA
YY1	5,31	5,39	4,96	4,44	0,7624152	0,844784
RP11-471M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,762495	NA
ALX4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7624993	NA
RP11-491H9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7625311	NA
GJB1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,762594	NA
C5orf42	2,64	1,78	2,01	1,85	0,7627965	0,845139
DNAJC9	3,15	1,31	3,07	1,72	0,7628116	0,845139
NLGN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7629387	NA
RP4-612B15.3	0,00	0,00	0,00	0,17	0,763	NA
RNF6	3,84	3,00	3,36	2,26	0,7630858	0,845401
SSX4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7631393	NA
CTD-3035D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7631841	NA
CTC-523E23.4	0,00	0,00	0,00	0,06	0,7632048	NA
TMX2-CTNND1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7632493	NA
ATP6V1C1	4,00	2,90	3,22	4,05	0,7632625	0,845554
EIF3A	5,83	5,05	5,79	5,23	0,7634014	0,845666
ST6GALNAC6	1,20	2,08	0,75	1,57	0,7635505	0,845789
RP11-151A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7636229	NA
CTD-3118D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7636312	0,845836
SNAPC2	2,49	2,98	2,15	1,65	0,7636755	0,845843
AC018766.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7638349	0,845978
RP5-1029F21.4	1,31	2,54	1,92	1,13	0,7639152	0,846024
C3orf80	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7639501	NA
NBPF20	2,33	1,95	2,51	2,08	0,764016	0,846094
RP11-463D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7640699	0,846111
RP11-10J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7641257	NA
RP11-159F24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,764207	NA
GGT6	0,34	0,47	0,47	0,64	0,7643939	0,846428
RP5-1059L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7645069	NA
AC106900.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7645072	NA
RP11-474I11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7645551	NA
RP5-967N21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7645583	0,846531

RP11-278C7.3	0,35	0,26	0,22	0,48	0,7645636	0,846531
AC091633.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7646511	0,846586
RP11-848P1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7646773	NA
RP11-117N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7647107	NA
MSH5	2,87	1,57	2,16	1,84	0,7647672	0,846673
RP11-380M21.2	0,63	1,01	0,80	1,22	0,76479	NA
OR3A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7648362	NA
RN7SL837P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7648374	NA
ST7OT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7648451	NA
UNC5CL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7648913	0,846768
RP4-737E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7649034	NA
RP11-431M7.3	0,84	1,09	0,41	0,61	0,7650129	0,84686
RN7SL183P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7650385	NA
PRSS57	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7651121	NA
VTN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7651732	0,846986
GOLGA4	4,95	5,08	4,45	4,64	0,7652027	0,846986
TAAR2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7653588	NA
BSN	0,00	0,03	0,00	0,00	0,7654634	NA
EIF5AP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7654788	NA
PRAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7655431	NA
RWDD3	4,13	3,99	4,08	4,75	0,7656399	0,847421
KB-7G2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7656536	NA
TJP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7656663	NA
PALB2	2,41	0,21	1,41	0,73	0,7656723	0,847421
ZNF600	2,00	0,10	1,94	1,35	0,7657159	0,847427
CTD-2323K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7657833	NA
RP11-204M4.3	0,14	0,11	0,13	0,37	0,7657999	0,847478
WNT6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7658413	NA
RNA5SP378	0,00	0,00	0,00	0,00	0,765936	NA
RP11-123K19.1	2,50	1,99	1,49	1,11	0,7660231	0,847644
RN7SL107P	0,00	0,00	0,45	0,00	0,7660379	0,847644
RP11-63E9.1	0,60	1,07	0,16	0,00	0,766064	0,847644
ZSCAN12P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7661054	NA
RP11-173B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7661883	NA
GTPBP4	4,31	3,91	4,43	3,70	0,7662022	0,847681
RP11-126O1.5	0,00	0,45	0,05	0,00	0,7662104	0,847681
RP11-2C24.3	0,89	0,94	1,51	0,56	0,7662119	0,847681
FOXA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7662421	NA
RP1-298J18.3	0,00	1,79	1,50	1,22	0,7662841	0,847686
NANS	6,78	5,41	6,40	6,03	0,766293	0,847686
RNU6-454P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7663423	NA
CTD-2055G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7664061	NA
RP11-723J4.3	0,39	0,25	0,29	0,48	0,7664445	0,847811
KIR3DP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7664648	NA
RP11-120J4.1	0,00	0,83	0,00	0,00	0,7665869	NA
ZNF223	0,00	0,11	0,06	0,00	0,7666024	0,84791
FBXW8	0,33	0,11	0,49	0,59	0,7666096	0,84791
AC007256.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7666514	NA
CHAF1B	0,82	1,10	0,85	0,81	0,766676	0,847941
RF02159	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7667037	NA
AKR1B10	0,00	0,00	0,18	0,22	0,7668377	NA
WDR64	0,00	0,28	0,00	0,00	0,7668434	NA
MARS	6,22	6,31	6,14	5,61	0,7668621	0,848105
AF011889.5	2,30	1,39	0,79	1,50	0,7669786	0,848191
RP5-967N21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7670523	0,848227

MMP17	0,30	0,60	0,79	1,73	0,7670961	0,848227
C1orf195	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7671063	NA
RP11-100L22.2	0,04	0,04	0,04	0,17	0,7671252	0,848227
ZNF750	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7671371	NA
RP4-697K14.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7671717	NA
RP11-1286E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7671755	NA
KNSTRN	1,56	1,47	1,71	0,63	0,7672383	0,84831
RP1-122P22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7673219	NA
USP43	0,00	0,15	0,00	0,00	0,7674413	0,848492
RN7SL28P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7675459	NA
EPHB6	2,66	3,10	2,41	3,38	0,7675773	0,8486
PRIM2	2,49	2,68	2,35	0,68	0,7676936	0,848674
RP11-894P9.2	0,00	0,00	0,00	0,32	0,7676939	NA
RP11-429B14.3	0,71	0,51	1,25	0,96	0,7677207	0,848674
RNVU1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7678858	NA
XXbac-B135H6.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7680163	0,848959
AC017083.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7681426	NA
HNRNPA1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7681745	NA
WBP1L	3,65	1,53	3,70	3,21	0,7681926	0,849111
TRAV2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7682238	NA
RP11-61E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7682472	NA
SNRPGP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7682481	NA
RP11-575H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7682778	NA
SCARNA17	0,49	2,96	0,61	0,55	0,7684283	0,849291
ITPR1	4,45	4,68	4,67	2,98	0,7684489	0,849291
RP13-20L14.6	0,00	1,19	0,69	3,84	0,7684694	0,849291
RP11-571L19.8	0,00	0,19	0,00	0,00	0,7684917	NA
RP11-63M22.1	1,21	1,55	1,65	0,84	0,7685271	0,849312
NWD2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7685825	NA
STMN4	0,17	0,00	0,29	0,61	0,7685865	0,849335
POLR2J2	1,66	1,84	1,82	1,52	0,7687643	0,84949
CTD-3126B10.5	0,00	0,00	0,02	0,00	0,7688219	0,849511
CCIN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7688547	NA
INSL3	0,16	0,00	0,00	0,22	0,768981	0,849645
SLC30A2	1,05	0,67	1,16	0,97	0,7691148	0,849731
RP11-820K3.2	0,00	0,09	0,00	0,79	0,769156	0,849731
RP11-712B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7691606	NA
RP11-459O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7691638	NA
MPHOSPH6	5,01	4,99	5,16	4,60	0,7691861	0,849731
OR4E1	0,05	0,07	0,05	0,07	0,7692121	0,849731
CTD-2057J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7692303	NA
RP11-416N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7692624	NA
RP11-395E19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,769294	NA
TMPRSS11GP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7693185	NA
GRIN2D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7693311	NA
RP3-355L5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7693618	NA
SURF6	1,45	1,39	1,73	1,29	0,7693895	0,849827
ZNF552	1,48	0,29	1,81	2,62	0,7694059	0,849827
RP11-502I4.1	0,62	0,64	0,73	0,58	0,7694136	0,849827
COL26A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7695869	NA
ZNF160	3,73	4,13	3,53	3,84	0,7696015	0,849992
RP4-676L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,769818	NA
AC092415.1	1,46	2,64	0,70	2,03	0,7698351	0,850208
HOXA10	0,10	0,07	0,13	0,11	0,7699069	0,850245
NANP	0,55	0,58	0,54	0,31	0,7701452	0,850466

GPRC5D	0,00	0,48	0,00	0,00	0,7701617	NA
RP1-13D10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7702519	NA
RP5-1116H23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7703015	NA
FAM188B	0,18	0,08	0,24	0,17	0,7703337	0,850632
RP1-77H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7703584	NA
AC068492.3	0,00	0,11	0,00	0,00	0,7703706	NA
RP11-90J19.1	5,39	4,33	5,02	5,17	0,7703734	0,850633
PDXDC1	4,26	3,98	4,59	4,38	0,7704806	0,850709
AC009967.3	0,47	0,29	0,75	0,24	0,7705478	0,850741
CLIC5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7705674	NA
RP11-705O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7705977	NA
AC010138.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7707967	NA
NUTM2A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7708331	NA
RNY4P7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7708503	0,851033
SHC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7708555	NA
CMTM5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7710053	NA
ERCC6L2	4,05	2,56	4,11	1,05	0,7710082	0,851165
NCOA5	2,14	2,05	1,82	1,64	0,7711568	0,851287
RNY4P24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7711688	NA
SLC22A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7712344	NA
CENPI	1,17	1,42	1,02	1,10	0,7712357	0,851294
RUVBL1	3,80	1,52	2,21	1,81	0,7712854	0,851294
CASP8	4,82	4,00	4,67	4,80	0,7713054	0,851294
FAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7713316	NA
ATP6V1H	5,74	5,10	5,18	5,19	0,7713865	0,851294
CTD-3116E22.4	0,21	1,73	0,83	0,74	0,7713888	0,851294
SREK1IP1	2,94	3,15	3,00	3,27	0,7713934	0,851294
RP11-18H21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,771518	NA
CTD-3131K8.3	0,00	0,00	0,00	0,46	0,7716494	NA
RP11-568J23.8	0,00	0,00	0,00	0,37	0,7718709	0,851779
RP11-88H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7718809	NA
RP11-439L18.1	0,00	0,39	0,00	0,00	0,7718956	NA
CEACAM21	0,45	0,47	0,00	0,24	0,7719447	0,851818
SNORA14A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7720072	NA
ZFP91-CNTF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7720455	0,851845
KHK	0,13	3,27	0,14	0,00	0,7720459	0,851845
ZC3H7B	0,73	0,65	0,65	0,37	0,7721351	0,851901
RP11-680B3.2	0,44	0,84	0,43	0,60	0,7721732	0,851901
RP11-610P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7723072	NA
RP11-241K18.3	0,00	0,11	0,00	0,00	0,772322	NA
ZNF511	5,08	5,31	5,19	3,80	0,7723575	0,852062
RP11-1033H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7723977	NA
RP11-630D6.5	0,42	0,74	0,43	0,32	0,7724219	0,852091
NCRNA00113	2,35	0,41	1,38	0,34	0,7725528	0,852193
AP000240.5	0,82	1,45	1,29	1,23	0,7726924	0,852305
RP3-477M7.4	0,00	0,00	0,00	0,23	0,772708	NA
RP11-219D15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,772765	NA
TM9SF1	4,42	1,44	3,47	4,42	0,7728973	0,852486
ARMC2	0,00	0,00	0,38	0,40	0,7729332	0,852486
GS1-124K5.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7729801	NA
RNU2-16P	2,38	3,20	1,52	0,00	0,7729954	0,852499
RP11-613E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7729985	NA
RP11-805L22.3	0,34	0,61	0,00	0,00	0,7730216	0,852499
ZFP90	1,79	2,66	2,16	1,81	0,7730701	0,85251
RP4-608O15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7731674	NA

RP11-90L9.4	0,50	0,36	0,58	0,07	0,7731884	0,852524
FBP1	6,18	5,31	6,24	5,35	0,7731887	0,852524
DAG1	0,80	0,36	1,35	1,58	0,7731981	0,852524
RP11-68L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7731984	NA
NUDT18	0,16	0,19	1,33	1,24	0,7732958	0,852569
ICMT	2,40	0,60	2,01	1,33	0,7733153	0,852569
MIR6781	0,00	0,00	0,00	0,00	0,773344	NA
RP11-326I11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7733912	NA
CTD-2247C11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7735271	NA
RP1-265C24.8	0,00	0,05	0,02	0,09	0,7735873	0,852826
RAB40B	0,15	0,58	0,41	0,95	0,7736587	0,852862
RFX3	3,61	2,72	2,51	3,94	0,7737238	0,852862
FAM45A	4,98	5,30	4,77	4,46	0,773735	0,852862
CCL15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7737491	NA
TRDMT1	4,77	2,79	4,68	3,00	0,7738157	0,852909
CTHRC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7738953	NA
SNORA47	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7739108	NA
RP11-133K1.9	0,91	1,45	1,32	0,53	0,7740119	0,853076
CTC-303L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7740259	NA
RP11-831F12.2	0,43	0,00	0,00	0,61	0,7740445	0,853076
RP11-288K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7740606	NA
RP1-209B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7741025	NA
RP11-50D9.3	0,03	0,10	0,06	0,00	0,7741883	0,853169
CTC-304I17.5	0,00	0,04	0,00	0,41	0,7742049	0,853169
RPL13P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7742923	NA
NUTM2B	0,00	0,00	0,00	0,06	0,774312	NA
HEBP1	4,14	2,63	3,87	2,45	0,7744586	0,853355
SIRT6	2,83	2,06	2,23	2,01	0,7744773	0,853355
AC079807.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7745036	0,853355
AC005330.2	0,00	0,12	0,00	0,00	0,7745273	0,853355
CTD-2135D7.2	0,02	0,00	0,07	0,00	0,774655	0,853425
PSMA7	9,10	8,75	8,88	8,53	0,7746684	0,853425
RP11-106M3.1	0,00	0,00	0,00	0,40	0,7747083	NA
RP11-322M19.4	0,00	0,00	0,00	0,66	0,7747094	0,853428
RP11-384E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7747805	NA
RN7SL316P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,774798	NA
WFDC8	0,00	0,00	0,00	0,13	0,7748624	NA
RP11-256I9.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,7748656	NA
AC004957.6	0,00	0,17	0,00	0,00	0,7751941	NA
HAR1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7752371	NA
GGCX	4,21	3,84	3,83	4,07	0,7752847	0,85402
CTD-3028N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7753946	NA
RP3-348I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7754295	NA
UBN1	2,89	2,87	2,91	3,17	0,775439	0,854122
MSH5-SAPCD1	0,66	0,00	0,00	0,00	0,7754776	0,854122
FZD2	2,83	3,26	2,63	4,10	0,7754932	0,854122
MIR3661	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7755295	NA
AC008984.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7756906	NA
RP4-665J23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7757448	NA
RP11-379C10.1	0,00	1,39	0,61	1,33	0,7757918	0,854409
RP11-1024P17.1	0,05	0,00	0,09	0,85	0,7758358	0,854415
RP11-47I17.2	0,00	0,00	0,00	0,34	0,7759386	NA
BCOR	3,13	1,98	2,80	1,41	0,7759717	0,854522
RP11-697M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,776041	NA
SERPINB7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7761086	NA

RP11-390P24.1	0,28	0,00	0,30	0,30	0,7761232	0,854647
RPL39L	1,39	1,37	0,73	1,10	0,7761908	0,854675
RP11-477L16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,776207	NA
RBM12B	1,17	0,04	1,23	0,48	0,776237	0,854675
RP11-128P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7762579	NA
CBX1	2,68	3,45	2,58	2,18	0,7762642	0,854675
EEFSEC	2,92	3,87	2,22	2,63	0,7764455	0,854832
KLB	0,12	0,33	0,25	0,17	0,7765679	0,854925
AP006216.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,77663	NA
RP11-16E23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7766335	NA
RP5-998N21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7766338	NA
RP11-467D6.1	0,51	0,12	0,79	0,51	0,7766372	0,854959
RP11-816B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7766683	NA
RP11-131L12.4	3,28	2,99	2,59	2,43	0,7767483	0,855039
KRT78	0,00	0,00	0,00	0,00	0,776848	NA
CTD-2017D11.1	1,28	2,48	1,95	2,46	0,776857	0,855095
RP4-580N22.2	0,00	2,79	0,00	0,00	0,7768766	0,855095
RP11-290O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,776908	NA
CTA-293F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7769357	NA
RN7SL124P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,776976	NA
SPATA2	0,52	0,71	0,44	1,53	0,7769794	0,855166
AC106862.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7770402	NA
RP11-85B7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7771466	NA
AC011524.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7771736	NA
RP11-707G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7771815	NA
TBC1D3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7771911	NA
FBXL17	1,97	2,53	2,37	3,49	0,7772667	0,85544
RP11-620I15.3	3,35	1,04	2,64	1,02	0,7773594	0,855441
SSX4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7773667	NA
SAP30BP	5,88	6,63	5,82	5,68	0,7773911	0,855441
CHMP2A	7,73	7,78	7,55	7,49	0,7773973	0,855441
RP11-363L24.3	0,00	1,45	0,00	0,00	0,7774219	0,855441
RP11-1217F2.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7774496	NA
RP11-567P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7774843	NA
FFAR1	0,05	0,17	0,05	0,00	0,7774867	0,85547
TRIM6-TRIM34	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7775004	NA
RP11-381P6.1	0,00	0,31	0,00	0,36	0,7775497	NA
RP11-725G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7776244	NA
ARSI	0,00	0,04	0,00	0,00	0,777657	NA
RNU6-218P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7776676	NA
OXR1	4,78	4,24	4,88	4,18	0,7776707	0,85563
RP5-981O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7776762	NA
RP11-791G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7777481	NA
CUZD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7777856	0,855714
L29074.1	1,46	1,54	1,53	1,08	0,777871	0,855766
AP001062.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7781285	0,856007
PPT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7782525	NA
OR1S2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7783322	NA
PHKA2	3,57	4,05	3,51	3,28	0,7783896	0,856252
RP11-484D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7784681	NA
FRG1GP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7785263	NA
LA16c-360H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7785732	NA
SHANK3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7785894	NA
HEATR9	0,00	0,05	0,00	0,00	0,7786055	NA
MDN1	3,82	4,08	3,19	2,69	0,7786124	0,856454

RPAP1	2,73	3,72	2,63	1,58	0,7787217	0,856506
PRKAA1	4,42	3,84	4,40	4,62	0,7787377	0,856506
RP11-11I2.3	0,00	0,37	0,00	0,00	0,778779	0,856506
AC005176.2	0,00	0,10	0,00	0,06	0,7788092	NA
RP11-343J3.2	0,00	0,00	0,00	0,40	0,7788772	0,856506
WNT4	0,06	0,03	0,05	0,03	0,7788958	0,856506
PLSCR3	3,44	2,56	3,60	2,60	0,7789251	0,856506
RP1-102K2.9	0,13	0,17	0,30	0,03	0,7789291	0,856506
RP11-66H6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7789323	NA
RP3-401D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7789871	NA
RP11-631M21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7790177	NA
CPN2	0,54	0,98	0,53	0,46	0,7791664	0,856724
FAM3C	2,90	3,38	2,73	1,47	0,7792047	0,856724
RP11-230L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7792341	NA
RP1-80B9.2	4,32	3,38	4,36	4,58	0,7792924	0,856773
RP11-420L9.5	0,10	0,10	0,04	0,00	0,7793262	0,856773
RP11-685N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7794436	NA
GTF2H2	2,74	3,28	2,10	0,96	0,7794633	0,856881
PFN1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7794931	NA
KCNG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7795214	NA
RP11-219E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7796938	NA
ZNF706	7,33	6,82	6,72	7,01	0,7797479	0,857152
AREL1	3,76	3,46	3,70	2,94	0,779898	0,857274
ACTR3BP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7799691	NA
RPL9P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7799831	NA
RP1-102E24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7799999	NA
SERBP1	6,54	5,86	6,49	5,95	0,7800072	0,857352
CTC-736O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7800926	0,857404
MIR4502	0,00	0,00	0,00	0,00	0,780097	NA
RP11-550E22.4	0,00	0,00	0,00	0,21	0,7801199	NA
AC013791.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7802774	NA
RP11-473O4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7802793	NA
RP11-381O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7803213	NA
RP11-656E20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,780335	NA
NECAP1	4,89	2,36	4,78	4,17	0,7803786	0,857675
RP11-179F17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7804162	NA
RP11-373D17.1	0,00	0,00	0,00	0,02	0,7804594	NA
FOXE1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7804724	NA
CNOT6	2,79	2,99	2,77	2,41	0,7805032	0,85777
RP11-49O14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7805683	NA
CTD-2311B13.9	0,80	1,32	0,84	0,77	0,7806731	0,857914
RP11-31I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7806959	NA
RP11-422P15.3	0,00	0,00	0,08	0,00	0,780771	0,857969
SMAD4	3,43	0,77	3,43	3,79	0,7807999	0,857969
KB-68A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7808245	NA
RP11-844P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7808428	NA
MYO22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7809008	NA
RP4-702J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7809042	NA
BATF3	5,42	5,68	5,45	5,43	0,780942	0,858049
RP11-54K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,78096	NA
RP11-365P13.3	0,78	0,87	0,76	0,00	0,7809951	0,858049
LA16c-385E7.1	2,17	0,69	1,58	2,18	0,7810393	0,858049
SNORD11	6,14	2,29	4,44	2,38	0,78107	0,858049
LRRC37BP1	3,17	1,90	2,44	2,01	0,7810892	0,858049
AP000962.1	0,76	0,41	0,57	0,33	0,7811267	0,858049

MRPS21	5,60	5,86	5,43	5,36	0,7811781	0,858049
AC105760.2	0,89	0,98	0,53	0,54	0,7811818	0,858049
AC091178.1	0,00	0,00	0,00	0,03	0,7812672	NA
RP11-4501.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7813086	NA
AC011933.2	2,67	4,19	3,82	3,52	0,7813613	0,858204
RP11-131L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7813662	NA
PIPSL	0,05	0,04	0,05	0,07	0,7814311	0,858238
RNU4-47P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,781477	NA
RN7SL574P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7815094	NA
RP11-293F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7815613	NA
PDE6C	0,00	0,00	0,08	0,00	0,7816399	0,858425
MIR4639	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7816904	NA
RP1-130H16.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,781788	NA
AC018755.16	0,00	0,19	0,00	0,00	0,7817989	NA
PTER	2,47	1,37	2,14	1,81	0,7818032	0,858562
RP11-152L7.2	1,01	1,29	0,90	1,15	0,7819279	0,858656
AC021218.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7822394	NA
RP5-890E16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7822516	NA
RF00411	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7823117	NA
FAM111A	4,86	2,45	4,27	5,08	0,7823269	0,859052
TMEM11	4,98	6,16	4,75	4,15	0,7823704	0,859057
RP11-166B2.5	0,00	0,00	0,00	0,10	0,7824055	NA
DBNL	6,37	6,94	6,15	5,63	0,7824852	0,859141
RP11-212I21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7825259	NA
OR51L1	0,49	0,63	0,07	0,07	0,7826221	0,859249
CORT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7826671	NA
ZSCAN9	2,92	1,91	3,31	1,39	0,7827284	0,859323
RP11-424M24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7827347	NA
ADAMTS3	0,00	0,04	0,00	0,00	0,7827908	NA
TSSK3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7828126	NA
RP11-421L21.3	0,95	0,22	0,45	1,28	0,7828376	0,859369
TCF12	5,07	3,69	4,71	3,07	0,7828474	0,859369
RP11-534C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7829708	NA
RP11-479I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7829815	NA
ARHGAP1	4,98	4,15	4,92	4,60	0,7830049	0,859481
RP5-1103G7.4	0,00	0,26	0,00	0,00	0,783045	0,859481
RP11-812E19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7830486	NA
AC013439.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7830817	NA
GOLPH3	4,25	3,03	4,13	4,02	0,7830963	0,859481
AC018755.24	0,93	0,66	0,66	0,53	0,7831046	0,859481
RPL23AP64	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7832332	NA
MRPS33	5,34	5,06	5,06	4,90	0,7833091	0,859663
RP11-432J24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7833251	NA
RP11-351M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7833409	NA
RP11-88H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7833611	NA
GALK2	3,68	2,59	3,58	3,20	0,7834079	0,859691
SLC35E4	0,70	0,74	1,27	0,90	0,7834114	0,859691
RP11-78F17.1	1,27	1,96	1,28	1,34	0,7835176	0,859765
RP11-426C22.8	3,29	0,00	1,72	3,11	0,7835745	0,859785
RP11-79D8.2	2,77	0,00	1,99	0,00	0,7836274	0,8598
LINC00528	2,31	3,21	1,87	0,80	0,7837125	0,859851
RP11-9M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7837266	NA
SNORD99	7,45	5,60	6,20	7,37	0,7838146	0,859921
LINC00235	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7840181	NA
RF00090	0,00	0,00	0,00	1,22	0,7840546	NA

SNORA14B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,784284	NA
RP4-635A23.2	0,32	0,20	0,34	0,16	0,7843119	0,860424
BLACAT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7843686	NA
EPB41L2	4,84	4,54	4,61	4,99	0,7844348	0,860511
RP5-1157M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7844655	NA
RP5-997D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7844683	0,860511
RP11-333E13.2	1,75	0,79	0,36	1,35	0,7845691	0,860528
GTF2A1	3,43	0,98	2,97	2,41	0,784589	0,860528
RGN	0,00	0,08	0,00	0,00	0,7845933	NA
AC062017.1	0,00	0,00	0,00	0,89	0,7845999	0,860528
NCRNA00168	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7846827	NA
MIR93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7847834	NA
ZNF565	0,00	0,00	0,14	0,00	0,7848525	NA
COG7	3,64	2,17	2,64	2,53	0,7849716	0,860893
USP47	5,22	4,31	4,89	4,06	0,7850705	0,860904
RNU6-1208P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7850768	NA
KCNS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7850947	NA
PDIA3P1	0,10	0,00	0,00	0,10	0,7850972	0,860904
NXNL1	0,00	0,00	0,09	0,57	0,7851504	0,860904
RP11-365K22.1	0,32	0,89	0,30	0,31	0,7851901	NA
SASH3	5,55	5,30	5,15	4,60	0,7852002	0,860904
RP11-562A8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7852083	0,860904
IQCJ-SCHIP1	0,84	0,67	0,66	0,68	0,7852138	0,860904
AC016723.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7853025	NA
CTD-2651B20.4	0,05	0,12	0,02	0,06	0,7853087	0,860965
RP11-440D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7853171	NA
RP11-444E17.6	0,36	0,04	0,03	0,12	0,7853513	0,860969
RP4-756H11.2	0,59	0,02	0,16	0,00	0,7854488	NA
RP11-526F14.1	2,35	1,04	2,88	1,68	0,7854921	0,861081
CLDN10	0,00	0,16	0,00	0,00	0,7855569	0,861106
ZFP28	0,17	0,07	0,04	0,06	0,7855923	0,861106
MIR548AZ	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7856325	0,861108
MAP3K4	4,18	3,71	4,04	3,55	0,7857212	0,861163
RP11-350N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7858024	NA
TNPO1P1	0,00	3,18	0,00	0,11	0,785848	0,861259
SLFN14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7859229	NA
SNORA16A	0,00	1,64	0,00	0,00	0,7860204	NA
C16orf90	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7860466	NA
GUCY2F	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7860682	NA
RP11-485M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7861539	NA
ERN1	3,18	2,17	2,77	2,42	0,7862557	0,861647
RP11-505E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7862698	NA
HSF1	3,42	1,69	3,64	2,71	0,7862796	0,861647
FAM138B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7863648	NA
RP11-818C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,786474	NA
RN7SL350P	0,00	0,00	0,00	0,79	0,7864843	NA
RP5-1065J22.8	0,37	1,08	0,37	0,41	0,7864965	0,861842
CTD-2341D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7865096	NA
RP5-945F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7866534	0,861972
RP11-370B11.4	0,00	0,15	0,00	0,18	0,7866751	NA
RP11-216M21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7866831	NA
RP11-262H14.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7868	NA
RP11-556O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7868708	NA
RP11-106D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7868785	NA
RP11-356J5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7869058	0,862192

PMF1	5,94	6,05	6,10	5,05	0,7869319	0,862192
FAM3B	0,38	0,37	0,20	0,51	0,7871057	0,86234
MANEAL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7871723	NA
ZNF285B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7871921	NA
RPL5P3	0,00	0,20	0,00	0,16	0,7872372	NA
RNA5SP94	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7872995	NA
CTD-2531D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7873797	0,862557
RREB1	2,77	1,47	2,91	2,50	0,7873942	0,862557
SSC4D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7873956	NA
AC018814.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7874252	NA
IKBKB	5,41	3,98	5,26	4,60	0,7874543	0,862557
RP11-91P24.5	1,42	0,99	1,21	1,42	0,7874589	0,862557
FAM220A	3,06	0,43	0,57	0,97	0,7875019	0,862561
BAK1	3,17	2,75	3,06	1,83	0,7875408	0,862561
MIR3198-1	3,06	0,00	2,59	0,00	0,7876438	0,862632
RP3-443C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7876678	NA
AC005488.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7876952	NA
LHCGR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7876997	NA
CTD-2313N18.5	0,31	1,29	0,53	0,51	0,7878008	0,862761
CTD-2410N18.3	0,00	0,10	0,00	0,00	0,787822	NA
RP11-259G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7878367	NA
TMEM116	1,71	1,92	1,79	2,72	0,7879814	0,862916
RP4-593C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7879983	NA
FAM234A	3,09	2,85	3,02	2,48	0,7880422	0,86294
C8orf46	0,00	1,53	0,00	0,04	0,7880926	0,862953
LA16c-329F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7881232	NA
RP11-414H17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,78814	NA
PNP	6,23	6,00	5,93	5,24	0,7881589	0,862983
GATC	1,62	1,05	1,84	1,56	0,7882554	0,863046
RP4-796I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7882893	NA
RP11-371A22.1	1,70	1,86	1,45	1,56	0,788298	0,86305
NCRNA00208	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7883203	NA
GPRASP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,78834	NA
SCGB1C1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7883452	NA
RP11-574K11.31	0,00	0,08	0,02	0,07	0,7883499	0,863065
MIR181A2HG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7884009	NA
RP11-587P21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7884155	NA
FUT11	2,91	3,53	2,80	2,20	0,7884174	0,863096
AC000059.1	2,83	0,00	2,79	0,63	0,7884816	0,863123
FAM180B	0,18	0,00	0,10	0,10	0,7885197	0,863123
AL672183.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7885461	NA
RNY1	0,00	0,00	0,00	2,51	0,7885836	NA
RP11-1223D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7886515	NA
DMPK	1,44	0,54	1,97	1,92	0,7886906	0,863226
XPO7	3,71	2,59	3,00	2,85	0,7886918	0,863226
RP5-1125N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7887142	NA
B3GNT5	2,90	2,06	3,21	1,33	0,7887404	0,863237
GNRH2	0,00	0,69	0,00	0,00	0,7887694	NA
CAMK1G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7888688	NA
RP11-732A19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7888791	NA
MAATS1	0,00	0,00	0,04	0,00	0,7888943	0,863363
RP11-317N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7890248	NA
RP11-490K7.4	3,51	1,40	3,67	3,12	0,7890251	0,863429
C10orf31	3,00	1,37	2,74	1,35	0,7890323	0,863429
RP11-210N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7891831	NA

AC002550.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7893286	NA
RNU6-786P	0,00	0,00	0,00	1,98	0,7893714	0,863747
RP4-771M4.3	0,72	1,69	0,52	1,61	0,7894004	0,863747
RP1-92C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7894428	NA
PSMD13	7,51	6,84	7,10	6,98	0,7894899	0,863802
RNY4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7895321	NA
AC068313.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,789547	NA
CTD-2527I21.7	1,18	1,26	1,00	0,41	0,7895982	0,863878
CNTD2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,7896242	NA
RP13-16H11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7896966	NA
RIT1	4,73	4,44	4,60	3,91	0,789699	0,863937
SERTAD2	4,38	3,66	4,38	4,20	0,7897296	0,863937
COL10A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7899575	0,864144
CAPRIN2	2,50	1,53	1,38	1,43	0,7900454	0,864197
RP11-64K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7900559	NA
RP11-674I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7901006	NA
TRIM26P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7902453	NA
APOC1P1	0,63	0,66	0,49	1,06	0,7902568	0,864386
RP11-477E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7902864	NA
RP11-87C12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7902989	NA
ACYP1	2,57	1,23	2,27	2,77	0,7904041	0,864466
ASNA1	4,48	3,61	3,98	3,14	0,790408	0,864466
IGKV1OR1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7904837	NA
RN7SL795P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7905129	NA
SMC1A	4,23	4,68	3,82	3,44	0,7905782	0,864601
DDX49	5,24	4,88	5,19	5,50	0,7906092	0,864601
MBLAC1	0,00	0,00	0,00	0,10	0,7906324	NA
ALK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7906455	NA
RN7SKP185	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7906708	NA
B9D2	4,13	3,26	4,96	3,18	0,7907189	0,864679
CTD-3105H18.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,790758	NA
TBC1D3H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7908306	0,864755
RP5-899E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7908907	NA
PURB	2,42	2,04	2,34	1,39	0,7909211	0,864755
RPL9P28	0,00	0,34	0,00	0,00	0,7909269	NA
SAGE1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7909296	0,864755
AC079305.9	0,00	4,32	0,00	0,74	0,7909633	0,864755
AC104782.3	0,20	0,31	0,18	0,17	0,7909987	0,864755
RP11-330H6.6	0,12	0,51	0,23	0,54	0,7910224	0,864755
ABHD16A	4,86	5,65	5,07	4,04	0,7910669	0,864759
WNK2	0,09	0,00	0,05	0,05	0,7911034	0,864759
RP11-477N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7911424	0,864759
RN7SL140P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7912356	NA
GPR61	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7913127	NA
PROSC	4,77	3,70	4,51	3,23	0,791467	0,865071
MAFF	2,45	2,70	2,65	2,32	0,7915065	0,865072
RPL21P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7915829	NA
RP11-621L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7915875	NA
RP5-921G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,79159	NA
RP11-126O22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7918105	NA
CRABP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7918363	NA
FAM71E1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7919138	NA
ANKRD36C	4,62	3,95	3,71	3,54	0,7919584	0,865523
EXT1	0,22	0,11	0,56	0,37	0,7920093	0,865524
AC006077.3	0,95	0,82	0,46	0,53	0,7920375	0,865524

RP11-62C3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7921048	NA
CACNG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7921582	NA
MIR3146	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7921729	NA
RNU6-90P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7921757	NA
PTAR1	3,86	2,87	3,37	3,26	0,7921961	0,865655
NAT8L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7922097	NA
PCDHGA11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7922958	NA
TMEM243	5,92	5,24	6,16	5,78	0,7923333	0,865762
SPTY2D1	2,58	0,94	2,88	2,69	0,7923727	0,865763
RSL24D1P11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7924083	NA
ZSCAN5A	2,34	1,75	1,88	0,82	0,7924783	0,865833
RP11-190A12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7924868	NA
GSTA4	0,20	0,24	0,26	0,61	0,7925149	0,865833
AC013267.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7925319	NA
MIR4308	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7926848	NA
RP11-61G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7926854	NA
AC022153.1	0,00	0,28	0,00	0,00	0,7927046	NA
AC132479.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7927524	NA
SOX2	0,00	0,00	0,00	0,10	0,7927603	0,866016
RP11-308D16.2	0,28	1,06	0,60	0,53	0,7927603	0,866016
RNA5SP408	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7928108	NA
RP11-112L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7928108	NA
AC073387.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7928143	NA
AC005537.2	2,80	1,02	2,17	4,06	0,7928306	0,86605
AC096559.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7928789	NA
AC005326.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7928868	NA
RP5-901O8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7929053	0,866089
TEX261	3,26	2,87	2,77	2,87	0,7930181	0,86613
TBC1D10A	3,45	3,26	2,55	2,62	0,7930208	0,86613
STPG1	1,35	1,31	1,65	1,19	0,793097	0,866137
SEC23B	4,98	5,12	4,71	4,33	0,7931047	0,866137
LINC01451	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7931384	NA
SNORD83A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7931953	NA
POTEA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7932041	NA
CACNG4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7932096	NA
OR7E104P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7932349	NA
GBP3	4,32	3,60	4,29	3,87	0,7933013	0,866309
RP11-360P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7933029	NA
RP11-104G3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7933109	NA
TBC1D7	5,59	5,32	5,66	4,14	0,7933538	0,866315
RP11-226F19.4	0,00	1,52	0,53	0,00	0,7933853	0,866315
RP11-122K13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7934386	0,866315
RP11-370A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7934631	0,866315
RP11-112J3.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7934699	NA
TM2D1	5,40	5,65	5,07	5,68	0,7935107	0,866325
RP11-143K11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7935162	NA
RP11-108L7.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7935259	NA
RP13-923O23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7935277	NA
CTD-2023M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7936417	NA
RP11-430M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7936488	NA
RP11-33N16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7937111	NA
RP11-244N20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7937607	NA
AC104113.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7937805	NA
CTB-105N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7938029	NA
XXbac-BPG27H4.8	0,00	1,01	0,00	0,00	0,7938097	0,866609

RF00599	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7940082	NA
RP5-884M6.1	2,43	1,18	1,90	3,88	0,7940473	0,866762
RIOK2	3,66	1,41	3,83	2,06	0,7940675	0,866762
ARMCX1	2,13	0,20	0,45	1,14	0,7940693	0,866762
IFNAR2	5,40	5,86	4,94	5,15	0,7941059	0,866762
RP11-348P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7941502	0,866768
PHOX2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7941943	NA
CTB-20D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7944272	NA
MEI1	1,81	2,35	3,82	2,85	0,7944887	0,867094
RP11-12D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7945237	NA
NLK	1,68	0,78	1,85	0,55	0,7945488	0,867117
AC015849.19	1,54	1,36	1,66	1,25	0,7946862	0,867192
LRRC73	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7946907	NA
PLA2G4C-AS1	0,00	0,00	0,00	0,32	0,7947027	0,867192
RP11-264B14.2	3,51	3,16	3,67	3,71	0,7947342	0,867192
MED17	3,73	4,48	3,70	3,67	0,7948038	0,867225
RP11-192C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7949826	NA
RASSF1	5,84	5,81	6,13	5,51	0,7951196	0,867515
DPPA3	0,00	0,26	0,00	0,00	0,7951715	0,867515
NDE1	2,54	3,03	3,21	3,45	0,7951867	0,867515
RP11-327F22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7953317	NA
WDR53	1,00	0,00	0,74	0,50	0,7954341	0,867699
RP11-702F3.1	1,50	1,92	1,88	1,77	0,7954402	0,867699
RNU6-142P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7954675	NA
ABCA5	3,43	3,01	2,98	2,89	0,7955043	0,867699
RP11-48B3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7955111	0,867699
APOA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7955638	NA
ZP1	0,00	0,41	0,00	0,00	0,7955672	0,867718
RP11-458I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,795785	NA
JAKMIP2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7958337	NA
AC007193.6	1,25	0,00	0,00	0,00	0,7958415	0,867974
AC010982.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7959099	NA
NSFP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7959223	0,86802
CLSTN1	3,37	3,14	3,05	2,46	0,7960546	0,868099
MUC20	3,49	2,92	3,02	3,96	0,7961039	0,868099
TNNI3K	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7961592	NA
RNU6-415P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7961604	0,868099
RP1-43O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7961711	NA
AC139143.2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,7961823	NA
RP11-281O15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7961872	0,868099
USP9Y	0,07	0,17	0,21	0,35	0,7962027	0,868099
CTA-331F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7962219	NA
RRP15	2,56	0,78	2,43	0,79	0,7962293	0,868099
AC097713.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7962361	NA
INTS13	3,47	2,57	1,96	2,84	0,7963729	0,868211
AC005306.3	2,09	3,11	2,08	2,14	0,7964173	0,868211
RP11-508P1.2	0,26	0,00	0,00	0,00	0,7964492	0,868211
CTC-359D24.3	1,43	0,00	0,11	0,00	0,7965714	0,868291
TMEM64	1,65	2,22	1,68	0,31	0,7966127	0,868291
RP11-320P7.1	0,00	0,00	0,00	0,71	0,7966469	0,868291
DALRD3	3,64	2,53	3,23	4,20	0,7966794	0,868291
RP4-790G17.7	0,92	0,26	1,03	0,88	0,7968224	0,868405
LYSMD4	0,00	2,62	0,74	0,36	0,7968635	0,868407
RP5-1160K1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7969198	NA
RP11-325E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7969768	NA

ALOX5	5,32	5,84	5,35	5,25	0,7969823	0,868494
RP5-994D16.12	1,60	0,00	0,87	2,08	0,7970935	0,868572
AC007349.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7972508	0,868667
RPL29P25	0,31	0,24	0,46	0,67	0,7972583	0,868667
SCN10A	0,00	0,02	0,00	0,00	0,7973072	NA
RNU2-41P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7974588	0,868843
RN7SL72P	0,00	0,93	0,00	0,00	0,797665	NA
TBC1D3G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7976965	0,869005
WHAMM	2,58	3,06	2,80	2,54	0,7977092	0,869005
MAGED2	3,38	1,55	3,13	4,19	0,7977253	0,869005
RP11-429P3.8	0,76	0,59	0,97	0,89	0,7977877	0,869026
RNU1-59P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7978016	NA
UBOX5	1,68	0,73	1,48	1,50	0,7978222	0,869026
RP3-398D13.3	1,21	1,69	1,23	2,47	0,7979412	0,869113
DPYSL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7979646	NA
AP001630.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7980038	0,869138
ARVCF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7980991	0,869168
RP11-118N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7981248	NA
ASH2L	4,19	2,87	3,71	3,16	0,7981452	0,869168
RP11-131K5.2	1,67	2,26	2,05	1,33	0,7981928	0,869168
IGHV3OR16-15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7981929	NA
CTD-2349P21.12	0,88	0,54	0,00	0,49	0,7982231	0,869168
KPNA6	3,95	2,98	3,31	2,54	0,7982264	0,869168
UBE2J2	5,42	4,55	5,26	5,21	0,7983098	0,869216
SLC28A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7983362	NA
AC002467.7	0,34	0,39	0,06	1,85	0,7983633	0,869232
RN7SL198P	0,95	1,00	0,00	0,00	0,79841	0,86924
WDR11	4,80	4,49	4,36	4,90	0,7984639	0,869256
RP11-58O15.1	0,00	0,36	0,00	0,00	0,7985696	NA
POLG	5,05	4,64	4,89	4,53	0,7986024	0,869348
RP11-471L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7986264	0,869348
NBPF5P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7986395	NA
RP11-527H14.6	0,00	1,99	0,00	0,00	0,798707	0,869354
SPRY3	0,01	0,00	0,07	0,10	0,798714	0,869354
RP11-94I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7987495	0,869354
RP11-574K11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,798902	0,869474
RP11-230F18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7989577	NA
RP11-66B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7989996	NA
TLK2	4,81	4,34	4,39	3,39	0,7990043	0,869474
RNA5P424	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7990191	NA
GSTK1	7,91	7,59	7,56	7,36	0,7990298	0,869474
RP11-734E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7990335	NA
SLC6A9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7991383	NA
RP11-687M24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7991463	NA
CPLX4	0,00	0,00	0,03	0,15	0,799166	0,869474
PDE1B	1,11	1,99	1,24	1,84	0,7991829	0,869474
CPED1	3,96	3,15	3,53	3,31	0,7991879	0,869474
PSMG3	5,84	5,63	5,73	5,14	0,7991924	0,869474
STMN3	0,06	0,12	0,29	0,05	0,7991943	0,869474
RP11-228M15.3	0,00	0,48	0,07	0,13	0,7992117	0,869474
CTD-2538G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7992888	NA
LPCAT1	2,96	2,51	2,92	3,35	0,7993029	0,869494
NEGR1	2,69	1,98	1,43	0,59	0,7993083	0,869494
TRPC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7993538	NA
RP11-386G11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7993567	NA

CTB-45I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7994665	NA
RP11-499F3.2	0,00	0,00	0,00	0,55	0,7994901	0,869649
RP11-266K4.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,799561	NA
RN7SL237P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7995691	NA
MMP8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7995827	NA
RP11-68D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7995905	NA
AC006033.22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7996931	NA
SIGLECL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7997863	NA
PROS1	0,08	0,29	0,19	0,10	0,7998255	0,869907
MPHOSPH9	4,34	3,37	4,13	3,92	0,7998274	0,869907
CNPPD1	4,90	3,94	4,87	4,28	0,7998448	0,869907
AC083822.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,7999367	NA
RP11-64D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8001565	NA
RNA5SP532	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8001913	NA
RP11-574E24.3	0,00	0,16	0,00	0,00	0,8003193	0,870322
USP12	3,77	3,89	3,46	3,55	0,800337	0,870322
FAM27E3	0,42	1,34	0,00	0,09	0,8003808	0,870322
RP11-420A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8004202	0,870322
RP5-994D16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8004223	0,870322
HCG4P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8004233	NA
RP5-1042I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8004845	NA
ERRFI1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8005079	NA
CCDC138	1,29	1,04	0,81	0,65	0,8005787	0,87045
IFI30	10,84	10,23	10,78	10,53	0,8006861	0,870473
HN1	6,04	5,76	6,04	5,75	0,8006891	0,870473
RP11-20O24.4	0,67	0,79	0,00	0,40	0,8007179	0,870473
ACTBP6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8007469	NA
RP11-17G12.2	0,24	0,00	0,00	0,36	0,8007889	0,870508
FCN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,800904	NA
RP11-600F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8009208	NA
RP11-22N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8009581	NA
UTP3	2,81	1,50	2,39	2,30	0,801018	0,870714
MT1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8011234	NA
RP11-337N6.1	0,00	0,67	0,00	0,72	0,8011377	0,870782
RNU6-917P	0,00	0,00	0,00	2,05	0,8011726	NA
RP11-494G9.1	1,62	2,61	1,16	1,46	0,8011859	0,870782
NOL7	6,01	6,12	5,85	5,62	0,8012261	0,870782
RP11-96O20.1	0,35	0,29	0,67	1,01	0,8012372	0,870782
CFAP161	0,00	0,00	0,00	0,00	0,80132	NA
RP11-756P10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8013302	NA
AC005077.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8013804	0,870895
RP11-665C16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8014639	0,870902
RN7SL288P	2,39	3,84	3,17	4,04	0,8014649	0,870902
SHC1	3,54	3,42	3,60	3,22	0,8015272	0,870927
POU3F3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8015384	NA
RNU2-31P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8016087	NA
CARD10	0,00	0,00	0,00	0,21	0,801642	NA
DDX4	0,00	0,00	0,00	0,08	0,8016789	0,871049
RP11-122G18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,80174	NA
RP11-350J20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8018125	NA
GLB1L2	0,03	0,12	0,02	0,04	0,801847	0,871189
AC068610.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8019637	0,871274
UTP14C	2,13	1,12	1,11	1,52	0,8020583	0,871283
DHX32	1,11	2,33	1,40	2,07	0,802063	0,871283
MIR142	0,00	2,06	0,00	0,00	0,8020661	NA

GS1-600G8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8020931	NA
RP11-702H23.6	1,88	0,00	1,37	3,29	0,8021215	0,871283
AC010886.2	0,03	0,05	0,05	0,00	0,8021953	0,871283
SECTM1	0,74	1,97	1,56	2,09	0,8022024	0,871283
PKNOX1	3,09	3,33	2,53	2,55	0,8022078	0,871283
RP11-169K16.8	0,00	0,00	0,22	0,52	0,8022369	NA
DHFRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8022579	NA
CH507-9B2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8022857	NA
AC006160.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8022958	NA
RF00413	4,15	0,00	3,09	3,17	0,802348	0,871393
MIR1273D	2,18	0,00	0,00	2,85	0,8024659	0,871456
PFN1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,802501	NA
CTD-319515.3	0,00	0,00	1,18	1,79	0,8025055	0,871456
RN75L809P	0,00	0,89	0,00	0,00	0,8025236	0,871456
POLRMTP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8025361	NA
RP1-139D8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8025406	NA
MIR6862-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8026709	NA
MIR6862-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8026709	NA
DDX1	4,26	1,45	4,12	4,02	0,8027655	0,871553
C21orf37	1,84	2,53	0,00	2,05	0,8027667	0,871553
SCARNA13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,80278	0,871553
CFAP47	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8027983	0,871553
BBS4	2,83	1,38	1,08	1,52	0,802848	0,871553
CTD-2311B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8028644	0,871553
AC007383.3	0,38	0,88	0,66	1,29	0,8028918	0,871553
PRTFDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8028968	NA
AP001816.1	0,00	0,00	0,09	0,93	0,8029348	0,871553
LIMS3	0,86	0,00	1,02	1,04	0,8029865	0,871553
RP5-1096D14.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,8030026	NA
RP5-837O21.5	0,02	0,32	0,25	0,99	0,8030049	0,871553
ECM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8030691	0,871554
FAM86C1	0,00	0,11	0,00	0,11	0,8030922	0,871554
PATE2	0,16	0,43	0,21	0,17	0,8031548	0,871554
RP11-458F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8031604	NA
TTC21A	2,55	3,88	3,03	3,52	0,8031783	0,871554
OXSR1	4,31	4,28	4,40	2,52	0,8032069	0,871554
AF064858.8	0,20	0,11	0,37	0,00	0,8032415	0,871554
ATP11C	2,66	1,00	2,64	1,15	0,8032908	0,871565
RP11-89F3.2	0,00	0,62	0,00	0,00	0,8032936	NA
RP11-31K23.2	0,00	0,17	0,00	0,00	0,8033367	NA
AGER	4,84	3,98	4,94	4,76	0,8033562	0,871593
CTD-2203A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8034667	NA
RP11-7M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8034894	NA
PDPN	0,42	0,48	0,40	0,36	0,8035181	0,871696
RP1-56K13.2	0,94	1,36	1,56	1,81	0,8035291	0,871696
RN75L356P	0,00	1,28	0,00	0,00	0,8035381	NA
RP4-769N13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8035868	NA
RP1-130G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8035903	NA
RNU6-1239P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8035958	NA
RNU6-1268P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8035958	NA
RNU6-816P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8035958	NA
SP7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8038523	NA
RP11-396K3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8039184	NA
RSG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8039668	NA
RP11-299J3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8040147	NA

AC007383.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8040227	NA
PACRG-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8040248	NA
RP5-1055C14.7	0,00	0,07	0,00	0,22	0,804034	0,872174
AC098971.2	0,16	0,20	0,31	0,12	0,8040892	0,872174
TUBB4B	6,41	4,45	6,35	5,83	0,8041056	0,872174
RN7SL222P	0,00	0,00	0,00	0,91	0,8041168	NA
RP11-29A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8041461	NA
PLCXD1	1,33	1,70	1,75	1,32	0,8041582	0,872174
RP11-637A17.2	0,00	0,00	0,00	0,59	0,8041937	0,872174
RP11-203B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8042103	NA
RP11-516C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8042159	NA
CWC22	3,47	2,40	3,59	2,54	0,8042429	0,872174
ANKRD37	3,10	2,51	3,00	1,24	0,8042449	0,872174
LL22NC03-104C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8042739	NA
CXCL9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8043348	NA
PLCD1	3,43	0,00	2,08	1,12	0,8043982	0,872298
RP11-292O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8044313	NA
PTH2R	0,00	0,00	0,00	0,00	0,804532	NA
RN7SL332P	0,00	1,05	0,00	0,00	0,8046535	NA
RP11-109E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8046992	NA
CAGE1	0,29	0,63	0,47	0,09	0,8047362	0,872622
JMY	1,43	0,61	1,57	1,24	0,8047867	0,872634
RP11-231D20.2	0,65	2,29	0,80	0,67	0,8048482	0,872658
CTD-2308B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8049641	NA
CTC-439O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8050055	NA
OR2T7	0,03	0,15	0,20	0,00	0,8051149	0,87283
SCGB1C2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8051176	NA
RP11-152P17.2	0,32	0,99	0,27	0,55	0,8051223	0,87283
RP11-420L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8051337	NA
RP1-240K6.4	0,28	0,48	0,00	0,00	0,8051469	0,87283
RP11-10L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8051721	0,87283
RP3-467K16.4	0,36	0,36	0,22	0,27	0,805203	0,87283
CTD-2086L14.1	0,00	0,00	0,00	0,29	0,8052075	NA
PATE1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8052716	NA
NRBP2	0,00	0,05	0,05	0,44	0,8052717	0,872862
CTD-2339L15.1	1,49	2,34	1,37	2,03	0,8053372	0,87289
MEOX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8053839	NA
RP11-754I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8054452	NA
RNU2-60P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8055058	NA
C9orf70	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8055319	NA
FMR1	4,50	4,86	4,14	2,95	0,8056163	0,873086
CEACAM8	0,04	0,21	0,12	0,16	0,80562	0,873086
DHX8	3,87	3,02	3,78	3,60	0,8056357	0,873086
RP11-861A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8057454	0,873159
AL121578.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8057758	NA
CTA-212A2.1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,8057815	0,873159
TGFBR3L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8059202	NA
SLC20A2	3,92	4,28	4,23	5,01	0,8059441	0,873293
RP11-830F9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8059491	NA
DSN1	3,17	2,58	1,93	2,27	0,8060586	0,873374
STELLAR	0,00	0,55	0,00	0,00	0,8061246	NA
POLE2	0,38	1,68	0,00	0,93	0,8061422	0,873422
ZFYVE19	3,81	2,01	4,13	3,65	0,806228	0,873459
RP11-494M8.4	0,42	0,57	0,30	0,32	0,8062545	0,873459
RP11-350A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8062934	NA

RP11-360A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8062962	NA
RP11-367F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8063295	NA
LRRC14	2,40	0,53	2,57	2,63	0,8063636	0,873528
RP11-403I13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8063652	NA
RNU4-62P	2,44	4,81	2,96	4,25	0,806397	0,873528
RP11-177A2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8064227	NA
RP11-75I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8064371	NA
RP1-288H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8064592	NA
UVRAG	6,45	6,26	6,23	6,41	0,8065324	0,873595
FBXL20	3,04	2,22	2,35	2,72	0,8065404	0,873595
BAZ2B	6,14	5,92	6,19	6,05	0,8065768	0,873595
RP11-475J5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8066202	NA
FAM13B	4,30	4,16	3,86	3,80	0,8066206	0,8736
PELI1	3,04	3,62	3,48	3,63	0,8066712	0,873612
FDPS4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8067353	NA
CHRNE	0,06	0,00	0,03	0,53	0,8067738	0,873619
RP11-371B4.2	0,23	0,47	0,22	0,07	0,8067747	0,873619
CTB-85P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8067947	NA
RP11-91H12.3	0,00	0,91	0,00	0,00	0,806795	0,873619
ODF3L1	0,00	0,00	0,00	0,14	0,8068437	NA
NLRP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8068998	NA
RP1-60O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8069131	NA
NDUFB3	6,67	6,09	6,24	6,04	0,8069224	0,873714
AP000593.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8069407	NA
AC108051.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8070717	NA
BB55	0,09	0,15	0,05	0,32	0,8071673	0,873907
DDX6	4,87	5,45	4,95	4,76	0,807179	0,873907
RP11-165N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8072182	NA
TRAJ54	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8072274	NA
RNU6-550P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8072697	NA
RP11-981G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8074209	NA
COL1A2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8074549	NA
RP1-152L7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8076849	NA
SNORD93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8076849	NA
PBK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8077234	NA
RP11-487I9.2	2,44	2,77	2,98	1,39	0,807826	0,874564
RP4-734P14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8078357	NA
FAM198A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8078477	NA
HIST1H4F	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8078656	NA
AC116609.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8079468	NA
ASTL	0,00	0,00	0,47	0,19	0,8080184	0,87473
ZDHC13	3,32	0,91	2,84	0,84	0,8081403	0,874811
RUVBL2	5,37	4,38	4,81	5,15	0,8081717	0,874811
RP1-91J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8082052	NA
MSANTD2	2,06	0,00	1,57	0,89	0,8083058	0,87485
TRIM16L	1,17	1,17	0,95	1,01	0,8083179	0,87485
TRPV2	5,50	5,12	5,65	5,75	0,808326	0,87485
ZP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8084338	NA
RNU6-237P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8084667	NA
MGC14436	0,00	0,00	0,00	0,18	0,8084973	NA
OR1XSP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8085117	NA
NUDT2	4,42	4,61	4,60	4,97	0,8085399	0,875039
FRG2C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8085866	NA
MIR3155A	0,00	5,47	0,00	0,00	0,8086354	0,8751
TAS2R60	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8087213	NA

SPAG4	0,25	0,73	0,25	0,42	0,8087698	0,875152
GS1-174L6.4	0,87	1,37	0,82	0,65	0,8087922	0,875152
PAN2	3,91	4,08	1,71	4,14	0,8088015	0,875152
SNORA48	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8088089	NA
RP11-214J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8088488	NA
RP11-89K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8088558	0,875168
PIGU	3,25	1,28	3,15	2,46	0,8089347	0,87519
CHERP	2,48	1,07	2,27	1,83	0,8089548	0,87519
RP11-188C12.3	2,49	1,38	2,32	1,70	0,8091217	0,875318
OXGR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8091893	0,875318
RP11-894J14.5	0,00	0,49	0,00	0,00	0,809192	0,875318
POMK	0,91	0,15	0,70	1,47	0,8092762	0,875367
RP11-572B2.1	0,00	0,17	0,00	0,00	0,8092773	NA
RP11-91J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8093684	NA
RP11-433C9.2	0,50	0,43	0,41	0,36	0,8093715	0,875427
RSPRY1	4,26	3,05	4,04	3,94	0,8095144	0,875539
PARGP1	1,81	1,00	1,48	1,52	0,8095551	0,875541
RP11-978I15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8095838	NA
RP11-107P7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8095899	NA
RP11-15K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8096128	0,875561
RP11-328C8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8096478	NA
RP4-773A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8096575	NA
LRP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8096743	NA
CTD-2317K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8097193	NA
RN7SL44P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8097715	NA
AC024592.12	1,99	0,61	1,98	1,12	0,8098651	0,875791
VN1R8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8099198	NA
RPS27P23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8099713	NA
FARSA	3,79	3,54	3,58	3,58	0,8100078	0,875902
CTD-2562G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,810041	NA
RP11-34E5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8101167	NA
CHKA	4,82	4,15	4,55	4,01	0,8101694	0,876035
TRAV12-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8101753	NA
RP11-91I20.1	0,90	0,93	0,88	0,88	0,8102935	0,876126
KCTD10	2,30	2,75	1,83	1,05	0,8103443	0,876138
AC104667.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8103837	NA
RP11-1057B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8105132	NA
RP11-553E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8106528	NA
GADD45G	0,00	0,00	0,00	0,00	0,810677	NA
RP11-156K23.3	0,00	0,70	0,00	0,00	0,810707	0,876447
RP11-1212A22.4	4,90	5,29	4,27	4,02	0,8107082	0,876447
RP11-615J4.3	0,00	0,56	0,00	0,00	0,8108071	0,876511
RP11-455P21.3	0,00	0,00	0,00	0,29	0,8109369	NA
AC009480.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8109542	NA
RP11-756H20.1	0,19	0,31	0,22	0,38	0,8110293	0,876708
MIR6719	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8110646	NA
RP11-85F14.5	0,66	0,00	0,27	1,07	0,8111665	0,876787
RP11-762H8.4	0,00	1,14	0,00	2,14	0,8112051	0,876787
RP1-71H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,81122	0,876787
OR4F13P	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8112375	NA
ARHGEF37	1,74	2,94	0,21	1,37	0,8112595	0,876787
AP000304.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8112616	NA
CTD-2010I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8113102	NA
RP11-320G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8113266	NA
RP11-50B3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8113481	NA

RN7SKP80	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8113722	NA
AC106873.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8113992	NA
ZNF404	0,00	1,18	0,09	0,29	0,8114188	0,876873
ADAMTS9	2,30	1,08	1,45	1,74	0,8114469	0,876873
RP11-156K13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8114573	0,876873
CTD-203414.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8114968	NA
RP11-49111.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8115327	NA
CPTP	0,00	0,00	0,08	0,49	0,81157	0,87695
APH1A	4,63	4,29	4,78	3,47	0,8116078	0,87695
RP3-323K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8116369	NA
RP11-425M5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8116867	NA
AC005740.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8117595	NA
RP11-373N22.3	0,34	0,33	0,09	0,30	0,8117783	0,877091
MIR1250	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8118004	NA
C8orf31	0,57	1,57	0,93	0,94	0,8118465	0,877123
RP11-92C4.3	0,00	0,35	0,00	0,00	0,812035	NA
RP1-140A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8120897	NA
C2orf68	4,33	4,58	4,46	4,20	0,8121554	0,877414
RP6-7406.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8122097	NA
HLA-DRB9	2,69	0,00	1,21	0,00	0,812262	0,877457
KCNH7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,812289	0,877457
RP11-430B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,812314	0,877457
AC108066.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,812425	NA
RP11-35J6.1	0,00	1,37	0,00	2,40	0,8124276	NA
AC005022.1	0,00	0,00	0,00	0,27	0,8124351	0,877478
AC007969.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8124415	NA
RP11-35G22.1	0,49	2,31	1,58	1,53	0,8124656	0,877478
RP11-196H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8124776	NA
SH2B2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8124802	NA
MLLT10P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8124885	0,877478
RLF	2,72	1,78	2,56	2,74	0,8124911	0,877478
RP11-622O11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,812564	0,877496
LOC390483	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8126118	NA
CKLF-CMTM1	1,65	2,16	1,83	0,30	0,8126159	0,877496
TMEM248	4,35	2,46	4,04	4,05	0,8126264	0,877496
RP11-138I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,812742	NA
CCDC148	0,34	0,10	0,19	0,20	0,8128061	0,877621
EMC7	5,36	2,98	5,15	4,42	0,8128213	0,877621
RP13-235E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8128352	NA
CTB-79E8.3	0,00	0,00	0,00	1,21	0,8128594	NA
CTC-239J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8129417	NA
TTL11-IT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8130062	NA
RP11-95I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8130673	NA
PIGA	2,14	2,45	1,48	0,72	0,8130755	0,877853
TMEM253	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8131401	NA
AC018633.4	0,56	0,22	0,64	0,47	0,8131722	0,8779
LMBRD2	1,43	1,30	1,55	0,95	0,8132296	0,8779
RP11-27K13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8132379	0,8779
RP3-445O10.1	0,00	0,23	0,00	0,00	0,8132692	NA
AC093616.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8132752	NA
RP11-364B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8132852	NA
HCP5B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8133357	NA
C19orf33	3,04	2,83	3,11	0,00	0,813345	0,877965
RP11-556O15.1	0,05	0,00	0,00	0,00	0,8134128	NA
AF213884.2	0,00	1,75	1,15	0,50	0,8134138	0,877965

DCXR	7,25	7,31	7,10	6,88	0,8134166	0,877965
CCND1	0,01	0,00	0,00	0,00	0,8134673	NA
AC110781.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8135042	NA
FAT1	0,66	0,19	0,88	0,74	0,8135268	0,878035
ASCC2	5,56	5,26	5,30	5,46	0,8135604	0,878035
CTD-2557P19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8135859	NA
RP4-758J24.6	1,38	1,66	1,33	1,11	0,8136826	0,878124
RP11-661A12.8	0,24	0,50	0,11	0,10	0,8137945	0,878203
KIAA1024	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8138775	NA
RASL11B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8139764	NA
AC011525.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8140219	NA
RN7SL862P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8140448	NA
CHADL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8140924	NA
ZNF709	0,00	0,23	0,00	0,21	0,8141109	0,878501
RN7SKP246	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8142438	NA
RF02126	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8142953	NA
SYDE1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8143302	NA
RPS10L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8143743	NA
RP11-312B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,814378	NA
RN7SL266P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8144152	NA
RP4-697P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8145071	NA
ZFAS1	7,19	7,27	7,16	7,28	0,8145274	0,878872
RP11-468N14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8145338	NA
TBC1D3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8145373	NA
RP11-808N1.1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,814547	0,878872
RN7SL543P	2,98	0,74	1,31	1,94	0,8146383	0,878872
RP11-12A2.1	0,00	1,93	0,00	0,00	0,8146639	0,878872
RP11-497H16.7	4,77	4,61	4,02	3,23	0,8146814	0,878872
RP11-355N15.1	0,17	0,24	0,16	0,13	0,8147978	0,878872
SLC5A4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8147991	0,878872
COPG1	5,00	3,94	4,15	3,34	0,8148014	0,878872
RP11-784B15.1	0,19	0,62	0,00	0,24	0,8148231	0,878872
RP5-1090P18.1	0,37	0,41	0,39	0,40	0,8148496	0,878872
RP11-64C1.1	0,00	0,00	0,00	0,09	0,8149016	NA
RP11-179B2.2	0,08	0,18	0,04	0,09	0,8149122	0,878897
RP11-410D17.2	0,28	0,00	0,00	0,94	0,8149641	0,87891
RP11-312P12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8150213	NA
RBSN	3,58	2,01	2,97	3,08	0,8150876	0,879001
AC004837.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8151258	NA
BCL2	2,18	1,98	2,07	1,79	0,8151394	0,879014
AC007652.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,815146	NA
RP11-791N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8151629	NA
RP11-501O2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8151821	0,879017
AC007292.6	0,42	0,54	0,58	0,48	0,8152605	0,879059
RP11-470E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8153923	NA
HFE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8155144	NA
RP11-452I5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8156352	NA
RP11-310I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8157472	NA
CIC	0,90	1,89	1,33	1,25	0,8157634	0,879559
GNGT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8157879	NA
RP11-506H21.5	0,00	0,29	0,00	0,00	0,8157904	NA
ZMIZ2	3,49	3,64	3,42	3,03	0,81581	0,879566
CTD-3035D6.1	1,76	1,87	1,92	2,19	0,8158496	0,879566
RP11-148B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8159136	NA
CTD-2010I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8159689	NA

RN7SL766P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8159724	NA
RP5-1107A17.3	0,00	0,41	0,39	0,57	0,8159789	NA
RP11-655G22.1	0,27	1,04	0,36	0,62	0,8160371	0,879726
RNA5SP527	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8160833	NA
RP11-372B4.3	0,60	1,10	0,79	0,79	0,8160841	0,879734
RSPO2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8160975	NA
RP11-139E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8161031	NA
RP11-46D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,816152	NA
DIP2C	0,00	0,31	0,00	1,24	0,8161928	0,879808
IGHV3-30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8162111	NA
RP11-122K13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8162428	NA
S100A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8163156	NA
RNU1-91P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8163466	NA
AC005009.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8163562	NA
CYB5R1	4,39	4,32	4,29	3,79	0,8163775	0,879965
RP11-393B14.1	0,88	0,75	0,70	0,46	0,8164953	0,879993
RP11-368N21.5	0,49	0,46	0,20	0,44	0,8165543	0,879993
METTL6	3,07	2,95	2,84	1,98	0,8165693	0,879993
SLC15A2	2,13	1,51	2,04	1,93	0,8165745	0,879993
IQCE	2,06	2,13	1,52	1,92	0,816602	0,879993
RP11-393K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8166241	NA
RP11-124O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8166567	NA
RP11-430G17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,816706	NA
RNA5SP449	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8167186	NA
RP11-341D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8168001	NA
ZNF837	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8168095	NA
RP11-381O7.3	0,15	0,42	0,19	0,18	0,8168383	0,880164
NSL1	4,20	3,18	3,19	3,90	0,8168396	0,880164
RP11-439C15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8169522	NA
ECHDC2	4,83	4,29	4,55	4,74	0,8169882	0,880281
BRPF3	0,00	0,74	0,38	0,31	0,8170305	0,880284
CTC-550B14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8170651	NA
RP5-1012F16.1	0,00	0,26	0,24	0,24	0,8170959	NA
SH2D2A	0,00	0,00	0,00	0,26	0,817112	0,880329
CENPS	0,00	0,26	0,00	0,00	0,81726	0,880446
RP11-219G17.4	0,06	0,17	0,09	0,13	0,8173096	0,880457
MIA	0,00	0,87	0,00	0,00	0,8174251	0,880539
RP11-11H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8175399	NA
ZNF563	0,35	1,01	0,55	0,69	0,8175646	0,880616
CFH	0,00	0,04	0,00	0,02	0,8175766	0,880616
AC007879.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8176234	NA
RP11-392A23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8176544	NA
CDC42EP4	0,76	0,43	0,57	0,82	0,8176644	0,880668
HBM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,817705	NA
RNU4-59P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8177294	NA
ENSA	5,11	5,65	4,82	5,23	0,8177438	0,880711
AC093616.3	0,00	0,00	0,00	1,18	0,8177701	NA
KIAA1143	3,28	3,36	3,14	2,16	0,8178608	0,880788
CTD-2342J14.6	0,75	0,27	1,11	1,49	0,8179062	0,880788
RP1-45N11.1	0,10	0,12	0,00	0,11	0,8179338	0,880788
DNA2	0,58	0,00	1,05	1,09	0,8180486	0,880869
AC012456.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8180758	NA
USP17L6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8180977	NA
AC010907.2	0,00	0,00	0,00	0,56	0,8181232	0,880877
CTPS2	2,08	1,31	1,38	1,88	0,8181595	0,880877

RN7SL750P	0,79	0,00	0,00	0,95	0,8181985	0,880877
ABI3	6,07	5,38	5,68	5,26	0,8182149	0,880877
PADI3	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8182247	NA
ARL15	2,26	0,66	1,83	0,33	0,8183121	0,880897
CSNK2A2	3,66	3,52	3,59	3,53	0,8183129	0,880897
RP11-1079K10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,818356	NA
STK19	5,11	4,98	4,55	4,94	0,8184133	0,880963
RN7SL337P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8184222	NA
RP11-51F16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8184665	NA
RP4-676J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8185398	NA
RP11-468E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8185802	NA
AC013791.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8186092	NA
CTC-349J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8186113	NA
AP001626.1	0,69	1,63	0,68	0,26	0,8186165	0,881105
RP11-182I1.9	0,05	0,20	0,09	0,14	0,8186482	0,881105
RNU6-789P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,818652	NA
MTG2	3,14	2,88	2,90	1,99	0,8186646	0,881105
RP11-787I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8187084	NA
RP11-436A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8187173	NA
AC115617.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,818787	NA
SLC2A4	0,15	0,22	0,19	0,28	0,8187935	0,881187
HLA-V	0,52	0,53	0,39	0,48	0,8188196	0,881187
LA16c-13E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,818891	NA
GDPD4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8189027	NA
PSAPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8189116	NA
RP11-24F11.5	0,00	0,14	0,00	0,00	0,8189744	0,881311
LCN10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8190927	NA
IGKV1OR2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8191036	NA
AP005530.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8191206	NA
SNORA2B	0,00	0,00	0,00	1,48	0,8191286	NA
ZNF516	4,24	3,60	4,64	3,69	0,8191298	0,881435
RP4-668G5.1	1,20	1,06	1,04	0,00	0,8192404	0,881511
STK17A	3,11	0,58	3,21	2,22	0,8193215	0,881556
RP11-181E10.3	1,05	1,88	1,44	1,06	0,8194253	0,881625
CTC-504A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8194809	NA
POLR3H	3,25	3,87	3,83	2,96	0,8195017	0,881665
RNA5SP290	0,00	0,00	0,00	0,00	0,819604	NA
COX6CP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8196068	NA
ASTN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8196136	0,881718
GATSL3	0,83	3,10	2,16	2,57	0,8196305	0,881718
RP11-353N4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8196412	NA
RP11-327O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8198101	NA
RP11-538P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8198343	NA
AC114730.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8199259	NA
SLC30A4	1,16	1,34	1,11	0,95	0,819931	0,881988
PRMT8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8199559	NA
MIR5188	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8199668	NA
RP11-678B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8199859	NA
RNU6-182P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8200226	NA
SLC9A3R1	4,62	4,76	4,36	5,48	0,8200279	0,881988
UPF3A	4,46	3,87	4,43	4,37	0,8200449	0,881988
C4BPA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8200557	NA
WIPI2	4,72	3,81	4,67	4,58	0,820075	0,881988
TRAV14/DV4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8200758	NA
IGHV1-2	0,00	0,58	0,00	0,00	0,8200813	NA

BCL10	3,84	3,51	3,83	3,61	0,8201124	0,881988
LRPPRC	5,40	5,20	4,77	5,31	0,8201202	0,881988
CTC-293G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8202201	NA
PPP6C	4,10	3,96	3,81	3,15	0,8202312	0,882025
TWNK	0,07	0,40	0,06	1,49	0,8202332	0,882025
RP11-109E10.1	0,00	0,00	0,00	0,41	0,8202445	NA
RP11-401O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8202782	NA
AD000090.2	1,17	1,73	1,42	1,11	0,8202859	0,882039
RP11-589N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8202954	NA
RP11-550F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8203464	NA
RP1-222H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8204427	NA
BPIFB5P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8205564	NA
CTD-2008P7.9	0,00	0,05	0,00	0,11	0,8205976	0,882262
CPT1C	1,00	1,91	1,17	1,45	0,8206127	0,882262
RP11-282A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8206129	0,882262
DOCK5	5,28	5,43	5,27	5,10	0,8207044	0,882295
RP11-1101K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8207086	NA
RGS11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8207138	NA
RP11-472B18.1	0,00	0,59	0,00	0,00	0,8207574	0,882295
AP000640.9	3,48	1,21	2,27	0,00	0,8208197	0,882295
ABC14-1080714F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8208467	0,882295
GAB1	1,58	1,25	1,56	1,08	0,8208723	0,882295
RNF32	0,12	0,00	0,00	0,06	0,8209173	0,882295
RPL12P8	0,34	0,60	0,41	0,60	0,8209216	0,882295
RP11-500C12.1	2,49	1,77	1,23	0,80	0,820964	0,882298
RP11-557C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8209694	NA
AC114730.5	0,61	0,86	0,24	0,24	0,8210465	0,882327
RP11-370I10.11	0,39	0,84	1,06	0,00	0,8210699	0,882327
RP11-775D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8211283	NA
RPL12P37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8211431	NA
RP11-25C19.3	4,27	3,48	3,42	0,00	0,8211979	0,882421
RNA5SP146	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8213105	NA
RP11-21N3.1	6,46	7,06	6,67	6,49	0,8213123	0,882502
RNA5SP263	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8214067	NA
CBX8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8215757	0,882649
RP11-206L10.8	0,38	0,19	1,19	0,09	0,8215958	0,882649
RP11-792A8.2	0,77	0,66	0,68	1,17	0,8216125	0,882649
LRRC49	2,42	1,92	1,84	2,08	0,8216545	0,882649
AADA3L3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8216754	NA
YBEY	2,30	3,45	3,54	3,64	0,8216776	0,882649
FAM160A1	1,73	2,08	0,86	1,85	0,8217007	0,882649
OR2H2	0,66	0,19	0,27	0,25	0,82173	0,882649
CTD-2270L9.4	1,21	0,91	1,61	1,13	0,8217667	0,882649
RN7SL775P	2,01	2,49	1,28	1,81	0,8218487	0,882659
PLEKHG6	0,09	0,00	0,06	0,12	0,8218562	0,882659
RP11-407G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8218605	NA
RP5-1115A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8219234	NA
RP4-681N20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8219528	NA
GLP2R	0,00	0,00	0,00	0,04	0,8219598	NA
RPS2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8219715	NA
RRH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8219936	NA
OPN3	3,95	5,03	3,91	0,99	0,8220187	0,882791
RP11-213H15.4	0,00	0,31	0,00	0,00	0,8220314	NA
RP11-817O13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8220522	NA
CAMSAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8220978	NA

RP11-267N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8222786	NA
RP11-108O10.4	0,00	0,00	0,00	0,25	0,8222859	NA
AC007228.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8222986	NA
TRBV4-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8225443	NA
RP11-545D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,822639	NA
RP11-124N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,822699	NA
POTEB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8227133	NA
TRIM62	0,07	0,00	0,11	1,07	0,8227446	0,883522
ANKRD24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8227783	0,883522
RP11-515C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8228137	NA
RP11-686O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8229188	NA
RP11-546M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8229322	NA
RP11-540B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8229365	NA
SLC5A8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,822939	0,883608
XXyac-YM21GA2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8229408	NA
AC144449.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8229521	NA
AHCTF1	3,13	3,54	2,61	1,93	0,822974	0,883608
PLEKHG7	0,00	0,00	0,00	0,04	0,8229776	0,883608
EIF2S2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8230298	NA
WBP11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,823097	NA
RP11-1198D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,823255	NA
RP11-397A16.1	0,26	0,79	0,00	0,88	0,8232704	0,883879
MT1DP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8233161	NA
RPL23AP84	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8233876	NA
Z83001.1	0,00	1,31	1,96	0,83	0,823431	0,884009
RAB43P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8234407	NA
RN7SL197P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,823467	NA
GALT	3,97	3,33	4,24	2,74	0,823539	0,884082
RP11-57H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8236082	NA
AC007965.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8237054	NA
RNU6-1034P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8237075	NA
AC016738.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8237087	NA
LONRF2	0,04	0,11	0,07	0,06	0,8237691	0,884272
CTD-2303B20.1	0,00	0,00	0,00	0,69	0,8237971	0,884272
C21orf93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8238297	NA
ZNF702P	0,90	1,98	0,83	0,83	0,8238353	0,884272
FRMPD2L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,823853	NA
RP11-554O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8239016	NA
EIF3D	7,68	7,57	7,42	7,13	0,8239427	0,884302
RP11-84G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8239615	NA
ECM1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8239755	0,884302
RP11-118B18.1	1,84	2,66	1,17	1,55	0,8239826	0,884302
RP11-578F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8240331	NA
AC105402.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8240367	NA
RP3-393P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8242054	NA
RN7SL565P	0,65	0,00	0,66	0,33	0,8246314	NA
RN7SL722P	0,65	0,00	0,66	0,33	0,8246314	NA
CH507-396I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8246771	NA
CTD-2542C24.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8247251	NA
HIST1H3B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8247486	NA
SPSB2	0,94	0,34	0,88	0,53	0,8247587	0,885092
RP11-436D10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,824818	NA
SIPA1L1	5,00	3,87	5,09	3,80	0,8248325	0,885116
CTD-2012K14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,824855	NA
RN7SL703P	1,14	0,00	0,98	1,55	0,8248606	0,885116

KRT80	0,00	0,03	0,00	0,03	0,8249383	0,885133
TEX10	3,26	2,96	3,04	2,97	0,8249558	0,885133
RP11-284P20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8249907	NA
CTD-2325A15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8251345	NA
RP11-379K17.12	2,16	1,08	1,03	0,00	0,8251653	0,885315
RP11-19C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8252458	NA
RP11-561O23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8252598	NA
PRPH2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8252805	0,885396
AC007016.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,825407	NA
RP5-858B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8254386	NA
CDH18	0,46	0,19	0,41	0,41	0,8254855	0,885568
ALKBH5	4,71	3,27	4,52	4,33	0,8255604	0,885568
EXD3	2,56	2,21	2,51	2,15	0,8255978	0,885568
KLHL35	0,22	0,39	0,38	0,31	0,8256007	0,885568
RP5-872K7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8256604	NA
CTD-3099C6.9	0,64	1,15	0,51	0,69	0,8257129	0,885646
RP11-218C14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8257193	NA
CTC-471J1.2	0,00	1,01	0,03	0,59	0,8257748	0,88567
RP11-463M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8259013	NA
PRH2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,825955	NA
SUSD4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8259651	NA
RPL21P123	0,00	0,00	0,59	1,30	0,8261022	0,885958
RNY3P11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8261096	NA
RP4-576H24.2	0,00	0,00	0,00	0,07	0,8261232	0,885958
RP11-467I20.6	0,00	0,00	0,00	0,26	0,8261981	0,885995
RP11-309L24.10	0,00	0,22	0,00	0,00	0,8262554	NA
SRGAP2	5,65	5,76	5,48	5,15	0,8262575	0,886003
RN75L610P	2,26	1,46	1,08	1,55	0,8262854	0,886003
RP11-422P24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8262905	NA
RP11-439E19.9	0,07	0,00	0,04	0,05	0,826346	0,886004
SNRNP200	5,69	4,87	5,27	5,00	0,8263657	0,886004
CTD-2035E11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8264265	0,886026
RNMT	5,28	4,15	4,72	5,17	0,8264669	0,886027
KIRREL3-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,826477	NA
FNDC7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8265114	NA
MAGI1-IT1	0,49	0,52	0,23	0,36	0,8265838	0,886101
RP11-390B4.3	0,00	0,00	0,00	1,38	0,8266503	0,886101
RP4-765A10.1	0,00	0,00	0,00	0,17	0,8266559	0,886101
RP11-163O19.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8266915	NA
RNU6-1053P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8267569	0,886103
ADGRE1	1,35	0,85	1,08	2,27	0,8267622	0,886103
AC025750.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8268128	NA
OR10AE3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8268132	NA
MIR645	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8268234	0,886103
SH3D21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8268534	0,886103
RP11-504I13.2	0,00	0,03	0,29	0,17	0,8268567	0,886103
TGM7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8269674	NA
AC013472.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8269734	NA
RP11-415F23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8269858	NA
RP1-228P16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8271791	NA
WDR20	4,16	2,33	3,85	3,45	0,8272774	0,886511
AC097639.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8273038	NA
RP11-480I12.9	0,06	0,00	0,07	0,13	0,8274365	0,886639
DTX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8274516	NA
MRPL11	6,12	6,31	6,00	5,82	0,8275304	0,886697

RNY4P10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8275757	NA
RP11-132M7.3	0,09	0,00	0,00	0,22	0,8276481	0,88677
ADH5	5,19	3,70	4,50	4,21	0,8276789	0,88677
CTA-796E4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8277375	NA
AC126544.4	2,79	2,11	2,18	2,35	0,827739	0,886792
TRBJ2-3	0,00	0,00	0,00	3,39	0,8277563	NA
RN7SL303P	0,00	1,53	0,00	0,00	0,8277741	NA
RP4-620E11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8278001	NA
RP11-655H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8278138	0,886829
FTHL20	0,28	0,00	0,35	0,31	0,8278578	NA
RNU6-562P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8279096	NA
RP11-101E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8279819	NA
RP11-103H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8280349	NA
CTD-2531D15.1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,8280421	NA
XXbac-B461K10.4	0,08	0,01	0,02	0,52	0,8281434	0,88714
RP11-215H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8281803	NA
DRD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8281897	NA
RP11-318A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8282005	NA
SSU72	6,30	6,44	6,34	5,88	0,8283035	0,887268
POM121L10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,828452	NA
RP11-719J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8284739	NA
TRBJ2-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8284786	NA
LINGO2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8285758	NA
FAM151A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8286006	NA
RNU2-32P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8286746	NA
RP5-1024N4.6	0,03	0,00	0,04	0,10	0,828924	0,88789
KRR1	4,71	2,60	3,69	3,21	0,8289821	0,88791
RP11-435F13.2	0,00	0,71	0,00	0,00	0,8290971	NA
RP11-463C8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,829112	NA
RP11-723O4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8291514	NA
RP11-736I24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8292446	NA
SNHG11	3,88	4,55	4,04	2,00	0,829264	0,888169
EEF1A1P7	0,23	0,00	0,14	0,10	0,8293014	NA
CACNG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8293069	NA
PRAMEF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8293209	NA
RP11-12J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8293225	NA
TAGLN2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,829348	NA
NNAT	0,00	0,00	0,00	0,13	0,829399	NA
RP11-56D16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8294692	NA
RP13-991F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8295531	NA
RP4-616B8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8296378	NA
PRORS1P	0,11	0,33	0,20	0,38	0,829699	0,888592
GIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8297468	NA
FAM180A	0,00	0,16	0,00	0,12	0,829873	NA
RP11-466L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8299022	NA
RP11-266K4.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8299534	NA
ASNSP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8299779	NA
RP11-715N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8300069	0,888879
RNU7-110P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8301109	NA
KRT16P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,830157	NA
DUSP11	4,71	2,98	3,97	4,80	0,8303399	0,889151
MIRS48A1	0,00	2,02	0,00	0,00	0,83035	0,889151
REEP4	4,41	4,36	4,67	4,43	0,8303812	0,889151
RN7SL110P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8303911	NA
RP11-37O16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8303991	NA

RNU6-79P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8304133	NA
RP11-259G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8304667	NA
RP11-531A24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8304864	NA
RP5-881L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8305956	NA
RP11-96B2.1	0,00	0,41	0,00	0,00	0,8306005	NA
RP1-79C4.1	1,31	0,62	0,69	1,22	0,8306898	0,889439
RN7SL74P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8308237	NA
RP11-654K19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8308282	NA
RP11-805F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8309336	NA
ACO10642.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8309361	NA
APOL4	1,58	0,97	1,19	0,92	0,8309519	0,889653
RP11-5K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8309647	NA
GOT1	3,47	0,54	2,76	0,08	0,83097	0,889653
RP11-498M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8309705	NA
MIR4462	0,00	0,00	0,00	0,00	0,831029	NA
DYNC1I2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8310692	NA
BCS1L	5,12	4,93	4,80	3,35	0,8310952	0,889744
RP11-640A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8311409	NA
KLC2	0,65	0,49	0,12	0,00	0,8311509	0,88975
NKAIN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8311776	NA
RN7SL827P	1,14	1,42	1,09	1,76	0,8311807	0,88975
RNU6-1225P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8311931	NA
CH17-112A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8311995	NA
RP11-135A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8313553	0,889886
IGFLR1	7,92	7,71	7,87	7,44	0,8313976	0,889886
SEPHS2	3,72	4,11	3,46	3,07	0,8314278	0,889886
RP11-28B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8314834	NA
RP11-596C23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8316356	NA
RP11-1217F2.22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8316516	NA
FRMD5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8317028	NA
ISY1	5,43	4,80	5,33	4,28	0,8317239	0,890116
AL133243.1	3,06	3,88	2,60	0,52	0,8317696	0,890116
RP11-346C20.4	0,00	0,07	0,00	0,00	0,8317778	0,890116
TNFSF14	0,13	0,92	0,21	0,87	0,8318029	0,890116
ATP5G1	7,40	7,24	7,45	6,56	0,8318864	0,890163
RP11-648C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8319163	NA
CALCRL	3,62	1,01	3,36	2,76	0,8319583	0,890172
CD99L2	1,76	2,52	1,02	1,27	0,8319749	0,890172
CTD-3105H18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8319928	NA
SLC6A13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8319969	NA
BCKDHB	3,01	2,67	3,34	1,49	0,8320432	0,890202
RP11-10A14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8320578	NA
SNORA15B-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8321693	NA
SNORA15B-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8321693	NA
AMZ1	1,49	1,39	1,44	0,59	0,8322868	0,890419
RP11-151G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8322874	NA
MIR548AQ	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8323014	NA
GUF1	3,73	2,53	2,32	3,24	0,832347	0,890441
RP11-190C22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8323686	NA
MIR548AJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8325975	NA
NIPAL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8326427	0,8907
HHAT	0,13	0,23	0,05	0,05	0,8326997	0,8907
RP11-693J15.4	0,12	1,65	0,04	0,00	0,8327114	0,8907
RP11-109A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8327146	NA
RP11-452J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8327961	NA

RP4-594A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8328106	NA
RNU6-118P	5,95	0,00	5,82	2,08	0,8328179	0,8907
RP11-305E17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,832828	0,8907
RP5-894A10.2	0,41	0,00	0,45	0,41	0,8328291	0,8907
RP11-585K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8328924	NA
CYLC2	0,06	0,00	0,00	0,00	0,8329062	0,890739
RP11-763F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8330151	NA
AC005329.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8331102	NA
AADAT	0,00	0,09	0,20	0,13	0,8331386	0,890945
CES2	2,78	1,49	2,79	2,31	0,8332467	0,890995
RP11-196N14.1	2,57	2,35	1,96	1,23	0,8332659	0,890995
AC008753.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8333941	NA
CTD-314810.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,83353	NA
RP11-162D16.2	2,24	3,00	2,44	2,83	0,8336028	0,891293
PCGF6	1,27	0,95	1,39	0,49	0,8336712	0,891293
RP11-278J6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8336733	0,891293
DENND6A	3,54	3,49	2,54	3,23	0,8337045	0,891293
RP11-598P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8337216	NA
RP11-328L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8337229	NA
CLDN20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8337646	NA
ENO3	1,84	1,64	1,96	2,87	0,8337829	0,891334
AC010129.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8337879	NA
DDX18P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8338053	NA
AC008746.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8338946	NA
STRA6	0,10	0,07	0,15	0,17	0,8340323	0,891446
PF4V1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8340393	NA
MIR5480	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8340425	0,891446
CTC-435M10.3	1,58	2,37	3,30	3,55	0,834048	0,891446
RNU6-74P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8340513	NA
ADGRE4P	0,08	0,00	0,02	0,27	0,8340691	0,891446
RP11-640N20.4	1,00	2,08	0,96	0,82	0,8340886	0,891446
MIR4469	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8341268	NA
JAK3	4,79	4,16	4,73	4,71	0,8341501	0,891469
AC097523.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8343264	NA
FAM46A	4,21	3,31	4,25	3,70	0,8343338	0,891622
PCDHA10	0,12	0,01	0,14	0,09	0,8346717	0,891921
BARX2	0,14	0,14	0,17	0,14	0,8346934	0,891921
KLHL14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8346981	NA
BANF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,834748	NA
RP5-1050D4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8347817	0,891972
RP11-354M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8348214	NA
AP000997.2	0,01	0,05	0,00	0,00	0,8348321	0,891983
RP11-230C9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8348665	NA
RP11-19N8.4	0,00	0,20	0,00	0,00	0,8349357	NA
RP11-45P15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8349646	0,892082
MED12L	1,40	1,10	1,04	1,71	0,8350142	0,892092
RP11-126Q22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,835061	NA
ANP32BP1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8351728	NA
RP11-157H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8352195	NA
AURKC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,835279	NA
RP11-404H14.1	0,80	1,26	0,59	1,68	0,835312	0,892367
RP3-323M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8353485	NA
RP13-152O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8353659	NA
DPY19L3	1,96	2,05	1,40	1,48	0,8354253	0,892445
OR2L5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8354668	NA

RP11-173C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,835504	NA
PPIH	5,13	3,88	5,07	4,87	0,8355484	0,892534
FOXP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8357059	NA
NID2	0,00	0,00	0,00	0,21	0,8357801	0,892711
CARD6	1,75	1,49	1,39	1,93	0,8357944	0,892711
RP5-1021I20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8358817	NA
CCDC167	4,85	3,04	4,82	5,15	0,8358942	0,892775
RP11-718B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8359848	NA
RP3-412A9.11	0,41	1,42	0,48	1,95	0,8360201	0,892866
AC019181.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8361334	NA
CDH22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8361991	NA
NAT1	2,51	0,08	0,85	0,00	0,836269	0,893089
SMC2	2,51	2,54	2,31	1,26	0,8363302	0,893112
AC092620.2	4,39	1,36	3,97	2,49	0,8364777	0,893226
RP11-358B23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8364899	NA
RP11-386M24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8365004	NA
MIR4459	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8365361	NA
AC012065.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8365667	NA
UNC50	5,46	4,10	4,90	4,64	0,8365809	0,893262
RP11-75C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8365826	NA
FAM175B	2,72	3,51	2,18	2,50	0,8365913	0,893262
RP11-326C3.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8366805	NA
RP11-203M5.7	0,00	0,49	0,00	1,21	0,8367673	0,893407
AF131215.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8367811	NA
RP11-210K20.2	0,00	1,29	0,17	0,76	0,8368042	NA
RP11-767L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8368546	NA
SNRPC	7,69	7,24	7,81	6,76	0,8368841	0,89348
P2RX6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8368962	NA
RP11-281P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8369165	0,89348
AC006026.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8369167	NA
MIR5195	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8369548	NA
RP11-325E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8369629	NA
RP1-20C7.6	0,00	0,40	0,00	0,00	0,8370128	NA
KCNK7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8371735	NA
AC016292.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8373052	0,893852
TTC38	1,89	2,16	1,82	2,56	0,8373569	0,893864
RP11-61F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,837479	NA
OR2T2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8375658	NA
ACOD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8375873	NA
C9orf40	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8376417	NA
RP11-468E2.4	1,55	2,95	2,32	2,07	0,837648	0,894132
RP11-484M3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8377239	NA
MIR8078	0,00	1,85	0,00	0,00	0,8377909	NA
RP11-463I20.1	0,00	1,21	1,78	1,33	0,837836	0,89429
RP11-321A17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8378399	NA
C6orf52	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8378453	NA
RN75L201P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8378861	NA
RP11-344G13.1	0,13	0,15	0,04	0,03	0,8378874	0,894302
KCNA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8379802	NA
CCT8L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8380024	NA
AF130342.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8380664	NA
AC006509.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8380731	NA
RP1-85F18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8380754	NA
ASMT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8381342	NA
CTC-458I2.2	0,00	1,12	0,00	0,00	0,8381496	0,894539

OR7E84P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8381601	NA
RP11-686D22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8382796	0,894635
RP11-84C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8383115	NA
TOMM20L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8383609	NA
CTB-60E11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8384215	NA
TMEM167A	6,47	6,32	6,36	6,07	0,8384445	0,894768
RPL32P29	4,62	3,84	4,21	4,53	0,8385452	0,894801
AC092299.6	0,00	0,00	0,00	0,60	0,8385564	0,894801
SFTA2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,838567	NA
CTD-2319I12.10	0,45	0,00	0,00	0,00	0,8385754	NA
RP11-834C11.15	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8386263	NA
MRPL34	6,52	5,82	6,60	5,92	0,8387187	0,894931
MIR5692C2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8387573	NA
TRIM53	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8388194	NA
SLC25A44	3,17	2,47	2,69	1,86	0,8388408	0,895019
CTD-2048F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8389355	NA
RP11-102C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8389676	NA
RP11-175D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,83923	NA
ASPN	0,05	0,50	0,09	0,14	0,8392399	0,895401
HOXB2	0,97	1,73	0,85	0,17	0,8392975	0,895405
CTRL	1,79	3,22	1,63	1,11	0,8393235	0,895405
RP11-303E16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8393278	NA
LRRC16B	0,00	0,16	0,00	0,00	0,8394122	0,895439
AF196972.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,839526	NA
RP11-813F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8395271	NA
RP11-59E19.4	0,00	0,67	0,00	0,18	0,839541	0,895439
MCCC1	4,23	3,67	4,02	4,93	0,8395515	0,895439
RP11-1096D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8395644	NA
PRKCI	3,24	2,33	3,23	2,07	0,8395778	0,895439
RN7SL166P	0,93	0,95	0,99	0,00	0,8395826	0,895439
RP11-44F14.6	0,10	0,00	0,12	0,13	0,8395975	0,895439
AC064834.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8396498	NA
RP11-45A16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8397012	NA
EEF1AKMT4	3,42	0,29	1,24	0,36	0,8397453	0,895554
C1orf157	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8397724	NA
RP1-127D3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8398018	NA
KLHL11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8398651	0,895589
ELP6	5,12	2,79	4,62	2,74	0,839886	0,895589
MAP2	0,00	0,00	0,00	0,35	0,8399172	0,895589
CTD-3253I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8399535	NA
RP5-905H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8399535	NA
EHBP1	3,73	2,76	3,15	3,60	0,8399765	0,895589
CHSY1	2,63	2,07	2,50	2,83	0,8399797	0,895589
AC004166.7	2,31	1,78	1,75	2,19	0,8400247	0,895594
RP11-298I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8400552	NA
RP5-1024G6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,840087	NA
FLOT2	6,34	5,96	6,16	5,73	0,8400957	0,895627
RN7SL321P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8401562	NA
RNA5SP123	0,00	0,00	0,00	0,00	0,840293	NA
RP11-533E19.5	0,54	1,00	0,49	0,70	0,8403605	0,895866
AC005150.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8404114	NA
TRBV10-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8404165	NA
CTC-573N18.1	0,84	2,13	0,73	0,00	0,8404257	0,895892
RP11-195B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8404578	NA
RP11-739L10.1	2,21	1,88	1,68	0,00	0,840479	0,895906

CTD-2345M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8404871	NA
AC108488.3	0,18	0,80	0,40	0,32	0,8405669	0,895957
RP11-430C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8406581	NA
SCAF11	6,23	5,30	6,27	6,07	0,8407769	0,896138
RP11-649A18.5	0,00	0,64	0,76	0,00	0,8408242	0,896145
RP13-16H11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8408547	NA
RP11-346E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8409447	NA
RMI2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8409792	NA
ZFAT	1,64	1,79	0,69	1,32	0,8410446	0,8963
FAM228A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8410449	NA
RP11-473I1.9	2,17	1,82	0,01	3,21	0,8410617	0,8963
TMEM182	2,86	2,76	2,53	2,63	0,8410901	0,8963
RP11-140H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8412223	0,896398
GOLGA8M	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8413054	NA
RNU4-87P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8413346	NA
RP11-661A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8413857	NA
RNU6-177P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8413948	NA
AC018816.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8414074	NA
RP4-803A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8414887	NA
RP5-1165K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,841494	NA
CCER2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8415418	0,896652
ZNF546	1,06	1,96	1,63	1,84	0,8415612	0,896652
EMG1	5,18	4,19	4,83	4,26	0,8415821	0,896652
IFIT1	3,72	1,42	2,63	3,10	0,8416237	0,896653
RP1-111C20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8416813	NA
SHOX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8416936	NA
RNU1-122P	0,00	0,00	0,75	1,40	0,8417807	NA
PCSK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,841841	NA
RP11-443F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8418555	NA
TTC14	4,42	2,84	4,30	3,57	0,8419306	0,896913
KDELC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8419482	0,896913
ABC7-481722F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8419683	NA
RP11-617B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8420675	NA
ATG13	5,20	5,04	5,06	4,97	0,8420865	0,897018
RP11-317G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8421343	NA
CTD-3032H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8421392	NA
RP4-703E10.1	0,12	0,00	0,00	0,61	0,8421898	0,897085
RP5-920G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8422385	NA
ZNF197	2,41	0,66	1,79	1,09	0,8423201	0,89718
ADM2	0,05	0,13	0,03	0,04	0,8424714	0,897298
AC007349.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8425318	NA
CH17-118O6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,842551	NA
STBD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8427065	NA
IGHV3-49	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8428681	NA
RP11-290L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8430853	NA
CTB-113P19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8430892	NA
WARS	7,50	7,22	7,30	7,30	0,8431024	0,897835
RP11-64P12.2	1,61	0,11	0,67	0,45	0,8431041	0,897835
AC006988.3	0,00	0,10	0,00	0,00	0,8431157	NA
SFN	0,00	0,18	0,00	0,00	0,8431174	0,897835
DCAF4L1	0,00	0,05	0,00	0,03	0,8431368	0,897835
AC012354.6	0,00	0,00	0,00	0,05	0,8432251	NA
U82695.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8432336	NA
RP11-261N11.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8432499	NA
CCDC39	0,62	0,37	0,00	1,14	0,8432561	0,897911

DCTN4	4,69	3,58	4,48	3,84	0,8432937	0,897911
RP11-556G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8433037	NA
MIR3136	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8433151	NA
C19orf12	2,49	0,43	1,73	2,38	0,8433292	0,897911
RP11-456H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8433298	NA
ENOPH1	4,22	2,19	3,60	1,20	0,8434495	0,897996
RP11-157P1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8434972	NA
RP11-324J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,843538	NA
RP11-156P1.1	0,05	0,22	0,12	0,00	0,8435443	0,898054
ACO08850.3	0,00	0,00	0,00	0,56	0,843589	NA
AMPD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8436031	NA
RNU6-597P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8436597	NA
AP000240.6	0,00	0,00	0,16	0,37	0,8437427	0,898164
AP000962.2	0,00	0,00	0,15	0,26	0,8437502	0,898164
C3orf52	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8437615	NA
RP3-333H23.9	0,00	1,73	0,07	0,79	0,8437686	0,898164
RPL26P35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8438068	NA
RP11-522L3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8438709	NA
MIR5695	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8438867	NA
RP5-1160K1.1	0,00	0,00	0,00	0,20	0,8439796	NA
RP11-638I2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8440024	NA
RP11-730A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,844014	NA
ZNF747	0,76	0,60	1,96	0,39	0,8440375	0,898407
RP11-415I12.6	0,12	0,15	0,09	0,07	0,84405	NA
RP11-51J9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8440815	NA
PIN4	3,45	3,38	3,47	3,06	0,8441775	0,898513
ACO05086.2	0,00	0,00	0,00	1,06	0,8442667	NA
AKR7A2	6,23	5,29	5,73	5,46	0,8442776	0,898576
RP3-400N23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8443341	NA
RP11-325I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8443945	NA
MTBP	1,39	1,65	1,11	1,58	0,8444208	0,89865
GBA3	0,00	0,07	0,00	0,00	0,8444231	NA
SLC16A14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8444406	0,89865
CTD-2026D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8444619	NA
RP11-77K12.4	0,50	0,80	0,83	1,18	0,8444682	0,89865
RP11-506F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8445093	NA
RP11-297L17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8445545	NA
IPO13	2,75	1,56	2,68	2,73	0,8446102	0,898749
DBF4B	1,28	1,66	1,83	1,41	0,8446425	0,898749
PIK3AP1	4,55	5,05	4,16	3,97	0,8447071	0,898775
RNA5SP344	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8447868	NA
LCOR	4,13	3,52	3,66	3,39	0,8447885	0,89879
RP11-561O23.9	1,52	1,89	1,85	1,58	0,8448021	0,89879
KB-1440D3.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8448422	NA
RP4-785G19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8448643	NA
CLPX	4,32	4,04	4,14	3,52	0,8449085	0,89886
RP11-272G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8449116	NA
RP11-361A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8449467	NA
PRAMEF6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8449649	NA
XXbac-BPG170G13.32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8450026	NA
ITFG2	4,24	4,77	3,34	4,07	0,8450238	0,898898
CDK1	0,00	0,00	0,04	0,00	0,8450252	0,898898
RP11-689J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8450592	NA
RP11-672L10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8450615	NA
LGR6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8450798	NA

KALP	0,00	0,51	0,00	0,00	0,8451861	NA
AC112211.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8452255	NA
R3HDM1	4,97	4,29	4,48	4,57	0,8452261	0,899046
PI4KA	4,80	3,03	4,93	4,49	0,8452447	0,899046
ANKRD30BP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8452867	NA
TCP10L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8453413	NA
SLC9A3	0,00	0,34	0,00	0,00	0,8454643	0,899222
CTB-54D4.1	0,40	0,24	0,27	0,40	0,8454911	0,899222
RPL7AP34	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8455693	NA
RP11-300D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,845621	NA
RNU6-275P	0,00	0,00	0,00	1,80	0,8456468	NA
RN7SL760P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8457104	NA
RP11-575L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8457239	NA
AC025918.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8457598	NA
C3orf67	0,05	0,30	0,11	0,28	0,8457759	0,89943
SLFN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8457946	NA
IGHE	0,08	0,10	0,00	0,20	0,8458193	0,89943
NBPF12	3,58	3,13	3,08	2,87	0,8458287	0,89943
RF00153	0,00	1,15	0,00	0,00	0,8458308	NA
AC097662.2	0,00	0,10	0,03	0,06	0,8458333	NA
RP11-549K20.1	0,88	1,63	1,23	0,32	0,8458483	0,89943
BBS12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8459259	NA
RP11-578F21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8459383	NA
RP3-388N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8460323	NA
RP11-817I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8460415	NA
RP11-26M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8460971	NA
RP11-513D5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8461083	NA
RP11-332O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8461136	NA
RP11-479O9.4	1,15	1,34	0,18	0,07	0,8462177	0,899779
RP11-331F4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8463051	NA
RP11-3P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8463255	NA
PCDHGA8	0,52	0,49	0,51	0,52	0,8463304	0,899856
DDX18P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8465523	NA
AC073551.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8465555	NA
PDLIM4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8465982	NA
RP11-1399P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8465996	0,900099
RP11-667K14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,846681	0,900143
PNOC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8467222	NA
LAMB3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,8467252	0,900147
RP11-809N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8467936	NA
RP11-211N8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8469367	NA
MIR4796	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8469711	NA
RP5-1125M8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8469711	NA
RNU6-487P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8470421	NA
BIRC5	0,29	0,54	0,72	0,71	0,8470603	0,90046
MIR6797	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8470901	NA
HERC5	1,94	2,07	3,06	2,50	0,847131	0,900492
RP11-196G11.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8471422	NA
EMILIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8471542	NA
SSNA1	6,00	5,51	5,72	5,84	0,8472575	0,900583
RP11-460E7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8472735	NA
SSX6	0,00	0,21	0,00	0,00	0,8473705	NA
RP11-115D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8473967	NA
RP11-1057N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8474517	NA
RP4-580N22.1	1,06	0,34	1,25	2,09	0,8475482	0,900849

DNM1P38	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8476272	NA
ENOX2	2,30	1,15	1,90	1,89	0,8476554	0,900888
RP3-323N1.2	5,66	5,17	4,55	3,44	0,847666	0,900888
OR2W3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8476878	NA
AL078471.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,847722	NA
RP11-235G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8477399	NA
RP11-860B13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8477607	NA
GOLGA8DP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8477811	NA
RNAS5P127	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8477907	NA
RP11-386M24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8478515	NA
DSC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8478574	NA
ANP32AP1	0,00	0,00	0,05	0,00	0,8479563	0,901146
RP11-466C23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8479864	NA
RNH1	7,74	6,78	7,43	6,94	0,8479898	0,901146
RP11-680F20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8480145	NA
CTB-129P6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8480454	NA
BCRP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8481076	NA
KB-1980E6.3	0,19	0,24	0,00	0,20	0,8481649	NA
BTF3L4	5,21	4,54	4,80	4,92	0,8482433	0,901371
RP11-401E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8482779	NA
SLTM	6,68	6,14	6,46	6,42	0,8482821	0,901371
L34079.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8482904	NA
RP11-363H12.1	0,00	0,35	0,00	0,00	0,8483481	NA
SLC46A1	0,81	1,62	1,51	0,48	0,8483875	0,90144
AC005154.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8484124	NA
RP11-542C10.1	0,00	0,53	0,00	0,69	0,8484604	NA
DKK3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8485493	NA
PNLIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8487486	NA
RP11-697K23.3	0,16	0,28	0,25	0,46	0,8487506	0,901782
RP11-73B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,848773	NA
RP11-27M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8487875	NA
RP11-473D24.1	0,00	0,00	0,00	0,32	0,8488253	0,901804
KDM3A	4,14	1,80	3,61	3,17	0,8488671	0,901804
MIR708	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8488929	0,901804
RP11-313A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8489859	NA
ZNF611	3,54	3,71	3,69	2,96	0,8490133	0,901889
RP11-46O21.2	3,81	3,69	3,46	3,16	0,8490763	0,901913
ZNF460	2,22	2,27	1,10	0,54	0,8491224	0,901919
ZNF80	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8492071	NA
RP11-10C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8493327	NA
TDRD3	3,35	2,20	3,32	2,04	0,8493994	0,90217
NPIPA2	0,00	0,00	0,00	0,16	0,8495543	0,902291
RP11-683L23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,849649	NA
RP11-215P8.3	0,00	0,00	0,34	0,00	0,8496865	NA
RFESD	0,00	0,10	0,00	0,00	0,8497333	NA
PTPRU	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8499362	NA
PMS2L2	2,41	0,94	2,17	1,55	0,8499744	0,902694
RP11-8P13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8499865	NA
RP11-707M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,850123	NA
RP11-405M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8501765	NA
RP11-933H2.4	0,05	0,32	0,71	0,73	0,8502315	0,902924
OSR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8503317	NA
MON2	4,00	3,43	3,83	3,57	0,8503463	0,903003
WNT3A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,850381	NA
HGD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8504181	NA

RP11-10017.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8504375	NA
ANKRD54	3,29	1,60	3,22	3,41	0,8504818	0,903104
GM2A	3,00	3,46	3,55	3,56	0,8505446	0,903127
SMIM10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8505736	NA
LEP	0,04	0,08	0,03	0,08	0,8506241	0,903149
ADCY10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8506486	NA
EIF1B	5,86	5,33	5,61	5,22	0,8507017	0,903149
SEZ6L	2,71	1,28	2,44	1,04	0,8507541	0,903149
REPIN1	3,81	3,76	3,60	3,02	0,8507678	0,903149
NT5C	5,33	3,66	4,70	5,09	0,8507679	0,903149
MLYCD	0,22	0,26	0,39	1,07	0,8508224	0,903163
GS1-393G12.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8508691	NA
AH11	3,54	3,91	2,99	2,49	0,8509523	0,903257
TMED6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8509922	0,903257
TLDC2	0,48	0,13	1,00	0,87	0,8510462	0,903271
RS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8510498	NA
RP11-542H15.1	1,04	0,80	0,63	0,19	0,8511134	0,90332
RP11-159D12.10	0,27	0,11	0,13	0,29	0,8511732	0,90332
RNU1-93P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8512011	NA
RP11-423G4.8	0,00	0,08	0,00	0,61	0,8512226	NA
AC018648.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8512904	NA
RNU1-16P	0,00	2,94	0,00	0,00	0,8513521	0,903467
RP11-568J23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8514214	NA
RP11-867G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8514363	NA
DNAJC19	4,60	4,89	4,56	3,99	0,8514435	0,90352
MIR505	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8514599	NA
RNU6-1111P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,851484	NA
RP11-543A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,851507	NA
UBE2C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8515168	0,903555
BCLAF1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8515652	NA
RNU6-399P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8515748	NA
ZNF217	3,33	3,57	3,25	3,25	0,8516079	0,903609
RP11-273F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8516821	NA
RP11-90J7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8517679	NA
RN7SL833P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8519509	NA
RP4-734C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8519632	NA
PLCL2	3,65	2,99	2,86	3,21	0,8520104	0,903993
RP11-157P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8521302	NA
RNU6-302P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8521557	NA
TMEM110-MUSTN1	0,56	0,33	0,94	0,61	0,852162	0,90411
XXbac-BPG258E24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8522496	NA
NDUFAF6	3,61	3,65	3,27	2,86	0,8522741	0,904186
AC007036.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,852377	NA
TIMD4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8524058	NA
KCNB1	2,20	0,86	1,67	2,10	0,852419	0,904296
RP11-307C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8524298	NA
PCDHGA5	0,06	0,17	0,15	0,15	0,8525106	0,904315
FOXN2	6,26	6,39	6,19	5,57	0,8525351	0,904315
CTD-2576D5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8525392	NA
LRRC40	2,36	2,10	1,70	1,52	0,8525583	0,904315
ANXA10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8525657	NA
CUL4A	4,53	4,56	4,27	4,58	0,8526293	0,904347
RP11-474L23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8526564	NA
ZNF669	1,42	0,55	1,75	3,37	0,8527014	0,90438
RP11-763B22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8527052	NA

CTD-3187F8.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8527539	NA
VN1R1	0,00	0,00	0,00	0,05	0,8527571	0,904396
RP11-287D1.2	0,05	0,30	0,00	0,13	0,8528058	0,904405
TMPRSS15	0,00	0,00	0,00	0,03	0,8530751	NA
RP11-75L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8531645	NA
RNU6-307P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8532255	NA
UOX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8532573	NA
AC090044.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8534218	NA
MIR3680-1	0,00	0,00	1,51	0,00	0,8534253	0,905018
OPN1MW	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8534282	NA
RF00108	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8535369	NA
COA5	4,77	1,30	5,11	4,54	0,8535783	0,905138
RP11-20I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8536395	NA
HLA-W	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8536439	NA
RP13-157F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8536509	NA
RP11-756K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8536616	NA
RN7SL144P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8536758	NA
RP5-1009E24.8	0,00	0,37	0,00	0,00	0,8537343	0,90526
OR1S1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,853758	NA
C6orf58	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8537722	NA
GASS-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8537765	NA
RP11-489P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8537948	NA
AC145676.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8538048	NA
NDUFB6	5,33	4,06	5,13	5,20	0,8538426	0,905325
NUDT16L1	5,08	2,37	4,18	3,96	0,8538923	0,905325
AGFG1	4,34	3,45	3,17	3,55	0,8539218	0,905325
RP11-196H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8539443	NA
TFF2	0,24	0,91	0,27	0,00	0,85398	0,905325
SKA2	3,96	3,22	3,90	3,68	0,8539996	0,905325
DNAH1	2,10	1,26	1,55	1,92	0,8540588	0,905345
LINC00473	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8540782	NA
RP1-92O14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8541401	NA
RP11-54A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8541986	NA
RP11-23J9.4	0,00	0,15	0,00	0,00	0,8542263	0,905439
RP1-179N16.3	4,72	0,73	3,46	2,06	0,8542294	0,905439
RP11-351O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8542589	NA
ZNF91	3,53	2,57	2,99	2,93	0,8542731	0,905442
AC008753.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8543456	NA
MIR6861	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8544606	NA
RP11-79P5.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8544861	NA
RP11-353N14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8544951	NA
RHOD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8545156	NA
LINC00244	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8546389	NA
CLEC4F	1,84	1,86	0,00	1,88	0,8547451	0,905899
U91328.21	2,42	1,14	2,05	0,00	0,8547894	0,905903
MIR28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8547943	NA
TERC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8548415	NA
OR2M2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8549042	NA
RP11-763E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8549602	NA
AC073218.2	0,18	1,26	0,37	0,36	0,8549676	0,906049
RP11-332H18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,855032	NA
TRIM43B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8550446	NA
CTD-2623N2.3	0,58	0,65	0,83	0,27	0,8550635	0,906066
AC073263.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8550982	0,906066
RP11-1149O23.4	0,44	0,00	0,33	0,13	0,8551066	0,906066

RP11-693L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,855128	NA
RP11-540O11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8551385	NA
FEZ2	5,04	4,38	4,62	4,81	0,8551731	0,906094
RP11-298D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8551995	NA
THAP7-AS1	0,00	0,36	0,16	0,01	0,8552301	0,906111
RP11-66N24.3	0,25	0,10	0,10	0,44	0,8553829	0,906195
RP11-296O14.3	1,71	0,15	0,29	0,00	0,8554214	0,906195
RP11-1281K21.8	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8554317	0,906195
PALM2-AKAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8554841	NA
ZNF66	1,52	1,90	1,71	1,62	0,855497	0,906221
CTC-573M9.1	0,43	0,46	0,44	0,50	0,8556154	0,906275
PDLIM7	3,22	1,05	2,35	2,68	0,8556476	0,906275
NSA2	5,03	4,28	4,75	5,17	0,8556708	0,906275
RP11-16F15.1	0,00	0,46	0,00	0,00	0,8557923	NA
NASP	5,35	4,62	5,48	5,35	0,8558488	0,906367
RP11-173M1.4	0,93	1,20	1,05	1,49	0,855859	0,906367
PHLPP2	1,07	1,24	1,19	0,84	0,8558792	0,906367
RP11-668G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,856029	NA
PSMB7	8,03	7,73	7,70	7,35	0,8560353	0,906489
RP11-111F16.2	0,00	0,97	0,00	0,00	0,8560789	NA
RP11-77M5.1	0,68	0,60	0,73	0,47	0,8560915	0,906505
FABP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8561519	NA
RP11-468N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8561985	NA
RNA5SP395	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8563518	NA
AC004383.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8564875	0,906881
RN7SL111P	0,00	0,93	0,00	0,77	0,8565056	NA
RP3-348I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8565105	NA
RP11-603J24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8566134	NA
CTD-2666L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8566156	NA
AC007879.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8566158	0,906974
RASA1	3,55	3,44	3,28	3,01	0,8566898	0,907009
ZBTB45	0,44	1,52	1,07	2,50	0,8567322	0,907011
ZNF396	0,81	0,34	1,03	0,68	0,8567843	0,907014
RP11-717K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8568174	0,907014
OR52N4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8568235	NA
RP11-505E24.2	0,24	0,50	0,28	0,00	0,8568827	0,90704
RNU7-103P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8569825	NA
SDCCAG8	6,32	6,05	5,80	5,77	0,8570032	0,907125
RP11-597A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8570655	NA
AK2	6,06	5,43	5,88	5,76	0,8570694	0,907152
AC113617.1	1,96	3,07	1,92	2,62	0,8571183	0,90716
ITGB1P1	2,08	0,00	1,38	0,00	0,8572107	0,907215
MIR1267	0,00	3,22	0,00	0,00	0,857365	0,907335
RP11-340I6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8574077	NA
EIF4BP5p	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8574187	NA
RNU6-481P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8575186	NA
RP11-157K17.5	1,28	0,69	0,85	0,46	0,8575535	0,907491
RP11-1H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8576053	NA
MIR191	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8576096	NA
PLSCR4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8576449	NA
RP11-29H23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,857742	NA
RP11-856F16.2	0,00	0,33	0,00	0,00	0,8578135	NA
HRC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8579447	NA
RP13-494C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8579449	NA
AC073869.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8579588	NA

OR5B17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8579856	NA
SNORD42B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8579868	NA
AC122136.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8579893	0,907909
RP1-50O24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8580479	NA
RNU6-466P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,858084	NA
ABCG2	0,00	0,03	0,00	0,03	0,8580869	NA
NLRP8	0,02	0,04	0,03	0,04	0,8580883	NA
FOXJ2	2,54	2,57	2,52	1,93	0,8581055	0,907989
HES4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8581568	NA
GPT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8582166	NA
RP4-613B23.1	0,34	0,83	0,70	0,00	0,8582275	0,908075
RP4-555N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8583132	NA
RP11-261A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8583952	NA
N4BP1	4,09	2,09	4,24	2,94	0,858405	0,908219
GEMIN8	3,77	0,34	4,07	1,92	0,8584918	0,908268
KIAA0368	4,12	3,68	3,75	3,49	0,8585449	0,908281
RP11-76I23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8586413	NA
RIC8A	3,52	1,24	3,47	1,32	0,8587177	0,90842
CHAT	0,13	0,00	0,00	0,19	0,8587663	0,908428
RN7SL708P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,85877	NA
RNU4-71P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8587828	NA
AC005082.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,858792	NA
PZP	0,00	1,49	0,10	0,30	0,8588572	0,908481
RP11-63A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8589539	NA
ACCSL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8589553	NA
PPIAL4C	0,00	0,14	0,00	0,00	0,858956	NA
GBP1	5,13	4,95	5,33	5,10	0,858975	0,908484
RP11-475A13.2	0,42	0,93	0,39	0,19	0,8589856	0,908484
RP11-31L22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8590062	NA
ZXDC	3,34	2,16	2,88	3,54	0,859019	0,908484
CEP162	1,76	1,16	1,59	3,00	0,8590234	0,908484
AC007620.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8590371	NA
AC006116.27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8590504	NA
AC079781.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8590588	NA
S1PR2	1,46	0,80	0,60	0,85	0,8591208	0,908513
TDO2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8591236	NA
SERPINE2	0,17	0,40	0,08	0,64	0,8591328	0,908513
RN7SL700P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8591499	NA
RP11-216P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8592598	NA
RIMKLB	1,49	1,52	2,08	0,98	0,8592858	0,908632
AP000322.53	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8593832	NA
PSG9	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8594604	NA
MED14OS	2,23	0,85	1,17	1,52	0,8595408	0,908858
CEACAM7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8596208	NA
RP11-818O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8596672	NA
LRRC10	0,09	0,11	0,11	0,07	0,8597036	0,908987
RP11-1137G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8597119	NA
RP4-678D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8597471	NA
TNFRSF10A	1,07	2,23	2,03	1,38	0,8597609	0,908997
TM7SF2	0,75	0,50	0,43	1,34	0,859797	0,908997
RP11-529G21.2	0,65	0,74	0,00	0,78	0,8598356	0,908997
RP11-284F21.10	0,04	0,19	0,00	0,00	0,8599481	0,909053
SLC22A13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8599485	NA
MIR3680-2	0,00	0,00	1,51	0,00	0,8599705	0,909053
RP11-357P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8600161	NA

AGRP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8601598	NA
RP11-274B21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8602329	NA
RP11-586K2.1	0,08	0,56	0,21	0,16	0,8602429	0,909298
RP4-646N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8602884	NA
GFRA2	1,47	0,13	1,32	0,34	0,8602982	0,909313
RP11-153K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8603655	NA
UGGT2	3,06	2,45	2,99	2,90	0,8604325	0,909412
RP11-453E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8605279	NA
AC004112.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8605494	NA
RN7SL168P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8606242	NA
RP5-905H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8606904	NA
AC142528.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,860741	NA
LMOD2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8607498	NA
RP11-798G7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8607778	NA
RP11-2B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8608044	NA
AL035209.2	0,66	0,43	0,70	0,85	0,8610238	0,909994
CRISP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8611433	NA
RNASET2	8,76	8,46	8,52	7,98	0,8612028	0,910139
RP11-482M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8612051	NA
RP11-214O14.1	0,00	0,32	0,00	0,00	0,8612803	NA
RN7SL525P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8613552	NA
SRC	1,00	0,07	1,22	0,37	0,8614802	0,910365
FAM127B	3,72	3,63	3,21	3,56	0,8614982	0,910365
ANKRD20A5P	2,19	0,23	2,11	1,55	0,8615726	0,9104
RP11-23E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8615905	NA
AC009196.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8616245	NA
RP4-718J7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8616389	NA
OR2A1	0,04	0,03	0,07	0,00	0,8616694	0,910459
STARD6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8617601	NA
RBM19	3,33	3,01	3,47	4,44	0,8619074	0,910627
RP11-401P9.7	0,35	0,69	0,24	0,89	0,8619545	0,910627
LTBP2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,8619597	0,910627
KIAA0556	2,20	1,58	1,77	1,26	0,8619923	0,910627
RP11-455F5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8620819	NA
MOCS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8621082	NA
AF196970.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8621363	NA
PNMA6A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8621618	NA
RP4-680D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8621883	NA
RP11-756I15.3	2,32	1,77	2,17	1,29	0,8622174	0,910822
RP1-172I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8622198	NA
MIR4762	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8622215	NA
RP11-395L14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8623473	NA
C2orf42	0,31	0,06	0,14	1,64	0,8624194	0,910992
RP11-255N4.2	0,10	0,32	0,17	0,35	0,862476	0,911008
RP4-714D9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8625477	NA
R3HCC1	3,68	3,98	2,98	3,13	0,8625598	0,911054
RP11-331F9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8626147	0,911068
RP11-290L1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8626543	NA
RP11-354K1.2	0,00	0,00	0,00	0,34	0,8626676	NA
RP11-181L23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8626942	NA
FH	4,99	1,01	4,45	3,79	0,8627454	0,91109
RP11-507K2.6	0,07	0,42	0,11	0,18	0,862746	0,91109
RPL21P120	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8627569	NA
LDHB	7,97	7,66	7,71	7,64	0,8627578	0,91109
RP11-33E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,862872	NA

AP000344.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8628988	NA
RNU6-59P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8629412	NA
RP11-313P13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8629438	NA
RN7SKP221	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8629608	NA
AC010967.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8630524	NA
RP5-1097F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8630655	NA
RPS11P6	0,10	1,27	0,23	0,54	0,8631778	0,91149
CTD-2528L19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8631911	NA
C7orf50	6,42	6,43	6,16	5,94	0,8632252	0,911497
RP11-733O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8633748	NA
RP11-681N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8633819	NA
RP11-245P10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8634106	NA
RP11-867G2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8634228	NA
HOXB3	0,24	0,18	0,12	0,27	0,8634322	0,911672
C7orf61	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8635816	NA
ART4	0,03	0,03	0,00	0,00	0,8635926	0,911798
RP11-343J24.1	0,04	0,18	0,05	0,06	0,8636834	0,911821
JMJD1C-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8636889	NA
PPP1R3F	0,04	0,52	0,12	0,06	0,8636961	0,911821
TRIM39-RPP21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8637199	NA
RN7SL464P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,863771	NA
NPIPP1	2,54	2,60	2,67	1,61	0,8637729	0,911858
CTC-425F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8638178	0,911862
GCSAML-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,863932	NA
RP11-691H4.1	0,06	0,12	0,57	0,00	0,8640136	0,91199
NUDT22	5,90	5,82	5,70	5,62	0,8640561	0,91199
RP11-437J2.4	0,00	1,58	0,00	0,42	0,8640938	0,91199
RP11-570L14.1	0,51	0,65	0,62	0,20	0,8641029	0,91199
ARFGEF1	4,56	4,50	3,98	3,65	0,8642016	0,912051
RP11-589P10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,864347	NA
KRT18P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8643487	NA
KLK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8643824	NA
RP13-507P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8644015	NA
RP11-109J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8644443	NA
GABBR2	0,06	0,19	0,12	0,24	0,8645004	0,912323
VPREB3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8645153	NA
ATP5J2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8645229	NA
MSC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8645449	NA
RNU6-181P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8645959	NA
SRRM5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,864616	NA
CH507-145C22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8646788	NA
C1orf186	0,11	0,09	0,14	0,32	0,8646819	0,912471
EMC9	3,63	0,84	2,54	1,25	0,8647399	0,912489
RP11-380M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8647545	NA
SNRPB	7,91	7,27	7,64	7,61	0,864819	0,912529
AC098820.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8648402	NA
RP11-384B12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8648687	NA
RPL23AP79	2,81	2,44	3,47	3,09	0,8649231	0,912584
MSRB2	1,96	2,81	2,36	3,19	0,8649858	0,912584
TMSB15B	1,21	1,43	1,09	1,03	0,864994	0,912584
GSG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8651419	NA
RP11-428J1.4	0,00	0,08	0,02	0,00	0,8651705	0,912727
OLIG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8651858	NA
RP5-1121H13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8651967	NA
HS3ST5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8652499	NA

RP11-452C8.1	3,16	2,45	2,92	2,82	0,8653178	0,91282
RN7SL551P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,865379	NA
RP11-75C10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8653869	NA
BCL2L2-PABPN1	0,76	0,00	0,53	2,38	0,8653972	0,91282
PARP3	0,48	0,26	0,66	0,30	0,8654206	0,91282
MPRIP	5,04	5,23	4,67	4,46	0,8654234	0,91282
LIN7B	3,45	1,00	1,39	2,99	0,8654648	0,912821
RP11-359G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8655165	NA
RNU7-172P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8655556	NA
RF00492	0,00	0,00	0,00	0,00	0,86558	NA
CDRT15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,86562	NA
RP3-388N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,865677	NA
TEFM	2,54	2,59	2,48	2,82	0,865704	0,913029
PVRIG	1,22	1,05	0,42	1,01	0,8658054	0,913093
RP11-195O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8658076	NA
RP11-102G14.1	0,81	0,44	0,82	0,38	0,8658608	0,913108
AJ271736.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8658894	NA
RP11-12I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,866025	NA
RP11-449J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8660404	NA
LGALS8	4,81	4,75	4,55	3,88	0,8660842	0,913274
LRRK2	4,17	4,03	3,87	4,03	0,8661003	0,913274
ENO2	0,00	0,00	0,00	0,06	0,8662197	0,913357
RP11-212F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8663117	NA
LRRC3B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,866312	NA
RP1-161N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8663386	NA
RP11-734K21.5	0,04	0,04	0,07	0,07	0,8663535	0,91344
ZNF423	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8663561	NA
MYRIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8663793	NA
MSI1	0,04	0,04	0,07	0,08	0,8663807	0,91344
RP11-231C14.3	0,33	0,12	0,08	0,09	0,8664636	0,913482
PCDHGA9	0,05	0,05	0,05	0,05	0,8665026	0,913482
RP11-117F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8665601	NA
CLIC3	2,68	2,02	0,62	0,56	0,8665755	0,91351
OR2B11	0,38	0,53	0,73	1,04	0,8666116	0,91351
RNU11-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8666122	NA
NT5C1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8666386	NA
NPIP7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8666768	NA
ZNF287	0,00	0,51	0,00	0,00	0,8667285	0,91359
ST8SIA3	0,00	0,02	0,00	0,00	0,8667889	NA
CLDN19	0,00	0,10	0,04	0,04	0,8668333	NA
P2RX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8668405	NA
RP11-342A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8669172	NA
LRRC55	0,24	0,14	0,07	0,08	0,8669816	0,913787
CALU	4,30	3,89	3,58	3,17	0,8670219	0,913787
RP11-99H8.1	1,44	1,64	2,00	1,40	0,8670393	0,913787
AC007192.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8671709	NA
POLQ	0,42	1,33	0,54	0,53	0,8671887	0,913863
RP11-864J10.4	0,13	0,09	0,02	0,08	0,8671929	0,913863
RNU6-892P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,867205	NA
CYP24A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8673236	NA
RP11-301G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8673247	NA
FAM153A	0,82	1,28	0,47	1,64	0,8674781	0,914099
RP11-264L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8674997	0,914099
RN7SL126P	0,00	1,01	0,83	0,81	0,8675528	NA
AC022210.2	0,56	0,59	0,42	0,25	0,8678496	0,914425

MIR6133	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8678703	NA
RN75L826P	0,00	0,92	0,39	0,76	0,8678999	NA
HHIPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8679689	NA
FCRL4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,867985	NA
RYR1	0,11	0,53	0,16	0,13	0,8680718	0,914565
RP11-410L14.2	1,83	2,16	2,03	2,30	0,8680788	0,914565
CCR5	1,67	0,55	1,40	1,93	0,8681177	0,914565
MIR5192	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8681417	NA
PIGF	4,90	1,33	4,59	4,46	0,8681473	0,914565
MIR128-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8682048	NA
NDUFAF4	4,58	3,95	4,47	3,64	0,8682434	0,91462
PPP2R5A	4,28	3,07	3,90	2,96	0,8682817	0,91462
IFIT5	1,71	1,77	0,98	1,85	0,868325	0,914622
AC145343.2	0,42	0,00	0,46	0,00	0,8684401	0,9147
FKBP5	4,53	4,83	4,72	4,83	0,8685398	0,914761
XPNPEP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8685429	NA
RXFP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8685717	NA
PLA2G2A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8685739	NA
MIR1285-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8685809	NA
RP11-810D13.1	0,00	0,00	0,00	0,38	0,8685841	NA
BCAN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8686259	NA
SALL3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8686748	NA
CTD-3214H19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8687426	NA
RP11-546B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8687972	NA
ODZ4	2,96	1,59	1,56	2,28	0,8688668	0,91503
DNAJC8	6,48	5,82	6,15	5,57	0,8688802	0,91503
RP11-800A3.2	0,00	0,99	0,00	0,00	0,8689074	NA
HACE1	1,97	2,46	1,81	1,81	0,8689185	0,91503
MIR4722	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8689883	NA
RP11-635I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8690131	NA
KRASP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8690639	NA
RP11-442A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8690749	NA
RP11-15L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8690796	NA
AC105053.3	1,19	0,69	1,05	0,80	0,8690993	0,915147
RP11-436I24.1	0,29	0,00	0,10	0,09	0,8691119	0,915147
AC008993.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8691238	NA
CTD-2533K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8691832	NA
RP11-134G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8691832	NA
RN7SKP290	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8692165	NA
CTC-492K19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8692192	NA
OR51B4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8692192	NA
MAMLD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8692965	NA
RP3-486I3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8693182	NA
PCDHB9	0,06	0,00	0,05	0,03	0,8694206	0,915378
EI24	4,98	3,94	4,50	4,00	0,8694761	0,915378
ARRDC3-AS1	0,97	1,87	1,31	1,54	0,8694962	0,915378
AL353898.2	2,48	1,93	3,64	3,93	0,8695282	0,915378
ZBTB14	2,69	2,73	1,88	1,42	0,8695367	0,915378
CTC-428G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,869641	NA
PGF	0,06	0,05	0,09	0,08	0,8696594	0,915455
AC012370.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,869693	0,915455
RP11-473M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8697169	NA
HMG2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8697565	NA
RP11-672A2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8698115	0,915529
RP11-522D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8698186	NA

TRAF7	2,85	2,75	2,37	2,58	0,8698453	0,915529
RP11-487I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8698597	NA
RP11-305L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,869885	NA
CTD-3222D19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8699126	NA
RP11-182L21.5	2,13	0,67	2,97	0,29	0,8699211	0,915566
RP11-700P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8699621	NA
RP11-38M15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8699684	NA
MIGA1	1,66	1,62	1,43	1,33	0,8699991	0,915604
AC073326.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8701437	NA
LRRC8D	3,71	2,93	3,60	2,09	0,8701635	0,915692
RP11-251B9.1	0,06	0,05	0,07	0,11	0,8701721	0,915692
RP11-108K1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8701821	NA
MTRNR2L10	0,00	0,22	0,00	0,09	0,8701931	NA
HIRIP3	1,59	1,22	0,40	0,92	0,8702058	0,915692
RP11-199F11.2	0,00	0,24	0,14	0,13	0,8702972	NA
VENTXP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,870335	NA
AC092066.6	0,00	0,82	0,00	0,00	0,8704552	NA
RP11-229N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8704672	NA
C16orf74	4,84	4,46	4,73	4,70	0,8704845	0,915942
P4HTM	3,40	4,21	2,88	3,32	0,8705802	0,915999
OPN1MW2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8706113	NA
RP11-570F6.1	0,00	0,00	0,00	0,18	0,8706343	NA
AGO4	3,33	3,46	3,47	3,64	0,8706373	0,916016
RP11-701P16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,870661	NA
RF01979	0,72	0,00	0,00	0,00	0,8706836	NA
RP4-778K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8706968	NA
CTA-797E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8707386	NA
AC018799.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8708845	NA
RP11-479J7.1	0,00	0,00	0,00	0,24	0,870893	NA
CTA-126B4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8709081	NA
SLCO5A1	0,02	0,01	0,03	0,03	0,8709552	0,916253
SPATA12	0,00	0,06	0,00	0,00	0,870965	NA
TM4SF4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8709805	NA
RP11-407N17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8710141	NA
CTD-2293H3.1	0,25	0,87	0,19	0,13	0,8710228	0,916253
FN3K	0,58	1,13	0,90	0,72	0,8710279	0,916253
HMGB1	8,60	8,53	8,64	8,36	0,8710279	0,916253
RP11-1H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8710473	NA
FAM69B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8710474	NA
RP11-844P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,871132	NA
ARSJ	0,27	1,12	0,50	1,00	0,8711879	0,916378
AC090602.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,871215	NA
AC010969.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8712879	NA
MIR6514	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8713273	0,916481
OR7E33P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8713308	NA
AC009299.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8714355	0,916552
RP11-815M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8714822	NA
ATP5S	4,38	3,13	4,50	4,79	0,8714869	0,916562
RP11-717A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8714873	NA
IDI2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8715296	NA
RAG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8716218	NA
RP11-128B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8716341	NA
ABHD6	3,38	2,47	3,48	3,19	0,8716576	0,916698
RP11-64D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8717057	NA
MAGEC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8717394	NA

RP13-753N3.1	0,39	0,89	0,39	1,52	0,8717934	0,916798
RP11-666O2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8718378	NA
CTC-463N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8718636	NA
CTC-458G6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8718861	NA
RN7SL560P	0,00	1,74	0,00	1,06	0,8719465	NA
RAB4B	6,33	6,02	5,71	5,71	0,8720028	0,916963
RNA5SP319	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8720265	NA
NDUFV3	4,73	3,39	4,23	4,37	0,8720397	0,916963
RP11-250B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8720479	NA
HES6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8720745	0,916963
ABCB11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8720913	NA
RP11-375B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8720988	NA
PRR7	0,39	2,12	0,00	0,18	0,8721207	0,916969
RN7SL688P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8721932	NA
CH507-145C22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8721955	NA
BCKDK	5,36	5,56	5,06	5,27	0,8722056	0,917014
RP5-965K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8722844	NA
MOV10L1	0,00	0,07	0,05	0,00	0,8723663	NA
TAX1BP3	4,81	4,87	4,42	2,23	0,872429	0,917134
MGAT4A	3,89	4,87	4,37	4,15	0,8724304	0,917134
RP11-375N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8724406	NA
RP5-1051H14.1	0,08	0,21	0,06	0,00	0,8724435	0,917134
H1FNT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8725238	NA
RP11-468N14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8725547	NA
RALGAPA2	3,33	2,21	2,92	2,95	0,8726419	0,9173
TRAJ37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8726422	NA
TIMM17B	6,48	5,87	6,34	6,42	0,8726898	0,917307
TIMP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8727767	NA
CLCA3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8728004	NA
GRB2	7,22	7,03	7,18	6,93	0,8728247	0,917405
RP11-6L6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8728489	NA
RP11-674C21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8728635	NA
RP11-60H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8729888	NA
RP11-312A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8730087	NA
ATP6V0D2	0,63	0,34	0,51	0,47	0,8730293	0,917577
RP11-347H15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8730935	NA
MIR219A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8731136	0,917622
LOXL4	0,00	0,00	0,00	0,06	0,8731917	0,917661
CTB-175E5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8732349	NA
RNU1-87P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8732696	NA
CTB-186G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,873313	NA
AC017035.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,873365	NA
RP11-297L17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8733814	NA
PPIAL	0,96	0,99	0,70	0,69	0,8733895	0,91778
RP11-121A8.1	0,00	0,00	0,07	0,60	0,873424	0,91778
AC010733.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8734291	0,91778
RP11-227D13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8734585	NA
CDH15	0,10	0,18	0,05	0,00	0,8734905	0,917801
RP11-495K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8735938	NA
TMEM100	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8736017	NA
bP-2189O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8737236	NA
RP11-460H18.1	0,00	0,52	0,00	0,00	0,873758	NA
RP11-219E7.1	0,00	0,86	0,67	2,38	0,8738355	0,91806
HMGCL	4,68	4,30	4,78	3,21	0,8738424	0,91806
RP11-265D17.2	0,40	1,82	0,00	0,00	0,8738605	0,91806

AGMAT	0,28	0,23	0,32	0,39	0,8739394	0,918064
GMDS	3,90	3,51	3,75	3,65	0,8739627	0,918064
KCNAB2	4,41	4,12	4,28	3,99	0,874062	0,918064
RN7SL815P	0,00	0,00	0,00	1,12	0,8740666	0,918064
RP11-396C23.2	0,00	0,57	0,00	0,00	0,8740704	NA
MAP4K2	2,48	2,33	2,27	1,27	0,8740711	0,918064
RP3-477O4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8741523	NA
RN7SL817P	1,07	2,79	1,80	1,74	0,8741624	0,918116
RP11-261P13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8742873	NA
HCRTR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,874321	NA
CTC-498J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8745485	NA
CTD-2308N23.5	0,39	0,87	0,60	0,00	0,8745545	0,918485
MIR573	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8745761	NA
ZFP82	0,35	0,84	0,75	0,76	0,8746404	0,918532
RP11-456O19.2	0,00	0,00	0,00	0,94	0,874718	0,918558
DNAJA4	2,68	0,15	2,34	1,62	0,8747485	0,918558
RP11-949J7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,874794	NA
RP11-606E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8748218	NA
AP000343.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8748249	NA
RP11-165N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8748518	NA
CGB1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8748795	NA
AP000302.58	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8750746	NA
RP11-106E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8751389	NA
ANAPC4	3,91	3,71	3,98	3,54	0,875229	0,919004
TMEM225B	0,00	0,45	0,00	0,66	0,8752553	0,919004
DERL1	4,88	3,98	5,07	5,00	0,8753585	0,919068
VN1R82P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8754789	NA
OR5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8756227	NA
AC092933.4	0,00	0,00	0,00	0,30	0,8756406	NA
KCNS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8756558	NA
AHSP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8757078	NA
LRRTM2	0,13	0,14	0,27	0,36	0,8757239	0,919409
TMEM204	0,00	0,00	0,00	0,21	0,8757945	0,919439
KLK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8759287	NA
AC084031.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8759304	NA
MAMDC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8759557	NA
CTB-133G6.1	0,07	0,34	0,05	0,20	0,8759979	0,91961
FOXD2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8760751	NA
PRAF2	3,06	2,47	2,18	2,15	0,8760762	0,919634
KCNE5	0,00	0,00	0,00	0,10	0,8761039	0,919634
KRT82	0,00	0,05	0,00	0,00	0,8761219	NA
USP36	4,82	4,79	4,88	5,34	0,8761785	0,919638
RP11-697H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8761822	NA
RFO2104	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8761854	NA
MAD2L1BP	4,21	0,62	2,78	3,35	0,8761909	0,919638
RP11-435O11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,876227	NA
ZP2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,87623	NA
RP11-267J23.4	0,00	0,00	0,00	0,68	0,8762429	NA
RNU7-59P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8762904	NA
RP13-487P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8763141	NA
OPCML	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8763982	NA
TAS2R46	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8764164	NA
RNFT1	4,36	2,36	4,17	3,78	0,8764198	0,919767
EMB	5,31	4,98	5,04	4,06	0,8764324	0,919767
RP11-660M18.2	0,89	0,68	0,86	0,58	0,8764421	0,919767

HIRA	1,81	1,93	2,20	0,11	0,876479	0,919767
AC013248.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8764865	NA
MIRS48Y	0,00	1,89	0,00	0,00	0,8765002	NA
KRTAP5-4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8765198	NA
EFCAB9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,876549	NA
CTB-164N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,876591	NA
RP11-324E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8765911	NA
RP11-350N15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8765911	NA
RP11-387D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8766456	NA
CFLAR	6,29	5,89	6,42	6,20	0,8766717	0,919926
CTCF	4,10	2,63	3,75	3,62	0,8767779	0,919994
DUX4L4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8768807	NA
RP11-349F21.2	1,35	1,61	1,02	1,32	0,8768891	0,920054
RNY1P16	2,38	2,67	2,55	3,33	0,8769183	0,920054
CTD-2128A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8769931	NA
RP11-505P4.7	0,21	0,65	0,52	0,72	0,8771113	0,920213
LINC00637	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8771214	NA
GLIPR1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8771264	NA
CCL17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8771544	NA
RP11-454P7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8773001	NA
RP11-118H4.1	0,53	0,63	0,42	0,38	0,8773382	0,920408
PSG11	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8773661	NA
RP3-395M20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8774542	0,920416
CTD-2145A24.5	0,00	0,16	0,00	0,00	0,8774613	0,920416
RP11-214K3.19	0,00	1,19	0,00	0,57	0,8774697	0,920416
RP11-725K16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8776552	NA
RP11-451L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8776578	NA
AP000487.5	0,84	0,65	1,05	0,74	0,8776865	0,920558
SLC25A36	5,60	5,87	5,18	4,92	0,8776883	0,920558
RN7SL761P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8777235	NA
AC007364.1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8778011	NA
RP13-582O9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8780049	NA
ZNF564	1,67	2,06	2,19	2,11	0,8780187	0,920861
RP11-81A1.6	2,38	0,61	1,87	1,72	0,8781081	0,920911
RP11-118M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8781121	NA
RP5-981L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8781279	NA
B4GALT2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8782838	0,921052
RPTN	0,00	0,04	0,00	0,00	0,8783324	NA
RP11-1006G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8783387	NA
SSX9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,878341	NA
HAPLN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8783989	NA
AMH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8784023	NA
TNFSF11	0,00	0,10	0,00	0,00	0,8784223	NA
FAM230B	0,00	0,00	0,00	0,06	0,8784365	0,921169
RP11-378I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8784466	NA
PNLIPRP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,878497	NA
RP11-566K19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8785014	NA
RP5-973M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8785202	NA
RP11-90P5.5	2,39	3,02	3,06	3,11	0,8785332	0,921226
SNORA9B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8785454	NA
RNU6-97P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8785744	0,921226
NEU1	4,29	4,09	4,22	3,40	0,8786266	0,921238
RP11-767C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8786657	NA
FKBPL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8787816	NA
RP5-943J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8788208	NA

RP11-5407.3	0,00	0,06	0,00	0,00	0,8788587	NA
FAM90A17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8788634	NA
YIF1A	6,21	5,04	5,95	5,51	0,8788988	0,92148
RP13-487K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8789119	NA
CTB-66B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8789311	NA
RP11-697E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8789386	NA
RP11-7F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8790612	NA
RP1-228H13.5	0,00	0,52	0,03	0,29	0,8790619	0,921605
RP11-90D4.3	0,00	0,33	0,46	0,45	0,8791012	0,921605
HBD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8791376	NA
RPS12P31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8791721	0,921636
MRPL32	5,49	5,22	5,26	5,39	0,8792404	0,921664
RP11-9D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,879308	NA
RP4-646N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8794439	NA
LRP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8794702	NA
OR5AC4P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8795153	NA
RP11-252I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8795431	NA
MIR1539	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8795871	NA
RP4-713B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8796754	NA
RP11-430C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8796777	NA
RP1-257C22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8797052	0,922108
PDCC1LG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8797172	NA
RP1-5O6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8798003	NA
RP11-480A16.2	0,27	0,21	0,39	0,35	0,8798517	0,922212
DPEP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,879859	NA
RP11-301N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8798666	NA
RP13-200J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8798678	NA
RP11-248I18.3	2,39	1,22	1,55	0,00	0,8798877	0,922212
RP11-13K12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8799158	NA
RP11-829H16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8799171	NA
SCNN1G	0,24	0,08	0,21	0,08	0,879929	0,922212
RF00604	0,00	0,00	0,00	0,00	0,879939	NA
USP17L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8799499	NA
SERPINB13	0,00	0,09	0,00	0,00	0,8799687	NA
AP005019.4	0,00	0,21	0,00	0,00	0,8799801	NA
BMP2K	3,85	5,04	4,16	3,86	0,8800208	0,922264
RNU6-223P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,88004	NA
RP11-173P15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8800568	NA
RP11-34P13.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8801023	NA
CTD-2521M24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8801485	NA
VAX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8801621	NA
RP11-196I2.1	0,00	0,43	0,00	1,73	0,8801771	0,922385
RP11-351M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8802386	NA
CTA-313A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8803183	0,922447
RN7SL344P	0,00	0,00	0,00	0,99	0,8803388	NA
AC002059.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,880356	0,922447
RP11-403P17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8803818	NA
AC106705.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8803932	NA
AF038458.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8803932	NA
RP1-191J18.65	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8803932	NA
RP11-586D19.2	0,07	0,13	0,15	0,11	0,8803933	0,922447
AC116366.6	0,89	1,15	1,19	1,05	0,8804023	0,922447
RP11-945F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8804647	NA
RP11-53O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8805441	NA
RP11-295I5.3	0,00	0,00	0,00	0,33	0,8805729	0,922582

RP11-498J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8806383	NA
RP11-18C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8806541	0,922587
ZFX	4,88	4,04	4,60	3,98	0,8806609	0,922587
WISP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8807234	NA
RNU2-14P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8807691	NA
RP11-73M7.9	0,00	0,00	0,42	0,52	0,8808075	0,922697
AC002486.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8808861	NA
PRCC	3,57	3,68	3,70	3,09	0,8809152	0,922767
RP11-20O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8809399	NA
RP11-84N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8809475	NA
KIR2DS4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8809644	NA
GLUD1	5,23	5,07	5,27	5,34	0,8809722	0,922783
RP11-358M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8809889	NA
TUBGCP6	2,77	3,49	3,06	2,88	0,8810225	0,922792
RP11-449K6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8811118	NA
CECR4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8812909	NA
RP11-392O1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8813401	NA
CTD-2286N8.1	0,09	0,13	0,01	0,00	0,8813517	0,923093
MIR27B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8813679	NA
OR2T12	0,41	0,50	0,31	0,41	0,8815297	0,923236
RNU6-42P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8815941	NA
RN7SL660P	0,00	2,07	0,85	0,79	0,8816026	0,923269
RP11-245P10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,881737	NA
SLC39A13	1,12	1,54	1,88	2,72	0,8817517	0,923374
TMEM62	4,28	4,61	3,99	3,81	0,8817855	0,923374
CTD-2026C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8817959	NA
CLEC3B	0,00	1,90	0,00	0,00	0,8818774	0,923426
RP11-396F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,881878	NA
MIR1299	0,00	2,26	0,00	0,00	0,8819173	NA
RP11-325L7.2	0,00	0,00	0,00	0,19	0,8819193	NA
RP11-798K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8819277	NA
RP11-732A19.5	0,00	0,34	0,00	0,00	0,8819317	NA
RP11-403I13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8819747	NA
TSPAN33	5,49	4,51	5,20	3,55	0,8819893	0,9235
CTB-120L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8820214	NA
CTD-2349P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8820806	NA
SNORA38	0,00	0,00	0,00	0,00	0,882237	NA
XXyac-YX155B6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8822795	NA
RP11-14O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8823772	NA
HIST1H2BO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8824655	NA
CDYL	3,56	3,05	3,28	2,49	0,8825668	0,924061
RN7SL813P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8825747	NA
RP11-390K5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8826481	NA
KBTBD6	0,19	0,22	0,35	0,32	0,8828663	0,924307
MYPN	0,10	0,90	0,09	0,08	0,8828849	0,924307
RP11-230C9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8829294	NA
RP11-185C18.4	0,96	0,00	0,00	2,14	0,8829336	0,924315
RPS26P8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8829405	NA
SYNC	0,00	0,00	0,00	0,35	0,8830064	0,924347
AC098831.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,88306	NA
RP5-837J1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8830867	NA
ATP6AP2	6,73	6,41	6,68	5,85	0,883088	0,924389
RN7SL420P	0,00	0,31	0,00	0,00	0,8831288	NA
IGHV1-24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8833724	NA
RP11-359J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8833836	NA

AKAP8	4,22	4,36	4,29	4,01	0,8833857	0,924657
RP11-872D17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8833866	NA
AC006116.24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8833973	NA
RP11-316M21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8834297	NA
FAM8A1	1,87	2,33	1,40	0,37	0,8834646	0,924672
MUTYH	2,50	3,94	2,48	2,82	0,8834828	0,924672
AL138479.3	1,00	1,32	1,46	0,67	0,8835446	0,924693
MIR568	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8835917	NA
BRD7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8836554	NA
RP11-479F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8836685	0,924779
AC004543.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,883806	NA
MARCH2	3,38	3,25	3,37	3,66	0,8838358	0,924891
AC007319.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8838368	NA
RBP3	0,00	0,03	0,00	0,00	0,8838454	NA
RP11-314M24.1	0,00	0,76	0,00	0,32	0,8838733	0,924891
THOC2	6,27	5,81	6,19	5,30	0,8839001	0,924891
LPIN2	3,11	2,34	2,86	2,61	0,8839568	0,924907
HPVC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8840625	NA
RP11-12016.1	0,00	0,00	0,23	0,00	0,8841035	0,925016
HOXA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8841148	NA
NPSR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,884117	NA
HTR5A	0,00	0,00	0,00	0,04	0,8841544	NA
STOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8842417	NA
RP11-452D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8842691	NA
RP11-220H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8842927	NA
NRSN2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8843311	0,925211
ERICD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8843418	NA
RP11-365H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8843691	NA
RP11-2K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8844012	NA
SPATA31A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,884505	NA
ALPI	0,00	0,00	0,00	0,00	0,884517	NA
RN7SL413P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8846388	NA
AC125634.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8847023	NA
ADAMTS19	0,00	0,00	0,00	0,00	0,884728	NA
CTB-27N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8847724	NA
GCC1	1,73	1,07	1,29	0,06	0,8847959	0,92563
RP11-43215.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8848066	NA
RP11-425D10.10	2,31	4,18	2,59	3,87	0,8848148	0,92563
DTX3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,884848	NA
RP11-9M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8849496	NA
TRAPPC3	5,44	2,96	4,96	4,60	0,8850007	0,925781
RP11-1166P10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8850512	NA
RP11-398A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,885147	NA
CLCNKA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,885426	NA
CTB-161M19.3	0,00	0,81	0,91	1,29	0,8854347	NA
RP11-278H7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8854501	NA
GUCY1A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8854503	NA
AC005037.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8855204	NA
CTB-158D10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8856371	NA
RP11-193F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8857188	NA
RP11-7F17.3	0,07	0,16	0,12	0,07	0,8857679	0,92654
MIEN1	6,55	6,18	6,47	5,94	0,885829	0,926555
RP11-467I20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8858423	NA
CTD-2540B15.9	0,00	0,57	0,00	0,00	0,8858696	0,926555
PXDNL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8858809	NA

DDX11L2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8859077	0,926555
HSDL2	3,46	2,46	3,93	3,47	0,8860209	0,92663
KCTD11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8861039	NA
TPD52L3	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8861047	NA
RPS7P1	0,35	0,36	0,42	0,30	0,8861451	NA
ZC2HC1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,886267	NA
RP11-87H9.4	1,37	1,18	1,02	0,73	0,8862828	0,92686
RF02266	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8863256	NA
PLA2G10	0,33	0,54	0,31	0,72	0,8863862	0,926901
GDF11	0,06	0,27	0,10	0,10	0,8864436	0,926901
RP11-25L19.1	3,64	3,66	3,64	3,70	0,886482	0,926901
RPL14	8,84	8,65	8,71	8,35	0,8864885	0,926901
RP4-789D17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8865592	NA
RP11-280G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8865601	NA
RNF219	2,15	0,15	1,08	1,41	0,8866184	0,926916
RP1-184J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8866192	NA
UXS1	3,17	1,73	2,88	2,09	0,8866219	0,926916
ASIC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8866276	0,926916
RP11-410N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8867838	NA
RP11-58A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8867843	NA
RP11-53B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8868491	NA
NTPCR	4,49	4,35	4,17	3,71	0,886888	0,927144
RNU7-50P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8868881	NA
AF001548.3	0,38	0,61	0,57	0,40	0,8869845	0,927193
RN7SL653P	0,00	0,84	0,00	0,00	0,8869859	NA
TDRD5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8870109	NA
DDIT3	5,57	4,99	5,24	5,83	0,8870182	0,927193
RP11-355F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8871546	NA
RP11-553N16.1	0,18	0,19	0,00	0,16	0,8871748	NA
RNU4-49P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8871941	NA
OTUD6B	2,90	2,34	2,28	1,62	0,8872089	0,927329
RP11-393H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,887215	NA
PFKM	1,36	1,89	2,05	1,91	0,8872316	0,927329
RP11-93B14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8872419	NA
AC079804.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8872951	NA
RP11-5N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8873229	NA
RP4-751H13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8873657	NA
AC002984.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8873762	NA
NECAB3	0,66	0,00	0,17	0,35	0,8874147	0,927477
RN7SL748P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8874782	NA
MRPL46	3,79	2,84	2,88	4,47	0,88761	0,927637
RP11-572O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8876128	NA
AC009965.2	0,00	0,35	0,15	0,34	0,887652	0,927637
AC004987.7	0,53	0,09	0,84	0,21	0,8877742	0,927722
RP11-77H9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8878343	NA
RP11-350G8.3	0,00	0,26	0,00	0,00	0,8878609	NA
RP11-804A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,887899	NA
CMB9-22P13.1	0,67	0,88	0,95	2,06	0,8880156	0,92793
AP000949.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8880351	NA
GS1-393A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,888181	NA
PHF21A	4,04	2,91	3,52	3,80	0,8882539	0,928114
MIR548AP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8882663	NA
IFNA17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,888303	NA
SETD7	3,89	2,01	2,92	2,43	0,8883142	0,928114
SNAPC1	2,08	1,38	1,94	1,79	0,8883172	0,928114

LRRC26	0,00	0,12	0,00	0,00	0,8883538	NA
TRAPPC9	2,74	1,50	2,97	2,76	0,8883593	0,928115
AC002519.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8884253	NA
ARHGAP27	4,69	4,49	4,51	3,37	0,8885227	0,928236
HBG2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8885738	0,928236
ATP8B3	1,23	0,46	1,03	1,64	0,888606	0,928236
RP11-219I21.2	0,98	1,45	1,22	1,76	0,8886422	0,928236
RP11-126L15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,888674	NA
RP11-481A20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8886769	NA
CCNI	8,54	8,68	8,55	8,20	0,8887365	0,928291
AC004906.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8887398	NA
AC006272.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8889943	NA
RP11-76N22.2	0,45	0,52	0,41	0,29	0,8890353	0,928559
RP11-386D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8890943	NA
COL6A4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8890968	0,92858
CTD-2014D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8891696	NA
MIR3135B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8891854	NA
RP11-1148L6.8	0,00	0,00	0,00	0,51	0,8891979	0,928611
RP11-380G5.3	5,45	3,52	4,60	4,99	0,8892101	0,928611
RP11-456K23.1	1,12	0,14	0,71	0,00	0,8892963	0,928657
RF02189	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8893076	NA
RP11-399O19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8893602	NA
RP3-331H24.6	0,05	0,07	0,06	0,04	0,889404	0,928695
SOX30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,889416	0,928695
RP11-169K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8894955	NA
LINC01596	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8895701	0,928812
SF3A3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8896804	NA
PROC	0,00	0,30	0,05	0,21	0,8897301	0,928936
SNORA70B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,889836	NA
CSF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8899367	NA
MIR548AU	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8899618	NA
RP11-321E2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8899705	NA
PIP5K1A	3,62	3,49	4,15	3,34	0,889974	0,929147
CHRN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8900502	NA
ZNF648	0,00	0,04	0,00	0,00	0,8901019	NA
ALYREF	2,62	3,72	3,82	2,85	0,8901053	0,92924
LINC01471	0,00	0,04	0,00	0,00	0,8901587	NA
RP11-689P11.2	0,00	0,04	0,00	0,05	0,8901874	NA
HBQ1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8902723	NA
CXorf38	4,12	3,58	3,81	3,67	0,890293	0,929392
CTA-392C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903099	NA
HIST1H2AB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903128	NA
RP11-265G8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903399	NA
RNU6-998P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903629	NA
RP11-20D14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903642	NA
CTD-2292P10.4	0,00	0,04	0,00	0,00	0,8903748	NA
TSSC1	4,40	3,65	4,66	2,40	0,8903804	0,92944
AC079776.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8903952	NA
INO80B-WBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8904128	NA
RBFA	3,04	3,17	3,64	3,02	0,8904396	0,929458
FGG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8905245	NA
CTD-2192D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8905822	NA
AC009474.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8906401	NA
TM9SF4	3,84	3,19	3,50	2,08	0,8906409	0,929624
RP3-465N24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8906746	NA

GOLGA6L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8906765	NA
RN7SL146P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8907335	0,929625
TMEM115	2,18	2,98	1,92	2,52	0,8907369	0,929625
RP11-212D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8907468	NA
CTA-292E10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8907655	NA
KIF2A	3,64	3,62	3,69	2,35	0,8907949	0,929625
RP11-95M15.1	0,00	0,19	0,34	0,31	0,890809	0,929625
ATPAF2	6,29	6,03	5,89	5,72	0,8909134	0,929675
CTD-2130013.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8909619	NA
TEKT4P2	0,92	1,61	0,64	0,09	0,8909888	0,929675
CCDC127	0,66	0,51	0,24	0,81	0,8910089	0,929675
TNFSF15	0,46	0,48	0,25	0,26	0,8910241	0,929675
SNTA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911172	0,929717
RP11-351M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911233	NA
RP11-702A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911326	NA
CNTRL	4,98	5,11	4,77	4,51	0,8911475	0,929717
IGKJ1	0,00	4,28	0,00	0,00	0,891163	NA
AC104058.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911672	NA
RP11-178L8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911927	NA
RP11-165M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8911997	NA
CTD-2620I22.3	0,08	0,07	0,09	0,09	0,8912053	0,929733
CTC-305D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8913445	NA
RP11-417B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8914195	NA
RP11-711D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8914367	NA
CLIP1	4,42	3,93	4,25	3,58	0,8914744	0,92997
NCK1	5,03	5,49	4,50	4,64	0,8915371	0,929992
RP11-886P16.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8915655	NA
CTD-2555O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8915758	NA
RP11-191A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,891623	NA
RP11-73G16.2	0,00	0,44	0,00	0,00	0,891625	NA
SOGA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8916812	NA
RP11-210L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8917068	NA
MIRS561	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8917271	NA
RP11-548K12.1	0,00	0,00	0,00	0,72	0,8917444	NA
TRGV5P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8917989	NA
RP11-63C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8918563	NA
RP3-466P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8918627	NA
MMP15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8918721	NA
UGT3A1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,8919059	NA
RP11-143G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8919512	NA
RN7SL89P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,891961	NA
IRX5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8919628	NA
AC013463.2	0,12	0,38	0,08	0,39	0,892007	0,930432
CTB-35F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8920189	NA
CTD-2194L12.2	0,00	0,00	0,09	0,35	0,8920373	NA
RNASEH2B	6,14	5,67	5,88	5,65	0,8920422	0,930432
IRX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,892066	NA
CTD-3023L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8920733	NA
IFITM10	0,00	0,26	0,00	0,00	0,8921436	0,930494
GPR26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8921478	NA
RP11-475I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8922436	NA
RNY4P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8922842	NA
AKIRIN2	6,24	5,98	6,36	6,15	0,8923038	0,930617
YBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8923487	NA
TAF7L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8924325	NA

DLG4	0,00	0,15	0,14	0,23	0,8924427	0,930718
AC006116.21	0,00	0,64	0,00	0,00	0,8924635	NA
RP11-177G23.2	0,37	0,00	0,20	0,82	0,8924859	0,93072
RP11-435F17.1	0,35	0,00	0,38	0,00	0,8925158	NA
CSF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8925495	NA
RP11-361M10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8925499	NA
AC106874.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8925627	NA
ADAMTS12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8925911	NA
ZNF226	4,50	3,56	4,22	3,85	0,8926167	0,930759
CTD-3193O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8926305	NA
HSPE1	5,89	5,97	5,91	5,75	0,8926465	0,930759
SOD1	7,40	7,26	7,25	7,07	0,8926487	0,930759
SNORD50B	0,00	0,00	0,00	2,41	0,8927141	NA
RP11-1026G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8928035	NA
SMTNL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8928038	NA
AL133243.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8928202	NA
RP11-296O14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8928323	NA
AC012360.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8929136	NA
RNU6-540P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8929158	NA
AL022341.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8929626	NA
RP11-1127D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8929953	NA
LACE1	1,50	0,99	1,43	1,04	0,8930051	0,931086
RP11-566K11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8930429	NA
PLEKHA8	1,68	0,17	0,92	0,54	0,8931777	0,931214
PUM3	5,13	5,28	4,82	4,81	0,8932109	0,931214
SNORA36A	0,00	0,00	0,00	1,13	0,8933659	NA
ADAMTSL2	0,00	0,00	0,00	0,03	0,893555	NA
RP1-40E16.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8936158	NA
RP11-695J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8937157	NA
DRGX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8937158	NA
IMPG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8937559	NA
RP11-70C1.1	0,45	0,21	0,59	1,16	0,8938393	0,931825
RP11-299H22.7	0,00	0,35	0,00	0,00	0,8938605	NA
RNU6-762P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8938858	NA
AC007285.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8938964	NA
RNU7-56P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8939527	NA
CTD-2022B6.1	0,00	0,00	0,00	0,09	0,8939969	0,93191
SPHK2	1,54	2,21	1,20	1,00	0,8940043	0,93191
RP11-367C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8940698	NA
RP11-368M16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8940852	NA
ARMC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8940876	0,931953
CTD-2023N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8941059	NA
RP11-583F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8941613	NA
SDHAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8942066	NA
CCDC184	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8942091	NA
RP11-61K9.3	0,11	1,53	0,50	0,25	0,8942355	0,932063
RP11-515O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8942766	NA
NAA15	4,37	3,40	4,02	3,73	0,8942876	0,932074
AC007359.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8943093	NA
AC008175.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8943093	NA
RP11-106J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8943207	NA
RP11-124B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,894343	NA
ERAP1	3,70	3,54	3,87	4,04	0,8943866	0,932133
CTD-3105H18.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8944193	NA
RP11-582E3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8944715	NA

RP11-541M12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,894474	NA
CEACAM16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8944947	NA
PLB1	4,55	4,67	4,54	4,24	0,8945475	0,932199
HNRNPA1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8945533	NA
TTY15	0,50	3,15	0,45	1,28	0,8945553	0,932199
RP5-838N20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,894571	NA
RP11-795H16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8945875	NA
RPS3AP26	1,58	1,40	1,60	1,19	0,8945928	0,932199
RP11-492I2.1	0,00	0,68	0,00	0,00	0,8945938	NA
ABHD5	4,30	3,50	3,98	4,72	0,8946172	0,932199
INE1	0,45	0,84	0,62	0,73	0,8946853	0,932226
HTATIP2	4,94	2,52	4,89	1,72	0,8948662	0,932364
RFO2114	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8948677	NA
FAM92A1	1,18	2,19	0,94	1,14	0,894918	0,932364
PGM2L1	0,30	0,32	0,39	0,35	0,8949435	0,932364
PPIAP20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8950941	NA
AC024168.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8951061	NA
MIR425	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8951256	NA
RP11-529A4.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8951287	NA
RP5-1175C6.1	0,08	0,09	0,04	0,05	0,895319	0,932711
RP11-492M23.2	0,00	0,00	0,00	0,41	0,8953824	NA
RN7SL262P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8954598	NA
C2orf19	0,00	0,38	0,06	0,04	0,8954787	0,932834
RNU6-14P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8954923	NA
RP11-467J12.4	1,32	1,32	1,61	2,31	0,895618	0,932935
RP11-844G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8956581	NA
NR1H2	5,38	5,16	5,45	5,28	0,8956803	0,93295
RP11-632K21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8957173	NA
RP11-335G20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8957331	NA
MEGF11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8957536	0,93295
AP000266.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8957553	NA
RP11-379K17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8957791	NA
PHYKPL	5,93	5,90	5,95	5,55	0,8957912	0,93295
SRRM1	6,40	5,88	6,23	5,99	0,8957996	0,93295
AL133168.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8958263	NA
RP11-312P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8958541	NA
RP11-203F10.6	0,56	0,44	0,55	0,46	0,895908	NA
AC012368.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8959962	NA
RP11-219E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8960165	NA
RP11-150O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8962018	NA
RP11-184I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8962753	NA
RBM10	3,65	3,67	3,45	3,31	0,8963348	0,933463
QRICH1	4,26	3,71	3,90	3,25	0,8964045	0,933492
GOLGA8T	0,00	0,10	0,00	0,00	0,896473	NA
RP11-398A8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8965917	NA
RP11-182I1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8965929	NA
RP11-147K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8967856	NA
PRICKLE1	0,67	0,55	0,41	1,06	0,89682	0,933846
RP11-756A22.7	3,76	3,89	3,26	3,07	0,8968406	0,933846
RP11-182I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8968753	NA
DAP3	6,54	5,86	6,21	6,32	0,8968808	0,933846
AC122129.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8968862	NA
RP11-807G9.2	1,08	1,01	0,67	0,54	0,8969583	0,933846
EYA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8969621	NA
RP11-31F15.2	0,66	0,61	0,86	0,61	0,8969703	0,933846

RGS17	1,27	1,05	1,21	0,40	0,8970105	0,933846
PGAP3	0,00	0,36	0,48	0,95	0,8970675	0,933846
CTD-2527I21.14	0,90	1,29	1,22	1,68	0,89708	0,933846
CTA-397H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,897141	NA
RP11-168G16.1	0,69	0,60	0,12	0,52	0,8971549	0,93388
AHCY	4,62	3,25	4,47	4,52	0,8972142	0,933898
HEYL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8972343	NA
RP11-283G6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8973211	NA
KRTDAP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,897339	NA
KIN	3,71	2,48	3,07	3,27	0,8974162	0,934041
CRAMP1	0,41	0,95	0,52	1,06	0,8974355	0,934041
SYPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8975159	NA
RPS5L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8975789	NA
RP11-799B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8975885	NA
RP11-167N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8977514	NA
RP11-26L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8978059	NA
RP1-93I3.1	1,80	0,90	2,06	0,93	0,897923	0,934504
AC062020.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8979733	0,934513
RP11-404F10.2	2,10	2,01	1,86	1,62	0,8980818	0,934582
RP11-410E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8981378	NA
ASS1	0,00	0,36	0,00	0,00	0,8981443	0,934603
HSCB	4,59	2,76	4,25	4,32	0,8981965	0,934605
TTC9B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8982298	0,934605
RN7SL771P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8982335	NA
CTD-2151L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8982423	NA
RP11-290F24.3	0,00	0,21	0,00	0,00	0,898244	NA
ACSS2	4,69	4,41	4,26	4,00	0,898274	0,934607
TCL1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,898292	NA
RP11-96O20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8983429	NA
MIR4256	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8983473	NA
ZNF71	0,51	0,94	0,48	0,34	0,8983474	0,93464
RPL17P20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8983538	NA
USP17L7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8984519	NA
RP1-101K10.6	2,78	2,21	1,36	1,01	0,8985065	0,934761
RNA5SP515	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8985329	NA
RP11-845C23.2	1,19	1,23	1,09	1,21	0,8985671	0,934781
RN7SL649P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8986952	NA
C10orf55	0,93	0,72	0,79	0,30	0,8986983	0,934873
RP11-195B21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8987813	NA
RP11-1080G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8988903	NA
NSD1	4,73	4,12	4,64	4,44	0,8990087	0,935125
ASTE1	3,86	3,32	3,47	3,35	0,8990241	0,935125
RP1-163M9.7	0,00	0,55	0,00	0,00	0,8990689	NA
RBAK	1,64	0,64	2,06	1,56	0,8990949	0,935155
AL133245.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8992113	NA
CTC-558O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8992271	NA
RP11-12A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8992722	NA
SPTLC2	6,15	6,43	5,75	5,83	0,8993241	0,93533
OR7E100P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8993367	NA
FNDC3A	3,54	2,71	3,14	2,47	0,8993479	0,93533
CYP4F3	0,65	0,67	0,42	0,56	0,899412	0,935353
RP11-374A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8995412	NA
TRAV13-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8996198	NA
NUCKS1	3,19	3,33	3,33	2,77	0,8996259	0,935532
RP11-493E12.3	0,00	0,25	0,00	0,00	0,8996982	NA

RNU6-1019P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8998023	NA
SUGP1	2,82	2,40	3,20	2,28	0,8998347	0,935705
RP11-486O13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,8999546	NA
RP1-65P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9000128	NA
RP11-855A2.3	0,60	0,75	0,72	0,50	0,900038	0,935873
RP11-727A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9000445	NA
RP13-122B23.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9000502	NA
VTRNA2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9000923	NA
IGHV1-3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9001169	NA
TBP	3,98	0,35	3,81	3,94	0,9001748	0,935971
EBP	7,11	6,56	6,86	6,66	0,9003178	0,936035
RP11-100N21.1	0,50	0,57	0,53	0,55	0,9003208	0,936035
RN7SL203P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9003288	NA
TOR4A	0,61	0,51	0,81	1,09	0,9003937	0,93604
CTD-2201118.1	0,00	0,00	0,03	0,00	0,9004243	0,93604
GPC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9004384	NA
RP11-788M5.4	0,53	1,27	0,60	1,47	0,9004512	0,93604
RP11-930O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9004752	NA
RP11-244E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9005131	NA
RP11-681O4.1	0,00	0,42	0,00	0,00	0,9005755	NA
PRKAG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9005922	NA
RP13-16H11.8	0,15	0,40	0,35	0,41	0,9006273	0,936179
AF015720.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9006667	NA
RP11-99E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9007129	NA
SPANXN4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9007776	NA
CTD-2215E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9008305	NA
RP11-563K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9008719	NA
ATXN3	5,62	5,24	5,49	4,82	0,9009735	0,936495
RPL21P121	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9009906	NA
MIR5000	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9010321	NA
AC010744.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9010968	NA
AC010504.2	0,00	0,00	0,00	0,12	0,9011226	NA
RN7SL78P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9011633	NA
POFUT1	1,13	0,92	1,34	1,07	0,9011797	0,936666
GEN1	1,42	1,30	1,89	1,06	0,9013053	0,936752
RNU6-253P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9013497	NA
CTC-429C10.4	0,65	1,23	0,00	0,35	0,9013522	0,936757
RP11-587D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9014157	NA
CTB-1048E9.7	0,00	0,21	0,00	0,00	0,9014404	NA
AP1AR	3,18	1,04	2,77	2,82	0,9014488	0,936814
RP11-361I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9015836	NA
RP11-44N12.2	0,15	0,00	0,00	0,00	0,9015852	NA
GPR52	0,00	0,00	0,00	0,00	0,901697	NA
RP11-398K22.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9017514	NA
RP3-340N1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9017704	NA
MTF1	2,47	3,24	1,92	2,03	0,9017726	0,937076
C21orf74	1,07	0,00	0,69	0,28	0,90179	0,937076
RP11-467L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9017969	NA
SEN3	0,34	0,85	0,49	1,54	0,9018276	0,937076
RP1-81D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9018479	NA
RN7SL724P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9018617	NA
RP11-113C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9019488	NA
RP11-368M16.6	0,00	0,00	0,00	0,91	0,9019576	NA
CTD-2047H16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,901972	NA
RP4-669P10.20	0,00	0,00	0,00	0,46	0,9020003	0,937113

ATAD5	1,27	2,24	0,98	1,06	0,9020256	0,937113
TRIM28	6,16	6,21	6,16	5,97	0,9020917	0,937113
RP11-179K3.2	0,10	0,11	0,11	0,11	0,9020929	0,937113
RP11-196O2.1	0,00	0,08	0,00	0,00	0,9020968	NA
RP11-148E17.1	0,44	0,50	0,23	0,00	0,9021369	0,937113
AC100793.2	0,54	0,08	0,32	0,99	0,9021447	0,937113
PRAMEF18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9021685	NA
CEP104	3,39	3,79	3,22	2,63	0,9021821	0,937113
GRIK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9022001	0,937113
RP11-456N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9022333	NA
TRAJ3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9022545	NA
ZKSCAN8	1,48	1,84	1,10	1,24	0,9023194	0,937153
RP11-617J18.1	0,43	0,19	0,41	0,19	0,9023238	0,937153
NRL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,902359	NA
RP11-587H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9023785	NA
SNX19P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9023861	NA
RNU6-548P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9024244	NA
CUL1	5,10	4,64	4,98	5,06	0,9024547	0,937246
RP11-138H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,902575	NA
AC007040.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9027479	NA
MRPL14	6,37	6,15	6,28	6,55	0,9028358	0,937598
RP11-488L18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9028445	NA
AC005363.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9028628	NA
RP11-5P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9028963	NA
KB-1683C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9029402	NA
FIGN	0,00	0,00	0,00	0,01	0,9029432	0,937665
PABPC5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9030293	NA
RP11-332J15.3	0,00	0,37	0,00	0,33	0,9030575	0,93774
C19orf81	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9031564	NA
GLRX	7,47	7,09	7,49	6,90	0,9031599	0,937803
RP11-930P14.1	0,35	0,14	0,48	0,12	0,9032723	0,937876
RP11-286O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9033041	NA
RP11-463O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,903307	NA
ISCA2	5,29	5,73	5,49	5,16	0,9033268	0,937888
RP11-2E11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9033864	NA
TBC1D16	0,16	0,13	0,10	0,13	0,90342	0,937926
CD80	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9034471	NA
IFRD1	6,58	6,62	6,47	6,62	0,9034472	0,937926
RP5-831K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9034552	NA
RP11-20D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,903459	NA
RP11-74M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9035549	NA
HLTF	3,05	1,08	2,52	2,76	0,9035656	0,938005
SLCO4C1	0,51	0,66	0,90	0,86	0,9036743	0,938074
RP13-152O15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9037707	NA
AC007899.3	0,00	0,00	0,00	0,12	0,9038026	NA
TCP11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9038154	NA
NUDT3	2,50	2,46	2,51	2,29	0,9038305	0,938192
CRYBA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,903863	NA
GLP1R	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9038834	NA
RP11-709D24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9038865	NA
REV3L	5,05	2,60	4,30	4,46	0,9039203	0,938242
TECTA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9039401	NA
RN7SL320P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9040789	NA
RP11-94P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,904118	NA
AC074121.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9041561	NA

REXO4	1,92	1,74	1,69	1,12	0,9042368	0,938526
RP1-56L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9043506	NA
GLIS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9043745	NA
DSCR9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9044178	NA
AC004019.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9044442	NA
AC079789.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9045156	NA
CXorf25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9045214	NA
RP5-931K24.3	2,99	3,35	3,22	3,00	0,9045509	0,938808
RP11-265P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9046108	0,938826
AC004066.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,904622	NA
AC091729.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,904666	0,938826
RP11-426L16.10	0,00	0,08	0,00	0,17	0,9046831	NA
RP11-403113.8	2,53	3,44	2,14	2,85	0,9046948	0,938826
RP11-129H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9046951	NA
ACSM4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9047083	NA
MUC22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,904817	NA
CH507-39O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9049098	NA
IFI27L1	2,31	1,51	1,83	0,19	0,9049143	0,93901
RP11-330C7.3	0,00	0,00	0,77	0,00	0,9049866	0,939041
RF01225	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9050669	NA
RP4-717I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,905132	NA
COQ2	3,30	2,19	2,81	2,52	0,9052181	0,939238
GBP7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9052235	NA
ETF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9052662	NA
RP11-542M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9054442	NA
MIR302C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9054486	NA
SLC44A5	0,14	0,24	0,06	0,12	0,9054524	0,939387
CTD-2353F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9054527	NA
DNPEP	5,39	2,03	5,78	5,87	0,9054852	0,939387
AC018809.6	0,00	0,34	0,59	0,30	0,9054888	0,939387
SYNM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9055123	NA
LA16c-380H5.6	0,86	1,51	1,29	1,99	0,9056072	0,939466
PCOLCE2	0,00	0,24	0,00	0,00	0,9056753	NA
RAB11FIP4	2,70	1,99	2,10	0,99	0,905702	0,93952
AC005498.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9057524	NA
RN7SL753P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9058527	NA
PCGF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9058817	NA
RP11-295I5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9059226	NA
OOEP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9059577	NA
CDKN2C	2,23	0,58	0,12	0,14	0,9060146	0,939801
CYP11A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9060275	NA
HTR3A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9061763	NA
ACOT6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9062388	NA
AC067945.2	0,00	0,00	0,00	0,25	0,9062779	NA
HIST1H2AK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9062889	NA
OR5M6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9062942	NA
CTD-2034I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,906356	NA
SCARF2	0,00	0,16	0,04	0,00	0,9064064	0,940163
RP11-135I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9064101	NA
RP1-224A6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,906437	NA
CTD-3116E22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9064555	NA
RP11-400K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9065119	NA
RP11-170L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9065175	NA
OAZ1	11,49	11,23	11,35	11,42	0,9065573	0,940276
FTLP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9066029	NA

RP11-407N17.4	0,00	0,39	0,00	0,00	0,9066052	0,940282
SLC2A11	2,00	2,07	1,71	1,24	0,9066567	0,940291
TMEM132C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9066648	NA
CTD-2291D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9067342	NA
WRAP53	2,07	0,69	0,55	1,79	0,9067492	0,940343
EML4	4,26	4,09	4,11	3,88	0,9067925	0,940344
RP5-823G15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9068117	NA
AC007556.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9068847	NA
CWH43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,906965	NA
RNU6-1153P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9069865	0,940456
MAGEA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9069949	NA
RP5-1065J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9070094	NA
RP11-795A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9070161	NA
IRGM	0,14	0,29	0,18	0,20	0,9070188	0,940456
RN7SL204P	3,09	3,47	3,27	2,59	0,9070332	0,940456
RP11-790G19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9070595	NA
RN7SL559P	1,19	0,89	0,79	0,87	0,9070695	0,940456
RNU6-387P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9071022	NA
XXyac-YX65C7_A.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9071412	NA
IGLV2-18	0,00	0,65	0,00	0,00	0,9071653	NA
RP11-139H15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9072064	NA
CTC-564N23.5	0,00	0,32	0,00	0,00	0,9072454	NA
RP11-760D2.5	0,27	0,10	0,10	0,34	0,9073442	0,940697
RP11-111F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9073896	NA
RP11-55J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9074251	NA
CTB-11I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9074414	NA
RP1-45I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9075328	NA
PCOLCE-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9075958	NA
CTD-2528A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9076385	0,940958
LOX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9076417	NA
RNU6-235P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9076703	NA
RP1-67M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,907702	NA
RNF128	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9077784	NA
AL133243.2	3,36	3,19	2,31	2,88	0,9077823	0,941064
RP11-101O21.1	0,00	0,34	0,00	0,00	0,9078029	NA
RN7SL259P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9078241	NA
TGM1	0,00	0,23	0,00	0,00	0,9078638	0,941104
HIST1H1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9078674	NA
ERICH6B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9079551	NA
FCF1	2,13	0,89	1,84	2,01	0,9079819	0,941183
RP1-313I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9080136	NA
AC016736.2	0,00	0,00	0,05	0,04	0,908049	0,941208
RP11-421N8.1	0,00	0,54	0,00	0,00	0,9080956	NA
RP11-168E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9081094	NA
RP11-477B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9081232	NA
RP11-64K12.9	0,00	0,00	0,00	0,28	0,9082708	NA
CTD-2616J11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9082908	NA
ATP1A1	5,78	5,74	5,90	5,51	0,9083151	0,94142
RP11-347P5.1	3,84	2,79	3,97	3,73	0,9083381	0,94142
RP11-429P3.2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9083387	NA
RP11-275N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9083956	NA
IRF6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9084805	NA
RN7SL20P	0,00	0,83	0,00	0,00	0,9085191	NA
NEUROG3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9085976	NA
RP11-235E17.2	0,04	0,11	0,03	0,01	0,908718	0,941722

TRPV1	0,12	0,22	0,15	0,19	0,9087346	0,941722
ZNF333	3,77	4,45	4,11	4,42	0,9088109	0,941722
UBR2	3,66	2,64	3,25	2,54	0,9088446	0,941722
PMPCA	4,63	4,23	4,16	3,88	0,9088872	0,941722
RP5-965K10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9089023	NA
OXT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9089107	NA
WRB	3,62	2,03	2,38	2,48	0,9089143	0,941722
ATMIN	3,54	2,15	2,40	2,11	0,9089255	0,941722
RP11-62C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,908933	NA
STK19P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9089649	NA
CHRN2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9090121	NA
RP11-154H23.1	1,30	0,25	0,78	0,27	0,9092298	0,941993
CTD-2545G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9092923	NA
RP5-1185H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9093155	NA
ANXA6	5,26	5,16	5,07	4,48	0,9094692	0,942173
PCDH17	0,01	0,02	0,03	0,00	0,9095116	NA
MZF1	2,52	1,70	1,85	2,27	0,9095271	0,942173
HS1BP3	1,93	0,66	2,33	1,53	0,9095305	0,942173
RP11-186O14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9095587	NA
SPINT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,909594	NA
RP11-241I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9096068	NA
RP11-53B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,909634	NA
TOMM40L	3,36	2,80	2,57	2,26	0,9096698	0,942273
AC016751.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9096803	NA
RAD51B	3,74	3,24	2,84	2,24	0,9097144	0,942275
NABP1	5,23	4,79	5,14	3,80	0,9097626	0,942281
CLGN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9097627	NA
RP11-297H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9097675	NA
CDK10	4,43	4,81	4,50	4,44	0,9098397	0,942317
AC012146.7	2,50	2,44	2,19	1,78	0,9098906	0,942326
BDKRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,909894	NA
ATP4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9101438	NA
C9orf170	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9102614	NA
RP1-90G24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9103593	NA
RP11-514P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,910418	NA
CTB-33G10.6	0,00	0,44	0,00	0,00	0,9104854	NA
RP11-321F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9105773	NA
CTB-31O20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9105984	NA
TOPORS	3,62	3,29	3,53	3,24	0,9107913	0,943178
AC114730.3	0,26	0,86	0,68	0,00	0,9108333	0,943178
NKIRAS2	4,93	3,54	4,73	4,72	0,9108403	0,943178
CEND1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9108464	NA
SUMO2P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9108851	NA
C7orf73	5,58	5,18	5,34	4,82	0,9109375	0,943234
RP11-718N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9109625	NA
DGKK	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9110044	NA
AC002398.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9111281	NA
PAQR6	0,00	0,35	0,00	0,00	0,9111393	NA
RP11-439A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9111853	NA
MGAT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9112328	NA
SMARCC1	4,03	3,88	4,01	4,32	0,9113605	0,943629
GABRR2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9113781	NA
RP11-905K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9114277	NA
MIR3173	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9114477	NA
RP5-1166F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,911504	NA

RP1-55C23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9115191	NA
AL109761.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9115373	NA
LINC01230	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9116471	NA
CPA1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9117375	NA
RP11-1060J15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9119876	NA
TNN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9120221	NA
RP11-73K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9121928	NA
CDC25A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9121929	0,944446
RP11-875H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9121984	NA
CTD-2631K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9122392	NA
CTD-2021A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9122409	NA
PALM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9122798	NA
CXCL5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9122941	NA
RP11-408E5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,912322	NA
RP11-65E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9123259	NA
PICK1	1,64	2,14	2,25	2,55	0,9124358	0,944654
RBAK-RBAKDN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9125012	NA
RP11-301H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9125195	NA
RP11-10A14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9125795	NA
TPRN	0,47	0,59	0,80	0,00	0,9126375	0,944819
CLUL1	0,00	0,00	0,03	0,00	0,9127044	NA
MIR4734	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9127073	NA
RP11-754B17.1	0,00	0,00	0,01	0,00	0,9127585	0,944888
CTD-3214H19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9127628	NA
IFLTD1	0,43	0,79	0,33	0,54	0,9127892	0,944888
RP11-166O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9128333	NA
RNU6-1276P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9128482	NA
RP11-90B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9128574	NA
AC008132.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9129182	NA
TSPYL6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9129985	NA
RP11-443N24.3	0,91	0,62	0,89	0,70	0,9130947	0,94516
RP11-123J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,913205	NA
CSRP3	0,00	0,11	0,00	0,00	0,9133029	NA
CYP2D6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9133397	0,945327
CTD-2410N18.4	2,02	2,39	1,83	1,78	0,9133511	0,945327
RP1-168P16.3	4,02	0,62	4,40	3,64	0,9134175	0,945327
NPY5R	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9134244	NA
LRRC18	0,00	0,68	0,02	0,10	0,9134415	0,945327
SNORA3B	5,98	6,28	5,55	4,86	0,9134871	0,945327
CADM3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9134924	NA
C1orf100	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9134949	NA
RP11-152L20.3	0,00	0,03	0,00	0,00	0,9135111	0,945327
WFDC12	0,56	0,70	0,00	0,00	0,9136043	0,945379
RP11-626K17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9136198	NA
RP11-256I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9136339	NA
RP1-232P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9137687	0,945505
RP5-848E13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9139101	NA
CHCHD1	4,19	4,56	4,50	4,43	0,913942	0,945641
RN7SL764P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9139904	NA
RP11-879F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9140162	NA
KRT28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9140495	NA
RP1-315G1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,914079	NA
XXYLT1	2,90	3,17	1,86	2,99	0,9140866	0,945735
SCML2	0,05	0,43	0,04	0,48	0,9141181	0,945735
HLA-DPA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9141242	NA

RP11-804F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9141454	NA
RMND1	3,10	1,12	2,67	2,45	0,9142004	0,945776
NAP1L1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9142407	NA
ACO09365.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9142568	NA
RP11-518D3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9142768	NA
MSRB1	6,26	5,59	6,26	6,20	0,914381	0,945919
FAM186B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9143891	NA
RNU7-115P	0,00	3,12	0,00	0,00	0,9144204	NA
RP11-388M20.1	0,36	0,58	0,53	0,76	0,9144818	0,945979
CTD-2213F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9145113	NA
RNU6-1248P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9145118	NA
RP11-31L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,914524	NA
RP11-648M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9145288	NA
ABCD3	3,46	4,35	3,53	3,43	0,9146497	0,946109
AL132640.3	0,00	1,47	0,00	0,00	0,9146555	NA
RN7SL52P	0,65	0,00	0,40	0,33	0,9147275	NA
RP11-242A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9148053	NA
RBMS2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9148556	NA
RNU6-877P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9148813	NA
ACO51649.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9149417	NA
PRR30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,914974	NA
GPR19	0,00	0,00	0,00	0,07	0,9151349	0,946566
RP11-575F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9151399	NA
AE000658.31	0,84	0,87	0,63	1,00	0,915215	0,946594
CTD-2501M5.1	0,00	0,00	0,00	0,71	0,9152564	0,946594
FCER1G	10,74	10,49	10,78	10,43	0,9152889	0,946594
SCAMP3	6,07	6,00	6,17	5,98	0,9153893	0,946647
CTC-457E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9153936	NA
TRBJ2-7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9154096	NA
MTIF2	3,88	4,70	4,07	4,01	0,9154262	0,946647
SNORA19	2,33	3,63	1,51	2,34	0,9155033	0,946683
RP11-302B13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9155583	NA
RP11-666A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9155995	NA
RP11-573D15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9156268	NA
RP11-383B4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9156372	NA
RPL37P23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9156436	NA
DPH3B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9156436	NA
SMYD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9156723	NA
RP11-5C23.3	1,47	0,89	0,87	1,01	0,9156731	0,946794
CTD-2236F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9157006	NA
TP53BP2	3,32	3,79	4,23	3,28	0,9157228	0,946794
RNA5SP493	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9157278	NA
PRKG1	0,09	0,54	0,24	0,10	0,9157386	0,946794
CTD-2189E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9157539	NA
RP11-4L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9157595	NA
RP11-360K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9157951	NA
AQP10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9158007	NA
HACL1	4,34	0,60	3,00	4,37	0,9158008	0,946815
LA16c-390E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9159332	NA
RP3-330M21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9159602	NA
RP11-379I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9159705	NA
CH17-478G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9159927	NA
MYF5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,916007	NA
RP1-32B1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9161001	NA
RN7SL174P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9161846	NA

AC011406.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9161984	NA
PIK3R5	4,15	3,45	3,78	3,56	0,9162727	0,947258
RNU1-32P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9163169	NA
ZNF320	2,16	2,25	2,17	1,83	0,9163647	0,947309
RP11-541F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9163733	NA
SPESP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9164171	0,947319
MRPS36	3,86	3,54	3,40	3,14	0,9164801	0,947341
RP11-323F5.2	0,08	0,28	0,65	0,76	0,9165606	0,94738
DIRC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9165704	NA
RP11-632K21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9165764	NA
RP3-342P20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9166122	NA
RP11-60E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9167354	NA
RP11-426C22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9167378	0,947459
TMEM47	0,00	0,00	0,00	0,00	0,916743	NA
RP4-673D20.3	0,00	0,00	0,00	0,32	0,9167497	0,947459
SNORA51	0,00	0,00	0,00	1,52	0,9167708	NA
AC026150.5	0,79	0,97	0,81	0,44	0,9168214	0,947459
TNF	3,00	3,15	2,93	2,62	0,9168496	0,947459
SYT1	0,00	0,24	0,00	0,00	0,9168714	0,947459
RP11-180M15.7	3,78	2,26	3,65	1,37	0,9169053	0,947459
FAM109B	0,07	0,94	0,41	0,12	0,916936	0,947459
C11orf52	0,00	0,00	0,00	0,00	0,916958	NA
RP5-1099C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9169874	NA
RP11-398A8.3	3,84	4,01	3,69	3,50	0,9170877	0,947534
INTS10	5,31	5,50	5,50	4,35	0,9170932	0,947534
RP11-1029J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9171185	NA
Xxyac-YX65C7_A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9171865	NA
RP11-63L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,917227	NA
RP11-889L3.3	0,00	0,02	0,00	0,00	0,9172282	NA
CEP55	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9173752	NA
CROCC	1,36	0,96	1,40	0,99	0,9174084	0,947733
RP11-178L8.3	2,97	3,24	2,64	2,92	0,9174134	0,947733
RP3-474I12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9174139	0,947733
RP11-390F4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9174827	NA
AC019188.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9175147	NA
RN7SKP230	1,78	2,57	2,08	2,80	0,9175611	0,947841
CLK1	8,64	8,25	8,57	8,15	0,9176494	0,947888
RP4-751H13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9177429	NA
PILRB	4,24	3,68	4,28	3,97	0,9177886	0,947988
TRAJ22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9178532	NA
LETMD1	4,71	1,58	4,72	3,34	0,9178537	0,948011
MAPK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9179985	NA
NUTM2E	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9180178	NA
GHC-210E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9180269	NA
C14orf93	1,62	1,62	1,37	2,41	0,918126	0,948217
USF1	4,42	4,20	4,59	4,28	0,9181562	0,948217
RP11-298J20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9181809	0,948217
AF124730.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9182327	NA
RXRB	3,88	3,98	3,54	3,71	0,9182446	0,948238
RP11-250H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9183396	NA
AC084125.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9183972	NA
OIT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9184105	NA
RP11-756P10.6	0,38	1,74	0,00	0,65	0,9184795	0,948386
CASQ2	0,04	2,02	0,00	0,06	0,9185133	0,948386
RP11-34P1.2	0,00	0,76	0,00	0,00	0,9185449	NA

RP11-206L10.4	0,00	0,96	1,16	2,02	0,918548	0,948386
RP11-159J3.1	0,21	0,67	0,08	0,00	0,9185586	0,948386
KB-1125A3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9186999	NA
RP11-418I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9187065	NA
XXbac-BPG181M17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,918817	NA
VPS35P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,918883	NA
RP11-651P23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9188851	NA
AC000078.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9188856	NA
ALO22345.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9189378	NA
ASB9	0,00	0,61	0,00	0,34	0,9189795	0,948777
RPL7P2	0,00	0,93	0,00	0,00	0,9190831	NA
CTC-222D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9191018	NA
RP13-820C6.2	0,00	0,86	0,00	0,00	0,9191163	NA
MLST8	4,43	3,13	4,14	4,20	0,9191293	0,948887
RP11-326A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9191811	NA
CCDC192	0,00	0,00	0,00	0,32	0,9192274	NA
SPATA32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9192488	NA
FAM185A	1,83	0,23	0,96	2,16	0,9192873	0,94895
RP11-345I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9193107	NA
RP11-88G17.6	0,09	0,34	0,14	0,08	0,9193205	0,94895
GABRA4	0,01	0,01	0,00	0,02	0,9193446	0,94895
GS1-124K5.2	0,86	0,38	0,47	0,35	0,9193645	0,94895
NUP93	5,85	6,06	5,53	4,34	0,9194033	0,94895
MIR4461	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9194039	NA
RP11-295G20.2	2,22	2,45	2,36	1,26	0,9194637	0,948953
SIRT3	2,50	0,05	2,80	2,03	0,9194916	0,948953
RP11-205M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9194956	NA
RP11-470P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9195403	NA
RP4-754E20_A.5	0,00	0,18	0,00	0,00	0,9195472	NA
RP1-142L7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9196375	NA
RP11-701H24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,919644	NA
RP1-273G13.3	0,00	0,00	0,00	0,90	0,9196502	0,949073
LTF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,91967	NA
UGT2B4	0,00	0,21	0,00	0,58	0,9197489	NA
RP11-448G4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9197752	NA
RP11-443B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9197916	NA
ALO22344.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9198009	NA
SNAPC5	4,94	4,20	5,03	2,04	0,9198116	0,949179
ATP4A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9198444	NA
AC092597.3	0,00	0,00	0,00	0,27	0,9198465	0,949179
BMP6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9198487	NA
RP11-973F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9198922	NA
ASB3	3,50	2,89	3,79	3,19	0,919901	0,949179
RP11-424N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,919927	NA
HBP1	5,37	4,82	5,25	5,14	0,9199695	0,949179
CH507-9B2.3	5,60	4,80	5,57	5,31	0,9199746	0,949179
AC009945.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9199764	NA
RP11-429A20.3	0,59	0,47	0,38	0,60	0,9200233	0,949179
GAR1	2,68	0,79	2,09	0,95	0,9200524	0,949179
RP11-10L12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9200639	NA
RP11-379B18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9200708	NA
RP11-194N12.2	0,47	0,70	0,56	1,17	0,9201047	0,949189
EXOC3	4,19	4,35	4,03	3,79	0,9201658	0,949208
RP5-827C21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9201978	NA
RP11-196D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9202564	NA

CTD-2542C24.2	0,00	0,00	0,00	0,05	0,9202682	NA
AC005606.15	1,72	1,94	1,87	2,47	0,920321	0,949319
DRD3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9203323	NA
ANKRD18DP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9203588	0,949319
CDKN2AIPNL	3,64	3,46	3,47	3,47	0,9204501	0,949369
PRB3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9204797	NA
RP11-44F14.2	3,48	3,19	3,75	2,42	0,9205105	0,949387
TRIM24	2,79	2,78	2,54	2,13	0,9205651	0,949399
SNORA80D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9206042	NA
RP11-400F19.12	0,00	0,00	0,00	0,37	0,9206587	0,949452
AC001226.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9206959	NA
GS1-184P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9207071	NA
RP11-334L9.1	0,00	0,00	0,00	0,06	0,9207284	NA
AC060834.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,920754	NA
RP11-446H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9207972	NA
RP11-39K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9208366	NA
RNU4-89P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9208691	NA
CNKSR1	0,00	0,06	0,00	0,30	0,9208914	0,949565
TMED1	4,84	0,37	4,33	3,73	0,9208992	0,949565
SAMM50	5,81	5,21	5,18	5,67	0,9209028	0,949565
RPS16P9	0,00	0,51	0,00	0,00	0,920986	NA
NUDT4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9209864	NA
CCDC173	0,83	1,25	0,00	0,00	0,9209899	0,949565
RP11-649A18.3	0,50	0,85	0,55	0,31	0,9210069	0,949565
RP11-630I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9210166	NA
RP11-299H22.6	0,49	0,61	0,70	0,31	0,9210247	0,949565
RP11-339B21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9210452	NA
AC018804.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9210573	NA
AC091153.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9210664	NA
LOC283404	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9211268	NA
RP11-337A23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9212396	NA
RP1-193H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9212533	NA
RP11-417N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9212587	NA
RP11-109G10.1	0,78	1,77	1,01	0,99	0,9213012	0,949764
RP11-234K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9213028	NA
RP1-102G20.3	3,13	3,51	3,39	2,89	0,9213028	0,949764
AC108463.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9213235	NA
TRIM53B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9213549	NA
TRAJ35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9214124	NA
RP11-308N19.4	0,00	0,51	0,00	0,00	0,9214381	NA
RP11-809F4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9214491	NA
POC1B	3,78	1,73	3,28	2,25	0,9215462	0,949971
RNU6-1201P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9215579	NA
RP11-775B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9216115	NA
HAUS7	4,92	5,47	4,61	4,27	0,9216364	0,950019
TMEM181	2,35	1,11	2,34	1,70	0,9217129	0,950054
RP11-411K7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9217467	NA
RP11-320M16.1	0,18	0,25	0,24	0,24	0,9217932	NA
HSFX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9218131	NA
RP11-380G5.2	2,50	0,75	1,10	2,27	0,9218951	0,950176
C16orf62	4,02	2,80	3,66	2,98	0,9219165	0,950176
HNRNPA2B1	7,93	7,38	7,84	7,11	0,9220387	0,950258
RP11-664I21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9221456	NA
VPS33B	3,14	3,49	3,97	2,11	0,9222178	0,950398
ZNF572	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9222193	NA

IL10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9223952	NA
DPYSL3	0,00	0,10	0,00	0,00	0,9224294	NA
ARMC6	3,84	0,39	3,96	4,15	0,9224681	0,950542
MIR302A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9224706	NA
DHCR7	0,03	0,78	0,19	0,00	0,9224725	0,950542
AP000280.66	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9224847	NA
CPNE8	4,17	4,51	3,90	3,95	0,9225128	0,950542
CLTA	7,22	6,11	7,30	6,92	0,92256	0,950542
RPL17P33	0,58	0,64	0,61	0,37	0,9225731	0,950542
KIAA1522	0,84	0,00	0,82	0,55	0,922614	0,950542
RP11-314A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9226747	NA
RP11-767L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9226944	NA
CTB-193M12.5	3,27	2,87	3,49	2,54	0,9227467	0,950635
RP11-131M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9228405	NA
RP11-357K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9228874	0,950736
RP5-1042K10.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9229058	NA
RP11-113E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9229816	NA
RP11-331O9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9231765	NA
AC004951.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9232839	NA
ADD3-AS1	0,57	0,55	0,49	0,72	0,9232927	0,951109
PGAM4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9233548	NA
RP11-316I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9233612	NA
RP4-550H1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9233823	NA
AC018693.6	0,00	0,37	0,00	0,00	0,9234692	NA
RTN4IP1	3,81	0,47	2,52	1,57	0,9235057	0,951285
PMCHL2	0,00	0,08	0,00	0,00	0,9235115	NA
RP4-669K10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9235197	NA
AC093716.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9235422	NA
RP11-536C10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,923557	NA
DSG4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9235995	NA
PIEZO2	2,04	1,98	1,81	0,99	0,9236589	0,951398
RP11-416A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9236962	NA
FGF22	0,00	0,00	0,02	0,07	0,9237416	NA
RP11-201M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9239262	0,951629
RP11-341G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9239711	NA
CTD-2154B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9239832	NA
ZNF815P	0,21	1,12	0,13	0,36	0,9240194	0,951681
GACAT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9240556	NA
MIR7854	0,00	0,00	0,00	0,00	0,92428	NA
PCP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9242901	NA
RP11-750B16.1	0,30	0,00	0,29	0,35	0,9242975	NA
RP13-204A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9243325	NA
MIR7111	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9244327	NA
RP4-765C7.2	0,00	0,65	0,64	0,00	0,9244408	0,95206
RP11-116N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9244509	NA
SLC26A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9244665	NA
CASP3	3,36	4,04	2,96	3,02	0,9244723	0,95206
LRRC9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9245077	NA
SPINK4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9245184	NA
RLBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9245214	NA
RP11-442G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9245586	NA
KCNIP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,924601	NA
RP11-553P9.1	0,00	0,11	0,00	0,00	0,924624	NA
AC073934.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9247218	NA
RP11-1029M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9247578	NA

RP11-40F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9247834	NA
GNPTG	5,48	5,53	5,20	5,15	0,9248219	0,952375
RF00091	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9248375	NA
MIR4472-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9248637	NA
RP11-667M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9249063	NA
RN7SKP69	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9249343	NA
CCDC130	4,43	3,79	4,58	4,48	0,9250183	0,952534
RP11-242D8.3	0,00	1,89	0,00	0,00	0,9250513	NA
RP11-23E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9250693	NA
RN7SL684P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9250717	NA
MIR4666B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9250986	NA
CCDC18	3,51	3,64	3,11	3,75	0,925305	0,952785
EIF5B	3,85	3,64	3,25	2,95	0,9253632	0,952787
RN7SKP16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9253716	NA
EIF2S3L	0,00	0,00	0,00	0,08	0,9253905	NA
PLAC4	0,32	0,40	0,07	0,29	0,9253926	0,952787
TPSB2	0,00	0,13	0,00	0,00	0,925417	NA
RP11-171N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9254248	NA
RP11-296E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9254294	NA
CAPN11	0,00	0,10	0,00	0,00	0,9254583	NA
RP11-98I9.4	0,00	0,00	0,04	0,40	0,9255175	0,95286
PRYP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9255411	NA
PRYP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9255411	NA
LLNLR-245B6.1	1,99	1,94	1,96	1,83	0,9255493	0,95286
RP11-320C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9256947	NA
PRPF31	4,23	2,13	4,38	4,15	0,9256999	0,95293
CORO1C	5,69	4,53	5,52	4,89	0,925703	0,95293
RPL12P18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9258302	NA
RP11-681H18.2	4,75	5,03	3,56	4,25	0,9259306	0,95307
DNAJB1	4,59	3,93	4,36	4,21	0,9259331	0,95307
RARS	5,64	5,36	5,48	5,02	0,9260008	0,95307
CTD-2076M15.1	0,44	0,16	0,35	0,41	0,9260112	0,95307
RP13-476E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9260409	NA
AC079612.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9260796	NA
ZNF878	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9261233	NA
NBPF9	4,77	4,75	4,69	4,39	0,9261697	0,953177
RP4-738P15.1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9262677	NA
RP11-31L22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9262705	NA
LGALS16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9263103	NA
IGHV3-32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9263658	NA
MRPL21	6,06	5,69	5,75	5,62	0,926366	0,953177
RAB14	4,59	4,22	4,35	3,88	0,9263893	0,953177
AC106801.1	0,07	0,17	0,17	0,07	0,9263901	0,953177
FMR1-AS1	0,00	0,67	0,16	0,14	0,9264083	0,953177
Z99756.1	0,11	0,23	0,07	0,13	0,9264212	0,953177
DCLK1	0,66	1,41	0,83	0,46	0,9264454	0,953177
RP11-477D19.2	0,30	0,38	0,33	0,64	0,9264578	0,953177
RP11-272L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,92648	NA
OR11H2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9264902	NA
AC009413.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9265216	NA
RP11-419C5.2	0,57	0,00	0,19	0,51	0,9265559	0,953234
MIR4496	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9265955	NA
CTD-2311B13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9266525	NA
CTD-2288F12.1	0,46	0,56	0,00	0,00	0,9267733	NA
SOX11	0,07	0,12	0,08	0,06	0,9269106	0,953542

RP11-153K16.2	0,00	0,00	0,00	0,10	0,92694	NA
PIGP	3,96	4,66	3,99	4,44	0,9269417	0,953542
AC064871.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9269951	NA
AC007405.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9270377	NA
PTRH1	3,70	4,57	3,05	2,10	0,9270476	0,953557
KRT17P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9271757	NA
AC108025.2	0,00	0,16	0,00	0,00	0,9272112	NA
XXbac-BPG299F13.17	0,77	0,94	0,98	0,72	0,9272164	0,953557
RP11-158M2.3	0,00	0,20	0,00	0,00	0,927231	NA
MORN2	0,00	0,28	0,52	0,00	0,9272359	0,953557
ASAH1	6,98	6,47	6,89	6,73	0,9272475	0,953557
LYPLAL1	4,28	1,81	4,52	3,57	0,9272669	0,953557
ASNSD1	4,18	2,07	4,04	2,71	0,92729	0,953557
CTC-436P18.3	2,15	1,53	1,69	1,65	0,9273231	0,953557
RNU6-310P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9273247	NA
RP11-417F21.2	0,57	0,58	0,52	0,00	0,9273416	0,953557
POLR1E	2,36	0,15	1,75	0,56	0,9273424	0,953557
C8orf37	0,06	0,16	0,11	0,15	0,927446	0,95358
RP1-5O6.7	0,39	0,00	0,00	0,00	0,9274503	0,95358
RP6-105D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9274623	NA
RP11-439H8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,927484	NA
TNNI3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9275932	NA
OSBPL3	4,79	1,84	4,79	4,82	0,9276237	0,953714
RP11-484D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9276652	NA
POU5F1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9277212	NA
C16orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9278032	NA
ITGB3	0,00	0,17	0,00	0,07	0,9278389	0,953891
RP3-468K18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9278422	NA
OR2R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9278436	NA
RN7SL762P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9278658	NA
RFO2188	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9280699	NA
JMJD7-PLA2G4B	0,08	0,35	0,17	0,05	0,9280867	0,954102
LLNLR-284B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9280916	NA
RP11-203E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9281144	NA
RAPGEF5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,928149	NA
CTB-129O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9281636	NA
RP11-163G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9281895	NA
BLOC1S5-TXNDC5	0,02	0,00	0,00	0,00	0,9282069	0,954138
IGHV3-48	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9282225	NA
AC027763.2	3,79	2,45	3,50	2,63	0,9282457	0,954138
CTD-2192J16.21	1,89	1,11	1,79	1,99	0,9282703	0,954138
CTD-2562J17.7	1,28	1,32	1,63	1,58	0,9282935	0,954138
CTC-250I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9283027	NA
RP11-277I20.3	0,00	0,00	0,00	0,57	0,9283702	0,954173
RN7SKP206	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9283814	NA
FAAH2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9284579	NA
CYP2T3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9284825	NA
RFWD3	2,31	2,34	1,98	2,84	0,9285275	0,95429
DIRAS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9285829	NA
ORM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9286712	NA
RN7SL680P	0,00	0,88	0,00	0,00	0,9286801	NA
ZBTB9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9287105	0,954394
AD000091.2	0,00	0,32	0,33	0,33	0,9287237	0,954394
RP11-595O22.1	0,04	0,17	0,13	0,12	0,9288276	0,954394
GMNN	2,61	3,70	2,62	0,84	0,9288301	0,954394

DCTN3	7,04	6,82	6,95	7,10	0,9288429	0,954394
FREM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9288491	NA
RP11-1379J22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9288586	NA
MIR4730	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9289079	NA
FUT10	1,49	1,68	0,71	1,98	0,9289813	0,954492
RNU6-618P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9289911	NA
RP1-247F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9290659	NA
PON1	0,00	0,10	0,00	0,00	0,9290714	NA
LIPN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9290896	0,954559
RP11-781P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9290918	NA
AC100830.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9291312	NA
RP11-245J9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9291404	0,954567
SLC38A5	0,27	1,75	0,04	0,06	0,9292163	0,954601
CTD-2047H16.2	0,00	0,57	0,00	0,00	0,9293002	0,95463
CHD1	6,92	7,04	6,71	6,50	0,9293308	0,95463
RP11-141M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9293321	NA
DAPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9294458	NA
RP11-58O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295109	NA
RP11-84A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295117	NA
RP11-1396O13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295373	NA
RNU1-85P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295511	NA
RN7SL434P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295658	NA
RP11-730N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295706	NA
SHISA7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9295892	NA
DDX31	1,08	2,58	1,20	2,30	0,9297102	0,954976
AC108059.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,929754	NA
RP11-149B7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9297942	NA
SNORD62A	0,00	1,15	0,00	0,00	0,9298278	NA
SNORD62B	0,00	1,15	0,00	0,00	0,9298278	NA
GSTM1	3,64	1,75	1,75	3,77	0,9298606	0,955086
TMCO2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9299299	NA
PGRMC2	2,71	1,65	2,21	1,05	0,9299612	0,955145
CH17-264B6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9299913	NA
RP11-259O18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9300142	NA
RP11-30M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9300453	NA
VEGFB	3,74	4,22	3,01	3,67	0,9300721	0,955215
RNU6-322P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9300722	NA
FAM167B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9301807	NA
SPATC1L	0,69	2,11	1,75	3,03	0,9301847	0,955273
RP3-402G11.28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9302217	NA
RP11-96O20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9302422	NA
RP11-885B4.4	0,11	0,80	0,00	0,00	0,9302567	0,955273
STX6	3,53	3,33	2,43	2,73	0,9303019	0,955273
RALYL	0,27	0,32	0,22	0,19	0,930343	0,955273
ODF2L	3,08	3,91	3,33	3,31	0,9303431	0,955273
ASPRV1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9303539	NA
RP11-263K19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9303687	NA
PRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9303894	NA
RN7SL325P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9304077	NA
MIR135A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9304758	NA
RP11-340I6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9304892	NA
KLKP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9305074	NA
AC004967.7	0,19	0,48	0,52	0,99	0,9305254	0,955416
AC005592.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9305437	NA
RASSF6	0,53	1,20	0,69	0,91	0,9306573	0,955507

RP5-884C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9306783	NA
SNORD71	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9306834	NA
RP11-45K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,930724	NA
RP11-734B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9307246	NA
RP11-170L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9307252	NA
STX16-NPEPL1	0,00	0,00	0,00	0,11	0,9307603	0,955563
DNASE2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9307671	NA
RP11-884K10.7	0,30	0,11	0,30	0,05	0,9307981	0,955563
UBA52P8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,930838	NA
RP11-49I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9308588	NA
UBQLNL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9309534	NA
RP11-299G20.5	0,22	0,51	0,14	0,26	0,9309644	0,95569
RNU6-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9310417	NA
RNU6-37P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9310417	NA
RP6-109B7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9311009	NA
GRAMD4	2,19	1,49	2,35	2,32	0,9311073	0,955749
AC091814.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9311084	0,955749
CDC20B	0,33	0,31	0,34	0,33	0,9311786	0,955777
RP6-218J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9312163	NA
RP11-323H21.3	0,30	0,55	0,33	0,57	0,9312527	0,955809
RP3-406A7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,931286	NA
KIF4A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9313023	NA
RP11-400F19.18	0,07	0,35	0,30	0,38	0,9313084	0,955813
RP11-104D21.3	0,00	0,24	0,00	0,00	0,9313156	NA
RNF44	2,78	2,48	2,62	2,63	0,9313422	0,955813
CTD-2224J9.8	0,00	0,00	0,00	0,17	0,9314369	NA
RP4-641G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9314537	NA
RP11-783K16.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9314599	NA
DYX1C1	0,19	0,38	0,41	0,34	0,9315233	0,955954
RP11-380M21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9315283	NA
C22orf23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9315949	NA
RN7SL277P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9316485	NA
RP11-547D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9316728	NA
RP11-7D5.2	0,18	0,23	0,00	0,00	0,9317638	NA
C10orf35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9318015	NA
RP11-21K20.1	0,00	0,00	0,00	0,18	0,931841	NA
RP11-82O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9318868	NA
OBSCN	0,24	0,44	0,03	0,17	0,9319364	0,956334
CTD-3126B10.4	0,00	0,00	0,00	0,04	0,9319558	NA
RP11-20I23.11	0,00	0,00	0,00	0,04	0,9319558	NA
CTD-2501B8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9320367	NA
ZFPM1	0,53	0,34	0,44	0,64	0,9321039	0,956427
RP11-138H8.6	0,22	0,61	0,29	0,45	0,9321125	0,956427
RNU2-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9322241	NA
PODXL2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9322326	NA
CUL3	6,72	6,38	6,34	6,24	0,9322445	0,956482
C20orf200	0,00	0,00	0,05	0,00	0,9322523	0,956482
RP11-136K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9322607	NA
CENPU	1,48	0,50	0,79	0,30	0,9323024	0,956489
AC121251.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9323211	NA
VTCN1	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9323488	NA
AC017035.2	0,00	0,00	0,25	0,00	0,9323958	0,956505
RP11-459J23.1	0,00	0,21	0,00	0,00	0,9324054	NA
SPC25	0,55	0,32	0,19	0,40	0,9324228	0,956505
C1QTNF3-AMACR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9324401	NA

HACD2	3,90	3,81	3,81	2,27	0,9324469	0,956505
DACT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9324915	NA
RP11-367F23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9325534	NA
RP11-145D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9325568	NA
TRAJ43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,932597	NA
RN7SL520P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9326003	NA
LA16c-366D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9326308	NA
RNU6V	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9326319	NA
XXbac-BPG308K3.6	0,27	0,06	0,52	0,00	0,9327012	0,956658
CCDC34	0,00	0,13	0,04	0,22	0,9327052	0,956658
KIAA1109	4,48	4,73	4,20	3,17	0,9327257	0,956658
RPL12P11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9327263	NA
CTA-246H3.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9327474	NA
RP11-640I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,932769	NA
ABTB2	0,00	0,05	0,00	0,03	0,9328154	0,956706
RP11-344N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9328823	NA
BMP8A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9328829	NA
ELDR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,932885	NA
DND1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,932901	NA
HMGA1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9329886	NA
RP11-185P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9330049	NA
KIAA0114	5,31	5,68	4,99	4,42	0,9330056	0,956857
AC092641.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,933129	NA
C17orf75	2,61	3,29	1,77	1,83	0,9331893	0,957001
GRAPL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9331933	NA
RP11-161H23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,933213	NA
RP11-768F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9332347	NA
AC004159.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9332613	NA
AP3M2	2,31	0,71	1,23	2,32	0,933271	0,957041
CTD-2588J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9333002	NA
TMED9	5,44	4,98	5,08	5,16	0,9333276	0,957055
NPIPA7	1,12	0,13	0,00	0,00	0,9334179	0,957103
AC099048.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9336182	NA
NPNT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9336228	NA
CTC-260E6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9336511	NA
DOCK8	6,54	5,97	6,26	6,10	0,9336999	0,95733
RPS26P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9337248	NA
SIAH1	3,88	3,15	2,78	2,88	0,9337252	0,95733
TRGVB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9337669	NA
PSG8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9338185	NA
FNDC9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9338575	0,957421
AC026191.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9339275	NA
KRBOX4	3,08	1,87	2,82	2,63	0,9339497	0,957472
OR51I2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,933988	NA
RP11-167B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,933999	NA
C19orf18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9340005	NA
RP11-155G14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9341119	NA
RP11-77K12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9341427	NA
TMEM184C	3,66	3,76	3,17	2,57	0,934228	0,957671
EXT2	3,62	2,98	3,10	2,54	0,9342465	0,957671
RP1-245G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9342591	NA
RP11-413E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,934267	NA
RP11-114H21.2	0,00	1,00	0,58	0,00	0,9342737	0,957671
RP1-40G4P.1	0,29	0,37	0,33	0,00	0,934366	NA
RP11-126O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9343878	NA

COQ10A	2,16	1,75	1,79	1,97	0,9344455	0,957789
HIST1H3E	0,07	0,06	0,02	0,00	0,9344747	0,957789
CTD-2561B21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9344898	NA
RP11-495P10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9344939	NA
AC002116.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9344982	NA
RNU7-73P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9344983	NA
CTD-2545G14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,934501	NA
RP4-655C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9345973	NA
RP11-775J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9346056	NA
POM121	2,28	1,72	2,17	1,95	0,9346174	0,957851
NMRAL1	5,12	3,08	5,19	3,23	0,9346214	0,957851
NT5C1A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,934647	NA
AC008872.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,93467	NA
NELFB	0,82	1,97	0,98	0,84	0,9347567	0,957946
CTD-2619J13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9348023	NA
AC004862.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9348833	NA
RP11-192P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9349125	NA
FZD1	1,52	1,92	1,57	0,24	0,9349754	0,958126
RNA5SP201	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9350124	NA
FZD10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9350218	NA
RPL23P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9350295	NA
SNORD67	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9351877	NA
TAGLN	3,61	0,49	2,35	2,93	0,9352031	0,958277
LIPT1	1,16	0,00	1,78	1,54	0,9352091	0,958277
RP11-54D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9352452	NA
RP11-496I2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9352797	NA
SNORD12B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9353007	NA
RP11-620J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,935414	NA
UBAC2	5,31	5,14	5,17	4,33	0,9354278	0,958457
RP11-172H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9354614	NA
RP11-319G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,935549	0,958537
Z84723.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9355913	NA
RP13-444K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9355923	NA
AIFM3	2,85	1,76	2,18	2,63	0,935599	0,958544
RP1-180M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,935634	NA
PLPP5	4,77	3,69	4,58	4,86	0,9356554	0,958557
POU4F2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9356848	NA
PRR23C	0,06	0,15	0,09	0,19	0,9357037	0,958563
CTD-2639E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9357529	0,958569
REG4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9357547	NA
CDS2	4,29	3,02	3,92	3,98	0,9358064	0,958576
SIPA1L2	1,36	0,87	1,42	1,83	0,9358457	0,958576
IGKJ2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9359252	NA
RP1-249H1.4	0,68	0,90	1,07	0,54	0,9359347	0,958622
SNRPEP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9359445	NA
RP11-348H3.8	0,00	0,61	0,00	0,00	0,9359452	NA
RP3-369A17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9359663	NA
FAT4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9359776	NA
KHNYN	2,40	0,71	2,13	2,18	0,9360105	0,958656
RP11-558M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9360515	NA
AC005104.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9360602	NA
F2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9361482	NA
TLL11	0,00	0,00	0,00	0,49	0,9361872	0,958756
GPR37L1	0,18	0,21	0,15	0,25	0,9361948	0,958756
RP11-68E19.2	0,82	0,76	0,37	0,22	0,9362477	0,958766

IGLC7	0,00	0,51	0,00	0,00	0,9362542	NA
XDH	0,19	0,34	0,29	0,59	0,9363258	0,958785
RP3-414A15.2	0,00	0,40	0,00	0,41	0,9363998	0,958785
TMEM200B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,936434	0,958785
RP11-138E2.1	0,54	0,64	0,00	0,75	0,9364387	0,958785
RP11-619L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9365187	NA
CYP3A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9365311	NA
CKAP5	3,35	3,56	3,63	2,61	0,936613	0,958919
INTS7	3,49	4,02	3,02	2,26	0,9367061	0,958971
XXbac-BPG246D15.8	6,98	5,95	6,67	6,85	0,9367537	0,958975
RP11-134O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9368107	NA
CCR10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9368348	NA
RP11-806H10.4	0,00	0,45	0,00	0,19	0,9368821	NA
RPL3P2	0,09	0,00	0,13	0,00	0,9369952	NA
CYP2A13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9370135	NA
RP11-342D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9370342	NA
AL138479.2	0,00	0,00	0,00	0,15	0,9371047	NA
TBCB	7,73	7,10	7,59	7,22	0,9371331	0,959311
MRPS31	4,61	4,68	4,32	4,57	0,9371685	0,959311
RP11-642L11.1	0,35	0,00	0,09	0,42	0,9372229	0,959323
RP1-281H8.3	0,00	0,00	0,00	0,21	0,9372311	NA
LL22NC03-N14H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9372929	NA
RN7SL271P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,937371	0,959428
RP5-862P8.2	1,64	2,07	1,54	0,66	0,9374117	0,959428
RP11-506M13.3	1,07	1,10	0,75	0,49	0,937501	0,959448
PLEKHM2	3,58	4,23	3,92	3,71	0,9375179	0,959448
RP11-422P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,937602	NA
TATDN3	4,28	4,48	3,87	3,88	0,9376117	0,959482
PRSS21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9376467	NA
ULBP1	0,13	0,72	0,04	0,04	0,9376533	0,959482
RPL17P41	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9376669	NA
RP11-452H21.4	0,93	1,13	0,71	1,71	0,9377133	0,959482
SIN3A	4,33	3,17	4,16	2,38	0,9377236	0,959482
RP11-687E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9377443	NA
OR10K2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9377976	NA
AC010971.1	0,16	0,42	0,05	0,00	0,937822	0,959494
RP11-122G18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,93786	0,959494
RP11-367G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9378651	NA
RP11-359C24.1	1,72	1,49	1,56	2,96	0,9378651	0,959494
AC144450.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9378703	NA
RP11-56B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9380254	NA
RP11-692N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9381022	NA
RP4-533D7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9383984	NA
AC078899.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9384111	NA
RP11-834C11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9384692	NA
SMAD5OS	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9384746	NA
RP1-90G24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9385461	NA
CCL23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9385712	NA
LL22NC03-27C5.1	0,02	0,02	0,03	0,00	0,9386043	0,960206
TMEM155	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9386415	NA
RP11-1064E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9386636	NA
RP11-159H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9387132	NA
RP1-130E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9387535	NA
WI2-87327B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9387757	NA
RP11-25I15.3	0,59	1,27	0,47	0,15	0,9388071	0,96037

RP11-297B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9388353	NA
OR52J3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9388461	NA
EXD1	0,10	0,11	0,07	0,13	0,9388512	0,96037
TRIM51BP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9389178	NA
SPG20OS	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9389773	NA
USP14	3,93	3,39	3,77	2,88	0,9390023	0,960481
CTB-33O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9390079	NA
STON1-GTF2A1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9390776	NA
MIR4420	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9391342	NA
PSMA8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9391382	NA
RP11-236F9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9391849	NA
RP11-134F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9392406	NA
RP11-122L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9392443	NA
ZNF654	2,63	0,95	2,73	2,73	0,9392482	0,960688
RP11-63K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9392639	NA
RN7SL68P	0,00	0,00	0,39	0,00	0,9392811	NA
RP11-712P20.2	0,00	0,00	0,00	0,07	0,9393021	0,960699
RP11-130L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9393549	NA
ACO10677.5	0,00	0,00	0,00	0,46	0,9393761	NA
RP11-398A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9393863	NA
RGS6	0,00	0,33	0,00	0,16	0,9394206	0,96073
RP11-85I17.2	0,73	0,55	0,90	0,72	0,9394361	0,96073
FMNL2	1,87	1,99	0,92	1,19	0,9394617	0,96073
RNU6-527P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9394895	NA
POTEF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9394949	NA
RP11-511P7.5	0,05	1,14	0,13	0,90	0,9396777	0,960824
RP11-75A9.2	0,11	0,00	0,14	0,13	0,939701	NA
ANXA4	5,50	3,77	4,81	4,97	0,9397043	0,960824
LANCL2	4,04	2,51	3,85	1,94	0,9397128	0,960824
NMNAT1	2,97	1,94	2,73	2,31	0,9397299	0,960824
TMEM167B	4,39	3,31	4,10	3,64	0,93977	0,960824
RP3-336K20_B.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,939773	NA
RP11-111F5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9398106	NA
ACO04054.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,93984	NA
RP11-356M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9398613	NA
CITF22-1A6.3	0,79	0,28	1,06	0,69	0,939915	0,96089
RP11-731I8.2	0,03	0,07	0,05	0,10	0,9399216	0,96089
C1orf213	0,00	0,10	0,00	0,00	0,9399386	NA
RP11-418B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9399844	NA
RP3-414A15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9400398	NA
RP3-393E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9400416	NA
TTC30B	0,00	0,00	0,04	0,00	0,9400525	0,96098
RP11-1109M24.13	0,00	0,00	0,72	0,40	0,940173	0,961059
KRTAP4-6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,940241	NA
GLUDP8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9402432	NA
GRID2IP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9402437	NA
CEP72	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9402706	NA
RP11-270C12.3	0,00	1,08	0,59	0,00	0,9402834	NA
MIR4754	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9403152	NA
RP3-340I3.1	0,08	0,06	0,11	0,06	0,9403505	0,961196
RP11-762I7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9404094	NA
RP11-321F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9406447	NA
RP11-270M14.1	0,52	0,71	0,35	0,70	0,9406538	0,961462
MOB3A	5,13	4,92	5,00	4,64	0,9407133	0,961479
OR7A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9408159	NA

AC010547.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9408561	NA
RN7SL170P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9408837	NA
RP11-1152H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,940908	NA
RP11-134G8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9410281	NA
AC004158.2	3,14	2,81	2,65	2,36	0,9410518	0,961701
RP5-933K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9410838	NA
AC133109.1	0,07	0,26	0,00	0,10	0,941112	0,961701
ZNF782	1,34	0,75	1,16	1,24	0,9411239	0,961701
CTD-3220F14.3	1,15	0,66	1,39	2,18	0,9411276	0,961701
CAND1	5,03	4,75	5,04	3,16	0,9411699	0,961701
RP11-507D14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9411722	NA
RNU6-611P	2,07	1,95	0,00	1,79	0,9411901	0,961701
FBXL12	3,79	3,42	2,48	3,19	0,9413205	0,96179
PRPF8	6,39	6,26	6,34	6,10	0,941369	0,961795
RP11-643G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9413914	NA
RP1-170D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9414324	NA
AC006277.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9414658	0,961847
RP11-44N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9414731	NA
CTD-3193K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9414733	NA
RP4-597N16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9415292	NA
IGSF3	0,00	0,00	0,00	0,03	0,9415347	0,961847
RP11-347C12.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9415423	NA
COL6A4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9415458	NA
BPGM	3,50	0,47	2,34	0,45	0,941574	0,961847
CTA-204B4.2	0,53	0,48	0,88	0,80	0,9415981	0,961847
RP11-829H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9416044	NA
RP13-270P17.3	3,56	3,68	2,44	1,12	0,9416359	0,961847
MIR3939	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9416555	NA
CTD-2591A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,941656	NA
PCSK1N	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9416789	NA
TSPAN11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9416902	NA
RP5-952N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9416998	NA
CTA-989H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9417111	NA
AC009228.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9417194	NA
CTD-2017F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9417714	0,961869
EXOSC5	5,91	5,47	5,57	5,22	0,9417806	0,961869
RP3-325F22.5	0,44	0,69	0,68	0,71	0,9417875	0,961869
RN7SL211P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9417961	NA
CORO6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9418238	NA
ZSCAN18	1,32	1,59	1,41	1,16	0,9419041	0,961944
CTC-459F4.3	2,71	0,47	1,61	0,95	0,9419917	0,961989
RP4-752I6.1	0,00	1,42	0,57	0,96	0,942144	0,9621
INF2	4,13	2,99	4,13	3,55	0,9422218	0,962136
CHAD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9422532	NA
AMN1	2,80	2,95	2,37	3,17	0,9423832	0,96222
RP11-248C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9424291	NA
RP11-455G16.1	0,30	0,11	0,53	0,83	0,9424601	0,96222
TSGA10IP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9424803	NA
UPK3A	5,50	5,17	5,33	4,67	0,9425053	0,96222
RP4-599G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9425309	NA
RANBP9	4,30	3,19	4,44	1,59	0,9425332	0,96222
RALA	4,84	4,81	4,86	4,94	0,942545	0,96222
FAM122B	3,32	2,34	3,07	3,02	0,9425903	0,96222
RP1-56K13.5	0,00	0,40	0,00	0,00	0,9425997	NA
CALHM2	5,18	5,49	5,09	2,92	0,9426076	0,96222

VPS37D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9426364	NA
RP11-98G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9426693	0,962239
MIR3942	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9427176	NA
NDUFV1	7,09	7,03	6,95	6,75	0,9427456	0,962256
FCHSD1	2,18	1,66	2,38	1,97	0,9427729	0,962256
RP11-362K14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9427783	NA
RP11-498C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,942785	NA
CCDC38	0,50	0,59	0,73	0,63	0,9429043	0,962346
RF00279	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9429077	NA
RP1-121G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9430045	NA
RP11-294C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9430155	NA
RP11-143M1.2	0,96	2,12	1,42	1,64	0,9430277	0,962428
RP4-669P10.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9430829	NA
QRFP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9431856	NA
AMBP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9432414	NA
RP11-809H16.5	0,16	0,32	0,30	0,42	0,943331	0,962677
RP11-266L9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9433435	NA
ASXL1	2,77	3,55	3,47	3,73	0,9433583	0,962677
SLC31A2	6,01	6,53	6,30	5,94	0,9434418	0,962679
SEPT14P21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9434471	NA
SYN3	2,46	2,00	1,32	0,97	0,9434475	0,962679
RPL3P9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9434642	NA
RN7SL800P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9434654	NA
AC079767.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9434692	NA
RP11-736I10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9435053	NA
RP11-191A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9435083	NA
RNU6-812P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9435135	NA
SLC26A9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9436051	NA
RP11-499P20.2	1,86	1,61	1,14	0,83	0,9436108	0,962774
THRA	0,00	0,44	0,09	0,09	0,943627	0,962774
RP11-269C4.2	0,00	0,20	0,00	0,00	0,943629	NA
RP11-202G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9437166	NA
RP11-806L2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9438324	NA
RP11-239A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9438793	NA
RN7SL547P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9439294	NA
CTD-2515C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9439336	0,963043
RP5-966M1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9439367	NA
TUBB8P7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9440727	NA
RNU4-61P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9441583	NA
RP11-228M15.1	0,77	1,43	0,42	0,19	0,9441608	0,96323
AC018359.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9443198	NA
TYRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9444571	NA
RP11-638L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9445642	NA
RP1-60N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9445646	NA
RN7SL620P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9445706	NA
RP3-368A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9446952	NA
ABCC5	2,58	2,11	2,33	1,86	0,9447262	0,963763
RP11-32B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9447574	NA
SPACA6	1,19	1,12	1,61	1,64	0,9449208	0,963899
RP1-12G14.7	0,00	0,92	0,00	0,73	0,9449728	0,963899
RN7SL752P	0,74	0,00	2,00	1,38	0,9449892	0,963899
RP11-438P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9450485	NA
LL21NC02-1C16.2	3,88	0,29	3,79	3,90	0,9450895	0,963915
ACE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,945091	NA
ABCC10	3,37	3,11	3,12	3,40	0,9450967	0,963915

RP11-312H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9451326	NA
SERPINE3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9451439	NA
RP11-6F2.4	0,25	0,31	0,65	1,08	0,9451538	0,963915
NFYA	3,13	2,12	2,37	2,90	0,9451786	0,963915
RP11-639E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9452075	NA
RN7SL542P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9452336	NA
AC037445.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9452571	NA
AC010746.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9452572	NA
RP11-344P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9453398	NA
CTD-2533K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9453698	NA
IAPP	0,00	0,09	0,00	0,00	0,9454016	NA
RP11-473C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9454107	NA
DPRXP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9454362	NA
BEX5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9455129	NA
RP11-128B16.4	1,15	0,00	0,85	0,65	0,9455602	0,96426
RP4-742C19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9455657	NA
SMIM2-AS1	0,13	0,40	0,23	0,18	0,9457014	0,964359
RP11-322F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9457153	NA
FAIM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9457208	NA
MIR8485	3,12	2,86	3,09	2,70	0,9457488	0,964363
MIR5087	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9457524	NA
CTD-2619J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9457882	NA
ZNF398	1,31	0,72	0,42	0,24	0,9458976	0,964471
SNX9	2,48	1,90	2,17	2,38	0,9460344	0,964566
NOLA2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9460683	NA
RP11-411G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9461009	NA
AC018890.1	7,76	7,87	7,76	7,60	0,9461663	0,964656
RP11-67M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9462074	NA
RP13-479F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9462197	NA
AC002310.14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9462728	NA
RP11-204E4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,94632	NA
RP11-697E22.1	0,29	2,37	0,28	0,00	0,9463404	0,96479
PPP1R2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9463624	NA
RP11-285E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9463678	NA
TBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9464322	NA
RNA5SP288	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9464868	NA
KANSL1L	1,96	3,59	2,55	2,93	0,946492	0,96486
ZNF708	2,00	2,04	1,51	2,03	0,9464965	0,96486
EIF4A1P12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9465023	NA
RP11-476C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9465908	NA
RP11-121G22.3	1,40	2,26	1,21	1,60	0,9466377	0,964928
RP11-1E4.1	0,07	0,11	0,08	0,09	0,9466986	0,964928
RP4-655J12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9467038	NA
DENR	4,95	4,73	4,34	4,52	0,9467057	0,964928
MILR1	5,33	5,28	5,24	4,04	0,946737	0,964928
MIR361	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9467419	NA
RP11-327J17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9467488	NA
RP11-417E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,946852	NA
PPAN-P2RY11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9469448	NA
MIR4804	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9469498	NA
MIR4511	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9469503	NA
CTC-420A11.2	0,23	0,26	0,26	0,31	0,9469654	0,965117
RP11-393K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9469777	NA
RNU6-729P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9469795	NA
RP11-497D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9470743	NA

ANKRD55	0,00	0,19	0,00	0,19	0,9471491	0,96526
CTD-2522E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9472055	NA
RP11-727F15.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9473388	NA
CTD-2154I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9473998	NA
RP3-410B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9475898	NA
SIRT2	5,23	4,26	4,92	4,10	0,9476092	0,965628
RPL34P34	0,00	0,66	0,00	0,00	0,9476105	NA
CTD-2265O21.8	0,30	0,00	0,00	0,40	0,9476288	0,965628
RP11-25I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9476412	NA
POFUT2	1,04	1,59	1,24	2,49	0,9476524	0,965628
EGFL7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9476843	NA
SMPD4	3,38	0,91	3,20	1,64	0,9476844	0,965628
RNA5SP394	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9476961	NA
LRRC2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,947712	NA
RP11-540B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9477258	NA
RP11-134K1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,947856	NA
RP11-439C15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9478616	NA
RNA5SP172	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9479699	NA
RN7SL392P	0,79	0,00	0,00	1,21	0,9480233	0,965849
RP11-23J18.1	0,22	1,03	0,58	1,31	0,9480281	0,965849
CH507-9B2.5	0,75	0,50	1,25	0,62	0,9480316	0,965849
RP11-10C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9480553	NA
RP11-702L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9481179	NA
RP11-60E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9481538	NA
RP3-468O1.5	0,00	1,22	0,00	0,00	0,948249	0,966026
OR4N5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9483099	NA
EDN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9483138	NA
RP11-391I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9483814	NA
ABHD12	4,16	3,33	3,99	3,18	0,9483894	0,966125
RP11-442P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9484079	NA
RP5-1099D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9484372	NA
RIDA	4,31	2,48	4,01	1,25	0,9484694	0,966162
RP11-39E3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9484974	NA
AP000472.3	0,00	0,00	0,00	0,37	0,948641	NA
FAM73B	2,23	1,25	1,35	0,96	0,9486475	0,9663
RP11-474O21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9487231	NA
RN7SL793P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9487721	NA
FTLL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9488932	NA
AC016629.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9488975	NA
MTTP	0,00	0,00	0,00	0,09	0,9489148	NA
RP11-226M10.3	0,00	0,27	0,03	0,08	0,9490966	0,96664
RP11-68I3.11	0,25	0,40	0,30	0,54	0,9491398	0,96664
CHRNA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9491512	0,96664
CTD-3096M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9491561	0,96664
RP11-167P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9491588	NA
FHOD3	0,00	0,03	0,00	0,00	0,9491618	NA
RP11-519G16.2	0,00	0,00	0,00	0,80	0,9493787	NA
RP11-166N17.3	0,00	0,45	0,00	0,69	0,9494893	0,966935
RP11-457D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9495009	NA
RP11-95J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9495554	NA
ELOA3C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9495809	NA
RP11-141I13.5	0,00	0,13	0,00	0,11	0,9496798	NA
RP11-556H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9496834	NA
RP11-152F13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9497004	NA
BPIFA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,94971	NA

RP11-83B20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,949713	NA
RP5-1057I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9497448	NA
RP11-3L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9497624	NA
MAGEA13P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9497878	NA
UBE3AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9498095	NA
XX-BC751M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9498369	NA
MLLT10P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9498566	NA
SKIV2L2	4,34	4,54	3,85	3,03	0,9498631	0,967272
AC002310.17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9498734	NA
KCNQ4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,949874	NA
RP11-577H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9499221	NA
AC084149.2	0,00	0,00	0,00	0,20	0,9499358	NA
RP11-676F20.4	0,00	0,48	0,22	0,00	0,950059	0,967427
RP11-167P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9500742	NA
HK1	4,46	3,65	4,27	3,91	0,9501217	0,967446
H3F3AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9501813	NA
SLC25A28	6,31	5,90	6,00	6,10	0,9502833	0,967567
RNU6-125P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9503346	0,967575
NPHS1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9504341	0,967588
RNF20	3,34	4,34	2,91	3,43	0,9504346	0,967588
RP11-93K22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9504912	NA
ATXN7L3B	3,51	3,04	3,34	2,83	0,9505279	0,967592
DIAPH2	3,46	2,52	3,25	2,83	0,9505525	0,967592
TCTA	3,23	1,80	2,65	1,49	0,9505695	0,967592
RP11-220H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9506088	NA
VIPAS39	3,13	0,97	2,39	2,02	0,9506735	0,967654
CCL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9506846	NA
AC093159.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9507421	NA
RF01699	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9507431	NA
RNU5E-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9507618	NA
TNFSF8	4,26	3,77	2,77	1,73	0,9508314	0,967747
P4HA3	0,13	0,20	0,07	0,11	0,95089	0,967747
PCDHB14	0,02	0,03	0,03	0,02	0,9508961	0,967747
AC104655.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9509517	NA
ZNF876P	0,23	0,34	0,27	0,12	0,9509672	0,967775
RNA5SP389	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9509976	NA
AP000279.69	0,91	1,02	0,86	0,74	0,9510144	0,967779
RPL30P13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9511177	NA
RP11-425A6.5	0,05	0,11	0,13	0,00	0,9511362	0,967859
RP11-140B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9512394	NA
RP11-270M14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9512899	NA
CTB-118N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9513393	NA
RP5-1057I20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9513544	NA
RP11-351I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9514016	NA
CTD-3148I10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9514065	NA
NHLRC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,951431	NA
RP11-641C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9515177	NA
TBC1D22B	0,84	0,08	0,85	0,63	0,9515744	0,96826
RP11-539L10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,951575	NA
AC011525.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9516077	NA
KLHL3	0,56	1,04	0,48	0,27	0,9516236	0,968266
RP11-438L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9517612	NA
ESPNP	0,00	0,14	0,00	0,00	0,9520668	NA
HSPE1-MOB4	3,99	0,00	2,11	0,00	0,9520884	0,968695
DHX9	5,79	5,58	5,41	4,99	0,9521924	0,968756

C14orf179	4,49	4,43	3,67	4,76	0,9522624	0,968783
VANGL1	0,15	1,13	0,54	0,27	0,9523187	0,968796
IL17A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9524465	NA
RNU2-12P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9524566	NA
RP11-319G9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9524635	NA
RNU6-912P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9524862	NA
RP3-477M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9525055	NA
FXVD7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9525171	NA
RN7SL43P	0,00	1,42	0,00	0,00	0,9525575	NA
WIF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9525969	NA
RP11-219C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9526723	NA
EIF2S2	4,94	4,21	4,72	4,10	0,9527135	0,969107
TRAPPC13	4,33	4,34	3,98	4,08	0,9527235	0,969107
CRB3	0,03	0,00	0,00	0,00	0,9527486	NA
AP000479.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9527528	NA
HSPBAP1	4,32	4,27	3,94	3,44	0,9527554	0,969107
RP11-775H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,952832	NA
FBXL8	1,58	1,81	1,75	2,71	0,9528654	0,969175
AP000271.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9528673	NA
RP11-503G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9528862	NA
HCRT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9529165	NA
CTD-2196E14.6	0,74	0,93	0,73	0,67	0,9529303	0,969196
MIR581	0,00	0,00	0,00	0,00	0,952951	NA
MROH9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9529727	NA
RP11-101E5.6	0,00	0,04	0,00	0,02	0,9530684	NA
RP11-144A16.5	0,00	0,04	0,00	0,02	0,9530739	NA
RFC1	4,62	4,69	4,76	4,81	0,9530766	0,969272
RN7SKP193	1,55	2,05	1,88	2,18	0,9530921	0,969272
RP11-61K12.2	0,00	0,00	0,00	0,04	0,9531678	NA
SQSTM1	5,73	5,41	5,72	5,19	0,953176	0,969278
CEP57L1	2,54	1,88	1,89	2,06	0,9531847	0,969278
AC024067.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9532032	NA
TP53INP1	1,58	1,23	1,56	1,96	0,9532972	0,969348
ZSCAN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9533234	NA
C10orf91	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9533636	0,969371
RP11-330C7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9533784	NA
H2AFB1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9534031	NA
RP11-950C14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9534227	NA
AC142119.1	0,39	0,26	0,64	0,86	0,9535629	0,969529
RP11-193I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9536143	NA
OR51B2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9536182	NA
SLC25A33	2,33	1,20	2,49	2,25	0,9536847	0,969609
RP11-141O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9536891	NA
CTD-2089O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9536905	NA
RN7SKP285	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9537116	NA
PIGO	3,17	1,22	2,94	2,92	0,9537419	0,969622
RP11-214K3.20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9538302	NA
KRT23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9538426	NA
IGHV3-74	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9538666	NA
RP1-182O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9538951	NA
TM4SF1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9539419	NA
CHRNA3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,953958	0,969774
BORCS6	0,62	0,59	1,24	1,33	0,9539782	0,969774
MIR6761	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9540506	NA
RPL39P36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9540629	NA

PIH1D2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9540696	NA
RP11-13K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,954143	NA
RP11-359K18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,954147	NA
DRICH1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9541773	NA
ARR3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9544062	NA
DBX1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9544176	NA
RP11-752G15.9	0,21	0,41	0,18	0,09	0,9544322	0,97016
VAMP3	5,55	5,28	4,86	4,98	0,9544458	0,97016
AC008063.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,954461	NA
RP11-570G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9545384	NA
LA16c-306E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9545728	NA
RP11-1212A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9545954	0,970268
RP4-753D5.4	1,01	0,68	0,93	0,94	0,9546928	0,970323
CAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9547258	NA
RP11-254F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9547879	NA
C10orf111	0,33	0,71	0,52	0,72	0,9548179	0,970406
RNA5SP387	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9548201	NA
AC007254.3	6,72	6,43	6,16	5,98	0,9548643	0,970408
RP11-662B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9549691	NA
OR56B1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9550138	NA
RP11-5C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9551458	NA
SNORA72	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9551982	NA
RN7SL473P	4,55	2,98	5,50	3,74	0,9552422	0,970748
ADIRF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9552607	NA
RP3-485C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9553173	NA
RP11-348M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9553743	NA
RP11-215P8.4	0,00	0,00	0,44	1,20	0,9554753	0,97094
RP11-484D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9555426	NA
CTB-32H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9555657	NA
AC079248.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9555703	NA
SUOX	2,34	1,69	1,65	2,31	0,955685	0,971086
IGHV4-61	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9556922	NA
SERPINB6	6,78	5,93	6,81	6,42	0,9557428	0,971086
NOL12	6,16	5,76	5,85	5,45	0,9557501	0,971086
RP11-771F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9558289	NA
MXRA8	0,00	0,11	0,00	0,00	0,9558475	NA
SLC25A41	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9559726	NA
RP11-729L2.2	0,00	0,00	0,00	0,13	0,9560242	NA
PDZRN4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,956035	NA
PIGS	4,97	5,19	4,94	4,33	0,9561558	0,971454
RP11-313P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9561769	NA
RP11-550P17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9561815	NA
RNU6-1209P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9563558	NA
RP11-950K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9563662	NA
NCBP2L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9563668	NA
AC007278.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9564156	NA
RP11-669N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9564699	NA
SLC6A7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9565494	NA
RP11-677M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,956565	NA
SMC4	5,11	4,47	4,81	5,11	0,9565902	0,971851
EPX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9566748	NA
RP11-462G8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9566919	NA
CTD-2588E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,956697	NA
PLTP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9567504	NA
SLC25A24	2,90	2,69	2,73	2,89	0,9567511	0,97197

RP4-545C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9567839	NA
TSR2	4,10	2,52	2,95	2,04	0,9568084	0,971984
CTC-498J12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9568933	NA
RP11-204K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9568967	NA
RP11-61I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9570888	NA
TRGJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9571698	NA
TRGJ2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9571698	NA
SPATA31A5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9571986	NA
CRISP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9572729	NA
ACO07050.17	0,00	0,00	0,00	0,28	0,9572904	0,972398
CEP19	1,61	1,25	0,91	0,88	0,9573036	0,972398
FAM173B	3,02	2,11	2,10	0,53	0,957444	0,972496
RP11-445O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9574851	NA
RP11-727A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9575377	NA
ZNF576	1,12	0,57	0,99	0,65	0,95761	0,972585
TEKT2	0,28	0,18	0,21	0,29	0,9576183	0,972585
RP11-867G2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9576279	NA
RP11-76N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9576357	NA
RN7SL217P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9576493	NA
RP11-402K9.1	0,21	0,29	0,47	0,13	0,9577432	0,972667
RP11-492A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9577788	NA
RP11-791G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9577994	NA
ACO19066.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9578153	NA
CT47A12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9578467	NA
RP11-175P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9578718	NA
RP11-11C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9579011	NA
RP11-326N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9579661	NA
RP11-103J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,958071	NA
MAFA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9581475	NA
TPTE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9581521	NA
RP5-874C20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9581752	NA
RP3-428A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9582533	NA
CTB-36O1.6	0,00	0,15	0,06	0,00	0,9582814	NA
BMP3	0,00	0,00	0,00	0,02	0,9583601	NA
CCDC109B	5,52	4,99	5,14	5,24	0,9584253	0,973309
RP11-267I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,958429	NA
RNU4-25P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9584534	NA
USP42	2,79	1,57	2,18	1,63	0,9584631	0,973309
RP11-272L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9584642	NA
HIPK2	1,91	2,18	2,04	1,48	0,9585537	0,973357
RNU1-83P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9585653	NA
MIR6728	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9585956	NA
ACHE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9586645	NA
ACOX1	3,58	4,00	3,86	3,53	0,958757	0,973519
PTGES2	3,38	0,99	3,50	3,33	0,9588321	0,97355
RP11-217B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9588435	NA
RP11-534L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9588657	NA
ACO11742.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9588798	NA
MIR632	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9589273	NA
ATF6	2,97	2,88	2,70	3,02	0,9589431	0,973619
RP11-343P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9589704	NA
RP11-173P15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9589946	NA
ZNF513	2,03	0,08	1,83	1,17	0,9589967	0,973629
PDE6H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9590277	NA
RP11-147L13.11	3,38	1,50	2,74	1,55	0,9590739	0,973662

NOS1AP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9591408	NA
SLC9B1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9591413	NA
TEC	3,22	1,54	2,87	1,27	0,9591609	0,973706
FBXL21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9592047	NA
RP11-295B17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9592932	NA
AC013437.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9593099	NA
CTC-510F12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9593143	NA
OR6C7P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9593149	NA
TRIM15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9593412	NA
RP11-697E2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9594169	NA
SLC22A8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,959419	NA
ELOF1	6,28	5,80	5,83	5,89	0,9594385	0,973904
RP11-795F19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9594419	NA
FAM41C	0,53	0,00	0,00	0,15	0,9594436	0,973904
SMIM10L2A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9594726	NA
RP11-1109M24.14	0,00	0,74	0,00	0,00	0,9594909	NA
AEBP2	3,64	2,60	3,43	2,90	0,9595417	0,973931
MTND5P26	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9595496	NA
MB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,959551	NA
LDB1	1,74	2,61	2,49	2,24	0,9595574	0,973931
CTB-138E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9595836	NA
RNY3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9596229	NA
XXbac-BPG32J3.18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9596483	NA
RP11-864N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9596674	NA
RP11-1000B6.7	3,51	2,71	0,61	2,96	0,95967	0,974001
SPR	0,00	0,10	0,06	0,57	0,9598501	0,974085
RP11-81A1.2	0,47	1,20	0,53	0,22	0,9598643	0,974085
AC067940.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9598654	NA
NDUFB4	6,43	5,96	6,24	6,08	0,959885	0,974085
RP3-355L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9598865	NA
RNU6-1214P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9600222	NA
EPB41L1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9600964	0,974219
SIAE	1,76	2,00	1,51	1,94	0,9601168	0,974219
RP11-428G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9601267	NA
RP11-696D21.2	0,00	0,19	0,00	0,00	0,9601284	NA
ZNF805	1,11	0,07	0,42	0,10	0,960178	0,974219
ATP5J	7,14	6,88	7,06	6,61	0,9601922	0,974219
RP11-540O11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9602048	NA
RP11-111F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,960226	NA
RP11-85L21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9602385	NA
SUMO1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9602834	NA
TUBA3D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9603503	NA
NDUFS7	8,02	7,82	7,80	7,78	0,9603892	0,974352
RP11-325K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9603944	NA
DPRXP4	0,00	0,00	0,00	0,34	0,9604105	0,974352
RP13-279N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9604221	NA
SNORA16B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9604247	NA
RP11-162D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9604396	NA
RP11-189B4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9605664	NA
RP11-89H19.1	0,00	0,12	0,00	0,00	0,9606536	NA
RNU6-632P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9606703	NA
RP11-645C24.2	5,60	5,82	6,04	5,09	0,9607139	0,974574
RP11-527H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9607177	0,974574
RP11-759F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9607576	NA
SYNGR4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9607778	NA

TRBV8-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9609216	NA
RP11-340I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9610112	NA
CFAP46	0,00	0,39	0,00	0,00	0,9610836	0,974901
SNORD69	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9611195	NA
FRMPD1	0,32	0,29	0,00	0,42	0,9612008	0,974975
CTC-543D15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9612023	NA
RP11-295H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9612092	NA
MIR3929	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9612839	NA
CTA-150C2.22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9613403	NA
RP11-492I21.1	0,00	0,55	0,00	0,00	0,9614153	0,975113
RP11-392A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9614236	NA
TRMT5	0,55	1,23	0,81	0,26	0,9614832	0,975113
RNY1P9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9614848	NA
CEP135	3,27	3,17	2,59	2,16	0,9615091	0,975113
ARPP19	4,44	5,17	4,03	4,28	0,9615118	0,975113
RNU6-288P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9615193	NA
RP11-260N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9615301	NA
RNA5SP229	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9615617	NA
HNFB4GP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9616383	NA
RN7SL415P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9616459	NA
RP5-1051H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9616856	NA
OR9G4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,961749	NA
RP11-907D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9617594	NA
RP11-22P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9618241	NA
CTD-2540C19.1	0,00	0,09	0,00	0,00	0,9619428	NA
RP11-327E2.5	0,30	0,14	0,64	0,47	0,962014	0,975578
RP11-386I8.6	0,15	0,25	0,00	0,10	0,9620963	0,975617
IGKV1D-33	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9621111	NA
CTD-2210P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9621426	NA
RP11-247C2.2	0,31	0,38	0,23	0,22	0,9622209	0,975688
MUC5B	0,00	0,01	0,00	0,00	0,9622328	NA
TRBV5-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9622713	0,975688
URB2	0,10	0,00	0,03	0,12	0,962298	0,975688
POU3F2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9623216	NA
RP11-483I13.2	0,05	0,08	0,05	0,03	0,9623516	0,975697
RP11-571M6.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9623768	NA
RP11-442H21.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9624111	NA
MFNG	5,78	5,10	4,61	5,04	0,96242	0,975722
CITED1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9624212	NA
RP11-634B7.4	0,28	0,75	0,41	0,77	0,9624687	0,975727
RP11-96F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9624785	NA
RP11-122G18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9625447	NA
RP11-244K5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9625467	NA
VWDE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,96262	NA
RN7SL493P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,962666	NA
ZNF286A	1,42	0,70	2,10	2,07	0,9626911	0,975908
RP11-448G4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9627119	NA
RF00622	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9629149	NA
NAA11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,962942	NA
RP11-262H14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9630009	NA
RNU6-680P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9630292	NA
MIR302D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9630443	NA
AC016722.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9630553	NA
SOX12	0,05	0,36	0,13	0,41	0,9630612	0,976239
RNA5SP85	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9631801	NA

AC010879.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9632572	NA
TAMM41	3,60	2,40	3,82	2,55	0,9632638	0,976387
ELMO3	0,00	0,12	0,03	0,19	0,9633056	0,976387
AC096591.1	0,17	0,00	0,00	0,00	0,9633371	NA
UBQLN4	1,94	0,67	2,23	1,02	0,9633389	0,976387
RP11-138H8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9633689	NA
RP11-798G7.3	2,55	2,03	2,28	2,18	0,9634086	0,976403
AC079305.11	0,00	0,67	0,00	0,00	0,9634433	0,976403
RNU6-928P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9635056	NA
RP11-1365D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9635267	NA
RPS3P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9635754	NA
IL22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9635893	NA
RP11-117D22.2	4,03	3,86	2,36	2,78	0,96359	0,976508
RP11-45F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9635935	NA
RP11-401E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9636283	NA
RP11-56H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9636331	NA
RP11-148K1.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9636592	NA
OR7E110P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9637402	NA
RP1-190I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9637843	NA
RNA5SP278	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9637976	NA
RP11-85E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9638029	NA
FAM3C2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9638062	0,976612
TAF7	5,59	5,69	5,44	4,95	0,9638107	0,976612
RP11-588H23.3	1,13	1,44	0,94	0,78	0,9638247	0,976612
RF00190	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9638835	NA
SNORD46	0,00	0,00	0,00	1,85	0,9640372	NA
AC011247.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9640548	NA
RP11-468E2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9642015	NA
RP11-219A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9642643	NA
OR7E23P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9642804	NA
RP11-383C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9643334	NA
RP11-164A7.1	4,10	3,98	3,67	3,40	0,9643738	0,977097
RNA5SP294	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9643779	NA
RP11-885L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9643928	NA
B4GALT5	1,71	2,11	1,92	0,64	0,9643998	0,977097
RP5-1103B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9644383	NA
MST1R	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9644487	NA
FIG4	3,99	1,57	3,61	3,97	0,9644807	0,977097
CDIPT	4,40	4,27	3,59	4,35	0,9645574	0,977097
LLNLF-176F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9645815	NA
RP11-46H11.11	1,27	0,20	1,63	0,65	0,9646144	0,977097
PPP1R12B	3,11	2,43	3,25	1,67	0,964627	0,977097
SPAG1	1,63	0,10	1,40	0,60	0,9646403	0,977097
CBX6	3,75	3,70	3,64	3,69	0,9647095	0,977097
RN7SKP222	1,64	0,00	0,00	0,00	0,9647311	0,977097
AP002856.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9647631	NA
RP11-464C19.3	0,77	0,97	0,32	0,70	0,9647668	0,977097
SPATA6	2,58	0,37	1,66	1,92	0,964823	0,977097
ZNRF2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9648238	NA
PDK4	1,42	1,13	0,88	1,21	0,964835	0,977097
RP13-43E11.1	0,00	0,28	0,00	0,27	0,9648753	0,977097
RNU6-1285P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9650038	0,977157
ADCK5	3,01	2,95	2,06	1,79	0,9650222	0,977157
RP11-252I14.1	0,00	0,00	0,00	0,25	0,9650411	NA
AP000282.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9652325	NA

RP11-340I6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9653604	NA
RP11-475E11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9653681	NA
RP5-920G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9653853	NA
RNU6-1005P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9653916	NA
AF238380.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9653962	NA
RP11-554A11.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9654007	NA
RP11-65L3.3	0,15	0,49	0,40	0,93	0,9654174	0,977479
MFSD2B	0,04	0,14	0,04	0,14	0,9654279	0,977479
AC010731.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,965463	NA
AC127391.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9654696	NA
AC008592.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9655288	NA
TRPS1	3,44	1,10	3,42	2,78	0,9655412	0,977508
RP5-1057I20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9655426	NA
MYOZ3	0,06	0,04	0,05	0,22	0,9655638	0,977508
RP11-181D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9655698	NA
UTS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9655892	NA
CISD1	4,95	4,36	4,54	4,72	0,9656024	0,977508
COPA	6,26	6,12	6,06	5,31	0,9656328	0,977508
RNU6-993P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9656487	NA
OR11H5P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9656629	NA
AC004471.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9657123	NA
PDGFB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9657234	NA
SMAP2	6,85	6,60	6,54	6,70	0,9657724	0,977605
MIR5094	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9657876	NA
RP11-351M16.4	0,00	0,00	0,00	0,17	0,9658607	0,97765
GPAT2	0,00	0,35	0,00	0,00	0,9659104	0,977655
BZW1L1	0,00	0,00	0,87	0,00	0,9660348	0,977706
RP11-119D9.1	0,96	0,41	1,76	2,23	0,9660742	0,977706
RP11-436H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9660797	NA
FXYD3	1,01	1,32	1,38	0,24	0,966092	0,977706
LOC124685	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9661581	NA
RP11-585F1.8	0,00	1,55	0,00	0,00	0,9662013	NA
RP11-21M7.1	0,24	0,29	0,16	0,13	0,9662536	0,977799
RP11-517H2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9662546	NA
AC102948.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9662734	NA
RP1-32I10.10	0,00	2,68	0,00	0,00	0,9662745	0,977799
RP11-648K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9663323	NA
RP11-467L13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,96634	NA
KXD1	6,08	6,23	5,85	5,27	0,9663657	0,977799
CTD-2124B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9663715	NA
CEP41	2,18	2,82	1,30	1,48	0,9663857	0,977799
KCNC1	0,64	0,60	0,44	0,52	0,9664044	0,977799
RP11-789C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9664178	NA
AB019437.56	0,00	0,00	0,00	0,00	0,966433	NA
AC016629.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9664495	NA
RP11-64D24.4	0,34	0,32	0,18	0,28	0,9664673	0,977818
TEX264	5,79	4,55	5,70	5,49	0,9665183	0,977825
RN7SL334P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9665649	NA
SNORA40B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9666714	NA
RP5-907C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9667284	NA
RP11-188P20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9667926	NA
VPS11	4,96	4,87	4,88	5,28	0,9668125	0,97803
MIR3198-2	0,00	1,92	0,00	0,00	0,9668249	NA
TCP11X1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9668571	NA
FDPS	6,74	6,33	6,25	5,64	0,9668854	0,97803

RAD52	2,53	1,68	2,57	2,45	0,9669279	0,97803
RP11-131I3.1	0,05	0,08	0,05	0,03	0,9669313	0,97803
LSG1	3,69	4,04	3,09	2,60	0,9669572	0,97803
CDC37	5,43	4,53	5,20	5,10	0,966985	0,97803
ZBTB32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9669887	NA
RP11-369K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9670417	NA
AC006486.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9671324	NA
ADAM20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,967291	NA
KIAA0895	0,00	0,10	0,00	0,13	0,9673119	0,978317
RP11-336N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9673473	NA
PNMA5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9674115	NA
RP11-62I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,967471	NA
POTEKP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9675103	NA
STAG2	5,27	4,96	5,41	5,47	0,9675145	0,978477
RN7SL210P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9675302	NA
RP11-325K4.2	2,27	1,53	0,22	0,92	0,9675892	0,978488
VN1R83P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9676077	NA
TMEM2	3,51	4,44	3,69	4,34	0,9676137	0,978488
AC073063.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9676525	NA
AC109333.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,967795	NA
ZNF512	3,44	0,78	2,26	2,78	0,9677989	0,978631
SNORD3H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9678724	NA
WRAP73	4,03	4,63	4,01	1,70	0,9679714	0,978715
RF02187	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9679744	NA
FAM209A	0,00	0,00	0,00	1,53	0,9679971	0,978715
NCR1	0,07	0,09	0,05	0,18	0,9680144	0,978715
MIR548AE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,968041	NA
SNORD92	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9680809	NA
RN7SL714P	0,87	1,38	0,94	1,40	0,9680862	0,978743
AC006335.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9681	NA
AC013275.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9681393	NA
RP11-368I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9681593	NA
RP11-360F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9681684	NA
RP3-414A15.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9681793	NA
ATG9B	0,11	1,06	0,18	0,04	0,9681936	0,978807
RNU6-925P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9682484	NA
RP11-11M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9682536	NA
MIR1972-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9682967	NA
MIR1972-2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9682967	NA
MIR342	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9683154	NA
FGF1	0,00	0,00	0,00	0,27	0,9684022	0,978958
KBTBD11	0,49	0,08	0,83	0,53	0,9684302	0,978958
RNU2-70P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9684491	NA
RP3-412A9.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9684935	NA
RNU2-27P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685121	NA
LDHAP7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685403	NA
RP11-271K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685598	NA
RP3-508I15.16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685882	NA
RP11-778P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685956	NA
RP11-257P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9685979	NA
RP11-494H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9687034	NA
RP1-214M20.2	0,00	0,39	0,00	0,00	0,9687976	NA
RN7SKP177	2,31	2,65	2,21	2,07	0,9688276	0,979297
RP11-254I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9688404	NA
CALCB	0,00	0,00	0,00	0,06	0,9688536	0,979297

RP5-899B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9688865	NA
RP11-83N9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,968926	NA
RF01978	0,00	0,00	0,00	0,30	0,9689405	NA
HLA-U	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9689957	NA
HSPBP1	3,55	3,59	2,70	1,95	0,969011	0,979411
TFDP2	4,04	2,96	3,57	4,32	0,9691343	0,979425
RP11-611O2.5	2,41	1,49	2,69	3,06	0,9691384	0,979425
RP11-244O19.1	0,00	0,07	0,00	0,00	0,9691887	0,979425
ZDHHC16	2,96	0,40	2,80	1,07	0,9692012	0,979425
RNU6-711P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,96931	NA
RN7SL308P	0,35	2,03	0,39	0,00	0,9693728	0,979554
FRMD6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9694481	NA
ACO99552.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9695111	NA
HEY1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9695262	NA
RP3-420J14.1	0,91	1,03	0,97	0,90	0,9695263	0,979665
ACO06116.15	0,00	0,14	0,00	0,26	0,9695306	NA
RP11-81A22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9695583	NA
RP11-126D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9695775	NA
HCG11	1,52	1,31	1,03	1,52	0,9695864	0,979681
RPL41P2	0,00	0,58	0,00	0,55	0,9695976	NA
TPBG	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9695989	NA
RAP1GAP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9696023	NA
OR7E91P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,969616	NA
RP11-15B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9696275	NA
RP11-521J5.1	0,00	0,25	0,00	0,00	0,9696436	NA
RP11-85F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9696813	NA
RP5-894A10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,969721	0,979737
VASH2	1,01	1,27	0,82	0,57	0,96973	0,979737
RP11-271C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,969754	NA
RP11-244B22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9697673	NA
GOLGA6L17P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698342	NA
AE000661.37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698411	NA
LRIT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698665	NA
NACAD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698732	NA
RP11-793J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698776	NA
UBD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9698847	NA
OCM2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9699178	NA
RNU6-282P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9700212	NA
AL049757.3	0,13	0,00	0,04	0,16	0,9700507	NA
TSSK6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,97007	NA
PRAMEF14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9700851	NA
RP11-574M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9700888	NA
RP11-380D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9701429	NA
CCL27	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9701623	NA
FAM46B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9701704	NA
CABIN1	2,78	3,39	3,57	3,70	0,9701957	0,980094
RP11-253E3.3	0,03	0,08	0,05	0,07	0,9702106	0,980094
ZNF501	0,11	0,17	0,15	0,19	0,970216	0,980094
RP11-829H16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9702199	NA
RP11-517O13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9702814	NA
RP11-407P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9702862	NA
RP11-106E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9703102	NA
RP3-512E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9703602	NA
CTC-366B18.4	0,40	0,13	0,24	0,29	0,9703872	0,9802
TRAK1	3,81	3,69	3,66	1,53	0,970414	0,9802

RP11-703H8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9704184	NA
CTA-229A8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9704653	NA
RP11-462G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,970475	NA
RN7SL674P	0,00	0,98	0,00	0,84	0,9704823	0,9802
TRG-AS1	2,85	3,46	2,28	3,29	0,9705543	0,9802
UBE2B	7,81	6,59	7,52	7,64	0,9705744	0,9802
CTD-2555O16.4	0,21	0,42	0,27	0,56	0,9705857	0,9802
RP11-455B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9705898	NA
LLNLR-275H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9706141	NA
MACF1	5,79	5,45	5,72	5,02	0,9707933	0,980365
GPX6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9708366	NA
CACNA2D1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9708712	NA
AC092484.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9709618	NA
EFCAB4B	1,81	0,67	2,07	0,45	0,9709723	0,980502
NEDD8-MDP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9709727	NA
SMIM9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9710051	NA
AC004893.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9710687	NA
RP11-1360M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9711025	NA
GJA10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9711588	NA
RP11-707M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9712072	NA
RP1-50A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9712239	NA
CTC-512J14.7	0,11	0,14	0,07	0,00	0,9712613	NA
RP11-109D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9713226	NA
PYY2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9713908	NA
RNU5E-10P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9714051	NA
TTC36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9714091	NA
RP11-822E23.8	0,00	0,15	0,00	0,05	0,9714096	0,980899
RP11-339N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9715014	NA
HIST1H4B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9715416	NA
CTA-253N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9715659	NA
SNHG10	3,16	2,26	1,83	3,16	0,9715896	0,981036
CH17-55D9.1	1,32	1,37	1,62	1,05	0,9716688	0,981071
WDYHV1	3,56	2,18	2,60	2,48	0,9717369	0,981095
RP11-173A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9717412	NA
RP13-126C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9717678	NA
RNU6-516P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9718265	NA
THAP9	1,86	1,73	1,36	0,93	0,9718811	0,981196
AC007349.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9719125	NA
NETO1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9720482	NA
ULK3	3,09	2,81	2,31	2,24	0,9720706	0,981343
INTS8	4,92	3,85	3,35	4,98	0,9721641	0,981393
RP11-94M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,972261	NA
AP000275.65	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9723135	0,981499
SIGLEC20P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9723489	NA
RP11-165M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9723923	NA
STAT3	5,19	4,77	5,31	4,64	0,9724803	0,981623
RP11-431K24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9724918	NA
SNORA74D	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9727215	NA
AC011518.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9727236	NA
INE2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9727472	NA
RNU2-18P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9728171	NA
XXbac-BPG300A18.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9728202	NA
RP11-135D11.2	0,00	0,38	0,05	0,35	0,9728614	0,981963
LHX1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9728853	NA
INSM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9728881	NA

IGSF9B	0,00	0,00	0,00	0,22	0,9729109	NA
TRIM35	1,35	0,85	0,54	0,66	0,9729496	0,982008
RP11-516J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9729623	NA
CTD-2135J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9730755	NA
ZFP64	2,20	1,39	1,63	1,34	0,9730948	0,982093
CTSE	0,00	0,07	0,03	0,01	0,9731231	0,982093
NUDT11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731383	NA
RP13-228J13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731411	NA
GLRA2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731489	NA
RP1-63M2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731537	NA
AC002400.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731652	NA
RP11-404L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9731654	NA
FAM177A1	5,12	4,62	4,98	4,71	0,9732145	0,982141
RP11-290D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9733621	NA
RP11-543G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,973367	NA
RP11-30J20.1	0,00	0,76	0,00	0,00	0,9733959	NA
AATK	0,00	0,45	0,00	0,07	0,97341	0,982288
RP11-657K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9734852	NA
RP11-45F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9735018	NA
CLDN8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9735037	NA
SDHAF3	3,31	0,83	3,47	1,62	0,9735224	0,982288
PPIB	8,82	8,42	8,78	8,95	0,9735303	0,982288
CCNE1	0,00	0,22	0,00	0,97	0,9735369	0,982288
TLL8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9735432	NA
PMCH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9735756	NA
RP11-805L22.2	0,00	0,09	0,10	0,09	0,9736397	0,982347
RNA5SP448	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9736597	NA
RP4-800G7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9736953	NA
AF131215.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9737445	NA
RP11-757O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9737691	NA
TAS1R2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9737752	NA
RP11-355B11.2	2,95	3,29	2,47	2,61	0,9737778	0,982442
BMS1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9738766	NA
CTC-435M10.10	0,00	0,37	0,00	0,00	0,9739301	NA
RP11-545E17.3	2,94	2,15	2,80	3,14	0,9739596	0,982581
RP1-37M3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9740439	NA
CTD-2666L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,974058	NA
RP11-439E19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,974064	NA
RP11-818O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9741505	NA
RP5-854E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9742027	NA
TMCO5B	0,00	0,00	0,00	0,08	0,9742727	NA
C16orf59	0,00	0,00	0,00	0,00	0,974337	NA
OR5B2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9743483	0,982928
CTD-2384B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9744351	NA
ZMYND12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9744437	NA
COMT	7,63	7,60	7,64	6,91	0,9744875	0,983024
RNU6-603P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,974517	NA
RP5-991G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9745318	NA
XIST	5,79	6,13	6,02	5,83	0,9745384	0,983031
SPANXN1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9745991	NA
CT55	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746095	NA
AC097523.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746102	NA
AC105760.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746256	NA
RP5-1173I20.1	0,00	0,01	0,00	0,00	0,974631	NA
RP11-327F22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746411	NA

RP11-276E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746487	NA
RP11-480N24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746716	NA
RP5-896L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9746779	NA
CTC-513N18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747009	NA
NEURL4	0,18	0,90	0,26	0,56	0,9747479	0,983158
CTC-209H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747486	NA
PRKX	4,12	3,56	3,91	3,97	0,9747528	0,983158
ABC7-481722F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747564	NA
RP5-981O7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747813	NA
RP11-445H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747955	NA
RPL23AP24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9747991	NA
RP11-1136J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9748626	NA
RP11-305O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9748717	NA
Z84812.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9749231	NA
CTC-268N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9749253	NA
RP11-177C12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9749271	NA
OR4K2	0,07	0,02	0,04	0,07	0,9749749	0,983337
AC108056.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9749893	NA
CTAGE3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9750115	NA
RP11-240A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9750247	NA
ATRIP	0,83	1,22	0,55	0,67	0,9750451	0,983363
ITGAD	0,00	0,00	0,00	0,20	0,9750848	NA
TRAJ55	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9751586	NA
RP1-30G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,975194	NA
RP11-173P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9752283	NA
RP11-93K22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9752491	NA
RP11-394I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9752502	NA
MIR3161	0,00	0,00	0,00	0,00	0,975276	NA
AC016644.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9752889	NA
RN7SKP187	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9753165	NA
OR1L3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9753308	NA
RP4-791M13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9753967	NA
CTD-2509G16.4	0,36	0,43	0,33	0,00	0,9754644	NA
OR7E7P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9754712	NA
RP11-42D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9754816	NA
MATN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9754837	NA
AC013267.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9754957	NA
RP11-56H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9754973	NA
HNRNPUL2-BSC12	0,00	0,32	0,00	0,00	0,9755018	0,983779
RP11-92B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9756396	NA
AC007009.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9756612	NA
RP11-998D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9757243	0,983919
ZNF431	3,46	3,09	3,40	3,00	0,9757393	0,983919
RP11-901L6.1	0,00	0,00	0,53	0,85	0,9757523	NA
RP11-229E13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9757732	NA
ERF	0,00	0,00	0,02	0,05	0,9758095	0,983919
DNAJB13	0,42	0,44	0,34	0,53	0,975817	0,983919
AC092651.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9758215	NA
CTD-2265O21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9759215	NA
RNU6-720P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9759322	NA
RP11-553D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9759642	NA
RNU6-245P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9761342	NA
RP11-389G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,976162	NA
AC005550.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9762638	NA
AC092573.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9762932	NA

RPL34P21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9762968	NA
C11orf98	6,11	5,68	6,08	5,92	0,9763307	0,984364
FAM69A	1,90	2,00	0,79	0,72	0,9763472	0,984364
MED19	3,79	3,19	3,48	3,07	0,9764269	0,98437
AC093375.1	0,17	0,00	0,10	0,14	0,9764417	0,98437
RP11-38C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9764475	NA
RP4-798P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9764648	NA
RP4-686C3.7	0,00	0,00	0,00	0,19	0,976469	NA
CYP2AB1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9765142	NA
OLFML2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9765667	NA
RDH8	0,43	0,53	0,44	0,00	0,9766161	NA
CTD-2179L22.1	1,13	1,62	0,69	0,41	0,9766421	0,984527
RPS3AP32	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9766445	NA
CTC-260E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9766655	NA
RP11-33N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9766754	NA
RP11-22P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9768079	NA
RP11-701H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9768808	NA
RNU6-360P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9769296	NA
RP11-98F14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9769682	NA
RP11-507K13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9769703	NA
RP11-520H14.6	0,00	0,18	0,00	0,00	0,9769714	NA
RP5-958B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9770557	NA
RNA5SP187	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9770667	NA
AC005795.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9770843	NA
RP11-548O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9771386	NA
MBIP	3,27	3,91	3,13	1,24	0,977151	0,984995
CH507-42P11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9771968	NA
DDN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9772213	NA
RP11-214K3.23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,977251	NA
RP11-111A22.1	0,60	0,00	0,59	1,04	0,9772562	0,985047
AC009960.8	0,95	0,73	0,62	0,80	0,9773246	0,985047
HYMAI	0,00	0,08	0,00	0,11	0,9773347	0,985047
RP11-817J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9773452	NA
AC002310.13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9773473	NA
RP11-261C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9773507	NA
RNU6-879P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9773602	NA
RP11-85L21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9774487	NA
MIR186	0,00	0,00	0,00	2,05	0,9775154	NA
RP11-638I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9776013	NA
RP11-183M13.1	1,83	1,55	1,47	1,05	0,9776161	0,985286
RP11-55K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9776563	NA
RP11-203M5.6	0,00	0,20	0,00	0,00	0,9776661	NA
RP11-101C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9777987	NA
RP11-805F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9778372	NA
AC139452.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,977999	NA
GRK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9780182	NA
RP11-345I18.3	0,00	0,00	0,00	1,02	0,9780223	NA
TMEFF2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9780305	NA
RP11-849F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9780764	NA
RP11-77H9.1	0,35	0,55	0,37	0,37	0,978088	0,985717
PODN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9781384	NA
EPHX3	0,00	0,08	0,00	0,00	0,9781941	NA
RP11-490H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9782324	NA
RF01877	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9782893	NA
RP11-190C22.1	0,00	0,30	0,00	0,00	0,978303	NA

ELAVL2	0,31	0,26	0,33	0,58	0,9783105	0,985873
C21orf119	4,10	2,97	3,00	0,43	0,9783324	0,985873
RP11-184M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9784072	NA
RP11-597D13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9784145	NA
ENKUR	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9784384	NA
PDZK1P1	0,00	0,16	0,00	0,03	0,9785271	0,986025
RP11-249M12.1	0,00	0,55	0,00	0,00	0,9785727	NA
RARS2	4,55	4,46	4,13	3,58	0,9786236	0,98605
SCYL2	3,77	3,55	3,26	3,48	0,9786411	0,98605
TAS2R63P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,978763	NA
SRA1	6,42	6,28	6,35	6,29	0,97877	0,986136
IGLJ3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9787705	NA
ZSWIM5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9788709	NA
AP001258.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9788913	NA
DNAJA1	7,06	7,08	6,87	6,88	0,9789489	0,986271
TAS2R43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9789758	NA
RP4-730K3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,978991	NA
TBC1D2B	3,25	3,99	3,12	3,65	0,9790411	0,986319
RP5-968J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9790547	NA
RP11-669M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9790719	NA
SERHL	0,00	0,34	0,00	0,00	0,9791083	0,986342
RP11-109N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9791538	NA
RNU6-195P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9792168	NA
HSD3B2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9793189	NA
RP11-580P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9793673	NA
CTC-429P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9793824	NA
RP11-239H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9793974	NA
RP11-64K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9794357	NA
RP11-43P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9794556	NA
RPL21P119	0,68	0,86	0,00	0,00	0,9794612	NA
RP5-862P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9794653	NA
RP11-10E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9794934	0,986685
RP11-516A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9795276	NA
EID2B	2,11	0,16	1,94	1,12	0,9795575	0,986705
OR4C45	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9795906	NA
RP11-562A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9796088	NA
AC011816.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797014	NA
CATSPERG	0,90	0,92	1,17	1,03	0,9797075	0,986812
AGGF1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797118	NA
IGLV4-60	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797203	NA
RP5-1090P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797247	NA
RP11-119F19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797378	NA
JPH3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797388	NA
ZNF112	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797506	NA
RNU2-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9797584	NA
IMP3	6,25	6,03	6,03	5,88	0,9797922	0,986852
TUBB2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9798122	NA
RP11-307I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9798324	NA
AC005614.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,979852	NA
RP11-632K20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,97987	NA
MAN2A1	4,55	3,54	4,42	3,08	0,9799012	0,986913
RP11-689I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9799252	NA
RP11-267J23.1	0,72	0,73	0,71	0,42	0,9799413	0,986913
RP11-626G11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9799417	NA
RP11-597A11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,979971	NA

WI2-85898F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,979979	NA
KBTBD2	4,67	4,67	3,98	4,35	0,9800331	0,986961
RP11-154H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9800427	NA
SPEF2	0,61	0,47	0,92	0,76	0,9800877	0,986971
CTC-503K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9801081	NA
AMN	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9801498	NA
RP1-7G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9801653	NA
MIR320D1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9802239	NA
AC004166.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9802351	NA
RP11-366M4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9802426	NA
RP11-293M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9802533	NA
RP11-1236K1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9802938	NA
AC106870.2	0,00	1,08	0,00	1,18	0,9802969	0,987137
RP11-441F2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,980318	NA
RP11-614F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9803522	NA
RTP4	0,09	0,09	0,06	0,35	0,9803926	0,987151
SYNJ2BP	2,87	2,39	2,36	2,52	0,9804001	0,987151
RP11-686D22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9804428	NA
RNU6-862P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9804946	NA
RP11-16E12.1	2,46	2,30	2,21	2,18	0,9804947	0,987191
RP11-734K2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9805306	NA
MRS2	4,17	3,63	3,60	3,01	0,9805394	0,987191
METTL22	4,25	4,75	4,82	4,39	0,9805725	0,987191
RP11-25I15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9805827	NA
TRIM51	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9805835	NA
MIR664A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9805871	NA
RP11-307L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,98059	NA
SDR42E1	0,01	0,19	0,03	0,06	0,9806561	0,987202
RP11-75A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9806666	NA
CCDC30	2,27	1,78	1,57	1,27	0,9806738	0,987202
SIGMAR1	4,35	4,48	3,58	2,88	0,9807169	0,987202
RP11-180C16.1	0,00	0,31	0,00	0,65	0,9808122	0,987253
RP11-813P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9808517	NA
MAPK6	3,20	2,52	2,24	2,56	0,9808579	0,987255
RP11-530N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9809418	NA
TBPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9809462	NA
C19orf54	2,81	1,02	2,04	1,91	0,9809667	0,987308
RGL3	0,49	0,54	0,37	0,84	0,9809995	0,987308
RP11-342F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9810119	NA
NUTM1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9810468	NA
AC138972.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9810699	NA
RP11-235E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9813284	NA
RNU6-157P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9813817	NA
RP11-157L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9814074	NA
LINC01246	0,00	0,29	0,00	0,00	0,9814359	NA
MIR4489	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9815353	NA
OR10AF1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9816494	NA
XRCC1	2,40	1,38	2,82	1,64	0,9816743	0,987877
RP11-522I20.3	0,84	0,00	0,18	0,00	0,9816982	0,987877
FKBP15	4,26	4,07	3,76	3,54	0,9816982	0,987877
LYVE1	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9817017	NA
RXFP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9817494	NA
SSX2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9817923	NA
AC024937.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9818054	NA
CTA-351J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9818647	NA

CTD-2647L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9819152	NA
RP11-178C3.2	1,15	1,99	1,58	1,66	0,9819885	0,988124
RF00586	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9820269	NA
MTMR4	2,66	1,71	1,84	2,13	0,9820457	0,988129
ELOA2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9820652	NA
TP53	4,39	4,35	4,47	3,74	0,982082	0,988129
CTD-2382E5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9822282	NA
MIR6807	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9822662	NA
CH17-13I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9822763	NA
SLC26A3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9822909	NA
AF129408.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9823021	NA
RP11-534L20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,982343	NA
RNU4-39P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9823498	NA
GPR87	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9823562	NA
AC015688.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9823908	NA
RP4-536B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9823956	NA
FRG1FP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9824402	NA
CTD-2562J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9824656	NA
RP11-137O10.1	0,00	0,00	0,51	0,00	0,98247	NA
RP11-138A9.1	3,18	3,44	3,36	3,30	0,9824855	0,98849
CTC-215O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9825625	NA
RF00024	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9825654	NA
AC005067.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9826159	NA
AC007283.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9826575	NA
CTD-2012K14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9827128	NA
RPS19P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9827165	NA
RRP1B	1,89	1,35	1,96	1,37	0,9827428	0,988704
RP11-296L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9827681	NA
TRBJ2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9827728	NA
CTD-2132N18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,982904	NA
NRBP1	5,38	4,36	5,12	4,67	0,9829041	0,988727
ISY1-RAB43	0,00	0,00	0,05	0,10	0,9829363	0,988727
RP11-156E6.1	0,64	1,19	0,50	0,41	0,9829663	0,988727
RP11-863P13.2	0,00	2,29	0,96	1,34	0,9829752	0,988727
PNKD	5,17	5,86	5,54	5,40	0,9829882	0,988727
RP11-29H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,98302	NA
RP11-125K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9830564	NA
HCG9P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9831065	NA
RN75L650P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9831665	0,988862
AC097532.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9831713	NA
PCDHGA4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983226	NA
RP11-495P10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9832698	NA
RP11-382A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9832752	NA
SMIM10L2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9833195	NA
AC004941.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983345	NA
OCLM	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9834145	NA
MTHFD1	4,88	1,58	4,47	3,72	0,9834373	0,989089
AC016689.1	0,40	0,60	0,50	0,83	0,9834995	0,989107
FRG2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983505	NA
NANOGP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9835655	NA
AC005339.2	1,61	1,33	1,01	2,37	0,9835884	0,989116
RP11-217B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9835976	NA
RP11-286H15.1	0,64	0,70	0,39	0,51	0,9835979	0,989116
AL050303.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983624	NA
C1QTNF9B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9836266	NA

RP11-1055B8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983638	NA
RP11-472M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,983643	NA
RP11-370I10.6	0,26	0,35	0,00	0,37	0,9836767	0,989151
AC010149.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9837566	NA
RP11-329E24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9838195	NA
RP13-16H11.1	0,12	0,00	0,00	0,00	0,9838291	0,989259
MIR619	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9839551	NA
RP11-506B6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9840207	NA
RP11-65D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,984026	NA
A4GNT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9840378	NA
DDX17	6,40	5,38	6,14	6,07	0,9840797	0,989467
AC019330.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9841745	NA
HPGDS	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9841995	NA
RPL21P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,984215	NA
RP11-305I9.3	0,00	0,30	0,00	0,00	0,9842523	0,989493
IGSF23	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9842531	NA
CTC-360J11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9842647	NA
RPP25L	4,52	5,28	5,09	5,02	0,9842923	0,989493
RNU7-77P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9842924	0,989493
RN7SKP30	0,00	0,00	0,00	1,89	0,9842954	0,989493
CTC-209H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9843028	NA
RP11-480I12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9843084	NA
AGT	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9843122	NA
RP11-809H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9843127	NA
HAUS6	1,60	1,00	1,08	1,15	0,9843286	0,989493
SMARCA5	3,92	3,40	3,85	3,69	0,9843846	0,989505
RP11-114I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9843991	NA
RP13-188P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9844081	NA
MIR4526	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9844712	NA
AMOTL2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9844757	NA
RP11-18M17.2	1,93	2,86	2,33	2,77	0,9844871	0,989563
CNIH3	1,87	2,15	2,03	2,73	0,9845638	0,989595
RNU2-46P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9846411	NA
RP11-178C10.2	0,00	0,00	0,43	0,41	0,9846915	0,989679
RP11-494O16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9847003	NA
RP4-545L17.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9847211	NA
LAMP2	5,43	4,60	5,39	4,91	0,9847395	0,989682
AC104809.2	0,00	0,06	0,00	0,00	0,9847554	NA
RP11-680G24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9848089	NA
RP11-745O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9848346	NA
RNU6-705P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9848392	NA
AC016710.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9848689	NA
RP1-167A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9849347	0,989834
RP11-255I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9849396	NA
CTD-2139B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9850091	NA
AC010877.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9850319	NA
RP11-395E19.2	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9850772	NA
LA16c-325D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9850842	NA
RNA5SP477	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9851287	NA
RP11-2E11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,985152	NA
CTD-2530N21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9852253	NA
AC010082.2	0,65	1,55	1,70	2,03	0,9852389	0,990095
RNU6ATAC40P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9852442	NA
RP11-63L7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9853064	NA
RN7SL794P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9854269	NA

RP11-109A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9854765	NA
AC012454.4	0,11	0,01	0,25	0,20	0,9854785	NA
RF01169	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9855034	NA
ASNS	3,47	1,78	2,34	2,79	0,9855263	0,990295
GNAI1	1,61	2,58	2,02	2,16	0,9855278	0,990295
RP11-152P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9856718	NA
ID4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9856846	0,990408
RP11-191G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9857228	NA
RP4-566L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9857476	NA
DIRC2	1,92	2,72	1,76	1,48	0,9857784	0,990431
MYLIP	4,91	5,24	4,96	4,90	0,9857962	0,990431
RP11-114M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9858234	NA
RP13-228I13.5	2,32	2,89	1,88	2,36	0,9858476	0,990438
GAPDHP38	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9858754	NA
RP11-554D14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9859628	NA
RP4-733M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9859654	NA
CAPN8	0,00	0,00	0,00	1,54	0,9860271	0,990546
RP11-457M11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9860332	NA
WEE1	0,65	0,72	1,06	1,09	0,986045	0,990546
PCDHB18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861021	NA
RNA5SP307	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861058	NA
GAPDHP68	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861178	NA
COX6A1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861707	NA
FAM216B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861753	0,990633
RP11-708L7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861795	NA
RNU6-135P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861916	NA
RP5-1120P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9861962	NA
RP11-452K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9862073	NA
RPEL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9862568	NA
MARK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9862658	NA
RP11-362K14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,986376	NA
AC009948.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,986429	NA
Xxbac-BPGBPG55C20	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9864598	NA
RP11-327L3.5	0,11	0,00	0,00	0,00	0,9865173	NA
CTD-3194G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9865245	NA
OR4G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9865471	NA
IL12A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9865535	NA
AC074093.1	2,52	3,28	2,47	2,65	0,9865852	0,991
CTD-2659N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9866014	NA
RP11-664H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9866105	NA
RP11-166A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9866677	NA
RP11-90P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9866778	NA
RP1-290I10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9867317	NA
FAM89A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9867522	0,991106
RPL18P13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9867643	NA
LRRC46	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9867808	0,991106
CCDC7	2,80	1,46	1,80	1,75	0,9868375	0,991119
RP11-676M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9870124	NA
RP11-793H13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9870799	NA
AC016697.3	0,00	0,89	0,24	0,55	0,9871094	0,991314
RP11-41O4.2	0,10	0,26	0,25	0,49	0,9871211	0,991314
RP4-612J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9871432	NA
RP11-956I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9871708	NA
RP11-74E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,987202	NA
COLEC11	0,89	0,89	0,43	0,39	0,9872236	0,991372

CTD-2015H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9872679	NA
AD000864.6	1,75	1,51	1,43	1,48	0,9873389	0,991443
RP11-1036E20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9873561	NA
RP11-159D12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9873728	NA
RP11-567M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9874049	NA
TRBJ1-3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9874344	NA
AC020550.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,987444	NA
HLA-L	1,73	2,38	1,81	1,97	0,9874909	0,99151
RP5-867C24.1	0,20	0,23	0,34	0,63	0,9874951	0,99151
PDHA1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9875183	NA
RP11-84P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,987537	NA
KB-1507C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9875655	NA
NT5DC4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9875793	NA
CTC-454I21.3	0,00	0,31	0,17	0,00	0,9875984	NA
DMRTC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9876678	NA
ACO09970.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9876746	NA
RN7SL518P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9878362	NA
RNU6-969P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,987869	NA
C15orf65	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9878955	NA
RP11-285C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9879422	NA
RP11-306I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,987999	NA
THSD1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9880011	NA
RP11-736G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9880448	NA
AP000240.7	0,00	0,57	0,00	0,00	0,9880687	NA
RP11-57H14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9880979	NA
AP001258.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881323	NA
HIGD1B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881521	NA
RP11-522L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881628	NA
SLC8B1	3,09	3,02	3,52	2,66	0,988178	0,992151
RP11-558A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881801	NA
RP11-304L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881895	NA
RP11-495K9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9881973	NA
KATNB1	1,67	1,25	1,49	0,60	0,9882521	0,992181
RP11-731I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9882582	NA
TENM3	0,00	0,04	0,00	0,00	0,9882597	NA
RP11-519G16.5	0,00	0,29	0,00	0,40	0,9884443	NA
AP004290.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9884503	NA
PAQR9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9884762	NA
RNA5SP153	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9884968	NA
TAS2R5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9885353	NA
RP3-442M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,988545	NA
RP11-274B21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9885952	NA
RNA5SP78	0,00	0,00	0,00	0,00	0,988627	NA
RP11-43P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9886333	NA
CTC-236F12.4	0,00	0,71	0,00	0,00	0,9886362	0,992521
RP11-367G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9886599	NA
RP11-54D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9887775	NA
UBE2V1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9887888	0,992586
ASB8	4,73	2,68	4,41	4,06	0,98879	0,992586
RP11-445L13_B.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888473	NA
RP4-633I8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888515	NA
DOK5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888525	NA
RP11-1084I9.3	0,00	0,39	0,00	0,00	0,988866	NA
CTC-297N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888724	NA
RNA5SP312	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888852	NA

RNA5SP315	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9888852	NA
KCNV2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9889291	NA
RP11-115H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9889294	NA
OTOF	0,00	0,03	0,00	0,41	0,9889984	0,992751
RP11-793B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890017	NA
AC010904.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890219	NA
RP4-706L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890243	NA
BPIFB9P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890246	NA
TLL13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890628	NA
GRM5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9890883	NA
RP11-736I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9891259	NA
EPAS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9892679	NA
RP1-166H4.2	0,00	0,00	0,11	0,19	0,9892751	0,992901
RP11-464D20.6	0,43	0,67	0,34	0,59	0,989294	0,992901
RNUSA-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9893092	NA
RPS10P28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9893121	NA
ZFAND2B	5,66	5,83	5,35	5,44	0,9893244	0,992901
HJURP	0,27	0,48	0,43	0,08	0,9893387	0,992901
RP11-542M13.2	0,44	0,94	0,59	1,15	0,9893717	0,992901
LGR5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9893722	NA
LTA	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9893828	NA
LNP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9894204	NA
RP11-432I13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9894328	NA
CTAGE9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9894365	NA
ER13	4,55	4,75	4,44	4,72	0,9894468	0,992932
SLC1A5	5,10	4,17	4,92	4,62	0,9895252	0,992965
EFNB3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9895503	NA
SLC16A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9897311	NA
RP11-371F15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9897774	NA
MED15P9	0,00	0,15	0,04	0,08	0,9897981	0,993194
RP11-23J9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,989863	NA
DUSP3	5,15	4,74	5,14	4,48	0,9898738	0,993226
RP11-365F18.3	0,07	0,29	0,14	0,35	0,9899503	0,993257
TUBBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9899537	NA
RP11-59H7.3	0,00	0,30	0,00	0,00	0,9899898	NA
SHD	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9900485	NA
RABL3	3,31	3,29	2,16	2,63	0,9900887	0,993351
RP11-332B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9901148	NA
RP11-797A18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9901674	NA
CTB-94B10.2	0,00	0,00	0,00	0,18	0,9901917	0,99341
RP11-20G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,990193	NA
CYP21A2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9902596	NA
AC094019.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9902766	NA
RP11-132I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9902853	NA
RP11-524O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903021	NA
RP11-829H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903077	NA
RP11-224O19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903584	NA
DYX1C1-CCPG1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903619	NA
RP11-40C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903748	NA
RP11-379F4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903899	NA
TMSB4Y	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9903918	NA
KRT6C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9904061	NA
OAS1	5,69	6,27	5,73	5,61	0,9904287	0,993603
RP11-10E18.5	1,18	0,00	1,00	0,80	0,990509	0,993639
RP11-294H11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9905463	NA

RPL7AP3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9905756	NA
CTD-2340E1.3	0,00	0,40	0,00	0,00	0,9906062	NA
RNU2-24P	0,00	1,64	0,00	0,00	0,990738	NA
RASD2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9907812	NA
RP11-234B24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9908088	NA
RP11-523H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9908164	NA
RPL9P25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,990841	NA
UBE2Q1	3,96	3,58	3,78	2,94	0,9908661	0,993952
CTC-325H20.4	0,90	1,69	2,08	2,06	0,9909702	0,994003
PDGFD	0,00	0,00	0,00	0,03	0,9910068	0,994003
TRGV2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9910279	NA
HMG2P28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9910404	NA
RP11-466P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9910416	NA
RP1-30M3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9910767	NA
MIR3135A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9910844	NA
METTL13	3,00	2,71	2,20	3,30	0,9911225	0,994075
RP1-69E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9911232	NA
CTC-529L17.1	0,56	0,90	0,07	0,00	0,9912225	0,99413
RP11-557J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9912588	NA
C2orf16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9913588	NA
HPDL	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9913955	NA
RNY1P13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9914035	NA
RP11-354K4.2	0,00	0,22	0,00	0,00	0,9914806	NA
AC066606.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9915206	NA
THAP7	3,36	3,07	2,49	3,09	0,9915441	0,994384
RN7SL424P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9915588	NA
MYO5A	4,77	4,20	4,70	3,94	0,9915657	0,994384
MIR367	0,00	0,00	0,00	0,00	0,991631	NA
PAGE4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9916532	NA
RP11-368P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9916941	NA
SNORA31	6,27	1,69	5,88	5,83	0,9918671	0,994642
KB-1205A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9918693	NA
NTSR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9918812	NA
KAT7	4,42	3,27	3,61	3,14	0,9919402	0,994653
SAP130	1,73	1,01	1,25	0,80	0,991968	0,994653
OR5BB1P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9920046	NA
RP11-329A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9920175	NA
RP4-599G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,992027	NA
RN7SL672P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9920556	NA
RP11-439A17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9920617	NA
CTA-215D11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9921177	NA
RP11-565A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9921307	NA
CTD-2506P8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9921343	NA
ACTL7A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9921653	NA
AC092155.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9922913	NA
RPL7AP33	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9923153	NA
RP11-266A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9923362	NA
COL4A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9923439	NA
RP11-527F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9923495	NA
CTC-270D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9923734	NA
RP11-404P21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924075	NA
AC096664.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924077	NA
FTHL1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924096	NA
AC107218.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924163	NA
EPN3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,992423	NA

RP11-15E18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924242	NA
RP11-392A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924599	NA
AL773572.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9924787	NA
RP11-38G5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9925061	NA
ZNF559-ZNF177	0,13	0,00	0,30	0,00	0,9925428	0,995139
RF00425	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9925577	0,995139
PAX4	0,00	0,07	0,00	0,00	0,9925866	0,995139
NCS1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9926245	NA
RF00494	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9926323	NA
RNF144B	6,09	3,91	5,23	5,09	0,9926472	0,995155
AP000281.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9926913	NA
AC097711.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,992723	NA
AC000089.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9927409	NA
OR7E140P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9927424	NA
AKR7L	1,95	1,92	2,02	1,86	0,9927719	0,995235
RP11-29H23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9928064	NA
RPL23AP49	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9928071	NA
RP11-627H22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,992829	NA
CTB-159G17.4	0,00	1,35	0,53	0,00	0,9928928	NA
LINC01144	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9929404	NA
RP4-735C1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9929511	NA
RP11-10B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9929859	NA
RP13-25N22.1	0,00	0,06	0,00	0,10	0,9930843	0,995503
UMAD1	2,23	2,99	1,63	0,38	0,9932044	0,99556
CLDN12	1,68	0,76	1,37	1,59	0,993238	0,99556
LLNLR-268E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9932526	NA
CTD-3179P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9932735	NA
RAB43	0,00	0,09	0,00	0,00	0,9932758	0,99556
RP11-433P17.2	0,00	0,17	0,00	0,00	0,993294	NA
AC069368.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9933283	NA
RP11-109P14.10	3,04	3,16	2,81	1,96	0,9933827	0,995623
CERS3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9935724	NA
RP3-395M20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9937415	NA
RP11-98D18.15	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9938303	NA
NAIP	5,95	6,02	5,98	5,74	0,9938707	0,996067
NPPB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,993906	NA
SPIN2A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9939273	NA
RP4-775C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9940448	NA
RP3-467N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9940633	NA
OR4A6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9941009	NA
RNU6-541P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9941433	NA
RP11-723D22.2	0,69	0,00	1,49	0,00	0,9941539	0,996306
COCH	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9941944	NA
RP11-115L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9942022	NA
RP11-407P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9942839	NA
RP11-777B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9943059	NA
POP5	6,14	6,09	5,90	4,95	0,9943167	0,996424
NLRP5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9943251	NA
AC002480.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9943321	NA
RANP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9943788	NA
SNORD98	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9944243	NA
C15orf60	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9944454	NA
RNA5SP154	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9944671	NA
CTC-398G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9945557	NA
RP4-553F4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9945619	NA

RP11-613E4.3	0,00	3,18	0,00	2,22	0,9946834	0,996706
LINC00189	0,00	0,25	0,14	0,28	0,9946876	0,996706
RP11-557B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9946964	NA
SEL1L	4,19	2,57	4,15	3,87	0,9948039	0,996777
PRKD3	4,71	3,71	4,36	3,79	0,9949179	0,99684
RP11-79L9.2	0,00	0,79	0,00	0,47	0,9949737	0,99684
GMPR2	5,45	4,03	5,11	4,78	0,9950009	0,99684
RP11-490K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9950389	NA
CTD-2252P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9950501	NA
AC105461.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9951412	NA
LGALS7B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9951726	NA
RP11-461F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9951743	NA
CTBS	4,42	4,30	3,94	3,68	0,9951834	0,996978
RNA5SP161	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9951864	NA
MIR548F2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9951904	NA
ZFATAS	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9952296	NA
AC012322.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,995242	NA
VIP	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9952647	NA
RN7SL88P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9952726	NA
RP11-141M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9952787	NA
RP1-315G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9953296	NA
ZNF692	3,26	0,44	2,37	2,77	0,9953812	0,997131
RP11-318L16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9953984	NA
MFAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9954073	NA
RP11-419M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9954105	NA
RP11-299P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9954173	NA
RANGRF	4,99	4,11	4,70	4,43	0,9954565	0,997161
RP11-766N7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9954708	NA
RNU6-343P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9954882	NA
ZSCAN2	1,72	2,62	1,69	0,68	0,9956141	0,997243
RP11-536C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9956251	NA
RP11-93O14.2	2,92	0,81	2,00	2,37	0,995628	0,997243
FERMT1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9956533	NA
CD200R1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,99575	NA
NDUFC2-KCTD14	4,53	3,95	4,52	4,66	0,9957858	0,997356
RP1-37C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9958227	NA
CLDN5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9958388	NA
RP11-460N20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9958769	NA
RP11-1E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9958795	NA
NTN5	0,00	0,00	0,05	0,07	0,9959111	NA
RP11-295P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9959118	NA
RNU6-1169P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9959758	NA
KLHDC9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9959774	NA
TNRC6A	3,16	3,77	3,54	3,60	0,9961371	0,997663
RP11-383I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9961739	NA
NKD1	0,13	0,22	0,07	0,20	0,9961898	0,997671
RP11-275E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9962763	NA
RP11-475O23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9962924	NA
FAM24B	0,64	0,00	0,70	2,15	0,9963068	0,997743
RP11-354E23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,996352	NA
RP11-1148L6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9963706	NA
CTD-2611O12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9964017	NA
RN7SL861P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9964296	NA
RP11-266K4.9	0,16	1,62	0,66	0,45	0,996443	0,997833
RP13-870H17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9964519	NA

PABPN1L	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9964711	NA
SMPD3	1,27	1,44	1,47	1,60	0,9964864	0,997833
GYS2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965224	NA
RP11-472I20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965267	NA
RP11-478K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965615	NA
RP11-579C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965666	NA
FLRT3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,996576	NA
RPL31P47	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965794	NA
PAUPAR	1,19	1,15	0,59	0,09	0,9965888	0,997891
RN7SL270P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9965995	NA
ACTL10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9966682	NA
CTD-2308N23.2	0,08	0,00	0,10	0,22	0,996728	NA
RP11-474P2.7	0,00	0,10	0,00	0,00	0,9968114	0,998069
LA16c-23H5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9968127	NA
UQCC2	4,49	4,61	4,75	4,30	0,9968572	0,99807
RP11-278A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9969143	NA
AC007566.11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9969279	NA
AC002511.2	0,61	0,00	0,52	0,98	0,9969646	0,998132
RP11-280O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9969802	NA
RNU6-216P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9970538	NA
CPO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9970796	NA
AC010522.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,997092	NA
KRT75	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9971	NA
CAV1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9971092	NA
RNA5SP428	0,00	0,00	0,00	0,00	0,997194	NA
RP11-329J18.3	1,95	0,42	1,31	0,36	0,9972185	0,998342
AP001625.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9972619	NA
RP11-797A18.5	0,26	0,60	0,35	0,43	0,9973221	0,998394
FAM159B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9973494	NA
KIF3B	2,23	0,37	1,86	0,65	0,9973671	0,998394
SNORD10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9973978	NA
RASGRP3	1,98	3,30	1,70	2,19	0,9974055	0,998394
POU5F1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9974799	NA
RN7SL302P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9974858	NA
CTD-2537I9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9975008	NA
RPL7AP8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9975517	NA
RP11-390D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,997597	NA
XXbac-B476C20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9976108	NA
CTGLF8P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,997612	NA
ALG1L6P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9976252	NA
RP11-114O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9976568	NA
CTC-479C5.12	0,76	0,94	1,11	1,09	0,9976701	0,998614
MIR4668	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9976936	NA
SLITRK1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9977045	NA
MYH13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9977515	NA
WIPF1	5,17	5,05	5,24	5,18	0,9977598	0,998648
RP11-502N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9977683	NA
TUT1	0,60	1,70	1,49	0,26	0,9977943	0,998648
FOXC1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9978224	NA
GALNT9	0,00	0,00	0,05	0,05	0,9978415	NA
RP11-181G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9978524	NA
RP3-393P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9978897	NA
RP4-560B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9979263	NA
HIST1H2BF	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9979346	NA
RNU7-63P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9979491	NA

AL355480.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9979662	NA
RP11-397J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9979921	NA
ADCYAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9980241	NA
PPIAL3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9980632	NA
RP11-283G6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981053	NA
SLC25A18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981427	NA
RNU6-48P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981519	NA
AC018804.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981606	NA
MT1H	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981708	NA
RP3-419C19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981725	NA
C9orf47	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981751	NA
GPC3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9981789	NA
RP11-13E5.2	0,24	0,00	0,00	0,43	0,9981819	0,998949
GOLGB1	5,45	5,54	5,37	4,72	0,998185	0,998949
RP11-18F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982059	NA
RP11-316M21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982082	NA
CTC-287O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982226	NA
CTAGE4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982488	NA
C17orf98	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982567	NA
SLCO2A1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982622	NA
RP11-2C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9982829	NA
RP11-244F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9983118	NA
RP11-247L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9983241	NA
RP11-344N10.3	1,21	0,65	0,98	0,56	0,9983775	0,999041
RP11-401E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9983803	NA
RNU6-36P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9983839	NA
RP11-351K16.4	0,43	0,22	0,17	0,00	0,998385	0,999041
RP11-178L8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9983862	NA
RP11-379D21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,998389	NA
RP11-297K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9984065	NA
LBR	5,44	4,58	5,02	5,06	0,9984119	0,999041
RP11-635O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,998452	NA
RP11-373I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9984563	NA
RP11-397A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9984679	NA
RP11-73M7.6	0,25	0,33	0,24	0,35	0,9985027	0,999051
RN7SL189P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9985238	NA
RP11-712L6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9985403	NA
RP3-406P24.5	0,78	1,38	1,22	0,56	0,9985492	0,999051
YTHDC2	3,99	3,40	3,90	3,78	0,9985695	0,999051
TESK2	0,74	0,48	0,87	1,63	0,9986015	0,999051
NPM1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,998641	NA
RP11-425I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9986498	NA
RN7SL150P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9986913	NA
RNU6-208P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9986998	NA
MROH2B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9987339	NA
RP11-64D22.1	0,05	0,35	0,00	0,00	0,9987493	0,999154
RN7SL735P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9987889	NA
AP001619.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9988195	NA
HS6ST3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9988472	NA
CTC-529P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9988639	NA
DPH7	3,09	2,78	3,99	2,17	0,9988763	0,999189
TSC22D2	4,80	5,01	4,63	4,08	0,9988788	0,999189
RP11-457D13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9988861	NA
RP11-195F19.30	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9989078	NA
RP11-484P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9989179	NA

BORCS8-MEF2B	0,00	0,00	0,29	1,37	0,9989196	0,999189
RN7SL668P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9989562	NA
MIR938	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9989713	NA
RNA5SP25	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9989852	NA
RP11-144J4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9990309	NA
RP11-146N23.4	0,00	0,60	0,00	0,00	0,999045	NA
RP3-359N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9990566	NA
SNORD117	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9990833	NA
TMCC2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9991008	NA
GS1-124K5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9991491	NA
RP11-64B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9991545	NA
RP11-867G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9991641	NA
ACO22007.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,99917	NA
RP11-159N11.4	0,00	0,30	0,00	0,00	0,9991972	NA
RP11-492D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9992076	NA
NETO2	0,17	0,32	0,17	0,56	0,9992461	0,999471
SLC6A5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9992571	NA
AC093509.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9992703	NA
RP11-61J19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9992899	NA
RP11-555F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9993145	NA
RP11-76E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9993544	NA
RNA5SP311	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9993671	NA
RNA5SP317	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9993671	NA
RP5-1010E17.1	0,00	0,11	0,00	0,11	0,9994106	NA
EPHA8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9994482	NA
ELSPBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9994511	NA
RP11-22L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9994633	NA
RP11-542B15.1	0,11	0,09	0,17	0,15	0,9995104	0,99969
IL9RP4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,999542	NA
CTD-2544M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9995455	NA
SCARNA18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9995714	NA
AC108868.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9995885	NA
KRTAP1-5	0,00	0,14	0,00	0,00	0,9996004	NA
RP11-170M17.2	0,00	0,00	0,00	0,01	0,9996269	NA
RP11-302B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9996315	NA
RP11-476B1.1	0,00	0,30	0,00	0,00	0,9996728	NA
AC007292.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9997253	NA
AC008065.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9997677	NA
CTD-2562J17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9997841	NA
MIR6822	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9997937	NA
RNU6-780P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9997979	NA
RP1-65P5.5	0,00	0,29	0,00	0,00	0,9998425	NA
OR5F1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9998987	NA
RP11-57C13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999043	NA
RNU6-141P	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999091	NA
RP3-395M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,999921	NA
RF02107	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999281	NA
RP11-645C24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999299	NA
RP13-210D15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999357	NA
AP000343.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,999947	NA
RP11-571M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,999953	NA
RP11-528A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999617	NA
CTD-3138B18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999712	NA
SERPINA13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999723	NA
CTB-178M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999798	NA

RP11-968O1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999833	NA
RHCG	0,00	0,16	0,00	0,00	0,9999844	NA
RP11-1109M24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,9999981	NA
AADACL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ABHD16B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC000041.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC000068.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002075.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002383.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002472.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002480.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002523.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC002542.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC003005.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC003984.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004009.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004014.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004076.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004455.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004471.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004538.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004540.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004562.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004637.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004837.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004840.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC004954.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005033.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005034.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005039.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005042.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005162.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005178.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005307.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005358.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005510.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005522.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005682.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005754.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005780.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005786.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005794.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC005820.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006026.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006028.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006039.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006153.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006159.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006326.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006335.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006499.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006548.19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006946.15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC006994.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007000.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

AC007091.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007279.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007285.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007391.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007568.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007618.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007879.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007879.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC007879.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC008174.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC008265.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC008268.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC008427.2	0,00	0,28	0,00	0,00	1	NA
AC008746.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC008940.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009133.15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009227.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009232.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009235.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009237.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009294.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009313.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009411.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC009477.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010090.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010093.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010468.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010642.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010649.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010878.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010880.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010886.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010891.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC010975.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011718.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011742.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011752.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011897.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011899.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC011998.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC012262.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC012363.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC012494.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC012497.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013401.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013404.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013429.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013437.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013437.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC013444.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC015849.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC015923.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC016691.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC016697.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC016752.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

AC016831.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC016909.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC016910.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC017048.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC017104.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC018359.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC018643.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC018693.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC018730.1	0,00	0,31	0,00	0,00	1	NA
AC018865.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC019070.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC019080.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC019178.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC019349.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC020626.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC020743.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC020983.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC022819.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC023115.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC023271.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC023356.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC023669.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC026954.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC034228.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC037193.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC044860.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC063976.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC064865.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC064875.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC067721.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC067950.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC067959.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068057.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068137.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068274.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068489.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068491.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068535.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068538.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC068610.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC069277.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073091.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073150.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073257.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073842.18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073846.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073869.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC073869.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC074182.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC074389.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC078842.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC078937.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC079145.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC079325.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC079809.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

AC079834.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC079987.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC080080.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC083855.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC083864.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC083867.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC084219.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC087499.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC087499.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC090516.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC090952.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC090960.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC091177.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC091493.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC091729.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC091962.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC092054.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC092156.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC092570.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC092578.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC092638.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093162.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093326.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093326.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093326.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093393.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093609.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093627.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093627.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093639.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC093662.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC096669.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC097458.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC097532.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC098614.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC098828.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC099535.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC103563.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC103564.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC104297.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC104532.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC104695.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC104700.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC105344.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC105402.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC105765.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC105921.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC105921.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC108868.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC109589.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC109815.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC110769.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC112217.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC112721.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC113167.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

AC113608.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC114273.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC114752.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC114765.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC114812.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC116050.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC124944.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC124944.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC125238.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC130360.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC133633.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC133919.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC135178.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC135893.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC135999.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC140725.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC142391.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC144838.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AC226118.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACOT12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACRV1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACSM5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACTL7B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACTN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ACTRT3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ADAMDEC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ADCY8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ADH5P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ADH7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AE000658.25	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF001550.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF038458.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF064858.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF127936.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF129408.16	0,00	0,45	0,00	0,00	1	NA
AF131215.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF131217.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF186192.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF212831.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF227510.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF238378.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AF240627.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AGGF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AJ271735.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AL022393.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AL096869.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AL121578.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AL133247.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AL590762.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ALB	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ALDH3B2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ALX1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AMHR2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANGPTL5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANGPTL6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

ANHx	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANKRD31	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANKRD61	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANKRD62P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANO2	0,00	0,14	0,00	0,00	1	1
ANO4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ANXA8L1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AOC3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000223.42	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000244.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000289.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000351.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000351.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000355.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000442.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000462.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000470.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000563.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000577.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000593.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000857.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000857.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP000946.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001059.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001065.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001136.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001425.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001429.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001439.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001468.58	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001472.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP001793.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP002856.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP003039.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP004243.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP004289.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AP006216.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
APLNR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
APOA4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
APOBEC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AQP12B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ARC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ARL13A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ASB10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ASPHD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ATP5A1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ATP5LP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ATP6V1B1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ATP6V1G2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ATXN2-AS	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AXIN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AY269186.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
AZGP1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BEST4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BHLHE41	0,00	0,03	0,00	0,03	1	1

BIVM-ERCC5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BMP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BMS1P11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
bP-2168N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BPIFA4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BPIFB2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BPIFC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BRINP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BRSK1	0,00	0,00	0,00	0,06	1	NA
BTBD16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
BX682235.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C10orf113	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C11orf53	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C14orf180	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C15orf56	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C16orf78	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C16orf97	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C17orf47	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C19orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C19orf84	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C1orf137	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C1orf147	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C1QBPP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C1QTNF8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C20orf173	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C2orf69P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C2orf72	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C5orf52	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C6orf201	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C7orf77	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C8A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C8orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C9orf57	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
C9orf62	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CABP5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CALM2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CAPN14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CAPN6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CAPSL	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CARD18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CBLN1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCDC110	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCDC42	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCDC58P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCDC74B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCDC85A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCL19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCL8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCT5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CCT8L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CDR2L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CEACAM18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CECR3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CERS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

CFAP126	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CGB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CH17-118O6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CH17-125A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CH17-164J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CH17-195C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CH17-262O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CHRDL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CHRNA6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CIB4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CIDEA	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CISTR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CKMT1A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CLCA1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CLDN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CMA1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CMB9-14B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CMB9-22P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CMB9-52H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CMB9-75A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CNGA3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CNGA4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CNMD	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CORO2B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
COX6BP3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CPLX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CPLX3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CPXM1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CRABP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CRHR1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CRYBB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CRYGC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CSAG3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CSN3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CST1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CST11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-134P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-249B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-256D12.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-31J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-440B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-796E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTA-85E5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTAGE6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-113I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-140J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-158E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-161M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-174O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-186H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-35F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-46E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-50L17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-51E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTB-75G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

CTB-76P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-137K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-203F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-260E6.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-261N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-281F24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-297N7.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-297N7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-308K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-325H20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-332L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-338M12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-367F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-379B2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-394G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-394G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-431G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-435M10.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-436K13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-436P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-448D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-448F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-453G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-459I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-470E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-478M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-503J8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-512J14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-559E9.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTC-559E9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2001E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2006C1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2007F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2007H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2008E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2008L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2013N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2014E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2015A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2015A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2015H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2017C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2022H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2031P19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2034L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2042D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2045M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2046I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2061E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2081K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	1
CTD-2108O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2122P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2134P3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2140B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2145A24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

CTD-2154B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2161F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2175M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2199O4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2201E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2210A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2213F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2218K11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2233C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2260A17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2272D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2278B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2287O16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2301A4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2308G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2308N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2311B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2313J17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2313N18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2313P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2315A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2320G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2320O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2325P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2325P2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2331H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2350C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2350C19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2353N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2373J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2373J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2373N4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2375G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2376I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2382E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2501E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2514A21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2516F10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2517O10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2517O10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2525P14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2526L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2526L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2528L19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2530H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2533G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2536I1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2555C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2561B21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2582D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2583P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2588C8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2589M5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2591A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-2623N2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

CTD-2643K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3001H11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3010D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3012A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3064H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3074O7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3179P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTD-3203P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTNNAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CTNND2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CXCL11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYLC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYP11B2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYP2D8P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYP2G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYP2G2P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYP7A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
CYSRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DBIL5P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DCSTAMP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DDI1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DEFB127	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DEFT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DENND6A-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DGAT2L6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DKK4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DLL3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DMRTB1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DNM1P31	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DPRXP7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DPYS	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
DUX4L16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EBF3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ECEL1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ECEL1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EDDM3A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EDN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EEF1A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ELMO2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ENTPD8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EPOP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
EPYC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM127C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM136B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM150B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM171A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM197Y7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM19A4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM60BP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM60CP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM90A10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FAM91A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FBXO39	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FGF10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

FNDC8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FOXA2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FOXD4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FOXI1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FREM3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FTHL25	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
FZD7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GAD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GAGE10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GAL3ST3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GAPDHP14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GAS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GATA2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GGTLC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GHRH	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GIMAP1-GIMAP5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GJC2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GKN1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GKN3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GLRB	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GLYATL1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GMCL1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GNB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GOLGA6L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GOT2L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GPC5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GPR153	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GPR182	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GPR75-ASB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GPX5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GRB14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GRB7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-103B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-18A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-304P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-304P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-309P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-433O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-536K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-541M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GS1-542M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GSTA2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GSTA5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GTSCR1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GUCA1A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
GUCA1B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
H2AFZP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HAGLR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HAND2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HBBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HBE1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HCG17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HCG4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HCG4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

HCG4P7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HELT	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HEPACAM2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HIN1L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HIST1H3C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HIST3H3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HNRNPCL3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HOXA4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HOXB1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HPX	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HS3ST3A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HSD11B1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HSD17B3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HSF2BP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HSPB7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HTR2C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
HTR3C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IFITM4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IFNE	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV1-67	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV1OR15-3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV3-20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV3-41	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV3-60	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV4-28	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV4OR15-8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV5-10-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHV7-4-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHVII-1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGHVIII-82	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV1-16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV1D-17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV1D-42	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV1D-43	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV1OR22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV2OR22-4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV6-21	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGKV6D-21	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLC6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLV1-62	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLV3-16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLV4-69	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLV5-52	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLV7-46	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLVI-63	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLVI-68	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IGLVIVOR22-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL17B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL17C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL17REL	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL1RAPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL22RA2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL26	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IL5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

IL9RP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IMPDH1P11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
INHBC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
INSC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
INSL5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IQCJ	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IRX4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ITLN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
IZUMO3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KAZALD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1027C11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1043D8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1073A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1299A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1458E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1589B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1592A4.16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1639H6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1930G5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KB-1958F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KBTBD13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KCNA6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KCNG3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KCNK9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KCNQ1DN	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KIAA1211L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KIR3DL1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KITLG	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KLKB1	0,00	0,06	0,00	0,00	1	NA
KLRC4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KPNA7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT18P20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT18P51	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT6B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT77	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT79	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT8P49	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRT9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRTAP10-3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
KRTAP5-3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LA16c-313D11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LA16c-58F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LALBA	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LARP4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LBX1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LCN1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LHX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00052	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00239	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00242	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00472	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00543	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC00661	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

LINC00710	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC01241	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC01402	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC01594	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LINC01620	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLOXNC01-240C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLOXNC01-250H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLOXNC01-36H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LL22NC03-44A4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LL22NC03-84E4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLNLF-18A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLNLR-231D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LLNLR-307A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LMO1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LMX1A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LRFN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LRRC14B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LRRC17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LRRC66	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LRRC71	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LY6G6F	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LYNX1-SLURP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LYPD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
LYPD6B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAG	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAGEA2B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAGEA6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAGEC3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAGI1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAGOH2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MANSC4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MAPK15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MARCH10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MATN4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MBL1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MEI4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MEIS1-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MEIS3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MGARP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR101-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR106B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR1202	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR1276	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR1278	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR1285-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR153-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR181A2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR181B1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR2052	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR211	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR2278	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR2355	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR297	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3115	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3116-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

MIR3117	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3133	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3139	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3144	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3145	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3148	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3149	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3152	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3162	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3192	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR320C1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR345	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3681	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3685	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR374A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR374B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR378J	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3935	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR3978	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR421	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4278	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4316	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4328	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4428	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4440	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4451	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4505	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4506	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4529	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4644	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR466	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4676	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4698	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4736	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4772	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4780	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR4783	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR506	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR507	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR510	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR513B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR518F	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR545	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR548A2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR548AI	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR548AK	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5581	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5583-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5583-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5685	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5687	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5692A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5692B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR5706	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR579	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

MIR580	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR588	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR589	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR591	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR604	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR607	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6071	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6075	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR625	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR648	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6500	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6715A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6813	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR6876	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR8052	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR8055	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR8057	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR8064	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR876	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MIR98	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MMP23A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MMP26	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MMP27	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MRGPRD	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MRGPRX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MRPL51P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MRPS15P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MRPS21P7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MSMP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MT1L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MT1M	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MTRNR2L13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYBPH	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYH2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYH4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYL1	0,00	0,26	0,00	0,00	1	NA
MYL3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYOCD	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
MYOZ1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NANOGP8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NBPF22P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NBPF4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NBPF6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NCRNA00186	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NEK4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NEK4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NGFR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NKAIN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NKAIN4	0,00	0,11	0,00	0,00	1	NA
NKD2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NKX2-5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NMBR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NMRK2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NODAL	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NPM1P19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

NPTX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NPY2R	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NR1H5P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NR1I2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NRBF2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NRG3-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NRSN1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NUDT19P4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
NXF4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OCSTAMP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OLFM2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OPN1LW	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OPN5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10A5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10AA1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10AD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10G7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10J5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10J8P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10S1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR10Y1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR11G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR11H1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR11H12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR11H13P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR14A2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR1D5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR1L6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2A4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2A7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2AI1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2AK2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2AL1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2B2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2D2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2T27	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2T34	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR2W6P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR3D1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR4C49P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR4C6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR4G3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR4K12P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR4S1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51B3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51E1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51G1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51G2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51K1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR51R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR52D1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR52H2P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR52P2P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

OR5AM1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5AR1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5BR1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5BT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5D15P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5L1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5M7P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR5T3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR6A2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR6C74	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR6K4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR6V1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR7A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR7E19P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR7E39P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR8K2P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR9G3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OR9K2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
O STF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OSTN	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OTOP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OTOS	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OTX1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OTX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
OVOL1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PAGE2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PANDAR	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PAPPA	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PAX7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PCDHB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PCDHGB9P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PCDHGC4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PCP4L1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PDC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PDCL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PDHA2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PLEK2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PLPPR4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
POM121L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
POM121L3P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
POTED	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
POU1F1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PPIHP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PPP1R26P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PQLC2L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRAMEF8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRICKLE4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PROB1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRODH2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PROX1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRR25	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRR32	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRR35	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PRRT4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PTP4A2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

PTPN21	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PTTG4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
PVALB	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RAB25	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RBM24	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RBMY1A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RBPM5L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
REG1A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
REG3A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
REP15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00006	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00070	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00072	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00092	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00105	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00157	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00394	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00404	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00418	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00568	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00593	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF00602	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RF02122	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RGAG1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RHBDF1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RHO	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RIMKLB2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RLN1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RLN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP115	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP143	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP157	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP173	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP180	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP218	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP223	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP227	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP237	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP245	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP251	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP269	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP272	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP296	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP299	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP36	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SKP56	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL151P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL167P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL215P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL252P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL258P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL313P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL39P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL569P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL629P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RN7SL67P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL69P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RN7SL81P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP118	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP138	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP140	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP155	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP159	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP168	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP182	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP184	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP188	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP218	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP221	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP239	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP246	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP308	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP328	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP353	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP354	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP372	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP425	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP461	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP490	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP525	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP53	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNA5SP62	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNASE11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNASE13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNASE7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNF183	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU1-136P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU1-56P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU1-89P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU2-33P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU2-39P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU2-50P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU4-35P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU5A-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU5A-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1001P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1048P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1062P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1079P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1086P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1109P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1112P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1164P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-117P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1193P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1199P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1213P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1227P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1228P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1262P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RNU6-1264P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1269P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1290P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-1320P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-160P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-163P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-188P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-197P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-202P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-229P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-243P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-291P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-296P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-314P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-31P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-320P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-324P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-337P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-368P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-378P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-389P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-445P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-446P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-484P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-490P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-504P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-509P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-511P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-514P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-524P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-537P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-538P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-555P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-565P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-577P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-608P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-620P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-623P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-626P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-640P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-662P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-664P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-685P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-693P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-723P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-73P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-766P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-769P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-795P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-808P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-810P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-815P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-823P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-826P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-840P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RNU6-854P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-883P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-915P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-91P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-932P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-972P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-979P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-983P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6-989P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6ATAC15P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6ATAC23P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU6ATAC6P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU7-107P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU7-171P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU7-180P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNU7-24P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RNY1P14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ROS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-111D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-121G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-128M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-136J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-137F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-137K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-138A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-13D10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-144F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-149M18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-159A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-167F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-168L15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-172N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-179E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-197B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-197J16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-202I21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-205E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-213J1P_B.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-21O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-221C16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-229K20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-231P7P.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-232L22_B.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-249I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-257I20.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-263J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-273G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-27K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-287H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-288H2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-293L8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-309F20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-319M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-321E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-37E16.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP1-38C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-38C16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-39G22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-41P2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-55C23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-59D14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-73A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-81F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-84O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-90G24.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-90J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-92C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-97D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP1-97D16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1000B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1003J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1006G14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-100M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-100M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-101O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1038A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-103G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-103H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-103J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-104O19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1055B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-105N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-105N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1060J15.5	0,00	0,00	0,00	0,29	1	NA
RP11-1070N10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1072A3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1072N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1074O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1079K10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-107K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-107K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-107P7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1081L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1084I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1084J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1085N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-108K14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-108K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-108M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-108P20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1094M14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-109A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-109B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-109E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-109G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-109L13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-10J21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-10K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1109F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-110H1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-110I1.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-111F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-111F5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-112H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-112N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-112N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-113A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-113D6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1143G9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1148L6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-114G11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-114M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-115C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-115F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-115M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-115N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-115O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-116A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-116D17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-116N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-117D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-117L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-117N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-117O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1182P23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-118B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-118B22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-118E18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-118M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1195F20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-119D9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-119K6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-119K6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-11C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-11N9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-11P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-120K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-120K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1216L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-121A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-121J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1223D19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1228E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-123C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-123C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-124A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-124D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-126O22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-126O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-126O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-126O22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1275H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1277H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-127O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1281K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-128N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-128P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-128P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1293J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-129B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-130C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-131K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-132N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-133N21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-133N21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-134K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-134L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-134N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1379J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-137J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-138A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-138B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-138H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1396O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-139E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-140A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-140C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-142A22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1437A8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-143M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-145B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-145E5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-145H9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-145M9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-145M9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-147L13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-149B7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-149I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-149P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-14J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-150O12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-151A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-152C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-152H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-153K11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-153M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-154H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-155G14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-155G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-155L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-155N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-158M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15A1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15F12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-15N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-160H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-161I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-161M6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-161P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-162D16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-162G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-162G10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-163G10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-164O23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-164O23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-165H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-165H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-165M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-167P22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-168P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-168P8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-16D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-16L21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-16L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-16L9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-170M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-172C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-173A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-173D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-175G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-175P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-177H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-177J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-177N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-179A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-17A4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-181B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-181B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-182I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-183K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-189B4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-189G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-18B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-18B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-18N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-190D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-190G13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-191F9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-193H5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-195C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-195E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-196D18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-198M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-19E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-19G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-19O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1C1.5	0,00	0,23	0,00	0,00	1	NA
RP11-1E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-1P8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-201O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-201O14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-202G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-203I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-203L2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-204L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-205M20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-208N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-209E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-209P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-20D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-20D14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-20G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-20I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-212I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-213G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-213G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-214K3.22	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-214O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-215H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-217F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-219O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-21C4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-21L23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-21L23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-220M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-220M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-222K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-223D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-223F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-225H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-225H22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-226F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-227D13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-22A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-22A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-22M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-230C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-230C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-231E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-232C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-233E12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-234O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-235E17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-236P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-238F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-239E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-240D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-240M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-241F15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-242D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-242I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-243I16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-243I16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-243M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-245J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-247I13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-248B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-248E9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-249J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-249L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-24B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-24D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-24J20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-24J23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-24O5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-25O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-252I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-253D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-253D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-253I19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-255E6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-255G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-255G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-255H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-257A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-258F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-258O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-259O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-259P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-261B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-262H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-262H14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-262H14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-264M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-265N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-265P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-266I3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-266K4.16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-266N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-268I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-269F19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-269G24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-269M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-270F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-271M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-272J7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-273B20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-274B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-274P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-275B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-275H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-276E15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-276H7.3	0,00	0,36	0,00	0,00	1	NA
RP11-279O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-27M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-281A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-282O18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-284F21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-285G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-285G1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-285M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-286N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-287D1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-289C17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-290F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-290K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-290M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-292D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293G6_B.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293G6_B.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293K20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-293N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-294C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-294C11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-296E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-296I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-296P7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-297I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-297L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-297L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-298D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-298I3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-299L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-299P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-29B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2A4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2A4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2H3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-2I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-300A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-300M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-301G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-302L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-303E16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-305D15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-305L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-305O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-307L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-307N16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-308D16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-309I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-30G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-30P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-310H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-311B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-313L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-313L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-314I18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-317F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-317L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-318G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-318G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-319G9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-31K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-320A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-320L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-320P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-321A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-321E2.8	0,00	0,11	0,00	0,00	1	NA
RP11-322D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-323F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-324E6.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-324J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-325E14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-325L12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-325O24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-326C3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-326I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-327I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-327J17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-327L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-327P2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-328I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-328K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-328M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-32B5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-32K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-330M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-331G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-331H2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-332K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-333A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-333A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-334A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-334E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-334E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-334J6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-335F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-338E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-338K17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-338N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-338O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-33B1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-341N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-342K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-343B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-343H5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-343J3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-343L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-344N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-344P13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-345I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-346J10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-347C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-347D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-347D21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-347I19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-347L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-349A22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-349O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-34A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-350F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-350G8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-353N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-354K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-354P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-354P17.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-355C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-355E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-355I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-356I5.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-356O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-358B23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-359J14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-359K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-35J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-360A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-360D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-360G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-360G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-361A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-361F15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-361H10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-361M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-362H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-363E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-363J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-364C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-365F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-365H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-365O16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-366F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-366M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-366O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-366O17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-367N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-368M16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-369E15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-369F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-36D19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-36N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-36N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-370P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-373N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-373N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-374A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-374F3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-375B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-376N17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-377B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-377D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-379B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-379B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-379H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-37C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-380P16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-381K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-382D8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-382F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-383C12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-384A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-385E5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-385F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-385M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-385M4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-385N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-386I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-386P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-388B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-388K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-389C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-38G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-38J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-38O23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-392L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-393I23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-393M18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-396D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-396I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-396O20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-397F23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-397J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-397O8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-398I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-398K22.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-399F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-3D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-3K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-3K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-3L10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-400D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-400G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-401L13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-401P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-402G3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-402G3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-402L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-403A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-403A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-403D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-404P21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-404P21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-405F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-405K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-407N8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-407P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-408A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-408E5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-40B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-410B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-410C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-411B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-411G9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-412B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-414C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-415C15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-415G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-415J8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-416H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-417D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-417N10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-418J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-419C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-421M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-421P11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-422N16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-424C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-424E7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-425D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-426K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-428C19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-42O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-430G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-430K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-430K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-431M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-431M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-432B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-432M8.15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-432M8.22	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-432M8.5	0,00	0,11	0,00	0,00	1	NA
RP11-434I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-434O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-435M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-435O5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-436F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-436I9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-437G21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-437G21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-438N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-439I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-441F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-441F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-442O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-443P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-443P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-444M10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-445H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-445L13_B.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-445O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-446E24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-446G24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-447H19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-448G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-448G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-44D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-44F21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-44N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-44N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-451F20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-451G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-451M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-452B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-452K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-453D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-454C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-454L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-455B2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-455I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-456E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-459E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-45B20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-45F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-45J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-45M22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-460B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-461A8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-461F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-461L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-461N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-462G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-465C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-465L10.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-466A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-466A19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-466F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-466G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-467L19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-468N14.13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-468O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-469J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-46A10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-46A10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-46I8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-46P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-471B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-472I20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-473L15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-473M14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-474D1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-474I11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-474L7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-475D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-475E11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-476I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-476M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-477G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-477J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-478C1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-478C6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-478H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-478H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-478J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-47I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-47P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-47P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-480D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-480N24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-481I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-482E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-482H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-484J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-484N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-484P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-487E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-489C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-48D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-48L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-490B18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-490B18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-493L12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-496I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-498A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-498P14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-499F19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-499O7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-49K24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-4C20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-4M23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-500G22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-500K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-501J20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-501M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-501O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-502L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-503D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-503P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-504G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-504G3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-505F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-506C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-506E9.1	0,00	0,49	0,00	0,00	1	NA
RP11-507E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-508N22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-509J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-509P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-510M2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-513D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-513P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-514D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-514P8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-517O13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-51C14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-520B13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-521P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-522B15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-522M21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-523L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-524G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-525A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-526P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-526P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-527D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-528N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-529A4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-52L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-530I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-530N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-532F12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-533F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-533K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-534L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-535K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-535M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-536C10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-536G4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-536L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-536N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-538C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-539G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-53D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-53D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-53L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-53M11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-540D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-542F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-543B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-543F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-543H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-544K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-545H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-545I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-545M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-546B8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-547L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-548H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-548L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-549B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-54A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-54O7.16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-550E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-550H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-552D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-552E20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-552F3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-553L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-553N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-554A11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-554D14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-555M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-556I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-557C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-560I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-561N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-561P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-562F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-562I5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-563D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-565P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-566K11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-567C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-56B16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-571L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-571L19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-573G6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-573M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-574O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-575G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-57C13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-580I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-582E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-585P4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-587O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-588F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-589B3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-589C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-589C21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-58A12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-58E21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-58H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-58N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-58O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-592N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-592P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-597A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-59J16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-5N11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-5O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-5P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-603B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-603B24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-603K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-605B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-60C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-60C6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-60L3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-611L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-612I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-612L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-618M23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-618N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-618P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-618P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-61E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-61G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-622J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-624D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-625L16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-626G11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-626H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-627H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-628J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-62C3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-62L18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-631M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-638I2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-63H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-63H19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-640N20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-641C17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-641C17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-641J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-641J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-642D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-642E20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-643E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-643G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-644A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-644K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-646I6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-646J21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-647F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-647K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-647O20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-64J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-650K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-651J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-651P23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-652G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-656D10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-659G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-65B23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-65B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-65C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-65N13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-660I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-665C16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-665O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-666A8.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-666F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-666O2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-667K14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-667M19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-66B24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-670N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-671P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-673P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-674E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-674N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-677N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-67M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-680H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-681B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-688H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-690I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-692P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-697H9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-697N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-697N18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-698N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-69C17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-69L16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-6E9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-6F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-6J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-6N17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-700H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-700H6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-701H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-702B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-705O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-709A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-70D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-70F11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-70F11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-710C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-710F7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-712B9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-712L6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-713N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-713P17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-715G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-715H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-715J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-718I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-719N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-71E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-71H17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-71H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-725M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-728B21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-728E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-72B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-72I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-72M10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-72P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-731I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-736P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-739A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-742D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-745K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-747I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-74E22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-74K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-752D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-752G15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-753E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-754J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-754N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-755E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-757A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-758M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-75L1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-761I4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-766H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-766N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-769N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-76C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-76F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-76G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-76K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-76P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-770E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-770J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-770J1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-775A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-779P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-77G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-77K12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-780K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-781D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-781E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-783L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-788H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-78A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-790I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-793H13.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-794P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-795J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-796G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-799D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-79E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-79J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-79P5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-7F17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-802F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-803J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-805L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-807H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-80A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-80F22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-80G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-80H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-810F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-810K23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-813N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-813P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815I9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-815N9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-81F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-824M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-835E18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-839G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-83B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-83B20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-847H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-847H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-84C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-84D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-852E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-854K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-85G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-861L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-861L17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-863N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-864G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-864N7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-874J12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-875H7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-875O11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-875O11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-876F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-878E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-879F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-87F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-87N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-87P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-882G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-886D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-88E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-88H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-88I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-895M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-899L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-8H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-8L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-8L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-8P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-90C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-90C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-90H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-90K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-90O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-91A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-91A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-91A18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-91J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP11-928F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-92J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-92K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-92K15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-934B9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-93B14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-93H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-93K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-93N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-94A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-94B19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-94P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-950C14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-95G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-967K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96A1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96C23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96D1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-96L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-97E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-981G7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-98H4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-98L5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-996F15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-999E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-99C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP11-9N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-1039J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-13A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-146A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-16H11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-204A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-210D15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-213K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-362E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-395E19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-415G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-439H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-455A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-467H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-554M15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-565O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-635I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-638C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-644M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-644M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-75G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-77O11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-884E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-895I2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-977E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP13-977J11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-322L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP3-326L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-332O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-333B15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-357D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-365O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-380B8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-382I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-382I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-382I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-391O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-393P12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-395M20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-400B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-406A7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-408N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-408N23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-416H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-417O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-418A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-426I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-428L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-429G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-429O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-430N8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-432I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-433G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-449H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-463P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-468K18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-470B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-471M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-481A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-481F12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-514A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-518E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-523E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-523K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP3-527F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-529N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-539M6.21	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-550H1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-555D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-562J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-564O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-569M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-575N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-584D14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-584D14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-587D13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-597N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-599G15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-604A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-612B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-612C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-613B23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP4-614C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-622L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-631H13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-633H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-635A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-635E18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-639J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-640E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-644L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-665N4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-668E10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-683M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-684L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-686J16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-694B14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-696H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-710M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-713A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-717M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-718P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-725K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-744I24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-769N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-777O23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-782L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-784A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-784A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-789D17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-798A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-802A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-811H24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP4-816N1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1007F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1007H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1024G6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1024N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1027O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1027O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1028K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1029F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1037N22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1037N22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1042K10.12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1044H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1049N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1059E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1065J22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1068E13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1073O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1077I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1087E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1108M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1109J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1110E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1121A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RP5-1148A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1158E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1160K1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1163L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1170K4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1174J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1189B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1193P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-1195D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-827O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-833A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-836J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837J1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837M10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837O21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-837O21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-839B4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-855F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-865M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-866L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-878I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-882O7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-891H21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-894D12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-906A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-914P14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-919F19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-920G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-933E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-940J5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-942I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-944M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-944M2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-963E22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-965F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-968D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-986I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-991G20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-997D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP5-997K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP6-191P20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP6-204F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP6-218J18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RP6-22P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL12P29	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL12P4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL13AP17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL15P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL17P26	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL19P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL19P13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL19P14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

RPL21P131	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL23AP68	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL27P12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL31P28	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL31P33	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL34P33	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL36AP26	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL36P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL37AP8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL39P18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL5P30	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL7AP14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL7AP15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL7P4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPL9P16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPRM	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS12P18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS15AP3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS15AP5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS17P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS20P35	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS24P18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS27AP3	0,00	0,47	0,00	0,00	1	NA
RPS4XP20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS4XP23	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS6P16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS6P22	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPS6P8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPSAP4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RPSAP47	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
RTN4R	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
S100A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
S100A16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
S100G	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SAP18P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SCARNA6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SCARNA8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SEPT5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SERPINA12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SERPINB3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SEZ6L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SFRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SFRS9P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SFTPD	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SHC1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SHISA6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SIGLEC28P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SKOR2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC13A2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC16A11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC17A3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC22A14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC22A24	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC34A3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

SLC39A12	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC45A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC6A10P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLC7A13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SLCO1B1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNAP23P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNCG	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA15	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA22C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA24B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA2A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA36B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA46	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA58B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA71A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA71B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORA80A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORD3C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORD3J	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNORD90	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SNX6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SOAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SOSTDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SOX17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPATA31A1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPATA31D3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPATA31D4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPATA8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPDYC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPERT	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPHKAP	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPIC	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPINK2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPPL2C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPRR2D	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SPSB1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SRRM3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SSTR3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
STEAP1B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
STXBP5L	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SUGT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SUN5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SYN2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SYS1-DBNDD2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SYT9	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
SYTL5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TACR3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TAS2R13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TAS2R20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TAS2R38	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TAS2R41	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TAS2R50	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TBC1D3E	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TBX3	0,00	0,06	0,00	0,00	1	NA

TCEAL5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TCP10L2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TCTEX1D1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEAD2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEKT1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TERF1P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEX13D	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEX19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEX29	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TEX50	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TFDP3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TFP3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TGIF2-C20orf24	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TGM4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	1
THEM7P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TLX1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMEFF1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMEM183AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMEM256-PLSCR3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMEM52	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMEM56-RWDD3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMIGD1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TMPRSS11F	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TNFAIP6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TNFSF18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TNMD	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TNNC1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TOP3B2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TP53TG3D	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TP53TG3E	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TP73	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TPPP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAJ17	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAJ19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAJ20	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV13-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV21	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV23DV6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV26-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV35	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV37	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV38-1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV39	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRAV8-4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBJ1-5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV11-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV11-3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV12-3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV13	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV24OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV26OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

TRBV28	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV6-4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRBV7-4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRGJP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRGJP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRGV8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRIM10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRIM49	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRIM49B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRIM77	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRPV4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TRPV5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TSHB	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TSNAXIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TSPAN8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TTC29	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TTY10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TTY22	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TUB	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TUBB2BP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TUFMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TULP3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
TXNDC2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
U91324.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
U91328.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
UBA52P3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
UGT1A8	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
UGT2A3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
UGT2B11	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VAX2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VCAM1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VENTXP6	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VGLL2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN1R107P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN1R20P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN1R3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN1R46P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN2R10P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VN2R17P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
VWA8-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
WBSCR28	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
WFDC5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
WNT8A	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XIRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XX-C2158C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XX-FW83128A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXbac-B135H6.19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXbac-B444P24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXbac-B444P24.14	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXbac-BPG32J3.19	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXbac-BPG34I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXcos-LUCA11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXyac-YM21GA2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
XXyac-YM21GA2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
Z83851.4	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA

Z95114.3	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
Z95114.5	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZCCHC16	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZCCHC18	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZFP64P1	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZIM2	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZNF355P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZNF389	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZNF463P	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZNF676	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZNF860	0,00	0,00	0,00	0,04	1	NA
ZSCAN5B	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
ZSCAN5C	0,00	0,00	0,00	0,00	1	NA
A3GALT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AADAC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AADA4L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB015752.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB019438.63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB019438.66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB019439.67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB019439.68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB019440.50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AB020862.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABBA01000934.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC11-48400900C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC11-4932300O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC12-47043100G14.	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC12-47964100C23.	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC13-47488600E17.	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC13-47656900H15.	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC7-42391500H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC7-42418200C9.1	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
ABC7-43041300I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC7-43046700E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABC8-43014700C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCA12	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
ABCB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCB10P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCB10P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCD1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCD1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCD1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABCD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABHD17AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ABHD17AP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000035.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000041.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000067.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000077.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000081.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000094.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000095.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000095.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000095.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000110.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC000111.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000111.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000111.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000124.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000362.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC000374.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC001226.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002056.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002056.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002064.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002064.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002064.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002064.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002069.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002069.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002069.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002076.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002115.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002115.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002127.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002128.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002128.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002310.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002310.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002314.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002331.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002365.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002365.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002366.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002368.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002368.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002368.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002398.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002400.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002401.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002407.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002407.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002407.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002429.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002454.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002458.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002463.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002465.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002472.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002472.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002472.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002480.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002480.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002481.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002486.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002531.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002550.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002992.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002992.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC002992.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC003002.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003009.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003009.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003045.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003080.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003084.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003087.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003088.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003090.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003092.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003101.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003664.1	0,22	0,44	0,32	0,00	NA	NA
AC003682.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003682.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003956.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003958.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003958.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003973.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003973.3	0,04	0,09	0,04	0,05	NA	NA
AC003973.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003985.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003986.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003986.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003986.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003988.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC003989.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004004.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004006.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004009.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004009.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004012.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004014.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004019.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004019.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004022.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004049.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004051.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004051.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004062.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004062.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004066.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004066.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004067.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004067.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004069.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004070.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004073.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004073.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004073.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004074.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004074.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004074.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004076.5	0,07	0,15	0,16	0,17	NA	NA
AC004112.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004125.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC004129.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004129.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004129.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004160.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004161.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004161.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004221.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004231.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004381.6	0,05	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004381.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004381.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004381.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004383.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004383.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004386.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004448.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004449.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004461.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004463.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004474.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004478.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004485.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004535.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004540.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004558.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004603.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004609.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004617.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004617.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004623.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004691.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004692.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004692.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004702.2	0,00	1,79	0,00	1,57	NA	NA
AC004741.3	0,00	0,28	0,00	0,00	NA	NA
AC004754.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004772.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004772.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004775.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004790.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004791.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004792.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004810.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004854.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004866.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004866.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004869.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004869.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004870.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004870.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004870.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004894.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004895.4	0,30	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004899.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004901.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC004907.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004909.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004911.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004920.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004920.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004921.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004938.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004941.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004945.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004945.2	0,08	0,16	0,11	0,12	NA	NA
AC004947.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004980.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004985.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004987.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004987.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004987.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004994.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC004996.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005007.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005008.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005008.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005009.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005013.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005014.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005019.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005019.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005029.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005033.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005034.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005037.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005037.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005037.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005037.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005040.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005040.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005041.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005041.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005041.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005041.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005042.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005042.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005042.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005046.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005068.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005076.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005077.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005077.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005094.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005102.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005105.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005152.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005160.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005174.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005176.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005176.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC005187.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005189.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005215.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005220.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005224.2	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
AC005229.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005237.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005237.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005251.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005253.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005255.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005256.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005262.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005262.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005262.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005281.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005301.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005304.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005307.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005324.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005324.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005336.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005336.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005355.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005355.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005356.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005357.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005387.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005387.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005391.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005392.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005394.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005481.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005487.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005488.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005492.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005498.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005510.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005510.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005514.2	0,00	1,22	0,00	0,00	NA	NA
AC005518.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005522.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005522.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005523.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005534.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005538.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005538.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005538.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005539.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005539.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005539.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005540.3	0,00	0,00	0,00	0,17	NA	NA
AC005550.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005550.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005559.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC005578.3	0,11	0,17	0,00	0,15	NA	NA
AC005588.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005592.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005594.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005597.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005609.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005618.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005618.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005625.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005626.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005703.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005703.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005722.4	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
AC005730.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005740.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005740.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005740.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005741.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005741.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005753.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005772.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005777.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005779.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005786.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005787.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005789.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005795.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005796.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005808.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005820.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005820.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005826.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005838.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005863.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005884.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005915.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005922.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005932.1	0,00	0,33	0,00	0,19	NA	NA
AC005943.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005955.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC005955.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006000.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006003.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006007.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006014.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006019.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006022.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006023.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006024.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006024.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC006026.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006026.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006026.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006029.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006032.1	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
AC006037.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006040.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006040.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006040.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006041.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006042.8	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
AC006045.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006050.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006052.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006070.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006070.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006070.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006076.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006077.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006115.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006115.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006116.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006116.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006116.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006116.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006126.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006128.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006130.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006130.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006133.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006133.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006150.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006152.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006156.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006156.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006157.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006157.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006157.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006158.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006158.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006159.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006159.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006160.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006160.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006195.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006230.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006262.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006262.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006273.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006277.3	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
AC006296.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006296.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006324.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006326.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006326.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC006328.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006328.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006335.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006335.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006335.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006335.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006335.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006338.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006338.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006355.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006366.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006366.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006366.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006366.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006372.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006372.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006373.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006374.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006380.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006382.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006385.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006386.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006386.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006386.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006390.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006390.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006427.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006427.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006445.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006445.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006445.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006458.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006460.2	0,00	0,27	0,00	0,24	NA	NA
AC006461.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006465.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006466.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006481.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006482.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006483.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006483.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006499.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC006509.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006538.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006539.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006539.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006539.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006547.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006548.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006548.29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006840.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006942.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006946.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006946.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006960.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006983.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006986.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006986.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006986.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006987.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006988.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006989.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006989.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006991.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006991.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006998.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC006999.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007000.10	0,00	0,43	0,00	0,00	NA	NA
AC007000.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007003.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007014.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007033.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007036.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007040.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007041.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007050.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007050.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007064.29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007078.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007092.1	0,14	0,24	0,11	0,17	NA	NA
AC007095.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007098.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007099.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007106.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007115.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007128.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007131.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC007136.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007163.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007179.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007189.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007193.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007193.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007204.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007228.11	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
AC007229.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007237.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007238.1	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
AC007242.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007248.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007248.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007249.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007251.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007253.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007255.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007271.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007272.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007274.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007274.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007274.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007274.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007275.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007276.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007276.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007277.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007278.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007282.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007282.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007292.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007312.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007316.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007322.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007322.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007322.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007322.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007322.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007326.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007326.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007327.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007327.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007359.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007359.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007365.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007365.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC007379.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007379.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007381.3	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
AC007383.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007383.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007386.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007387.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007389.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007389.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007389.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007390.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007392.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007394.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007394.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007395.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007395.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007395.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007403.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007403.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007405.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007405.4	0,52	1,20	0,68	0,65	NA	NA
AC007405.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007405.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007461.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007463.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007491.1	0,00	0,71	0,00	0,09	NA	NA
AC007551.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007556.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007557.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007557.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007557.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007557.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007559.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007560.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007562.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007562.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007562.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007562.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007562.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007563.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007563.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007563.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007563.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007631.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007677.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007679.3	0,28	0,22	0,30	0,21	NA	NA
AC007679.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007731.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007740.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC007742.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007742.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007750.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007787.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007790.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007795.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007876.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007879.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007881.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007919.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007952.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007952.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007965.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007966.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007967.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007967.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007967.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC007969.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008060.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008060.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008060.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008063.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008069.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008069.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008070.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008071.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008073.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008074.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008074.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008079.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008088.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008103.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008103.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008103.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008132.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008132.13	0,04	0,07	0,06	0,03	NA	NA
AC008154.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008154.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008155.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008155.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008163.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008171.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008173.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008175.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC008175.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008175.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008175.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008175.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008176.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008264.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008268.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008269.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008271.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008278.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008278.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008279.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008280.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008280.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008281.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008500.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008592.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008592.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008592.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008694.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008703.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008728.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008746.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008746.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008746.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008753.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008753.3	0,00	0,87	0,00	0,00	NA	NA
AC008781.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008834.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008834.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008937.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008984.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008984.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008984.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008991.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC008992.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009014.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009052.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009110.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009120.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009120.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009133.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009133.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009133.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009134.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009158.1	0,00	0,00	0,13	0,46	NA	NA
AC009161.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009166.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009166.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009223.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009229.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009229.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009233.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009233.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009234.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC009235.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009236.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009237.7	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
AC009238.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009238.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009238.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009238.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009239.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009240.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009262.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009263.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009274.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009276.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009297.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009299.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009302.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009302.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009302.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009305.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009310.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009313.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009336.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009336.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009362.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009365.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009410.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009411.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009413.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009414.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009429.1	0,00	0,25	0,00	0,00	NA	NA
AC009473.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009474.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009476.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009477.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009477.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009480.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009484.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009487.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009487.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009487.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009489.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009492.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009494.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009494.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009494.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009494.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC009498.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009498.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009500.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009501.4	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
AC009501.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009502.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009502.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009505.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009508.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009517.2	0,00	1,13	0,00	0,00	NA	NA
AC009518.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009518.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009518.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009518.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009530.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009531.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009541.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009784.3	0,30	0,00	0,00	1,15	NA	NA
AC009784.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009878.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009892.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009892.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009892.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009892.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009892.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009945.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009947.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009947.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009947.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009947.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009952.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009952.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009952.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009955.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009960.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009961.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009962.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009963.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009963.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009963.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009965.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009967.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009969.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009969.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009973.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009974.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC009976.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC009976.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010080.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010084.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010086.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010086.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010086.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010088.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010088.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010091.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010095.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010105.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010132.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010132.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010132.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010133.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010136.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010140.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010141.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010141.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010141.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010141.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010141.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010144.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010145.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010146.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010149.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010153.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010153.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010154.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010240.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010423.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010468.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010492.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010492.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010518.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010518.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010525.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010641.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010646.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010678.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010678.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010682.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010685.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010723.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010729.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010729.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC010731.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010731.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010740.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010745.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010745.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010745.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010745.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010746.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010747.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010761.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010872.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010874.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010891.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010894.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010900.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010902.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010907.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010907.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010967.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010967.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010970.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010974.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010975.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010979.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010982.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010983.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010984.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010984.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010987.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC010987.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011193.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011196.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011225.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011233.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011236.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011236.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011239.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011239.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011242.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011243.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011284.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011286.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011290.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011290.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011292.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011294.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011297.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011298.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011302.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011303.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011306.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011306.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011309.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011325.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011330.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC011330.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011330.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011366.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011366.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011380.8	0,00	0,00	0,00	1,51	NA	NA
AC011431.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011513.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011513.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011516.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011518.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011523.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011524.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011524.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011530.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011609.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011648.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011718.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011738.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011740.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011742.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011747.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011753.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011753.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011754.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011816.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011901.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011901.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011995.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011995.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011996.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011997.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011998.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011998.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011998.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011998.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC011999.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012005.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012005.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012005.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012005.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012005.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012065.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012066.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012068.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012075.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012078.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012078.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012078.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012087.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012305.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012306.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012307.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012318.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012354.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012361.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC012362.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012363.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012363.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012363.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012363.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012363.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012365.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012365.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012365.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012442.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012445.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012451.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012451.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012456.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012462.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012462.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012462.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012485.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012493.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012497.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012499.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012501.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012501.2	0,00	0,51	0,00	0,00	NA	NA
AC012501.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012502.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012506.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012506.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012506.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012507.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012512.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012513.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012531.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012531.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012531.25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012531.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012531.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012613.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012667.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012668.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012668.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC012671.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013262.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013264.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013268.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013268.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013268.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013268.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013268.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013269.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013269.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013269.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013271.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013271.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013401.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013401.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC013402.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013402.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013402.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013403.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013409.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013409.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013409.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013410.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013410.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013412.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013412.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013429.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013436.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013437.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013437.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013437.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013437.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013437.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013442.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013448.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013449.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013460.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013467.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013470.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013470.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013472.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013476.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013480.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013717.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013727.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013727.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013733.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013733.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013733.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013734.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013734.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC013791.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015691.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015726.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015818.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015818.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015849.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015849.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015922.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015933.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015977.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC015977.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016292.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016405.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016561.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016626.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016682.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016683.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016694.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016696.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC016697.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016697.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016698.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016698.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016698.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016698.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016700.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016700.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016700.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016708.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016716.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016716.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016717.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016724.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016724.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016725.4	0,00	0,00	0,00	0,45	NA	NA
AC016727.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016728.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016730.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016732.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016735.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016738.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016739.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016739.2	1,11	1,86	1,64	1,91	NA	NA
AC016749.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016751.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016751.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016752.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016753.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016768.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016772.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016903.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016903.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016906.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016907.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016908.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016908.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016912.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016994.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016994.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016995.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC016999.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017002.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017002.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017005.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017005.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017005.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC017019.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017032.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017040.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017048.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017050.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017053.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017070.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017071.1	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
AC017074.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017074.2	0,28	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017078.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017079.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017079.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017080.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017081.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017081.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017084.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017101.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017104.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC017104.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018463.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018463.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018470.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018495.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018495.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018502.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018641.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018641.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018647.3	0,00	0,12	0,00	0,13	NA	NA
AC018648.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018677.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018682.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018682.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018685.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018685.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018691.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018693.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018693.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018696.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018696.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018705.5	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
AC018712.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018712.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018717.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018717.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018730.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018730.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018731.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018731.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018735.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018737.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018737.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018737.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018738.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018742.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC018755.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018766.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018804.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018804.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018832.1	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
AC018839.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018865.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018865.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018865.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018865.8	0,37	0,23	0,32	0,16	NA	NA
AC018865.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018878.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018880.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018880.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018890.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018892.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018892.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018892.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC018892.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019048.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019050.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019058.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019060.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019064.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019068.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019084.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019097.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019099.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019099.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019099.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019099.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019099.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019102.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019118.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019118.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019129.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019129.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019159.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019171.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019171.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019178.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019178.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019185.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019185.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019186.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC019349.2	0,00	0,49	0,00	0,00	NA	NA
AC019349.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020581.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020595.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020743.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020915.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020947.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020951.1	0,17	0,00	0,59	0,12	NA	NA
AC020956.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC020983.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC021016.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021016.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021021.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021021.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021107.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021107.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021107.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021849.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021851.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC021876.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022002.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022002.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022182.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022201.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022202.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022486.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022596.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC022596.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023105.3	0,00	0,18	0,16	0,17	NA	NA
AC023128.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023128.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023137.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023271.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023271.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023274.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023347.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023449.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023468.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023468.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023469.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023469.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023480.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023481.1	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
AC023485.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023669.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC023881.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024028.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024038.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024067.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024082.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024082.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024132.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024162.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC024183.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024183.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024560.2	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
AC024704.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024910.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024937.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC024937.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025165.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025226.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025227.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025246.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025263.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025283.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025442.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025627.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025627.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025627.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025627.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025731.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025735.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025735.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025750.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025750.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025811.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025811.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025811.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025819.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025819.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC025819.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026166.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026167.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026170.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026185.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026191.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026194.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026202.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026214.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026271.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026471.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026803.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026882.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC026904.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC027119.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027124.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027124.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027124.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027601.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027612.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027612.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027612.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC027612.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034186.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034193.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034198.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034198.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034228.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC034243.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC037459.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC040963.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC046143.3	0,00	0,00	0,14	0,00	NA	NA
AC046143.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC048382.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC051649.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC051649.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC051663.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC051663.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC053503.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC053503.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC053503.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC053545.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC055811.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC055876.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC060834.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC061961.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062016.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062016.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062016.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062020.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062021.1	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
AC062022.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062031.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC062032.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063961.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063976.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063976.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063976.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063979.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC063980.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064826.2	0,00	1,40	0,00	0,00	NA	NA
AC064829.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064834.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064836.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064847.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064847.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064850.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064852.5	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
AC064853.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC064865.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064868.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064871.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064872.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC064874.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC066595.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC066692.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067945.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067956.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067960.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067968.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067969.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC067969.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068042.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068057.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068057.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068129.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068129.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068134.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068134.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068134.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068134.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068135.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068137.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068138.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068196.1	0,00	0,40	0,00	0,00	NA	NA
AC068279.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068287.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068302.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068483.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068490.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068491.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068492.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068535.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068535.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068535.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068535.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068538.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068538.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068541.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068541.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068541.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068542.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068542.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068580.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC068580.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068580.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068601.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068601.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068601.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068610.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068614.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068657.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068704.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068719.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068724.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068831.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068831.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068831.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068831.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC068858.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069146.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069154.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069155.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069157.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069213.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069257.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069257.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069282.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069303.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069363.1	0,24	0,54	0,55	0,52	NA	NA
AC069394.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069513.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC069542.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC072052.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC072061.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073057.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073065.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073069.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073071.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073072.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073072.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073082.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073091.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073094.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073109.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073115.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073115.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073115.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073115.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073133.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073143.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073150.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073150.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073188.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073188.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073218.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073218.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073264.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073271.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC073310.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073316.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073316.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073321.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073321.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073321.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073325.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073325.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073331.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073342.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073409.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073410.1	0,00	0,32	0,00	0,00	NA	NA
AC073415.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073421.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073464.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073465.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073465.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073465.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073476.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073502.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073621.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073626.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073628.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073629.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073636.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073649.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073649.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073649.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073834.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073850.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073852.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073869.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073893.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073893.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073893.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073893.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC073893.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073900.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073928.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073957.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073958.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC073987.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074008.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074011.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074019.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074019.2	0,18	0,01	0,01	0,14	NA	NA
AC074091.13	0,04	0,05	0,10	0,17	NA	NA
AC074112.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074117.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074138.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074183.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074183.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074212.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074212.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074290.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074338.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074363.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074375.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074387.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074389.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074389.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC074389.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078791.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078841.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078842.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078851.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078852.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078852.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078882.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078883.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078883.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078899.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078899.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078899.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078937.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078942.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078974.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC078994.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079005.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079005.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079090.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079112.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079117.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079120.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079135.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079150.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079150.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079154.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079163.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079199.2	0,00	1,47	0,00	0,00	NA	NA
AC079305.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC079305.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079305.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079337.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079354.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079354.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079354.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079354.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079395.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079584.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079610.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079612.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079613.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079621.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079741.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079753.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079767.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079776.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079776.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079776.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079776.7	0,10	0,30	0,00	0,00	NA	NA
AC079777.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079779.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079779.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079779.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079780.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079781.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079781.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079781.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079789.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079790.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079790.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079799.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079807.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079880.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC079922.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC080002.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC080075.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC080091.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC080094.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC080125.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083760.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083822.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083843.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083855.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083862.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083863.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083867.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083871.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083873.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083874.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC083939.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084082.3	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
AC084121.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084121.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084121.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC084121.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084149.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084290.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084809.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084809.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC084854.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087072.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087073.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087380.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087393.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087491.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087499.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087499.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087499.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087499.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087499.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC087650.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090018.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090042.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090043.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090283.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090286.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090453.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090505.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090505.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090505.6	0,00	0,00	0,26	0,00	NA	NA
AC090516.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090587.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090587.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090616.2	0,00	0,00	0,10	0,00	NA	NA
AC090617.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090625.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090696.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090774.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090945.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090952.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090954.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090954.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090955.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090955.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090955.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090957.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090958.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090958.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090958.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090958.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090958.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC090985.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091069.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091133.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091167.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091199.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091491.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091492.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091492.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC091493.1	0,09	0,11	0,00	0,00	NA	NA
AC091633.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091652.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091654.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091685.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091705.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091729.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091770.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091788.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC091813.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092013.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092071.1	0,00	0,00	0,00	0,39	NA	NA
AC092106.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092106.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092155.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092155.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092155.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092156.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092156.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092162.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092162.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092168.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092168.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092168.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092170.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092180.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092198.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092214.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092295.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092295.7	0,53	0,95	0,86	0,16	NA	NA
AC092299.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092421.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092442.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092534.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092566.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092568.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092569.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092570.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092570.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092570.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092580.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092580.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092580.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092584.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092595.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092601.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092614.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092619.1	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
AC092625.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092628.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092634.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092635.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092638.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092640.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092642.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC092646.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092646.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092657.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092660.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092661.1	0,18	0,79	0,00	0,25	NA	NA
AC092661.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092662.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092664.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092667.2	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
AC092669.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092675.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092676.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092676.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092687.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092687.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092687.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092755.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092796.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092839.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092839.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092841.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092843.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092933.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC092937.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093063.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093063.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093074.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093081.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093084.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093106.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093106.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093106.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093107.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093112.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093113.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093142.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093142.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093162.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093166.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093166.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093166.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093166.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093230.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093377.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093381.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093382.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093390.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093411.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093415.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC093416.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093509.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093555.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093585.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093590.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093627.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093627.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093642.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093662.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093698.1	0,00	0,34	0,00	0,00	NA	NA
AC093698.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093698.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093698.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093702.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093724.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093734.11	0,09	0,20	0,00	0,02	NA	NA
AC093743.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093762.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093787.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093822.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093838.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093843.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093850.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093850.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093899.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093901.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC093911.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC094019.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC094019.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC095380.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC095381.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC095381.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096553.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096554.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096559.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096568.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096570.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096570.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096574.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096579.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096579.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096582.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096582.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096582.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096583.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096649.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096649.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096664.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096664.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096732.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096732.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096772.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC096918.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097359.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097361.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC097374.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097374.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097374.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097381.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097461.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097463.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097463.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097468.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097468.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097499.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097499.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097523.1	0,00	0,00	0,28	0,27	NA	NA
AC097532.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097533.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097639.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097713.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097713.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC097721.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098477.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098581.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098592.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098592.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098592.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098592.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098614.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098614.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098647.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098648.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098650.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098784.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098795.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098800.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098817.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098817.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098817.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098820.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098824.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098826.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098826.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098872.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098971.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC098973.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099342.1	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
AC099344.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099344.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099344.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099540.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099544.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099544.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099548.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099552.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099552.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099668.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099684.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC099754.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC099799.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC100748.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC100848.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC102953.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC102953.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103563.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103564.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103796.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC103881.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104076.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104076.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104088.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104131.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104297.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104304.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104306.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104306.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104308.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104389.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104389.31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104389.32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104439.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104532.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104623.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104634.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104634.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104651.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104651.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104651.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104654.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104655.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104697.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104698.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104699.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104700.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104772.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104777.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104777.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104781.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104794.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104801.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104843.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104843.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104978.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC104984.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105050.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105342.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105393.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105393.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105398.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC105399.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105402.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105402.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105443.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105761.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC105901.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106053.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106706.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106782.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106786.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106869.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106870.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106875.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106876.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106883.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106900.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC106901.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107057.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107057.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107083.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107218.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107399.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107399.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107620.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC107983.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108004.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108004.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108032.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108039.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108039.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108039.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108051.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108059.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108059.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108171.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108448.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108448.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108462.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108479.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108479.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108510.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108938.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108938.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC108938.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109309.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109309.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109309.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109585.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109638.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC109826.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110078.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110078.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110299.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110299.5	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
AC110620.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC110620.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110754.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC110926.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC111155.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC111200.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC111200.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112211.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112220.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112220.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112229.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112229.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112497.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112518.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112715.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC112721.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113331.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113554.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113607.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113607.2	0,00	0,63	0,00	0,00	NA	NA
AC113607.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113610.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113617.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113618.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC113618.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114273.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114477.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114730.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114730.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114737.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114737.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114737.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114737.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114752.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114752.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114755.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114755.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114755.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114755.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114755.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114760.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114765.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114776.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114783.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114803.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114808.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114808.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114810.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114812.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114812.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114813.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114814.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114814.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114814.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114877.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC114973.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC115115.4	0,00	0,76	0,00	0,00	NA	NA
AC115283.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC116035.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC116609.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC116609.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC116614.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC117490.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC118063.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC118345.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC118653.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC118754.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC119403.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC122136.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC123788.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC123900.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC124057.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC124861.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC124914.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC125238.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC125421.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC126118.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC126365.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC126365.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC126365.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC126365.4	0,33	0,17	0,37	0,34	NA	NA
AC127383.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC127391.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC127391.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128677.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128677.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128677.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128709.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128709.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC128709.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC130464.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC130689.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC130709.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC130710.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC131056.6	0,00	1,94	0,00	0,00	NA	NA
AC131180.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC131180.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC132217.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC132515.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC132807.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133104.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133106.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133141.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133633.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133644.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC133680.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC134594.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC134873.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC134915.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC135721.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC136896.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC136896.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC136940.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC137527.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC137675.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC137723.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138031.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138035.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138035.2	0,00	0,00	0,09	0,15	NA	NA
AC138035.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138472.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138472.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138517.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138623.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138647.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138649.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138655.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138744.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC138783.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139085.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139085.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139099.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139099.5	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
AC139099.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139099.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139100.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139143.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139237.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139712.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139713.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC139932.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC140481.2	0,32	0,34	0,22	0,18	NA	NA
AC140481.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC140481.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC140481.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC140542.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC140725.4	0,00	0,54	0,00	0,00	NA	NA
AC140912.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC141928.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC141930.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC141930.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC142293.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC142472.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144525.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144536.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144568.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144568.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144831.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144835.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC144838.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC145123.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC145124.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC145436.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC145627.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC147651.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC147651.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AC151960.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC152010.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC156455.1	0,27	0,19	0,18	0,00	NA	NA
AC159540.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC190387.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC226119.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC226119.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC226119.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC226119.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AC226150.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACAN	0,02	0,06	0,00	0,04	NA	NA
ACER2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACKR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACKR4	0,00	0,08	0,00	0,07	NA	NA
ACOT4	0,04	0,17	0,11	0,32	NA	NA
ACR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACSBG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTBL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTBP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTG1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTG1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTGP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTL6B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTL8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTL9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTN1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ACTRT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AD000091.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AD001527.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM21P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAM6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADAMTS15	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
ADAMTS7	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
ADAMTSL1	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
ADCY1	0,01	0,07	0,02	0,04	NA	NA
ADCYAP1R1	0,00	0,02	0,00	0,02	NA	NA
ADGRA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRF2	0,04	0,04	0,03	0,10	NA	NA
ADGRF4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRG3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADGRL2	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
ADH1C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ADH5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADH5P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADIG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADORA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADORA2BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADRA1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADRA1D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADRA2A	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
ADRA2C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ADTB1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000658.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000658.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000658.27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000658.29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000658.30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000659.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000659.41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000660.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000660.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000661.36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000661.50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AE000662.93	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF001548.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF001550.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF003625.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF003625.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF013593.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF015262.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF015726.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF027390.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF043945.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF064859.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF064860.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF064860.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF064861.93	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF064861.94	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF067845.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF067845.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF067845.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF096876.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF117829.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF121781.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF121897.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF121898.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF127577.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF127936.3	0,34	0,00	0,15	0,24	NA	NA
AF127936.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF127936.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF129075.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF131215.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF131215.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF131215.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF146191.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF165138.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF165176.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AF186192.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF196779.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF196969.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF196972.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF196972.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF213884.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF224669.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF228730.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF238378.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF238378.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF238378.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF238380.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF241725.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF241725.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF241726.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF241726.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF241726.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF246928.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF254982.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF254982.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF277315.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AF277315.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AFAP1L1	0,09	0,13	0,04	0,00	NA	NA
AFG3L2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AFP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGAP2	0,04	0,14	0,12	0,23	NA	NA
AGAP2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGBL2	0,23	1,37	0,42	0,75	NA	NA
AGGF1P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGGF1P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGTR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGTR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AGXT	0,10	0,37	0,14	0,30	NA	NA
AHSG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AIM2	0,20	0,41	0,21	0,76	NA	NA
AJ003147.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ003147.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ009632.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ011932.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ239321.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ239322.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ271736.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ271736.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AJ271736.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJ271736.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AJAP1	0,00	0,00	0,00	0,01	NA	NA
AK1	0,63	0,20	0,32	0,37	NA	NA
AK4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AK4P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AK6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AK6P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AK7	0,29	0,48	0,45	0,14	NA	NA
AKAP12	0,01	0,00	0,02	0,02	NA	NA
AKAP14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKAP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR1B1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR1B1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR1C2	0,00	0,58	0,08	0,35	NA	NA
AKR1C3	0,19	0,38	0,16	0,62	NA	NA
AKR1CL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR1E2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR7A2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AKR7A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL021546.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022237.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022344.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022344.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022344.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022345.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022345.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022393.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL022393.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL031601.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL031601.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL031601.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL031601.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL031705.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL049757.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL049758.2	0,00	0,57	0,00	0,00	NA	NA
AL050303.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL050303.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL050303.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL050303.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL050303.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL078471.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL079295.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL109748.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL109748.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL109748.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL109748.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL109763.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL117190.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL121578.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL121590.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL121652.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL121656.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL121657.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AL122127.25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL132709.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL132796.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL133244.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL133247.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL137067.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL137067.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL138935.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL157359.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL157359.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL157871.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL160471.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL162151.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL162151.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL162415.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL162759.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL163953.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL353997.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL353997.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL353997.4	0,32	0,75	0,76	0,18	NA	NA
AL353997.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL353999.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL355301.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL355480.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL355480.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL356806.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL359314.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL365331.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL390877.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL450226.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL450992.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL450992.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL512362.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL589986.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL590762.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL590762.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL590762.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL590763.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL590763.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL591704.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL591704.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL591704.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL591893.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL592528.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL672294.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL672296.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL691477.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL772307.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL773604.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL845154.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL928742.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AL928769.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALAS2	0,00	0,17	0,03	0,00	NA	NA
ALDH1A1	0,00	1,22	0,00	0,00	NA	NA
ALDH1L2	0,13	0,16	0,12	0,20	NA	NA

ALDH3A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALDOAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALDOAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALG1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALG1L14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALLC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALOX12B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALOX12P1	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
ALOXE3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ALPK2	0,56	0,88	0,92	0,19	NA	NA
ALPK3	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
ALPPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMBN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMELX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMELY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMER1	0,05	0,05	0,05	0,07	NA	NA
AMIGO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMTN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMY1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMY1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AMYP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANGPTL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANGPTL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANK2	0,00	0,00	0,02	0,02	NA	NA
ANKFN1	0,00	0,00	0,11	0,00	NA	NA
ANKRD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD30BL	0,10	0,62	0,16	0,14	NA	NA
ANKRD33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD52	0,23	1,15	1,22	1,65	NA	NA
ANKRD53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANKRD66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANO3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANO9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANP32D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANTXRL	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
ANTXRLP1	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
ANXA2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ANXA2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AOX3P-AOX2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000146.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000221.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000226.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000233.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000233.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000233.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000235.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000243.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000251.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000255.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000260.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000275.64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AP000282.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000288.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000290.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000295.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000297.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000303.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000320.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000320.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000336.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000339.4	1,31	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000344.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000345.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000345.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000345.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000347.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000350.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000350.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000350.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000351.12	0,14	0,24	0,11	0,14	NA	NA
AP000351.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000354.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000354.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000354.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000357.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000357.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000358.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000358.5	0,00	1,49	0,00	0,00	NA	NA
AP000361.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000362.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000402.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000403.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000431.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000431.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000432.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000435.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000436.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000438.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000438.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000439.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000439.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000439.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000439.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000445.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000445.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000457.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000457.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000462.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000472.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000474.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000477.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000525.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000525.9	0,31	0,75	0,28	0,15	NA	NA
AP000567.27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000568.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000569.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AP000593.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000619.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000619.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000620.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000640.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000641.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000647.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000648.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000648.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000648.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000654.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000662.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000695.4	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
AP000695.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000696.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000697.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000699.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000705.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000705.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000711.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000721.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000725.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000741.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000769.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000769.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000770.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000770.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000797.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000797.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000797.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000797.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000855.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000857.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000859.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000860.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000860.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000867.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000867.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000889.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000889.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000892.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000936.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000963.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000963.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP000998.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001037.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001042.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001043.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001043.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001046.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001046.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001048.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001052.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001053.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001056.1	0,34	1,35	0,21	0,28	NA	NA

AP001059.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001062.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001063.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001065.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001065.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001065.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001065.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001116.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001171.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001172.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001187.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001255.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001257.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001271.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001271.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001331.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001340.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001342.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001346.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001347.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001347.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001415.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001430.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001432.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001432.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001434.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001434.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001437.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001466.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001466.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001471.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001475.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001476.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001476.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001506.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001596.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001601.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001604.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001605.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001607.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001610.5	0,23	0,14	0,14	0,00	NA	NA
AP001610.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001615.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001619.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001625.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001627.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001628.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001629.8	0,13	0,05	0,13	0,16	NA	NA
AP001631.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001631.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001634.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001634.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP001891.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP002026.2	0,00	0,25	0,00	0,00	NA	NA
AP002075.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

AP002414.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP002530.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP002856.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP002954.4	0,00	0,33	0,00	0,18	NA	NA
AP002954.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP003025.2	0,00	0,53	0,03	0,03	NA	NA
AP003068.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP003068.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP003068.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP003385.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP003774.4	0,11	0,00	0,07	0,16	NA	NA
AP004248.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP004289.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP004372.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP004550.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP005019.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP005135.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP005136.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP005232.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP005273.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006216.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006285.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006285.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006288.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006294.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006547.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006621.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006621.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AP006748.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APCDD1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APCS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APLN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOBEC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOC3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOC4-APOC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOH	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
APOL5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
APOOP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP12A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP7P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP7P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP7P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AQP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARF4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARG1	0,00	0,52	0,00	0,24	NA	NA
ARHGAP40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARHGEF16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARHGEF25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARHGEF33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ARID3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARIH2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARL14EPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARL2-SNX15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARL2BPP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARL2BPP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARL4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARMC12	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
ARMC3	0,00	0,00	0,10	0,09	NA	NA
ARMC9	0,14	0,20	0,17	0,16	NA	NA
ARMS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARSH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ART1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ART5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARTN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ARX	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
ASB12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASB17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASCL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASCL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASCL4	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
ASCL5	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
ASH2LP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASIC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASIC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASIC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASPDH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ASXL3	0,45	0,00	0,13	0,24	NA	NA
ATF4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATF4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATOH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATOH7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP11AUN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP12A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP13A4	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
ATP1A3	0,00	0,19	0,17	0,16	NA	NA
ATP1B2	0,07	0,29	0,14	0,27	NA	NA
ATP1B3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP2A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP2B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP2B3	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
ATP5A1P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5A1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5EP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5G1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5HP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5J2-PTCD1	0,00	0,00	0,00	0,10	NA	NA
ATP5J2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5LP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP5LP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP6V0CP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP6V1C2	0,09	0,00	0,07	0,00	NA	NA
ATP6V1G1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATP6V1G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ATQL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ATXN3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AURKA	0,20	0,45	0,21	0,00	NA	NA
AVP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AVPR1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AVPR1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AVPR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
AY269186.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
B3GNT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
B4GALNT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
B4GALNT4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
B4GAT1	0,00	0,00	0,00	0,07	NA	NA
B9D1	0,00	0,44	0,00	0,00	NA	NA
BAALCOS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BAATP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BACE2	0,00	0,06	0,02	0,01	NA	NA
BAG3	0,14	0,05	0,06	0,05	NA	NA
BAK1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BAMBI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BARHL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BARHL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BARX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BAT1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BBOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCAR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCAS1	0,03	0,04	0,10	0,21	NA	NA
BCHE	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCL2L10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCL2L7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BCRL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BDH2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BDNF-AS1	0,00	0,17	0,00	0,17	NA	NA
BDP1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BECN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BEND7	0,00	0,00	0,01	0,02	NA	NA
BEX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BEX2	0,00	0,00	0,00	0,18	NA	NA
BHLHA15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BHLHA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BHLHB9	0,03	0,14	0,07	0,07	NA	NA
BHLHE22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BHLHE23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BHMT2	0,11	0,13	0,19	0,15	NA	NA
BIRC7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BIRC8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BLID	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMP6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMPR1APS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMS1P21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BMS1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BNIP3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

BNIP3P29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BNIP3P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BNIP3P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BOD1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BOK	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-21264C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2168N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2168N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2171C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2171C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2171C21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2171C21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2189O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
bP-2189O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPIFA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPIFA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPIFB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPIFB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPIFB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPY2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BPY2C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BRD7P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BRINP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BRINP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BRS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BSPH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BSX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTBD17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTBD18	0,03	0,69	0,00	0,00	NA	NA
BTBD19	0,74	2,17	0,68	0,45	NA	NA
BTC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTF3L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTF3P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTF3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTF3P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTG4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTN1A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTNL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BTNL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BUB1	0,19	0,26	0,29	0,50	NA	NA
BX255923.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX255923.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX322557.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX322559.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX322559.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX322563.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX664724.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX664724.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX664724.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX842568.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX842568.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BX842568.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
BXDC1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

C10orf105	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf85	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf90	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C10orf99	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf85	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf86	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf91	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf94	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C11orf97	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C12orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C12orf74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C14orf177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C14orf39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C14orf79	0,31	0,51	0,46	0,25	NA	NA
C16orf45	0,27	0,00	0,50	0,08	NA	NA
C16orf92	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C17orf112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C17orf50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C17orf74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C17orf78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C17orf82	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C18orf42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C19orf57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C19orf67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C19orf80	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1DP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1DP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1DP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1GALT1C1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf115	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf143	0,00	0,60	0,00	0,00	NA	NA
C1orf185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf200	0,00	0,00	0,00	0,30	NA	NA
C1orf226	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf234	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1orf94	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QL1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

C1QL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QTNF1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QTNF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QTNF7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1QTNF9	0,00	0,08	0,00	0,07	NA	NA
C1QTNF9-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C1R	0,05	0,11	0,18	0,59	NA	NA
C20orf141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf187	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf195	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf203	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf82	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf83	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C20orf85	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf117	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf140	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C21orf62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C22orf24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C22orf31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2CD4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2CD4C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2CD4D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf27B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf44	0,00	0,38	0,00	0,11	NA	NA
C2orf61	0,00	0,09	0,00	0,08	NA	NA
C2orf66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf69P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf69P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf69P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf73	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
C2orf78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C2orf82	0,00	0,05	0,00	0,32	NA	NA
C3orf20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf79	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3orf84	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C4orf51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C4orf6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C5orf38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C5orf46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C5orf47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C5orf49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

C5orf63	0,53	0,16	0,21	0,21	NA	NA
C5orf67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf118	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf163	0,08	0,40	0,00	0,00	NA	NA
C6orf195	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf222	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf223	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C6orf3	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
C6orf38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7	0,00	0,00	0,03	0,11	NA	NA
C7orf33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf55-LUC7L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C7orf72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8G	0,00	0,35	0,00	0,34	NA	NA
C8orf22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8orf4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8orf48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8orf75	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C8orf87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf106	0,00	0,14	0,11	0,27	NA	NA
C9orf107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf163	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf173	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf73	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
C9orf92	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CA10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CABLES2	0,10	0,58	0,11	0,00	NA	NA
CABP7	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
CABS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACHD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACNA1B	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
CACNA1C	0,00	0,28	0,00	0,00	NA	NA
CACNA1E	0,00	0,00	0,01	0,00	NA	NA
CACNA1I	0,00	0,01	0,00	0,01	NA	NA
CACNA1S	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
CACNA2D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACNG2	0,04	0,00	0,03	0,11	NA	NA

CACNG5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACNG6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACNG7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACNG8	0,30	0,25	0,32	0,58	NA	NA
CACTIN-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CACYBPP1	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
CADPS	0,09	0,36	0,13	0,09	NA	NA
CALB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALCP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALCR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALHM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALHM4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALM1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALML3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALML5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALML6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CALY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAMK2A	0,00	0,29	0,07	0,08	NA	NA
CAMK2N2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAMKV	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAND2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAPN9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAPNS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CAPZA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CARTPT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CASKIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CASP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CATSPER3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CATSPER4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CATSPERD	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
CAV3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CBLN2	0,00	0,00	0,02	0,03	NA	NA
CBLN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CBSL	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
CBX5	3,66	4,85	3,53	2,96	NA	NA
CBY3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC103	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC105	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC113	0,10	0,36	0,23	0,22	NA	NA
CCDC116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC121	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
CCDC140	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC163P	1,22	0,60	0,61	0,47	NA	NA
CCDC166	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC169-SOHLH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC172	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
CCDC177	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
CCDC178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC188	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CCDC33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC65	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
CCDC67	0,00	0,00	0,05	0,00	NA	NA
CCDC70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC81	0,26	0,48	0,25	0,61	NA	NA
CCDC85C	0,05	0,19	0,14	0,06	NA	NA
CCDC87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC89	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCDC96	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCER1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCK	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCKAR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL15-CCL14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL20	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
CCL21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCL7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCM2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCNA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCNB3	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
CCND2-AS1	0,00	0,05	0,00	0,05	NA	NA
CCR8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCT4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CCT5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CD163L1	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
CD177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CD248	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CD24L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CD276	0,05	0,00	0,05	0,06	NA	NA
CD300LG	0,00	0,19	0,11	0,16	NA	NA
CD46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CD5L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDC14B	0,02	0,13	0,04	0,06	NA	NA
CDC20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDC25C	0,00	0,00	0,00	0,07	NA	NA
CDC37P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDC42EP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDC42P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDC45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDCA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDCA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDCP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDH10	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
CDH12P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDH16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDH26	0,00	1,15	0,03	0,08	NA	NA

CDH5	0,07	0,07	0,08	0,14	NA	NA
CDK15	0,03	0,06	0,02	0,00	NA	NA
CDK5R2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDKL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDKN2A-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDNF	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
CDO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDR1-AS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDRT15L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDRT15P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDRT7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDSN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDX4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDY12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDY1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDY2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CDY2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEACAMP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CECR9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CELA3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CELF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CELSR3	0,00	0,01	0,00	0,02	NA	NA
CEMIP	0,03	0,00	0,02	0,04	NA	NA
CENPC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CENPQ	0,06	0,00	0,05	0,08	NA	NA
CEP170B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CEP295NL	0,00	0,29	0,03	0,00	NA	NA
CER1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CES1P1	0,14	0,29	0,08	0,06	NA	NA
CES1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CETN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFAP100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFAP53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFAP57	0,06	0,03	0,03	0,00	NA	NA
CFAP58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFAP77	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFAP99	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFC1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFHR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFHR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFHR5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFL1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CFLP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFLP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFLP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFTRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CFTRP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CGB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CGB7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CGB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-118O6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-118O6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-125A10.2	0,35	0,74	0,54	0,64	NA	NA
CH17-128G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-132F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-13I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-13I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-140K24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-159N18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-16P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-172B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-195P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-212P11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-219N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-224D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-232I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-248H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-248H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-262O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-270A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-270A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-296N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-333M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-333M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-335B8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-342O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-343M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-351M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-360D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-360D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-360D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-385C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-38B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-408M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-409J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-469D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-472G23.1	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
CH17-478G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-52D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-52D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CH17-53B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-53B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-66N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH17-78J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH25H	0,03	0,24	0,00	0,00	NA	NA
CH507-145C22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-152C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-152C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-152C13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-152C13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-154B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-154B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-210P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-210P18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-210P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-216K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-216K13.2	0,00	0,41	0,08	0,00	NA	NA
CH507-236L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-236L23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-236L23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-254M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-254M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-254M2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-338C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-396I9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-42P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-42P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-42P11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-42P11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CH507-9B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHCHD2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHCHD9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHD5	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
CHEK2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHGA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHIA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHPF	0,00	0,00	0,00	0,10	NA	NA
CHRM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHRM4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHRNA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHRND	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
CHRNG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHST1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHST4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHST6	0,10	0,28	0,12	0,26	NA	NA
CHST7	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
CHST8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHSY3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CHTF8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CIAPIN1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CIART	0,15	0,13	0,14	0,39	NA	NA
CIB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CIB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CICP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CICP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CILP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CIT	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
CITF22-123F2.1	0,03	0,15	0,10	0,36	NA	NA
CITF22-45C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CKAP2L	0,06	0,25	0,07	0,10	NA	NA
CKBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CKM	0,00	0,09	0,00	0,07	NA	NA
CKMT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CKS1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CKS1BP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLCA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLCF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLCNKB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLDN7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLEC14A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLEC18B	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
CLEC18C	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
CLEC2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLIC1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLIC6	0,03	0,43	0,04	0,05	NA	NA
CLIP3	0,00	0,04	0,00	0,08	NA	NA
CLUU10S	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLPS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLPSL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLPSL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLRN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLRN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLSTN3	1,00	1,12	0,38	1,05	NA	NA
CLU	0,52	0,50	0,27	1,31	NA	NA
CLUHP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLUHP11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLUHP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLUHP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLUHP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLUHP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CLVS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CMB9-43M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CMB9-44E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CMB9-55F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CMYA5	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
CNGA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNIH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNKSR3	0,20	0,23	0,28	0,39	NA	NA
CNN1	0,44	1,92	0,46	1,14	NA	NA
CNN2P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNN2P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CNR1	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
CNTF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNTFR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNTN6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CNTNAP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COBL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL11A1	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
COL11A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL11A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL12A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL13A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL16A1	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
COL18A1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL1A1	0,41	0,43	0,40	0,39	NA	NA
COL22A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL25A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL2A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL4A2	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
COL4A2-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL4A4	0,01	0,01	0,00	0,01	NA	NA
COL4A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL5A1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL6A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COL6A6	0,09	0,01	0,04	0,00	NA	NA
COL7A1	0,00	0,22	0,05	0,00	NA	NA
COL8A1	0,84	1,31	1,14	0,94	NA	NA
COL9A3	0,00	0,25	0,25	0,00	NA	NA
COLCA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COLGALT2	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
COPZ2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COTL1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COTL1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX20P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX4I2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX5AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX6A1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX6A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX6CP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX6CP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX7A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX7A2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX7A2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX7B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
COX7BP2	0,00	2,38	0,00	0,00	NA	NA
COX8C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPB1	0,03	0,04	0,04	0,00	NA	NA
CPB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPHXL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPLX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPNE4	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
CPNE5	0,00	0,40	0,15	0,20	NA	NA
CPNE6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CPS1-IT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPSF4L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPXCR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CPZ	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
CR2	0,14	0,00	0,43	0,85	NA	NA
CR848007.2	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
CR848007.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRCT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CREB3L3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRISP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRISPLD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRNN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYAA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYBA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYBB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYBB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYGA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYGD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CRYGN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSAG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSAG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSAG4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSDAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSDC2	0,00	0,00	0,05	0,13	NA	NA
CSF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSHL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSN1S1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSNK1A1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSNK1A1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSNK2A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSPG4	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
CSPG4LYP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSPG4P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSPG5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST9L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CST9LP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSTP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CSTP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT45A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT45A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT45A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT45A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT45A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CT45A9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47A9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT47B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CT83	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-109P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-109P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-125H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-14H9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-150C2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-150C2.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-217C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-221G9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-221G9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-242H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-243E7.2	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
CTA-246H3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-246H3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-250D10.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-250D10.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-250D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-268H5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-276F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-276O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-277P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-280A3_B.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-282F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-292E10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-298G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-298G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-313A17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-313A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-326K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-332P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-342B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-363E19.2	0,00	0,00	0,00	0,20	NA	NA
CTA-363E6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-363E6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-369K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-373H7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-384D8.20	0,00	0,33	0,00	0,00	NA	NA
CTA-384D8.33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-38K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-390C10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-392C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTA-397C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-397C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-397H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-407F11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-444M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-444M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-445C9.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-481E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-503F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-520D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-714B7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-714B7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-714B7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-747E2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-797E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-833B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-85E5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-85E5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-929C8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-929C8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-929C8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-941F9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-984G1.5	0,00	0,00	0,90	1,21	NA	NA
CTA-992D9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTA-992D9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAG1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAG1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAGE15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAGE7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTAGE8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-105L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-107P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-108O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-10G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-111H14.1	0,00	0,00	0,22	0,00	NA	NA
CTB-113P19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-1144G6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-114C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-118P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-118P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-11I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-122H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-127M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-134F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-13L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147C22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147C22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147C22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147N14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-147N14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-14A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTB-14A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-14A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-152G17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-152G17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-158E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-159G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-160O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-161C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-161J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-161J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-161K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-161M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-162E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-162J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-164L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-167G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-167G5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-16J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-171A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-174D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-174D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-174D11.3	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
CTB-175P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-175P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-178M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-179I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-179I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-179I1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-179K24.3	0,86	0,89	0,48	0,00	NA	NA
CTB-17P3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-180A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-180A7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-180C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-181F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-186G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-187M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-187M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-191D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-191K22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-191K22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-1H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-1I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-22K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-23I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-23I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-23I7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-25B13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-25J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-26E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-28J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-28J9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-2L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-30L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-31C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-31N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTB-31N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-31N19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-31O20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-31O20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-32O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-32O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-32P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-33G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-33G10.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-33O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-33O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-35F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-35F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-35F21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-36O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-39G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-39G8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-3M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-3M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-3M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-40D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-40H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-40H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-40H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-43E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-43E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-43E15.3	0,32	0,40	0,49	0,13	NA	NA
CTB-43I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-46B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-47B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-47B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-47B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-47B8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-47B8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-49A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-49A3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-49A3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-4E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-50E14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-50L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-50L17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-51J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-52I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-52I2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-54I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-54O9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-55O6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-55O6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-55P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-56J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-57H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-58E17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-58E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-58E17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-58E17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTB-58E17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60B18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60E11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-60E11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-61M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-67I13.1	0,00	0,00	0,00	0,13	NA	NA
CTB-70D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-70G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-73N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-78F1.1	0,00	0,17	0,03	0,15	NA	NA
CTB-78F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-78H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-78O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-79E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-7E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-83D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-83J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-88F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-88F18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-88F18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-95B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-95D12.1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
CTB-96E2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTB-96E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-1337H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-1337H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-205M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-209L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-210G5.1	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
CTC-218B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-218H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-224D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-228N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-229L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-232H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-233O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-235G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-235G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-235G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-246B18.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-246B18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-250P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-251H24.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-254B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-255N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-258N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-259J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-260E6.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTC-260E6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-260E6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-260E6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-261N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-261N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-264K15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-264O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-264O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-269P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-270D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-273B12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-273B12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-276P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-276P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-276P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-276P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-278L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-280C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-281F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-281M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-281M20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-281M20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-286N12.1	0,00	0,00	0,00	0,27	NA	NA
CTC-293A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-295J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-295J13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-296K1.4	0,00	0,33	0,00	0,00	NA	NA
CTC-297N7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-297N7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-298B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-304I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-304I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-304I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-305H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-308K20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-311G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-311G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-312O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-312O10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-313D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-320C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-321K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-321K16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-325H20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-325J23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-326K19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-327F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-327F10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-329H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-337B15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-338M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-338M12.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-338M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-338M12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-339F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTC-339O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-340A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-340I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-342M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-342P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-343N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-344H19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-345K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-347C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-348L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-349C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-350I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-353G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-359D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360G5.6	0,91	1,41	1,15	0,76	NA	NA
CTC-360G5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360J11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360J11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360J11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-360P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-362D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-367F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-367J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-369M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-370J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-391G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-398G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-398G3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-400I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-400I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-400I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-412M14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-412M14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-419K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-422A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-422A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-425H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-425K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-426L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-428G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-428G20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-428I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-429C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-429C10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-430J12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-432M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-435M10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-436K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-436K13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-436P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-438O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-441N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-441N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-444D3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTC-444N24.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-447K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-447O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-448F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-448F2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-451A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-453G23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-453G23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-454I21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-455F18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-457E21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-458A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-458G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-458G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-459F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-459F4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-459F4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-459M5.1	0,00	0,89	0,00	0,00	NA	NA
CTC-461H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-461H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-463N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-463N11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-465D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-467M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-467M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-470C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-470E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-471C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-471C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-471F3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-471J1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-472C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-479C5.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-479C5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-484P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-490E21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-490E21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-490G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-490G23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-490G23.6	0,00	0,66	0,00	0,46	NA	NA
CTC-493L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-493L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-493P15.2	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
CTC-493P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-496I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-497E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-497E21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-498J12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-498M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTC-498M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-498M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-498M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-499B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-499B15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-501O10.1	0,91	0,40	1,11	0,68	NA	NA
CTC-503J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-503J8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-505O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-505O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-505O3.3	0,00	0,51	0,26	0,25	NA	NA
CTC-507E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-508F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-512J12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-512J12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-512J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-512J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-513N18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-513N18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-518B2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-518B2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.1	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-523E23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-524C5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-525D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-525D6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-527H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-529G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-534B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-535M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-535M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-537E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-537E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-537E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-542B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-542B22.2	0,55	0,00	0,41	0,47	NA	NA
CTC-546K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-548H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-548K16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-550B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-550B14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-550M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-551A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-552D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-555I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-556K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-558O2.1	0,04	0,04	0,00	0,05	NA	NA
CTC-558O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-559E9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-559E9.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-559E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTC-563A5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-564N23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-565M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-566C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-571O20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-575C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-575C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-575C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-575D19.1	0,49	0,53	0,31	0,64	NA	NA
CTC-661I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-661I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-756D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-756D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-774J1.1	0,00	0,09	0,05	0,00	NA	NA
CTC-782O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-782O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-786C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-788C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-806A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-820M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTC-830E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2001A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2001E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2003D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2004A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2005D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2005H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2005H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006C1.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006C1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006H14.2	0,00	0,24	0,11	0,23	NA	NA
CTD-2006M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2006O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2007A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2007H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2007H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2008P7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2009A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2010I22.2	0,75	1,63	1,44	1,00	NA	NA
CTD-2011G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2012K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012K14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2012M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014E2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014E2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014E2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2014N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2015B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2015C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2015G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2015H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2016O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2017D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2017D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2019H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2020P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2021A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2021H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2021J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2021J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2022H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2023N9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2024F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2024I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2024I7.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2024P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2024P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2025J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2026K11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2027G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2027I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2027I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2028E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2028E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2031P19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2033A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2033D15.2	0,00	0,24	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2033D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2034I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2036A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2036A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2036J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2037K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2037L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2037L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2043I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2044J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2046J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2049J23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2049O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2049O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2050E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2050I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2050I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2053J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2054H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2054N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2057D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2057J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2058B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2060C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2060F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2061E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2062F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2062O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2063L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2066L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2066L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2071L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2071N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2071N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2072I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2074D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2078B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2078B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2081C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2083E4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2083E4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2085F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2085J24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2086L14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2086O20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2089N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2089N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2089N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2089O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2090I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2095E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2102P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2104P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2105E13.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2105E13.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2105E13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2108O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2108O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2108O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2110K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2113L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2114J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2116N17.1	0,00	0,00	0,00	0,07	NA	NA
CTD-2117L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2119L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2120M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2123J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2124B20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2124B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2126E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2126E3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2126E3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2126E3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2127F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2127O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2127O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2128A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2128A3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2128F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2129N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2130F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2130F23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2131I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2132H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2132H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2132N18.2	0,03	0,04	0,08	0,04	NA	NA
CTD-2134A5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2134P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2135J3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2138O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2139B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2139B15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2139B15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2140B24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2140G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2140G10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2141G3.1	0,25	0,52	0,25	0,46	NA	NA
CTD-2144E22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2144E22.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2144E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2144E22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2144E22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2146O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2151A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2151A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2151A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2151L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2152M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2154B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2154B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2154H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2156G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2156G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2158P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2158P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2158P22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2160D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2161E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2161F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2161F6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2165H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2168K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2168K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2170G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2171N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2175M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2176I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2176I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2182N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2183H9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2183H9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2184C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2184D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2184D3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2184D3.7	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2186M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2186M15.3	0,18	0,00	0,38	0,22	NA	NA
CTD-2187J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2189E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2192A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2192J16.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2192J16.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2193G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2193I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2193P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2193P3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194A8.2	0,00	0,25	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194D22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194D22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2194M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2195M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2195M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2195M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2195M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2195M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2196E14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2196P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2197M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2198K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2199O4.1	0,20	0,19	0,10	0,47	NA	NA
CTD-2199O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2199O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2199O4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2199O4.7	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2200A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2200P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2200P10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201E9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2201G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2206G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2206G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2206N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2206N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2206N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207O23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207O23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207O23.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2207P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2209N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P15.3	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2210P24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2213F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2213F21.2	1,23	0,53	0,59	1,20	NA	NA
CTD-2215E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2215E18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2215L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2216M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2218G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2218K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2218K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2223O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2224J9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2224J9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2225F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2227C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2227C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2227E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2228A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2228K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2228K2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2230M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2230M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2230M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2231E14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2234B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2240G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2240H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2240J17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2240J17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2243E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2244C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2244C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2244F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2245E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2245F17.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2245F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2245F17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2247C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2247C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2247C11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2247C11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2248H3.1	0,00	0,96	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2249K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2254N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2256P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2256P15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2258A20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2258A20.4	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2263F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2265D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2265D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2265O21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2266L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2267D19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2267D19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2267G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2269E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2269E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2269E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2269E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2272D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2272G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2272G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2272G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2275D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2275D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2275D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2275D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2275D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2278I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2278I10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2281D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2281E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2281E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2281M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2282P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2284O10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2285G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2286N8.2	0,00	0,25	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2287N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2287O16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2288O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2290C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2290C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2291D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2291D10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2292M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2292M16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2292P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2293H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2296D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2296D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2296D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2296D1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2297D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2297D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2298D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2298J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2299E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2299I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2299N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2301A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2302M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2307P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2308B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2308B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2308B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2308L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2308N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2309H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2309H9.2	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2309H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2309O5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2311A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2311B13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2311M21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2311M21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2312P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313F11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313J17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313N18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2313N18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2314B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2314B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2314G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2315A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2315M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2316B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2316B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2318B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2318B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2318B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2318H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2318O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2319I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2319I12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2319I12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2319I12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2320B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2320B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2320B12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2320J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2323K18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2324A24.1	0,00	0,17	0,19	0,13	NA	NA
CTD-2324A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2325A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2325A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2325B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2325K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2330J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2330J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2330K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2330K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331C18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331H12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2331H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2332E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2333K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2335A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2335L22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2335O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2335O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2335O3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2336H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2336H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2336O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2336O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2340E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2342I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2342N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2342N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2343L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2343P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2345H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2345M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2347I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2349B8.1	0,00	0,00	0,33	0,00	NA	NA
CTD-2349P21.5	0,00	0,00	0,10	0,33	NA	NA
CTD-2349P21.6	0,59	1,43	0,61	0,00	NA	NA
CTD-2350I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2351A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2355J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2356P16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2357A8.3	0,19	0,45	0,45	0,42	NA	NA
CTD-2358C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2358C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2358C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2358C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2358C21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2360A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2363C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2366F13.2	0,00	0,49	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2367A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2367A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2371O3.3	0,10	0,00	0,55	1,00	NA	NA
CTD-2372A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2374C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2376I20.1	0,00	0,37	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2376I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2377D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2377D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2377D24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2377O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2378E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2378H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2381F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2382H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2382H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2383M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2384A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2385L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2396E7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2396E7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2396E7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2396E7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2410N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2410N18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2501E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2501O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2501O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2501O3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2503H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2503O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2503O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2503O16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2503O16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2506P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2506P8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2509G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2509G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2509G16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2510F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2514A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2515C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2515H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2515H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2515H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2515H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2515O10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2516K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2516K3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2517M22.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2517M22.9	0,54	0,56	0,61	0,59	NA	NA
CTD-2520I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2521M24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2521M24.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2522B17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2523D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2523D13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2525I3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526A2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526A2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526L21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526L21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2526M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2527I21.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2527I21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2528A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2528N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2529O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2529O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2529P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2529P6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530H12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2530N21.5	0,00	0,08	0,00	0,10	NA	NA
CTD-2532D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2532D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2532K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2532K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2533K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2533K21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2534I21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2534I21.9	0,00	0,97	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2534J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2535I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2535L24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2535P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2535P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2536I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2537I9.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2537I9.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2537L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2537O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2538A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2538C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2538G9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2540B15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2540B15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2540L5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2540L5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2540L5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2541J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2541J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2541M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2542C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2542C24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2542C24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2542O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2544D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2544H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2544H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2544M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2545G14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2545H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2545M3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2547E10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2547E10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2547G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2547L16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2550O8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2550O8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2552B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2552B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2552K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2553C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2553L13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2554C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2555A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2555A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2555I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2555K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2555K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2560C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2560E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2560E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2560K21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2561B21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2561J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2561J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2562J17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2562J17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2563K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2564P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2566J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2566J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2568A17.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2568A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2568P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2568P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2568P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2571E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2571E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2571L23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2572N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2574D22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2574D22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2574D22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2575K13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2576D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2576F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2576N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2579N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2579N5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2579N5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2582M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2583A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2583A14.10	0,00	0,78	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2587H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2587H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2587H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2587H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2588J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2588J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2589H19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2589H19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2589M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2589O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2593A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2593A12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2593A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2594A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2594A10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2594K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2595P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2595P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2596O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2600O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2607J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2611K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2611O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2613O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2616J11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2619J13.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2619J13.27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2619J13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2619J13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2620I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2620I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2621I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2621I17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2622I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-2623H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2623H2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2623H2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2623N2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2626G11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2630F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2632K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2639E6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2643I7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2643I7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2643K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2644I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2647E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2649C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2649C14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2650P22.1	0,00	0,20	0,04	0,00	NA	NA
CTD-2651B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2651B20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2651C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2651L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2653M23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2659N19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2659N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-2659N19.9	0,00	0,00	0,00	0,96	NA	NA
CTD-2666L21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3006G17.2	0,39	0,56	0,31	0,32	NA	NA
CTD-3007L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3014H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3018O17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3018O17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3020H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3022L24.1	0,04	0,11	0,02	0,19	NA	NA
CTD-3023L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3023L14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3028N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3030D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3032H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3032H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3035K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3035K23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3037G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3037G24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3051D23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3051L14.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3051L14.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3060P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3064H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3064M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3064M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3064M3.4	0,20	0,11	0,19	0,23	NA	NA
CTD-3064M3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3065A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3065J16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3066C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3073N11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-3073N11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3074O7.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3074O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3076O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3080F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3083F21.5	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3088G3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3088G3.8	0,36	0,77	0,42	0,43	NA	NA
CTD-3093B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3093M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3096M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3096P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3099C6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3105H18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3105H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3105H18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3107M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3107M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3107M8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3110P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3113P16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3118D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3126B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3131K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3138B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3138B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3138F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3141N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3145H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3148I10.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3149D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3149D2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3154N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3154N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3157E16.1	0,00	0,68	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3157E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3162L10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3162L10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3162L10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3187F8.11	0,00	0,00	0,00	0,27	NA	NA
CTD-3187F8.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3187F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3187F8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3187F8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3193K9.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3193K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3193O13.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3193O13.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3193O13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3194G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3199J23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3203P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3212A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3214H19.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3214H19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CTD-3214K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3216D2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3220F14.1	0,02	0,21	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3222D19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3222D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3224I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3224I3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3224K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3224K15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3229I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3233P19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3233P19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3234P18.6	0,00	0,11	0,00	0,10	NA	NA
CTD-3244O18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3244O18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3244O18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3247H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTD-3252C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTF2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTGLF12P	0,07	0,13	0,12	0,08	NA	NA
CTNNAL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTSG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTSLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTSLL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTSLL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTSLP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTTN	0,10	0,15	0,10	0,19	NA	NA
CTXN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTXN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CTXN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CUX2	0,00	0,04	0,00	0,02	NA	NA
CUX2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXADRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCL10	0,00	0,00	0,03	0,15	NA	NA
CXCL12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCL13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCL17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXCR6	0,00	0,18	0,00	0,12	NA	NA
CXorf18	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
CXorf24	0,00	0,00	0,00	0,14	NA	NA
CXorf28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf49B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf51A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf51B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf57	0,00	0,00	0,06	0,30	NA	NA
CXorf58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CXorf67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYB5P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

CYCSP25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYCSP42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYGB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYMP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP11B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP17A1OS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP19A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP1A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP1B1	0,00	0,00	0,03	0,28	NA	NA
CYP26A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP26B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP26C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP2A7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP2AC1P	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
CYP2C18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP2C8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP2F1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP2J2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP3A51P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4F10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4F23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4F24P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4F30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4F36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4X1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP4Z1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYP7B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYR61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
CYTL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAB2IP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAGLA	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
DAO	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAOA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAQB-12N14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAZ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAZ2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAZ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAZ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DAZL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DBH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DBIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DBNDD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCAF12L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCAF12L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCAF8L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCAF8L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCDC2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

DCLK3	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
DCST1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCST2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DCX	0,02	0,02	0,02	0,05	NA	NA
DDAH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDIT4L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDX11L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDX11L10	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
DDX11L16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDX11L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDX39BP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DDX3Y	0,01	0,03	0,04	0,05	NA	NA
DDX53	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
DDX6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFA9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB104A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB104B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB105A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB105B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB106A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB106B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB107A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB107B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB108B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB108P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB108P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB108P4	0,00	1,04	0,00	0,00	NA	NA
DEFB109	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB109P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB109P1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB115	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB119	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB121	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB123	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB128	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

DEFB131	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB135	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DEFB4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DES	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DFNA5	0,02	0,07	0,05	0,07	NA	NA
DHDH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DHFRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DHH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DHRS7C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DIO3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DIRAS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DIRC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DISP1	0,18	0,00	0,24	0,15	NA	NA
DKK1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLEU2L	0,00	0,04	0,00	0,03	NA	NA
DLG3	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
DLGAP2	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
DLK1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DLX5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DMBT1	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
DMP1	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
DMRT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DMRT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DMRTA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DMRTA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNAAF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNAH10	0,00	0,07	0,00	0,09	NA	NA
DNAH14	0,07	0,13	0,10	0,14	NA	NA
DNAJB1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNAJB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNAJB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNAJC12	0,10	0,32	0,00	0,09	NA	NA
DNAJC18	0,36	0,43	0,37	0,83	NA	NA
DNM1P17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM1P35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DNM3OS	0,14	0,09	0,10	0,21	NA	NA
DNTT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DOK4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DOK7	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
DPF3	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
DPPA2	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA

DPPA3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPPA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPPA5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPRX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPRXP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPRXP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPRXP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPRXP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPY19L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPY19L2P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DPY19L2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DRC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DRD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DRD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DRD5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DSC2	0,07	0,05	0,06	0,03	NA	NA
DSCAML1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DSCR10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DSCR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DSCR8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DSPP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DTL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUOXA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUOXA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUPD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP12P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP8	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
DUSP8P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUSP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L20	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L22	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L23	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L24	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

DUX4L33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUX4L8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXA	0,00	0,00	0,00	0,43	NA	NA
DUXAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXAP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DUXB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DYNC2H1	0,04	0,06	0,35	0,48	NA	NA
DYNLRB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DYNLT3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
DYNLT3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EBI3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EBLN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ECE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ECEL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ECSCR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EDA	0,12	0,29	0,14	0,00	NA	NA
EDA2R	0,00	0,25	0,00	0,08	NA	NA
EDAR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EDDM3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EDIL3	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
EDN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EDNRA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EDNRB	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
EEF1A1P38	0,07	0,00	0,00	0,10	NA	NA
EEF1AKMT4-ECE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EEF1B2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EEF1DP1	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
EEF1E1-BLOC1S5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFCAB10	0,48	0,35	0,63	0,36	NA	NA
EFCAB4A	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
EFCC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFEMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFNA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFNA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFNA5	0,09	0,11	0,08	0,12	NA	NA
EFNB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EFS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EGF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EGFEM1P	0,04	0,00	0,14	0,05	NA	NA
EGFL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EGFR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EGLN3	0,14	0,20	0,10	0,04	NA	NA
EIF1AP1	0,00	0,00	0,00	0,19	NA	NA

EIF1AY	0,30	0,25	0,22	0,87	NA	NA
EIF4A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EIF4A2P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EIF4E1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EIF4E2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EIF4EBP2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EIF5A2	0,06	0,19	0,07	0,10	NA	NA
EIF5AP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ELANE	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ELOA3	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
ELOA3B	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
ELOA3D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ELOVL2	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
ELOVL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ELOVL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ELOVL7	0,03	0,00	0,06	0,09	NA	NA
EMID1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EMX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENDOU	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENPP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENPP7P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENTHD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENTPD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ENTPD3	0,00	0,36	0,00	0,10	NA	NA
EPB41L5	0,00	0,05	0,00	0,04	NA	NA
EPB42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EPCAM	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
EPGN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EPHA3	0,04	0,11	0,08	0,05	NA	NA
EPHA5	0,02	0,04	0,02	0,00	NA	NA
EPHA7	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
EPHX1	0,00	0,00	0,00	0,10	NA	NA
EPHX2	1,16	1,50	1,13	1,19	NA	NA
EPO	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EPPIN-WFDC6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EPS8L1	0,00	0,36	0,00	0,00	NA	NA
EPS8L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EPS8L3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERAS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERBB4	0,01	0,03	0,01	0,01	NA	NA
ERICH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERICH3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERICH4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERICH5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERVV-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERVV-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ERVWE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ESAM	0,18	0,30	0,27	0,46	NA	NA
ESM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ESRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ESRP2	0,29	0,22	0,23	0,20	NA	NA
ESRRB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ESRRG	0,00	0,40	0,05	0,09	NA	NA
ESX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ETF1P2	0,20	0,19	0,27	0,63	NA	NA
ETV3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EVA1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EVC2	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
EVPLL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EVX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EVX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EXO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EXOSC3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EXTL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
EYA1	0,58	0,93	0,83	0,96	NA	NA
EYA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F13B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F8	0,07	0,15	0,37	0,15	NA	NA
F8A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
F9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FA2H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP5L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FABP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FADS2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM101A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM108A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM108A7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM108A8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM108A9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM131B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM131C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM133A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM138C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM138F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM150A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM155B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM162B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM163B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166AP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM166B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM170A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

FAM170B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM171A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM172B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM181A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM182B	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
FAM183A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM187B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM189A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM196B	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
FAM197Y1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM197Y4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM197Y5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM197Y6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM19A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM19A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM19A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM205A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM205B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM205C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM212A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM218A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM21EP	0,05	0,07	0,01	0,06	NA	NA
FAM237A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM24A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM25A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM25BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM25C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM27B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM27E4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM27L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM35BP	0,07	0,00	0,13	0,04	NA	NA
FAM3D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM41AY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM41AY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM43B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM45B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM46D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM47A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM47B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM47C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM47DP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM53A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM57A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM66A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM66C	0,94	1,84	0,48	1,66	NA	NA
FAM71A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM71B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM71C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM71D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM71E2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM71F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM74A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM74A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM74A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM81B	0,00	0,00	0,00	0,10	NA	NA

FAM83B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM86B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM86EP	0,04	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM86KP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM8A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A27P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM90A9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM99A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM99B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAM9C	0,10	0,12	0,13	0,09	NA	NA
FANCE	0,05	0,11	0,10	0,26	NA	NA
FANCI	1,71	0,42	1,69	1,86	NA	NA
FARSBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FAT1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FATE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBN2	0,00	0,07	0,10	0,20	NA	NA
FBP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBXL13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBXL14	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
FBXL7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBXO2	0,33	0,19	0,29	0,17	NA	NA
FBXO32	0,08	0,29	0,09	0,24	NA	NA
FBXO47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FBXW11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FCAMR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FCER2	0,00	0,00	0,17	0,00	NA	NA
FCGR3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FCN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FDCSP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FDSP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FDXP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FEM1DP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FERD3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

FETUB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FEV	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FEZF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FEZF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FFAR3	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
FGB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGD5	0,05	0,09	0,08	0,07	NA	NA
FGF12	0,04	0,02	0,06	0,06	NA	NA
FGF14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGF7P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGFBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGFR3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGFR3P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FGL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FHL5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FIBCD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FIBIN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FIGF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FJX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FKBP1AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FLG	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
FLRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FLRT2	0,10	0,16	0,13	0,20	NA	NA
FLT1	0,35	0,91	0,36	0,56	NA	NA
FMO10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMO11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMO2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMO7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMO8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMO9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMOD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FMR1NB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FNBP1L	0,06	0,12	0,27	0,00	NA	NA
FNDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FNDC3CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FNDC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FNDC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FNTAL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOLH1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXB1	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
FOXB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXCUT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXD4L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXD4L3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

FOXD4L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXD4L6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOX E3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXG1	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
FOXI2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXN3-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXO3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXO6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXQ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FOXR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FPGT-TNNI3K	0,04	0,09	0,06	0,05	NA	NA
FRG2DP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2EP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2FP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2GP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2HP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2IP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRG2JP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRMD3	0,03	0,10	0,09	0,38	NA	NA
FRMD7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FRMPD2	0,03	0,00	0,01	0,08	NA	NA
FRMPD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FSBP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FSCB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FSHB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FSHR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FSTL1	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
FSTL5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTH1P19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTH1P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTHL17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTHL18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTHL26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTLP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTLP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTLP13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FTMT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FUT5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FX YD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FX YD2	0,00	0,09	0,00	0,38	NA	NA
FX YD6-FX YD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FX YD6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FX YD8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
FZD6	0,10	0,00	0,03	0,00	NA	NA
FZD9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GABARAPL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GABRA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GABRB2	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
GABRR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GABRR3	0,02	0,06	0,00	0,00	NA	NA

GAGE12B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE12J	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAGE2E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAL3ST4	0,17	0,24	0,14	0,06	NA	NA
GALNT14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GALNT16	0,35	0,25	0,41	0,44	NA	NA
GALNT8	0,04	0,00	0,00	0,20	NA	NA
GALNTL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GALR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAPDHP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAPDHP66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAPDHS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAPDP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GARNL3	0,70	0,14	0,45	0,47	NA	NA
GAS2L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAS8	0,00	0,00	0,00	0,75	NA	NA
GAS8-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GAST	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GATA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GATA3	0,00	0,05	0,00	0,19	NA	NA
GATA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GBX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GBX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCAT	0,06	0,25	0,00	0,00	NA	NA
GCG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCK	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCNT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCNT1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCNT3	0,43	0,46	0,51	0,53	NA	NA
GCOM1	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
GCOM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GCSAM	0,01	0,04	0,10	0,00	NA	NA
GCSAML	0,55	0,39	0,84	0,54	NA	NA
GDA	0,23	0,69	0,40	0,47	NA	NA
GDEP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GDF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GDF10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GDF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GDF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GDF5	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
GEMIN8P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GF11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GFPT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GFRA1	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
GFRA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GFRA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

GFRAL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GFY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GGN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GGT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GGT5	0,17	0,28	0,30	0,28	NA	NA
GGTLC3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GGTLC5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GHC-1077H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GHC-602D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GHRLOS2	0,08	0,12	0,10	0,00	NA	NA
GHSR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GIF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GIMD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GIPC3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GJE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GKN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLDCP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLDN	0,04	0,09	0,09	0,40	NA	NA
GLIS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLIS3	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
GLOD5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLRA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLRXP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLT6D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLT8D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLTSCR1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLTSCR2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLUD1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLUDP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLULP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLYATL1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLYATL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLYCAM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GLYCTK	1,65	0,14	1,24	1,75	NA	NA
GML	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GMNC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNA14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNAI2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNAO1	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
GNAT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

GNAT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNAZ	0,00	0,08	0,02	0,04	NA	NA
GNG12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNG13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNG3	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
GNG5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNG5P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNG8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNPATP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GNRHR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GOLGA6D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GOLGA8C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GOLGA8E	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
GOLGA8G	0,00	0,02	0,00	0,04	NA	NA
GOLT1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GOT2L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GP1BB	0,00	0,00	0,00	0,11	NA	NA
GP9	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
GPA33	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
GPC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPC6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPHA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPHB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPIHBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR101	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR119	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR146	0,00	0,28	0,00	0,14	NA	NA
GPR148	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR149	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR156	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR176	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR32P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR79	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPR84	0,00	0,44	0,04	0,00	NA	NA
GPR88	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPRC5B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPRC6A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

GPRIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPRIN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GPX7	0,00	0,25	0,13	0,24	NA	NA
GPXP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRAMD1C	0,11	1,16	0,30	0,69	NA	NA
GRAP2	0,00	0,32	0,00	0,03	NA	NA
GREB1	0,33	0,16	0,27	0,40	NA	NA
GRIA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRID1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRID2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRIFIN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRIK3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRIN3A	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
GRIN3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRM7	0,13	0,03	0,11	0,17	NA	NA
GRP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GRPR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-111G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-115G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-115M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-115M3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-120K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-122H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-122H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-124K5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-124K5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-124K5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-124K5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-164F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-165B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-166A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-184P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-18A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-18A18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-200K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-204I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-204I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-204I12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-214D18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-21A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-24F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-24F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-24F4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-251I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-251I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-256O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-257G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-259H13.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-259H13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-25M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-278J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-278J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-293C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-304P7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

GS1-309P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-309P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-309P15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-324M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-324M7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-345D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-358P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-358P8.4	0,49	0,03	0,29	0,53	NA	NA
GS1-383H3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-383H3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-388B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-388B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-388B5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-393G12.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-393G12.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-39E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-39E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-410F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-410F4.2	0,00	0,35	0,00	0,07	NA	NA
GS1-410F4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-410F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-44D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-45N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-466O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-466O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-466O4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-531I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-531I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-541M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-542M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-542M4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-54N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-590J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-590J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-594A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-594A7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-5L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-600G8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-600G8.5	0,00	0,11	0,00	0,17	NA	NA
GS1-69O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-72M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-756B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-756B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GS1-82I1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSG1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTM3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTM5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTP1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSTT2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GSX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

GTF2IP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GTSE1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GTSF1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GUCA2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GUCA2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GUCY2GP	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
GULOP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GVINP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GXYLT1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
GYLTL1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H2AFB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H2AFB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H2BFM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H2BFWT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
H3F3BP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HABP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HAND1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HAO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HAO2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HAPLN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HAPLN3	0,11	0,48	0,33	1,00	NA	NA
HBA1	0,00	1,23	0,48	0,00	NA	NA
HBB	1,55	5,48	3,74	4,27	NA	NA
HBG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HBXIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HBZ	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCG16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCG19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCG20	0,76	1,25	1,08	0,88	NA	NA
HCG21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCG4P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCN2	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
HCN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HCRTR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HDGFL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HDHD1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HEPH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HEPN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HERC2P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HES3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HES5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HEY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HFM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HGFAC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HHATL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HHLA2	0,11	0,12	0,11	0,00	NA	NA
HILS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIRAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H1PS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H1T	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2AA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2AI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2AJ	0,57	0,00	0,31	0,00	NA	NA
HIST1H2APS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

HIST1H2APS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2APS4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2BA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2BI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2BL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2BM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H2BPS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H3F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H3H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H3I	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H3J	0,00	0,40	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H4G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H4K	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H4L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST1H4PS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST2H2AA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST2H2BA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST2H2BB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HIST3H2BA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-DQB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-N	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-S	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-T	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HLA-Z	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMCN2	0,00	0,44	0,00	0,06	NA	NA
HMGA1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGA1L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGA1L6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB1L11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB1L12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB1L9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB1P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB3L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB3L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB3P20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB3P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB3P32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGCLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGCS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN1P30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2L10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2L8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2L9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2P36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2P41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2P46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMGN2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

HMHB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMP19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMSD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HMX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRNPA1P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRNPA1P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRNPCL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRNPCL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRNPCL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HNRPA1P2	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
HNRPA3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HORMAD2	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
HOTTIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA10-HOXA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA11-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXB-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXB7	0,00	0,82	0,00	0,00	NA	NA
HOXB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXB9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC-AS5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXC9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HOXD9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HPCA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HPCAL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HPR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HP RTP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HP RTP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HRASLS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HRASLS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HRASLS5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HRCT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

HRH3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HRNR	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
HS3ST3B1	0,22	0,05	0,10	0,05	NA	NA
HS3ST4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HS3ST6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HS6ST1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HS6ST2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
hsa-mir-3607	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSD11B2	0,00	0,00	0,00	0,57	NA	NA
HSD17B1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSD17B7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSD3B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSFY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSFYP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSP90AA5P	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
HSP90AA6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSP90AB3P	0,06	0,12	0,08	0,06	NA	NA
HSPA1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPA2	0,05	0,10	0,06	0,13	NA	NA
HSPB2-C11orf52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPBL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPD1P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPD1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPD1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPD1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPDP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPEP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HSPG2	0,28	0,50	0,30	0,03	NA	NA
HTATSF1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR1E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR1F	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
HTR3D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR3E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTR6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTRA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HTRA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
HUS1B	0,00	0,16	0,00	0,18	NA	NA
HYPM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IBA57-AS1	0,00	0,00	0,15	0,55	NA	NA
IBSP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ICAM5	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
ICI-14BB7.1	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
ICOS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFIT1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFITM5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IFNA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNL3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IFNL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGDCC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGF1	0,00	0,32	0,00	0,00	NA	NA
IGF2AS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGF2BP3	0,09	0,70	0,15	0,12	NA	NA
IGFALS	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
IGFBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFBP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFBP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFBPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFL1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFL1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGFN1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1-20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1OR15-1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD1OR15-1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2-15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2-21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2OR15-2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD2OR15-2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3-16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3OR15-3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD3OR15-3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4OR15-4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD4OR15-4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD5-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD5-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD5-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD5-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IGHD5OR15-5A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD5OR15-5B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD6-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD6-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD6-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD6-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHD7-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHEP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHJ6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-69	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1-69D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR15-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR15-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR15-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR15-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR16-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR16-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR16-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR16-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV1OR21-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV2-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV2-5	0,00	0,63	0,00	0,00	NA	NA
IGHV2-70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV2-70D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV2OR16-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-23	0,00	1,47	0,00	0,61	NA	NA
IGHV3-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-30-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-33-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IGHV3-53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-64D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-73	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-75	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3-79	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR15-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV3OR16-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-30-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-59	0,00	0,42	0,00	0,00	NA	NA
IGHV4-80	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV6-1	0,00	0,55	0,00	0,00	NA	NA
IGHV7-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV7-34-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV7-40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV7-56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHV7-81	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-15-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-26-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-28-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-30-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-31-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-33-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-40-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-43-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-44-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-46-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-49-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-51-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-53-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-60-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-62-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-65-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-67-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IGHVII-74-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVII-78-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-11-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-13-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-16-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-22-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-25-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-26-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-38-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-47-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-5-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-5-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-51-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-67-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-67-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-67-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIII-76-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGHVIV-44-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGJP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKJ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1D-8	0,00	0,70	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR2-108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR2-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR2-118	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR2-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR2-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR22-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR9-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV1OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IGKV2-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-28	0,00	1,02	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-30	0,00	1,41	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2-40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2D-40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-7D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR2-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV2OR22-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3-31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3-34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3D-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3D-31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3D-34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3D-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3OR2-268	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3OR2-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV3OR22-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV5-2	0,00	0,56	0,00	0,00	NA	NA
IGKV6D-41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGKV7-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLC2	3,47	5,66	3,57	5,22	NA	NA
IGLC3	1,40	3,34	2,51	2,49	NA	NA
IGLC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLCOR22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLCOR22-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLJ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLJ5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLJ7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLL4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IGLV1-36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV1-41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV1-44	0,00	1,16	0,00	0,00	NA	NA
IGLV1-50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV10-54	0,00	0,67	0,00	0,00	NA	NA
IGLV10-67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV11-55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV2-28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV2-33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV2-34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-1	1,00	1,99	1,81	2,34	NA	NA
IGLV3-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-27	0,00	0,63	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV3-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV4-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV5-45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV5-48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV7-35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV7-43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV8-61	0,00	0,53	0,00	0,00	NA	NA
IGLV8OR8-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLV9-49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVI-20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVI-38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVI-42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVI-56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVI-70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIV-53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIV-59	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIV-64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIV-65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIV-66-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVIVOR22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVV-58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVV-66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVVI-22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVVI-25-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGLVVII-41-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IGSF21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IHH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IKBKGP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL12RB2	0,05	0,07	0,15	0,14	NA	NA

IL13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL13RA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL17D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL17F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL17RB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL1F10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL1RAPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL1RL1	0,03	0,15	0,00	0,12	NA	NA
IL20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL20RA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL20RB	0,06	0,56	0,25	0,17	NA	NA
IL21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL21R	0,32	0,28	0,57	0,70	NA	NA
IL22RA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL23A	0,12	0,15	0,00	0,00	NA	NA
IL24	0,07	0,00	0,00	0,13	NA	NA
IL25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL36A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL36B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL36G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL36RN	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
IL37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL6STP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IL9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ILD2	0,04	0,11	0,03	0,03	NA	NA
IMMTP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IMPA1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IMPDH1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INCA1	0,00	0,00	0,00	0,23	NA	NA
INHA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INHBB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INMT-FAM188B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INS-IGF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INSM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
INTS4L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IP6K3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQCA1	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
IQCA1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQCD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQCF1	0,00	0,00	0,21	0,27	NA	NA
IQCF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQCF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQCF6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IQSEC3	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
IRGC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IRS1	0,01	0,12	0,08	0,06	NA	NA
IRS4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IRX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IRX1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IRX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

IRX6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISCA1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISCA1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISLR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ISX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ITGA11	0,17	0,51	0,32	0,31	NA	NA
ITGA2B	0,00	0,04	0,14	0,04	NA	NA
ITGA3	0,45	0,73	0,38	0,29	NA	NA
ITGA9	0,00	0,06	0,00	0,02	NA	NA
ITGB1BP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ITGB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ITIH1	0,27	0,57	0,00	0,31	NA	NA
ITLN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ITM2BP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ITPKA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
IZUMO1R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
JADE3	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
JAG1	0,03	3,01	0,29	0,04	NA	NA
JAM3	0,02	0,27	0,00	0,06	NA	NA
JPH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
JPH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KAAG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KANK1	0,18	0,12	0,26	0,14	NA	NA
KANK4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1000E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1042C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1043D8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1047C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1047C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1058D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1083B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1090H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1107E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1125A3.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1183D5.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1183D5.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1183D5.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1183D5.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1183D5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1184D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1247B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1269D1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1296F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1299A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1303B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1396H2.2	0,00	0,24	0,00	0,00	NA	NA
KB-1410C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1410C5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1433G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1434A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1440D3.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1440D3.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KB-1440D3.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1440D3.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1440D3.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1440D3.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1448A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1460A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1460A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1466C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1517D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1517D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1554H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1562D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1562D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1562D12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1572G7.3	0,00	0,17	0,00	0,16	NA	NA
KB-1572G7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1572G7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1582A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1582A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1589B1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1589B1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1592A4.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1592A4.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1592A4.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1615E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1615E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1615E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1639H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1639H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1639H6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1639H6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1639H6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-173C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-173C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1836B5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1880F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1907C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1930G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1980E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-1991G8.1	0,00	0,40	0,00	0,00	NA	NA
KB-1995A5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-208E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-288A10.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-288A10.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-318B8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-431C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-431C1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-51A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-67B5.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-67B5.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-67B5.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-68A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-7G2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-7G2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KB-7G2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KCCAT333	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNA10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCND1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
KCND3	0,01	0,09	0,03	0,02	NA	NA
KCNE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNH4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNIP4	0,00	0,47	0,00	0,00	NA	NA
KCNJ11	0,08	0,27	0,04	0,12	NA	NA
KCNJ18	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
KCNJ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNJ8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNJ9	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
KCNK15	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
KCNK16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNK18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNK4	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
KCNK5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNMA1	0,08	0,19	0,08	0,15	NA	NA
KCNMB2-IT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNN3	0,01	0,13	0,02	0,03	NA	NA
KCNS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCNU1	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
KCTD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCTD8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KCTD9P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KDF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KDM4E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KDM5D	0,12	0,19	0,15	0,20	NA	NA
KERA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KHDC1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KHDC3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KHDRBS2	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
KHDRBS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIAA0087	0,00	0,03	0,01	0,03	NA	NA
KIAA1211	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
KIAA1549L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIAA1644	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF18BP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF20A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIF5A	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
KIR2DL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIR2DL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIR3DL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KIR3DL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KIRREL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KISS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KISS1R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLF14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLF8P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHDC7A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHDC8A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHDC8B	0,00	0,00	0,00	0,06	NA	NA
KLHL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHL10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHL25	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
KLHL38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHL40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLHL41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLK9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLRC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLRF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KLRG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KNCN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KPRP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRBOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KREMEN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT16P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT16P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT16P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT16P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT17P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT17P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT18P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT19P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT19P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KRT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT223P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT33A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT33B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT37	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
KRT38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT6A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT81	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT83	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT84	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT85	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT86	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P7	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
KRT8P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP1-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP1-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP10-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP11-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KRTAP12-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP12-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP12-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP12-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP13P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP15-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP16-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP17-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP19P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP2-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP2-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP2-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP2-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP20-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP20-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP20-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP20-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP21-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP21-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP21-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP22-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP23-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP24-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP25-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP26-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP27-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP29-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP3-1	0,00	0,61	0,00	0,13	NA	NA
KRTAP3-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP3-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP3-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

KRTAP4-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP4-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP5-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP6-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP6-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP6-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP7-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP8-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP8P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP8P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KRTAP9-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KY	0,03	0,07	0,03	0,03	NA	NA
KYNUP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KYNUP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
KYNUP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
L29074.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
L34079.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
L34079.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-13E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-18E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-23H5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-2F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-2F2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-2F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-2F2.8	0,08	0,08	0,18	0,21	NA	NA
LA16c-306A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-312E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-312E8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-313D11.12	0,17	0,18	0,19	0,30	NA	NA
LA16c-313D11.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-313F4.1	0,00	0,00	0,10	0,15	NA	NA
LA16c-321D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-325D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-329F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-335H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-349E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-352F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-352F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-358B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

LA16c-360A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-360H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-366D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-380A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-380A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-380F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-380F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-380H5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-390E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-390H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-395F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-395F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-407A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-425C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-429E7.1	0,00	1,20	1,21	0,00	NA	NA
LA16c-444G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-4G1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-53D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-59E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-60G3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-60G3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-60G3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-60G3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-60H5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-68B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-68B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-83F12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LA16c-91G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LACRT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LACTBL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LAD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LAG3	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
LAIR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LAMA5	0,16	1,71	0,10	0,22	NA	NA
LBP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LBX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LBX2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCA5	0,00	0,05	0,00	0,07	NA	NA
LCE1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE1C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE1D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE1E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE1F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE2C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE2D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE3D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE3E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCE5A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

LCN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCN1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCN6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCN8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCN9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCNL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LCT	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
LDB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LDHAL6EP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LDHBP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LDHC	0,00	0,13	0,15	0,07	NA	NA
LDLRAD3	0,03	0,20	0,23	0,37	NA	NA
LDOC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LEF1	0,17	2,03	0,04	1,17	NA	NA
LEFTY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LELP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LEMD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LENEP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LEUTX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LEXM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LGALS12	0,12	0,00	0,00	0,10	NA	NA
LGALS13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LGALS14	0,00	0,58	0,21	0,19	NA	NA
LGALS7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LG12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LG13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHFPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHFPL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHFPL3-AS2	0,29	0,36	0,27	0,51	NA	NA
LHFPL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHX5	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
LHX6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHX8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LHX9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LILRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LIM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LIMS2	0,00	0,00	0,00	0,32	NA	NA
LINC00165	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00207	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00210	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00243	0,41	0,44	0,28	0,64	NA	NA
LINC00251	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00254	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00261	0,10	0,00	0,00	0,30	NA	NA
LINC00302	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00305	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00313	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00334	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00364	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00453	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00469	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00489	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00538	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

LINC00540	0,02	0,00	0,07	0,02	NA	NA
LINC00544	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00602	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00612	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
LINC00628	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00636	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00675	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00706	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC00850	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01097	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01126	0,00	0,00	0,00	0,15	NA	NA
LINC01163	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01164	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01173	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01262	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01338	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01377	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01394	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01395	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01541	0,12	0,11	0,06	0,10	NA	NA
LINC01566	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01593	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINC01598	0,00	0,88	0,00	0,00	NA	NA
LINGO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LINGO4	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
LIPF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LIP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LIPK	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
LKAAEAR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL09NC01-254D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-105G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-116E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-116E7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-116E7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-131B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-138C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-144A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-177E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-221F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-244G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-37G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-39B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-73E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0XNC01-7P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL0YNC03-29C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL21NC02-1C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL21NC02-21A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC01-116C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-102D1.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-102D1.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-121E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-121E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-123E1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-13G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

LL22NC03-22A12.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-22A12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-23C6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-23C6.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-24A12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-30E12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-30E12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-30E12.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-32F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-33B6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-48A11.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-75A1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-75H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-80A10.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-84E4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-84E4.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-86D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-88E1.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LL22NC03-88E1.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Llfos-48D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLF-136C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLF-173C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLF-191C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLF-65H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-225F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-249E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-260G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-276E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-304A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LLNLR-304G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Llpac-136A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LMAN1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LMCD1	0,11	0,05	0,15	0,12	NA	NA
LMNTD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LMOD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LMTK3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LNCPRESS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LNx1	0,23	0,00	0,14	0,00	NA	NA
LOC100127976	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LOC134466	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LOC401913	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LOC732538	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LONRF2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LOR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LOXHD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LPPR3	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
LRCH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRCOL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRIG1	1,04	0,57	0,15	0,03	NA	NA
LRIT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRIT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRP5	0,00	0,00	0,00	0,87	NA	NA
LRRC10B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

LRRC24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC39	0,00	0,00	0,14	0,00	NA	NA
LRRC3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC4	0,00	0,07	0,05	0,00	NA	NA
LRRC4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC74A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRC75A	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
LRRIQ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRIQ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRRN3	0,06	0,04	0,04	0,13	NA	NA
LRRTM1	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
LRRTM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRTM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LRWD1	0,07	0,05	0,18	0,04	NA	NA
LSAMP-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LSMEM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LSP1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LURAP1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LUZP2	0,12	0,12	0,29	0,15	NA	NA
LUZP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LY6D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LY6G6D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LY6H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYPD6	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
LYPD8	0,00	0,12	0,00	0,20	NA	NA
LYPLA2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYPLA2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYZL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYZL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYZL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
LYZL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
M1AP	0,09	0,24	0,27	0,90	NA	NA
MAB21L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MACC1	0,45	1,00	0,32	0,84	NA	NA
MACROD2-IT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MADCAM1	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
MAFIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEA9B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MAGEB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGED4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGED4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAGEL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAML1	1,43	0,74	1,00	0,26	NA	NA
MAOA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP1LC3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP1LC3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP2K1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP2K4P1	0,00	0,13	0,00	0,05	NA	NA
MAP3K19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAP6D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAPK11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAPK13	0,42	0,39	0,33	0,53	NA	NA
MAPK6PS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAPK6PS4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAPRE1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAPT-IT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MARC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MARCH11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MARCH3	0,42	1,37	0,37	1,06	NA	NA
MARS2	0,04	0,04	0,00	0,00	NA	NA
MAS1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAS1LP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MAT1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MBD3L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MBD3L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MBD3L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MBL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MBL3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MC3R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MC4R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCART3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCART4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCART5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCCD1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCCD1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCF2	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
MCFD2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCHR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MCIDAS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MDFI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ME1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MED15P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEDAG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEG9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEIG1	0,34	1,12	0,00	0,00	NA	NA
MEIKIN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEIOC	0,60	0,59	0,51	0,90	NA	NA

MEIS1-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEIS3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEP1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MEP1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MESP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
METTL11B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
METTL18	0,15	0,00	0,11	0,10	NA	NA
METTL21C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
METTL24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MFAP4	0,00	0,00	0,00	0,36	NA	NA
MFRP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MFSD6L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MGAM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICE	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MICU3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MID2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIEF2	0,07	0,19	0,11	0,08	NA	NA
MIMT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MINDY4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MINOS1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR101-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR103A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR103B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR103B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR105-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR105-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR106A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR10A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR10B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1180	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1184-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1184-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1184-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1185-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1185-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1193	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1199	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1203	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1204	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR1206	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1207	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1208	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR122	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1224	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1225	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1226	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1227	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1228	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1229	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1231	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1233-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1233-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1234	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1236	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1237	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1238	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR124-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR124-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR124-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1243	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1244-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1244-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1244-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1244-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1245A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1245B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1246	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1247	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1249	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1251	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1253	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1254-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1255A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1255B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1256	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1257	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1258	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR125A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR125B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR125B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1260A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1260B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1261	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1262	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1263	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1264	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1265	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1266	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1268B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1269A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1269B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR1270	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1271	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1272	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1273C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1273F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1279	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR128-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1281	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1282	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1283-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1283-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1284	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1286	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1287	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1288	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1289-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1289-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR129-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR129-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1292	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1293	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1294	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1295A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1295B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1296	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1297	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1298	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1301	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1302-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1303	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1304	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1305	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1306	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1307	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR130A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR130B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1321	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1322	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1323	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1324	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR133A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR133A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR133B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1343	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR135A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR135B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR137	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR138-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR138-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR140	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR143	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR144	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR145	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1468	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1469	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR146A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR146B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1470	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1471	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR147A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR147B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR148A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR148B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR149	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR151A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR151B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR153-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1538	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR155	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1587	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR15A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR15B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR16-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR16-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR181A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR181B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR181C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR181D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1825	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1827	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR184	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR187	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR188	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR18A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR18B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1908	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR1909	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR190A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR190B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1910	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1911	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1912	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1913	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1914	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1915	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR192	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR193A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR193B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR194-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR194-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR195	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR196A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR196A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR196B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1973	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR1976	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR198	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR199A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR199A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR199B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR19A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR19B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR19B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR200A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR200B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR200C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR203A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR203B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR204	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2053	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2054	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR206	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR208A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR208B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR20A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR20B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR210	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2115	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2117	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR212	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR214	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR215	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR216A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR216B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR217	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR218-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR218-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR219A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR219B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR221	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR222	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR223	0,00	0,00	0,00	1,51	NA	NA
MIR224	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2276	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2392	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR23B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR23C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR24-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2467	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2681	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2682	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR26A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR26A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR26B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2861	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR2909	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR296	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR298	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR299	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR29A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR29B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR29B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR29C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR300	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR301A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR301B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR302B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR302E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR302F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3064	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3065	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3074	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR30E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3116-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3118-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3118-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3118-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3118-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3119-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR3119-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3121	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3122	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3123	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3130-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3130-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3131	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3138	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3142HG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3143	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3147	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3150A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3150B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3151	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3155B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3156-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3156-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3156-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3157	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3158-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3158-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3160-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3160-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3163	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3164	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3165	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3166	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3167	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3168	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3169	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3170	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3171	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3176	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3179-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3179-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3179-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3179-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3180-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3184	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR3186	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3187	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3190	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3191	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3193	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3194	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3195	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3199-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3199-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3200	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3201	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3202-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3202-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR320B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR320C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR320D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR320E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR323A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR323B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR324	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR325	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR325HG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR328	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR329-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR329-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR330	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR331	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR335	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR338	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR33A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR33B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR340	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR346	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR34A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR34B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR34C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3529	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3591	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3605	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3606	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3609	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3610	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3611	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3612	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3613	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3614	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3615	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3616	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3617	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3618	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3619	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR362	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3620	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3621	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3622A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3622B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR363	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3646	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3648-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3648-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3649	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3650	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3651	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3652	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3653	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3654	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3655	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3656	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3657	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3658	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3659	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR365A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR365B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3660	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3663	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3664	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3665	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3666	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3667	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3668	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3670-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3670-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3670-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3670-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3672	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3674	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3675	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3677	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3678	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3679	0,00	2,66	0,00	0,00	NA	NA
MIR3683	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3684	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3686	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3687-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3687-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3688-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3688-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3689F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR369	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3691	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR3692	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR370	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3713	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3714	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR371A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR371B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR372	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR373	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR374C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR375	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR376A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR376A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR376B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR376C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR377	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR378I	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR379	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR380	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR381	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR382	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR383	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR384	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3907	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3909	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3910-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3910-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3911	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3912	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3913-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3913-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3914-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3914-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3915	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3916	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3917	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3918	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3919	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3920	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3921	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3922	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3923	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3924	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3925	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3926-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3926-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3927	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR3928	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3934	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3936	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3937	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3938	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3940	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3941	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3943	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3944	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3945	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3960	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3972	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3973	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3974	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3976	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR3977	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR409	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR410	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR411	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR412	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR422A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR423	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR424	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4251	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4253	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4254	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4255	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4257	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4258	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4259	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4260	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4261	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4262	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4264	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4265	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4266	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4267	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4268	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4269	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4270	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4271	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4272	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4273	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4274	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4276	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4279	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4280	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4281	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4282	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4283-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4283-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4284	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4285	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4286	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4287	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4288	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4289	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4290	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4291	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4292	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4293	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4294	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4295	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4296	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4297	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4299	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4300	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4301	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4302	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4303	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4304	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4305	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4307	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR431	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4310	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4311	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4313	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4314	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4315-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4315-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4317	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4318	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4319	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR432	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4320	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4321	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4322	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4323	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4324	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4325	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4326	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4327	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4329	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR433	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4330	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4417	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4418	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4419A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4419B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4421	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4422	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4423	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4424	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4426	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4427	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4429	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4430	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4431	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4432	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4433A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4433B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4435-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4435-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4436A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4436B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4436B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4438	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4439	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4441	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4442	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4443	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4444-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4444-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4445	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4446	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4447	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4448	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4449	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4450	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4452	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4453	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4454	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4455	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4456	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4457	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4458	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4460	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4463	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4464	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4465	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4466	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4467	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4468	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4470	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4471	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4472-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4473	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4474	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4475	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4476	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4478	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4479	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR448	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4480	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4483	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4484	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4485	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4486	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4487	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4488	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4490	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4491	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4492	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4493	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4494	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4495	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4497	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4498	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4499	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR449A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR449B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR449C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4500	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4501	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4503	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4504	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4507	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4508	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4509-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4509-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4509-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR450A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR450A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR450B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4510	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4512	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4513	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4514	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4515	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4516	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4517	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4518	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4519	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR451A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR451B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR452	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4520-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4520-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4521	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4522	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4523	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4524A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4524B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4525	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4527	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4528	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4531	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4532	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4533	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4534	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4535	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4536-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4536-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4537	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4538	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4539	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR454	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4540	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR455	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4632	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4633	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4634	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4635	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4636	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4638	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4640	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4641	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4642	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4643	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4645	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4646	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4647	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4648	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4649	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4650-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4650-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4651	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4652	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4653	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4654	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4655	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4656	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4657	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4658	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4659A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4659B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4660	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4662A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4662B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4663	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4664	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4665	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4666A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4667	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4669	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4670	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4671	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4672	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4673	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4674	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4675	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4678	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4679-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4679-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4680	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4681	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4682	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4683	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4684	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4685	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4686	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4687	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4688	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4689	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4690	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4691	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4692	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4693	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4694	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4695	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4696	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4697	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4699	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4700	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4701	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4703	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4704	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4706	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4707	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4708	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4709	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4710	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4711	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4712	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4713	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4714	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4715	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4716	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4717	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4718	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4719	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4720	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4721	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4723	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4724	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4725	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4726	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4728	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4729	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4731	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4732	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4733	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4735	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4738	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4739	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4740	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4741	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4742	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4743	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4744	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4745	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4746	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4747	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4748	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4749	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4750	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4751	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR4752	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4753	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4755	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4756	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4757	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4758	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4759	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4760	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4761	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4763	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4764	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4765	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4767	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4768	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4769	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4770	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4771-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4771-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4773-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4773-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4775	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4776-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4776-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4777	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4778	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4779	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4781	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4782	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4784	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4785	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4786	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4787	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4788	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4789	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4790	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4791	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4792	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4793	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4794	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4795	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4797	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4798	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4799	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4800	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4801	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4803	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR483	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR484	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR485	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR486-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR486-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR487A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR487B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR488	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR489	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR490	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR492	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR493	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR494	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR495	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR496	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR497	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR498	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR4999	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR499A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR499B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5001	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5002	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5003	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5004	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5006	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5007	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5008	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR500A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR500B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR501	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5010	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5011	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR502	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR503	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR504	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5047	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR508	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5088	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5089	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR509-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR509-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR509-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5090	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5091	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5092	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5093	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR512-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR512-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR513A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR513A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR513C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR514A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR514A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR514A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR514B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR515-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR515-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR516A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR516A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR516B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR516B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR517A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR517B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR517C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5187	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR518E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5190	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5191	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5193	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR519E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR520H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR521-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR521-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR522	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR523	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR524	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR525	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR526A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR526A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR526B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR527	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR532	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR539	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR541	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR542	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR543	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR544A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR544B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AO	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR548AS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AV	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AW	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548AY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548BA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548BB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548F3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548F4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548F5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548H1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548H2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548H5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548I1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548I2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548I3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548I4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548J	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548K	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548M	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548N	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548S	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548U	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548V	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR548X	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR549A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR550A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR550A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR550A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR550B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR550B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR551A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR551B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR552	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR553	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR554	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR556	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR557	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5571	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5572	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5579	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR558	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5580	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5582	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5584	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5586	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5587	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5588	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5589	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR559	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR5590	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5591	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR562	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR563	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR564	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR566	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR567	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5680	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5681A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5681B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5682	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5683	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5684	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5688	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5689	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR569	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5691	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5692A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5692C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5693	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5694	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5696	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5697	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5698	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5699	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5700	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5701-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5701-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5701-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5702	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5703	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5704	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5705	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5707	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR571	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR572	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5739	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR574	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR575	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR577	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR578	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR5787	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR582	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR583	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR584	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR585	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR586	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR587	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR590	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR592	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR593	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR595	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR596	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR598	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR599	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR600	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR603	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR605	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6068	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6069	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6070	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6072	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6073	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6074	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6076	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6078	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6079	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR608	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6080	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6081	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6082	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6083	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6084	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6085	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6086	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6088	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6089	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR609	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6090	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR610	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR611	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR612	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6128	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR613	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6131	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR614	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR615	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6165	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR617	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR618	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR620	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR621	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR622	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR623	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR624	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR626	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR627	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR628	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR629	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR631	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR633	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR634	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR636	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR637	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR638	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR639	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR640	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR641	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR642A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR642B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR643	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR646	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR647	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR649	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6499	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR650	0,00	1,50	0,00	0,00	NA	NA
MIR6501	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6502	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6503	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6504	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6505	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6506	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6507	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6508	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6509	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR651	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6510	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6511B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6512	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6513	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6515	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6516	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR652	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR653	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR654	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR655	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR656	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR657	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR658	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR659	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR660	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR661	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR662	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR663B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR664B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR665	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR668	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR670	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR671	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6715B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6716	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6717	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR6718	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6720	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6721	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6722	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6723	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6726	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6727	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6729	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6730	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6731	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6732	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6733	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6734	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6735	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6736	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6737	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6738	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6739	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6740	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6741	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6742	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6743	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6744	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6745	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6746	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6747	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6748	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6749	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR675	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6750	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6751	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6752	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6753	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6754	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6755	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6756	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6757	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6758	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6759	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR676	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6760	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6762	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6763	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6764	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6765	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6766	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6767	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6768	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6769A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6769B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6770-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6770-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6770-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6771	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6772	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR6773	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6774	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6775	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6776	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6777	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6778	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6779	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6780A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6780B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6782	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6783	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6784	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6785	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6786	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6787	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6788	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6789	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6790	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6791	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6792	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6793	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6794	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6795	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6796	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6798	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6799	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6800	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6801	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6802	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6803	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6804	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6805	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6806	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6808	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6809	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6810	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6811	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6812	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6814	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6815	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6816	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6817	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6818	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6819	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6820	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6821	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6823	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6824	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6825	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6826	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6827	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6828	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6829	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6830	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6831	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR6832	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6833	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6834	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6835	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6836	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6837	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6838	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6839	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6840	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6841	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6842	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6843	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6844	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6845	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6846	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6847	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6848	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6849	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6850	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6851	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6852	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6853	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6854	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6855	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6856	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6857	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6858	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6859-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6859-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6859-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6859-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6860	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6863	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6864	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6865	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6866	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6867	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6868	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6869	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6870	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6871	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6872	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6873	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6874	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6875	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6878	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6879	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6880	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6881	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6882	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6883	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6884	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6885	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6886	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6887	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR6888	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6889	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6890	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6892	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6893	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6894	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR6895	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7106	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7109	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR711	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7151	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7153	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7155	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7156	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7157	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7158	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7159	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7160	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7161	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7162	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR718	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7515	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR758	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR759	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR761	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR762	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR764	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7641-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7641-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR765	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR766	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR767	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR769	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR770	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7702	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7703	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7704	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7706	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7844	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7846	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7847	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7849	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7850	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR7852	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7853	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7855	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7856	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7973-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7973-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7974	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7975	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7977	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR7978	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR802	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8053	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8054	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8056	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8058	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8059	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8060	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8061	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8062	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8063	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8065	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8066	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8067	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8068	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8069-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8069-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8070	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8071-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8071-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8072	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8073	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8074	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8075	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8076	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8077	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8079	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8080	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8081	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8082	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8083	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8084	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8085	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8087	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8088	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR8089	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR873	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR874	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR875	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR877	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR885	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR887	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR888	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR889	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR890	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR891A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MIR891B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR892A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR892B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR892C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR9-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR9-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR920	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR921	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR922	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR924	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR92A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR92A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR92B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR934	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR935	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR936	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR937	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR939	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR940	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR941-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR941-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR941-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR941-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR942	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR943	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR944	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR95	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR9500	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR96	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR99A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIR99B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7F2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MIRLET7G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MKRN3-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MKRNP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MKX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MLANA	0,31	0,89	0,69	0,17	NA	NA
MLC1	0,00	0,00	0,00	0,26	NA	NA
MLNR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP13	0,00	0,00	0,00	0,17	NA	NA
MMP19	0,00	0,37	0,06	0,06	NA	NA
MMP20	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
MMP21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MMP23B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MMP9	0,00	0,37	0,08	0,00	NA	NA
MNX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MNX1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MOCS1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MOG	0,12	0,37	0,37	0,74	NA	NA
MOGAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MORN3	0,34	0,62	0,64	0,78	NA	NA
MORN5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MOS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MOXD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MOXD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MPC1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MPPED1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MPPED2	0,03	0,12	0,07	0,00	NA	NA
MRGPRE	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRGPRF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRGPRG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRGPRX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRGPRX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRGPRX4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MROH3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MROH4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MROH5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRP63P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL15P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL20P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL22P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL30P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL45P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL57P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPL9P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS15P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS17P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS21P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS31P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS35P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS36P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS36P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS36P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS5P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS5P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRPS6P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MRRFP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MS4A12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MS4A13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MS4A15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MS4A18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSGN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

MSH4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSLNL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSMB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSNP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSRB1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSTN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MSX2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT1CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT1HL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MT4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTCL1	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
MTCO2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTCO3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTMR8	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
MTND1P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTND1P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTND5P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTNR1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTNR1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTRNR2L1	0,37	0,72	0,53	0,48	NA	NA
MTRNR2L12	1,01	1,95	1,41	1,84	NA	NA
MTRNR2L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTRNR2L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTRNR2L7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTRNR2L9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MTUS2	0,05	0,48	0,00	0,01	NA	NA
MUC13	0,00	0,09	0,00	0,27	NA	NA
MUC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MUC7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MUM1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MXRA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYADML2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYBPC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYBPHL	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
MYCL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYCN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYEOV	0,30	0,00	0,65	0,06	NA	NA
MYF6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYH15	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
MYH6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYH7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYH8	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
MYL10	0,00	0,00	0,20	0,16	NA	NA
MYL6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYL7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYL8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYLK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYMX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYO18B	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA

MYO5B	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
MYOC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYOD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYRF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYRFL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MYT1L	0,05	0,10	0,12	0,11	NA	NA
MYZAP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
MZB1	1,19	1,96	1,37	1,93	NA	NA
NACA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NACC1	0,03	0,12	0,07	0,03	NA	NA
NAGS	0,00	0,08	0,00	0,06	NA	NA
NAMPTP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGNBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGNBP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGNBP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP6	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOGP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NANOS3	0,00	0,92	0,00	0,00	NA	NA
NAT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NAT8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NAT8B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NATD1	0,07	0,21	0,13	0,06	NA	NA
NBEA	0,26	0,00	0,18	0,14	NA	NA
NBEAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NBEAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NBPF13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCAN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCKAP1	0,07	0,28	0,14	0,19	NA	NA
NCLP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCOR1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCR3LG1	0,05	0,14	0,17	0,06	NA	NA
NCRNA00028	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00029	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00118	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00157	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00159	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00160	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00162	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00163	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00184	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
NCRNA00185	0,00	0,64	0,17	0,18	NA	NA
NCRNA00316	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NDFIP2	0,19	0,00	0,26	0,19	NA	NA
NDP	0,00	0,15	0,03	0,08	NA	NA
NDST4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

NDUFA4L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NDUFB11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NDUFB8P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NDUFB8P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NECAB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEFH	0,00	0,00	0,03	0,00	NA	NA
NEFHL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEFL	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
NEFM	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
NEPNP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEU2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEURL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEUROD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEUROD6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NEUROG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NF1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NF1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NF1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NFASC	0,16	0,31	0,12	0,15	NA	NA
NFATC4	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
NFE2L3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NGB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NGF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NHLH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NHP2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NICN1	0,49	1,18	0,77	0,47	NA	NA
NINL	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
NKAIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Nkx2-2os	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX2-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX3-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NKX6-1	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
NKX6-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NLRP13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NLRP14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NLRP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NLRP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NLRP9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NME2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NMS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NMTRQ-TTG12-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NMU	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NMUR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NOBOX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NOL4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NOL5BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

NOS2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NOTUM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NOX4	0,19	0,28	0,27	0,37	NA	NA
NPAS2	0,02	0,08	0,02	0,06	NA	NA
NPAS4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPBWR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPBWR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPFFR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPHS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPM1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPM1P45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPM1P50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPPA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPR2	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
NPS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPVF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NPY4R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NROB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NROB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NR2E1	0,05	0,11	0,15	0,05	NA	NA
NRCAM	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
NRG3	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
NRIP3	0,09	0,72	0,29	0,41	NA	NA
NRON	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NRTN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NRXN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NRXN3	0,02	0,05	0,05	0,05	NA	NA
NT5C1B-RDH14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NT5CP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NT5E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTF4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTF6A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTF6B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTF6G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTN1	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
NTN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTRK2	0,00	0,02	0,00	0,15	NA	NA
NTS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NTSR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUAK1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUDT10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUFIP1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUP210L	0,00	0,00	0,01	0,06	NA	NA
NUP62CL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUPR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NUTM2D	0,00	0,23	0,00	0,00	NA	NA
NUTM2F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXF2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

NXF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPE4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPH3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NXPH4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NYAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
NYX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OBP2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OC90	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OCA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ODAM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ODF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ODF3L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OFD1P16Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OFD1P4Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OFD1P5Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OFD1P6Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OFDYP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OGN	0,00	0,00	0,06	0,00	NA	NA
OIP5	0,00	0,13	0,00	0,79	NA	NA
OLAH	0,07	0,37	0,26	0,22	NA	NA
OLFM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OLFM4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OLIG3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OMP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ONECUT2	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
OOSP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPALIN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPLAH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPN1MW3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPN1SW	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OPTC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10AB1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10AG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10AK1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10B1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10D1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10D3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10D4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10D5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10G2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10G5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10G8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10G9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10H2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10H3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10J3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR10J4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10J6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10J7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10J9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10Q1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10Q2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10R2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10R3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10T1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10T2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10U1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10V1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10V2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10W1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10X1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR10Z1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11H3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11H4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11H6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11H7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11I1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11J1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11J2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11J5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11J6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11J7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11K1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11K2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11M1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR11Q1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR12D1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR12D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR12D3	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
OR13A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13C9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13D2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13D3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13E1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13H1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13J1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR13Z1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13Z2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR13Z3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR14A16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR14C36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR14I1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR14K1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1AA1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1AC1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1D3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1D4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1E1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1E2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1E3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1F12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1F2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1G1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1H1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1J2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1J4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1K1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1M4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1N1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1Q1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR1R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2A13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2A15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2A20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2A41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AD1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AF1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AM1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AO1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AP1	0,16	0,19	0,09	0,00	NA	NA
OR2AQ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AS1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AS2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2AT2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2B3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2B4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2B6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2B7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2B8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2BH1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2D3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR2E1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2F2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2G2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2H1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2H5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2J1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2J3	0,12	0,04	0,04	0,00	NA	NA
OR2K2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2L13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2L6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2L8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2L9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2M1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2M5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2M7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2Q1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2S1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2S2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T32P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2T8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2U1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2U2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2W1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2W2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2W4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2W5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2X1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2Y1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR2Z1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR3A2	0,00	0,00	0,07	0,26	NA	NA
OR3A4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR3B1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR4A40P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A44P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A45P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A49P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A50P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4A9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4B1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4B2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C50P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4C9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4D8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F28P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4F8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4G11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR4G2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4G4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4G6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4H12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4H6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4K7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4M1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4N4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4Q1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4Q2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4Q3	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
OR4R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4R2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4R3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4S2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4T1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4U1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4V1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4W1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4X1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4X2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR4X7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51A9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51B6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51C1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51C4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51D1	0,04	0,00	0,04	0,09	NA	NA
OR51F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51F2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51F3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51F4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51F5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51H1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51H2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51J1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR51Q1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51S1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51T1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR51V1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52A5	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
OR52B1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52B3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52B4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52B6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52E8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52H1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52I2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52J1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52J2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52L2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52M1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52M2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52N2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52N3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52N5	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
OR52P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52Q1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52R1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52S1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52T1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52V1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52W1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52X1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52Y1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR52Z1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR56A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR56A7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR56B3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR56B4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AH1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AK1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AK3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AK4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AL2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AN2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AO1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AP1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR5AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AQ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AW1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5AZ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5B3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BC1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BD1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BE1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BH1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BJ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BK1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BL1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BM1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BN1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BN2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BP1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BQ1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5BS1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5D2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5E1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5F2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5G1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5G4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5G5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5H8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5I1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5I1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5I2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5I7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5K1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5K2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5K3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5K4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR5M12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5M9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5P4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5R1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5S1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5T1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5V1	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
OR5W1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR5W2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C69P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C71P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C72P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C73P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6C76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6E1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6K2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6K5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6K6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6L2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6M3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6N2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6Q1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6S1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6W1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR6X1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7A11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7A15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7A18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7A2P	0,00	0,30	0,00	0,00	NA	NA
OR7A8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7D11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E101P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E102P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E105P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR7E106P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E109P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E111P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E115P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E116P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E117P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E121P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E125P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E129P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E130P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E136P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E145P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E148P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E149P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E154P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E155P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E156P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E157P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E158P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E159P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E160P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E161P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E163P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E28P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E31P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E37P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E47P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E55P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E59P	0,00	0,00	0,00	0,13	NA	NA
OR7E5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E66P	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
OR7E83P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR7E85P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E86P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E87P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E89P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E90P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E93P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E96P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E97P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7E99P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7G1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7G15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7H1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7H2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7K1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR7M1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8B7P	0,00	0,00	0,00	0,15	NA	NA
OR8C1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8F1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8G3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8G5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8G7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8H3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8I1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8I2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8I4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8J1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8J2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8K1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8K3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8K4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8K5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8S1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8S21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8T1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8U1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8V1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR8X1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9A1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

OR9G2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9I1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9I2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9I3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9N1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9P1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9Q1	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
OR9R1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OR9S24P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ORA0V1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OSBPL5	1,79	0,84	1,06	1,23	NA	NA
OTC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTOG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTOP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTOP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTOR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OTX2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OVGP1	0,00	0,06	0,21	0,00	NA	NA
OVOL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OVOL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
OVOS2	0,15	0,02	0,12	0,22	NA	NA
P2RY12	0,13	0,00	0,14	0,09	NA	NA
P2RY4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PA2G4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PA2G4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PA2G4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PABPC1L2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PABPC1P13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PABPC1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PACSIN1	0,02	0,03	0,00	0,03	NA	NA
PACSIN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAGE1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAGE2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAGE3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAGE5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PALM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PALMD	0,10	0,05	0,06	0,30	NA	NA
PAMR1	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
PAPOLB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PARD6A	0,09	0,27	0,11	0,00	NA	NA
PARD6B	0,28	0,60	0,61	1,01	NA	NA
PARP4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PATE3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PAX9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PBOV1	0,10	0,31	0,15	0,23	NA	NA
PBX2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCBP2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCBP3-OT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDH1	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
PCDH18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDH19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDH20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

PCDH8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDH8P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDH9-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHAC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGA12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGB2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCDHGB7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCGF7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCMTD1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCMTD1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCNPP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PCSK9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDCD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDDC1	1,82	1,09	1,85	1,13	NA	NA
PDE2A	0,03	0,16	0,05	0,04	NA	NA
PDE9A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDIA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDX1-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDYN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDZD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDZK1IP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PDZRN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PEAR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PEBP1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PEBP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PEG10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PELI3	0,00	0,14	0,21	0,00	NA	NA
PEX12	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
PEX26	0,78	1,45	0,89	0,92	NA	NA
PEX5L	0,01	0,00	0,02	0,07	NA	NA

PFKFB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PFN1P12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PFN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PFN4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGA4	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
PGA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGAM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGAM3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGBD4P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGDP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGGT1BP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGK1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGLYRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGLYRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGLYRP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGM5P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGPEP1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PGR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHC1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHF21B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHF5CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHGR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHKA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHKBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHKBP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHOX2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHYHIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PHYHIPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PI15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PI16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PI3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PIFO	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PIGY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PIN1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PIRT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PISRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PITPNM2	0,18	0,87	0,17	0,12	NA	NA
PITX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PKD1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PKD2L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PKDCC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PKDREJ	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PKP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLA2G12B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLA2G1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLA2G2E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLA2G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLA2G4E	0,03	0,03	0,04	0,10	NA	NA
PLA2G5	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
PLAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLAC8L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLAC9	0,00	0,00	0,00	0,93	NA	NA
PLCB4	0,00	0,03	0,00	0,03	NA	NA

PLCH1	0,00	0,02	0,00	0,02	NA	NA
PLCZ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLD6	0,10	0,16	0,13	0,06	NA	NA
PLEKHB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLEKHS1	0,00	0,04	0,02	0,07	NA	NA
PLGLA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLIN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLPP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLPP6	0,00	0,00	0,02	0,05	NA	NA
PLPPR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLPPR5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLSCR2	0,00	0,00	0,00	0,39	NA	NA
PLSCR5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PLXNB1	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
PM20D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PMEL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PMM2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PMP2	0,24	0,15	0,13	0,04	NA	NA
PNLDC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNMA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNMA6B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNMA6F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNMAL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNMT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PNPLA3	0,19	0,00	0,06	0,09	NA	NA
POLR2CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POLR2LP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POLR3KP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POM121L12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POM121L1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POM121L6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POM121L8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POM121L9P	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
POPDC3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POTEB3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POTEG	0,06	0,04	0,00	0,00	NA	NA
POTEJ	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POTEM	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU3F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU3F4	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
POU4F1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU4F3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU5F1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU5F1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
POU6F2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPARA	2,30	2,17	2,29	2,37	NA	NA
PPARGC1A	0,00	0,10	0,01	0,00	NA	NA
PPBPL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPEF1	0,21	0,19	0,10	0,33	NA	NA
PPFIA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAL4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAL4D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAL4F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

PPIAP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAP14	0,00	0,42	0,00	0,00	NA	NA
PPIAP16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAP17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPIC	0,00	0,14	0,06	0,13	NA	NA
PPIL1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R13L	0,55	0,70	0,51	0,75	NA	NA
PPP1R14C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R1AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R26P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R2P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP1R3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP3R2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPP4R4	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
PPY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PPY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAME	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEF9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRAMEL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRDM8	0,08	0,05	0,41	0,09	NA	NA
PRG3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRKACG	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
PRL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRLH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRNT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROK1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROKR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROKR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

PROM1	0,00	0,55	0,00	0,05	NA	NA
PROP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROSP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PROZ	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRPF19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRPH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRPS1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR15L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR20A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR20B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR20C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR20D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR20E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR23B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR23D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR23D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR34	0,24	0,36	0,19	0,40	NA	NA
PRR36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRR9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRRT3	0,11	0,04	0,03	0,00	NA	NA
PRRX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS12	0,03	0,00	0,18	0,03	NA	NA
PRSS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS53	0,04	0,07	0,09	0,14	NA	NA
PRSS54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRSS58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRTN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRUNE2	1,41	0,16	0,86	0,53	NA	NA
PRY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PRY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSCA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSD2	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
PSG10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSKH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSMB11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSMD10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSMD12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

PSMD15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSMD7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSORS1C2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PSPC1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTCH1	0,11	0,10	0,18	0,12	NA	NA
PTCHD1	0,13	0,08	0,17	0,25	NA	NA
PTCRA	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
PTENP1	0,03	0,00	0,03	0,00	NA	NA
PTF1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTGER1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTGFR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTH1R	0,00	0,24	0,00	0,00	NA	NA
PTH2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTHLH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTMAP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTMAP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTP4A2P2	0,00	0,41	0,00	0,00	NA	NA
PTP4A3	0,00	0,00	0,00	0,16	NA	NA
PTPN20C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTPRB	0,08	0,09	0,08	0,28	NA	NA
PTPRQ	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTPRR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PTPRT	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
PTPRVP	0,19	0,60	0,33	0,32	NA	NA
PTX4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PVRIG2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PWRN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PYCR1	0,25	0,37	0,16	0,35	NA	NA
PYDC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PYY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
PYY3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
QRFPR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB15	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
RAB19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB1C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB28P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB3C	0,00	0,00	0,02	0,03	NA	NA
RAB31L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB40AL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB42P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB6B	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
RAB6C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAB7B	0,04	0,17	0,00	0,05	NA	NA
RAB9B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAC1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAD21L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAD23BLP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAD51AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAD54B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAD54L	0,00	0,00	0,00	0,19	NA	NA
RAET1G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAET1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RAI2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAMP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAMP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RANBP3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAP1AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAP1BL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAPGEF3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARB	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RARRES1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RARRES2P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RASGEF1C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RASGRF1	0,15	0,28	0,24	0,12	NA	NA
RASL11A	0,00	0,19	0,13	0,10	NA	NA
RASL12	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RASSF10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RAX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBBP4P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBBP4P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBBP8NL	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RBFOX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM22P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM22P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM22P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBMXL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBMXL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBMXP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1A3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM1J	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM2AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM2BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM2EP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBM2UP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBPJL	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
RBPJP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RBPM52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RCAN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RCC2P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RCOR2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RD3L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RDM1	0,00	0,00	0,00	0,31	NA	NA
REG1B	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
REG1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REG3G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REM2	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
REN	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
RESP18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RETNLB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L3P	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
REXO1L9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00002	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00016	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00049	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00056	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00066	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00088	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00093	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00099	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00137	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00151	2,72	2,69	0,00	0,00	NA	NA
RF00152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00201	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00218	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00263	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00265	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00271	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00273	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00278	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00280	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00283	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00285	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00287	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00324	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00340	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00342	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00345	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00392	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00393	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RF00397	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00398	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00399	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00401	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00405	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00406	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00407	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00408	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00414	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00415	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00421	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00422	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00423	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00424	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00426	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00428	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00438	0,00	2,74	0,00	0,00	NA	NA
RF00440	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00477	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00478	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00537	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00564	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00566	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00569	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00570	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00571	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00572	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00575	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00588	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00601	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00603	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00611	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00612	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00614	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00618	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00619	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00621	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF00635	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01159	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01161	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01299	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01684	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01778	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01848	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01871	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01872	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01873	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01874	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01875	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01876	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01879	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01880	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01881	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RF01882	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01883	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01884	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01887	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01888	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01891	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01892	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01894	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01905	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01906	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01909	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01928	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01946	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01947	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01948	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01950	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01951	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01953	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01954	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01955	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01956	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01957	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01963	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01964	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01965	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01966	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01967	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01968	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01969	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01970	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01971	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01972	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01973	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01974	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01975	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01976	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01977	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01981	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01983	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01984	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01986	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF01987	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02038	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02039	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02040	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02041	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02042	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02043	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02045	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02089	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02090	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02091	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02101	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02103	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02105	0,00	0,00	0,00	1,10	NA	NA

RF02106	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02109	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02115	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02118	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02119	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02121	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02123	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02128	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02131	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02135	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02137	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02138	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02140	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02143	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02145	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02146	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02148	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02149	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02155	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02156	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02157	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02158	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02160	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02161	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02164	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02166	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02171	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02172	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02173	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02174	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02175	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02176	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02180	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RF02184	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02190	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02192	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02193	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02195	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02198	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02199	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02200	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02201	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02203	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02204	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02208	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02209	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02210	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02211	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02212	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02213	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02215	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02216	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02218	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02219	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02220	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02246	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02247	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02248	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02249	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02250	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02251	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02272	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RF02277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFPL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFPL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFPL4AP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFPL4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFWD2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RFX4	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RGMA	0,06	0,18	0,07	0,14	NA	NA
RGPD3	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RGS21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGS4	0,00	0,08	0,00	0,13	NA	NA
RGS5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGS7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGS7BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGS8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGS9BP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RGSL1	0,13	0,07	0,23	0,24	NA	NA
RHCE	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
RHEBL1	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA

RHOQP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RHOT1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RHOV	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RHOXF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RHOXF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RHPN2	0,41	0,74	0,25	0,13	NA	NA
RIMBP3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RIPPLY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RIPPLY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RLN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RMRPP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RMST	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SK	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP101	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP102	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP103	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP104	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP105	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP106	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP109	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP111	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP117	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP118	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP119	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP121	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP122	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP123	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP128	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP131	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP135	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP137	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SKP141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP144	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP145	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP146	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP147	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP148	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP153	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP154	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP155	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP156	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP158	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP159	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP160	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP161	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP162	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP164	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP167	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP168	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP169	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP170	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP171	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP172	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP174	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP175	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP184	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP186	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP188	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP191	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP194	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP198	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP199	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP200	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP203	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP204	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP207	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP208	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP209	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SKP210	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP211	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP212	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP213	0,00	0,89	0,00	0,80	NA	NA
RN7SKP214	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP216	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP217	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP219	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP220	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP225	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP226	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP228	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP229	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP231	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP232	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP233	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP234	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP235	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP236	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP238	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP239	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP240	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP241	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP242	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP243	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP244	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP249	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP250	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP254	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP255	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP256	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP257	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP258	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP259	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP260	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP261	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP262	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP263	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP264	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP265	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP267	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP268	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP270	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP271	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP273	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP276	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP278	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP279	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SKP28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP280	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP281	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP282	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP284	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP286	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP288	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP289	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP291	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP293	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP294	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP295	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP297	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP298	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP59	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SKP73	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP75	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP77	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP79	0,00	0,00	0,00	0,84	NA	NA
RN7SKP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP81	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP82	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP83	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP85	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP86	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP88	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP90	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP91	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP92	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP93	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP96	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP97	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP98	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SKP99	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL101P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL104P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL106P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL108P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL116P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL117P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL120P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL128P	0,00	0,00	0,50	1,22	NA	NA
RN7SL135P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL152P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL153P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL159P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL160P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL164P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL169P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL176P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL177P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL178P	0,00	2,01	0,84	0,00	NA	NA
RN7SL182P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL184P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL185P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL187P	0,00	1,04	1,45	1,19	NA	NA
RN7SL192P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL193P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL196P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL200P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL208P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL209P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL214P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL216P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL218P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL219P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SL221P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL223P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL228P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL229P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL22P	0,00	1,02	0,00	0,92	NA	NA
RN7SL233P	0,00	0,00	0,00	0,81	NA	NA
RN7SL238P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL239P	1,46	0,75	1,05	1,93	NA	NA
RN7SL23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL240P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL241P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL244P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL253P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL260P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL261P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL263P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL267P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL268P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL272P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL273P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL286P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL292P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL293P	1,10	0,00	0,00	0,98	NA	NA
RN7SL299P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL305P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL309P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL311P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL314P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL318P	0,00	0,00	0,15	0,80	NA	NA
RN7SL319P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL323P	0,00	1,44	1,01	1,06	NA	NA
RN7SL327P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL328P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL331P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL335P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL340P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL343P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL352P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL354P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL359P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL362P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL372P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL379P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL37P	0,00	0,00	0,75	1,74	NA	NA
RN7SL384P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL390P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL393P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL394P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL396P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL400P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL404P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL417P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SL41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL422P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL428P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL429P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL430P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL432P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL442P	0,00	0,75	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL443P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL446P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL447P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL449P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL451P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL452P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL456P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL459P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL462P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL466P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL469P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL475P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL479P	0,00	0,00	0,00	0,72	NA	NA
RN7SL480P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL484P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL489P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL495P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL496P	0,00	0,85	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL513P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL515P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL51P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL536P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL539P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL545P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL549P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL554P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL555P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL557P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL563P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL564P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL568P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL571P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL573P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL580P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL581P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL583P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL584P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL589P	0,00	0,93	0,00	0,82	NA	NA
RN7SL594P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL598P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL601P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL612P	0,00	0,90	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL614P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL616P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL625P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL627P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL628P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SL62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL630P	0,00	0,00	0,00	0,73	NA	NA
RN7SL632P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL633P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL634P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL635P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL63P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL640P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL643P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL645P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL646P	0,00	0,85	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL652P	0,00	0,00	0,57	0,72	NA	NA
RN7SL654P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL659P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL673P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL675P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL679P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL681P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL687P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL691P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL702P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL704P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL705P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL706P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL712P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL715P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL717P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL719P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL720P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL725P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL727P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL736P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL738P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL741P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL745P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL749P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL756P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL757P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL759P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL75P	0,00	0,00	0,00	0,86	NA	NA
RN7SL767P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL77P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL782P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL787P	0,65	0,80	0,15	1,37	NA	NA
RN7SL789P	0,00	0,00	0,63	0,00	NA	NA
RN7SL792P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL796P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL79P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL802P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL803P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL804P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL807P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL808P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL814P	0,79	1,37	1,76	1,86	NA	NA
RN7SL818P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RN7SL820P	0,00	0,52	0,22	0,00	NA	NA
RN7SL825P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL82P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL831P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL838P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL83P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL843P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL845P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL849P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL853P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL854P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL856P	0,00	0,85	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL860P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL864P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL869P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL870P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL87P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL93P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RN7SL97P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5-8SP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5-8SP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5-8SP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5-8SP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5-8SP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP100	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP101	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP102	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP103	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP104	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP105	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP106	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP109	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP111	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP113	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP115	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP117	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP119	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP120	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP121	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP122	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP129	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP130	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP134	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP135	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP136	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP137	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP141	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP142	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP143	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP144	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP145	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP147	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP148	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP149	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP150	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP152	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP156	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP157	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP158	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP160	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP162	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP163	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP164	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP165	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP166	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP167	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP169	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP170	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP171	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP173	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP174	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP175	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP176	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP178	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP180	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP181	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP183	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP185	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP186	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP189	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP191	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP192	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP193	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP194	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP197	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP198	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP200	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP203	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP204	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP206	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP208	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP209	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP210	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP211	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP212	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP213	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP214	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP215	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP219	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP220	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP222	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP223	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP224	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP225	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP226	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP227	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP228	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP230	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP231	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP232	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP233	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP234	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP235	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP236	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP237	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP238	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP240	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP241	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP242	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP243	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP244	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP245	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP247	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP248	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP249	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP250	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP251	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP253	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP254	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP255	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP256	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP257	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP258	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP259	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP260	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP261	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP262	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP264	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP265	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP266	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP267	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP268	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP269	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP270	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP271	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP272	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP273	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP274	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP275	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP276	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP277	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP279	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP284	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP285	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP286	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP287	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP289	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP291	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP292	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP293	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP296	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP297	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP299	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP300	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP301	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP303	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP304	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP305	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP306	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP309	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP310	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP318	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP320	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP321	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP322	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP323	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP324	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP325	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP326	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP327	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP329	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP330	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP331	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP332	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP333	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP334	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP335	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP336	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP337	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP338	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP339	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP340	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP341	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP342	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP343	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP345	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP346	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP347	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP349	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP350	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP351	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP352	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP355	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP356	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP357	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP358	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP359	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP360	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP361	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP362	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP364	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP365	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP366	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP367	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP368	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP369	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP370	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP373	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP374	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP375	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP376	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP377	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP379	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP380	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP382	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP384	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP385	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP386	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP388	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP390	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP391	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP392	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP393	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP396	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP397	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP399	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP400	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP401	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP402	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP403	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP404	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP405	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP406	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP407	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP409	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP410	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP411	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP412	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP413	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP414	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP415	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP416	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP417	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP418	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP419	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP420	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP421	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP422	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP423	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP426	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP427	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP429	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP430	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP431	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP432	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP433	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP434	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP436	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP437	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP438	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP439	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP440	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP441	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP443	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP444	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP445	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP446	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP447	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP451	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP453	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP454	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP456	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP457	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP458	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP459	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP460	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP462	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP463	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP464	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP466	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP467	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP468	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP469	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP470	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP471	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP472	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP473	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP474	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP475	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP476	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP478	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP480	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP481	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP482	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP484	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP485	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP486	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP487	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP488	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP489	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP491	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP492	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP495	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP496	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP497	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP499	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP500	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP501	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP502	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP503	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP504	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP505	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP506	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP507	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP508	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP509	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP510	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP511	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP512	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP513	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP514	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP516	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP517	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP518	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP519	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP520	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNA5SP521	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP522	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP523	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP524	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP526	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP528	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP529	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP530	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP531	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP533	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP534	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP535	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP536	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP59	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP69	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP71	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP73	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP75	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP77	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP79	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP80	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP84	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP86	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP88	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP89	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP90	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP91	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP92	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP93	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP95	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP96	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP97	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP98	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNA5SP99	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNASE12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNASE8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNASEH1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNASEH1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF103-CHMP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNF112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF113B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF11B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF126P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF133	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF148	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF150	0,03	0,09	0,05	0,18	NA	NA
RNF17	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RNF182	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF186	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF207	0,26	0,56	0,30	0,29	NA	NA
RNF208	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF219-AS1	0,08	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF224	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF225	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNF43	0,10	0,26	0,17	0,28	NA	NA
RNF5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-100P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-101P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-104P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-105P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-107P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-108P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-109P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-112P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-114P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-115P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-117P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-119P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-120P	0,00	0,00	0,40	0,00	NA	NA
RNU1-123P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-124P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-125P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-128P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-129P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-131P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-132P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-133P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-138P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-139P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-140P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-141P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-142P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-143P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-146P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-148P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-149P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-150P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-151P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU1-20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-24P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-31P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-34P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-38P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-39P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-40P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-44P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-45P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-47P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-49P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-51P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-52P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-54P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-55P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-57P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-58P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-61P	0,00	0,00	0,00	2,54	NA	NA
RNU1-62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-63P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-65P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-68P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-70P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-72P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-73P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-74P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-75P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-76P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-78P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-80P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-82P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-84P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-86P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-88P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-92P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-95P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-96P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-97P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU1-98P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU105B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU105C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU11-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU11-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU11-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU11-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU12-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-34P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-37P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-38P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-40P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-44P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-47P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-49P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-51P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-52P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-54P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-56P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-57P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-61P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-69P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-71P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-72P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU2-9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU4-23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-24P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-27P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-28P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-31P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-32P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-33P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-37P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-44P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-45P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-50P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-52P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-54P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-55P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-56P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-57P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-58P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-60P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-63P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-65P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-66P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-67P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-68P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-69P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-70P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-73P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-74P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-75P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-76P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-77P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-79P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-81P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-82P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-83P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-84P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-85P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-88P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-90P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-91P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4-92P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU4ATAC10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU4ATAC9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5A-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5A-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5A-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5B-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5B-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5B-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5D-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5E-5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5E-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5E-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5E-9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5F-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5F-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU5F-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1000P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1004P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1006P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1007P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1008P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1009P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-100P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1012P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1013P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1014P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1015P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1017P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1018P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1021P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1022P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1023P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1025P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1027P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1028P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1029P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-102P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1031P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1032P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1035P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1036P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1037P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1038P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-1039P	0,00	0,00	0,00	1,16	NA	NA
RNU6-103P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1040P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1041P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1042P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1043P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1044P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1045P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1046P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1047P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1049P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-104P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1050P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1051P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1052P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1054P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1055P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1056P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1059P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-105P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1060P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1061P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1064P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1065P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1066P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1067P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1068P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-106P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1071P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1072P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1073P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1074P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1075P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1076P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-1077P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1078P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1080P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1081P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1082P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1083P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1084P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1085P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1087P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1088P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1089P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-108P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1090P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1091P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1092P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1093P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1094P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1095P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1096P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1097P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1098P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-109P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1100P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-1101P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1102P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1103P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1104P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1105P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1106P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1107P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1108P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-110P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1110P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1113P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1114P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1115P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1116P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1117P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1118P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-1119P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-111P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1120P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1121P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1122P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1123P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1124P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1125P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1126P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1128P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1129P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-112P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1130P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1131P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1132P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1133P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1134P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1136P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1137P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1138P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-113P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1140P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1141P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1143P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1144P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1145P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1146P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1147P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1148P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1149P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-114P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1150P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1151P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1154P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1155P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1156P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1158P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-1159P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-115P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1160P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1161P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1162P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1163P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1165P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1167P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1168P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-116P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1170P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1171P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1172P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1174P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1175P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1176P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1177P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1178P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1179P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1180P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1183P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1184P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1186P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1187P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1189P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1191P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1192P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1194P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1195P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1196P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1197P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1198P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-119P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1200P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1203P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1204P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1205P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1206P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1207P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-120P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1210P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1211P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1212P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1215P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1216P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1217P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-1218P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1219P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-121P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1220P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1222P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1223P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1224P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1226P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1229P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-122P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1230P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1231P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1232P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1233P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1234P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1235P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1236P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1237P	0,00	1,91	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1238P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-123P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1240P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1241P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1242P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1243P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1244P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1245P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1246P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1247P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1249P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1250P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1251P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1252P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1254P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1255P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1256P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1257P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1258P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1260P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1261P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1263P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1265P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1266P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1267P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1270P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1271P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1272P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1273P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1274P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1275P	0,00	1,89	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1277P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1278P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1279P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-127P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1281P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1282P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1283P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1286P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1287P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1288P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1289P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-128P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1291P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1292P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1293P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-1296P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1297P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1298P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1299P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-129P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1300P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1301P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1303P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1304P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1305P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1306P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1307P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1308P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1309P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1311P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1312P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1313P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1314P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1315P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1316P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1317P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1318P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1319P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-131P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1321P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1322P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1323P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1324P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1325P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1326P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1327P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1328P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1329P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-132P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1330P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1331P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1332P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1334P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1335P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1336P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1337P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1338P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1339P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-133P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-1340P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-136P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-137P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-138P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-139P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-140P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-143P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-144P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-145P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-146P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-147P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-148P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-152P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-153P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-154P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-155P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-156P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-158P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-159P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-15P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-161P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-162P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-164P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-165P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-166P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-167P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-168P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-169P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-170P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-171P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-172P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-173P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-174P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-175P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-176P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-178P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-179P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-180P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-183P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-184P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-185P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-187P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-189P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-191P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-192P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-193P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-194P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-200P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-201P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-203P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-205P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-206P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-207P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-209P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-210P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-211P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-213P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-214P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-215P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-217P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-219P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-220P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-221P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-222P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-224P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-227P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-228P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-230P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-231P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-232P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-236P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-238P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-239P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-240P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-241P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-242P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-244P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-246P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-247P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-248P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-249P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-24P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-250P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-251P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-252P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-255P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-256P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-257P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-258P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-259P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-260P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-261P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-262P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-263P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-264P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-266P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-267P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-269P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-270P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-271P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-273P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-274P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-276P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-277P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-278P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-279P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-27P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-280P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-281P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-283P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-284P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-285P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-286P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-287P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-289P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-28P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-290P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-293P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-294P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-295P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-297P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-299P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-300P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-301P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-303P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-304P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-306P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-309P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-311P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-312P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-313P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-316P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-317P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-318P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-321P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-323P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-325P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-326P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-327P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-328P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-329P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-330P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-331P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-332P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-333P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-334P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-335P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-336P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-338P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-339P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-33P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-340P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-342P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-344P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-345P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-346P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-347P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-348P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-349P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-34P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-351P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-352P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-353P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-355P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-356P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-358P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-359P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-361P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-362P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-363P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-364P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-365P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-366P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-367P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-369P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-370P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-371P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-373P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-376P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-377P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-379P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-381P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-382P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-383P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-384P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-386P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-388P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-390P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-391P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-392P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-393P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-394P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-395P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-396P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-397P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-398P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-39P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-400P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-401P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-403P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-405P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-406P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-407P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-408P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-409P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-40P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-410P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-411P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-412P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-414P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-417P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-418P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-419P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-420P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-421P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-424P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-425P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-426P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-429P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-432P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-433P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-434P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-435P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-436P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-437P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-438P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-439P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-440P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-441P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-442P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-444P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-447P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-448P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-449P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-44P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-450P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-451P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-452P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-453P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-456P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-457P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-458P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-45P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-460P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-461P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-462P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-463P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-464P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-465P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-467P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-468P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-470P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-471P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-472P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-473P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-474P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-475P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-476P	0,00	0,00	0,86	2,82	NA	NA
RNU6-477P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-478P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-479P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-47P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-480P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-482P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-483P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-485P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-486P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-488P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-489P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-491P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-492P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-493P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-495P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-496P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-497P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-498P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-499P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-49P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-500P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-501P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-502P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-503P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-505P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-506P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-507P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-508P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-513P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-518P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-519P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-520P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-521P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-523P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-525P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-526P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-528P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-529P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-530P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-532P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-533P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-535P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-536P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-542P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-543P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-544P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-545P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-546P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-547P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-549P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-54P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-551P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-552P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-553P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-554P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-556P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-557P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-558P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-559P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-55P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-560P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-561P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-563P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-564P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-566P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-567P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-56P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-570P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-571P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-572P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-573P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-575P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-576P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-578P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-579P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-57P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-580P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-581P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-582P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-583P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-584P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-586P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-587P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-588P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-589P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-58P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-590P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-591P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-592P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-596P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-598P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-599P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-600P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-601P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-602P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-604P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-605P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-607P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-609P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-612P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-614P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-615P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-616P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-617P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-619P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-61P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-621P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-622P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-624P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-625P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-627P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-629P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-630P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-631P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-633P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-634P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-635P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-636P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-637P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-639P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-63P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-641P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-642P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-643P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-644P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-646P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-647P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-648P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-649P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-650P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-651P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-653P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-654P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-655P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-656P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-657P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-658P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-659P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-65P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-660P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-661P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-663P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-665P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-666P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-667P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-668P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-669P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-66P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-670P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-673P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-674P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-675P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-677P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-678P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-679P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-67P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-682P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-684P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-686P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-687P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-689P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-68P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-690P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-692P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-694P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-695P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-696P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-697P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-698P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-699P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-700P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-702P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-703P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-704P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-706P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-707P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-708P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-709P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-70P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-710P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-712P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-713P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-714P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-715P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-716P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-717P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-718P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-719P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-71P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-721P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-724P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-725P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-726P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-727P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-728P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-72P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-730P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-731P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-732P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-735P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-737P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-738P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-739P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-740P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-741P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-743P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-744P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-745P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-746P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-747P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-749P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-750P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-751P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-752P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-753P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-754P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-755P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-756P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-757P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-758P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-759P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-75P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-760P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-761P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-763P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-764P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-765P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-767P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-768P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-76P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-770P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-771P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-772P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-774P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-775P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-776P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-777P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-778P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-77P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-781P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-782P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-783P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-784P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-785P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-787P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-788P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-78P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-790P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-791P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-792P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-793P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-794P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-796P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-797P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-798P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-799P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-800P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-801P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-803P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-804P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-806P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-809P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-80P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-811P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-813P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-817P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-818P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-819P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-81P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-820P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-821P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-822P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-824P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-828P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-829P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-830P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-831P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-832P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-833P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-834P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-835P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-836P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-837P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-838P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-839P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-83P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-841P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-842P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-843P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-844P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-845P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-847P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-848P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-849P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-84P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-850P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-851P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-853P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-855P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-856P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-857P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-858P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-859P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-860P	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
RNU6-861P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-863P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-864P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-865P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-867P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-869P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-86P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-871P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-873P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-874P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-875P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-876P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-87P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-880P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-881P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-882P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-884P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-885P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-886P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-887P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-888P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-889P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-88P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-891P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-893P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-894P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-895P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-896P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-897P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-898P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-899P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-89P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-900P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-901P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-902P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-904P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-905P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-906P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-907P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-908P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-909P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-910P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-913P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-914P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-916P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-918P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-921P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-922P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-923P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-924P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-926P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-927P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-929P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-92P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-930P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-931P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-933P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-934P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-935P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-937P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-938P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-940P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-941P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-943P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-945P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-947P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-948P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-949P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-950P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-951P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-952P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-953P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-954P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-955P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-956P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-958P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-959P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-95P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-961P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-964P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-965P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-966P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-967P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-968P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-970P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-971P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-973P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-974P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-975P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-976P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-978P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU6-980P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-982P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-984P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-985P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-986P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-988P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-98P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-990P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-991P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-992P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-994P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-995P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-996P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-997P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-999P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6-99P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC16P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC17P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC18P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC28P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC31P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC32P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC33P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC34P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC36P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC37P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC38P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC41P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC42P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU6ATAC8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-102P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-104P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-105P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-106P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-111P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-113P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU7-116P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-119P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-120P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-121P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-123P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-124P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-125P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-126P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-127P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-128P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-129P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-130P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-134P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-136P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-137P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-138P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-140P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-141P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-143P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-144P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-147P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-148P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-149P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-14P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-153P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-154P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-155P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-156P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-157P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-159P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-160P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-161P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-164P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-165P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-167P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-170P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-173P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-174P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-175P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-176P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-179P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-182P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-183P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-185P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-186P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-187P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-188P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-190P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-192P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-193P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-194P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-195P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU7-196P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-197P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-200P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-20P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-27P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-34P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-35P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-37P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-38P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-40P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-43P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-46P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-47P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-48P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-51P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-52P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-53P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-54P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-55P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-57P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-60P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-61P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-62P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-65P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-66P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-67P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-69P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-70P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-71P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-74P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-80P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-81P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-82P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-85P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-87P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-88P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-8P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-90P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-92P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-93P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-94P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-95P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-96P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RNU7-97P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-99P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNU7-9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNVU1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNVU1-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNVU1-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY1P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY3P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RNY4P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ROBO2	0,07	0,00	0,08	0,04	NA	NA
ROPN1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ROPN1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1	0,00	0,00	0,02	0,00	NA	NA
RP1-101G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-101K10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-102D24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-102E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-102E24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-102H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-102K2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-104O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-105O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-106C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-107N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-107N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-108C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-10C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-10C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-111B22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-111J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-115K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-117B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-117P20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-118J21.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-118J21.25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-118J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-120G22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-122K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-122O8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-124C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-124O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-125I3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-125I3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-125N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-127B20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-127H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-127L4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-127L4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-128M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-128O3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-128O3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-12G14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-131F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-131H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-133P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-134O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-135L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-136B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-136J15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-136O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-136O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-137D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-137D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-137H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-138A5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-138B7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-139G21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-13D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-13D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-140J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-140K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-140K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-140K8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-140K8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-142F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-142L7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-142O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-142O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-144C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-144F13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-146A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-146H21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-146H21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-146I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-148M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-149A16.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-149L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-149M18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-149P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-14D6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-150O5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-151B14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-151B14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-151F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-152L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-152L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-152L7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-152L7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-152L7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-153P14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-153P14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-153P14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-153P14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-154J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-154J13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-154K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-155O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-158I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-158P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-158P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-159A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-159G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-159M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-15D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-15D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-161C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-161P9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-163G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-163G9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-163M9.5	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
RP1-164F3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-164L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-166H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-167A19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-167G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-167G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-168P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-169I5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-169K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-169K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-169P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-169P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-16A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-170B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-170O19.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-171K16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-172B20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-172H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-172N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-172N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-172N19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-177A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-177I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-17K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-17K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-181C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-181J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-182D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-186E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-186E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-188K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-18D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-18D14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-18D14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-191J18.2	0,00	0,48	0,00	0,00	NA	NA
RP1-191J18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-191L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-192P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-193M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-196A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-197J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-197L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-197O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-197O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-198G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-198G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-198K11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-198K11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-199H16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-199J3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-199J3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-199L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-19N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-200G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-200K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-202I21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-203C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-203C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-203C2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-203P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-205F14P.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-206D15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-207H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-207H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-209B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20B11.2	0,31	0,00	0,75	0,00	NA	NA
RP1-20I3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20N18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20N18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20N18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20N2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-20N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-212G6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-212P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-213J1P_B.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-215K18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-21K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-21P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-223B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-223D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-223E5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-223H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-224A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-225D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-225E12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-225L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-228H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-228H13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-228J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-228P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-228P16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-22N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-230G1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-230G1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-230L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-231L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-232L22_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-232L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-232L24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-232L24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-232N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-236J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-239B22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-23E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-23K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-23O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-240B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-241P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-241P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-241P17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-242N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-244F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-244F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-245M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-248E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-249C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-249F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-249H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-249H1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-24O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-24O22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-251I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-251M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-251M9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-253B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-253B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-253P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-254P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-257A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-257I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-258N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-261G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-261G23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-262D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-263J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-265C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-266L20.2	0,00	0,96	1,43	0,00	NA	NA
RP1-266L20.4	0,00	0,00	0,47	0,00	NA	NA
RP1-267D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-267M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-267M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-267M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-269M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-269O5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-272E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-272J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-272L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-273G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-273P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-274L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-274L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-276E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-276J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-276J11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-276N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-278C19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-278D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-278E11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-278O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-278O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-279N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-27C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-281E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-283K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-283K11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-286D6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-288L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-288L1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-288M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-288M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-28C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-28H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-28O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290I10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-290I10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-292B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-292B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-292L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-293L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-293L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-296L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-298M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-29G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-29I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-29K1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-300I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-300I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-302D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-302D9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-302D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-302D9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-303A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-305B16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-305G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-309F20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-309H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-309K20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-30E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-30E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-30G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-30P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-310O13.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-310P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-313L4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-317E23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-317E23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-31B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-320J15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-321E8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-32I10.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-34B20.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-34B20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-34M23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-34P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-34P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-35C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-35C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-37J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-37J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-37N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-37N7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-37N7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-37N7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-39J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-3D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-3D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-3E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-40E16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-40E16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-41C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-41P2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-43O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-44A20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-45I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-45I4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-46F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-47A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-47M23.3	0,00	0,05	0,00	0,09	NA	NA
RP1-48J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-49C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-4G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-4G17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-50A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-50J22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-52D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-52J10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-53C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-53C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-53O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-53O8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-54B20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-54G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-55C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-55C23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-56K13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-56L9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-57E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-58B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-58B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-59M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-60G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-60N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-60O19.1	0,27	0,00	0,14	0,56	NA	NA
RP1-61A9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-62D2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-63G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-63G5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-63G5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-63M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-63P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-65P5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-65P5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-66N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-66N13.3	0,00	0,04	0,02	0,00	NA	NA
RP1-66N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-67A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-67K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-68D18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-69B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-69D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-69D17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-69E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-6P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-6P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-71H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-71L16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-71L16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-72A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-72A23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-72E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-73A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-75H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-76B20.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-78O14.1	1,43	3,50	1,10	2,13	NA	NA
RP1-79C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-80N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-80N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-81D8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-81D8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-81D8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-81F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-81P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-83M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-84O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-85D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-85D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-85D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-85D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-85D24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-8B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-8B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-8N8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-8N8.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90G24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90G24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J20.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J20.7	0,34	0,10	0,44	0,32	NA	NA
RP1-90J20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90J4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90K10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-90L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-91G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-91N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP1-92C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-92C8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93H18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-93L7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-95L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-95L4.3	0,00	0,62	0,00	0,00	NA	NA
RP1-95L4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-96H9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-97G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-9B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-9E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP1-9E21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1000B6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1005I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1006B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1006G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007I13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1007O24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1008M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100E5.2	0,00	0,41	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100F15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100G15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100I16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-100N20.1	0,00	0,00	0,00	0,42	NA	NA
RP11-100N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1012A1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1012A1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1012A1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1012E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1016B18.1	0,09	0,22	0,14	0,15	NA	NA

RP11-1017G21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1017G21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1018J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1018J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1018J8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1018N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1018N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101P17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101P17.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101P17.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-101P17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1020M18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1021N1.1	0,00	0,49	0,18	0,67	NA	NA
RP11-1021O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1022B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1022B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1023L17.2	0,12	0,56	0,11	0,00	NA	NA
RP11-1026M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1026M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1028N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1029J19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1029J19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1029M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1029M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1029M24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102C16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-102O5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1030E3.1	0,00	1,61	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1030E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1033H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1036E20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1036E20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-1036F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1037D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1037J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-103J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1042B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1042B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1042B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1046B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1049A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1049H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104C4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104F15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104G3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104H15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104H15.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104H15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104H15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104H15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-104N10.1	0,00	0,60	0,19	0,22	NA	NA
RP11-104O19.2	0,00	0,11	0,05	0,00	NA	NA
RP11-1053O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1055B8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1057B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1058G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1058N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1059L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-105N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1060G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1060J15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1069G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-106M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106M3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-106M7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1070A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1070A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1070N10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1072C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1072C15.2	0,63	0,47	0,39	0,52	NA	NA
RP11-1072C15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1072C15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1072N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1072N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1078H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1079H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1079J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1079K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107I14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-107P7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081L13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1081M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1082A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1082I11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1082L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1082L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1084A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1084E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1084I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1084J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1085N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1085N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1085N6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1086I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-108F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108K3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108K3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108K3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108L7.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108L7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-108P20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1090M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094M14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094M14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094M14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1094M14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1096G20.5	0,00	0,00	0,12	0,00	NA	NA
RP11-1099M24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1099M24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1099M24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109D20.1	0,00	0,00	0,00	0,31	NA	NA
RP11-109D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109M19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109N23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-109P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-10A14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10A14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10A14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10D7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10E18.6	0,15	0,14	0,10	0,42	NA	NA
RP11-10E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10F11.2	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10F11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10G15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10K17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10K17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-10N16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1100L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1101H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1101K5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1105O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1109F11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1109M24.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1109M24.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110C15.4	0,29	0,17	0,14	0,14	NA	NA
RP11-110F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110I1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110J1.2	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-110K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1110J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1112C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1112G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1112J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1112J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113L8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113L8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1113N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1114A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1114A5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1114A5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-1114A5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1118M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1118M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111G20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111H3.2	0,06	0,07	0,09	0,10	NA	NA
RP11-111H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111M22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-111N20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1123I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1127D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-112E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-112J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-112J3.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-112L15.3	0,00	0,30	0,00	0,00	NA	NA
RP11-112N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1133J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1134I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1134I14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1134I14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1134I14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1136G11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1136G11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1137G4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1137G4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113C12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113D6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-113K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-113O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1141N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1144P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1145L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1147P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1148O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1149M10.2	0,00	0,71	0,87	1,10	NA	NA
RP11-1149M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1149O23.2	0,37	0,74	0,89	0,51	NA	NA
RP11-114F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114F3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114L10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114N19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-114O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1151B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1151B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1151B14.4	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1151B14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1152B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1157N2_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115D19.1	0,30	0,71	0,43	1,03	NA	NA
RP11-115D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115I16.2	0,00	0,00	0,52	0,42	NA	NA
RP11-115I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115M6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-115P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-115P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1166P10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1166P10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1167A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1167A19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116G8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-116O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1174L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1174L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117L15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117L5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117L5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-117P22.2	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1180F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1180F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118B22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118B22.6	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118D22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118D22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118K6.2	0,00	0,00	0,00	0,26	NA	NA
RP11-118K6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118M9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-118N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1191J2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1191J2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1193F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-119F19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119F7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119F7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119H12.1	0,00	0,00	0,00	0,43	NA	NA
RP11-119H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119H12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-119P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11M20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-11N7.4	0,00	0,41	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120E5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120I21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120K18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120K19.4	0,00	0,60	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120K24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120K24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-120M18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1212A22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1212A22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-1217F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1217F2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121C2.2	0,04	0,03	0,00	0,03	NA	NA
RP11-121C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121C6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121L11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-121P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1221G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1221G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1223D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1223D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1223D19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122A8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122C5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122G18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122K13.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-122M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1236K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1236K1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1236K1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123C5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123J14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123K3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-123N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-123O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124L5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N23.2	0,00	0,68	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-124O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1252D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1252I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1252I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1258F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1259L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1259L22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125K10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125O5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-125P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1260E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1260E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1260E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1263C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1263C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1267H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1267H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1267H10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1267H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126K1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-126O22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1277A3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-127B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127I20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127I20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127L20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-127P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1281K21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1286E23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1286E23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-128P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1292F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1299A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1299A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129B22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129B22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129B22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129H15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-129O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12A20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12C17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-12D24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12D5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12G12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12N13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-12P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-130C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-130F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-130L8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-130N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1315F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131M6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131N11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-131O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1324A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1325J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132A1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132E11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132F7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132J14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-132N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1336O20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1338A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-133K1.1	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133K1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133K1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133K1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133K1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133L14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133L14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133N21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133N21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-133N21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1348G14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1348G14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1348G14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134K13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134N1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-134N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135M8_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-135N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1360M22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136I14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-136O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1378G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1379J22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-137F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137H2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137L10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-137P24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138D23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138H8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-138I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A016.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139A013.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139H14.3	0,09	0,46	0,07	0,30	NA	NA
RP11-139H15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139I15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139I15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-139K4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13J12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13K12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13L2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13N13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-13P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-140C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-140H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-140I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-140I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-140K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-140M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141C7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141I13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-141P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142A22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142A22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142L1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142L4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-142M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143O06.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1437A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1437A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1437A8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1437A8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1437A8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143E21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143E21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143K11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143N13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-143P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144G6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144G6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-144L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144L1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144N1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-144O23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145A3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-145P16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146D12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146D12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146E13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146E13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146F11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146G7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-146P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147K16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147L13.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-147N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148B6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148L24.1	0,32	0,00	0,18	0,15	NA	NA
RP11-148M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-148O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-149F8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149F8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149F8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149F8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149F8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149I2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149I23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-149P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14C10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14I4.3	0,00	0,51	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14J7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14K3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-14P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150D20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150L8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150L8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-150O12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151A6.4	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151F5.2	0,00	0,62	0,00	0,54	NA	NA
RP11-151G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-151M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152F13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-152N13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152O14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152O14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152O14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-152P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153A23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153G4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153K11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-153N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154B12.3	0,00	0,00	0,11	0,00	NA	NA
RP11-154B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154C3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-154P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155D18.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155L15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155N3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-155O18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156F23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156G14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156G14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156G14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156K23.2	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP11-156N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157B13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157E21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-157E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157F20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157I4.4	0,63	0,36	0,37	0,00	NA	NA
RP11-157J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157L3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157N3.1	0,00	1,44	0,09	0,55	NA	NA
RP11-157P1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-157P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158G18.1	0,22	0,50	0,17	0,16	NA	NA
RP11-158H5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I9.5	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158I9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158L12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158M2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158M2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-158O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159D12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159D12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-159J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159J2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-159N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15A1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15B24.4	0,00	0,40	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15E1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15E1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15E18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15H20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15J10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-15P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160C18.2	0,00	0,09	0,00	0,51	NA	NA
RP11-160C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160C18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160E2.16	0,00	0,51	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160E2.17	0,00	0,51	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160E2.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160N1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160N1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-160N1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161M6.2	0,28	0,71	0,14	0,39	NA	NA
RP11-161M6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-161N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-161P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162A12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162A23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162K11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-162P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163F8.3	0,28	0,07	1,10	0,94	NA	NA
RP11-163I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-163O19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164O23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164O23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164P12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-164P12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165A20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165D7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165F24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165H4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165I9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-165N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-165P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166B2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166B2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166D18.1	0,00	0,68	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166J5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-166N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167H9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167H9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167J8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167J8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167N24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-167P23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168A11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168G22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168J5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168K11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168K11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168L22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168O10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-168P8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-169D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169K16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169K17.3	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169L17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169L17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-169O17.6	0,34	0,00	0,16	0,00	NA	NA
RP11-16C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16F15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16P20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-16P6.1	0,00	0,06	0,06	0,06	NA	NA
RP11-170L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-170L3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-170L3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-170L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-170N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-170N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171N4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-171N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-172C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-172C16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-172F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173A6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173D3.1	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173D3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173D3.4	0,02	0,29	0,01	0,14	NA	NA
RP11-173D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-173M1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173P15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-173P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174F8.1	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174G17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174O3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-174O3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175B9.3	0,00	1,78	1,11	1,13	NA	NA
RP11-175E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175K6.2	0,04	0,07	0,00	0,12	NA	NA
RP11-175M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-175M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-176D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-176H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-176P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-177B4.2	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
RP11-177C12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-177G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-177H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-177I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178C3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-178F10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178L8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178L8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178L8.8	0,00	0,43	0,00	0,00	NA	NA
RP11-178M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179A18.1	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179A9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179B15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179B15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179G5.4	0,00	0,86	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179H18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-179H18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17A4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17G12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-17P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180A12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180C1.1	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180D21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180M15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180O5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180P8.1	0,00	0,00	0,00	0,34	NA	NA
RP11-180P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-180P8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-180P8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181C21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181G12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-181K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182B22.4	0,00	0,68	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.12	0,39	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182J1.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-182N22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183A22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183G22.2	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-183K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184E9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184E9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-184L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-185O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-186B7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-186F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-186O14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-186O14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-187C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187C18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-187O7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-188I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-188P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-188P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-188P8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-189B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-189B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-189B4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-189E14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18C24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18I14.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-18O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190A12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190C21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190I1.10	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190I1.3	0,00	0,91	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-190P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191F9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191L9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191L9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191L9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-191N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192C21.1	0,00	0,33	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192H23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-192I3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-192P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193H5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193H5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193H5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193H5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-193P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-194G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-194G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-195C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-195F19.29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-195L15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-195M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-195M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196B3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-196I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197N18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-197P3.4	0,00	0,25	0,00	0,18	NA	NA
RP11-198M15.1	0,00	0,00	0,00	0,26	NA	NA
RP11-198M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-198M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199F6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199F6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199F6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199F6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-199H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-19G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19J3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19J5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19N8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19P22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19P22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-19P22.7	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1C8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1H8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1H8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1M18.1	0,00	0,00	0,52	0,37	NA	NA
RP11-1O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-1P8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-200K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-201A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-201E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-201K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-201K10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202I11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-202P11.1	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
RP11-202P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203F10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203I16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203L2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-203P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-204P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-205A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-205K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-205K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-205M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206L10.15	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206L10.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-206P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-207C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-207F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208C17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208C17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208C17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208C17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-208P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-209A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-209D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-209K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20B24.5	0,00	0,49	0,00	0,32	NA	NA
RP11-20B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20D14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20F24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20G13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20G13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20I20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-20P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-210G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-210H10_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-210K20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-210L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211C9.1	0,00	0,28	0,31	0,69	NA	NA
RP11-211C9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211N8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211N8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-211P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-212D19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-212E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-212E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-212E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-212I21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213G2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-213H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-213O5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214F16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214F16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214F16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214K3.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214K3.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214K3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214N15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-214O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215G15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-215P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216L13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216M21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216M21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216M21.9	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N14.7	0,09	0,11	0,00	0,11	NA	NA
RP11-216N14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216P16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216P16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216P16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-216P16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-217B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-217C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-217E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-217E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-217F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-217L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218C14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218C14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218C14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218D6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218E20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-218I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219A15.5	0,08	0,24	0,15	0,09	NA	NA
RP11-219B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219B4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219B4.7	0,00	0,12	0,03	0,00	NA	NA
RP11-219C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219C24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219C24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219E7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219G17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-219P18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21A7A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21A7A.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21A7A.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21B21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21B23.3	0,08	0,15	0,10	0,04	NA	NA

RP11-21C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21G20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21G20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21I4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-21M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220H4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220H4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-220I1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221E20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221E20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221E20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221N13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-221N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-222A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-222G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-222K16.2	0,00	0,00	0,00	0,26	NA	NA
RP11-222N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-222O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-223P11.3	0,00	0,78	0,00	0,12	NA	NA
RP11-224O19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-224P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-225B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-225H22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-226I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-226L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-226P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-226P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-226P1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227B21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-227D13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227F19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227G15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227G15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227H15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227H15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227H4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-227H4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-228G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-228O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229C3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.25	0,00	0,23	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-229P13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22J15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-22N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-230F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231C14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231C14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-231N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-231N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232D9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232L2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-232M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-233E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-233E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-233G1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234G16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234G16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234K24.3	0,08	0,41	0,08	0,09	NA	NA
RP11-234K24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234P3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234P3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234P3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-234P3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235C23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235E17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-235P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236B18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236J17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236J17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236J17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-236P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-237D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-237F13_B.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-237N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-237N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-237P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-238I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-238K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-238K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-238M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-239C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-239L20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23B7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23D5.1	0,00	0,87	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23E10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23E10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23F23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23F23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23J9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23J9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23N2.1	0,26	0,27	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-23P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240E2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240G22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-240L7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241F15.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241F15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241F15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241F15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241F15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241G9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241I20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241I20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-241P3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-242P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-243A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243M5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-243O10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244B22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244B22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244H18.1	0,00	0,15	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244K5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244K5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-244N9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245C17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245D16.4	0,00	0,00	0,34	0,00	NA	NA
RP11-245G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-245P10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-246K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247A12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247A12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-247M1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248C1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248E9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248G5.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248G5.12	0,25	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248G5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248J23.5	0,00	0,50	0,00	0,43	NA	NA
RP11-248J23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-248N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249C24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249C24.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-249C24.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249L21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-249L21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24M17.4	0,17	0,43	0,32	0,41	NA	NA
RP11-24M17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-24P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250B16.1	0,00	0,00	0,00	0,20	NA	NA
RP11-250B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250B2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250H24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250H24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-250N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-251A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-251A15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-251G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-251M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-251M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252A24.3	0,05	0,28	0,10	0,14	NA	NA
RP11-252A24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252A24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252M18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252M21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252M21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-252P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-253M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-253M7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254B13.1	0,46	0,95	0,72	0,61	NA	NA
RP11-254F19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-254I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255A11.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255A11.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255A11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255A11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255E6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255G12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255H23.2	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255H23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255N24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-255P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-256L6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-257I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-257K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-257K9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-257K9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-257O5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-258C19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-258I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259K15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259O18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259P15.4	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA

RP11-259P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-259P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25J23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25K19.1	0,11	0,30	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25K21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25K21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25L3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-25P11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-260A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-260A9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-260A9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-260A9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-260M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261C10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261C10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261N11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-261P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262H14.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262H14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-262M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-263J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263K19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-263K4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264F23.1	0,00	0,00	0,00	0,47	NA	NA
RP11-264J4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264J4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264J4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264J4.8	0,08	0,29	0,00	0,21	NA	NA
RP11-264J4.9	0,45	0,39	0,19	0,00	NA	NA
RP11-264K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264L1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264M12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-264P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265D19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265D19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265D19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-265N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266I3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266I3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266I3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266K4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266K4.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266K4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-266O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267C16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267D19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267M23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267M23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267M23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-267N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-268E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-268G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-268I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-268I9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-268P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-268P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269C23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269G24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269G24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-269M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26H16.1	0,00	0,43	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26L20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26M5.3	0,00	0,00	0,00	0,31	NA	NA
RP11-26O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-26P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-270C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-270G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-270L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-270M14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271F18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271K11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-271O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272I7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272I7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272I7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-272P10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-273B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-273B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-273B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-273F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-273G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-273P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274A11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274B18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274B21.11	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274B21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274B21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274B21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274H2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274J16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274K13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274K13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-274M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275I14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275N1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-275O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-276G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-276H19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-276H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277B15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277J6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-277K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278J6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278L15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278L15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278L15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-278L15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-279D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279F15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-279O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27I1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-27P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280K24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-280O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281H11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281N10.1	0,00	0,25	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281O15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281O15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-281P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282A11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-282M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283G6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-283I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-283I3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284F21.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-284P20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285E9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-285M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286H14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286N22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286N22.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-286O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-287A8.2	0,00	0,00	0,03	0,00	NA	NA
RP11-287D1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-287J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-287J9.2	0,00	0,00	0,00	0,27	NA	NA
RP11-288A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288C17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288G3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-288L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-289K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-28A22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-28O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-28O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-28P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-28P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290H9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-290P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291B21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291L22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-291O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292E2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-292K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293D9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293F5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293F5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_A.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_B.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_B.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_B.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_B.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293G6_B.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-293N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-294C11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294C11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294J22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-294L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295D4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295F4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295M18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295M18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295M18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295O23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295O23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295P22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295P22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295P9.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-295P9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296I10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296L22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296L22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-296O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297H3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297I6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297L17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-297P16.4	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298D21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298E9.3	0,01	0,06	0,00	0,00	NA	NA

RP11-298E9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298I3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298I3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298J23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298J23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298O21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298P3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-298P6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299L17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299L17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-299M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29B11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29B2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29H23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-29P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2C24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2F9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2F9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2G1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2H3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2N1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-2N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2O17.2	0,00	0,40	0,00	0,00	NA	NA
RP11-2P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300I6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-300J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301G7.1	0,29	0,00	0,16	0,00	NA	NA
RP11-301H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301J16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301J16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301J16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-301N24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302F12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302J23.1	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302K17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302L19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-302M6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-303G3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-303G3.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-303G3.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-303G3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-303G3.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304C12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304C12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304C16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304F15.3	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304F15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304F15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304F15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304L19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304L19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304L20.1	0,00	0,00	0,07	0,00	NA	NA

RP11-304M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304M2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304M2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-304N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305A4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305D15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305E17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305E17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305L7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305L7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305M3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305P22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-305P22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-306O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307C19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307E17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307I14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307N16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307N16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-307P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308B5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-308D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308D13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-308N19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309H21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309L24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-309P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30B1.1	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30K9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30K9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30L15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P6.2	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-30P6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310E22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310E22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310H4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310H4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310H4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310H4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-310P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-311D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-311F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-311H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-311H10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312J18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312J18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312J18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312J18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-312P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313F23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313I2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-313P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314A5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314A5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314J18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314N13.3	0,00	0,45	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-314P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-315D16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315D16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315I14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315J22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-315O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316I7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316K19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316M21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-316P17.2	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317J10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317P15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-317P15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318A15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318A15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-318G8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318L16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-318M2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319G6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-319J24.3	0,94	0,00	1,00	0,47	NA	NA
RP11-319L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31H5.3	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31I22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-31K22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320L11.2	0,00	0,23	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-320P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321A17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321C24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321C3.1	0,00	0,20	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.7	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E2.9	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321E8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-321E8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321F8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321L2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321M21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321M21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-321P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322A17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322E11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-322N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323F24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I14_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323I15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-323N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324E6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-324L3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325E14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325E5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-325I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325K19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325K19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325K19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325L12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325L12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-325P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326C3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326C3.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326C3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326K13.4	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326L24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-326L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327E2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327F22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327I22.5	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327I22.7	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327I22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-327P2.7	0,02	0,07	0,06	0,11	NA	NA
RP11-328C8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-328P23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-329A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-329A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-329B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-329I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-329I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-329N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32B5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32B5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-32K4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330M2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330M2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-330O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-331O9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332E3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332L18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332O19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-332P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-333A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-333B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-333B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-333E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-333E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-333O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334A14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334A14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334A14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334C17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334E6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-334O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335I12.3	0,00	0,28	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335L23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335L23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335L23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335O13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335O13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-335P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336A10.4	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336A10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336A10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336K24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-336N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-337C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-337L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-337N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338L22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-338O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-339A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339B21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339B21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339B21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339B21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339B9.1	0,00	0,07	0,04	0,16	NA	NA
RP11-339D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-339N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33I11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-33N14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340C20.2	0,27	0,00	0,30	0,55	NA	NA
RP11-340C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340I6.5	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
RP11-340M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341D18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341D18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341D18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G23.4	0,00	0,77	0,00	0,00	NA	NA
RP11-341G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-342A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-342M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343C2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343C2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343C2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343D2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343J18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343J3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343J3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343J3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343K8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-343P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344B5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344H11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344H11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344H11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344J7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-344N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344N17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-344P13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345I18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345I19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345K20.2	0,00	0,00	0,00	0,52	NA	NA
RP11-345K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345L23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-345P4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346C16.1	0,00	3,03	0,73	0,00	NA	NA
RP11-346C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346C16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346D6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346D6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346D6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-346M5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347C12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347C18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347D21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347H15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347J14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-347N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-347N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348H3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348H3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348J12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348J24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348J24.2	0,03	0,00	0,00	0,19	NA	NA
RP11-348M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-348M3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349A22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349F12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349J5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-349N19.2	0,54	0,00	0,59	0,00	NA	NA
RP11-349P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34H11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34H11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34M16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34P1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34P13.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-34P13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350D23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350E12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350E12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350E12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350G8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350J20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350J20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-350N15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-350O14.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351I21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351I21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351I21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351N4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351O1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-351O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352B15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-352M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-353J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-353K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-353M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-353N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-353P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354I13.1	0,00	0,48	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354P11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354P17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354P17.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354P17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-354P17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355I22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355I22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355I22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355K23B.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-355N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-355N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356C4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356J5.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356K23.3	0,00	0,38	0,00	0,09	NA	NA
RP11-356M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356O22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-356O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357J22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-357L1.1	0,00	0,00	0,00	0,71	NA	NA
RP11-357P18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358H18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358M11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358N4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-358N4.6	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359B20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359E10.1	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-359E8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359G22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359H3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359I18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359J23.1	0,04	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P18.9	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
RP11-359P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35D5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35J10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35J10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35L17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35L17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35N6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-35P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360O19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-360O19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361F15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-361F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361H10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-361M10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362A9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362F19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-362M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363G2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363I22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-363L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364B14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364L4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-364P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365D23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365D23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365F18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365F18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365O16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-365P13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-366L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366M4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366N18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366N18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366O20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-366O20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367E12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367E12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367H5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367J11.2	0,00	0,00	0,04	0,34	NA	NA
RP11-367J11.3	0,48	0,66	0,56	0,69	NA	NA
RP11-367J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367J7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367J7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-367O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368I23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368J21.3	0,20	0,24	0,50	0,55	NA	NA
RP11-368J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368M16.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368M16.3	0,00	0,00	0,00	0,27	NA	NA
RP11-368M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368M16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-368P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369E15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369J21.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369J21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-369J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-369K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-36D19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-36I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-36N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-36N22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-370P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-371A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-371I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-371M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372E1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-372M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373A9.3	0,06	0,00	0,12	0,08	NA	NA
RP11-373D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373N22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-373O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374M1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-374P20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375B1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375D13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-375D13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-375N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-376O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-376P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377K22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-377O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-378G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-378I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-378I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-378J18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-378N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379B18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379F4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379J5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379K17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379K22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379L18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379P1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-379P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37O16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37O16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37O16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-37O16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-37P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380D15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380G5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380I14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380M3.1	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-380P16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381E24.1	0,00	0,00	0,00	0,34	NA	NA
RP11-381E24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381K20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-381O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382A18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382A20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382B18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382B18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-382N13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383C5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383C5.7	0,80	0,51	1,10	0,48	NA	NA
RP11-383C5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-383D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383G10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383H17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383H17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-383M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384C12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384C4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384F7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384K6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384K6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384K6.6	0,27	0,06	0,07	0,10	NA	NA
RP11-384L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384P7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-384P7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385D13.1	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
RP11-385E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385E5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385E5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385F5.5	0,00	0,36	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-385N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386B13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386G11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-386I8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-386M24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-387A1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-387H17.4	0,00	0,59	0,00	0,00	NA	NA
RP11-387M24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388B24.3	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388C12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388M20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388M20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-388P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-389G6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-389J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-389K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-389O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-389O22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38M15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38O14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38O14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38O23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-38P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390B4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-390E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390F10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390F4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390F4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390G14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390K5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-390N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391I3.5	0,53	0,46	0,44	0,41	NA	NA
RP11-391M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-391M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392A14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392A14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392A23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392E22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-392P7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393I23.2	0,00	0,80	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393I23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393I16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393M18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393N21.2	0,00	0,00	0,00	0,43	NA	NA
RP11-393N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-393P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-394B2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394J1.2	0,98	1,02	0,57	0,40	NA	NA
RP11-394M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394O4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-394O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395E19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395E19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395L14.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395L14.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395N6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395P13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-395P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-396A22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-396C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-396I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-396M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397C12.1	0,00	0,47	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397D12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397O8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-397P14.3	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398K22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-398K22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-398O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399E6.4	0,00	0,63	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399H11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399H11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399J13.2	0,00	0,22	0,00	0,19	NA	NA
RP11-399K21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399K21.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399K21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399K21.6	0,20	0,57	0,12	0,00	NA	NA
RP11-399L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399N22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399O19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-399O19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39E3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39E3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39K24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-39M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3B12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3B7.1	0,23	0,24	0,12	0,00	NA	NA
RP11-3B7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3D4.2	0,00	0,36	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3J10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3L10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3L8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-3N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3N2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-3P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400F19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400G3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-400N13.3	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401E14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401L13.4	0,00	0,36	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401L13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401P9.5	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP11-401P9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402D21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402F9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402G3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402J6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402L1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402L1.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402N18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.15	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-402P6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-402P6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403A3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403B2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403B2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403B2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403B2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403I13.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403I13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403N16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403N16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-403P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404C6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404F10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404K5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404K5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404K5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404L6.1	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404O13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404P21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-404P21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-405A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-405F3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-405L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-405L18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-405P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406A20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-406H23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-406O23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407A16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-407P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408E5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408E5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408E5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408K19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408O13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-408O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-409C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-409K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-409K20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-409O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40H20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-40M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-410C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-410N8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411B10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411B10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-411P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-412B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-412D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-412H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-412H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-412H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413E6.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413E6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413M3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-413P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-414C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-414H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-414H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-414J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-414P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415D17.3	0,92	1,50	0,98	1,01	NA	NA
RP11-415D17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415I12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-415L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416K24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-416O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-417J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417J1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417L19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417L19.5	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
RP11-417M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-417P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-418J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-418N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419C19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419M24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419M24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419M24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419N10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-419N10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-41L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-41O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420H19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420K8.1	0,00	0,00	0,00	0,66	NA	NA
RP11-420K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-420O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-421B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421B23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421M1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421P11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421P11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421P11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-421P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-422P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-422P24.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423E7.2	0,07	0,20	0,15	0,18	NA	NA
RP11-423F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423G4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423H2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423H2.5	0,00	0,91	0,00	0,00	NA	NA
RP11-423J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424E7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-424M24.3	0,00	0,28	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425M5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-425P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426A6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426C22.6	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426J5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426L16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426L16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-426M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-427M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427O13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427O13.3	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
RP11-427P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428C19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428C19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428G5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428G5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428O18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-428P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429G17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429I17.2	0,00	0,00	0,02	0,08	NA	NA
RP11-429I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429I17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429P3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-429P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-42O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430G17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430H10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430H10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430I3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-430K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-430L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431J24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-431O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I5.4	0,19	0,32	0,04	0,18	NA	NA
RP11-432I5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432I5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432J24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432J3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432J9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432J9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432M8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-432N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-433C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433C9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-433P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434C1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434C1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434C1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434D2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434E6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434I12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434I12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434J24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-434O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435F17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435I10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435O5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435O5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435O5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-435P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436H11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436I9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-436M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-436P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-437F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-437G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-437G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-437G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-437J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438F14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438H24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438I12.1	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438N16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438N5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-438O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439C15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439E19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439E19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-439L8.2	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
RP11-439L8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-43A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-43A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-43D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-43F13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-43N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440D17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440D17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440D17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-440L14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-440N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441F2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-441M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442O1.3	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
RP11-442O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-442P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443A13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443B7.3	0,19	0,00	0,27	0,00	NA	NA
RP11-443B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443N24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-443O13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444A22.1	0,00	0,48	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444J21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444K7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-444P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445H22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445N18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-445N18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445N18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445N18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445P17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445P17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445P17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-445P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446F17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446H18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446H18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-446P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447H19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-447M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-448P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449D8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449I17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449I17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449I17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449I17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449J21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-449O16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-449P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44F14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44F14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44F14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44I10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44I10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44K6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-44N21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450H5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450H5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-450I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451G4.4	0,00	1,02	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451K18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451O13.1	0,00	0,15	0,00	0,00	NA	NA
RP11-451O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452J6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452K12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452L6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452L6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-452P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-453A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453N3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453N3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453N3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-453O5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454C18.2	0,00	0,53	0,00	0,42	NA	NA
RP11-454F8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-454L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455B2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455B2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455O6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-455P21.2	0,00	1,35	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456N14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456O19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456O19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-456O19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457D13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457I16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457L23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457P14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-457P14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-458F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-458F8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-458F8.4	0,03	0,00	0,00	0,20	NA	NA
RP11-458I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-458K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-458K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-459D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459F3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459O16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459O16.8	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459O16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-459P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45M22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45P15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-45P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460E7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460H14.1	0,00	0,53	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460I13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460N11.2	0,00	0,04	0,12	0,00	NA	NA
RP11-460N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-460N20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461G12.2	0,00	0,00	0,06	0,00	NA	NA
RP11-461H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-461M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461O14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-461O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-462B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-462B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-462D18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-462G12.2	0,28	0,25	0,35	0,61	NA	NA
RP11-462H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-462L8.2	0,00	0,24	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463C8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463C8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463J10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463O9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-463O9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464E15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464E15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464F9.20	0,00	0,21	0,11	0,00	NA	NA
RP11-464I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-464O2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465B22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465B22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465I4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465K4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-465N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466A19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466A19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466A19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466F5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466G12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466J14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-466P24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-466P24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467I20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467J12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467J12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467L19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467L19.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467L20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467M13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467N20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467N20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467N20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467P22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467P22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-467P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468E2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.09	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-468N14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469A15.2	0,15	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469H8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469H8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469J4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-469O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46A10.5	0,07	0,00	0,00	0,08	NA	NA
RP11-46A10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-46B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46C24.7	0,08	0,07	0,06	0,21	NA	NA
RP11-46D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46D6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46D6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46E17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46H11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-46J23.1	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470L19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470L19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470L19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-470M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471G13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471G13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471M2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-471N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472F14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472F19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472G23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-472N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-473E2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473E2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473I1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473L15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-473O3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474C8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474C8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474C8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474C8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474N24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474N8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-474P12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475D10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475I24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.8	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475J5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475N22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475O23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-475O6.1	0,10	0,09	0,12	0,22	NA	NA
RP11-476D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476I15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476I15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-476O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-477G18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477H21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477J21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477N12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-477N12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478B11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478B9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478C1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478C1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478C6.2	0,00	0,00	0,00	0,49	NA	NA
RP11-478C6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478G16.1	0,03	0,12	0,07	0,05	NA	NA
RP11-478H13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478K15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478K15.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-478L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479G22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479G22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479G22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479O9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-479P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47G11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47J17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-47L3.1	0,00	0,00	0,00	0,47	NA	NA
RP11-480C22.1	0,34	0,45	0,00	0,50	NA	NA
RP11-480D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480D4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480D4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480D4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480G7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-480P3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481A20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481A20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-481E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481F24.3	0,00	0,00	0,03	0,00	NA	NA
RP11-481K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-481N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-482M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483A20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483B5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483C6.2	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483H20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483I13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483I13.6	0,05	0,17	0,07	0,05	NA	NA
RP11-483I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483K5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-483P21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484H12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484K9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-484M3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485B17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485B17.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485B17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485B17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485G7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485M7.2	0,00	0,00	0,32	0,00	NA	NA
RP11-485M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-485O10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-485O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486M3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486O13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486O13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-486P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-487A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-487I5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488I20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488I20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488L18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488L18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488L18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-488P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-489D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-489G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-489M13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-489M13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-489M13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48C7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48J8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-48O20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490C5.1	0,00	0,23	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490D19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490D19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490N5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490O24.2	0,00	0,30	0,00	0,28	NA	NA
RP11-490P13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-490P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-491F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-491H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-491H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-492O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493E3.2	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493L12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-493L12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-494I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-494I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-494K3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-494M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495K9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495K9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495K9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495K9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495L19.1	0,07	0,03	0,05	0,02	NA	NA
RP11-495O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495P10.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495P10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495P10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-495P10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496B10.3	0,34	0,38	0,57	0,40	NA	NA
RP11-496B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496B10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496H1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496I2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496I2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-496N12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497D6.5	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497G19.1	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497G19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497H16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-497J7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-497K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498B4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498B4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498C9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498C9.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498D10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-498M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-499A10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-499F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-499O7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-499P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-499P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49G2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49I11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49I11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49K24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49K24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-49P4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4K16.2	0,00	0,35	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4M23.3	0,00	1,18	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4M23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-4O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500G10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500G10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-500M8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501C14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501C14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-501C14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501C14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501I19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501J20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-501O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-502F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-502H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-502M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-502M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-502P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503C24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503G7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503L23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-503N18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-504B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-504E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-504P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-504P24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-504P24.9	0,62	0,00	0,48	1,13	NA	NA
RP11-505J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505J9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505K9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505K9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-505P4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506B6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-506K6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-506O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507J18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507K13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-507P23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-508N22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-509A17.3	0,00	0,18	0,00	0,45	NA	NA
RP11-509I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-509M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-50O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510I5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510J16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510J16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510M2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510M2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510M2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510N19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-510P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511B23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511I11.1	0,00	0,84	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511I11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-511P7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-511P7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512M8.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-512N4.2	0,00	0,67	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513G11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513I7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513N24.1	0,00	0,00	0,00	0,11	NA	NA
RP11-513O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-513O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514D23.1	0,00	0,00	0,00	0,07	NA	NA
RP11-514D23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514F3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514F3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-514O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-515C16.2	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
RP11-515C16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-515K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-516A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517A5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517A5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517B11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517B11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517C16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517I24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517I3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-517P14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-518D3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-518D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-518D7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-518K17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-518L10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51B10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-51B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51F16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51L5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51L5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-51P8.1	0,00	0,59	0,09	0,26	NA	NA
RP11-520A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520B13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520B13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520B13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520B13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520D19.2	0,00	0,00	0,00	0,28	NA	NA
RP11-520E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520M5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520P18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-520P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521C22.2	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
RP11-521D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521J24.1	0,47	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-521O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-522B15.5	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522B15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522L3.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522L3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522L3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522L3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522L3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-522N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523K4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-523O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524L6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524N5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-524P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-525K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526D8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526I2.5	0,23	0,33	0,31	0,30	NA	NA
RP11-526I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-526P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527H14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527L4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527L4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-527N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-527N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528A4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528M18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-528N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529A4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529E10.6	0,00	0,00	0,00	0,18	NA	NA
RP11-529G21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529G21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529H20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529I17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529K1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529O20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-529P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52B19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52B19.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52B19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52B19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-52L5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-52M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-530A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-530I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531A21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531A21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-531P20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-532E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-532F6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-532F6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-532L16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-533E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-533E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-533K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-533N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-533O20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534G20.4	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-534P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-535N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.25	0,00	0,24	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536C10.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-536C5.7	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
RP11-536G4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536G4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536K7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536P16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536P16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-536P16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-537E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-537H15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-538A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-538D16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-538D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-538D9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539E17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539E17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539E17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-539L10.2	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53I6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53I6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-53M11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540D14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540L11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-540N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541G7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541G9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541J2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541M12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541M12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-541P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-542K23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542K23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542M13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-542M13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543C4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543F8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-543P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-544H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-544M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-544N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-544O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-544P1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545M8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545P6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545P7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-545P7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-546O6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-547M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-547P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.3	0,00	0,56	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548K12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-548P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-549L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54C4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54D18.3	0,07	0,08	0,07	0,08	NA	NA
RP11-54F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54F2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54K16.2	0,00	0,44	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54O7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54O7.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-54P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550C4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550P23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-550P23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551L14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551L14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551L14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551M15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-551M15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-552E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552E4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552E4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552J9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-552O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-553K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554A11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554A11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554A11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-554L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-555K2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-555M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556H2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556K13.1	0,68	0,84	1,01	0,84	NA	NA
RP11-556N21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556O5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556O5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556O5.6	0,00	0,16	0,14	0,13	NA	NA
RP11-556O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-556O9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557C9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557H15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557H15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557J10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-557J10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-558A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-558A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-558C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-558F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-558F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-559N14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-55C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-55C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-55L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-55L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560A15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560I19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-560O20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561B11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561B11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561C5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-561C5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561C5.5	0,50	0,78	0,44	0,47	NA	NA
RP11-561C5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561G1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561I11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561N12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561N12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561N12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561N12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561O23.5	0,00	0,16	0,00	0,06	NA	NA
RP11-561O23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561O23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-561P12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562A8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562F9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562M8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-562P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-563P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564A8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564C4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564C4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564D11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-564P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565H13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565H13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-565P22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-566H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K19.6	0,08	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K19.7	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-566K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567C20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567J20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567J24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567L7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567L7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567N4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-567P19.1	0,29	0,00	0,78	0,00	NA	NA
RP11-568A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568G11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568J23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568J23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-568K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569D9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569G13.3	0,00	0,00	0,05	0,06	NA	NA
RP11-569G9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569O4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-569O4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-56B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56L13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56L13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-56P9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-570H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-570J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-570J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-570K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-570P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571E6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571F15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571L19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571M6.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-571O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572C15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572F4.1	0,00	0,46	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-572O17.1	0,00	0,00	0,00	0,22	NA	NA
RP11-572P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573D15.7	0,45	0,39	0,45	0,37	NA	NA
RP11-573G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573G6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573G6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-573M3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-573N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-574H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-574K11.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-574K11.26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-574O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-574O7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575F12.3	0,00	0,05	0,04	0,00	NA	NA
RP11-575G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575M4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-575N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576I22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576N17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-576N17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-577O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578F21.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578F21.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578F21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-578F21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579D7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579D7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-579O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57A19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57C19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57G10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57H12.2	0,00	0,54	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-57H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-57K17.1	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RP11-57O2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58OJ4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-582E3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-582I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-583F24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-584M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-584P21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585K14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-585P4.5	0,12	0,11	0,35	0,25	NA	NA
RP11-586D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-586K12.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-586K12.2	0,00	0,67	0,00	0,15	NA	NA
RP11-586K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-586K12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-586K12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-586K12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-587D21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-587H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-587P21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-587P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588K22.2	0,00	0,00	0,00	0,04	NA	NA
RP11-588P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-588P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589B3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-589M4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58A17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58A17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-58A18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-58K22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-590C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-591L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-591L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-592H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593F23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-593P24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-594C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-594C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-594N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597A11.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597A11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597A11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-597M17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598F7.5	0,00	0,27	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598F7.6	0,00	0,29	0,07	0,42	NA	NA
RP11-598G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598O12.2	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-598P20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-599B13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-599B13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-599B13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-599B13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-599J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-59D5_B.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59N23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-59O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5A19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5G9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5J2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5K16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5N19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5O23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5O23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P18.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-5P4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600F24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-600P1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-601G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-601H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-601I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-602M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-603J24.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603J24.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603J24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603J24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-603O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-605F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-605F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-605F14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-605F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-605F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-606D9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-606M12.1	0,00	0,35	0,00	0,16	NA	NA
RP11-606P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-607P23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-608O8.2	0,00	0,15	0,00	0,00	NA	NA
RP11-609L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-609L23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-609L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-609L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60A24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60A8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60C6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60C6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60I3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-60L3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-610J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-611E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-611L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-611O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-611O2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-612A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-612B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-612J15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613D13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613E4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613E4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613F22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613F22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613M10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613M10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-613M5.3	0,00	0,23	0,00	0,00	NA	NA
RP11-614F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-614O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-615I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-615I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-615I2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-615J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-615J4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616L12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.6	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-616M22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-617I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-617O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618G20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618I10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618K16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618M23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618M23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618M23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-618N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619A14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619A14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619F23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619L12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619L12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619L12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-619L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61L19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-61N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-61O1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-620A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-620E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-620J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-620J15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-621H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-621H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-621I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622C24.2	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-622O11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-624A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-624D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-624G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-624G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-624M8.1	0,10	0,00	0,01	0,10	NA	NA
RP11-625H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-625L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-625N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626I20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-626P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627D16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627G23.1	0,00	0,00	0,07	0,08	NA	NA
RP11-627H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627H22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627J17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627K11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-627K11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-628E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-628O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629B11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629F19.1	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629I23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629N8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629O1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-629P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62C3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62C3.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62D23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62G11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62J1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-62N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-630C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-630D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-630H24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-630H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-631F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-631F7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632F7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632K5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632L2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-632P5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-633G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-634B7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635L1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-635O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-636N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-637A17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-637B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-637B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-637C24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-637I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-637O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-638D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-638L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-638O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-639B1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-639B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-639F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-639F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-639F1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63A23.2	0,00	0,45	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63B13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63E5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63H19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63H19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63H19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63H19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63K6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63K6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-63P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640M9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640N20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640N20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-640N20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.2	0,07	0,07	0,04	0,03	NA	NA
RP11-641A6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641A6.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641C17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-641D5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642C5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-642D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642E20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642E20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-642N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643A5.2	0,00	0,24	0,16	0,23	NA	NA
RP11-643C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643G16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643G5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643G5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643G5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-643N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644F5.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644F5.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644F5.16	0,59	2,15	0,81	1,47	NA	NA
RP11-644F5.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-644N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-645C24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-645N11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646D13.1	1,04	1,09	0,85	0,89	NA	NA
RP11-646E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646E18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646I6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646J21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-646J21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-647I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-647P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-647P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-648L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-648M2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-648O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-649A16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-649E7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64B16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64C12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-64D22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64I17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64J21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64J21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64K12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64K12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64P14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-64P14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65OK20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65OL12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65OP15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-651E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-651H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-651K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-651L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-652G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-653G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-653G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-653J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654A16.1	0,00	0,00	0,00	0,92	NA	NA
RP11-654C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654C22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654C22.2	0,00	0,00	0,00	0,16	NA	NA
RP11-654D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-654K19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655M14.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655M14.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655M14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-655M14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-656A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-656A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-656D10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-656G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-657G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-657G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-657G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-657K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-658E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-658F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-659E9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-659F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-659O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-659O3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-659P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65B23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65E22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65J3.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65J3.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65J3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65J3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-65M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-660I20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-660M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661A12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661C8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-661G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-662G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-662I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-662I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-662I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-663C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-663P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-663P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-664D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-664H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-664H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665A22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665C14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665C16.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665E10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665E10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665E10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-665I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666A1.7	0,00	0,49	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666A20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666A8.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666A8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666G4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-666O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-667F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667K14.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667M19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667M19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-667M19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-668N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-669B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-669E14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-669E14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-669M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-669N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66A2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66B24.4	0,08	0,15	0,09	0,00	NA	NA
RP11-66B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66B24.8	0,00	0,29	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66D17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66H6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66N11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66N24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-66N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-670E13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-670N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671J11.4	0,00	1,64	0,00	0,39	NA	NA
RP11-671M22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671M22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-671M22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672A2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672A2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672L10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672L10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-672L10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-673E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-673F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-673P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-673P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-674P19.2	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP11-675F6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-675M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-675M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-675P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676F20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676F20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676J12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676J12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-676J12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677I18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677M14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677M14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677M14.8	0,04	0,04	0,02	0,17	NA	NA
RP11-677M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677O4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-677O4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678G14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678G14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-678P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-679B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-679B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-679B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-679I18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67A1.2	0,00	0,36	0,00	0,67	NA	NA
RP11-67F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67L3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-67P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680F20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680F8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680G24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-680N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-681H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-681L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-681L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-683L23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-683L23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-683O4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-684B2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-684B2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-684B2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-684B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-684B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-684N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685B14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685G9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-685G9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686D22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686D22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686D22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686N4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-686O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-687D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-687M24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-687M24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-687M24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-688D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-688D15.2	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
RP11-688G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-688I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-688I9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-689E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-689K5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68I18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68I18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68I3.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68I3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68L1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-68L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690C23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690C23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690D19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-690I21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-691E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-691F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-691L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-691N7.6	0,00	0,00	0,00	0,35	NA	NA

RP11-692C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692C24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692M12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-692M12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-693I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-693I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-693I15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-693N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-694D5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-694F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-694H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-695I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-695I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-696F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-696F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-696N14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-696P8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697G4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-697N18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-698E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-698F20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-698N11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-699L21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69C17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69H14.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69H14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69H7.2	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-69J16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69L16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69M1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-69M1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6F2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6F2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6F2.5	0,00	0,19	0,19	0,00	NA	NA
RP11-6I2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6J24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6L6.2	0,00	0,06	0,00	0,06	NA	NA
RP11-6L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6L6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6L6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6O2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-6O24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-700P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701H24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701H24.2	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-701P16.5	0,47	0,48	0,92	1,44	NA	NA
RP11-702B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702F3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702F3.4	0,00	0,00	0,09	0,19	NA	NA
RP11-702H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702L6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-702L6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-702M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-703C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-703H8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-703I16.1	0,00	0,97	0,40	0,79	NA	NA
RP11-703I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-703I16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-703P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-704C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-704G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-704J17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-704J17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-704M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-705B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-705C15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-705C15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-705F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-705O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706C16.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706C16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706C16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706C16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706D8.3	0,00	0,00	0,16	0,00	NA	NA
RP11-706F1.1	0,00	0,59	0,00	0,64	NA	NA
RP11-706F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706J10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706O15.3	0,69	0,61	1,04	0,87	NA	NA
RP11-706O15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-706O15.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707G14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707M1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707M1.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707O23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-707P17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-708H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-708J19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-708L7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-708L7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-709D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-709D24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-709P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70D24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70F11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70J12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-70N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-710E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-710N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-710N8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-710N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-711C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-711G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-711M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-712B9.2	0,07	0,15	0,05	0,31	NA	NA
RP11-712B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-712C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-712C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-712C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713C9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-713P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-714G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-714G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715F10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715I22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715I22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-715L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-716A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-716D19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-716H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-716O23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-717A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-717I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-718B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-718G2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-718L23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-718M20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-719C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-719K4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-719K4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-719L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-719N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71A24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71C5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71E19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71E19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-71G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71H17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71H17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71H17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-71L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720G6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720L2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720L8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-720N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-721G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-722P11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-722P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-722P15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-722P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-723C11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-723G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-723G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-723O4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-723P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-724M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-724O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-725G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-725K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-725P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-726G23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-727A23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-727A23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728D14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728E14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728K20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728K20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-728L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-729I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-729M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72K17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-72M10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72M10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72M10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72M10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-72P19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730A19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730A19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730B22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-730N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-731C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-731D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-731D1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-731F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-731N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-732A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-732A19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-732A21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-732M18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-733C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-733C7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-733D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-733D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-734C14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-734K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-734K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-734K21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-734K21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-735A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-735A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-735A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-735D6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-735O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736E3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736I10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736I10.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736I24.5	0,00	0,00	0,13	0,15	NA	NA
RP11-736K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736K12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736K20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736K20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736N17.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736N17.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-736N17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-737F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-737F9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-737F9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-737G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-738B7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-738G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-738G5.2	0,00	0,00	0,00	0,62	NA	NA
RP11-738O11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-738O11.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-738O11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-739G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-739N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-739P1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-739P6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73E17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73G8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73M18.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-73M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740N7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740N7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740N7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-740P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-741G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-742D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744H18.1	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744I10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744K17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-744O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745A24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-745K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-746M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-746P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-746P2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-746P2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-747H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748H22.1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-748L13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-749H17.1	0,38	0,25	0,19	0,16	NA	NA
RP11-749H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-749H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-749H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-749H20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74C13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74E22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74J13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74J13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74J13.9	0,00	1,25	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74M13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74M13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74M13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-74N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-750I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-751K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-751L19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-752D24.2	0,00	0,11	0,00	0,15	NA	NA
RP11-752G15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-752L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-752L20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-752L20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-752P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-752P2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753A21.1	0,11	0,23	0,14	0,08	NA	NA
RP11-753A21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753B7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753C18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753C18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753C18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753D20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753D20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753E22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753E22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-753I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-754I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-754I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-754I4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-755F10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-755H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-755I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-755O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756A22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756G20.1	0,17	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756P10.2	0,12	0,10	0,13	0,06	NA	NA
RP11-756P10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756P10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-756P10.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757C15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757F18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757G1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757I12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757O6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757O6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-757O6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-758N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-759A24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-759A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-759L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75F3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75N4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-75N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760D2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-760M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-761B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-761I4.3	0,00	0,12	0,10	0,00	NA	NA
RP11-762B21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-762E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-762H8.3	0,45	0,58	0,59	0,00	NA	NA
RP11-762H8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-762J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-762L8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-762N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-763B22.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-763B22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-763B22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-763K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-763K15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-764E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-764E9.1	0,00	0,00	0,00	0,18	NA	NA
RP11-764I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-765K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-766F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-766F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-766N7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-767C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-767C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-767C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-767N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-768G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-768G7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-768G7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-769N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-769N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-769N22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-769O8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76C10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76C10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76E12.1	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RP11-76E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76H14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76H14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76K10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76K13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76K19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76K19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76N22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76N22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-76P2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-770E5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-770E5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-770G2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-770G2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-771D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-771K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-771O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-772E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-773H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-773H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-774G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-774I5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775B15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775C24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775D22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775I23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-775L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-776A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-776A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-776A13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-776K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-777B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-777B9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-777F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-777F6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-777N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778D9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778D9.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778D9.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-778J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778J16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-778O17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-779O18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-779O18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-779P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77B22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77E14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77G23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77H9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77I22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77I22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77K12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77P16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-77P19.2	0,00	0,00	0,00	0,17	NA	NA
RP11-77P19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-780M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-780O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-781A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-781M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-781M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-781P14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-782E2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-782E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-782K4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-783K16.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-783P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785D18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785H20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-785H23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-786A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-786A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-786O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787D11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-787P24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-788A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-788A4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-788M5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-789A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789C1.2	0,00	0,00	0,00	0,49	NA	NA
RP11-789C17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789C17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-789L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78A19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78F17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78H18.2	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78H24.1	0,27	0,00	0,08	0,00	NA	NA
RP11-78I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78J21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78L16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78O7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-78O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-790L1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791G16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791G16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791O21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-791O21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-792D21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793A3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-793L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-794C22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-794G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-794M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-794P6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-795A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-795H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-795I1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-796A5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-796A5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-796E10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-796I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-796L2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797D24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797E24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797H7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797H7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-797M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-798K23.1	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP11-798K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-798K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-798K3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799M12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-799O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79H23.2	0,00	0,06	0,00	0,05	NA	NA
RP11-79M19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79M21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79M21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79N23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79O8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79P5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-79P5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7B3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7B3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7F17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7F18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7G12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7G12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7K9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-7O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-7O11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-800A18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-800A3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-800K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-801F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-801I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-802D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-802H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-802H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-803A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-803A13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-803A13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-803B1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-803B1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804A23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804H8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804H8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804L24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804L24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-804M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-805F19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-805I24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-805I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-805I24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-805J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-806K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-806L2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-806L2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-806N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-806N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807E13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H22.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-807H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-808N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809C18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809F4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809H16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809H16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809N18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-809N8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80B17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80F22.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80F22.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-80F22.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H5.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80H8.4	0,00	0,00	0,54	0,00	NA	NA
RP11-80I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80I15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80K6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-80N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810C20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810K23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810O3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-810P12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-811I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-811I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-811O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-811P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-811P12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812E19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-812I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813F20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813N20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-813N20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-814E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-814H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-814M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815I9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-815I9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815I4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-815I4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-816B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-816I6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-816I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-817G13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-817I4.2	0,10	0,13	0,09	0,08	NA	NA
RP11-817I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-817O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-818F20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-819M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-819M15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81A1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81A1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81B10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81C12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81G24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81H14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81H14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-81N13.1	0,14	0,07	0,20	0,13	NA	NA
RP11-81P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820K3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820K3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-820K3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.6	0,00	0,61	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822E23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-822P1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-826F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-826N14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-829H16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82K18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-82O2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-831A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-831A10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-831F12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-831F12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-831H9.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-831H9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-832A4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-832N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.4	0,00	0,00	0,14	0,13	NA	NA
RP11-834C11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-834C11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-835E18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-838N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-838N2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-839D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-839D17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83B20.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83B20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83B20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83B20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83B20.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83C7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83J16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83J21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83M16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83M16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83N23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-83N9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-840I19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-841C19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-841C19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-843A23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-843B15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-843F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-843P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-844G16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-844P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-844P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845C23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845M18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845M18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845M18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-845M18.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-846F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-846F4.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-846F4.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-846F4.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-846F4.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-846F4.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-848D3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-848D3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849F2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849F2.9	0,00	0,29	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849N15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-849N15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84A1.1	0,00	0,58	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84A14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84A14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84A19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84C10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84D1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84E17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84G21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-84O12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-850F7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-851M3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-851M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-855C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-855O10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-855O10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-856M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-856M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-856M7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-856M7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-856M7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-857B24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-857B24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-857B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85F14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85G18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85G18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85G20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85L21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85L21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85O21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-85P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-860B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-861E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-861E21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-861E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-861L17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-862G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-862L9.2	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
RP11-863K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-863N1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-864G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-864G5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-864G5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-864J10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-864N7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-865B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-866E20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-867G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-867G23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-867G23.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-867G23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-86A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-86H7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-86K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-86K22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-871F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-871F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-871F6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-872J21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-873E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-874J12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-875H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-875H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-875O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-876F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-876N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-876N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-877E17.2	0,21	0,25	0,33	0,51	NA	NA
RP11-879D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87C12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87G24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87G24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87G24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87M18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87N3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-87O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-881M11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-882I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-883G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-883G14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-883G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-884K10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-885B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-885B4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-885B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-885N19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-886D15.1	0,00	0,00	0,41	0,00	NA	NA
RP11-886D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-886D15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-886I11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-887P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-887P2.5	0,00	0,70	0,00	0,37	NA	NA
RP11-889D3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-889D3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-889I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-889L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88B8.2	0,00	0,00	0,00	0,19	NA	NA
RP11-88H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88H10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88J6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88K11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-88M19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-890B15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-892D12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893F2.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893F2.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893F2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893F2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893F2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-893G17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-894I14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-895K13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-895M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-896I10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-897M7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-897M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-897M7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-899L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89C3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89C3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89C3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89I4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89M20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-89N17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-8J9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8L18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8L21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-8P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-900F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-903H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-903H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-903H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-903H12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-904M10.1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP11-907B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-907D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-909B2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-909M7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-909M7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-909N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-909N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90D4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90D4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90E9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90J7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90K17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90L9.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M11.1	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90M5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90N16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-90P16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91A18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91I20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91J19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91J3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-91K11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91K8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91K8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91K8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91M9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-91P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-923I11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-923I11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-923I11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-924A14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-925D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-925D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-925D8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-925D8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-925D8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-927P21.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-927P21.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-927P21.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-927P21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-927P21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92B11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92C4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92C4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92G19.2	0,00	0,38	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92J19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-92K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-930O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-932A10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-932O9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-932O9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-932O9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-936I5.1	0,00	0,00	0,00	0,13	NA	NA
RP11-939C17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93B14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93B14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93I21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93I21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93K22.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93K22.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93K22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93K7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93M12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93O17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93O17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-93O7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-93P10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-941H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-941H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-944C7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-944L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-944L7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-944L7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-944L7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-945A11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-945A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-945A13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-945C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-945C19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-946L16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94B19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94B19.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94C24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94C24.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94C24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94F13.1	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94H18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94H18.3	0,00	0,00	0,05	0,05	NA	NA
RP11-94H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94N9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-94P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-950C14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-950K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-953B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-953B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-955H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-955H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-955H22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-955H22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-956A19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-956J14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-956J14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958F21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958J22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958J22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958N24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-958N24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959F10.1	0,00	0,46	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959F10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959F10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959I15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959I15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-959I15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-95F22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95H3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95I16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95I16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95I19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95M5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95O2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95P13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95P2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95P2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-95P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-960B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-960B9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-960D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-960H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-960H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-961A15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-962G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-962G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-963H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-963H4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-963H4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-963H4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-963H4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-964E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-964E11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-966I7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-966I7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96B5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96B5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96C23.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96D1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96H17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96J15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96J19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96K19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96L14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96L14.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-96L14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-972K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-972L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-972P1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-972P1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-972P1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973D8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973D8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973F15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973N13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-973N13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-977P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-978P4.2	0,00	0,33	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97I14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97N10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97N19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97N5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-97O12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-981G7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-982M15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-982M15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983C2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983C2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983C2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983G14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-983G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986E7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986E7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986G18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-986G18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989E6.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989F5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-989F5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98D18.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98D18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98D18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98D18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP11-98E6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98F14.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98F14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98H4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98J9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98J9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98J9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98L5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98N22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98N22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-98P2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-991C1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-991C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-993B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-993B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-996F15.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-998D10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-998D10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99L13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-99M15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9E13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9H12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9H12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9H12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9H12.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9H20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9L18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9N12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP11-9N20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-100A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-100A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-1016M1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-1032I1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-1032I1.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-1039J1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-1039J1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-122B23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-125M24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-126P21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-128O4.3	0,00	0,00	0,23	0,12	NA	NA
RP13-131K19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-137A17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-137A17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP13-138P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-138P15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-140E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-140E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-143G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-147D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-150K15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-158L7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-16D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-16H11.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-172P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-178D16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-192B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-198D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-202B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-204A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-204A15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-208E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-20L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-210D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-210D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-211P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-221M14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-221M14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-221M14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-222H17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-225O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-225O21.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-228J13.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-228J13.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-238F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-238N7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-24G8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-254B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-258O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-258O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-259N13.2	1,22	1,29	1,43	0,18	NA	NA
RP13-262C2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-266I11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-26D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-278H16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-30A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-30A9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-313G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-324D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-329D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-331H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-339P19.1	0,28	0,43	0,00	0,00	NA	NA
RP13-33H18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-346H10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-347D8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-347D8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-348B13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-348B13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-349O20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP13-34C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-34L8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-34L8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-359K18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-362E11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-362E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-36C9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-36C9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-36G14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379L11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379L11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379L11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379L11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379O24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-379O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-383K5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-392I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-395E19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-39P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-39P12.3	0,00	0,18	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-401N8.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-40J16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-436F16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-439H18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-461N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-463N16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-465B17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-465B17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-465B17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-465B17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-469O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-46H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-470G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-470G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-480C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-483F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-483F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-487C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-488H8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-492C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-492C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-497K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-503K1.1	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
RP13-507P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-511O19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-512J5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-526J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-539F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-539F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-539J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP13-546I2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-55H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-560N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-577H12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-577H12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-57D9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-580B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-580B18.4	0,00	0,04	0,01	0,01	NA	NA
RP13-582L3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-582O9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-588I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-608F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-60M5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-60P5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-60P5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-612N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-619I2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-62H24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-631K18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-638C3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-638C3.6	0,00	0,00	0,20	0,49	NA	NA
RP13-643D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-644M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-644M16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-644M16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-650G11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-653N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-653N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-672B3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-672B3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-685P2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-685P2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-726E6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-726E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-766D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-766D20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-77O11.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-77O11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-77O11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-786C16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-81N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-81N3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-820C6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-824C8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-83C14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-83C14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-884E18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-884E18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-88F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP13-895J2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-895J2.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-926M18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-928P6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-929K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-929K23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-929K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-929K23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-93L13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-977J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-977J11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-977J11.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-977J11.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP13-977J11.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-323B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-323B6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-323M4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-323P24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-324O17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-324O17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-324O17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-329A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-329E20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-331H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-331H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-332B22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-333B15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-333B15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-333B15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-334F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-334F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-335E1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-336H9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-337H4.6	0,11	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-337O18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-339A18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-340B19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-340B19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-340N1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-340N1.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-341D10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-341I10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-343K2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-344J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-344J20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-344J20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-346O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-347M6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-347M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-351K20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-351K20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-352A20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-353H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-354J5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-354N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP3-357I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-358H7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-359N14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-363L9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-364H10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-365I19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-366N23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-368B9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-369A17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-369A17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-372K1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-375P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-377H17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-377H17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-377O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-377O6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-378P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-378P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-380B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-380B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-380C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-380C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-380E11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-384D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-388E23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-388M5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-388M5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-388N13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-388N15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-389A20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-389A20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-390M24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-390O13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-391O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-392M17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-393B19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-393E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-393E18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-393K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-395C13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-395M20.12	0,11	0,16	0,00	0,15	NA	NA
RP3-398D13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-398G3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-398G3.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-399J4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-399J4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-399J4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-399L15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-399L15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-400B16.1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
RP3-400B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-400B16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-400N23.9	0,60	1,34	0,95	1,01	NA	NA
RP3-403A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-403L10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP3-405J10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-405J10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-405J10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406A7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406A7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406C18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-406P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-407E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-407E4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-410C9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-410I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-412A9.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-412A9.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-413H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416F10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416H24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416H24.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416H24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416J7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-416J7.4	0,00	0,00	0,00	0,06	NA	NA
RP3-416J7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-417G15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-417O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-419C19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-422F24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-422G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-422G23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-423B22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-425C14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-425P12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-425P12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-426I6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-426I6.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-429G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-430A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-430N8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-431A14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-431C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-431P23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-431P23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-433F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-433F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-433F14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-434P1.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-435D1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-435K13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-436M11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-436N22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-437C15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-437C15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-437I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-438G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP3-438O4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-439F8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-441A12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-443E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-445N2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-446N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-446N13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-447F3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-448I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-449H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-449M8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-449M8.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-450M14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-451B15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-452M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453A3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453C12.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453C12.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453I5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453P22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-453P22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-454B23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-455E7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-455H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-455J7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-461F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-461F17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-461P17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-461P17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-461P17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-462C17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-462D8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-465N24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-465N24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-467K16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-467L1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-467L1.6	0,00	0,59	0,00	0,00	NA	NA
RP3-467N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-468B3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-468K18.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-468K3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-469D22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-470L14.1	0,00	0,00	0,00	0,32	NA	NA
RP3-472M2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-473B4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-473B4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-474G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-474I12.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-475B7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-477J10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-477M7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-477M7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-481F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-483K16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-486D24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP3-491M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-492P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-495K2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-495K2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-495K2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-495K2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-495O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-499B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-500L14.2	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
RP3-501N12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-503A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-507I15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-507I15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-508D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-508I15.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-509I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-509I19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-509L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-509L4.3	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
RP3-510B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-510D11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-510H16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-510O8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-511B24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-512B11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-513G18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-514P16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-515N1.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-519P24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-520B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-521E19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-522D1.1	0,00	0,65	0,00	0,00	NA	NA
RP3-522D1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-522J7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-523C21.1	0,08	0,00	0,04	0,19	NA	NA
RP3-523C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-523C21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-525L6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-525N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-526F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-526L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-527B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP3-527G5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-529N6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-530I15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-533D7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-533D7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-533D7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-534P7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-535B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-535B20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-535B20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-536B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-537K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-539M6.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-539M6.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-539M6.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-539M6.22	0,00	0,26	0,00	0,00	NA	NA
RP4-541C22.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-543J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-543J13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-543J19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-545K15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-545L17.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-548D19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-549F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-551E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-551N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-552O12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-552O12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-553F17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-553F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555D20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555D20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555L14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555L14.5	0,00	0,28	0,40	0,21	NA	NA
RP4-555N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-555N2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-559A3.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-559A3.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-560B9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-560B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-560B9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-562D20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-564F22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-564F22.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-564M11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-566D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-568B10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-568F9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-569D19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-570O12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-570O12.3	0,00	0,40	0,07	0,08	NA	NA
RP4-575N6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-575N6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-576H24.4	0,00	0,52	0,00	0,00	NA	NA
RP4-576H24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-580G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-580O19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-581F12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-581F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-581O6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-583K8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-583P15.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-584D14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-585I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-586O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-587D13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-590F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-591B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-591B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-591L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-591L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-592A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-592A1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-592G7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-593H12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-594L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-595K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-595K12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-597A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-597A16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-597J3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-599G15.7	0,00	0,00	0,00	0,08	NA	NA
RP4-603B14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-603B14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-603I14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-604G5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-604P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-607I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-607J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-608O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-609E1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-609E1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-610L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-612B18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-612C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-613A2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-613B23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-613B23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614C10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614C10.3	0,00	0,00	0,00	0,13	NA	NA
RP4-614C10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614C15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614N24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-614O4.13	0,09	0,00	0,08	0,00	NA	NA
RP4-616B8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-620E11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-620F22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-621B10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-621B10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-621F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-622L5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-629B2.1	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
RP4-630A11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-630C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-630J13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-631H13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-631H13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-631H13.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-633I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-633O19_A.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-635A23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-635B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-635E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-635G19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-635O5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-639F20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-639J15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-641G12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-644F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-646P19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-647M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-650F12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-651E10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-651E10.4	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
RP4-652L8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-654H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-654J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655C4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655C5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655C5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655C5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655L22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655L22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-655N15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-656G21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-657D16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-657D16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-657M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-659I19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-660B20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-660H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-663N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-663N10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-665J23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-665J23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-665N4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-666O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-666O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-666O22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-667H12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-668E10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-668E10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-668J24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-669B10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-669B10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-669L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-669L17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-670F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-671G15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-672J20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-672N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-673D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-673D20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-673D20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-675C20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-675G8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-680D5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-680D5.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-681L3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-682E18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-684O24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-687K1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-694A7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-694A7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-694A7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-694B14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-696P19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-697E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-697K14.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-700A9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-701O16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-704D21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-704D23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-705F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-705O1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-710L4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-710L4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-710M16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-710M16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-710M3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-712E4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-712E4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-714D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-718D20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-718N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-718N17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-719C8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-724E13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-724P12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-724P12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-725G10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-725G10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-725G10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-726C3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-726F1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-726N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-728D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-730D4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-733B9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-735C1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-735N21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736H5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736H5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736I12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-736L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-737E23.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-738P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-738P11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-738P15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-739H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-739H11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-740O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-741O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-742C19.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-742J24.2	0,00	0,08	0,06	0,22	NA	NA
RP4-742N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-743O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-745E8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-745K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-747G18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-749H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-749H3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-749H3.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-751H13.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-753D10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-753D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-753D5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-753F5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-753M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-756H11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-756H11.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-758J18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-758J18.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-758J24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-760C5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-760C5.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-761I2.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-761J14.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-764D2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-764O22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-764O22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-765F13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-769N13.6	0,96	0,57	0,87	1,50	NA	NA
RP4-771M4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-773A18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-773N10.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-774G10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-775C13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-775C13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-775D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-777G9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-777L9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-777L9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-778K6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-781B1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-781K5.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-781K5.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-781L3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-784A16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-784A16.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-785G19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-785J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-788L20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP4-788P17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-791C19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-791M13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-792G4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-792G4.3	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
RP4-794H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-794H19.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-795A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-796B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-796F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-796F18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-797C5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-798A10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-798C17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-798C17.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-799G3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-799G3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-799P18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-799P18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-799P18.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800F24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800M22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800M22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800M22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800M22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800O15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800O15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-800O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-801G22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-801G22.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-803A2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-806M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-806M20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-806M20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-806M20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-808A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-808O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-809F4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-810F7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-811M8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-813D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-813F11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-813F11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-814D15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-814E15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-814E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-815D20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-816N1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP4-816N1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1002M8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1003J2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1003J2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1004I9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1004I9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1006K12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-1007G16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1009E24.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1009N12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1012F16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1014O16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1014O16.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1014O16.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1014O16.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1014O16.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1016A21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1017F8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1018D12.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1018D12.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1018K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1021I20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1021I20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1021I20.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1022J11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1022J11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1022P6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1022P6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1023B21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1024C24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1024N4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1025A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1025A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1027G4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1028K7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1028L10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1028L10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1029F21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1029K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1029K10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1030M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1031D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1031J8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1032F13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1033E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1033H2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1033K19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1033K19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1039K5.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1039K5.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1042I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1042I8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1043E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1043F6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1044H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1045J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1046G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1047A19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1047A19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1047E14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1048B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1050D4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-1050E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1050E16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1050K3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1050K3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1051D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1051D14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1051I4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1051I4.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1052M9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1053E7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1053E7.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1054A22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1055C14.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1055C14.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1057I20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1057I7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1059H15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1059M17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1061H20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1061H20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1062I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1063M23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1065P14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1065P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1066H13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1067M6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068B5.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068E13.7	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068F16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068H6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1068H6.3	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1069C8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1070G24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1071N3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1073F15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1077B9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1077H22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1077H22.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1086D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1086D14.6	0,18	0,26	0,39	0,47	NA	NA
RP5-1086I18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1086L22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1087E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1090E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1091N2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1091N2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1092A11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1092E23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1092K5.2	0,00	0,00	0,00	1,26	NA	NA
RP5-1092L12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1096D14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1096D14.6	0,11	0,35	0,53	0,55	NA	NA
RP5-1096D14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1096I16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-1097F14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1097P24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1098D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1099E6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1100E15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1100E15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1100H13.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1100I6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1102E8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1104E15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1104E15.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1106E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1106E3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1106H14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1107A17.4	0,11	0,24	0,36	0,40	NA	NA
RP5-1108M17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1111A8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1114G22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1115A15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1116H23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1116H23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1116H23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1116H23.6	0,00	0,00	0,00	0,37	NA	NA
RP5-1118D24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119A7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119A7.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119A7.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119A7.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119D9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1119O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1120P11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1121A15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1121H13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1121H13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125A11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125M8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125M8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125M8.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125M8.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1125N11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1128N12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1128N12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1132H15.1	0,00	0,00	0,49	0,00	NA	NA
RP5-1132H15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1132H15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1136G13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1136G13.2	0,19	0,06	0,09	0,12	NA	NA
RP5-1136G2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1139B12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1139B12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1139I1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1142A6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1142A6.3	0,11	0,63	0,70	0,23	NA	NA
RP5-1142A6.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-1142A6.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1142J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1142J19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1145L23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1147A1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1147A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1154E9.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1154E9.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1154E9.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1154E9.8	0,00	0,49	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1154L15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1155K23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1155K23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1155K23.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158B12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158B12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158E12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158E12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158H2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1158H2.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1159O4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1160K1.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1163L11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1164C1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1166A24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1168A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1168M19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1170D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1172A22.1	0,30	0,38	0,00	1,01	NA	NA
RP5-1172N10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1173A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1173P7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1174J21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1177I5.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1177M21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1178H5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1180C18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1180E21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1181K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1182A14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1182A14.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1184F4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1185K9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1186N24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1186P10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1186P10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1189B24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1189B24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1189K21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1189K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1193P9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1193P9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-1193P9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-817C23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-822J19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-824H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827A12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827C21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827E24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-827L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-828H9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-828H9.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-828K20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-831C21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-831D17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-834A16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-834N19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-836E8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837I24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837I24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837I24.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837I24.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837I24.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837M10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837M10.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837O21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837O21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837O21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837O21.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-837O21.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-838N20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-839B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-842K16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-843L14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-843L14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-845O24.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-845O24.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-848E13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-848E13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-849L7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-850E9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-850O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-850O15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-854E16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-855F14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-856G1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-856G1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-857K21.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-857K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-858B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-859D4.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-859I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-859I17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-860F19.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-860P4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-862K6.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-862P8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-864K19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-864K19.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-865E18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-865N13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-866L20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-866L20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-869M20.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-870F10.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-871G17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-871G17.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-871G17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-871G17.6	0,00	0,60	0,00	0,00	NA	NA
RP5-871P9.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-872K7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-872K7.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-874C20.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-874C20.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-875H18.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-875H18.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-875H18.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-875H3.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-875O13.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-877J2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-878I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-879K22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-881L22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-881L22.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-881P19.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-882O7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-884C9.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-884G6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-884M20.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-885L7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-885L7.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-890E16.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-890O15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-890O3.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-891H21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-891H21.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-892F13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-892G5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-893G23.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-894A10.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-894D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-894D12.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-897D18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-901A4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-901A4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-903E17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-903G2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905G11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-905H7.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905H7.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-905N1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-906A24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-907A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-907D15.2	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
RP5-907D15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-907D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-908D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-908D6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-908M14.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-912I13.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-912I13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-914M6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-915N17.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-915N17.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-916L7.2	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
RP5-916O11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-916O11.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-921G16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-924G13.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-925F19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-926E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-928E24.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-930J4.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-931E15.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-931E15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-931K24.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-933B4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-933K21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-934G17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-935K16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-937E21.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-940F7.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-940J5.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-944M2.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-944N9.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-945F2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-945I17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-947P14.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-955M13.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-956O18.2	0,00	0,19	0,00	0,00	NA	NA
RP5-956O18.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-958B11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-958B3.2	0,00	1,65	0,00	0,00	NA	NA
RP5-961K14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-963E22.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-963E22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-964C11.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-964H19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-964H19.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-964H19.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-964N17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP5-965F6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-965K10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-966M1.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-966M1.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-967N21.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-972B16.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-974N19.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-977L1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-978I12.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-979D14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-983L19.1	0,35	0,21	0,00	0,00	NA	NA
RP5-984P4.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-984P4.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-988G15.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-988G17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-991B18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-991B18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-991C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-991C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-994D16.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-996D20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-998G20.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-998H6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP5-998N21.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-102O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-114E22.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-127F18.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-145B8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-145B8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-145B8.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-149D17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-14C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-159A1.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-159A1.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-166C19.23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-170F5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-186E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-191P20.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-1O2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-204F4.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-227L5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-227L5.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-24A23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-24A23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RP6-24A23.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-27P15.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-29D12.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-29D12.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-29D12.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-43L17.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-43L17.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-60B16.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-65G23.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-65G23.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-91H8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RP6-99M1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPA2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPE65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPIAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL10L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL11P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL12P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL12P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL12P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL12P39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL12P41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL13AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL13AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL14P1	0,13	0,35	0,00	0,29	NA	NA
RPL15P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL15P21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL15P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL17P46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL18P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL19P18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P103	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P104	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P106	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P116	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P132	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL21P44	0,00	1,70	0,00	0,51	NA	NA
RPL21P54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL22P18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL22P19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL22P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RPL23AP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP73	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP76	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP80	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL23AP81	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL26P20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL26P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL26P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL27AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL29P22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL29P24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL29P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL29P30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL29P32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL30P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P59	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL31P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL32P26	0,00	0,56	0,00	0,00	NA	NA
RPL32P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL32P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL32P34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL34P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35AP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL35P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36AP40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RPL36AP43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36AP47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36AP48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36AP51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36AP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36P16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL36P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL37P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL39P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL3P13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL3P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL41P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL41P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL5P24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL5P33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL6P12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL6P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL6P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP69	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7AP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7L1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P23p	0,36	0,00	0,25	0,20	NA	NA
RPL7P26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL7P53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL8P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL9P18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL9P29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL9P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPL9P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPLPOP11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RPLP2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPPH1-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPPH1-3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPRML	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS10P18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS10P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS10P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS10P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS12P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS12P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS12P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS12P28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS14P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15AP24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15AP25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15AP32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15AP34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS15P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS16P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS16P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS17P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS17P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS18P13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS20P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS20P20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS20P21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS20P31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS23P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS23P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS24P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS24P17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS26P55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS27P29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RPS29P24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS29P26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P44	0,00	0,40	0,00	0,18	NA	NA
RPS2P48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3AP50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS4XP12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS4XP15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS4XP19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS4XP21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS4Y1	0,15	0,00	0,22	0,20	NA	NA
RPS4Y2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS6P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS7P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPS8P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPSAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPSAP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPSAP55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RPSAP56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSC1A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSL24D1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSL24D1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSL24D1P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSL24D1P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSPH6A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSPO1	0,07	0,12	0,11	0,06	NA	NA
RSPO3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSPO4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RSU1P2	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
RTL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RTN4RL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RTN4RL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RTP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RTP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RTP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RUNDC3A	0,05	0,04	0,06	0,06	NA	NA
RUNX1T1	0,17	0,58	0,16	0,11	NA	NA
RXFP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
RXRG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

RYR3	1,08	0,94	1,19	1,15	NA	NA
S100A14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
S100A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
S1PR5	0,00	0,32	0,00	0,10	NA	NA
SAA2-SAA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SALL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SALL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAMD12-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAR1AP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAR1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAR1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SARDH	0,25	0,42	0,35	0,24	NA	NA
SATB2-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SAXO1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SBK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SBK3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SBSN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SBSPON	0,23	0,45	0,49	0,21	NA	NA
SC22CB-1D7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SC22CB-56B3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCAND2	0,74	0,39	0,82	0,65	NA	NA
SCARNA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCARNA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCARNA14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCARNA15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCARNA18B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCARNA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCDP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCG5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB1A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB1D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB1D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB1D4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB2A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB2A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGB2B2	0,09	0,00	0,05	0,06	NA	NA
SCGB2B3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCGN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCML2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCN11A	0,01	0,00	0,01	0,02	NA	NA
SCN3A	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
SCNN1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCNN1D	0,00	0,61	0,00	0,21	NA	NA
SCP2D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCRT1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCRT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SCX	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
SCYE1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SDC2	0,05	1,22	0,00	0,06	NA	NA
SDC4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SDCCAG3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SDHCP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SDR16C5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SDR9C7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEBOX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEL1L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SELE	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SELP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEMA3A	0,00	0,29	0,00	0,00	NA	NA
SEMA3E	0,05	0,00	0,06	0,00	NA	NA
SEMA4F	0,07	0,00	0,04	0,04	NA	NA
SEMA4G	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
SEMA5B	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
SEMA6C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEMG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEMG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPT10	0,00	0,00	0,00	0,16	NA	NA
SEPT14P12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPT14P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPT14P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPT5-GP1BB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPT7P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SEPW1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERHL2	0,26	0,18	0,29	0,21	NA	NA
SERINC2	0,00	0,00	0,00	0,21	NA	NA
SERINC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINB12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPIND1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERPINI2	0,00	0,00	0,00	0,43	NA	NA
SERTAD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERTAD4-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SERTM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SETD6P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SETP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SETSIP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SF3A3P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFR1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFRP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFRP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFRP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFTPA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFTPA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFTPA3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SFTPC	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
SGCB	0,04	0,03	0,04	0,03	NA	NA
SGCD	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
SH2D1B	0,00	0,25	0,00	0,12	NA	NA

SH2D4A	0,58	0,35	0,45	0,58	NA	NA
SH2D4B	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
SH2D7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SH3GL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SH3GL3	0,06	0,00	0,03	0,00	NA	NA
SH3GLB2	1,85	3,12	2,16	2,22	NA	NA
SHBG	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHE	0,22	0,17	0,10	0,13	NA	NA
SHFM1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHH	0,10	0,17	0,13	0,14	NA	NA
SHISA3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHISA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHPK	0,07	0,00	0,13	0,06	NA	NA
SHROOM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SHROOM3	0,31	0,43	0,09	0,10	NA	NA
SI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIAH1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC26P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC27P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIGLEC31P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIX1	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
SIX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIX3-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIX4	0,02	0,19	0,04	0,03	NA	NA
SIX5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SIX6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SKA2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SKI	0,08	0,18	1,20	0,54	NA	NA
SKOR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLA2	0,17	0,17	0,29	0,47	NA	NA
SLAMF1	0,13	0,00	0,00	0,06	NA	NA
SLC10A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC10A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC12A1	0,04	0,14	0,02	0,02	NA	NA
SLC15A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC16A10	0,23	0,42	0,27	0,34	NA	NA
SLC16A8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC17A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC17A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC17A4	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
SLC17A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC18A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC1A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC20A1P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC22A12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC22A17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC22A31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC22A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC24A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A1P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A1P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SLC25A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A21-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A5P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A6P1	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
SLC25A6P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC26A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC26A4	0,13	0,00	0,15	0,10	NA	NA
SLC26A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC27A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC27A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC29A2	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
SLC2A12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC2A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC35D3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC35G3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC35G4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC36A2	0,21	0,28	0,33	0,47	NA	NA
SLC38A8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC39A14	0,14	0,00	0,19	0,00	NA	NA
SLC39A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC47A2	0,00	0,13	0,00	0,00	NA	NA
SLC4A9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC52A3	0,14	0,22	0,29	0,09	NA	NA
SLC5A10	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
SLC5A11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC5A7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC5A9	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
SLC6A15	0,00	0,16	0,00	0,00	NA	NA
SLC6A18	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
SLC6A20	0,15	0,48	0,08	0,48	NA	NA
SLC6A21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC6A3	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
SLC6A8	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
SLC7A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC7A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC7A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC7A5P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC7A8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC8A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC9A3P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC9A3P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC9A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC9B1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLC9C2	0,00	0,00	0,00	0,13	NA	NA
SLCO1B3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLCO1B7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLCO1C1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLCO2B1	0,08	0,49	0,05	0,04	NA	NA
SLITRK6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLPI	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SLURP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SLURP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMARCA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMCO1	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
SMCP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM11P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM12P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMIM24	0,00	0,31	0,00	0,00	NA	NA
SMLR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMO	0,00	0,04	0,00	0,00	NA	NA
SMOC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMPDL3A	0,00	0,00	0,03	0,08	NA	NA
SMPX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMR3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMR3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SMTNL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNAP25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNAP25-AS1	0,00	0,00	0,14	0,00	NA	NA
SNAP91	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNCB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA10B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA11C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA11D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA11E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA17A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA17B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA20B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA21B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA22B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA25B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA35B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA36C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA38B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA40	0,00	0,74	0,00	0,00	NA	NA
SNORA40C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA41B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNORA44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA48B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA50B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA50C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA50D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA55	0,00	0,00	0,00	1,66	NA	NA
SNORA56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA59A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA5A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA5B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA5C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA62	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA63C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA63D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA69	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70H	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70I	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA70J	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA71C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA71D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA71E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA73A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA74A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA74B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA75B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA77B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA78	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA79	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA79B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA7B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA80C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA81	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORA84	0,00	1,67	0,00	0,00	NA	NA
SNORA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD102	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD105	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD105B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNORD107	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD108	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD109A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD109B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD110	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD111	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD111B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD112	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD113-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD114-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNORD115-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD115-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNORD116-24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD116-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD121A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD121B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD123	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD124	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD126	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD127	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD13P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD13P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD14B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD14C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD14D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD15A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD18A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD18B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD18C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD19B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD1C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD28B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD31B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD32A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD32B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD35A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD35B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD36A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNORD36B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD38B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD3D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD3G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD45A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD45B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD45C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD49A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD49B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD4A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD55	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD58A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD58B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD58C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD65	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD65C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD66	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD68	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD72	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD73A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD73B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD74B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD77B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD82	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD83B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD84	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD86	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD87	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD88A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD88B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD88C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD91B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD95	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD96A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD96B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNORD97	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNPH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNRPEP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNRPPF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SNRPGP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNTN	0,03	0,14	0,16	0,19	NA	NA
SNURF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNURFL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNX18P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNX18P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNX19P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNX31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SNX3P1Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOCS2	0,54	0,89	0,61	1,23	NA	NA
SOCS2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOCS2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOGA1	1,00	0,42	0,71	0,33	NA	NA
SOHLH1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SORCS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SORCS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOWAHA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOWAHB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SOX9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SP5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SP6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SP8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SP9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPA17P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPAAR	0,17	0,00	0,26	0,14	NA	NA
SPACA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPACA5B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPACA7	0,28	0,00	0,50	0,33	NA	NA
SPANXA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPANXN5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA3	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
SPATA31D2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA31D5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA31E1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

SPATA45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATA9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPATS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPEF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPEM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPHAR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPINK13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPINK14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPINK5	0,00	0,71	0,00	0,00	NA	NA
SPINK6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPINK7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPINT4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPNS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPO11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPOCK3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPON1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR2G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPRR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPSB4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPTA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPTBN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPTBN4	0,00	0,22	0,00	0,00	NA	NA
SPTSSB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SPZ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRD5A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRGAP2D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRGAP3-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRMP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRMS	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRP68P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRP68P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRP72P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SRPX2	0,09	0,30	0,06	0,28	NA	NA
SRY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSBP3-AS1	0,06	0,05	0,13	0,05	NA	NA
SSMEM1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSPO	0,39	0,27	0,27	0,34	NA	NA
SSR4P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SST	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSTR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSTR4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSTR5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSU72P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SSX8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ST13P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ST13P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ST13P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ST6GALNAC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ST6GALNAC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ST7OT2	0,35	0,14	0,72	0,49	NA	NA
ST8SIA1	0,67	0,64	0,60	0,91	NA	NA
ST8SIA2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STAC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STAR	0,03	0,04	0,07	0,11	NA	NA
STARD13	0,00	0,21	0,01	0,06	NA	NA
STATH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STK32A	0,00	0,09	0,00	0,02	NA	NA
STKLD1	1,18	1,66	2,00	1,84	NA	NA
STMN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STOML3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STPG2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STRA8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STRIP2	0,12	0,24	0,08	0,13	NA	NA
STX1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
STX1B	0,02	0,06	0,01	0,05	NA	NA
STXBP6	0,02	0,22	0,06	0,03	NA	NA
SUB1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SUB1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SUCLA2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SUGCT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SULT1A2	0,21	0,00	0,10	0,06	NA	NA
SULT1C2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SULT1C3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SULT1D1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SULT4A1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SUMO1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SVOPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYCE1	0,00	0,11	0,00	0,13	NA	NA
SYCE3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYCN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYNDIG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYNGR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYT12	0,12	0,15	0,17	0,45	NA	NA
SYT17	0,08	0,23	0,31	0,11	NA	NA
SYT3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYT4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
SYT7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR4P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAAR9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAC1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TACR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAF9P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TAGLN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TARDBPL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TARM1	0,00	0,13	0,00	0,14	NA	NA
TAS2R1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R12	0,00	0,00	0,00	0,43	NA	NA
TAS2R16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TAS2R9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBATA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D3F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D3K	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D3P1-DHX40P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBC1D3P5	0,00	0,15	0,00	0,00	NA	NA
TBL1Y	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBX10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBX20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TBX22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCAP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEAL2	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
TCEAL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEAL7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEB1P13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEB1P15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEB1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEB1P21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCEB1P22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCF15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCF19	0,00	0,00	0,04	0,00	NA	NA
TCF24	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
TCHHL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCL1A	0,55	0,39	0,58	0,85	NA	NA
TCN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCP11X2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TCTE3	0,00	0,00	0,06	0,00	NA	NA
TDGF1P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TDH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TDRD15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEAD1	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
TEAD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TECTB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEF	0,03	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEKT5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TENM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TERF1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TERT	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX101	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA

TEX13A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX13B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX28P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX28P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TEX44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TFAMP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TFAP2A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TFAP2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TFF1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TFPI2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TG	0,58	0,04	0,01	0,00	NA	NA
TGFA	0,00	0,49	0,05	0,00	NA	NA
TGIF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TGIF2LX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TGIF2LY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TGM3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TGM6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THA1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THAP8	0,00	0,16	0,00	0,07	NA	NA
THBS2	0,00	0,00	0,00	0,02	NA	NA
THEGL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THEM5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THPO	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THRSP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
THY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TICRR	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
TIGD4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TIGD6	0,15	0,55	0,11	0,49	NA	NA
TIGIT	0,04	0,39	0,08	0,18	NA	NA
TIMM8AP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TIMP4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TINAG	0,00	0,08	0,00	0,00	NA	NA
TKTL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLE6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLR9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLX1NB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TLX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TM4SF19	0,08	0,16	0,09	0,08	NA	NA
TM4SF19-TCTEX1D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TM4SF5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMA16P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMCO5A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMED10P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM114	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM125	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TMEM129	0,03	0,61	0,33	0,16	NA	NA
TMEM132D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM132E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM139	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM151A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM151B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM158	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM17	0,03	0,00	0,12	0,08	NA	NA
TMEM171	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM174	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM178A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM179	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM185AL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM190	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM196	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM198	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM200A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM200C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM202	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM207	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM211	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM215	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM225	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM229A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM231	1,06	0,61	0,38	0,73	NA	NA
TMEM235	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM240	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM244	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM246	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM247	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM252	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM254-AS1	0,07	0,00	0,07	0,20	NA	NA
TMEM26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM30CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM37	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM51-AS1	0,05	0,00	0,04	0,03	NA	NA
TMEM54	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM59L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM63B	0,00	0,08	0,21	0,05	NA	NA
TMEM63C	0,00	0,47	0,00	0,06	NA	NA
TMEM74	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM81	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
TMEM82	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM88B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM89	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM8C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMEM92	0,00	0,05	0,02	0,00	NA	NA
TMEM95	0,00	0,14	0,00	0,00	NA	NA
TMIGD2	0,00	0,17	0,03	0,00	NA	NA
TMIGD3	0,00	0,17	0,00	0,00	NA	NA
TMOD4	0,00	0,00	0,00	0,89	NA	NA
TMPOP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TMPPE	0,00	0,00	0,07	0,00	NA	NA
TMPRSS11A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMPRSS11D	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMPRSS11E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMPRSS2	0,18	0,47	0,17	0,32	NA	NA
TMPRSS4	0,18	0,18	0,10	0,10	NA	NA
TMPRSS5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMPRSS6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMPRSS7	0,09	0,12	0,01	0,06	NA	NA
TMSB15A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TMSL6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TNC	0,23	0,67	0,41	0,29	NA	NA
TNFRSF11B	0,00	0,14	0,02	0,00	NA	NA
TNFRSF18	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
TNFSF4	0,03	0,04	0,04	0,00	NA	NA
TNKS1BP1	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
TNNT3	0,00	0,77	0,70	1,25	NA	NA
TNP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TNP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TNRC6C	0,33	0,60	0,19	0,67	NA	NA
TNXA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TOP1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TOPAZ1	0,00	0,02	0,00	0,00	NA	NA
TOPORSLP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TOX3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3F	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3GP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TP53TG3HP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPBGL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPM3P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPM5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPO	0,02	0,14	0,00	0,02	NA	NA
TPRG1	0,00	2,13	0,34	1,05	NA	NA
TPRX1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPRX1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPRX2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPSAB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPSD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPSG1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPST1	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
TPT1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TPX2	0,03	0,05	0,05	0,04	NA	NA
TRABD2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TRAJ23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ36	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ39	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ44	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ45	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ46	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ49	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ52	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ53	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ56	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ59	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ60	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ61	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAJ9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAM1L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAPPC2P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV12-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV25	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV26-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TRAV27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV29DV5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV32	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV33	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV34	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV36DV7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV38-2DV8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV41	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV8-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV9-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRAV9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ1-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ1-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ1-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ2-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ2-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ2-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBJ2-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV10-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV10-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV11-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV12-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV12-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV12-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV20OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV21-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV21OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV22-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV22OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV23-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV23OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV24-1	0,00	0,65	0,00	0,00	NA	NA
TRBV25OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV26	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV29-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV29OR9-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV3-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TRBV30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV4-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV5-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV6-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV6-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV6-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV6-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV6-8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV7-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV7-5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV7-6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV7-7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV7-9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBV8-1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBVA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRBVB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDD1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDD2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDJ2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDJ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDJ4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDV1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDV2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRDV3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TREM2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TREML2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TREML4	0,00	0,00	0,08	0,00	NA	NA
TREX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGJP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGV1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGV11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGV5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGV6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGV7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRGVA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRH	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRHR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM16	0,27	0,62	1,02	0,43	NA	NA
TRIM23	1,32	1,06	0,77	0,85	NA	NA
TRIM40	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM43	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM47	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM48	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM49D1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM49D2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM49L2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM50	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TRIM51CP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM6	0,19	0,06	0,33	0,24	NA	NA
TRIM60P17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM64	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM64C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM67	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRIM68	0,12	0,17	0,14	0,04	NA	NA
TRIM80P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRNAS30P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRNP1	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
TRPA1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRPC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRPC5OS	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
TRPC7	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
TRPM5	0,00	0,07	0,00	0,00	NA	NA
TRPM8	0,42	0,35	0,09	0,74	NA	NA
TRPV6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TRY2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSACC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSEN15P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSGA13	0,00	0,07	0,00	0,14	NA	NA
TSHZ3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSLP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPAN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPAN12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPAN7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPAN9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPEAR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPO2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY22P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY23P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSPY9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSSK1A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSSK1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSSK2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TSSK5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTC22	0,06	0,09	0,15	0,18	NA	NA
TTC23	0,11	1,39	0,12	0,62	NA	NA
TTC28	0,13	0,24	0,11	0,19	NA	NA
TTK	0,07	0,23	0,00	0,00	NA	NA
TTLL10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTR	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

TTY17A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY21B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY25P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY4C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY6B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY7B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TTY9B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBA3C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBA3E	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBAL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBAP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB1P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB8P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUBB5	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
TUBG1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUFT1	0,07	0,26	0,36	0,51	NA	NA
TUNAR	0,03	0,05	0,00	0,04	NA	NA
TUSC1	0,00	0,00	0,03	0,00	NA	NA
TUSC2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TUSC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TVP23CP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TWF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TWIST1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TWIST2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TXLNG2P	0,01	0,21	0,00	0,07	NA	NA
TXNDC8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TXNRD3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TXNRD3NB	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
TYRL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U07000.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U40455.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U47924.29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

U52111.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U52111.3	0,00	0,39	0,00	0,00	NA	NA
U52112.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U52112.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U66059.57	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U66059.58	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U66061.35	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U66061.42	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U70984.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U73167.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U82671.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
U91328.22	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBA52P5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBA52P7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBA52P9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBBP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBDP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2CP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2D3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2DNL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2HP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2MP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2NL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2Q2P6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2QL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2SP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBE2U	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBL4B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBQLN1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBQLN3	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
UBTFL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBTFL2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBTFL3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UBXN10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UCMA	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UCN	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UCN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UCN3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UCP3	0,00	0,36	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A12P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT1A9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT2A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT2B10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT2B17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT2B28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UGT2B29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

UGT3A2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ULBP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UMOD	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UNC13C	0,30	0,50	0,23	0,60	NA	NA
UNC5B	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA
UNC5C	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UNC79	0,08	0,07	0,06	0,08	NA	NA
UNC93A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UNC93B3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UNCX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UPF3AP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UPF3AP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UPK3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UPP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UQCRBP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UQCRHP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
URGCP-MRPS24	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USMG5P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L23	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L24	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
USP17L25	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
USP17L26	0,00	0,01	0,00	0,00	NA	NA
USP17L27	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L28	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L29	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L30	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP17L8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
USP26	0,03	0,00	0,01	0,09	NA	NA
USP51	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UTS2R	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
UTY	0,00	0,09	0,03	0,09	NA	NA
VAT1L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCX3A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCX3B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCY	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VCY1B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VDAC1LP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VDAC2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VEGFC	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VENTXP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VENTXP3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VENTXP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

VEZF11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VGF	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VGLL1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VHLL	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VIT	0,00	0,00	0,00	0,10	NA	NA
VMO1	0,22	0,00	0,13	0,26	NA	NA
VN1R10P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R11P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R13P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R21P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R64P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R65P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R66P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R67P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R68P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R69P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R6P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R70P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R71P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R76P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R78P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R79P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R7P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R80P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R85P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R87P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R88P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R90P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R91P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R92P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R93P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R96P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN1R9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN2R3P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VN2R9P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VPREB1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VPS13A-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSIG1	0,00	0,06	0,08	0,09	NA	NA
VSIG10L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSIG8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSTM2A	0,00	0,00	0,02	0,00	NA	NA
VSTM2B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSTM2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSTM5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VSX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VTRNA1-2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VTRNA2-2P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VTRNA3-1P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VWA1	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
VWA7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VWC2L	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
VWF	0,00	2,33	0,00	0,09	NA	NA
WASF1P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WASF5P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

WBP2P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WDR38	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WDR63	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WDR97	0,15	0,15	0,29	0,26	NA	NA
WEE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC10A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC10B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFDC9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFIKKN1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WFIKKN2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-1528O10.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-1896O14.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-1959D15.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-2118C23.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-2221J1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-2334D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-2373I1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-2994D6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-3697E2.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-80423F1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-81516E3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-8325B5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-87327B8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WI2-88277B6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WNT11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WNT16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WNT2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WNT3	0,08	0,00	0,09	0,10	NA	NA
WNT5B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WNT7A	0,00	0,08	0,00	0,03	NA	NA
WNT8B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
WSCD2	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA
WWC1	0,03	0,29	0,06	0,00	NA	NA
XAGE2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XAGE3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XAGE5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XBPP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XCL2	0,00	0,00	0,00	0,36	NA	NA
XIRP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XK	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XKR3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XKR6	0,03	0,08	0,04	0,12	NA	NA
XKR7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XKRX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-C00717C00720L.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-C2158C6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-C2158C6.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-C2158C6.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-C283C717.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-CR54.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-DJ76P10_A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-FW80269A6.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

XX-FW87585A5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-FW88884H1.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XX-FYM637E10_5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B33L19.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B33L19.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B33L19.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B33L19.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B476C20.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B476C20.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B476C20.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B476C20.17	0,00	0,12	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-B562F10.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BCX196D17.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG116M5.17	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG118E17.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG118E17.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG13B8.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG13B8.11	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG157A10.21	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG16N22.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG170G13.31	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG181B23.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG185D15.12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG246D15.9	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG248L24.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG248L24.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG24O18.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG25O18.13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG254B15.10	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG27H4.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG299F13.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG299F13.15	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG299F13.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG300A18.14	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG300A18.16	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG32J3.20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG34I8.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPG55C20.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPGBPG24O18	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPGBPG34I8.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPGBPG34I8.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXbac-BPGBPG55C20	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXcos-LUCA11.5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YM21GA2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YM21GA2.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YM21GA2.8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YMR12DG2.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YR12DB5.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YR21CG7.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YR29IB3.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YRM2136_A.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YX60D10.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
XXyac-YX65C7_A.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Y10196.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
YAP1	0,00	0,00	0,00	0,03	NA	NA

YPEL4	0,00	0,33	0,00	0,00	NA	NA
yR211F11.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
YWHAQP7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
YWHAZP2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z69720.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z69890.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z82214.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z82214.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z83844.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z83851.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z84721.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z84721.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z84723.2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z95114.4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z95114.6	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z95114.7	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z95704.3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
Z98941.1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZAR1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBBX	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBED2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBED3	0,54	0,35	0,22	0,29	NA	NA
ZBED6CL	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
ZBED8	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBTB12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBTB12B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZBTB42	0,03	0,07	0,08	0,09	NA	NA
ZC3H11B	0,00	0,03	0,00	0,00	NA	NA
ZC4H2	0,00	0,20	0,21	0,06	NA	NA
ZCCHC12	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZCCHC13	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZCCHC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZDHHHC19	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZDHHHC20P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZDHHHC20P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZDHHHC9	0,05	0,00	0,02	0,12	NA	NA
ZEB2P1	0,00	0,00	0,00	0,01	NA	NA
ZFHX2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZFHX4	0,00	0,70	0,03	0,07	NA	NA
ZFHX4-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZFP2	0,00	0,21	0,00	0,00	NA	NA
ZFY	0,00	0,00	0,00	0,24	NA	NA
ZFYVE9	0,00	0,15	0,00	0,00	NA	NA
ZG16B	0,00	0,00	0,00	0,09	NA	NA
ZIC1	0,00	0,05	0,00	0,00	NA	NA
ZIC2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZIC4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZIC5	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZKSCAN2	0,01	0,00	0,04	0,02	NA	NA
ZNF135	0,00	0,00	0,06	0,03	NA	NA
ZNF137P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF177	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF205	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF209P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF214	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA

ZNF222	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF239	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF256	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF259P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF280A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF295-AS1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF299P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF29P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF300	0,00	0,26	0,02	0,04	NA	NA
ZNF311	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF314P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF32-AS3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF322B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF345	1,73	1,27	1,25	0,87	NA	NA
ZNF385D	0,18	0,17	0,25	0,31	NA	NA
ZNF415	0,34	0,40	0,37	0,33	NA	NA
ZNF416	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF418	0,12	0,34	0,05	0,00	NA	NA
ZNF419	0,67	1,44	0,67	0,69	NA	NA
ZNF443	0,00	0,00	0,00	0,05	NA	NA
ZNF449	0,00	0,27	0,00	0,04	NA	NA
ZNF474	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF485	0,11	0,07	0,15	0,07	NA	NA
ZNF488	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF503-AS2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF511-PRAP1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF534	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF536	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF560	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF571	1,52	2,19	1,49	0,66	NA	NA
ZNF607	0,00	0,24	0,00	0,04	NA	NA
ZNF608	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF625-ZNF20	0,00	0,05	0,05	0,00	NA	NA
ZNF645	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF652P	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
ZNF662	0,41	0,55	0,41	0,54	NA	NA
ZNF663P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF665	0,52	0,81	0,92	0,60	NA	NA
ZNF671	0,36	0,87	0,09	0,14	NA	NA
ZNF679	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF683	0,00	0,09	0,00	0,00	NA	NA
ZNF691	0,00	0,10	0,35	0,00	NA	NA
ZNF705A	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF705B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF705D	0,00	0,10	0,00	0,00	NA	NA
ZNF705E	0,00	0,00	0,00	0,07	NA	NA
ZNF705G	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF711	0,00	0,14	0,00	0,03	NA	NA
ZNF720P1	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF725P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF729	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF732	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF733	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF735	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF768	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA

ZNF775	0,00	0,00	0,00	0,06	NA	NA
ZNF804B	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF807	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF816-ZNF321P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF840P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF845	0,43	0,12	0,36	0,41	NA	NA
ZNF849P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF853	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF861P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF863P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF879	0,05	0,09	0,09	0,52	NA	NA
ZNF92P2	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF92P3	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF970P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF971P	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZNF98	0,00	0,60	0,00	0,00	NA	NA
ZNRF3	0,02	0,04	0,05	0,04	NA	NA
ZNRF4	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZPBP	0,00	0,00	0,00	0,00	NA	NA
ZSCAN23	0,00	0,11	0,00	0,00	NA	NA
ZSCAN31	0,49	0,58	0,55	0,63	NA	NA
ZSWIM5	0,00	0,06	0,00	0,00	NA	NA

Supplementary Table 5						
geneSymbol	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj (FDR)
SLC4A3	201,62	6,16	0,633672	9,715949	2,58E-22	4,80E-18
AP001605.4	14,54	-25,68	3,074734	-8,352	6,71E-17	6,24E-13
RP11-43A14.1	13,92	-25,39	3,079292	-8,2441	1,66E-16	1,03E-12
AC004112.6	13,18	-25,24	3,076983	-8,20253	2,35E-16	1,09E-12
RP11-353J17.5	11,30	-25,33	3,112714	-8,13668	4,06E-16	1,51E-12
LRRC53	10,47	-25,22	3,148979	-8,00751	1,17E-15	3,63E-12
FOLR1	9,50	-25,08	3,192358	-7,85561	3,98E-15	1,06E-11
S100A7L2	8,47	-24,91	3,212912	-7,75456	8,87E-15	2,06E-11
PRKCQ	41,99	-9,17	1,203428	-7,61796	2,58E-14	5,33E-11
CETP	7,21	-24,51	3,287754	-7,45646	8,89E-14	1,65E-10
RP4-726F1.3	24,59	-26,43	3,635958	-7,26808	3,65E-13	6,17E-10
C9orf50	18,42	-26,04	3,636135	-7,16178	7,96E-13	1,23E-09
CAMK4	68,53	-8,40	1,186223	-7,07742	1,47E-12	2,10E-09
S100A9	13859,27	-2,00	0,288017	-6,94855	3,69E-12	4,90E-09
S1PR3	49,35	-4,86	0,708057	-6,85691	7,04E-12	8,73E-09
LGMN	300,78	4,25	0,636485	6,670014	2,56E-11	2,87E-08
CLIC2	693,67	2,78	0,416363	6,666546	2,62E-11	2,87E-08
S100A8	3071,38	-2,48	0,393463	-6,29652	3,04E-10	3,15E-07
KPNA2	521,47	3,03	0,486273	6,230068	4,66E-10	4,57E-07
HLA-DPA1	42877,57	1,53	0,245499	6,212517	5,21E-10	4,85E-07
DOPEY1	521,64	4,03	0,654508	6,152846	7,61E-10	6,74E-07
NTNG1	23,37	-4,45	0,728742	-6,1116	9,86E-10	8,34E-07
RASSF5	1368,37	2,17	0,357517	6,068243	1,29E-09	1,05E-06
HLA-DRA	117889,62	1,39	0,229416	6,05268	1,42E-09	1,10E-06
KIF5C	90,44	-7,81	1,31354	-5,94686	2,73E-09	2,03E-06
CDA	67,32	-9,05	1,524788	-5,9353	2,93E-09	2,10E-06
GZMK	28,93	-7,83	1,324026	-5,91354	3,35E-09	2,31E-06
SV2C	56,27	-5,71	0,968961	-5,89199	3,82E-09	2,54E-06
CD74	110098,84	1,16	0,197592	5,859876	4,63E-09	2,97E-06
APMAP	750,38	2,01	0,347352	5,772336	7,82E-09	4,85E-06
GPR183	7811,19	1,95	0,341714	5,704919	1,16E-08	6,99E-06
DPF1	39,45	-5,50	0,965262	-5,69309	1,25E-08	7,25E-06
MFGE8	36,12	-6,82	1,202754	-5,67263	1,41E-08	7,93E-06
CTD-2230D16.1	54,64	-4,87	0,864083	-5,63145	1,79E-08	9,78E-06
PARVA	27,96	-4,93	0,88921	-5,54937	2,87E-08	1,52E-05
NUDT19	400,11	2,66	0,479796	5,534798	3,12E-08	1,61E-05
NMNAT2	86,20	-7,56	1,368257	-5,52522	3,29E-08	1,65E-05
GPX3	150,07	6,03	1,098221	5,487887	4,07E-08	1,99E-05
SACS	318,70	4,35	0,797158	5,450756	5,02E-08	2,39E-05
FRAS1	17,54	-8,59	1,581399	-5,43459	5,49E-08	2,53E-05
ZBTB33	192,87	3,92	0,72239	5,432215	5,57E-08	2,53E-05
SPRY2	80,87	5,12	0,948455	5,39949	6,68E-08	2,96E-05
PTGS2	1298,74	2,58	0,477805	5,39543	6,84E-08	2,96E-05
SPINT2	1373,42	2,19	0,410628	5,338564	9,37E-08	3,95E-05
CD14	2683,61	-1,93	0,362225	-5,33508	9,55E-08	3,95E-05
CTSD	1401,52	-1,63	0,305981	-5,31109	1,09E-07	4,41E-05
MYO6	58,24	-5,13	0,970632	-5,2869	1,24E-07	4,92E-05
ADAM28	1191,60	2,05	0,38817	5,271054	1,36E-07	5,26E-05

INMT	52,89	-4,41	0,84396	-5,21946	1,79E-07	6,81E-05
CD1C	6086,11	1,99	0,382581	5,206837	1,92E-07	7,15E-05
NCF1	669,04	-1,98	0,382355	-5,17737	2,25E-07	8,21E-05
AC079807.3	26,90	6,80	1,317535	5,163994	2,42E-07	8,65E-05
TYROBP	5732,91	-0,70	0,135757	-5,1564	2,52E-07	8,84E-05
FASTKD5	243,21	4,62	0,89802	5,145819	2,66E-07	9,18E-05
RNVU1-15	14,45	-2,30	0,44848	-5,12051	3,05E-07	1,03E-04
HLA-DRB1	23466,63	0,98	0,190698	5,113925	3,16E-07	1,05E-04
ELOA	351,05	3,29	0,645798	5,088839	3,60E-07	1,18E-04
RP13-104F24.1	143,66	4,45	0,874342	5,084595	3,68E-07	1,18E-04
ACOT13	209,00	4,33	0,853893	5,070783	3,96E-07	1,25E-04
HSPA9	1311,34	1,25	0,247907	5,051417	4,39E-07	1,35E-04
AKIP1	191,45	3,92	0,776573	5,04897	4,44E-07	1,35E-04
PLCG2	479,11	3,07	0,608176	5,040171	4,65E-07	1,40E-04
RAPGEF4	17,93	-3,95	0,787865	-5,01936	5,18E-07	1,49E-04
TRIM36	48,03	5,43	1,08245	5,019025	5,19E-07	1,49E-04
CHMP4A	882,00	1,69	0,33729	5,018625	5,20E-07	1,49E-04
STAG1	198,99	2,93	0,584681	5,007499	5,51E-07	1,55E-04
REL	1871,26	1,61	0,321192	4,998934	5,76E-07	1,60E-04
RITA1	79,02	4,81	0,964898	4,984098	6,23E-07	1,70E-04
ENAH	230,37	-4,89	0,982692	-4,97476	6,53E-07	1,76E-04
GJB1	1,64	18,44	3,728105	4,947504	7,52E-07	NA
FECH	231,88	4,62	0,933546	4,945882	7,58E-07	2,01E-04
GPN3	206,84	3,60	0,728725	4,93657	7,95E-07	2,08E-04
CTC-260F20.3	10,55	-4,70	0,954117	-4,92871	8,28E-07	2,12E-04
RP11-46C20.1	24,06	-5,92	1,20178	-4,92785	8,31E-07	2,12E-04
ARL4C	4001,36	1,73	0,352737	4,909188	9,15E-07	2,30E-04
MCTP2	69,73	-4,57	0,935539	-4,88828	1,02E-06	2,52E-04
NXT1	530,89	2,27	0,465388	4,869769	1,12E-06	2,72E-04
LAMP1	158,96	-2,00	0,411821	-4,86813	1,13E-06	2,72E-04
RP11-651E20.2	39,74	7,39	1,518715	4,865623	1,14E-06	2,72E-04
MACROD2	76,62	-3,37	0,694745	-4,85184	1,22E-06	2,88E-04
ITM2C	113,38	3,14	0,651356	4,821474	1,43E-06	3,28E-04
NPTN-IT1	77,88	7,76	1,610182	4,820092	1,43E-06	3,28E-04
HLA-DPB1	29441,99	1,34	0,279064	4,81793	1,45E-06	3,28E-04
S100A12	285,42	-2,48	0,515949	-4,81552	1,47E-06	3,28E-04
TNR	128,42	-4,35	0,904098	-4,81091	1,50E-06	3,28E-04
NCKAP5	32,46	6,90	1,433919	4,810782	1,50E-06	3,28E-04
STMN1	293,56	3,22	0,670579	4,809221	1,52E-06	3,28E-04
APBB2	49,13	-4,39	0,913598	-4,80178	1,57E-06	3,36E-04
SLC35F2	108,33	5,16	1,076314	4,789811	1,67E-06	3,53E-04
TXN2	1310,04	1,30	0,27136	4,777796	1,77E-06	3,70E-04
FCER1A	15248,73	1,69	0,357251	4,743916	2,10E-06	4,33E-04
PRLR	15,10	-7,46	1,577302	-4,73114	2,23E-06	4,52E-04
SCN1A	89,27	-4,72	0,998106	-4,73094	2,23E-06	4,52E-04
TMEM108	43,41	-6,52	1,378531	-4,72673	2,28E-06	4,56E-04
CYBB	2137,40	-1,23	0,260985	-4,71072	2,47E-06	4,89E-04
SLC26A8	16,39	-3,64	0,773898	-4,70298	2,56E-06	5,02E-04
KDSR	569,87	3,01	0,64104	4,699066	2,61E-06	5,02E-04
PTGDR	26,29	-9,31	1,981672	-4,69892	2,62E-06	5,02E-04

RP11-117L5.1	10,72	-3,76	0,803935	-4,6826	2,83E-06	5,38E-04
HIGD1A	532,95	1,83	0,392188	4,6772	2,91E-06	5,43E-04
LAMB2	51,46	8,32	1,780727	4,67437	2,95E-06	5,43E-04
ADTRP	19,70	-5,50	1,175918	-4,67436	2,95E-06	5,43E-04
ABCC11	39,63	6,07	1,299638	4,670849	3,00E-06	5,44E-04
NKTR	2483,08	1,06	0,227199	4,670023	3,01E-06	5,44E-04
PPP1CB	5928,75	1,27	0,273971	4,642307	3,45E-06	6,16E-04
AFF3	544,96	2,07	0,44634	4,630877	3,64E-06	6,45E-04
BCL11A	1266,36	1,55	0,336192	4,621836	3,80E-06	6,68E-04
TET2	2195,24	2,08	0,451834	4,611953	3,99E-06	6,94E-04
AC005517.3	19,28	3,39	0,73904	4,589171	4,45E-06	7,67E-04
RNA5SP151	33,43	7,12	1,552571	4,585797	4,52E-06	7,67E-04
SNORA73B	9,60	-4,98	1,085873	-4,58518	4,54E-06	7,67E-04
PMS2L3	33,97	7,02	1,535452	4,572257	4,82E-06	8,09E-04
CREM	560,34	3,05	0,670785	4,550353	5,36E-06	8,90E-04
C14orf145	139,74	3,19	0,701059	4,544804	5,50E-06	9,05E-04
CST3	34800,61	0,93	0,204494	4,527612	5,97E-06	9,74E-04
DISP2	69,24	-3,52	0,779244	-4,52201	6,13E-06	9,91E-04
CXCL16	663,09	2,46	0,546112	4,507079	6,57E-06	0,0010542
RP11-169F17.1	48,46	-3,36	0,747835	-4,49302	7,02E-06	0,0011166
MFAP3L	15,62	-7,11	1,583246	-4,49023	7,11E-06	0,0011207
RP11-573M3.2	12,35	-5,56	1,238311	-4,48864	7,17E-06	0,0011207
CD1D	1087,90	1,23	0,27507	4,471137	7,78E-06	0,0011987
IDH2	944,09	1,45	0,323523	4,470708	7,80E-06	0,0011987
ERN2	39,67	-4,25	0,950387	-4,46751	7,91E-06	0,0012068
HLA-DQB1	11801,38	1,17	0,261594	4,456292	8,34E-06	0,0012614
CEACAM19	40,60	-3,46	0,7767	-4,45172	8,52E-06	0,0012781
RP11-725C19.1	59,94	-4,84	1,088432	-4,44768	8,68E-06	0,001292
AHNAK2	28,56	7,21	1,622291	4,445694	8,76E-06	0,0012936
SIGLEC11	30,12	-3,39	0,766383	-4,42914	9,46E-06	0,0013802
MYOM2	44,69	8,12	1,834245	4,427699	9,52E-06	0,0013802
DUSP2	2088,67	2,41	0,545504	4,426116	9,59E-06	0,0013802
CH17-373J23.1	320,71	-1,35	0,304863	-4,425	9,64E-06	0,0013802
PGGT1B	733,84	2,49	0,564088	4,42073	9,84E-06	0,001397
PDLIM3	12,75	-3,40	0,773842	-4,39283	1,12E-05	0,0015719
TBC1D3L	67,74	4,94	1,123971	4,391892	1,12E-05	0,0015719
ACSS3	7,20	-4,27	0,973386	-4,38887	1,14E-05	0,001582
ACTG1	18557,26	0,71	0,162799	4,371612	1,23E-05	0,0016997
ERG	24,13	-7,05	1,612856	-4,36941	1,25E-05	0,0017043
CSF2RA	1462,77	1,10	0,252565	4,347182	1,38E-05	0,0018727
SMIM12	722,42	2,39	0,55049	4,33849	1,43E-05	0,0019342
RGS1	2591,10	2,19	0,504664	4,334466	1,46E-05	0,0019557
BAIAP2	323,11	2,53	0,585328	4,330509	1,49E-05	0,001977
MPIG6B	28,87	-4,21	0,971879	-4,32744	1,51E-05	0,0019905
SLC25A39	799,56	2,02	0,466358	4,324477	1,53E-05	0,0020032
ATP8B2	106,13	-3,78	0,875813	-4,31451	1,60E-05	0,0020811
RP11-760H22.2	24,11	4,78	1,108929	4,310136	1,63E-05	0,002108
DST	1214,67	1,42	0,33038	4,306994	1,65E-05	0,0021234
ZNF37B	345,26	-2,77	0,643651	-4,30124	1,70E-05	0,0021642
PCOLCE	44,25	6,03	1,402036	4,299743	1,71E-05	0,0021642

SCML4	47,95	-4,86	1,132836	-4,29331	1,76E-05	0,0022128
HLA-DQA1	7112,69	1,69	0,39465	4,289908	1,79E-05	0,0022319
GABRA3	39,20	-5,51	1,285513	-4,28433	1,83E-05	0,0022661
GGTA1P	173,49	3,58	0,836053	4,28357	1,84E-05	0,0022661
KYNU	1190,41	2,13	0,498469	4,277757	1,89E-05	0,0023108
RP11-106M3.3	55,45	5,28	1,237848	4,268268	1,97E-05	0,0023955
LAMC2	31,20	-5,22	1,225287	-4,26236	2,02E-05	0,0024438
AF011889.2	28,49	4,88	1,146745	4,253481	2,10E-05	0,0025225
CSMD1	35,27	-4,86	1,142721	-4,25238	2,12E-05	0,0025225
CNR2	28,07	-1,95	0,459479	-4,24949	2,14E-05	0,0025391
RIC3	36,25	-4,35	1,024302	-4,24612	2,18E-05	0,0025612
SYTL2	81,94	-5,20	1,226585	-4,2433	2,20E-05	0,002572
SH2B3	2011,54	1,64	0,386971	4,242309	2,21E-05	0,002572
VPS33A	253,75	2,17	0,511658	4,240953	2,23E-05	0,002572
RP11-327P2.5	20,99	5,75	1,357569	4,232391	2,31E-05	0,0026288
CTD-2647L4.4	33,16	7,66	1,811189	4,231689	2,32E-05	0,0026288
MTHFD1L	109,43	4,74	1,120086	4,230745	2,33E-05	0,0026288
CHRM3	14,49	-8,18	1,93364	-4,22936	2,34E-05	0,0026288
NR1D1	33,98	7,14	1,688812	4,229174	2,35E-05	0,0026288
HDHD2	143,37	3,61	0,853917	4,225241	2,39E-05	0,0026591
RFC2	200,45	2,61	0,619217	4,216585	2,48E-05	0,0027434
ATG2B	249,66	3,07	0,728059	4,215526	2,49E-05	0,0027434
PARVG	2287,19	0,90	0,214391	4,209063	2,56E-05	0,0027969
VDAC2	1337,36	1,05	0,248584	4,208353	2,57E-05	0,0027969
HLA-DOA	889,52	1,67	0,397031	4,207184	2,59E-05	0,0027969
UBE2N	803,01	1,94	0,462636	4,204016	2,62E-05	0,00282
TRDC	40,20	-6,25	1,487848	-4,20091	2,66E-05	0,0028312
CD1B	84,50	5,83	1,386901	4,200517	2,66E-05	0,0028312
WDR70	293,78	-1,56	0,37064	-4,19824	2,69E-05	0,0028435
RP11-1186N24.5	19,85	6,30	1,503101	4,191713	2,77E-05	0,0029101
ARHGAP28	180,22	-2,28	0,544522	-4,18219	2,89E-05	0,0030111
CD96	95,81	-4,77	1,141242	-4,18142	2,90E-05	0,0030111
CD1E	393,31	2,93	0,700667	4,177962	2,94E-05	0,0030402
ELOB	862,70	-1,08	0,257606	-4,17595	2,97E-05	0,0030502
NHLRC1	8,69	-4,43	1,063087	-4,1688	3,06E-05	0,0031243
SMYD5	230,91	-4,79	1,149047	-4,16798	3,07E-05	0,0031243
RP11-89M16.1	47,31	-3,67	0,881797	-4,1657	3,10E-05	0,0031386
AC104809.4	18,86	-7,30	1,753702	-4,16158	3,16E-05	0,0031764
PATL2	382,00	-3,30	0,79446	-4,15957	3,19E-05	0,0031764
KRTAP9-6	6,83	-6,49	1,561021	-4,15847	3,20E-05	0,0031764
RP11-268J15.5	39,28	3,10	0,745913	4,158055	3,21E-05	0,0031764
RP11-44I10.3	49,72	5,96	1,437396	4,149647	3,33E-05	0,0032641
CTD-2196E14.8	17,20	-3,00	0,72279	-4,1494	3,33E-05	0,0032641
GMFG	2111,35	-0,59	0,142231	-4,14646	3,38E-05	0,003289
PAQR5	19,28	-2,67	0,645213	-4,14362	3,42E-05	0,0033127
AKAP2	348,67	2,88	0,695973	4,141029	3,46E-05	0,003333
SLC9A7	854,41	2,54	0,614802	4,12889	3,65E-05	0,0034958
C14orf2	972,83	-0,78	0,18893	-4,11017	3,95E-05	0,003741
KIAA1671	18,87	-2,95	0,718563	-4,10949	3,97E-05	0,003741
PTGES3	1535,10	1,14	0,276901	4,109069	3,97E-05	0,003741

MTFMT	260,79	2,63	0,639217	4,108562	3,98E-05	0,003741
RP4-726N20.2	29,62	-3,94	0,961127	-4,10289	4,08E-05	0,0038147
MORF4L2	474,09	2,23	0,544506	4,098181	4,16E-05	0,0038736
RP11-627K11.1	4,88	-3,23	0,788166	-4,09384	4,24E-05	0,0039229
MUC4	9,75	-5,94	1,450706	-4,09295	4,26E-05	0,0039229
MAST2	227,16	-3,05	0,747469	-4,08149	4,47E-05	0,0041012
TRUB2	385,95	2,85	0,6986	4,079277	4,52E-05	0,0041201
SIM2	59,06	-3,39	0,832063	-4,07681	4,57E-05	0,0041436
SLC25A6	4498,21	0,86	0,210761	4,074906	4,60E-05	0,0041575
TAX1BP1	1278,57	0,95	0,234137	4,072843	4,64E-05	0,0041742
DNAH9	55,52	-6,32	1,554048	-4,06532	4,80E-05	0,0042905
OTUD7B	40,14	-2,89	0,710678	-4,06051	4,90E-05	0,0043589
PNPLA1	8,08	-4,66	1,149172	-4,05366	5,04E-05	0,0044671
ATG16L2	1469,45	-1,11	0,274769	-4,04738	5,18E-05	0,0045633
PRIM1	89,98	4,85	1,198984	4,046462	5,20E-05	0,0045633
SDHD	1367,17	1,60	0,395062	4,041882	5,30E-05	0,0046315
ADORA2A-AS1	20,31	-2,87	0,709965	-4,03886	5,37E-05	0,0046696
SLITRK5	42,96	-2,81	0,695414	-4,03651	5,43E-05	0,0046948
C15orf41	148,32	-4,35	1,077853	-4,03133	5,55E-05	0,0047773
SLAMF8	194,81	3,62	0,899155	4,02762	5,63E-05	0,0048308
GRIP1	171,22	4,35	1,082978	4,015052	5,94E-05	0,0050405
MCMDC2	7,91	-3,87	0,963012	-4,01454	5,96E-05	0,0050405
RAVER2	116,21	3,69	0,919918	4,01438	5,96E-05	0,0050405
RP11-96P7.1	7,21	-6,44	1,605263	-4,01155	6,03E-05	0,0050781
GPM6A	115,96	-2,48	0,619843	-3,99392	6,50E-05	0,0054287
KCNH6	22,18	-4,78	1,196237	-3,99346	6,51E-05	0,0054287
MRVI1	11,54	-5,24	1,313271	-3,99257	6,54E-05	0,0054287
CHD7	248,93	-2,31	0,577573	-3,99095	6,58E-05	0,0054417
GAS2	17,69	-7,75	1,943838	-3,98932	6,63E-05	0,005455
NR4A3	1456,62	2,55	0,639185	3,986436	6,71E-05	0,0054973
CKB	28,56	6,81	1,710523	3,983999	6,78E-05	0,0055297
MYL4	11,70	-7,90	1,985967	-3,97754	6,96E-05	0,005624
PNPT1	300,25	2,51	0,631983	3,977225	6,97E-05	0,005624
TSPYL5	74,23	5,82	1,462609	3,976872	6,98E-05	0,005624
AF011889.4	86,79	3,87	0,973823	3,974736	7,05E-05	0,0056502
CLEC4A	1555,02	1,36	0,342132	3,969002	7,22E-05	0,0057631
GRID1	17,40	-4,13	1,042015	-3,9677	7,26E-05	0,00577
AC079630.2	58,37	-4,34	1,093564	-3,96512	7,34E-05	0,005808
PPP1R13B	58,65	-3,11	0,784191	-3,96367	7,38E-05	0,005812
RP1-14N1.2	121,52	-2,18	0,551079	-3,96293	7,40E-05	0,005812
ANKRD30B	17,44	-4,42	1,116731	-3,95401	7,69E-05	0,0060077
NR5A2	26,35	-2,15	0,544774	-3,94976	7,82E-05	0,006077
FAM168B	335,27	2,89	0,731904	3,947914	7,88E-05	0,006077
AC128677.1	14,48	-10,56	2,674436	-3,9477	7,89E-05	0,006077
MYO1D	25,80	6,14	1,554783	3,947276	7,90E-05	0,006077
CFL1	9952,73	0,83	0,211065	3,942927	8,05E-05	0,0061629
STAB1	538,50	-2,10	0,532074	-3,93793	8,22E-05	0,0062322
GPAT3	1206,22	1,72	0,43696	3,937561	8,23E-05	0,0062322
CTTNBP2	90,02	6,40	1,626182	3,9373	8,24E-05	0,0062322
RP1-257A7.5	265,24	2,59	0,658064	3,934387	8,34E-05	0,0062827

INO80	309,98	2,43	0,617488	3,933404	8,38E-05	0,006283
DUSP4	26,79	5,21	1,32481	3,929891	8,50E-05	0,0063499
ALDOA	9131,66	-0,53	0,134318	-3,92724	8,59E-05	0,0063945
LYPD3	88,35	4,71	1,199173	3,925153	8,67E-05	0,0064125
CYC1	2459,20	0,98	0,250928	3,92465	8,69E-05	0,0064125
C1orf27	336,19	2,71	0,690005	3,922172	8,78E-05	0,0064532
PARVB	290,78	2,48	0,632889	3,91879	8,90E-05	0,0064777
DUT	656,24	1,43	0,365871	3,917316	8,95E-05	0,0064777
PTCHD4	23,29	-2,63	0,670872	-3,91597	9,00E-05	0,0064777
ATP1B4	7,14	-3,39	0,865188	-3,91551	9,02E-05	0,0064777
ATE1	196,76	2,01	0,512578	3,915486	9,02E-05	0,0064777
NBR2	26,67	5,22	1,333733	3,915064	9,04E-05	0,0064777
GRIN2B	20,27	-4,17	1,066468	-3,91468	9,05E-05	0,0064777
TMTC1	55,08	-4,61	1,179769	-3,91016	9,22E-05	0,0065749
MANBA	1146,56	1,17	0,299446	3,908798	9,28E-05	0,0065868
CD24	13,61	-5,04	1,289084	-3,90749	9,33E-05	0,0065973
CAMK2B	29,86	-1,98	0,507374	-3,90657	9,36E-05	0,0065973
PKHD1L1	61,48	-7,79	1,994945	-3,90507	9,42E-05	0,0066133
PPIF	1655,60	1,98	0,50797	3,901815	9,55E-05	0,0066778
WDR60	249,55	-2,49	0,639209	-3,89651	9,76E-05	0,0068
GYP A	22,20	-3,08	0,792236	-3,89355	9,88E-05	0,0068581
COMMD3-BMI1	25,84	3,95	1,015961	3,891945	9,94E-05	0,0068779
TIMM23	269,08	2,70	0,694071	3,889516	1,00E-04	0,0069214
DMC1	13,32	-3,19	0,822699	-3,8835	1,03E-04	0,0070687
GIPR	121,16	2,98	0,767126	3,882388	1,03E-04	0,0070693
MARCKS	1226,04	-1,22	0,315564	-3,88102	1,04E-04	0,0070693
AP000254.8	37,33	6,18	1,59333	3,880806	1,04E-04	0,0070693
RP11-541F9.2	73,07	2,63	0,678522	3,869436	1,09E-04	0,0073802
SNORD63	35,65	2,67	0,689775	3,868155	1,10E-04	0,0073923
MEX3B	25,21	5,57	1,441524	3,866943	1,10E-04	0,0074023
CA2	203,08	3,78	0,977493	3,86596	1,11E-04	0,0074054
TCIRG1	3444,02	-0,95	0,24672	-3,86353	1,12E-04	0,0074488
C2CD2	266,08	2,46	0,637632	3,862551	1,12E-04	0,0074488
NTRK3	40,98	-3,25	0,84108	-3,86187	1,13E-04	0,0074488
MTMR1	236,28	-2,60	0,672989	-3,86041	1,13E-04	0,0074488
NPLOC4	751,26	-1,52	0,393974	-3,85973	1,14E-04	0,0074488
MR1	385,77	2,15	0,557666	3,85896	1,14E-04	0,0074488
IGLV3-19	14,34	-8,18	2,121295	-3,85846	1,14E-04	0,0074488
MIF4GD	586,50	2,69	0,69667	3,857515	1,15E-04	0,0074515
HK3	490,93	-2,06	0,533769	-3,85433	1,16E-04	0,0075229
GHET1	110,16	-2,39	0,620655	-3,84895	1,19E-04	0,0076575
RP13-262C2.4	45,74	-4,71	1,224412	-3,84829	1,19E-04	0,0076575
IL18R1	180,35	3,27	0,850273	3,843534	1,21E-04	0,0077677
BACH2	247,20	3,56	0,925892	3,843092	1,21E-04	0,0077677
AC015971.2	61,39	4,35	1,13091	3,842049	1,22E-04	0,007774
AC079448.1	13,88	-10,28	2,677448	-3,83818	1,24E-04	0,0078707
MT-TL1	27,88	-1,75	0,455539	-3,83283	1,27E-04	0,0079985
MKI67	132,91	4,69	1,222579	3,832547	1,27E-04	0,0079985
PTPMT1	498,00	2,35	0,613405	3,826997	1,30E-04	0,0081533
HIST1H4H	34,41	-5,07	1,325966	-3,82474	1,31E-04	0,0082007

RGPD2	180,33	5,16	1,349719	3,823176	1,32E-04	0,0082252
PRTG	9,38	-8,44	2,212734	-3,81535	1,36E-04	0,0084618
RP11-345P4.9	77,01	3,64	0,957017	3,802244	1,43E-04	0,0088927
TUBA1B	7515,59	1,18	0,310874	3,790929	1,50E-04	0,0092479
NKG7	740,39	-2,30	0,60675	-3,79088	1,50E-04	0,0092479
NEK7	319,35	2,35	0,621628	3,785845	1,53E-04	0,0094061
ABCB9	43,55	-1,65	0,435392	-3,7833	1,55E-04	0,0094253
RBM39	4780,97	0,64	0,169186	3,782943	1,55E-04	0,0094253
RP11-389C8.2	38,06	4,32	1,142448	3,782886	1,55E-04	0,0094253
GNAS	3449,24	0,72	0,190065	3,781656	1,56E-04	0,0094412
PTP4A2	5456,21	0,95	0,251137	3,773128	1,61E-04	0,0097382
TTC16	35,07	-2,46	0,652852	-3,76451	1,67E-04	0,0100478
RP11-300M24.1	43,60	-2,78	0,739073	-3,762	1,69E-04	0,0101041
SARM1	91,88	-3,37	0,897059	-3,76134	1,69E-04	0,0101041
HCST	932,90	-1,21	0,321036	-3,76069	1,69E-04	0,0101041
RP11-141M3.6	26,76	-4,38	1,165849	-3,75655	1,72E-04	0,0102086
RP11-513G11.1	15,89	-2,93	0,780012	-3,75602	1,73E-04	0,0102086
HRK	19,94	-4,85	1,292352	-3,75572	1,73E-04	0,0102086
PPA1	2026,29	0,92	0,244322	3,750607	1,76E-04	0,0103368
IKZF2	42,58	-5,62	1,499536	-3,75028	1,77E-04	0,0103368
DAPK2	42,56	-2,57	0,684092	-3,75012	1,77E-04	0,0103368
GABRB1	11,79	-9,20	2,452853	-3,74944	1,77E-04	0,0103368
AGTRAP	1917,41	-1,21	0,322456	-3,74596	1,80E-04	0,0104483
LRRIQ1	3,07	-4,39	1,171569	-3,74366	1,81E-04	NA
HKDC1	6,85	-7,47	1,994856	-3,74251	1,82E-04	0,0105598
BTBD10	318,59	2,57	0,687744	3,741098	1,83E-04	0,0105706
GCNT4	6,90	-3,25	0,867709	-3,74069	1,84E-04	0,0105706
ARV1	90,90	3,25	0,86976	3,738263	1,85E-04	0,0106121
LYPD2	12,26	-8,26	2,21062	-3,73808	1,85E-04	0,0106121
PSMD3	188,61	2,00	0,534571	3,737381	1,86E-04	0,0106121
YPEL5	2528,82	0,95	0,254961	3,736426	1,87E-04	0,0106199
AKAP1	243,88	2,95	0,790336	3,732101	1,90E-04	0,010771
SGK1	3384,53	1,07	0,286936	3,719912	1,99E-04	0,01127
USP38	305,73	2,15	0,578538	3,71736	2,01E-04	0,0113499
ZNF366	143,65	3,09	0,831559	3,715872	2,03E-04	0,0113825
FAHD2CP	23,41	5,17	1,393147	3,713788	2,04E-04	0,0114421
KLRD1	614,63	-3,14	0,846185	-3,71168	2,06E-04	0,0114948
HS3ST1	42,32	-2,62	0,705663	-3,71111	2,06E-04	0,0114948
NGEF	10,21	-7,88	2,12326	-3,70902	2,08E-04	0,0115272
TXNL4B	98,71	3,56	0,961234	3,708533	2,08E-04	0,0115272
RP1-217P22.2	8,46	-3,04	0,819303	-3,70707	2,10E-04	0,0115272
RCN2	387,70	2,25	0,605849	3,706638	2,10E-04	0,0115272
CHML	420,57	2,30	0,620413	3,706629	2,10E-04	0,0115272
ANO6	484,81	-1,54	0,416067	-3,70459	2,12E-04	0,0115695
LRRFIP1	5447,07	0,77	0,208959	3,704209	2,12E-04	0,0115695
PARM1	131,77	3,45	0,932736	3,70028	2,15E-04	0,0117088
GPRC5A	95,70	-3,14	0,84977	-3,69954	2,16E-04	0,0117088
MT-ND2	36625,65	-1,09	0,294708	-3,69786	2,17E-04	0,0117088
C15orf48	44,24	4,89	1,321225	3,697839	2,17E-04	0,0117088
CCL5	344,04	-2,52	0,681718	-3,69748	2,18E-04	0,0117088

SNRNP40	245,70	2,08	0,562345	3,693839	2,21E-04	0,0118436
IKZF3	93,69	-1,94	0,526617	-3,69235	2,22E-04	0,0118789
PRCP	2308,05	1,06	0,287804	3,686615	2,27E-04	0,0121149
ZNF551	211,47	3,71	1,006095	3,685073	2,29E-04	0,0121356
C12orf75	123,14	2,74	0,742852	3,684726	2,29E-04	0,0121356
FAM120AOS	236,69	2,04	0,553625	3,683472	2,30E-04	0,0121608
PITHD1	255,59	2,14	0,581755	3,681898	2,32E-04	0,0122015
NHEJ1	87,69	4,46	1,212832	3,678759	2,34E-04	0,0122202
CTD-2541M15.1	20,32	-6,75	1,833671	-3,67848	2,35E-04	0,0122202
EDEM1	949,22	1,68	0,457045	3,678257	2,35E-04	0,0122202
RB1	724,00	1,45	0,393099	3,677825	2,35E-04	0,0122202
SH3BP2	1762,87	-1,11	0,302375	-3,67686	2,36E-04	0,0122202
ZBTB16	185,26	-3,84	1,043989	-3,67664	2,36E-04	0,0122202
RP5-1022P6.3	41,64	6,87	1,869916	3,676499	2,36E-04	0,0122202
ULK4P3	25,65	5,10	1,388565	3,675005	2,38E-04	0,0122453
CD300C	655,14	1,72	0,467906	3,674562	2,38E-04	0,0122453
KLHL22	76,80	3,52	0,959454	3,672525	2,40E-04	0,012304
THBD	130,51	3,79	1,032373	3,671568	2,41E-04	0,012304
SOCS2	29,80	-1,34	0,365776	-3,67123	2,41E-04	0,012304
ABHD18	189,22	2,65	0,723599	3,667836	2,45E-04	0,0124344
C6orf136	55,14	3,15	0,85984	3,665683	2,47E-04	0,0125053
ATP2B1	4963,53	1,04	0,283652	3,663897	2,48E-04	0,0125587
C1orf106	31,88	-2,08	0,567569	-3,66296	2,49E-04	0,0125707
RP11-567L7.3	5,86	-5,24	1,430491	-3,66048	2,52E-04	0,0126585
IL13RA1	2516,14	0,95	0,260895	3,656593	2,56E-04	0,0128174
PDP1	358,21	2,03	0,554288	3,655803	2,56E-04	0,0128224
RP11-685M7.3	16,36	-2,80	0,766489	-3,65126	2,61E-04	0,0130164
CCP110	198,11	-2,23	0,611909	-3,64794	2,64E-04	0,0131503
SLC25A5	4176,08	1,10	0,302381	3,646696	2,66E-04	0,013179
ZEB2	5485,36	-1,03	0,281714	-3,64278	2,70E-04	0,0133163
TRMT10A	57,27	4,24	1,162757	3,642662	2,70E-04	0,0133163
RNU6-522P	21,13	6,46	1,776379	3,636611	2,76E-04	0,0135969
XIAP	461,90	2,31	0,637625	3,628578	2,85E-04	0,0139899
MEF2C	1424,14	0,98	0,271086	3,62488	2,89E-04	0,014118
ATP6V0A2	322,47	-2,13	0,586766	-3,62486	2,89E-04	0,014118
HPGD	23,21	6,05	1,669927	3,621268	2,93E-04	0,0142783
CTB-161M19.4	9,52	-2,47	0,682239	-3,61949	2,95E-04	0,0143394
PER3	34,22	-5,00	1,381059	-3,61857	2,96E-04	0,0143528
RP3-403L10.3	17,44	6,75	1,867097	3,614559	3,01E-04	0,0145389
RP11-715J22.6	65,03	-1,54	0,42502	-3,61302	3,03E-04	0,0145878
PRR16	6,39	-5,79	1,603432	-3,60935	3,07E-04	0,0147572
HLA-DPB2	94,27	3,53	0,978462	3,60857	3,08E-04	0,0147636
UBQLN1	575,43	2,01	0,556396	3,607273	3,09E-04	0,0147994
PTP4A1	813,27	1,46	0,405556	3,604126	3,13E-04	0,0149415
EPC1	890,53	1,16	0,321348	3,598861	3,20E-04	0,0152082
INTU	859,37	-1,80	0,500721	-3,59604	3,23E-04	0,0153347
UPRT	143,91	3,40	0,944937	3,59449	3,25E-04	0,0153808
IL1B	3415,29	1,69	0,469091	3,593936	3,26E-04	0,0153808
FLT3	1032,92	1,44	0,4004	3,591766	3,28E-04	0,0154701
ADNP	822,01	1,99	0,55303	3,590686	3,30E-04	0,0154952

RPUSD4	224,54	-2,10	0,58533	-3,58502	3,37E-04	0,0157313
SYNPO2	48,83	-4,05	1,130362	-3,58487	3,37E-04	0,0157313
DCAF6	371,44	1,51	0,421471	3,584149	3,38E-04	0,0157313
LAPTM4A	1157,45	1,33	0,37126	3,583156	3,39E-04	0,0157313
PFDN5	5300,96	-0,53	0,14928	-3,58309	3,40E-04	0,0157313
BNC2	9,58	-3,12	0,870881	-3,5823	3,41E-04	0,0157313
ZDHHC17	404,84	2,17	0,604942	3,58217	3,41E-04	0,0157313
FOS	36399,54	0,64	0,17921	3,577619	3,47E-04	0,015968
RASSF3	649,27	-1,07	0,29909	-3,57596	3,49E-04	0,0160096
CHST12	418,57	2,35	0,657868	3,575647	3,49E-04	0,0160096
DHDDS	152,83	-1,94	0,542465	-3,57211	3,54E-04	0,0161878
RP11-736N17.2	6,71	-3,14	0,878323	-3,57003	3,57E-04	0,0162376
SUPT20H	369,28	1,69	0,472814	3,570019	3,57E-04	0,0162376
LILRB1	334,57	-1,89	0,528456	-3,56803	3,60E-04	0,0163212
TOB1	1783,41	1,08	0,30375	3,564037	3,65E-04	0,0165315
AC055740.2	4,50	-3,26	0,915291	-3,55731	3,75E-04	0,01688
RP11-16L21.8	9,64	-2,77	0,780057	-3,55729	3,75E-04	0,01688
CYB561A3	339,74	1,87	0,526768	3,556299	3,76E-04	0,0169002
TRIM69	225,45	2,19	0,616305	3,555695	3,77E-04	0,0169002
RP11-140K17.3	10,20	5,26	1,47986	3,554992	3,78E-04	0,0169002
PHACTR1	1801,39	1,34	0,376974	3,553857	3,80E-04	0,0169002
GFOD2	92,19	-2,06	0,578495	-3,55381	3,80E-04	0,0169002
TMEM144	230,44	-3,12	0,877383	-3,55248	3,82E-04	0,0169453
RP11-118G23.3	53,29	-3,07	0,865684	-3,54781	3,88E-04	0,0172074
RP11-439A17.9	9,04	-8,76	2,469692	-3,54667	3,90E-04	0,0172408
ITIH6	9,76	-7,10	2,003702	-3,54453	3,93E-04	0,0173402
RNF145	316,09	2,17	0,611971	3,541411	3,98E-04	0,0175051
IMPAD1	294,63	2,09	0,590933	3,538256	4,03E-04	0,0176738
GNLY	455,75	-3,85	1,091269	-3,53211	4,12E-04	0,0180475
RP11-813C7.1	6,48	-7,05	1,998007	-3,53051	4,15E-04	0,0181144
ANKH	433,52	2,34	0,663084	3,52962	4,16E-04	0,0181325
AC009196.1	21,23	5,90	1,672932	3,52872	4,18E-04	0,0181518
GEMIN5	86,03	4,03	1,143554	3,528013	4,19E-04	0,0181579
SEMA7A	13,76	5,72	1,622862	3,526215	4,22E-04	0,018204
CTD-2509G16.2	24,10	-3,42	0,969136	-3,52568	4,22E-04	0,018204
DECR1	1491,99	0,93	0,264414	3,525497	4,23E-04	0,018204
AP001066.10	10,72	-8,71	2,472824	-3,52328	4,26E-04	0,0183142
RP11-440I14.4	15,84	-7,45	2,115915	-3,52103	4,30E-04	0,0184281
FAHD2B	19,11	6,46	1,835838	3,519966	4,32E-04	0,0184451
PTPRC	7527,85	0,72	0,203233	3,519566	4,32E-04	0,0184451
PARD3B	18,68	-7,44	2,11549	-3,517	4,36E-04	0,0185083
GPR109B	39,75	7,95	2,259715	3,516873	4,37E-04	0,0185083
CCT5	1299,13	1,27	0,361877	3,516839	4,37E-04	0,0185083
RP11-481C4.1	13,13	5,77	1,64037	3,515598	4,39E-04	0,0185505
CTA-331P3.1	9,43	-4,13	1,17372	-3,51503	4,40E-04	0,0185505
PLEKHG5	17,25	-2,88	0,820097	-3,51236	4,44E-04	0,0186552
NONO	1501,20	1,03	0,294051	3,51233	4,44E-04	0,0186552
TPGS2	335,58	2,28	0,649603	3,511236	4,46E-04	0,01869
COLCA1	26,71	-1,91	0,543809	-3,50942	4,49E-04	0,0187755
TUBA1A	6672,78	0,79	0,224919	3,497813	4,69E-04	0,0195582

RORA	88,76	-3,00	0,857973	-3,49689	4,71E-04	0,0195582
ADARB2	6,90	-3,61	1,031334	-3,49676	4,71E-04	0,0195582
TMEM258	487,72	-0,92	0,262639	-3,49409	4,76E-04	0,0197107
FAM159A	33,87	-2,32	0,663769	-3,4923	4,79E-04	0,0197989
CD63	2169,90	-0,60	0,172602	-3,48917	4,85E-04	0,019949
VDAC1	1206,16	1,04	0,298971	3,489099	4,85E-04	0,019949
RP11-17L5.4	12,64	-8,15	2,337372	-3,48818	4,86E-04	0,0199737
SAMD12	33,23	-3,91	1,121895	-3,48666	4,89E-04	0,0199948
LILRB4	524,25	1,77	0,507368	3,486251	4,90E-04	0,0199948
RBBP4	1198,80	1,84	0,52792	3,48613	4,90E-04	0,0199948
BUB1B	53,58	-6,08	1,745943	-3,48468	4,93E-04	0,0200303
GTF2H4	38,70	4,54	1,30367	3,484484	4,93E-04	0,0200303
RP11-380P13.1	2,92	-5,19	1,489772	-3,48267	4,96E-04	NA
CH507-42P11.8	691,61	1,84	0,529342	3,475835	5,09E-04	0,0206407
RP11-372E1.6	14,93	-2,05	0,589262	-3,47527	5,10E-04	0,0206407
SMAD9	22,62	-2,92	0,83921	-3,47465	5,12E-04	0,0206441
KIT	19,01	5,76	1,659811	3,471811	5,17E-04	0,0208183
PCSK1	11,63	-7,10	2,046261	-3,47001	5,20E-04	0,0208925
KCNN1	29,07	-4,53	1,306882	-3,4697	5,21E-04	0,0208925
SAMD10	26,05	6,73	1,942005	3,46648	5,27E-04	0,0210985
LAYN	130,13	3,15	0,908205	3,465849	5,29E-04	0,0211027
CTD-2621I17.6	13,87	4,64	1,338981	3,465123	5,30E-04	0,0211145
COL6A5	10,32	-8,07	2,328572	-3,46412	5,32E-04	0,0211243
CTA-398F10.2	21,28	-2,21	0,637327	-3,46385	5,33E-04	0,0211243
CDON	22,46	-3,05	0,880179	-3,46147	5,37E-04	0,0212662
EGR3	391,64	3,05	0,883092	3,454178	5,52E-04	0,0218035
CTC-347C20.2	3,29	-3,30	0,954755	-3,4536	5,53E-04	NA
S100A6	6249,80	-0,79	0,229426	-3,44963	5,61E-04	0,02207
MT-TV	11,48	-2,20	0,63693	-3,44937	5,62E-04	0,02207
RP3-499B10.3	12,27	-1,37	0,396739	-3,44881	5,63E-04	0,02207
CIITA	3679,93	1,10	0,318823	3,448617	5,63E-04	0,02207
TPH1	45,07	4,21	1,222711	3,445084	5,71E-04	0,0223119
PHAX	285,90	2,24	0,651169	3,444537	5,72E-04	0,0223119
GADL1	98,28	-1,43	0,416022	-3,44336	5,75E-04	0,0223624
RP11-397G17.1	8,59	-7,44	2,162937	-3,44199	5,77E-04	0,0224286
KDM7A	1140,58	1,45	0,421657	3,439815	5,82E-04	0,0225629
CYB5R4	918,63	1,70	0,492923	3,439107	5,84E-04	0,022575
CFD	903,76	-2,23	0,647647	-3,4366	5,89E-04	0,0227185
C22orf27	85,00	-3,06	0,889559	-3,43627	5,90E-04	0,0227185
ADGRG5	52,65	4,85	1,41358	3,431862	5,99E-04	0,023043
PON2	785,36	1,45	0,424268	3,427758	6,09E-04	0,0233084
RP11-731C17.2	29,11	-4,06	1,185127	-3,42764	6,09E-04	0,0233084
HTN1	76,99	-2,15	0,629623	-3,42154	6,23E-04	0,0237886
FAM114A2	98,62	3,34	0,975563	3,418709	6,29E-04	0,0239878
TMEM212	136,98	-1,26	0,36767	-3,41448	6,39E-04	0,0243135
ERCC8	158,08	2,78	0,816153	3,410873	6,48E-04	0,0245872
ADCK4	151,37	-2,80	0,821132	-3,40599	6,59E-04	0,0249696
PCLO	4,65	-5,32	1,561357	-3,40555	6,60E-04	0,0249696
ZNF326	301,37	1,38	0,404729	3,404213	6,64E-04	0,0250413
NEK11	15,23	5,21	1,529977	3,403022	6,66E-04	0,0250998

MUL1	225,19	3,01	0,883547	3,401543	6,70E-04	0,025185
RP11-138J23.1	2,31	-4,41	1,297405	-3,40103	6,71E-04	NA
CCDC150	9,45	-2,30	0,676436	-3,397	6,81E-04	0,0255407
CCDC64	21,93	-2,69	0,791991	-3,3966	6,82E-04	0,0255407
CH507-9B2.1	35,25	7,85	2,312482	3,39338	6,90E-04	0,0257914
WDR75	356,53	2,15	0,633834	3,3927	6,92E-04	0,0258037
NIPBL	1698,04	1,23	0,362191	3,391565	6,95E-04	0,0258383
TBC1D9B	642,06	1,66	0,48841	3,391236	6,96E-04	0,0258383
LINC01272	91,34	-2,34	0,690995	-3,39068	6,97E-04	0,0258391
SCTR	15,30	-4,04	1,191609	-3,38849	7,03E-04	0,0259948
VAPA	1880,71	1,29	0,381753	3,387142	7,06E-04	0,0260709
CCDC152	71,48	-4,02	1,188686	-3,38056	7,23E-04	0,0266505
RAB5A	313,08	1,73	0,511798	3,379291	7,27E-04	0,0267209
Z95704.4	7,03	-6,86	2,030547	-3,37772	7,31E-04	0,0268011
MT-TM	25,55	-1,86	0,549433	-3,37695	7,33E-04	0,0268011
KCNE1B	14,93	-8,89	2,632247	-3,37684	7,33E-04	0,0268011
RAB7A	1978,52	0,71	0,209895	3,376051	7,35E-04	0,0268256
PURG	11,59	-9,16	2,715027	-3,37519	7,38E-04	0,0268569
CXCR4	5953,57	1,39	0,410924	3,373794	7,41E-04	0,026936
AC020743.2	10,95	-1,75	0,518752	-3,37331	7,43E-04	0,026936
NYAP2	10,50	-2,50	0,740895	-3,37139	7,48E-04	0,0270222
RP11-667K14.3	26,47	6,19	1,836871	3,371355	7,48E-04	0,0270222
GEM	31,48	5,70	1,689978	3,369898	7,52E-04	0,0270876
YWHAZ	6013,00	0,57	0,169707	3,369621	7,53E-04	0,0270876
ICAM2	1074,42	-1,35	0,40175	-3,36706	7,60E-04	0,0272881
TTN	500,25	-2,65	0,787839	-3,36483	7,66E-04	0,0274561
RUNX1	825,57	1,68	0,499069	3,363523	7,70E-04	0,0275334
RP11-480D4.3	8,66	-3,51	1,044086	-3,36246	7,73E-04	0,0275433
RN7SL846P	10,99	6,10	1,812901	3,362364	7,73E-04	0,0275433
NR2F6	44,50	5,10	1,516686	3,35938	7,81E-04	0,0277833
SERPINA1	3190,04	-1,13	0,33602	-3,35891	7,83E-04	0,0277833
RP11-577H5.5	31,73	7,62	2,268939	3,357873	7,85E-04	0,0278348
RP11-861A13.5	23,08	4,14	1,234428	3,354615	7,95E-04	0,0281111
EIF2D	459,00	1,69	0,50513	3,353379	7,98E-04	0,0281834
RAD1	157,61	2,72	0,812662	3,352012	8,02E-04	0,0282692
NCF1C	404,86	-1,59	0,474087	-3,3471	8,17E-04	0,0287205
PPP1R14A	18,66	4,15	1,241385	3,346024	8,20E-04	0,0287485
UBXN8	61,95	3,69	1,103958	3,345784	8,21E-04	0,0287485
FUCA1	170,98	3,42	1,024383	3,343223	8,28E-04	0,0289606
PDE11A	26,06	-2,14	0,638894	-3,34176	8,32E-04	0,0290587
CTD-2349P21.11	7,60	-2,38	0,712635	-3,33875	8,42E-04	0,0292641
SLC40A1	319,61	2,72	0,814643	3,338733	8,42E-04	0,0292641
RNASEH1	148,77	1,82	0,544906	3,338249	8,43E-04	0,0292641
SPIB	123,65	2,15	0,645245	3,33773	8,45E-04	0,0292642
E2F7	21,47	6,64	1,991096	3,337039	8,47E-04	0,0292825
LPP	1199,35	1,88	0,563604	3,334252	8,55E-04	0,0295181
CD27	4,18	-3,38	1,015197	-3,33378	8,57E-04	0,0295181
OST4	762,26	-0,65	0,195178	-3,33125	8,65E-04	0,029733
CAMKK1	53,85	3,29	0,987694	3,329274	8,71E-04	0,0297918
NME1-NME2	85,43	5,94	1,7829	3,329271	8,71E-04	0,0297918

GALR2	12,18	6,24	1,874391	3,329156	8,71E-04	0,0297918
ACSL4	696,45	1,56	0,470199	3,326978	8,78E-04	0,0299122
ARRB1	339,61	-1,50	0,451418	-3,32695	8,78E-04	0,0299122
PTGFRN	100,91	4,23	1,270559	3,326501	8,79E-04	0,0299122
XYLB	116,28	-3,34	1,004337	-3,32534	8,83E-04	0,0299824
RP11-93B14.9	23,04	-5,45	1,639686	-3,32441	8,86E-04	0,030028
ELOC	345,49	-1,29	0,388883	-3,3203	8,99E-04	0,0304175
AGPHD1	67,98	-2,03	0,610395	-3,31963	9,01E-04	0,0304359
C2	38,72	-2,47	0,744041	-3,31765	9,08E-04	0,0305966
SVOP	31,13	-3,17	0,955984	-3,31452	9,18E-04	0,0308857
ACER3	1134,26	1,60	0,4842	3,313055	9,23E-04	0,0309914
RP1-12G14.9	57,99	4,29	1,296049	3,311787	9,27E-04	0,0310641
RN7SL824P	6,44	4,74	1,432306	3,311391	9,28E-04	0,0310641
LLNLR-246C6.1	30,05	-1,88	0,566872	-3,31084	9,30E-04	0,0310692
IL1R2	1015,82	1,69	0,511326	3,309771	9,34E-04	0,0311325
RP13-27G4.2	6,97	-2,76	0,83588	-3,30784	9,40E-04	0,0312914
ZNF382	139,94	-2,36	0,714073	-3,30548	9,48E-04	0,0314998
ACCS	231,55	2,32	0,70278	3,304465	9,52E-04	0,0315581
MRPS30	299,12	2,08	0,630416	3,30131	9,62E-04	0,0318584
FAM81A	46,04	3,90	1,18085	3,300742	9,64E-04	0,0318663
TRIM56	343,78	-1,48	0,448412	-3,29972	9,68E-04	0,0319263
RP11-384K6.8	13,95	-5,01	1,518151	-3,29695	9,77E-04	0,0321858
TMEM138	170,67	-1,47	0,445591	-3,29231	9,94E-04	0,0326248
RPS6KB1	338,50	-1,81	0,550972	-3,29215	9,94E-04	0,0326248
NCMAP	14,66	-1,52	0,462137	-3,28946	0,001004	0,0328241
SETD5	879,78	-1,69	0,514333	-3,28944	0,001004	0,0328241
GSG1L	7,90	5,05	1,534803	3,288821	0,001006	0,0328388
RP11-17M16.1	21,94	6,51	1,978499	3,288219	0,001008	0,0328515
RP11-229D13.3	30,85	-2,80	0,853435	-3,28468	0,001021	0,0332083
AUH	31,66	3,34	1,018057	3,283316	0,001026	0,0333116
MIR34AHG	13,62	-2,29	0,697914	-3,28153	0,001032	0,0334643
CTD-3092A11.3	5,48	-6,17	1,882479	-3,28024	0,001037	0,0335596
NRARP	10,06	5,96	1,818312	3,278053	0,001045	0,0336776
BTNL8	8,16	-2,90	0,885959	-3,27784	0,001046	0,0336776
EP400NL	153,57	-2,20	0,672415	-3,27774	0,001046	0,0336776
VCAN	10108,00	-0,90	0,275826	-3,2773	0,001048	0,0336776
MYCL	315,93	2,41	0,736314	3,275824	0,001054	0,0337901
CTD-2545G14.7	16,02	6,63	2,023945	3,274902	0,001057	0,0337901
AC107982.5	4,34	-4,54	1,384947	-3,27457	0,001058	0,0337901
MT-ND1	43699,07	-0,93	0,28425	-3,27411	0,00106	0,0337901
CH507-236L23.1	7,01	-7,15	2,184278	-3,27392	0,001061	0,0337901
ANKRD6	104,07	2,36	0,722475	3,272388	0,001066	0,0339162
RP11-526D8.3	7,60	-5,75	1,758064	-3,27172	0,001069	0,0339387
DZIP1	15,82	-3,47	1,061088	-3,27052	0,001074	0,0340139
NELL2	5,29	-5,81	1,77772	-3,27013	0,001075	0,0340139
NSRP1	468,91	-0,93	0,284879	-3,26904	0,001079	0,0340866
TIGAR	351,72	2,57	0,786464	3,26843	0,001081	0,0341026
ZNF626	170,10	-2,78	0,852624	-3,26582	0,001091	0,0343607
PLXND1	196,58	-1,37	0,419169	-3,26519	0,001094	0,0343786
VIM	18967,09	0,67	0,206431	3,263939	0,001099	0,0344571

CTB-43E15.3	21,71	3,66	1,120037	3,263588	0,0011	0,0344571
RP3-370M22.8	6,33	-7,15	2,191143	-3,26186	0,001107	0,0345997
UBTD2	120,88	3,27	1,004016	3,261465	0,001108	0,0345997
SAYS1D1	100,50	2,78	0,851385	3,260424	0,001112	0,0346417
CTD-2378E12.1	42,95	-2,47	0,756899	-3,25969	0,001115	0,0346417
NOS2P1	8,35	-3,65	1,120024	-3,25927	0,001117	0,0346417
THEM4	123,67	2,23	0,684908	3,259224	0,001117	0,0346417
LLNLR-276H7.1	1,80	-3,82	1,170707	-3,25914	0,001117	NA
C12orf36	16,72	4,76	1,459686	3,258484	0,00112	0,0346744
CACFD1	72,95	4,40	1,351565	3,255941	0,00113	0,0349283
PLK2	449,97	2,46	0,757126	3,254166	0,001137	0,035078
ZNF41	112,60	3,63	1,114361	3,253785	0,001139	0,035078
GXYLT1	182,24	2,58	0,793954	3,251901	0,001146	0,0352529
PPTC7	378,72	1,41	0,434696	3,249725	0,001155	0,0354652
MAP2K6	117,68	2,72	0,837593	3,247385	0,001165	0,0356981
SNORA28	68,08	3,27	1,00718	3,246925	0,001167	0,0356981
RP11-640L9.1	13,30	5,55	1,708933	3,245349	0,001173	0,0358374
IL5RA	14,57	-1,87	0,576157	-3,24444	0,001177	0,0358927
CTD-2235C13.3	8,16	-3,79	1,169095	-3,24342	0,001181	0,0359626
RP1-118J21.27	17,04	6,18	1,906781	3,242758	0,001184	0,0359875
MT-RNR2	353856,58	-0,75	0,230844	-3,24179	0,001188	0,0360174
NCR3LG1	24,82	3,35	1,034332	3,241258	0,00119	0,0360174
RP11-107.1	44,03	-11,78	3,635728	-3,24113	0,001191	0,0360174
MARCH6	889,66	1,88	0,581051	3,240021	0,001195	0,0360988
WWC2	121,28	3,58	1,104839	3,239479	0,001197	0,0361089
DHRS3	157,60	2,75	0,850411	3,238342	0,001202	0,0361944
RP11-362F19.2	41,17	-3,75	1,159546	-3,23745	0,001206	0,036195
MTR	381,13	1,90	0,585916	3,237416	0,001206	0,036195
MBNL2	249,17	-2,13	0,657027	-3,23524	0,001215	0,0364126
GOS2	398,52	3,81	1,178637	3,233915	0,001221	0,0365237
RP11-286N22.8	241,51	2,53	0,783704	3,231683	0,001231	0,0367202
TDP1	125,05	2,30	0,711675	3,231465	0,001232	0,0367202
HOXB13	22,62	-3,59	1,110029	-3,23058	0,001235	0,0367751
RP11-96O20.5	26,05	-4,37	1,354379	-3,22916	0,001242	0,0368997
ACTL6A	166,01	2,32	0,719779	3,227544	0,001249	0,0370491
CACUL1	1421,71	1,53	0,473933	3,225873	0,001256	0,0371198
DCAF12	203,44	2,33	0,721718	3,225871	0,001256	0,0371198
RP3-422G23.2	16,96	-2,51	0,778535	-3,22563	0,001257	0,0371198
TCAF2	128,73	-2,41	0,746853	-3,22363	0,001266	0,0373086
PDE4B	613,34	1,97	0,611877	3,223273	0,001267	0,0373086
HECTD1	1284,60	1,34	0,415506	3,222386	0,001271	0,0373651
GRAMD1B	181,65	1,93	0,600762	3,220273	0,001281	0,0375519
RP11-25H12.1	7,23	-5,71	1,773475	-3,22005	0,001282	0,0375519
SMARCC2	414,66	1,79	0,557367	3,219305	0,001285	0,0375538
RP11-574F11.3	11,49	-3,90	1,210914	-3,21914	0,001286	0,0375538
XRCC6	2769,46	0,72	0,223779	3,217608	0,001293	0,037678
RP13-131K19.1	7,21	-7,03	2,184772	-3,21729	0,001294	0,037678
RP11-626G11.3	125,67	2,66	0,827042	3,214931	0,001305	0,0379014
CTB-186H2.3	7,02	-4,43	1,377192	-3,21414	0,001308	0,0379014
RPL26L1	176,30	1,43	0,446053	3,214122	0,001308	0,0379014

LAT	149,08	-2,35	0,731257	-3,2138	0,00131	0,0379014
TBCD	552,54	-1,30	0,404863	-3,20919	0,001331	0,0384048
RP11-167H9.3	9,04	-5,07	1,580362	-3,20878	0,001333	0,0384048
DNASE2	70,18	-3,17	0,987169	-3,20867	0,001333	0,0384048
RP11-77H9.2	46,17	3,48	1,084042	3,207608	0,001338	0,0384571
FLAD1	414,67	-0,87	0,272754	-3,20739	0,001339	0,0384571
PYHIN1	28,20	-3,20	0,997716	-3,20688	0,001342	0,0384664
H2AFX	67,43	2,17	0,676725	3,204977	0,001351	0,0386621
PTEN	2440,17	1,16	0,361176	3,201474	0,001367	0,0390752
RP13-93L13.2	11,51	-1,30	0,406937	-3,19926	0,001378	0,0393161
RP11-575L16.2	19,22	6,89	2,153838	3,197906	0,001384	0,0394408
RP11-1102P22.1	32,83	3,89	1,216403	3,196822	0,00139	0,0395287
AC005083.1	13,44	6,38	1,996106	3,195254	0,001397	0,0396834
CTD-2185K10.1	2,09	-2,94	0,919605	-3,19431	0,001402	NA
TTYH1	25,86	-1,85	0,580385	-3,19266	0,00141	0,0399808
TTC39B	183,61	2,68	0,839248	3,190775	0,001419	0,0401089
SLC11A1	360,84	-1,99	0,62473	-3,19062	0,00142	0,0401089
OR52K1	164,93	-1,78	0,558541	-3,19042	0,001421	0,0401089
IFNG	3,63	-5,83	1,828207	-3,18949	0,001425	NA
CDH7	20,74	-3,06	0,961639	-3,18685	0,001438	0,0404827
CD300E	1046,99	-1,14	0,35626	-3,18652	0,00144	0,0404827
GTF2IP18	41,31	-2,23	0,699493	-3,18642	0,00144	0,0404827
TRAF1	75,26	3,73	1,170685	3,185399	0,001446	0,0405435
RAF1	984,39	1,41	0,442458	3,185114	0,001447	0,0405435
LGALS4	6,27	-2,82	0,884015	-3,18435	0,001451	0,0405899
RP11-143O10.1	2,77	-3,78	1,186877	-3,18275	0,001459	NA
CRISPLD2	82,94	-1,90	0,597755	-3,18211	0,001462	0,040843
VKORC1L1	81,20	-2,32	0,730578	-3,18134	0,001466	0,0408907
RPL7AP64	8,19	-7,07	2,2243	-3,18047	0,00147	0,0409524
DTHD1	7,82	-7,13	2,245152	-3,17659	0,00149	0,041414
GLYATL2	10,89	-8,37	2,6349	-3,17502	0,001498	0,041414
POU2F2	1085,86	-1,27	0,399109	-3,17479	0,001499	0,041414
RP1-228P16.4	4,55	-2,98	0,938852	-3,17419	0,001503	0,041414
TPI1	7634,55	0,72	0,226033	3,173908	0,001504	0,041414
SNX14	765,98	1,04	0,326474	3,173884	0,001504	0,041414
MIR17HG	29,84	6,14	1,933268	3,17381	0,001505	0,041414
RP11-115D19.4	10,01	-4,43	1,396261	-3,17377	0,001505	0,041414
RP11-893F2.5	3,99	-5,27	1,661082	-3,17295	0,001509	0,0414325
AC000123.2	25,20	3,52	1,108812	3,172779	0,00151	0,0414325
ZNF704	55,42	-4,30	1,357608	-3,17004	0,001524	0,0417459
RP11-158H5.7	41,81	-3,89	1,228787	-3,16973	0,001526	0,0417459
SHANK1	4,59	-3,27	1,033298	-3,16921	0,001529	0,0417552
NARS2	86,53	3,24	1,021278	3,168816	0,001531	0,0417552
AC103965.1	11,96	5,51	1,740705	3,167892	0,001535	0,0418268
CD8A	89,57	-4,68	1,479095	-3,16724	0,001539	0,0418588
RP11-439E19.10	17,12	-1,92	0,606363	-3,16652	0,001543	0,0419017
KIF21A	161,17	-3,79	1,197946	-3,16514	0,00155	0,0420099
SLC39A6	231,47	1,82	0,574872	3,164923	0,001551	0,0420099
FOXJ3	416,58	2,08	0,656996	3,164149	0,001555	0,0420103
MTA1	45,34	2,40	0,759636	3,164074	0,001556	0,0420103

C1orf61	8,62	-2,13	0,673317	-3,16341	0,001559	0,0420225
RP9	154,53	-1,64	0,517883	-3,16315	0,001561	0,0420225
RP11-10L12.5	13,88	6,43	2,032713	3,16271	0,001563	0,0420247
LGI1	7,32	-2,40	0,759811	-3,16024	0,001576	0,0422982
GREB1L	54,27	-4,86	1,538323	-3,15998	0,001578	0,0422982
MT-CYB	240111,29	-0,86	0,272269	-3,15749	0,001591	0,0425991
C12orf73	17,47	4,84	1,532419	3,15636	0,001598	0,0427038
RGPD4	7,26	-7,51	2,378583	-3,15574	0,001601	0,0427337
BRK1	2247,20	0,73	0,231149	3,1549	0,001606	0,0427576
CALM1	5381,70	0,62	0,197246	3,154737	0,001606	0,0427576
RP11-64C12.3	7,36	-4,01	1,271218	-3,15384	0,001611	0,0428072
AGBL4	13,02	-3,67	1,164944	-3,15357	0,001613	0,0428072
IGF2R	222,96	-1,64	0,519713	-3,1527	0,001618	0,0428732
RP11-7K24.3	9,18	-1,64	0,521113	-3,15211	0,001621	0,0428993
LSM14A	748,43	1,28	0,404897	3,150798	0,001628	0,0429809
BNIP1	96,41	3,05	0,967404	3,150722	0,001629	0,0429809
LGSN	26,54	-2,37	0,752509	-3,14968	0,001634	0,0430731
CSTA	545,09	-0,74	0,233695	-3,14904	0,001638	0,0431074
MRPL30	124,14	1,82	0,577857	3,148387	0,001642	0,0431421
PDCD2L	48,75	5,51	1,751811	3,14644	0,001653	0,0433441
SUZ12P	122,67	1,58	0,501014	3,146196	0,001654	0,0433441
MPDZ	7,31	-6,59	2,094589	-3,14525	0,001659	0,0434233
RAB39B	75,95	3,70	1,175259	3,144551	0,001663	0,0434661
CH17-132F21.5	23,77	-6,05	1,924266	-3,14228	0,001676	0,0437428
TRIM7	10,08	-3,20	1,018452	-3,14028	0,001688	0,0439807
CHIC2	99,51	2,20	0,701034	3,138465	0,001698	0,0441928
FGGY	137,71	2,80	0,893883	3,136549	0,001709	0,0444204
PDHB	943,39	1,40	0,447429	3,134657	0,001721	0,0446455
DCLRE1A	30,54	5,45	1,74024	3,133583	0,001727	0,0447469
RP4-575N6.5	11,06	-3,42	1,091526	-3,13173	0,001738	0,0449617
RP11-23E10.4	1,72	-2,84	0,907961	-3,13144	0,00174	NA
RP11-713P17.4	4,35	-3,00	0,957968	-3,13136	0,00174	0,0449617
CERS5	469,15	-1,17	0,37532	-3,13031	0,001746	0,0450469
FAM229B	20,81	3,30	1,052776	3,12999	0,001748	0,0450469
ZNF35	51,72	3,23	1,032856	3,129065	0,001754	0,0451183
ATF7	265,12	2,25	0,718465	3,128618	0,001756	0,0451183
RP11-750H9.5	48,21	3,03	0,968172	3,128306	0,001758	0,0451183
C1orf162	4409,67	0,86	0,275987	3,125845	0,001773	0,0453354
HELQ	210,74	2,59	0,828504	3,125639	0,001774	0,0453354
ARGLU1	2030,84	-0,65	0,206635	-3,12558	0,001775	0,0453354
MT-ATP8	3966,14	-1,01	0,324073	-3,12524	0,001777	0,0453354
RP11-20I23.13	74,64	2,75	0,87946	3,124476	0,001781	0,0453354
STK24	765,01	1,02	0,325483	3,124471	0,001781	0,0453354
STAC3	15,54	4,56	1,460889	3,122705	0,001792	0,0454858
ADD2	77,84	3,12	0,998777	3,122693	0,001792	0,0454858
RP11-511B23.2	9,06	-7,67	2,456079	-3,12115	0,001801	0,0456619
RP11-217O12.1	16566,03	-1,08	0,346591	-3,11926	0,001813	0,0458944
RP11-569O4.8	8,57	5,73	1,836968	3,118249	0,001819	0,0459251
TMEM14A	38,56	5,06	1,622097	3,117911	0,001821	0,0459251
RP11-60A8.1	23,25	-4,93	1,581788	-3,11786	0,001822	0,0459251

SDAD1	403,27	1,84	0,588998	3,116943	0,001827	0,0460057
ITPK1	442,24	1,41	0,451012	3,115782	0,001835	0,0460947
C11orf88	3,45	-4,38	1,404584	-3,11567	0,001835	NA
NUP54	234,90	1,86	0,596515	3,115576	0,001836	0,0460947
FANK1	20,76	4,99	1,603194	3,114359	0,001843	0,046223
KB-1507C5.2	14,96	2,72	0,873182	3,112853	0,001853	0,0463969
TRMT61B	90,60	3,56	1,143716	3,110662	0,001867	0,0466198
MT-ATP6	45775,95	-0,85	0,2719	-3,11037	0,001869	0,0466198
TIMM17A	800,66	1,34	0,431142	3,10999	0,001871	0,0466198
CAV2	34,74	-3,31	1,064755	-3,10985	0,001872	0,0466198
GPAM	94,21	3,66	1,177084	3,107614	0,001886	0,0468808
APPL2	147,57	-2,01	0,647794	-3,10689	0,001891	0,0468808
CTA-280A3.2	7,64	-3,53	1,137381	-3,10681	0,001891	0,0468808
MED31	62,70	2,97	0,956078	3,106624	0,001892	0,0468808
WASH5P	189,24	2,73	0,880148	3,104827	0,001904	0,0471039
RP11-508N22.12	11,52	-3,24	1,045003	-3,10436	0,001907	0,047116
PMPCB	569,85	1,61	0,519817	3,102966	0,001916	0,047268
MT-TE	88,93	-1,42	0,456248	-3,10199	0,001922	0,047268
NDUFB7	672,56	-0,79	0,253303	-3,10131	0,001927	0,047268
ARF4	846,45	1,36	0,437533	3,101157	0,001928	0,047268
RP3-355L5.4	8,36	-3,01	0,969401	-3,10095	0,001929	0,047268
MT-TR	11,93	-1,97	0,634383	-3,10088	0,001929	0,047268
NPL	60,18	-2,11	0,680908	-3,10067	0,001931	0,047268
AC012594.1	56,36	-1,57	0,505681	-3,09983	0,001936	0,0473228
RP11-473C18.6	7,17	-5,25	1,692715	-3,09954	0,001938	0,0473228
RP11-359B12.2	29,69	3,68	1,189439	3,097753	0,00195	0,0474598
ILVBL	132,01	-2,89	0,932804	-3,09761	0,001951	0,0474598
ATP5C1	2295,32	0,79	0,253551	3,097373	0,001952	0,0474598
COL19A1	40,23	-2,77	0,895237	-3,09714	0,001954	0,0474598
NRM	267,63	2,01	0,647756	3,09625	0,00196	0,0474629
CPVL	7607,74	0,86	0,277743	3,096081	0,001961	0,0474629
TFEC	561,55	-1,47	0,474119	-3,09596	0,001962	0,0474629
RP11-659E9.6	104,85	-1,51	0,48808	-3,0953	0,001966	0,0475062
IFI27L2	187,79	-1,38	0,447183	-3,09269	0,001983	0,0478553
KIAA1217	6,94	-6,98	2,256678	-3,09236	0,001986	0,0478553
TMEM109	1007,56	1,00	0,324778	3,091171	0,001994	0,0479853
RP11-47J17.1	3,31	-3,98	1,288943	-3,09112	0,001994	NA
DCTPP1	261,82	2,13	0,689295	3,088987	0,002008	0,0482769
CTD-2341M24.1	22,87	4,61	1,492787	3,086975	0,002022	0,0485006
CFAP44	93,86	-3,59	1,163237	-3,08685	0,002023	0,0485006
RP11-42A4.1	18,81	-11,22	3,636117	-3,08582	0,00203	0,0486049
HLA-DMA	12161,95	0,60	0,194627	3,084346	0,00204	0,0487843
ATHL1	229,92	-2,07	0,670226	-3,08376	0,002044	0,0488124
MCU	93,73	2,95	0,955555	3,083133	0,002048	0,0488124
AVL9	507,38	1,39	0,451507	3,08303	0,002049	0,0488124
TMPRSS12	22,32	-3,48	1,127817	-3,08242	0,002053	0,0488452
KIAA0664L3	35,32	-2,99	0,971288	-3,08188	0,002057	0,0488452
RP11-356N1.2	88,69	-2,61	0,846221	-3,08134	0,002061	0,0488452
EWSR1	1348,58	0,87	0,281783	3,081309	0,002061	0,0488452
HMG4	281,50	1,72	0,558902	3,079933	0,00207	0,0490091

RP11-366L20.2	8,91	-2,82	0,917429	-3,07914	0,002076	0,0490772
F11R	284,74	2,16	0,700863	3,077946	0,002084	0,0491717
CTD-2014B16.3	6,60	4,20	1,364076	3,077811	0,002085	0,0491717
EPB41L4B	10,74	-8,22	2,672543	-3,07655	0,002094	0,0493172
ANO10	58,10	2,26	0,734983	3,074315	0,00211	0,0496258
RP11-108H9.1	6,41	-3,24	1,053652	-3,07356	0,002115	0,049644
TK1	24,51	4,96	1,612314	3,073353	0,002117	0,049644
CTA-342B11.2	3,91	-5,38	1,751626	-3,07308	0,002119	0,049644
GABPB1	163,78	2,83	0,92083	3,072277	0,002124	0,0497146
TANC1	76,05	-3,83	1,247353	-3,06928	0,002146	0,0500891
ENTPD1	1084,54	1,29	0,420225	3,069056	0,002147	0,0500891
PEX7	57,11	3,55	1,158115	3,068911	0,002148	0,0500891
ZNF583	76,18	3,21	1,046423	3,067046	0,002162	0,0503033
LILRA1	488,90	1,50	0,490275	3,066823	0,002163	0,0503033
ACY1	84,08	2,47	0,806236	3,065891	0,00217	0,0503033
RP11-615I16.2	1,79	-4,73	1,54252	-3,06559	0,002172	NA
RP11-275D4.1	9,45	-2,59	0,84457	-3,06544	0,002174	0,0503033
TMEM50B	483,71	1,23	0,402406	3,065308	0,002174	0,0503033
RP11-74M13.4	6,73	-2,61	0,852684	-3,06513	0,002176	0,0503033
RP11-311C24.1	49,72	5,21	1,701115	3,065024	0,002177	0,0503033
HPD	21,55	7,04	2,298	3,064103	0,002183	0,0503835
HULC	142,22	-1,60	0,522808	-3,06381	0,002185	0,0503835
RN7SL474P	3,71	-2,37	0,774119	-3,06334	0,002189	NA
CLN6	204,87	-1,42	0,464394	-3,06274	0,002193	0,0505011
SSX7	20,79	-3,76	1,226957	-3,06147	0,002203	0,0506524
H3F3B	14696,54	0,76	0,248171	3,060556	0,002209	0,0507449
RP1-261D10.1	11,54	6,16	2,01319	3,058622	0,002224	0,0510107
RP11-71N10.1	3,39	-4,44	1,45126	-3,05841	0,002225	NA
CCR6	222,96	3,17	1,036442	3,056108	0,002242	0,0513264
MMP9	14,04	6,44	2,108779	3,056034	0,002243	0,0513264
TSPAN5	8,95	-2,88	0,944324	-3,05492	0,002251	0,0514479
NAPRT	726,66	-0,86	0,280376	-3,05449	0,002254	0,0514479
GALNT2	286,02	-1,98	0,64748	-3,05422	0,002256	0,0514479
RRAGD	70,51	3,13	1,026275	3,053519	0,002262	0,0515053
MGP	17,95	-2,62	0,857561	-3,05128	0,002279	0,0517396
AREG	2486,77	2,68	0,878174	3,050842	0,002282	0,0517396
HNF1B	11,87	-3,14	1,029607	-3,05079	0,002282	0,0517396
DDHD1	1095,77	1,65	0,541348	3,05069	0,002283	0,0517396
MRPL37	646,08	1,48	0,486336	3,049508	0,002292	0,0518804
FBXO30	74,00	3,00	0,984289	3,048662	0,002299	0,0519635
RP5-857K21.8	215,90	-1,03	0,33642	-3,04702	0,002311	0,0521855
GABRA2	4,27	-2,65	0,871446	-3,04603	0,002319	0,0522932
ZC3H11A	1051,67	-1,15	0,376327	-3,04481	0,002328	0,0524432
CLEC3A	43,33	-2,48	0,815829	-3,04336	0,00234	0,052633
CNTN3	12,99	-8,37	2,751021	-3,04218	0,002349	0,052775
TMEM68	141,26	-2,22	0,72954	-3,04105	0,002358	0,0529096
RP11-867G23.8	3,52	-3,33	1,095532	-3,04102	0,002358	NA
VAMP5	476,24	-1,25	0,409508	-3,04044	0,002362	0,0529525
JKAMP	437,11	2,20	0,724034	3,03806	0,002381	0,053309
RN7SKP4	4,30	-3,12	1,02805	-3,03653	0,002393	0,0535161

S100B	42,07	4,05	1,335278	3,033984	0,002413	0,0538788
MAFB	428,16	-1,56	0,515211	-3,03377	0,002415	0,0538788
DDX56	509,44	-1,19	0,391966	-3,03268	0,002424	0,0540077
PTPRJ	495,10	-1,75	0,578423	-3,03226	0,002427	0,0540186
TK2	319,32	-1,76	0,579119	-3,03142	0,002434	0,0541048
LPCAT4	80,31	2,87	0,945905	3,029443	0,00245	0,0543952
LAMTOR4	3395,09	-0,61	0,203142	-3,02689	0,002471	0,0547907
TMEM156	64,68	1,96	0,647914	3,026533	0,002474	0,0547907
ALDH2	2146,19	1,17	0,386054	3,025639	0,002481	0,0548878
MATN2	31,40	3,94	1,303513	3,024618	0,002489	0,055008
RP11-696N14.1	28,70	-4,05	1,339122	-3,02294	0,002503	0,0551186
FTL	52653,11	-0,56	0,183979	-3,02275	0,002505	0,0551186
AC011747.4	63,23	-2,02	0,667963	-3,02229	0,002509	0,0551186
ZNF554	36,63	-2,02	0,667738	-3,02226	0,002509	0,0551186
RPL3	19654,93	0,48	0,158573	3,022183	0,00251	0,0551186
RNF5	372,72	1,74	0,576952	3,021556	0,002515	0,0551186
RP11-120E11.2	4,33	-5,30	1,755678	-3,0212	0,002518	0,0551186
GENE	127,50	-2,20	0,726988	-3,02115	0,002518	0,0551186
ABCA17P	4,28	-4,26	1,411675	-3,02021	0,002526	0,0552251
APLP2	4893,41	-0,72	0,237569	-3,01785	0,002546	0,0555908
TRAPPC2B	64,80	2,62	0,870149	3,014525	0,002574	0,0561383
MRPS15	624,96	1,29	0,428372	3,013535	0,002582	0,0562557
RP11-219B17.1	4,03	-5,65	1,876732	-3,01193	0,002596	0,0564269
RABGEF1	347,38	1,51	0,501205	3,011559	0,002599	0,0564269
GNS	1019,39	-1,02	0,339179	-3,01111	0,002603	0,0564269
TBC1D3I	4,37	-5,81	1,928767	-3,01055	0,002608	0,0564269
CNOT11	327,58	1,79	0,596219	3,010321	0,00261	0,0564269
ARFGEF2	620,43	-1,81	0,599671	-3,0102	0,002611	0,0564269
CFAP70	18,52	-2,70	0,896527	-3,00991	0,002613	0,0564269
CNTLN	269,58	1,45	0,481836	3,009455	0,002617	0,0564269
KLHL2	150,52	2,03	0,67517	3,00943	0,002617	0,0564269
RP5-1091N2.12	13,67	6,40	2,127069	3,008252	0,002628	0,0565136
MPHOSPH10	245,99	1,55	0,51508	3,008089	0,002629	0,0565136
BDP1	1186,57	-0,79	0,262257	-3,00785	0,002631	0,0565136
RABL2A	47,76	3,08	1,02333	3,007559	0,002634	0,0565136
LITAF	1557,10	1,30	0,433053	3,006118	0,002646	0,0567166
RP11-338K17.10	10,86	5,51	1,83302	3,003519	0,002669	0,0571374
WASF3	13,90	-7,51	2,500729	-3,00299	0,002673	0,0571711
KRT42P	2,62	-5,11	1,701431	-3,00292	0,002674	NA
CASKIN2	23,95	4,68	1,559057	3,002485	0,002678	0,0572002
AC092620.3	45,74	4,97	1,654416	3,001722	0,002685	0,0572781
SLC9C2	5,92	-6,72	2,239339	-3,00046	0,002696	0,0574501
AC006369.3	2,30	-3,51	1,171718	-2,99789	0,002719	NA
RP11-325O24.5	4,77	-3,29	1,097521	-2,99696	0,002727	0,0580104
CYP4F11	17,67	-2,67	0,889675	-2,99658	0,00273	0,0580104
CYP2S1	454,23	1,56	0,521429	2,996457	0,002731	0,0580104
ATP1A1OS	15,91	5,99	1,998521	2,995943	0,002736	0,058042
RPS3AP3	7,63	-5,15	1,721203	-2,99484	0,002746	0,0581853
MT-ND3	1417,85	-1,27	0,423681	-2,99291	0,002763	0,0584884
LINC01002	19,82	-2,38	0,793687	-2,99246	0,002767	0,0585085

CLEC10A	6581,68	1,17	0,390591	2,991949	0,002772	0,0585352
POLR2C	130,60	2,35	0,786661	2,991626	0,002775	0,0585352
EBF4	9,58	-7,22	2,413541	-2,99104	0,00278	0,0585811
RP11-368N21.2	26,54	7,36	2,461256	2,989346	0,002796	0,0588404
POLR3E	171,82	2,50	0,835917	2,988919	0,0028	0,0588562
RAB8B	469,32	-1,30	0,434054	-2,98849	0,002804	0,0588731
RP11-247I13.3	9,47	-7,42	2,483148	-2,98809	0,002807	0,0588837
TRAC	33,33	-3,41	1,140353	-2,98743	0,002813	0,0589446
PARP10	123,94	-1,56	0,52357	-2,98685	0,002819	0,0589894
ARHGAP5	740,96	1,67	0,560164	2,986264	0,002824	0,0590361
TRAF5	175,35	2,52	0,844591	2,985587	0,00283	0,059078
CXCR2	33,50	4,06	1,361352	2,985238	0,002834	0,059078
ADAM19	116,30	2,17	0,727297	2,984716	0,002838	0,059078
KCNAB1	24,63	4,80	1,608999	2,984676	0,002839	0,059078
GDI2	4085,86	0,63	0,211756	2,983873	0,002846	0,059167
CCT2	865,91	0,78	0,262766	2,980582	0,002877	0,0596949
STEAP4	184,98	-2,96	0,992944	-2,98047	0,002878	0,0596949
UTF1	4,64	-3,54	1,18889	-2,9777	0,002904	0,0601695
SLBP	224,73	1,89	0,635748	2,976847	0,002912	0,0602705
CFL1P1	31,06	-1,72	0,576694	-2,97563	0,002924	0,0604439
SLC7A7	1023,59	-1,28	0,429135	-2,97474	0,002932	0,0605507
MT-CO3	84384,16	-0,81	0,27393	-2,97414	0,002938	0,0606023
RP11-138A9.2	441,96	1,31	0,43999	2,972849	0,00295	0,0607906
OVCH1-AS1	37,12	-3,27	1,101229	-2,97248	0,002954	0,0607966
NFIB	7,39	-1,89	0,635555	-2,97146	0,002964	0,0609312
NDUFV2P1	18,92	2,10	0,705954	2,970999	0,002968	0,0609556
SYPL1	424,45	2,44	0,820896	2,968642	0,002991	0,0613573
ZSCAN20	6,01	-4,31	1,4506	-2,96794	0,002998	0,0614304
UBXN2B	252,10	2,19	0,736839	2,96745	0,003003	0,0614602
STAM2	308,87	1,63	0,549029	2,966928	0,003008	0,061497
ADCY6	10,07	-3,30	1,112866	-2,96621	0,003015	0,0615732
TAB2	783,07	1,11	0,372776	2,964283	0,003034	0,0618921
PARD6G-AS1	15,59	5,67	1,912658	2,962511	0,003051	0,0621812
HIST2H4A	67,36	4,62	1,56143	2,957983	0,003097	0,0630328
SLCO4A1	39,28	6,96	2,354394	2,957422	0,003102	0,0630788
UCP2	2943,95	1,08	0,364779	2,955999	0,003117	0,0633014
AC016722.4	48,53	-2,77	0,938211	-2,95408	0,003136	0,0636271
RP11-540A21.3	238,11	-1,86	0,630844	-2,95254	0,003152	0,0638439
RP11-541P9.3	34,68	-2,50	0,845367	-2,95236	0,003154	0,0638439
LCP1	8034,39	0,47	0,159781	2,951441	0,003163	0,0638936
TRBV6-2	8,28	-6,78	2,296986	-2,95096	0,003168	0,0638936
RP11-18H21.1	16,42	-5,27	1,786646	-2,95093	0,003168	0,0638936
PSIP1	384,17	-0,95	0,322263	-2,95077	0,00317	0,0638936
UFC1	1173,80	1,05	0,357561	2,947716	0,003201	0,0644444
SMN1	223,55	1,43	0,483828	2,947453	0,003204	0,0644444
ZNF134	83,67	2,65	0,900887	2,945827	0,003221	0,0647014
BTAF1	855,07	1,43	0,486963	2,945343	0,003226	0,0647014
RP11-294J22.6	109,82	2,43	0,826369	2,945072	0,003229	0,0647014
VMAC	28,62	3,52	1,195335	2,944887	0,003231	0,0647014
MZT1	106,30	2,15	0,730113	2,944096	0,003239	0,0647973

CD83	3673,12	1,19	0,405378	2,942965	0,003251	0,0649647
USP6NL	277,38	2,19	0,745073	2,942599	0,003255	0,0649718
CTB-12A17.2	32,11	-2,93	0,994742	-2,9419	0,003262	0,0650032
MYO16	5,86	-3,11	1,057595	-2,94179	0,003263	0,0650032
RP11-90D4.2	187,57	-2,39	0,812226	-2,94137	0,003268	0,0650206
SLC25A4	3,55	-2,62	0,890032	-2,94134	0,003268	NA
SEC22A	147,47	2,95	1,003295	2,940695	0,003275	0,0650808
HLA-DQB2	985,56	1,92	0,654536	2,940161	0,00328	0,0650808
ST5	20,06	3,29	1,118834	2,940092	0,003281	0,0650808
SLC35D1	125,50	1,92	0,653912	2,939327	0,003289	0,0651547
AC026150.8	22,65	5,56	1,892522	2,938879	0,003294	0,0651547
PLEKHG4B	10,14	-2,30	0,782405	-2,93875	0,003295	0,0651547
METTL8	203,63	2,14	0,728688	2,938158	0,003302	0,0652101
UTP18	308,17	1,57	0,532892	2,937059	0,003313	0,0652631
GPR89A	121,81	1,81	0,617137	2,936485	0,00332	0,0652631
CACYBP	719,52	1,31	0,447758	2,936227	0,003322	0,0652631
DNM1	88,45	-2,90	0,986746	-2,9362	0,003323	0,0652631
SUB1	2872,08	0,61	0,207146	2,93611	0,003324	0,0652631
MT-ND5	44795,94	-0,77	0,262765	-2,93581	0,003327	0,0652631
GSK3B	313,32	-1,90	0,647132	-2,93561	0,003329	0,0652631
RP5-977L11.2	8,42	-2,14	0,730775	-2,93489	0,003337	0,0653463
RTBDN	1,60	-3,43	1,17075	-2,9338	0,003348	NA
KIF6	45,76	-2,14	0,730057	-2,93245	0,003363	0,0657925
HLA-F	1125,48	-0,76	0,257796	-2,93189	0,003369	0,065841
IL18	564,06	1,60	0,5451	2,930436	0,003385	0,0660814
PAPOLG	220,33	2,14	0,730079	2,928727	0,003404	0,0663759
IQCB1	230,25	2,04	0,698644	2,926786	0,003425	0,0666808
AC074117.12	7,07	-2,50	0,853157	-2,92665	0,003426	0,0666808
PDIK1L	82,27	3,27	1,117859	2,925471	0,003439	0,0668642
TBCA	298,98	0,90	0,307147	2,924864	0,003446	0,0669249
AC159540.14	23,45	3,33	1,140327	2,923735	0,003459	0,0670583
PCGF5	515,39	1,87	0,639122	2,923595	0,00346	0,0670583
GYPC	172,22	1,73	0,591714	2,922299	0,003475	0,067268
MARCKSL1	229,15	1,68	0,576308	2,921416	0,003484	0,0673888
ITPKC	27,84	4,57	1,564876	2,920444	0,003495	0,0675293
CCDC162P	30,78	-2,99	1,025768	-2,91856	0,003516	0,0678673
KRT15	34,70	-2,87	0,984081	-2,91732	0,003531	0,0680121
HTR2B	41,87	4,83	1,655891	2,917107	0,003533	0,0680121
ATP5F1	2948,35	0,90	0,308552	2,91693	0,003535	0,0680121
CYB5A	306,09	1,82	0,622586	2,915773	0,003548	0,0681769
HBS1L	353,65	2,17	0,743268	2,915233	0,003554	0,0681769
BTBD9	330,73	2,69	0,922042	2,915209	0,003555	0,0681769
PANK1	9,58	4,08	1,400486	2,914557	0,003562	0,0682491
DMKN	25,21	-2,17	0,746297	-2,91385	0,00357	0,0683321
CAPN10	154,02	-1,55	0,531419	-2,91354	0,003574	0,0683321
MYD88	2222,10	0,98	0,335123	2,911209	0,0036	0,0687723
MTHFD2	672,76	1,32	0,452043	2,910862	0,003604	0,0687781
SAMD15	7,89	-3,86	1,327291	-2,91052	0,003608	0,0687821
USP54	74,68	-3,01	1,034456	-2,90931	0,003622	0,0689799
KARS	928,52	1,04	0,35665	2,908791	0,003628	0,0690061

RP13-297E16.5	2,76	-4,90	1,685811	-2,90874	0,003629	NA
PRDM14	7,65	-3,09	1,06086	-2,90855	0,003631	0,0690061
NUDT6	89,44	2,42	0,83253	2,90721	0,003647	0,0691968
RP11-1094M14.11	148,65	1,67	0,575184	2,906987	0,003649	0,0691968
NDUFA7	423,00	-0,74	0,254457	-2,90652	0,003655	0,0691968
RP11-287D1.1	5,97	-2,54	0,873094	-2,90641	0,003656	0,0691968
PKIB	407,70	2,28	0,783446	2,906086	0,00366	0,0691979
E2F5	31,36	3,15	1,082552	2,905745	0,003664	0,069203
ZNF618	130,97	2,63	0,905375	2,904638	0,003677	0,0693778
RP13-371D18.2	22,26	3,64	1,254476	2,904312	0,003681	0,0693798
MRPL39	127,48	3,14	1,082807	2,903285	0,003693	0,0695097
AD000671.6	191,67	2,23	0,769522	2,903092	0,003695	0,0695097
SLC14A1	21,15	-2,34	0,806208	-2,90261	0,003701	0,0695473
RGS12	274,23	-2,28	0,785726	-2,90109	0,003719	0,0698148
RP11-402L5.1	6,95	-7,29	2,512834	-2,89956	0,003737	0,0700841
RP5-857K21.10	5549,22	-0,82	0,284177	-2,89706	0,003767	0,0705741
NQO2	987,68	1,74	0,601034	2,896167	0,003778	0,0707048
TSPAN18	4,55	-5,74	1,982374	-2,8952	0,003789	0,0708527
CSNK2B	1093,87	0,98	0,337058	2,894724	0,003795	0,0708881
SRSF3	3666,74	0,59	0,202339	2,893191	0,003813	0,0711157
CHST6	14,15	-1,74	0,59979	-2,8929	0,003817	0,0711157
DHTKD1	263,02	2,40	0,828319	2,891919	0,003829	0,0713093
PRKAG2	570,61	-1,06	0,368341	-2,88882	0,003867	0,0719444
AC011753.3	84,33	-1,19	0,413241	-2,88844	0,003872	0,0719589
PLA1A	45,50	2,99	1,035349	2,887853	0,003879	0,0720173
ITGA8	4,37	-3,23	1,118021	-2,88756	0,003882	0,0720173
PFKFB3	270,91	2,00	0,693145	2,88566	0,003906	0,0723804
RP11-624C23.1	16,79	3,27	1,13268	2,884623	0,003919	0,0724849
LRIF1	113,17	2,37	0,820643	2,88458	0,003919	0,0724849
PLD5	11,37	-1,67	0,578121	-2,88405	0,003926	0,0725358
MTRF1	36,75	2,56	0,886475	2,883353	0,003935	0,0726233
RNF10	510,19	1,49	0,51808	2,882488	0,003945	0,0727107
RP11-323F5.1	22,93	6,56	2,276226	2,88235	0,003947	0,0727107
GZMA	93,68	-3,71	1,28887	-2,88164	0,003956	0,0728025
SRD5A1	547,13	1,45	0,501803	2,880705	0,003968	0,0729246
FILIP1	49,95	-1,84	0,638359	-2,88039	0,003972	0,0729246
IGSF1	14,04	-3,34	1,160131	-2,88017	0,003975	0,0729246
TSG101	507,61	1,68	0,582161	2,879862	0,003978	0,0729246
IFT52	101,71	2,35	0,816205	2,879169	0,003987	0,0729246
FCGR3A	79,17	-4,24	1,472016	-2,87896	0,00399	0,0729246
AIF1	4697,70	-0,52	0,180942	-2,87887	0,003991	0,0729246
MBNL1	3421,18	0,61	0,211203	2,878215	0,003999	0,0729246
ZXDB	60,43	3,20	1,111588	2,87795	0,004003	0,0729246
RP11-941H19.3	7,73	-2,20	0,764935	-2,87787	0,004004	0,0729246
ACADVL	1170,69	-0,67	0,233212	-2,8777	0,004006	0,0729246
RPRD2	194,81	1,95	0,676518	2,875471	0,004034	0,0733697
CXADR	15,50	-2,84	0,987887	-2,8747	0,004044	0,0734741
ZC3H14	309,16	1,61	0,560234	2,874405	0,004048	0,0734741
FADD	27,34	5,45	1,897568	2,873744	0,004056	0,0734847
PTPN9	445,41	2,84	0,986953	2,873666	0,004057	0,0734847

ATG3	1825,45	0,86	0,300407	2,873404	0,004061	0,0734847
MGLL	123,71	3,24	1,128265	2,87313	0,004064	0,0734847
PARP16	76,48	3,06	1,065127	2,87263	0,004071	0,0735296
RP5-1185I7.1	41,46	3,27	1,13772	2,871576	0,004084	0,0736926
CCDC41	313,07	1,37	0,475471	2,871317	0,004088	0,0736926
HPSE	90,26	-2,61	0,909117	-2,86955	0,004111	0,0739599
EIF3CL	259,78	3,69	1,287004	2,869501	0,004111	0,0739599
CCDC102A	6,64	-7,24	2,522376	-2,86925	0,004114	0,0739599
COMMD9	919,39	1,24	0,432503	2,86841	0,004125	0,0740349
RP11-411H5.1	23,88	-3,82	1,332766	-2,86832	0,004127	0,0740349
PMP22	90,41	2,77	0,964845	2,867726	0,004134	0,0741034
ZACN	69,63	4,25	1,481393	2,866219	0,004154	0,0743854
KDEL2	93,24	2,50	0,872296	2,865905	0,004158	0,0743876
ARMC1	114,70	2,22	0,774385	2,865164	0,004168	0,0744769
PARP11	118,12	1,61	0,563282	2,864917	0,004171	0,0744769
PCBP1	1559,62	1,18	0,41267	2,863413	0,004191	0,0747596
MT-CO2	102294,01	-0,83	0,290739	-2,8614	0,004218	0,0751631
RP11-343C2.11	13,53	6,38	2,231816	2,860548	0,004229	0,0752941
MAP7	33,98	3,67	1,282989	2,860023	0,004236	0,0753467
RP11-39K24.14	65,99	2,56	0,895333	2,859286	0,004246	0,07545
ATP5E	1474,44	-0,79	0,276446	-2,85875	0,004253	0,0754962
PBXIP1	182,16	-1,86	0,650134	-2,85849	0,004257	0,0754962
NDEL1	452,80	1,37	0,48112	2,853725	0,004321	0,076513
LSM12	917,19	0,72	0,251441	2,853634	0,004322	0,076513
RP11-366K18.3	30,43	-3,41	1,195984	-2,85086	0,00436	0,0771038
RP11-425L10.1	8,65	5,16	1,809457	2,850584	0,004364	0,0771038
MT-ND4	183855,25	-0,94	0,329988	-2,84962	0,004377	0,0772655
CCDC112	226,77	1,64	0,576542	2,849153	0,004384	0,0773047
RP11-181C3.4	83,03	-3,41	1,198792	-2,84862	0,004391	0,0773601
RP11-4O3.1	13,23	4,53	1,592503	2,847684	0,004404	0,0775156
BTBD7	480,68	-1,57	0,55001	-2,84716	0,004411	0,0775703
CCDC144A	484,86	-1,45	0,510354	-2,84642	0,004421	0,0776765
DCUN1D4	78,05	-2,78	0,978257	-2,84567	0,004432	0,0777862
POLR2D	433,70	2,08	0,732526	2,842883	0,004471	0,0783845
GAPDHP42	19,85	5,78	2,033649	2,842418	0,004477	0,0783845
RF00272	7,69	5,57	1,960832	2,84227	0,004479	0,0783845
MAN1A1	308,62	1,97	0,691949	2,841852	0,004485	0,0783845
CHCHD10	44,67	-1,73	0,607459	-2,84173	0,004487	0,0783845
NAMPT	5396,07	0,71	0,249959	2,839279	0,004522	0,0789152
RP11-77C3.3	1,61	-3,82	1,346283	-2,83899	0,004526	NA
HHLA2	6,83	4,78	1,684184	2,838816	0,004528	0,0789558
CERS2	593,19	1,53	0,538393	2,836759	0,004557	0,0793917
AGO2	1025,26	1,93	0,681836	2,835934	0,004569	0,0795228
SRRM2	1185,48	-0,91	0,322546	-2,83449	0,00459	0,0798075
RP11-609N14.4	93,39	-1,47	0,516973	-2,83398	0,004597	0,0798615
AC010970.2	765122,98	-0,85	0,299037	-2,83234	0,004621	0,0801703
SNW1	672,18	1,17	0,4144	2,832149	0,004624	0,0801703
SGO1	21,72	3,82	1,348008	2,831531	0,004633	0,0802504
IQGAP2	1410,77	1,05	0,369241	2,830753	0,004644	0,0802981
SLC12A6	522,32	1,63	0,575253	2,830702	0,004645	0,0802981

CHPT1	279,50	1,55	0,548533	2,830449	0,004648	0,0802981
COL24A1	15,17	-3,66	1,293027	-2,82974	0,004659	0,0803449
MED9	127,88	2,64	0,931508	2,829518	0,004662	0,0803449
AC105339.1	6,05	-3,19	1,128839	-2,82898	0,00467	0,0803449
TMEM33	1179,63	1,34	0,47252	2,828903	0,004671	0,0803449
RP5-940J5.9	16,54	-1,29	0,456444	-2,82878	0,004673	0,0803449
CERK	804,08	1,40	0,496339	2,827361	0,004693	0,0806275
BCL2L14	11,13	-2,52	0,889791	-2,82683	0,004701	0,0806875
PHF12	366,97	1,92	0,678136	2,825427	0,004722	0,080878
ORC5	47,80	2,90	1,027474	2,82536	0,004723	0,080878
TOMM34	415,53	2,05	0,725169	2,825171	0,004726	0,080878
S100PBP	344,93	-1,93	0,683678	-2,82489	0,00473	0,080878
RN7SL454P	3,86	-5,45	1,928653	-2,82397	0,004743	0,0809114
RP11-96D1.5	17,24	6,16	2,183245	2,823731	0,004747	0,0809114
PSG3	7,76	-8,16	2,890363	-2,82362	0,004749	0,0809114
RP11-108B14.5	20,25	-2,19	0,776405	-2,82358	0,004749	0,0809114
JAKMIP1	11,03	-4,22	1,496124	-2,82149	0,00478	0,0812957
RP11-700J17.1	20,85	5,90	2,089859	2,821414	0,004781	0,0812957
TMEM120A	314,11	-1,24	0,439897	-2,82118	0,004785	0,0812957
NEIL1	111,34	-2,43	0,861485	-2,81988	0,004804	0,0815147
ABCC6	59,98	-2,16	0,765633	-2,81949	0,00481	0,0815147
GRHL1	15,40	-2,45	0,868701	-2,81944	0,004811	0,0815147
HNRNPLL	218,52	1,97	0,698108	2,818258	0,004829	0,0817418
RP11-38L15.2	29,71	3,12	1,108021	2,815703	0,004867	0,0823197
FAM206A	254,64	2,46	0,873645	2,814692	0,004882	0,0825041
TMEM86A	65,07	-4,20	1,491367	-2,81431	0,004888	0,0825262
ADAM8	1879,18	0,90	0,319841	2,813828	0,004896	0,0825763
CLASRP	112,93	-1,64	0,582018	-2,81194	0,004924	0,082986
DHODH	121,83	2,44	0,867685	2,81092	0,00494	0,0831755
CTA-390C10.10	27,28	-2,21	0,787628	-2,81033	0,004949	0,0832519
ARHGAP29	55,06	-1,67	0,595786	-2,80945	0,004963	0,0834065
PNMA2	33,80	2,67	0,951676	2,807542	0,004992	0,0838251
ST8SIA4	542,70	1,38	0,491101	2,806707	0,005005	0,0839671
PARK7	2109,91	0,70	0,248214	2,804785	0,005035	0,0842056
AD000092.3	8,71	5,19	1,849413	2,804589	0,005038	0,0842056
ZNF146	247,36	1,86	0,664327	2,804395	0,005041	0,0842056
SPOCK2	41,74	-3,97	1,414	-2,80431	0,005042	0,0842056
KLHL21	119,91	1,73	0,617986	2,804124	0,005045	0,0842056
ZBTB37	360,01	-2,22	0,790964	-2,80405	0,005046	0,0842056
CLEC2A	8,67	-7,75	2,763471	-2,80353	0,005055	0,0842671
CDKN3	10,76	5,44	1,942936	2,802171	0,005076	0,0844966
SLC5A12	43,38	-2,68	0,956509	-2,80207	0,005078	0,0844966
ANKRD30BP2	9,77	-3,20	1,142153	-2,80148	0,005087	0,0845373
LRP12	66,49	-2,75	0,980385	-2,80134	0,005089	0,0845373
AC008440.10	5,42	-3,25	1,160657	-2,80087	0,005096	0,0845846
GPC2	10,45	-2,38	0,848583	-2,79947	0,005119	0,0848771
CDK17	130,73	1,27	0,453476	2,797633	0,005148	0,0852512
STRIP2	8,04	-2,61	0,931348	-2,79748	0,00515	0,0852512
RALGDS	234,77	2,05	0,733399	2,797007	0,005158	0,0852991
AKAP13	3349,47	0,67	0,240953	2,796496	0,005166	0,0853584

FOLR2	105,93	-4,02	1,438889	-2,79542	0,005183	0,0855282
CNN2	1655,36	1,09	0,390481	2,79528	0,005185	0,0855282
AC096558.1	24,98	3,08	1,101854	2,794222	0,005202	0,0857326
POLD3	162,48	-2,19	0,785244	-2,79283	0,005225	0,0860241
CDC25B	198,31	-2,42	0,867698	-2,79245	0,005231	0,0860241
RPL34-AS1	9,35	-2,11	0,755775	-2,79227	0,005234	0,0860241
RN7SL163P	9,96	-2,28	0,815364	-2,7919	0,00524	0,0860464
FAM50A	365,79	-1,17	0,417775	-2,79074	0,005259	0,086191
CTB-133G6.2	5,48	-2,95	1,056406	-2,79068	0,00526	0,086191
TAGLN2	7296,30	0,74	0,265852	2,790316	0,005266	0,086191
GTF3C1	388,05	-1,74	0,624899	-2,79012	0,005269	0,086191
SYDE2	5,54	-3,08	1,105002	-2,78993	0,005272	0,086191
RP11-252B20.1	9,22	-4,51	1,616879	-2,78737	0,005314	0,0867975
RP11-447D11.3	25,27	-3,99	1,432184	-2,78627	0,005332	0,0868425
DCTN5	678,27	-1,42	0,509441	-2,7861	0,005335	0,0868425
RN7SL1	107,77	-1,51	0,541097	-2,78592	0,005338	0,0868425
RP5-984P4.6	28,98	2,45	0,879561	2,785808	0,005339	0,0868425
RP11-486O12.2	135,36	-0,83	0,296326	-2,78578	0,00534	0,0868425
TRPC6	8,13	5,49	1,971544	2,78546	0,005345	0,0868533
SLC13A5	19,64	-1,41	0,506514	-2,78458	0,00536	0,087013
LZTFL1	80,83	2,96	1,062442	2,783613	0,005376	0,0871971
NKRF	99,07	2,47	0,888094	2,783046	0,005385	0,0872337
ROCK1	1854,24	0,64	0,230152	2,782912	0,005387	0,0872337
KIAA1324	72,84	-2,84	1,021688	-2,78234	0,005397	0,0873114
FAM96A	1219,76	0,95	0,341395	2,781504	0,005411	0,0874609
APOBEC3F	53,43	2,81	1,010138	2,780865	0,005421	0,087557
SUPT16H	927,82	1,42	0,511384	2,780211	0,005432	0,0876511
ZC3H12B	24,28	-3,09	1,112006	-2,77995	0,005437	0,0876511
JADE2	160,91	-2,13	0,766898	-2,77801	0,005469	0,0881003
TRBC1	86,89	-3,27	1,17802	-2,77687	0,005489	0,0881473
GZMH	57,15	-3,75	1,351164	-2,77674	0,005491	0,0881473
RP11-154H23.5	12,71	6,29	2,266091	2,776579	0,005493	0,0881473
LAMA1	15,85	2,64	0,951034	2,776507	0,005495	0,0881473
MKKS	301,60	2,07	0,745697	2,776434	0,005496	0,0881473
RP11-618G20.1	16,67	5,11	1,842649	2,773872	0,005539	0,0887679
TRPM7	443,38	-1,32	0,475496	-2,76918	0,00562	0,0899784
WNT2B	76,57	-2,39	0,862115	-2,76848	0,005632	0,0900484
AP3S2	336,09	2,26	0,816264	2,768369	0,005634	0,0900484
GIMAP7	882,09	-1,62	0,586445	-2,76746	0,00565	0,0902233
NUMBL	34,68	2,90	1,048651	2,766285	0,00567	0,0904704
RNF170	185,05	-2,05	0,742843	-2,76459	0,0057	0,090865
TBC1D20	257,64	-1,79	0,648792	-2,76282	0,00573	0,091279
DUS4L	31,76	3,20	1,159471	2,762114	0,005743	0,0913991
MFSD14A	232,74	2,36	0,854269	2,761662	0,005751	0,0914419
CHCHD8	342,83	1,11	0,403401	2,761403	0,005755	0,0914419
USP37	142,03	2,19	0,791607	2,760659	0,005768	0,0915724
YTHDF1	363,13	1,39	0,50405	2,759951	0,005781	0,0916262
LINC00476	97,67	-1,94	0,704325	-2,75991	0,005782	0,0916262
AXDND1	12,16	4,62	1,676498	2,758683	0,005803	0,0918538
ZNF487	154,92	2,05	0,743363	2,758477	0,005807	0,0918538

RP11-397E7.5	76,45	-2,69	0,974042	-2,75826	0,005811	0,0918538
SNX19	218,55	1,68	0,6106	2,757092	0,005832	0,0921057
ZNF586	96,42	2,40	0,870803	2,756383	0,005844	0,0922274
HOMER3	22,80	-3,03	1,101062	-2,75539	0,005862	0,0924286
TMEM14C	934,73	0,82	0,298241	2,754401	0,00588	0,0926306
ZDHHC1	24,07	-3,42	1,240443	-2,7533	0,0059	0,0928633
GNPAT	371,28	1,53	0,554033	2,752733	0,00591	0,0928855
PRR5L	58,31	-2,97	1,07739	-2,75267	0,005911	0,0928855
MAL	25,28	-5,56	2,020404	-2,75136	0,005935	0,0931798
RP11-351C21.2	11,65	6,17	2,241307	2,750632	0,005948	0,0933079
RN7SKP283	13,29	6,37	2,315541	2,749302	0,005972	0,0936087
ZNF395	108,56	-1,79	0,650635	-2,74865	0,005984	0,0937168
SRSF5	3068,75	0,63	0,227654	2,747063	0,006013	0,0940914
FYB1	2466,28	-0,84	0,307424	-2,74622	0,006029	0,0942547
LINC00471	20,56	-1,95	0,710046	-2,74557	0,006041	0,0943095
RP11-403A3.2	9,75	3,28	1,196057	2,745477	0,006042	0,0943095
RP11-287A8.2	9,52	5,30	1,931176	2,744499	0,00606	0,0945118
CTD-2369P2.4	4,25	-3,10	1,130574	-2,74366	0,006076	0,0946741
RBM18	347,60	1,77	0,64431	2,742891	0,00609	0,0947971
BLOC1S3	73,68	2,98	1,087745	2,742685	0,006094	0,0947971
TNRC18	254,04	-1,35	0,49341	-2,74075	0,00613	0,0952764
FCAR	41,74	-2,66	0,96991	-2,73955	0,006152	0,0954725
HLCS	60,54	2,25	0,821207	2,739529	0,006153	0,0954725
AC147651.3	29,16	-2,71	0,989135	-2,73917	0,006159	0,0954961
RNVU1-6	69,94	2,25	0,82072	2,738545	0,006171	0,0955374
KIDINS220	906,51	-1,06	0,387691	-2,73848	0,006172	0,0955374
RP11-295K3.1	7,32	-6,95	2,53718	-2,73794	0,006182	0,0956151
L1CAM	26,58	-9,11	3,328317	-2,7373	0,006195	0,0957228
NUDCD2	453,28	1,96	0,716192	2,736147	0,006216	0,0959207
EVA1C	66,96	-3,12	1,140764	-2,73607	0,006218	0,0959207
RP11-1195F20.2	5,85	-4,75	1,737685	-2,7348	0,006242	0,0961459
PIAS1	1279,86	-1,01	0,369493	-2,73456	0,006246	0,0961459
RP11-20D14.6	80,74	-2,22	0,811602	-2,73448	0,006248	0,0961459
RP11-575L7.8	10,69	2,60	0,952702	2,734165	0,006254	0,0961597
RP11-34P13.7	17,40	-1,78	0,650199	-2,73336	0,006269	0,0963152
TAP2	510,21	-1,84	0,673498	-2,73264	0,006283	0,096447
PCED1A	205,90	-1,38	0,506034	-2,73199	0,006295	0,0965588
LTC4S	68,83	2,86	1,048054	2,731641	0,006302	0,0965802
KIF25	16,34	-2,52	0,924467	-2,73078	0,006318	0,0967084
USP27X	7,19	-2,28	0,836328	-2,73051	0,006324	0,0967084
NEO1	3,88	-5,42	1,983981	-2,73039	0,006326	0,0967084
AP000936.1	29,49	2,31	0,845921	2,729749	0,006338	0,0968172
MZB1	18,55	-1,58	0,580133	-2,72925	0,006348	0,0968832
CDC40	540,99	-0,78	0,287209	-2,72767	0,006378	0,0972699
TNFSF9	27,81	3,25	1,191592	2,726819	0,006395	0,0974409
RP11-97E7.1	2,96	4,19	1,536208	2,726164	0,006408	NA
WDR26	733,66	1,13	0,413993	2,725955	0,006412	0,0975529
CTD-3105H18.7	14,22	5,88	2,155517	2,7259	0,006413	0,0975529
EID3	67,74	3,49	1,280137	2,72495	0,006431	0,0977073
PIP5K1B	37,34	3,74	1,373155	2,724838	0,006433	0,0977073

PFN1	20638,67	0,42	0,152575	2,724415	0,006442	0,0977276
ZNF211	51,82	2,96	1,087926	2,724053	0,006449	0,0977276
TC2N	54,61	-4,57	1,679459	-2,72396	0,00645	0,0977276
WBSR22	849,05	0,97	0,355585	2,723483	0,00646	0,09779
DERL2	328,28	1,75	0,641986	2,722798	0,006473	0,0979133
ZNF778	103,43	2,85	1,046988	2,720582	0,006517	0,0984918
ANGEL1	73,41	3,25	1,195544	2,71955	0,006537	0,0987194
RP11-1114A5.4	87,43	-0,90	0,33015	-2,71829	0,006562	0,0990156
PRKAA2	6,70	-3,17	1,167161	-2,71779	0,006572	0,0990156
CTD-2553L13.4	5,78	-3,11	1,14371	-2,71748	0,006578	0,0990156
FNIP1	561,87	1,18	0,43551	2,717401	0,00658	0,0990156
PTGDS	18,83	-2,26	0,831325	-2,71722	0,006583	0,0990156
ZNF630	42,81	-3,01	1,108726	-2,71652	0,006597	0,0991437
TMEM9B-AS1	13,64	4,73	1,742511	2,714279	0,006642	0,0997376
RP11-186N15.3	27,59	-2,63	0,970607	-2,71385	0,006651	0,099785
AP000330.8	12,54	-4,17	1,538434	-2,71307	0,006666	0,0998769
UCK2	255,70	2,18	0,803119	2,713015	0,006667	0,0998769
SAE1	308,27	1,59	0,587257	2,712438	0,006679	0,0999436
PPIP5K2	737,49	0,74	0,272855	2,71226	0,006683	0,0999436
CDK2AP2	814,01	0,85	0,313123	2,711207	0,006704	0,1001813
RP13-212L9.1	20,22	-1,45	0,534043	-2,71086	0,006711	0,1002071
RP11-503C24.4	6,43	-2,31	0,852002	-2,70894	0,00675	0,1007072
MIR1255B2	8,76	4,59	1,695031	2,708502	0,006759	0,1007589
STK4	2172,29	0,96	0,355213	2,706998	0,006789	0,1011353
RP11-265O12.1	5,62	-2,30	0,850272	-2,70647	0,0068	0,1011771
RP11-53B2.2	86,34	2,04	0,75251	2,70633	0,006803	0,1011771
RP11-203J24.8	8,42	-3,56	1,316899	-2,70517	0,006827	0,1014494
AL353997.4	3,40	3,71	1,369914	2,704971	0,006831	NA
PRDM15	146,49	2,26	0,834862	2,704732	0,006836	0,1015027
HDDC3	206,33	2,07	0,763902	2,704009	0,006851	0,1015939
NDST2	288,60	-1,23	0,455948	-2,70349	0,006862	0,1015939
RNU6-681P	35,71	4,60	1,703003	2,703405	0,006863	0,1015939
C3orf14	25,75	4,46	1,648747	2,703375	0,006864	0,1015939
CH507-154B10.1	8,27	-2,67	0,986934	-2,70291	0,006874	0,1016556
HLA-DMB	8653,19	0,74	0,273562	2,702242	0,006887	0,1017786
KIAA0513	240,34	-1,69	0,627307	-2,70079	0,006918	0,1021436
SYNE2	155,35	-2,10	0,779179	-2,70047	0,006924	0,1021603
SLAMF7	144,14	1,99	0,737062	2,698776	0,00696	0,1026003
Z83851.1	15,43	6,57	2,436545	2,697748	0,006981	0,1028128
MNDA	3476,85	-0,63	0,234791	-2,69756	0,006985	0,1028128
PLGLB1	62,68	2,89	1,072048	2,697134	0,006994	0,102863
C9orf153	3,61	4,35	1,614445	2,696612	0,007005	NA
MAPK7	58,82	2,46	0,911737	2,696572	0,007006	0,1029554
MRC1	967,99	1,68	0,621496	2,696274	0,007012	0,1029663
NEB	71,16	-2,66	0,985071	-2,69554	0,007027	0,1031111
NCAPG	26,90	3,36	1,248271	2,695203	0,007035	0,1031349
C11orf1	88,08	1,76	0,653075	2,69461	0,007047	0,1032372
ADAMT5	39,97	-6,21	2,304716	-2,69392	0,007062	0,1033701
CTD-2554C21.2	134,96	2,05	0,762525	2,692574	0,00709	0,1036392
NFKB1	1149,49	1,07	0,397244	2,692528	0,007091	0,1036392

BLM	50,32	3,26	1,210369	2,692032	0,007102	0,1036588
S100A13	98,47	-2,16	0,80397	-2,69105	0,007123	0,1036588
TCTN3	474,18	1,61	0,598575	2,690808	0,007128	0,1036588
RP11-680F20.10	15,32	-4,08	1,516489	-2,69058	0,007133	0,1036588
RP11-681B3.4	10,57	-2,27	0,842905	-2,69058	0,007133	0,1036588
POT1	97,48	2,94	1,091651	2,690456	0,007135	0,1036588
OGFOD2	103,18	2,02	0,750285	2,690172	0,007142	0,1036588
NUAK2	135,48	1,87	0,696255	2,690169	0,007142	0,1036588
FAM138A	16,34	-2,17	0,806963	-2,69012	0,007143	0,1036588
RALY	805,23	0,90	0,334754	2,689757	0,00715	0,1036893
RP11-166B2.8	20,12	6,41	2,384534	2,689154	0,007163	0,1037959
COBLL1	71,85	-3,15	1,171638	-2,68865	0,007174	0,1038724
SLC16A13	8,85	-6,14	2,285532	-2,68819	0,007184	0,1039354
RP11-465B22.3	26,54	2,81	1,046357	2,687911	0,00719	0,1039402
MIR1248	33,21	-2,04	0,759931	-2,68656	0,007219	0,1042791
CACNA2D3	979,88	1,50	0,558933	2,68594	0,007233	0,104393
RP11-305I9.1	54,94	2,50	0,931566	2,685321	0,007246	0,1044033
RP11-69P2.1	17,11	-1,49	0,55315	-2,68519	0,007249	0,1044033
CDH20	6,94	-6,36	2,367853	-2,68452	0,007263	0,1044033
RP11-848P1.3	7,00	2,72	1,013878	2,684281	0,007269	0,1044033
RMND5A	596,50	2,07	0,770199	2,684269	0,007269	0,1044033
RP11-700A24.1	29,42	-1,63	0,608321	-2,68411	0,007272	0,1044033
TES	1189,40	0,95	0,353977	2,684097	0,007273	0,1044033
RP11-509J21.1	17,80	-2,69	1,000669	-2,68343	0,007287	0,1045326
HLA-A	4946,56	-0,51	0,189441	-2,68245	0,007309	0,1047574
PTCH2	58,52	-1,18	0,439673	-2,68129	0,007334	0,105041
IL32	123,59	-2,94	1,098413	-2,68022	0,007357	0,1052953
PTGES3L-AARSD1	13,01	4,28	1,597883	2,679854	0,007365	0,1053296
EXPH5	66,20	2,16	0,80759	2,678751	0,00739	0,105596
VPS36	512,02	-1,01	0,37614	-2,67788	0,007409	0,1057458
CDH23	229,62	-1,39	0,518751	-2,67755	0,007416	0,1057458
ZSCAN32	64,36	-3,43	1,281355	-2,6772	0,007424	0,1057458
RP11-184I16.2	6,53	-2,96	1,105282	-2,67684	0,007432	0,1057458
MTCH1	781,57	1,22	0,455191	2,676795	0,007433	0,1057458
AC000403.4	30,61	2,42	0,905809	2,676736	0,007434	0,1057458
LAMP5	53,15	3,30	1,235428	2,675065	0,007471	0,1061932
CRHBP	23,94	-4,19	1,567103	-2,67381	0,007499	0,1064456
RP11-114N19.3	107,97	-1,41	0,527328	-2,67352	0,007506	0,1064456
CCNF	67,51	-1,68	0,628789	-2,6735	0,007506	0,1064456
RP11-274B21.3	38,49	2,34	0,877168	2,673062	0,007516	0,1065037
ANAPC11	853,58	-0,63	0,235438	-2,67274	0,007524	0,1065261
AC144521.1	20,31	4,05	1,515924	2,672353	0,007532	0,1065668
UPK1B	2,73	-3,04	1,136283	-2,672	0,00754	NA
CLEC12B	89,97	3,13	1,17206	2,670363	0,007577	0,1071192
RP3-455J7.4	19,26	-1,74	0,652912	-2,66971	0,007592	0,1072455
HSPD1	1293,07	0,80	0,298324	2,66931	0,007601	0,1072926
TFAM	333,19	1,37	0,51445	2,667981	0,007631	0,1076361
RP11-521L9.2	8,97	4,62	1,733088	2,667692	0,007637	0,1076395
RP11-36B15.1	5,21	-6,25	2,341493	-2,66734	0,007645	0,1076395
AC000095.6	21,63	2,62	0,980509	2,667207	0,007648	0,1076395

RP11-110L15.2	3,59	-4,60	1,725606	-2,6665	0,007665	NA
ROCK2	491,37	1,58	0,592193	2,666195	0,007672	0,1078825
IDUA	76,78	2,34	0,876662	2,66563	0,007684	0,1079021
RARRES3	467,41	-1,29	0,482138	-2,66563	0,007685	0,1079021
RGL2	502,59	1,04	0,391923	2,66457	0,007709	0,1081399
FAM84B	12,51	-3,39	1,272696	-2,66438	0,007713	0,1081399
PLEKHF1	6,22	-7,43	2,792582	-2,66172	0,007774	0,1088152
PTPN22	330,17	1,06	0,399568	2,661565	0,007778	0,1088152
MT-TK	10,85	-1,76	0,662398	-2,66151	0,007779	0,1088152
TTC17	764,72	1,08	0,406431	2,661269	0,007785	0,1088152
MYO18A	377,41	1,59	0,597144	2,661018	0,00779	0,1088152
RP11-48O20.4	23,32	-2,03	0,763353	-2,66059	0,0078	0,1088722
RP11-262H14.1	198,30	-1,41	0,531062	-2,65952	0,007825	0,1089713
PABPC4	1291,33	0,89	0,33379	2,659347	0,007829	0,1089713
CAPN3	262,38	1,64	0,61646	2,659117	0,007835	0,1089713
VPS8	368,28	-1,51	0,566309	-2,65906	0,007836	0,1089713
FUCA2	347,35	1,38	0,518081	2,659022	0,007837	0,1089713
HEPACAM	15,82	-1,17	0,439532	-2,65813	0,007858	0,1090817
CCNYL1	134,66	1,76	0,662071	2,657871	0,007864	0,1090817
AC137932.4	76,56	-1,63	0,612059	-2,65766	0,007869	0,1090817
SLC7A6	374,65	1,65	0,619534	2,657466	0,007873	0,1090817
C22orf29	60,35	2,93	1,102683	2,657423	0,007874	0,1090817
KCTD19	37,95	-2,55	0,960429	-2,65603	0,007907	0,1093946
PAQR4	11,52	4,67	1,759078	2,655956	0,007908	0,1093946
RP11-308K2.1	1,28	-3,30	1,242021	-2,65593	0,007909	NA
AC017006.2	17,29	4,10	1,544252	2,655249	0,007925	0,1095426
STRAP	1039,68	0,93	0,351281	2,654956	0,007932	0,1095564
LSP1	3264,14	0,74	0,279021	2,654513	0,007942	0,1096191
CTF1	5,62	-2,25	0,847455	-2,6527	0,007985	0,1100131
CASD1	86,90	2,34	0,883864	2,652679	0,007986	0,1100131
RP11-770J1.5	125,89	3,53	1,330085	2,652388	0,007992	0,1100131
GXYLT2	11,49	-2,67	1,00761	-2,65225	0,007996	0,1100131
AC009303.2	38,94	3,43	1,293776	2,652046	0,008001	0,1100131
ZKSCAN3	65,66	-2,42	0,912585	-2,6518	0,008006	0,1100131
LUC7L2	730,83	0,90	0,338886	2,650752	0,008031	0,1102744
NDUFB1	233,21	-0,93	0,349553	-2,64999	0,008049	0,1104431
ZNF793	31,96	-1,46	0,549556	-2,64933	0,008065	0,1105458
PSMD12	456,58	1,30	0,49086	2,649175	0,008069	0,1105458
PCIF1	368,43	1,28	0,482003	2,648806	0,008078	0,110585
FAM225B	4,55	-4,21	1,58964	-2,6479	0,008099	0,1106331
TATDN2	254,06	1,54	0,581246	2,647506	0,008109	0,1106331
INHBA	36,37	2,87	1,08412	2,647387	0,008112	0,1106331
PDZD7	66,45	-1,86	0,703607	-2,64724	0,008115	0,1106331
RP11-64P12.3	33,00	-2,55	0,963184	-2,64682	0,008125	0,1106331
RP11-52J3.3	13,68	6,40	2,419086	2,646641	0,00813	0,1106331
RP11-527L4.5	4,80	4,85	1,833094	2,646464	0,008134	0,1106331
EHMT2	271,00	-1,58	0,598911	-2,64637	0,008136	0,1106331
RP11-747H7.3	47,49	-2,45	0,924236	-2,64633	0,008137	0,1106331
RP11-966I7.1	4,84	-3,25	1,229139	-2,64575	0,008151	0,1106331
NAPA-AS1	35,05	-3,19	1,20557	-2,6457	0,008152	0,1106331

C17orf80	50,72	3,59	1,357145	2,645284	0,008162	0,1106331
SIK1	186,82	1,89	0,714607	2,645203	0,008164	0,1106331
HAVCR2	993,90	0,90	0,339413	2,645193	0,008164	0,1106331
OR2A42	4,70	-4,69	1,774593	-2,64436	0,008184	0,1108241
AC092171.2	3,66	-2,39	0,905705	-2,64273	0,008224	NA
BRCA2	134,74	2,16	0,816223	2,642363	0,008233	0,1113997
SBK1	17,34	-1,65	0,625724	-2,64017	0,008286	0,1120383
PTGR2	84,39	-1,24	0,468635	-2,63993	0,008292	0,1120383
RP11-1018N14.5	142,01	-2,21	0,838752	-2,63884	0,008319	0,1120865
TOPBP1	302,65	1,93	0,733	2,63881	0,00832	0,1120865
ENHO	581,70	1,44	0,546308	2,638276	0,008333	0,1120865
AC017099.3	88,22	-1,69	0,642382	-2,63823	0,008334	0,1120865
RP11-220I1.1	605,90	-1,81	0,686097	-2,63812	0,008337	0,1120865
LTB	238,35	-1,63	0,619578	-2,63794	0,008341	0,1120865
RP11-69E11.8	12,36	3,38	1,28176	2,637867	0,008343	0,1120865
CCL16	7,92	-1,60	0,604911	-2,63778	0,008345	0,1120865
MT-ND4L	18000,71	-0,84	0,31931	-2,63758	0,00835	0,1120865
MAP3K14	333,00	1,20	0,45628	2,635696	0,008396	0,1124793
ZFYVE21	128,76	2,93	1,11044	2,635556	0,0084	0,1124793
MT-RNR1	122171,54	-0,70	0,267006	-2,6355	0,008401	0,1124793
LINC00173	89,05	2,33	0,883682	2,63533	0,008406	0,1124793
RP11-113D6.10	79,77	2,32	0,882012	2,634936	0,008415	0,1124793
IFT57	324,52	1,65	0,625482	2,634845	0,008418	0,1124793
TRIM5	267,82	1,50	0,569287	2,63451	0,008426	0,1124793
AMMECR1	187,15	-2,23	0,847283	-2,63444	0,008428	0,1124793
LYL1	60,54	-1,88	0,713016	-2,63387	0,008442	0,1125883
RNU6-82P	12,11	2,75	1,046124	2,633006	0,008463	0,1127933
UBASH3A	3,86	-5,58	2,118165	-2,63208	0,008486	0,1130203
CBFA2T3	189,06	1,16	0,439151	2,631802	0,008493	0,1130319
ARPC2	10069,65	0,54	0,206269	2,63128	0,008506	0,1131247
FAM189B	100,91	2,10	0,796768	2,629884	0,008541	0,1134478
LUC7L3	1641,90	-0,80	0,303907	-2,62982	0,008543	0,1134478
C4orf26	17,01	-1,99	0,757257	-2,62926	0,008557	0,1135559
DTX4	137,26	2,21	0,83963	2,628832	0,008568	0,1136174
KDM5C	215,40	2,23	0,850197	2,627942	0,00859	0,1138338
POLK	474,00	1,18	0,448067	2,627645	0,008598	0,1138523
EIF2B1	437,88	1,48	0,563168	2,627024	0,008614	0,1139792
RP11-890B15.3	58,21	3,74	1,422398	2,626318	0,008631	0,1140672
ABCA11	7,90	5,04	1,92075	2,626277	0,008632	0,1140672
PGK1	3994,62	0,73	0,277363	2,625434	0,008654	0,1142691
HIST4H4	39,37	-2,52	0,9605	-2,62465	0,008674	0,1144495
DHX35	122,44	2,74	1,043961	2,622887	0,008719	0,1149637
ZNF275	112,21	2,73	1,039637	2,621849	0,008745	0,115175
ANKRA2	94,10	2,22	0,846785	2,62155	0,008753	0,115175
STARD7	1641,76	0,72	0,274191	2,621537	0,008753	0,115175
PCSK2	5,14	-3,01	1,146536	-2,62122	0,008761	0,1151996
SALRNA3	14,81	-2,44	0,932078	-2,62042	0,008782	0,1153913
AC016747.3	91,53	-1,10	0,419489	-2,61878	0,008824	0,1157977
BASP1	323,41	1,17	0,445934	2,618735	0,008826	0,1157977
MIS18A	76,79	2,84	1,085071	2,616654	0,00888	0,1164238

LIMS2	1,47	-4,87	1,863073	-2,61584	0,008901	NA
RP11-529K1.2	6,51	-3,56	1,360101	-2,61527	0,008916	0,116814
CTD-2335A18.1	1,22	-3,84	1,46992	-2,61496	0,008924	NA
OTUD5	248,29	-1,55	0,593915	-2,61474	0,00893	0,1169031
KLF3	953,33	-1,02	0,391298	-2,61453	0,008935	0,1169031
KRT8	30,38	-1,51	0,578655	-2,61406	0,008947	0,1169828
RP11-591N1.1	1595,24	-0,66	0,25362	-2,61322	0,008969	0,1170829
RP11-1028N23.4	8,48	-2,87	1,097378	-2,61297	0,008976	0,1170829
MST1	10,58	5,99	2,291078	2,612642	0,008985	0,1170829
TPMT	411,56	1,29	0,494353	2,612542	0,008987	0,1170829
RP11-566E18.3	7,27	3,85	1,47196	2,6125	0,008988	0,1170829
C19orf52	18,54	2,15	0,822444	2,612327	0,008993	0,1170829
RP11-887P2.1	53,97	-1,22	0,467071	-2,61108	0,009026	0,1174291
VPS54	340,96	1,83	0,702726	2,610603	0,009038	0,1175102
GBP5	135,35	-2,66	1,019918	-2,60946	0,009069	0,1178226
DCBLD2	102,66	2,58	0,987706	2,608874	0,009084	0,1179408
LARP4B	1159,17	1,15	0,441167	2,608322	0,009099	0,1180204
RP11-83C7.3	11,61	2,92	1,118055	2,608166	0,009103	0,1180204
CHCHD5	233,11	-1,08	0,414324	-2,60771	0,009115	0,118096
RP1-257A7.4	187,83	1,69	0,64998	2,606469	0,009148	0,1181831
RP11-87N24.3	34,28	-1,23	0,470854	-2,60631	0,009152	0,1181831
PTTG1IP	1395,01	0,81	0,309072	2,606034	0,00916	0,1181831
MAGI1	26,00	-4,02	1,540727	-2,60602	0,00916	0,1181831
CAPZB	1717,23	0,97	0,370352	2,605721	0,009168	0,1181831
RP11-285A1.1	6,35	-2,10	0,806588	-2,60569	0,009169	0,1181831
SAMD8	459,41	1,44	0,553419	2,605639	0,00917	0,1181831
KDR	9,19	-3,92	1,504379	-2,6055	0,009174	0,1181831
NCR3	11,46	-4,61	1,768789	-2,60519	0,009182	0,1181831
CNNM4	66,75	3,55	1,363469	2,605079	0,009185	0,1181831
ZNF573	33,14	1,95	0,750091	2,604604	0,009198	0,1182652
NADK2	201,51	-1,47	0,564845	-2,60423	0,009208	0,118306
CCDC124	316,59	1,05	0,402677	2,604012	0,009214	0,118306
PARP15	204,92	-1,96	0,752103	-2,60338	0,009231	0,1183728
RP11-360A9.2	9,63	2,76	1,060603	2,603346	0,009232	0,1183728
PLAG1	27,97	-1,40	0,53807	-2,60275	0,009248	0,1184634
ASGR2	767,20	-1,08	0,415091	-2,60261	0,009252	0,1184634
GLG1	1530,88	0,98	0,377375	2,601597	0,009279	0,1187328
RBBP9	108,35	1,92	0,736324	2,600961	0,009296	0,1188712
MBOAT1	34,21	3,81	1,464875	2,60027	0,009315	0,1189998
PHTF2	262,20	1,57	0,603812	2,600119	0,009319	0,1189998
GLIPR1	3394,67	0,98	0,376228	2,599548	0,009335	0,1191163
MT-ND6	5528,38	-0,64	0,246598	-2,59881	0,009355	0,1192666
CYP2B6	11,05	-1,80	0,692698	-2,59864	0,009359	0,1192666
ZBTB38	274,68	1,45	0,557385	2,598209	0,009371	0,1193361
TUBGCP3	301,90	1,60	0,617558	2,597492	0,009391	0,1195037
EEF1A1P30	19,36	-4,55	1,754628	-2,59443	0,009475	0,1204154
ENG	304,29	-1,85	0,713366	-2,59441	0,009475	0,1204154
DHRS1	426,07	-1,58	0,607939	-2,59376	0,009493	0,1205381
LACTB2	91,21	1,91	0,737157	2,593592	0,009498	0,1205381
C1QBP	1322,23	0,98	0,376066	2,592892	0,009517	0,1206677

XPO1	1028,77	-0,74	0,284624	-2,59252	0,009528	0,1206677
PLK4	35,55	-4,58	1,766808	-2,59246	0,009529	0,1206677
ATL1	9,15	-1,77	0,684641	-2,59228	0,009534	0,1206677
SLC35F5	154,35	-1,52	0,584605	-2,59185	0,009546	0,1207392
RANBP2	1592,75	1,19	0,460411	2,591137	0,009566	0,1209064
CTB-131B5.5	36,91	-2,11	0,813269	-2,5907	0,009578	0,1209459
WFDC1	53,25	-1,15	0,442108	-2,59056	0,009582	0,1209459
MSANTD4	192,04	-2,99	1,153356	-2,58848	0,00964	0,1213739
TLR3	18,94	2,62	1,012909	2,588375	0,009643	0,1213739
CH17-335B8.6	6,67	3,68	1,422331	2,588036	0,009652	0,1213739
RP1-209A6.1	24,82	3,46	1,338037	2,587961	0,009655	0,1213739
EFCAB14	803,82	1,26	0,486684	2,587817	0,009659	0,1213739
AC093627.10	117,21	2,20	0,851714	2,587798	0,009659	0,1213739
RP11-5N23.2	41,73	-2,60	1,003095	-2,58771	0,009662	0,1213739
LST1	2739,02	-0,40	0,152847	-2,58741	0,00967	0,1213974
DOK3	80,98	-2,70	1,043313	-2,58677	0,009688	0,121542
SPACA3	2,04	-3,58	1,383744	-2,58581	0,009715	NA
MALT1	1116,57	1,43	0,551526	2,585173	0,009733	0,121874
SEM1	668,14	-0,71	0,273758	-2,58514	0,009734	0,121874
MAP3K6	82,64	-2,09	0,809641	-2,58513	0,009734	0,121874
TYMP	3640,44	-1,31	0,506558	-2,58444	0,009754	0,1220106
ZBTB39	19,50	3,47	1,344656	2,584281	0,009758	0,1220106
AOX2P	5,43	-2,78	1,077324	-2,58312	0,009791	0,1221821
CELSR1	16,57	-5,12	1,980734	-2,58311	0,009792	0,1221821
GSDMA	9,69	-1,54	0,596556	-2,5831	0,009792	0,1221821
PIK3CA	337,15	-1,49	0,575941	-2,58238	0,009812	0,1222396
CENPF	91,86	-1,90	0,734136	-2,58236	0,009813	0,1222396
RP11-499E14.1	5,52	-2,02	0,78344	-2,58204	0,009822	0,1222396
RP11-410C4.5	136,47	-1,97	0,762799	-2,58202	0,009823	0,1222396
ALPK2	31,14	2,99	1,157388	2,581497	0,009837	0,1223413
RAD51AP1	3,80	4,64	1,79728	2,581028	0,009851	0,122426
C19orf66	283,81	1,27	0,491551	2,58051	0,009865	0,122514
RP11-65J3.1	61,96	-2,60	1,006824	-2,58032	0,009871	0,122514
ZNF777	2,89	-4,65	1,802661	-2,57993	0,009882	NA
GALNT15	17,93	4,59	1,780089	2,579782	0,009886	0,1226226
SOX9-AS1	10,53	-2,96	1,149512	-2,57874	0,009916	0,1229118
MIR4312	3,86	-5,94	2,303621	-2,57826	0,00993	0,1229916
OMA1	213,56	-1,89	0,73257	-2,57805	0,009936	0,1229916
CTD-2568A17.3	136,44	1,63	0,630563	2,577718	0,009946	0,1230187
DNAI2	9,21	5,86	2,273661	2,577518	0,009951	0,1230187
RP11-587D21.5	5,81	-3,42	1,326554	-2,57716	0,009962	0,1230643
COL9A3	6,51	4,74	1,841428	2,576309	0,009986	0,1232143
RP11-171A24.3	3,82	4,57	1,773235	2,576281	0,009987	0,1232143
C4orf22	4,58	-2,74	1,0639	-2,57545	0,010011	0,1234277
KLF2	534,29	-1,03	0,399204	-2,57407	0,010051	0,1238399
RRM2	87,77	3,03	1,176501	2,573078	0,01008	0,1240759
RP11-546B8.5	1,70	-4,00	1,555867	-2,57294	0,010084	NA
TMOD3	789,40	-1,34	0,520216	-2,57279	0,010088	0,1240759
RP11-416I2.1	4,77	-2,79	1,0836	-2,57273	0,01009	0,1240759
EZR	3149,77	0,62	0,241847	2,571217	0,010134	0,1245351

THRAP3	1280,61	0,70	0,270887	2,570612	0,010152	0,1246705
RP11-21M24.1	86,31	1,90	0,739669	2,570078	0,010168	0,1247292
VPS13D	434,16	1,26	0,490691	2,569993	0,01017	0,1247292
MYL12A	8584,50	0,51	0,199451	2,568742	0,010207	0,1250976
CCDC50	941,89	1,20	0,467798	2,567941	0,01023	0,1253046
CH17-472G23.4	114,59	2,60	1,012617	2,567081	0,010256	0,1255333
DYNC2LI1	94,91	2,58	1,006132	2,56645	0,010275	0,1256768
DYRK2	448,77	1,88	0,732778	2,566228	0,010281	0,1256768
KDM2A	1091,50	1,01	0,395023	2,565471	0,010304	0,1257717
RP5-1184F4.7	10,99	-1,67	0,652921	-2,56531	0,010308	0,1257717
RP1-180E22.3	17,01	4,47	1,742221	2,565282	0,010309	0,1257717
CTNS	123,46	-2,15	0,837834	-2,565	0,010318	0,1257717
KB-1410C5.2	6,71	-2,94	1,145063	-2,56483	0,010323	0,1257717
CLEC7A	2258,03	-0,66	0,257534	-2,56368	0,010357	0,1261062
NDUFAB1	815,97	0,69	0,269494	2,563074	0,010375	0,1262436
C19orf47	73,25	-2,53	0,986636	-2,56272	0,010385	0,1262492
SLC25A19	243,48	1,62	0,631131	2,562395	0,010395	0,1262492
RP11-642A1.2	7,80	5,01	1,954754	2,562378	0,010396	0,1262492
NRDE2	305,69	-1,73	0,676139	-2,56186	0,010411	0,1263557
FCRL1	45,00	-2,25	0,878505	-2,56064	0,010448	0,1266928
CELF5	12,02	1,63	0,638072	2,560322	0,010458	0,1266928
RP11-433M22.2	6,04	-1,98	0,77447	-2,56025	0,01046	0,1266928
PLK5	16,05	-1,51	0,588286	-2,55971	0,010476	0,1268081
ACAP3	125,65	-1,31	0,51372	-2,55895	0,010499	0,1270031
PARS2	2,96	-6,36	2,488266	-2,55737	0,010547	NA
MANF	149,56	1,58	0,616718	2,557308	0,010549	0,1274205
CHST3	8,65	-2,34	0,913952	-2,55721	0,010551	0,1274205
GRASP	576,62	1,60	0,624432	2,557133	0,010554	0,1274205
RPL28	2293,13	-0,73	0,283822	-2,55682	0,010563	0,1274537
NET1	188,60	2,11	0,825675	2,556425	0,010575	0,1275147
PSMA2	1662,58	0,65	0,254348	2,555175	0,010613	0,1278906
FAM173A	188,34	-1,28	0,502145	-2,55492	0,010621	0,1279032
RP4-594I10.3	7,50	5,55	2,170562	2,554669	0,010629	0,127911
RBPJ	2426,93	0,74	0,289586	2,554401	0,010637	0,1279268
DEDD	566,28	1,08	0,422539	2,553783	0,010656	0,1279386
TAF2	207,68	1,33	0,519953	2,553718	0,010658	0,1279386
CPEB2	409,51	-1,97	0,771547	-2,55369	0,010659	0,1279386
AC087590.3	261,42	2,39	0,935631	2,553132	0,010676	0,1280627
GOLGA6L5	9,98	5,35	2,094495	2,552879	0,010684	0,1280731
AC008074.3	2,69	-3,11	1,218187	-2,55258	0,010693	NA
PRDM1	403,51	1,94	0,758543	2,55148	0,010727	0,1284294
TMEM251	118,79	3,16	1,238499	2,551462	0,010727	0,1284294
RP11-575A19.2	17,84	-2,38	0,934732	-2,5512	0,010735	0,128445
PTPN2	1081,90	0,82	0,319977	2,550831	0,010747	0,128497
PCDHGA10	8,48	-1,49	0,58572	-2,55047	0,010758	0,1285493
STUB1	388,63	-1,32	0,517323	-2,54991	0,010775	0,1286706
GTF2H3	175,56	2,14	0,839395	2,547934	0,010836	0,1293195
SCMH1	97,62	3,28	1,287289	2,54703	0,010864	0,1295715
RP11-384C4.2	2,26	-5,31	2,082964	-2,54703	0,010864	NA
CD3D	46,67	-3,24	1,272174	-2,54681	0,010871	0,1295715

CLP1	64,35	3,26	1,278879	2,546441	0,010883	0,1296247
C12orf65	543,74	-1,35	0,530102	-2,54613	0,010892	0,129657
AC008937.2	17,30	-2,29	0,901083	-2,54536	0,010916	0,1298598
LDHA	3569,90	0,78	0,307182	2,544009	0,010959	0,1302806
RP11-193J6.1	2,32	-2,62	1,032185	-2,54264	0,011002	NA
RP11-731J8.1	9,08	-7,53	2,963077	-2,54223	0,011015	0,1307509
KNTC1	114,95	-1,76	0,690806	-2,54213	0,011018	0,1307509
AL928654.7	12,33	-2,06	0,812058	-2,54208	0,011019	0,1307509
MSH2	100,43	2,53	0,994464	2,541338	0,011043	0,1309452
NBPF15	108,33	-1,23	0,484232	-2,54068	0,011064	0,1310319
G6PD	59,47	1,48	0,580986	2,540662	0,011064	0,1310319
CD300LB	412,39	1,20	0,472136	2,540247	0,011077	0,131104
DSCR3	403,64	1,28	0,504469	2,538795	0,011123	0,1314257
RP11-804H8.6	44,37	2,87	1,128991	2,538718	0,011126	0,1314257
ITPRIP	374,67	1,33	0,522559	2,538691	0,011127	0,1314257
PIGT	990,11	-0,67	0,264517	-2,5385	0,011133	0,1314257
KLF17	2,68	-2,86	1,126138	-2,5371	0,011178	NA
PLEKHA7	63,34	-4,33	1,708296	-2,53666	0,011192	0,1319616
ZNF350	184,61	1,72	0,676594	2,536632	0,011192	0,1319616
ELAVL4	13,62	6,55	2,581525	2,536061	0,011211	0,1320247
RCOR3	476,96	1,62	0,639149	2,536021	0,011212	0,1320247
C14orf166	953,05	0,75	0,293948	2,534759	0,011252	0,1324176
FAM69C	1,80	-3,64	1,436779	-2,53368	0,011287	NA
FCGR1B	51,27	-3,23	1,273092	-2,53357	0,011291	0,1327829
C2orf88	13,90	-1,30	0,514435	-2,53325	0,011301	0,1328219
ERCC2	173,92	2,25	0,889649	2,532874	0,011313	0,1328459
NOP9	120,66	-2,26	0,890865	-2,53265	0,01132	0,1328459
CS	1021,78	0,98	0,387159	2,532521	0,011325	0,1328459
INSIG1	997,09	1,08	0,42508	2,531687	0,011352	0,1330781
TRAK2	288,09	-1,98	0,784252	-2,53071	0,011383	0,1333338
BAG2	38,40	3,02	1,19411	2,530572	0,011388	0,1333338
CTD-2231E14.2	3,60	-2,20	0,867855	-2,53006	0,011404	NA
RN7SL834P	8,45	3,40	1,342572	2,52989	0,01141	0,1335092
BMS1P1	195,43	1,31	0,517497	2,529419	0,011425	0,1336047
MT-TG	3,27	-2,52	0,99491	-2,52922	0,011432	NA
PYGO1	3,82	-2,03	0,803708	-2,52876	0,011447	0,1337732
RP11-886P16.3	15,83	-2,92	1,1537	-2,52804	0,01147	0,1339618
VARS	397,75	1,48	0,587568	2,526257	0,011529	0,1345595
RP11-974F13.5	38,70	2,03	0,804966	2,525978	0,011538	0,1345819
CATIP	59,01	-1,59	0,630197	-2,52549	0,011554	0,1346801
BRD7	1044,46	0,78	0,308545	2,525187	0,011564	0,1346801
TRMT112	1276,43	-0,59	0,23398	-2,52499	0,01157	0,1346801
BIN2	548,19	-1,09	0,430086	-2,52484	0,011575	0,1346801
STX7	1218,52	0,99	0,390853	2,523611	0,011616	0,1349372
PABPC1	14853,59	0,38	0,148626	2,5234	0,011623	0,1349372
RN7SL460P	3,90	-2,52	0,999782	-2,5234	0,011623	0,1349372
SPNS3	557,23	1,42	0,561104	2,523293	0,011626	0,1349372
RERG	11,02	-1,66	0,657673	-2,52268	0,011646	0,1350878
VARS2	46,06	2,13	0,845912	2,522449	0,011654	0,1350931
PPP1R3G	6,31	-3,77	1,494267	-2,52093	0,011704	0,1355914

ATXN7L1	138,08	2,24	0,889511	2,520539	0,011718	0,1356594
CTA-215D11.5	18,84	-2,43	0,963815	-2,51978	0,011743	0,1358683
TMEM80	214,57	1,76	0,697128	2,519344	0,011757	0,1359516
CELF1	892,79	0,86	0,34073	2,518362	0,01179	0,1362464
RP11-474C8.8	7,02	-2,18	0,866069	-2,51654	0,011851	0,1368663
TXK	65,04	-1,84	0,730995	-2,51601	0,011869	0,1369896
RBCK1	722,35	-1,06	0,422677	-2,5148	0,01191	0,1373135
RP11-437L7.1	13,11	4,53	1,799975	2,51463	0,011916	0,1373135
PDE1C	73,73	-4,26	1,693423	-2,51452	0,011919	0,1373135
LRTOMT	66,87	-2,39	0,952462	-2,51304	0,01197	0,1377683
CTB-50E14.6	44,74	-1,51	0,599337	-2,51292	0,011974	0,1377683
AC124944.3	3,27	-2,92	1,16302	-2,51215	0,012	NA
BRSK2	3,55	-6,29	2,505243	-2,51152	0,012021	NA
SIDT2	505,90	1,15	0,457495	2,511031	0,012038	0,1380982
RP11-566K19.12	5,79	-3,05	1,213607	-2,51058	0,012053	0,1380982
HIC1	19,35	3,10	1,233187	2,510474	0,012057	0,1380982
SSR1	2858,73	0,95	0,38003	2,510386	0,01206	0,1380982
RP11-63G10.4	18,42	-1,92	0,765891	-2,5103	0,012063	0,1380982
RP11-266K22.2	4,03	-4,71	1,876268	-2,5102	0,012066	0,1380982
SRGAP3	210,74	1,45	0,579518	2,509982	0,012074	0,1380982
PKN2	571,93	1,34	0,532119	2,50968	0,012084	0,1380982
MINPP1	30,52	3,50	1,396114	2,509382	0,012094	0,1380982
SF3B4	149,83	1,03	0,411127	2,509265	0,012098	0,1380982
RP11-57C13.3	6,06	-2,12	0,84437	-2,50925	0,012099	0,1380982
CRIP3	158,17	1,58	0,628237	2,509198	0,012101	0,1380982
CTB-32O4.2	4,78	2,74	1,090741	2,509189	0,012101	0,1380982
RP11-284L19.1	9,14	-7,99	3,18452	-2,50903	0,012106	0,1380982
ACOT9	883,00	1,01	0,401914	2,508553	0,012123	0,1382001
CEACAM1	9,58	-1,51	0,603467	-2,50735	0,012164	0,1385827
MCM8	99,89	1,94	0,772669	2,507143	0,012171	0,1385827
RP11-419K12.2	26,96	2,15	0,857717	2,50616	0,012205	0,1388837
PRMT6	44,52	3,35	1,33906	2,503879	0,012284	0,1396966
RNU7-133P	5,24	4,44	1,775228	2,503008	0,012314	0,1399556
RP11-26F2.1	9,28	5,22	2,086519	2,502299	0,012339	0,1401469
RP11-280K24.4	111,23	-2,16	0,86262	-2,50209	0,012346	0,1401469
CPEB1	52,33	-1,93	0,77253	-2,50095	0,012386	0,1405151
PUM1	910,20	0,99	0,394918	2,50047	0,012403	0,1405631
OR51M1	13,76	-1,86	0,74474	-2,50018	0,012413	0,1405631
RND1	15,56	2,14	0,856514	2,500179	0,012413	0,1405631
RP11-15J22.8	2,55	3,35	1,340681	2,500158	0,012414	NA
ZNF570	108,11	2,31	0,924331	2,499874	0,012424	0,1405986
RP11-97O12.2	24,75	-3,05	1,219143	-2,49933	0,012443	0,140729
RP11-406H21.2	5,14	4,99	1,996564	2,497636	0,012502	0,1413171
RP11-526D8.11	60,83	1,22	0,489591	2,496423	0,012545	0,1416972
MCM3	115,51	2,01	0,803516	2,496253	0,012551	0,1416972
C15orf52	41,09	2,28	0,914932	2,494512	0,012613	0,1423077
RP11-27G24.3	2,67	-4,10	1,645798	-2,49315	0,012661	NA
MYO1B	17,19	4,29	1,720926	2,493154	0,012661	0,1427669
MPZL2	179,65	2,46	0,989047	2,491923	0,012705	0,1431454
MBOAT4	3,31	4,36	1,750626	2,491904	0,012706	NA

LRRC74B	33,82	-1,62	0,65143	-2,49174	0,012712	0,1431454
RP3-333H23.10	9,51	-2,40	0,964746	-2,49157	0,012718	0,1431454
SH2D3C	243,42	1,44	0,576295	2,491204	0,012731	0,1432057
PLBD1	2191,54	1,04	0,416174	2,490866	0,012743	0,1432553
RN7SKP94	8,65	-7,91	3,178001	-2,48876	0,012819	0,1440201
C1QB	85,89	4,47	1,798213	2,48718	0,012876	0,1445735
RP11-405O10.2	2,91	4,16	1,672813	2,487137	0,012878	NA
PHLDB3	105,36	-1,48	0,59632	-2,48613	0,012914	0,1449131
CTD-2262B20.1	9,90	3,91	1,572768	2,48536	0,012942	0,1450074
YIPF6	181,90	1,25	0,504435	2,485291	0,012945	0,1450074
UNC93B1	273,00	-1,19	0,47727	-2,48526	0,012946	0,1450074
RP11-342C24.8	13,05	1,55	0,623189	2,484918	0,012958	0,1450124
FFAR2	42,37	-1,33	0,536336	-2,48482	0,012962	0,1450124
RP11-247I13.11	2,65	3,98	1,601587	2,484631	0,012969	NA
HLA-B	9267,11	-0,45	0,18055	-2,48353	0,013009	0,1454494
POLR3B	55,28	2,67	1,075079	2,483054	0,013026	0,1455564
RP5-1109J22.1	2,82	4,15	1,672761	2,482269	0,013055	NA
LILRB3	738,80	-0,81	0,325906	-2,48129	0,013091	0,1461923
CRNDE	55,18	-2,56	1,032709	-2,48077	0,01311	0,1462552
ZNF684	36,35	-1,75	0,707066	-2,48062	0,013115	0,1462552
NUDT1	234,59	0,74	0,299268	2,480492	0,01312	0,1462552
MT-TN	17,40	-1,06	0,42665	-2,47992	0,013141	0,1464003
SLFN5	300,87	-1,37	0,553661	-2,4789	0,013179	0,14666
ACO23105.3	17,32	4,64	1,873962	2,478356	0,013199	0,14666
TCEA3	45,89	2,70	1,088119	2,47832	0,0132	0,14666
RP11-108M9.5	9,55	5,30	2,14058	2,478206	0,013204	0,14666
SSH1	475,03	1,50	0,604236	2,478042	0,013211	0,14666
PTPRK	7,66	-2,46	0,994302	-2,47801	0,013212	0,14666
ITIH2	6,33	-5,64	2,278344	-2,47765	0,013225	0,1466644
UBL5	717,54	-0,63	0,252801	-2,47758	0,013228	0,1466644
CTB-51A17.1	5,28	-1,92	0,775951	-2,47721	0,013242	0,1467291
TRIM37	97,85	-2,12	0,856198	-2,47655	0,013266	0,1468291
EEF1A1	83874,07	0,46	0,187441	2,476539	0,013266	0,1468291
ARL9	15,37	2,79	1,12816	2,475693	0,013298	0,1470898
C1orf53	9,41	5,89	2,379839	2,474839	0,01333	0,1473544
FAM57B	16,87	-1,63	0,657339	-2,47437	0,013347	0,1474617
LINC00511	61,79	-1,24	0,502535	-2,47401	0,013361	0,1475224
RNU1-28P	24,67	-1,17	0,471563	-2,47313	0,013393	0,1477965
OAF	223,99	-1,42	0,573186	-2,47167	0,013448	0,1482399
RP11-543H23.1	5,66	-1,99	0,805056	-2,47164	0,01345	0,1482399
TMEM254	138,41	2,74	1,110225	2,470089	0,013508	0,1487954
FAM213A	80,75	2,54	1,030186	2,469837	0,013517	0,1488121
CTA-414D7.1	133,55	1,61	0,651568	2,469133	0,013544	0,1489322
ACSL6	16,57	-1,53	0,618574	-2,46913	0,013544	0,1489322
RP11-389E17.1	1,56	-4,93	1,995511	-2,46876	0,013558	NA
XPC	356,36	-1,31	0,529654	-2,46826	0,013577	0,1492052
SLC16A4	22,15	-2,32	0,940738	-2,46711	0,013621	0,1495947
N4BP2L1	473,48	1,16	0,471406	2,46639	0,013648	0,1498087
RP13-516M14.2	8,42	-2,72	1,102897	-2,46591	0,013666	0,1499202
Z97634.3	25,47	1,21	0,49196	2,46524	0,013692	0,1501132

RP11-350E12.1	25,81	2,02	0,818766	2,464616	0,013716	0,1502863
AP004782.1	14,70	-2,76	1,118787	-2,46409	0,013736	0,1504206
TSPO	5932,46	-0,47	0,1897	-2,46376	0,013749	0,1504665
CKS2	144,94	2,07	0,841568	2,463296	0,013767	0,1505599
AP5M1	376,79	1,87	0,760634	2,463121	0,013773	0,1505599
SLC9C1	10,86	-6,11	2,482589	-2,46285	0,013784	0,1505863
B3GNT9	5,22	-4,47	1,814213	-2,4624	0,013801	0,1506873
ARID1A	1229,89	0,95	0,386429	2,461583	0,013833	0,1509089
CEBPG	466,79	1,42	0,57853	2,461449	0,013838	0,1509089
SLC38A1	1638,31	1,05	0,42778	2,460906	0,013859	0,1510491
IGF2BP2	169,43	1,91	0,774795	2,460352	0,01388	0,1511517
RASA4	408,72	-1,19	0,483118	-2,46024	0,013884	0,1511517
LINC01595	1,45	3,17	1,288879	2,459998	0,013894	NA
LPP-AS2	26,59	-2,46	0,999434	-2,4599	0,013897	0,1512059
PNPLA4	198,88	2,24	0,909296	2,459531	0,013912	0,1512387
RP11-517P14.2	24,95	2,18	0,888223	2,459325	0,01392	0,1512387
RP11-481G8.2	22,36	-1,80	0,730266	-2,4592	0,013925	0,1512387
EMP3	1418,43	-0,65	0,264315	-2,45709	0,014007	0,1520394
XXbac-BPG171B11.8	3,80	-2,95	1,203087	-2,45563	0,014064	0,1522507
RP11-6N17.4	60,80	-1,50	0,612042	-2,45555	0,014067	0,1522507
RNU1-1	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RNU1-27P	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RNU1-2	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RNU1-3	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RNU1-4	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RNVU1-18	24,74	-1,16	0,472632	-2,45492	0,014092	0,1522507
RP11-193H5.1	2,61	-5,69	2,318009	-2,45488	0,014093	NA
B4GALT7	173,29	-2,28	0,930397	-2,45435	0,014114	0,1523147
LTBP3	104,07	2,04	0,832903	2,454027	0,014127	0,1523147
PIGW	34,23	2,42	0,985258	2,453782	0,014136	0,1523147
ZCCHC24	105,05	2,00	0,816906	2,453779	0,014136	0,1523147
DOLK	40,41	4,31	1,754719	2,453724	0,014139	0,1523147
UBE2L6	2409,16	0,95	0,388048	2,452434	0,014189	0,1527735
AC113167.1	10,70	1,82	0,743987	2,451572	0,014223	0,1530378
CCNY	1211,77	-0,99	0,403089	-2,45132	0,014234	0,1530378
RP1-278E11.3	1,75	-2,97	1,212985	-2,45124	0,014236	NA
IGBP1	1143,76	1,03	0,419619	2,451188	0,014239	0,1530378
ETV4	2,66	4,06	1,6582	2,450712	0,014257	NA
PIK3R6	87,98	1,80	0,735684	2,450209	0,014277	0,1533658
CTB-109A12.1	1,36	-4,52	1,847191	-2,44929	0,014314	NA
TMEM39A	252,58	1,77	0,723061	2,448715	0,014337	0,1538321
PEAK1	182,81	-1,50	0,613908	-2,4487	0,014337	0,1538321
SKAP1	14,36	-2,40	0,979556	-2,44712	0,0144	0,1541932
RP11-963H4.8	5,29	4,43	1,811875	2,447111	0,014401	0,1541932
PLK1	42,64	-3,47	1,418863	-2,44705	0,014403	0,1541932
RCOR1	625,37	1,57	0,642027	2,447025	0,014404	0,1541932
XXbac-BPG181B23.7	33,73	3,18	1,297816	2,446465	0,014426	0,1542658
ZAP70	144,69	-3,29	1,346413	-2,44644	0,014427	0,1542658
PAXIP1	169,69	-2,27	0,929367	-2,44602	0,014444	0,1543576
CTB-4116.1	10,55	3,64	1,489968	2,445334	0,014472	0,1545627

KB-1460A1.5	32,25	-2,76	1,130989	-2,44475	0,014495	0,1547262
MIS12	82,74	2,31	0,943917	2,44452	0,014505	0,1547343
AF064858.11	36,46	2,13	0,871577	2,442986	0,014566	0,1553044
RP11-118F19.1	13,65	3,28	1,341776	2,442471	0,014587	0,1554368
TSC22D1	108,44	2,47	1,011858	2,44188	0,014611	0,1555853
RP11-1217F2.23	1,41	-4,94	2,024477	-2,44171	0,014618	NA
DNAH5	5,39	-2,83	1,158636	-2,44171	0,014618	0,1555853
EDNRB	1,93	-3,98	1,630825	-2,4414	0,014631	NA
RN7SL301P	11,53	-2,15	0,881715	-2,44138	0,014631	0,1556413
PCBP2	2158,83	0,61	0,248336	2,44052	0,014666	0,1559219
RP5-1024G6.7	189,30	-1,54	0,632906	-2,43998	0,014688	0,1560652
MRO	15,79	-2,59	1,063041	-2,4396	0,014703	0,1561059
NTM	12,25	-4,43	1,814169	-2,43948	0,014709	0,1561059
AL035610.2	268,58	-1,25	0,510647	-2,4384	0,014753	0,1564835
RP11-357N13.6	1,53	-4,17	1,709185	-2,43816	0,014762	NA
OSM	557,95	1,93	0,791724	2,437829	0,014776	0,1566398
TFB2M	133,08	2,04	0,835438	2,437394	0,014794	0,1567392
KCNJ14	58,58	-2,06	0,847219	-2,43651	0,01483	0,1570321
UQCR11	1063,15	-0,58	0,237884	-2,43625	0,014841	0,1570588
FDXACB1	25,96	2,51	1,030597	2,435678	0,014864	0,1571011
PITPNB	372,47	1,49	0,610554	2,435577	0,014868	0,1571011
PLCB1	135,40	-1,75	0,71763	-2,43553	0,01487	0,1571011
LY96	218,90	-0,90	0,369967	-2,4352	0,014884	0,1571559
FAM221A	126,16	2,03	0,833704	2,434949	0,014894	0,1571756
RP3-522J7.6	5,85	-2,74	1,124801	-2,43474	0,014903	0,1571787
PRMT1	436,55	1,18	0,48434	2,434505	0,014912	0,1571903
RP11-717D12.1	2,43	3,91	1,607429	2,434345	0,014919	NA
RP4-778K6.3	8,94	5,79	2,378113	2,434065	0,01493	0,1572764
VCPKMT	150,34	1,75	0,719702	2,433897	0,014937	0,1572764
RAB11FIP2	215,96	1,70	0,699011	2,433405	0,014958	0,1573964
SGK494	77,15	-1,50	0,616863	-2,43306	0,014972	0,1573964
SECISBP2L	262,15	1,50	0,614476	2,433007	0,014974	0,1573964
RP11-449G16.1	12,75	6,31	2,593919	2,432478	0,014996	0,1575376
PRORY	1,40	-4,73	1,944722	-2,43142	0,01504	NA
SSBP1	873,09	0,62	0,25389	2,430577	0,015075	0,1582768
RPS6KA3	1394,33	0,91	0,374127	2,429392	0,015124	0,1587058
KB-1836B5.1	6,31	3,45	1,418722	2,429032	0,015139	0,1587738
RP11-330A.2	3,65	-4,00	1,647876	-2,42903	0,015139	NA
EXOG	170,55	1,88	0,773527	2,428318	0,015169	0,158954
PANX1	36,09	3,03	1,24605	2,428212	0,015173	0,158954
ATF3	696,12	1,34	0,551148	2,427719	0,015194	0,1589902
OR11G2	7,01	-2,00	0,821981	-2,42758	0,0152	0,1589902
SPRED2	21,84	3,82	1,57232	2,427459	0,015205	0,1589902
AAMDC	110,74	-1,20	0,493174	-2,42714	0,015219	0,1589902
AC004837.5	10,98	5,52	2,273308	2,42711	0,01522	0,1589902
SLC39A14	3,49	3,59	1,479505	2,426559	0,015243	NA
KIAA1468	537,16	-1,38	0,570159	-2,42632	0,015253	0,1592488
CTSZ	197,88	-1,71	0,706769	-2,42542	0,015291	0,1594735
RP5-827C21.4	39,26	-2,63	1,085279	-2,42506	0,015306	0,1594735
SNRPD3	733,89	0,66	0,273106	2,424768	0,015318	0,1594735

QSOX1	521,13	-0,99	0,40693	-2,42466	0,015323	0,1594735
GRIN2A	23,94	3,07	1,266693	2,424658	0,015323	0,1594735
RP4-550H1.5	9,78	2,10	0,865564	2,424415	0,015333	0,1594735
PI4KB	423,41	0,97	0,398144	2,424382	0,015334	0,1594735
BMPR1A	71,95	-1,13	0,46746	-2,42376	0,015361	0,1596407
SMEK1	1148,04	0,88	0,364819	2,423595	0,015368	0,1596407
OPTN	39,56	-1,79	0,738827	-2,42272	0,015405	0,1599354
ZNF143	257,76	-1,77	0,732723	-2,42218	0,015428	0,1600832
PSG5	22,59	-2,71	1,117996	-2,42192	0,015439	0,1601108
CDPF1	35,90	4,39	1,814459	2,421151	0,015471	0,1603229
CXorf65	3,83	4,12	1,70335	2,420947	0,01548	0,1603229
C17orf49	1243,41	0,69	0,286171	2,420698	0,015491	0,1603229
CCDC141	46,28	-1,70	0,700937	-2,42046	0,015501	0,1603229
SLC14A2	51,59	-1,77	0,731025	-2,42043	0,015502	0,1603229
C1orf228	105,66	-1,86	0,766806	-2,42017	0,015513	0,1603464
CYP4F22	1,79	-4,89	2,022508	-2,41968	0,015534	NA
CTD-2090I13.1	4,30	-6,50	2,685519	-2,41962	0,015537	0,1604992
AC016831.7	58,17	1,84	0,76006	2,419229	0,015553	0,1605837
RP11-661C3.2	2,08	3,04	1,258544	2,41815	0,0156	NA
SH2D1A	34,68	-4,42	1,825885	-2,4181	0,015602	0,1609933
AC000367.1	42,41	-1,22	0,506533	-2,41775	0,015617	0,1610578
RP11-499E18.1	4,64	-3,03	1,25247	-2,41747	0,015629	0,1610923
PKP4	122,79	2,21	0,914004	2,417189	0,015641	0,1611288
RBMX2	84,33	-2,02	0,836741	-2,41696	0,015651	0,1611425
UNC13D	274,66	-1,16	0,479247	-2,41572	0,015704	0,1616006
SPAG5-AS1	65,42	2,46	1,016975	2,414473	0,015758	0,162066
CISD3	229,83	-1,06	0,438091	-2,4139	0,015783	0,1622333
RP11-261C10.3	10,67	-3,30	1,369322	-2,41329	0,015809	0,162352
SMIM10L1	309,69	1,29	0,535802	2,413227	0,015812	0,162352
DDX5	11624,07	0,49	0,204329	2,412906	0,015826	0,1624055
SNORD3A	366,20	-1,04	0,4296	-2,41218	0,015857	0,1626373
RP11-54H7.4	51,18	-1,39	0,57611	-2,41175	0,015876	0,1627419
USP33	674,94	-1,05	0,434181	-2,41139	0,015892	0,1627711
ZNF688	213,78	-0,93	0,387098	-2,41128	0,015897	0,1627711
SPRYD3	139,78	2,14	0,887799	2,410607	0,015926	0,1629479
SMARCAL1	157,35	-2,39	0,992071	-2,41017	0,015945	0,1629479
C4BPB	38,40	-1,57	0,650974	-2,41016	0,015946	0,1629479
NDUFA13	2061,43	-0,62	0,25528	-2,40998	0,015953	0,1629479
RP11-16N11.2	13,69	5,82	2,417066	2,409884	0,015958	0,1629479
FAM135A	280,64	1,43	0,594494	2,40957	0,015971	0,1629862
RP5-1056L3.3	16,92	3,55	1,472395	2,409398	0,015979	0,1629862
CH17-31A6.1	4,64	4,84	2,009506	2,408532	0,016017	0,1632839
RP5-1014D13.2	292,45	-0,96	0,400161	-2,4078	0,016049	0,1635201
RP4-798A10.2	26,95	-1,38	0,573303	-2,40684	0,016091	0,1638619
COQ5	240,98	1,37	0,567917	2,405966	0,01613	0,1641653
RP11-39K24.9	24,87	4,55	1,891358	2,405589	0,016146	0,1642451
KSR1	144,70	-1,59	0,66294	-2,40447	0,016196	0,1646589
STAT2	2951,20	-0,67	0,276813	-2,4041	0,016212	0,1647369
SAA2	6,41	-2,48	1,032869	-2,40345	0,016241	0,1649264
RP11-93O17.2	5,66	-1,72	0,715882	-2,40318	0,016253	0,1649264

RP11-529K1.3	10,61	5,03	2,093091	2,403078	0,016258	0,1649264
FAM63B	243,21	1,56	0,648932	2,402547	0,016281	0,1650757
BRAP	304,52	1,89	0,787233	2,402253	0,016294	0,1651187
IK	1023,36	0,78	0,325576	2,401979	0,016307	0,1651524
RP11-3B12.3	26,59	-2,10	0,874668	-2,40034	0,01638	0,1658015
TSPAN14	522,11	-1,11	0,462289	-2,39941	0,016421	0,1661329
FAM92A3	2,81	-2,41	1,003686	-2,39936	0,016424	NA
SLC7A5	101,88	1,96	0,817046	2,398565	0,016459	0,1664285
SPON2	79,91	-2,65	1,103317	-2,39814	0,016478	0,1665225
RP11-490B18.5	11,11	4,42	1,841544	2,39796	0,016487	0,1665225
PITX1	11,03	-1,12	0,466523	-2,39742	0,016511	0,1665631
ZNF502	112,98	-3,77	1,570594	-2,39736	0,016514	0,1665631
CTD-3222D19.8	31,91	2,34	0,977753	2,397275	0,016518	0,1665631
SYMPK	172,32	-1,11	0,461102	-2,39668	0,016545	0,1666223
ABRACL	661,68	0,75	0,314782	2,396441	0,016555	0,1666223
FOSL2	1279,98	1,05	0,436484	2,396365	0,016559	0,1666223
PGM5P2	24,07	-1,97	0,824024	-2,39629	0,016562	0,1666223
FAM35BP	23,99	3,89	1,624512	2,396153	0,016568	0,1666223
CHMP4B	181,51	-1,02	0,42633	-2,39559	0,016594	0,1667871
DAZAP2	4188,44	0,78	0,325056	2,395199	0,016611	0,166876
NAA25	700,51	1,10	0,459825	2,394067	0,016663	0,1673015
RP11-169K16.4	5,93	5,20	2,170567	2,393413	0,016692	0,1675027
PTPN12	570,29	1,07	0,445616	2,393218	0,016701	0,1675027
PSTPIP1	742,67	-1,03	0,42898	-2,39281	0,01672	0,1675027
TRAPPC1	394,27	0,54	0,224947	2,392788	0,016721	0,1675027
DRAIC	25,82	-2,09	0,871656	-2,39264	0,016728	0,1675027
RP11-662G23.1	1,98	-3,22	1,345897	-2,3925	0,016734	NA
UBFD1	217,14	-2,22	0,926809	-2,39177	0,016768	0,1677184
AC002511.1	23,39	-1,29	0,537764	-2,3917	0,01677	0,1677184
FAM132B	4,88	-2,05	0,855415	-2,39127	0,01679	0,1677184
UBE2W	542,93	1,06	0,441384	2,39122	0,016793	0,1677184
MED23	263,44	1,28	0,533503	2,391179	0,016794	0,1677184
BRCA1	56,74	-1,71	0,716042	-2,39027	0,016836	0,1679646
SLIT1	47,01	2,85	1,193625	2,390157	0,016841	0,1679646
POM121C	299,55	-1,21	0,507101	-2,39005	0,016846	0,1679646
RP11-281P23.1	130,01	-1,38	0,577045	-2,38503	0,017078	0,1700976
MYBBP1A	126,50	-1,31	0,550663	-2,38485	0,017086	0,1700976
CECR6	29,13	-4,16	1,74534	-2,38482	0,017087	0,1700976
SOX2-OT	193,89	-1,20	0,502816	-2,38422	0,017116	0,1702857
AC079630.4	20,25	3,71	1,55849	2,38284	0,01718	0,1707183
CLDN4	27,51	-2,39	1,001069	-2,38282	0,017181	0,1707183
SF3B6	620,43	0,62	0,260952	2,382552	0,017193	0,1707183
FYCO1	140,70	-2,71	1,136	-2,3825	0,017196	0,1707183
JRK	58,05	-2,28	0,95518	-2,38213	0,017213	0,1707963
RP11-332H14.2	34,61	2,67	1,121038	2,381857	0,017226	0,1708325
LACC1	54,60	1,96	0,823955	2,38123	0,017255	0,1709733
LECT2	58,91	-1,62	0,680678	-2,38116	0,017258	0,1709733
GPR85	74,91	-1,03	0,430946	-2,38074	0,017278	0,1710778
WDR44	150,04	1,70	0,716248	2,380177	0,017304	0,1712482
ANXA5	4934,71	0,68	0,286176	2,379463	0,017338	0,1714895

AC006509.7	254,06	-0,85	0,358268	-2,37816	0,017399	0,1720047
RNMTL1	136,09	2,11	0,886129	2,377796	0,017416	0,1720836
RPAP2	876,69	-1,17	0,492693	-2,377	0,017454	0,1723649
RP11-6N17.1	7,16	-2,85	1,197284	-2,37636	0,017484	0,1725694
HSF5	2,61	-6,01	2,530302	-2,37633	0,017486	NA
TMEM222	231,23	-2,12	0,893769	-2,37586	0,017508	0,1726972
AC018462.2	11,15	2,87	1,208416	2,3757	0,017516	0,1726972
MRPL20	807,32	-0,55	0,233031	-2,37523	0,017538	0,1728245
PPP1R9A	7,72	-3,00	1,265391	-2,37427	0,017584	0,1729486
RP11-14206.1	38,08	-1,94	0,816728	-2,37426	0,017584	0,1729486
RP11-715J22.2	19,34	-1,06	0,444925	-2,37397	0,017598	0,1729486
TMBIM4	1981,24	0,54	0,225904	2,373962	0,017598	0,1729486
RNU4-38P	4,43	4,79	2,01809	2,37388	0,017602	0,1729486
MTDH	2940,78	0,45	0,188833	2,373796	0,017606	0,1729486
SLC9A8	147,72	2,17	0,914654	2,373508	0,01762	0,1729922
RTN1	809,28	1,12	0,472766	2,372931	0,017648	0,1731711
TMCO1	634,18	0,93	0,390328	2,372422	0,017672	0,1732631
MS4A4E	148,99	1,42	0,599868	2,372346	0,017676	0,1732631
RHOBTB3	60,68	2,64	1,11179	2,371511	0,017715	0,1735634
RP11-284G10.1	8,88	-5,63	2,375991	-2,37114	0,017733	0,1736454
IFI27	692,72	-3,55	1,499065	-2,37085	0,017747	0,1736901
CCDC91	274,76	-0,95	0,400797	-2,37055	0,017761	0,1737394
ZNF655	629,38	0,86	0,363516	2,369641	0,017805	0,1740769
CCDC47	592,54	1,17	0,493098	2,369435	0,017815	0,1740825
MGMT	361,87	-1,29	0,542694	-2,3688	0,017846	0,1742905
NAV2	43,50	-4,48	1,893512	-2,36795	0,017887	0,1745535
EEF1G	15927,37	0,51	0,21468	2,367648	0,017902	0,1745535
CYP8B1	3,90	-2,60	1,098781	-2,36762	0,017903	0,1745535
TPP1	2290,85	0,54	0,226339	2,36739	0,017914	0,1745535
WDFY4	757,96	0,93	0,394433	2,367272	0,01792	0,1745535
AC097461.4	3,51	4,44	1,877009	2,366731	0,017946	NA
ADD3	854,22	1,02	0,43267	2,366653	0,01795	0,1747035
APBA2	8,09	-3,58	1,511148	-2,36634	0,017965	0,1747035
RP11-1109M24.5	61,37	-1,96	0,829981	-2,36596	0,017983	0,1747035
PPP4R3B	631,05	1,10	0,463134	2,365895	0,017987	0,1747035
KIAA0907	202,00	-1,44	0,609168	-2,36586	0,017988	0,1747035
RP11-582J16.4	73,76	2,16	0,915076	2,365793	0,017992	0,1747035
HIST1H2BE	3,79	4,38	1,852103	2,365184	0,018021	0,1748996
CRYBG3	682,20	1,55	0,654491	2,364942	0,018033	0,1749227
CABLES2	6,04	3,09	1,305435	2,364529	0,018053	0,1750268
RP11-154H23.3	57,77	-3,01	1,271508	-2,36397	0,01808	0,1751621
PPM1J	34,14	2,90	1,225719	2,363857	0,018086	0,1751621
MEIS2	3,33	-2,02	0,854552	-2,36342	0,018107	NA
RP11-275I4.2	106,09	-1,25	0,53112	-2,36216	0,018169	0,1758706
SDR39U1	434,19	1,38	0,585683	2,361936	0,01818	0,1758706
TTC34	94,02	-1,97	0,834369	-2,36178	0,018187	0,1758706
RP11-71L14.3	1,81	-5,31	2,247147	-2,36163	0,018195	NA
SIGLEC18P	4,63	-6,85	2,900672	-2,36076	0,018238	0,1762659
RP11-69I8.2	144,13	-1,31	0,553553	-2,36046	0,018252	0,1763148
AC017048.3	22,16	-1,77	0,752211	-2,35965	0,018292	0,1765212

DLG1	349,68	1,22	0,517767	2,359643	0,018293	0,1765212
AC097500.1	2,86	-5,50	2,329366	-2,35921	0,018314	NA
ZNF121	505,05	1,42	0,601973	2,358651	0,018342	0,1768821
DNASE1L3	65,13	2,32	0,984855	2,358061	0,018371	0,1768821
ANKHD1	1287,98	0,68	0,289065	2,358046	0,018371	0,1768821
ZNF181	75,81	3,14	1,331942	2,358001	0,018374	0,1768821
SSX2B	10,37	-4,97	2,106836	-2,35792	0,018377	0,1768821
AL844908.5	634,08	0,99	0,418955	2,357446	0,018401	0,1770183
KLF11	310,02	1,67	0,70852	2,357052	0,018421	0,1771145
TRGV9	3,68	-6,18	2,621976	-2,35661	0,018443	NA
SLC15A1	10,69	-1,56	0,663183	-2,35657	0,018444	0,1772165
LMNA	1186,19	0,84	0,357964	2,356455	0,01845	0,1772165
CTD-3035K23.7	6,45	3,17	1,345239	2,355377	0,018504	0,1776398
SLC25A29	192,32	2,18	0,927862	2,354693	0,018538	0,1778753
CFDP1	313,03	-1,05	0,447508	-2,35414	0,018566	0,1779207
GOLGA6A	2,60	-5,17	2,195743	-2,354	0,018573	NA
POLR2A	409,42	-1,43	0,607864	-2,3538	0,018583	0,1779207
ZP3	107,48	-1,68	0,715451	-2,35374	0,018586	0,1779207
GNG7	191,00	1,21	0,512596	2,353691	0,018588	0,1779207
CTD-2626G11.2	50,37	2,24	0,952758	2,35364	0,018591	0,1779207
SETDB2	381,38	1,26	0,533512	2,353449	0,0186	0,1779209
BMI1	229,21	-1,84	0,781241	-2,35286	0,01863	0,1781126
CDCP1	117,48	2,00	0,851789	2,352666	0,018639	0,1781126
AC068282.3	21,79	1,78	0,755596	2,352341	0,018656	0,1781706
CTD-2095E4.3	35,35	-2,56	1,086635	-2,35215	0,018665	0,1781706
UBAC1	278,23	1,44	0,614235	2,351787	0,018683	0,1781706
RP11-44201.4	11,45	2,07	0,881688	2,351782	0,018684	0,1781706
OR4D1	16,03	-2,13	0,907784	-2,35094	0,018726	0,1784849
SRGAP2C	745,07	0,82	0,348948	2,350694	0,018738	0,1785091
ZNF43	169,09	1,83	0,780822	2,349764	0,018785	0,1788645
VTRNA1-3	2,71	-2,67	1,13777	-2,34921	0,018813	NA
RP11-94C24.13	9,54	2,22	0,944986	2,348801	0,018834	0,1792356
RP11-462B18.1	3,87	-3,23	1,377162	-2,34755	0,018897	0,1797476
DIDO1	216,43	1,39	0,594458	2,346598	0,018946	0,1801148
ST6GAL1	568,67	1,46	0,622372	2,346004	0,018976	0,1803098
APOLD1	35,12	-2,26	0,963606	-2,34565	0,018994	0,1803337
FNIP2	663,93	1,37	0,584053	2,345278	0,019013	0,1803337
MYBL1	63,70	-4,01	1,709336	-2,34521	0,019016	0,1803337
GABBR1	1037,63	-0,65	0,276854	-2,34487	0,019034	0,1803337
MSL3	519,06	0,90	0,385877	2,344822	0,019036	0,1803337
CINP	342,58	1,31	0,558276	2,344814	0,019037	0,1803337
RP11-549L6.2	1,91	-3,65	1,556824	-2,34365	0,019096	NA
EXTL2	68,04	2,65	1,130404	2,342945	0,019132	0,1811472
ALDH6A1	171,74	-1,47	0,627214	-2,34271	0,019144	0,181171
NEU4	8,71	5,85	2,49542	2,342369	0,019162	0,1812429
VKORC1	687,20	0,80	0,341733	2,341509	0,019206	0,1815685
SH3GL1P1	37,08	3,29	1,406766	2,341203	0,019222	0,181625
RNU2-55P	2,86	4,14	1,768287	2,341093	0,019227	NA
TRIP11	444,55	1,23	0,524246	2,340743	0,019245	0,1817566
ITGAX	3350,36	0,63	0,268195	2,340523	0,019257	0,1817714

TACR2	48,00	-2,01	0,858152	-2,33938	0,019316	0,1821782
RNF149	1088,69	0,74	0,31807	2,33931	0,019319	0,1821782
CTD-2246P4.1	28,15	-1,52	0,649772	-2,33903	0,019334	0,1822235
ANKRD13A	729,00	0,87	0,371929	2,338792	0,019346	0,1822462
AC092594.1	4,92	-2,92	1,250833	-2,33841	0,019366	0,1823401
PRRG4	98,71	-1,87	0,801278	-2,33812	0,019381	0,1823906
ANKRD36BP1	26,73	-8,50	3,635775	-2,3375	0,019413	0,1824512
RP11-540011.7	29,07	2,09	0,892449	2,337465	0,019415	0,1824512
GRIK1	48,71	2,61	1,117907	2,337427	0,019417	0,1824512
AC097468.5	12,01	-2,03	0,868853	-2,3365	0,019465	0,1828085
RP11-141015.1	7,54	3,39	1,452043	2,336318	0,019475	0,1828085
SSBP3-AS1	13,55	3,56	1,522686	2,335605	0,019512	0,1830649
UROS	365,87	1,19	0,51112	2,335104	0,019538	0,183218
RP11-944L7.1	3,01	-3,56	1,52402	-2,33486	0,019551	NA
SRSF2	2214,52	0,70	0,30194	2,334702	0,019559	0,1832519
CCNG1	358,52	1,52	0,649723	2,334658	0,019561	0,1832519
DYTN	7,04	-7,57	3,243654	-2,33434	0,019578	0,1833133
ABLIM1	94,12	-2,91	1,246578	-2,33338	0,019628	0,1836926
RP11-45506.5	4,81	-2,47	1,057868	-2,33288	0,019655	0,1838007
PDE8B	7,96	4,39	1,882873	2,332785	0,019659	0,1838007
RP11-142E9.1	50,56	1,83	0,78296	2,332257	0,019687	0,183968
OR1L8	1,75	-4,59	1,967821	-2,33181	0,019711	NA
RP11-332J15.4	5,57	3,93	1,686972	2,331537	0,019725	0,1842295
PTPRCAP	102,12	-2,26	0,968808	-2,33123	0,019741	0,1842894
RP11-429G19.3	15,89	5,06	2,169105	2,330677	0,01977	0,1844168
RP11-434H6.6	33,94	-2,88	1,235127	-2,33059	0,019775	0,1844168
RP11-815J21.4	162,75	1,94	0,831456	2,329952	0,019809	0,1844849
CTC-548K16.2	4,91	-2,62	1,123116	-2,32995	0,019809	0,1844849
OPHN1	565,23	1,15	0,493573	2,329718	0,019821	0,1844849
DEXI	184,40	1,42	0,611543	2,329416	0,019837	0,1844849
C8orf59	257,97	0,87	0,373436	2,329227	0,019847	0,1844849
ZNF280D	247,83	-1,52	0,653583	-2,32914	0,019852	0,1844849
PATJ	61,09	-1,21	0,518196	-2,32904	0,019857	0,1844849
APOPT1	213,44	1,13	0,485322	2,328954	0,019862	0,1844849
SCD5	125,93	-1,39	0,598736	-2,32811	0,019906	0,184764
PLAC8	956,71	-0,80	0,344854	-2,32801	0,019911	0,184764
CFAP97	257,23	1,66	0,712245	2,327511	0,019938	0,1848929
CAMSAP1	200,75	1,85	0,792906	2,327334	0,019948	0,1848929
RUNX3	621,30	1,07	0,460015	2,327191	0,019955	0,1848929
B3GAT1	40,83	-2,61	1,119608	-2,327	0,019965	0,1848931
RP11-395P17.3	161,18	-1,00	0,428259	-2,32669	0,019982	0,1849555
RP11-638I2.10	7,87	3,55	1,526371	2,326379	0,019998	0,1849729
RP11-370I6.2	5,29	5,03	2,164266	2,326282	0,020004	0,1849729
GABARAP	10642,66	0,29	0,126272	2,325964	0,02002	0,1850377
RP11-395B7.4	17,81	3,01	1,295882	2,3254	0,020051	0,1852189
RNASEH2C	402,28	-0,92	0,393528	-2,32522	0,02006	0,1852189
CYTIP	1544,31	0,65	0,279062	2,324257	0,020112	0,1855483
GS1-324M7.6	6,29	-6,84	2,944975	-2,32418	0,020116	0,1855483
TMEM93	281,74	-0,87	0,37603	-2,3225	0,020206	0,1862883
FKBP7	47,16	3,36	1,446647	2,321965	0,020235	0,1864631

CCDC57	205,80	-0,95	0,410281	-2,32126	0,020273	0,1866622
ARL14EP	375,92	1,59	0,68299	2,321152	0,020279	0,1866622
EIF1	11082,55	0,45	0,191852	2,321006	0,020287	0,1866622
XXbac-BPG283O16.9	199,83	-1,48	0,637112	-2,31993	0,020345	0,1869565
SH3BP1	102,53	-1,65	0,709988	-2,31988	0,020347	0,1869565
CMTM3	942,51	1,08	0,4639	2,319856	0,020349	0,1869565
GNG5	1167,84	0,54	0,234767	2,318813	0,020405	0,1873303
RP11-234B24.2	9,70	3,91	1,686435	2,318734	0,020409	0,1873303
AC015849.13	7,98	-2,57	1,107255	-2,31845	0,020425	0,1873803
CCNH	1023,65	0,99	0,427265	2,317891	0,020455	0,1875345
ADPRHL2	290,91	2,31	0,996509	2,317767	0,020462	0,1875345
LCORL	268,85	1,59	0,686598	2,317255	0,02049	0,1876973
C9orf3	105,42	-1,95	0,840057	-2,31698	0,020505	0,1877447
FAM134A	595,34	-1,16	0,498758	-2,31614	0,020551	0,1879781
CD3EAP	62,51	-2,22	0,960348	-2,31614	0,020551	0,1879781
CDH6	8,46	-1,64	0,709093	-2,31523	0,020601	0,1882262
ATP7B	86,59	-4,14	1,787012	-2,31516	0,020604	0,1882262
CTDSPL	30,85	-2,53	1,090713	-2,31509	0,020608	0,1882262
RP11-7005.2	2,36	3,86	1,666283	2,314804	0,020624	NA
ABCA6	102,49	-2,19	0,946993	-2,31415	0,02066	0,1886038
ZNF548	160,33	-2,19	0,947589	-2,31367	0,020686	0,1887481
UBL7	604,50	1,07	0,464193	2,313415	0,0207	0,1887845
CALHM1	6,35	-2,82	1,219949	-2,31295	0,020726	0,1889262
RP11-649A18.12	11,54	3,07	1,326691	2,311442	0,020808	0,1895894
RN7SL785P	28,73	-1,29	0,556885	-2,31095	0,020836	0,189745
SMAD5	313,59	-1,81	0,781755	-2,31072	0,020848	0,1897495
ARHGDI1A	416,86	-1,06	0,45861	-2,31024	0,020875	0,1897495
RP11-553P9.2	7,68	-1,87	0,808464	-2,31022	0,020876	0,1897495
PROCA1	42,36	-2,51	1,08755	-2,31002	0,020887	0,1897495
ENTPD7	46,61	2,54	1,097784	2,310017	0,020887	0,1897495
ZNF812P	9,10	-4,10	1,775577	-2,30962	0,020909	0,189854
RP4-669H2.1	19,06	-2,07	0,895046	-2,30934	0,020924	0,1899022
ZNF623	173,49	1,90	0,824274	2,308864	0,020951	0,1900516
PEX2	358,66	-1,95	0,846464	-2,30854	0,020969	0,1901205
RP1-56K13.1	53,08	-1,47	0,636618	-2,30805	0,020996	0,1901985
RP11-38L15.8	2,58	4,01	1,73689	2,308043	0,020997	NA
PKNOX2	6,07	-2,84	1,232453	-2,30802	0,020998	0,1901985
ARHGAP4	637,58	-0,85	0,367206	-2,30778	0,021012	0,1902295
GNAI3	1382,70	0,99	0,428752	2,306637	0,021075	0,1907111
RP3-406M12.1	75,52	-2,01	0,87346	-2,30596	0,021113	0,1909588
NLRC5	478,23	-1,33	0,57518	-2,30492	0,021171	0,1913864
RGS22	13,05	-2,17	0,942118	-2,30475	0,021181	0,1913864
LRP2	34,91	-2,76	1,197191	-2,30411	0,021217	0,1916186
UGT2B15	1,47	-3,07	1,331779	-2,304	0,021223	NA
MIR4737	11,19	6,12	2,657166	2,303709	0,021239	0,1917008
NAPSB	8294,95	0,56	0,242511	2,303445	0,021254	0,1917008
CCDC67	9,61	5,11	2,219694	2,303354	0,021259	0,1917008
RP11-203J24.9	11,34	-3,09	1,342661	-2,30321	0,021267	0,1917008
SSR3	1119,70	-0,51	0,220301	-2,30298	0,02128	0,1917269
AC098823.3	12,67	2,08	0,905221	2,302705	0,021295	0,1917722

RN7SL648P	11,57	4,55	1,97573	2,302484	0,021308	0,1917918
NACC2	330,36	-1,21	0,526127	-2,30225	0,021321	0,1918171
KIAA1257	109,00	-1,88	0,817876	-2,30067	0,02141	0,1925273
ADH4	15,37	-2,09	0,908205	-2,2997	0,021465	0,1928842
MEIOB	7,14	-7,10	3,088017	-2,2996	0,021471	0,1928842
APOC1	2,65	3,98	1,732279	2,298899	0,021511	NA
SAPCD1	7,48	3,78	1,646539	2,298711	0,021521	0,1931615
RHEBL1	4,19	-4,50	1,959766	-2,29855	0,021531	0,1931615
GRAP	14,97	-3,98	1,73265	-2,29851	0,021533	0,1931615
RP11-394B2.3	12,14	-3,48	1,514694	-2,29717	0,021609	0,1937508
RP11-448G4.1	50,28	2,32	1,009566	2,296264	0,021661	0,194123
TMC7	32,63	-2,05	0,89339	-2,29587	0,021683	0,194229
WDR1	1162,39	0,67	0,291801	2,295467	0,021706	0,1943071
RP11-492E3.1	339,94	-1,27	0,55136	-2,29519	0,021722	0,1943071
SERF2	4438,84	-0,50	0,218576	-2,29517	0,021723	0,1943071
AARD	8,28	1,90	0,826968	2,293931	0,021794	0,1948515
RP1-17K7.2	42,80	-0,97	0,422215	-2,29362	0,021812	0,1949168
AGPAT1	348,93	1,42	0,617897	2,292119	0,021899	0,1955394
TIFAB	107,88	2,96	1,292241	2,292047	0,021903	0,1955394
ZNF497	27,20	1,82	0,793553	2,291565	0,021931	0,1956936
AP4E1	151,31	1,58	0,690977	2,2912	0,021952	0,1957799
MRPL33	400,80	-0,64	0,280098	-2,29088	0,02197	0,1957799
MT-TD	7,56	-1,54	0,671731	-2,29085	0,021972	0,1957799
SLAMF9	25,64	4,02	1,756397	2,29032	0,022003	0,1959141
CTLA4	9,46	3,68	1,606202	2,290035	0,022019	0,1959141
SP4	118,13	-2,10	0,915563	-2,29003	0,022019	0,1959141
SLITRK2	19,79	-1,36	0,595457	-2,28986	0,022029	0,1959141
ARL1	261,89	1,72	0,749951	2,289647	0,022042	0,1959331
CENPB	83,83	-1,18	0,515237	-2,28825	0,022123	0,1965509
ANKRD30A	13,48	-5,61	2,451301	-2,28794	0,022141	0,1965509
CD226	204,59	2,07	0,904999	2,287906	0,022143	0,1965509
RP11-491F9.2	4,57	-1,77	0,772697	-2,28733	0,022177	0,1967553
DONSON	24,01	2,23	0,97334	2,286305	0,022236	0,1971921
CTB-102L5.4	4,63	3,67	1,606749	2,285849	0,022263	0,1972474
NHLRC3	365,38	-1,14	0,497431	-2,28584	0,022264	0,1972474
CTD-2224J9.2	104,89	2,05	0,895741	2,285348	0,022292	0,1972804
PLEKHG2	299,49	0,90	0,3923	2,285286	0,022296	0,1972804
TOR3A	624,23	0,77	0,336115	2,285076	0,022308	0,1972804
RP11-139I14.2	7,09	-1,39	0,609196	-2,28505	0,02231	0,1972804
ATOX1	364,82	-0,86	0,377702	-2,28426	0,022356	0,1973992
RP13-1056D16.2	23,61	3,97	1,73754	2,284205	0,02236	0,1973992
TNFRSF1A	494,65	-0,87	0,381011	-2,28411	0,022365	0,1973992
LARP1B	131,60	2,03	0,888873	2,283991	0,022372	0,1973992
CCDC24	60,22	-2,54	1,112848	-2,28392	0,022377	0,1973992
ACTB	84619,48	0,27	0,11921	2,283282	0,022414	0,1975762
HGSNAT	674,64	1,00	0,438873	2,283213	0,022418	0,1975762
RP11-10H3.1	2,33	-3,62	1,585711	-2,28284	0,02244	NA
ALKBH4	65,47	1,78	0,778102	2,28252	0,022459	0,1978257
NAA38	452,14	-0,71	0,312986	-2,28237	0,022467	0,1978257
SASS6	31,85	2,64	1,156491	2,282108	0,022483	0,1978695

RP11-364L4.1	36,24	-2,74	1,202025	-2,28124	0,022534	0,1982263
GOLGA1	232,68	-1,65	0,723415	-2,2809	0,022554	0,1983093
MYO1F	2353,41	-0,55	0,242263	-2,28008	0,022603	0,1985642
ERMP1	88,10	2,13	0,935785	2,27983	0,022618	0,1985642
ARNTL2	49,95	-2,20	0,966293	-2,2798	0,02262	0,1985642
RP11-168K9.1	39,06	-3,12	1,367257	-2,27967	0,022627	0,1985642
EIF3M	1917,06	0,75	0,330321	2,279218	0,022654	0,1985642
RP11-371E8.4	9,35	5,26	2,30744	2,279055	0,022664	0,1985642
RP11-161D15.3	3,90	-4,08	1,792396	-2,27891	0,022672	0,1985642
PLEK	2850,65	0,69	0,302595	2,2788	0,022679	0,1985642
RAD23B	378,27	1,03	0,450561	2,278794	0,022679	0,1985642
RP11-290C10.1	9,65	5,32	2,336644	2,278172	0,022716	0,1987153
IRF5	991,05	-0,90	0,395257	-2,27814	0,022718	0,1987153
GGT7	8,04	4,27	1,876324	2,277966	0,022729	0,1987153
GVINP1	84,80	-1,92	0,841912	-2,27663	0,022808	0,1992567
KBTBD7	23,83	2,53	1,11085	2,276569	0,022812	0,1992567
RP11-135N5.3	44,26	-1,72	0,75566	-2,27597	0,022848	0,199477
TXNDC5	307,92	2,34	1,027851	2,274966	0,022908	0,1999077
ZNF593	218,23	-1,34	0,58714	-2,27476	0,02292	0,1999202
TRPC5	3,66	-6,02	2,647843	-2,27424	0,022952	NA
IFT122	85,76	-2,46	1,08123	-2,27399	0,022967	0,2002267
METTL25	74,62	-1,87	0,823465	-2,27382	0,022977	0,2002267
RP11-158J3.2	2,50	-4,35	1,914673	-2,2731	0,02302	NA
RP1-91J24.3	16,24	4,23	1,862805	2,273104	0,02302	0,200508
CDH3	11,48	2,97	1,307828	2,27272	0,023043	0,2006158
TMED2	1155,97	0,81	0,356104	2,272121	0,023079	0,2008016
ZNF624	106,22	-2,51	1,103385	-2,27201	0,023086	0,2008016
RPS12	4465,18	-0,53	0,232997	-2,27178	0,0231	0,2008254
C14orf142	45,71	2,21	0,973608	2,271033	0,023145	0,2011269
RP11-720N19.2	18,85	-3,71	1,634726	-2,27074	0,023163	0,201131
PPM1D	259,33	-1,30	0,57339	-2,27066	0,023168	0,201131
LCK	41,60	-2,39	1,051731	-2,27043	0,023181	0,201131
RP11-30E17.3	6,69	2,56	1,129519	2,270311	0,023189	0,201131
RASGRP2	334,72	-0,91	0,401608	-2,26957	0,023234	0,2013722
CPPED1	1506,62	0,79	0,34958	2,269496	0,023238	0,2013722
GPAA1	540,50	-0,70	0,308849	-2,26817	0,023319	0,2019762
RN7SL339P	4,23	2,99	1,31711	2,267529	0,023358	0,2021385
RPL41	10421,63	-0,47	0,208459	-2,26751	0,023359	0,2021385
RP11-861E21.2	150,05	-0,95	0,417056	-2,26708	0,023385	0,2022701
RP5-1011O1.3	7,99	2,10	0,927413	2,266629	0,023413	0,2023787
MT-TY	13,30	-1,02	0,450622	-2,26651	0,02342	0,2023787
KCNQ10T1	1485,94	-0,65	0,285681	-2,26634	0,02343	0,2023787
RP11-305D15.2	7,44	5,05	2,227183	2,266037	0,023449	0,2024457
COX5B	1583,34	-0,48	0,210346	-2,26579	0,023464	0,2024831
RP11-542K23.7	4,00	-3,23	1,42562	-2,26526	0,023497	0,2025109
NAA35	170,60	1,45	0,639838	2,265175	0,023502	0,2025109
SEC24B	430,39	-1,26	0,557073	-2,26502	0,023511	0,2025109
MBOAT2	215,57	-2,17	0,957626	-2,26502	0,023511	0,2025109
RP11-461O14.1	10,16	-4,43	1,954116	-2,26458	0,023539	0,2025109
RP5-857K21.14	1,49	-1,72	0,760469	-2,26456	0,023539	NA

RP11-407G23.4	9,62	-1,29	0,571648	-2,2645	0,023543	0,2025109
ACSM2B	74,87	-2,30	1,017147	-2,26438	0,023551	0,2025109
NELFCD	396,65	-1,12	0,492538	-2,26432	0,023555	0,2025109
RPL21P3	4,18	-6,69	2,957587	-2,26361	0,023598	0,2025415
ZFYVE27	202,68	1,63	0,720931	2,263489	0,023606	0,2025415
RPS27	5934,84	-0,56	0,245907	-2,26344	0,023609	0,2025415
CD302	1100,32	0,79	0,348667	2,263406	0,023611	0,2025415
PCAT7	6,65	-2,28	1,005835	-2,26337	0,023613	0,2025415
UBASH3B	164,75	1,96	0,866637	2,262687	0,023655	0,2027594
GTF2F2	374,43	1,12	0,494892	2,262609	0,02366	0,2027594
RP1-127M18.1	1,48	-4,18	1,846749	-2,26246	0,023669	NA
SREBF2	510,53	-1,17	0,516129	-2,26208	0,023693	0,2029481
KPNA1	477,67	1,02	0,449229	2,261866	0,023706	0,2029655
RP11-421L21.2	1,41	-4,54	2,009475	-2,26128	0,023742	NA
RN7SL491P	1,32	-3,19	1,412073	-2,26123	0,023745	NA
CD200	3,83	3,87	1,713129	2,261101	0,023753	0,2032771
RP11-259K5.1	4,84	-4,15	1,837891	-2,25978	0,023835	0,2038823
RP11-383G6.3	34,00	2,64	1,168089	2,259607	0,023846	0,2038823
ATP5G3	2286,83	0,51	0,226824	2,259206	0,023871	0,2040018
SPDYA	112,35	1,43	0,6328	2,258506	0,023914	0,20428
MSS51	23,22	2,27	1,006786	2,258298	0,023927	0,2042973
ZNF713	78,29	-1,56	0,688884	-2,25787	0,023953	0,2044286
CTA-212A2.4	33,00	-1,45	0,64394	-2,25768	0,023966	0,2044379
RP11-415I12.2	5,92	-7,46	3,303879	-2,25654	0,024037	0,2049544
EPDR1	16,53	5,16	2,288693	2,256303	0,024052	0,2049845
RP11-154B12.3	6,78	4,81	2,131946	2,254984	0,024134	0,2055767
QTRT2	630,04	1,06	0,469163	2,254842	0,024143	0,2055767
CLIP4	103,82	-2,54	1,125219	-2,25439	0,024172	0,2057261
TDGF1P3	1,02	-3,05	1,352241	-2,25411	0,024189	NA
RP11-628K18.1	0,90	-4,02	1,784726	-2,25396	0,024199	NA
HAUS2	184,28	1,45	0,644123	2,253944	0,0242	0,2058688
USP39	482,67	0,87	0,386895	2,253681	0,024216	0,2059157
HIST1H2BG	42,13	-2,85	1,265611	-2,25332	0,024239	0,2060145
NRK	14,90	-2,31	1,027874	-2,25201	0,024321	0,2065503
ATP2B4	618,19	1,39	0,616539	2,251845	0,024332	0,2065503
AP001350.4	6,47	2,94	1,304721	2,251735	0,024339	0,2065503
TIAM2	39,43	-2,03	0,902284	-2,25147	0,024356	0,2065503
RP11-15H20.5	53,11	-2,29	1,018879	-2,25144	0,024358	0,2065503
PTOV1-AS1	10,65	2,45	1,088089	2,250479	0,024419	0,206811
RP1-212G6.7	12,22	-2,38	1,057877	-2,25029	0,024431	0,206811
HERC2P5	21,23	-1,49	0,664112	-2,25026	0,024432	0,206811
TAS2R18	6,55	4,75	2,110096	2,25013	0,024441	0,206811
KIF13B	277,45	-1,47	0,654587	-2,25008	0,024444	0,206811
CD247	41,41	-4,08	1,814437	-2,24953	0,024479	0,2070154
U95743.1	9,91	-5,02	2,23116	-2,24899	0,024513	0,2072106
RPL34	4188,87	-0,59	0,261444	-2,24874	0,024529	0,2072518
MALRD1	2,38	-5,61	2,495851	-2,24826	0,024559	NA
FMNL3	76,17	2,02	0,896459	2,248156	0,024566	0,2074694
NIPA1	58,95	-2,71	1,206772	-2,24774	0,024593	0,2075976
RP11-394B2.4	4,58	-1,85	0,824714	-2,24744	0,024612	0,2076287

RPL10A	5887,11	0,35	0,154751	2,247335	0,024619	0,2076287
COX8A	1353,15	-0,50	0,224452	-2,24635	0,024682	0,208006
RP11-3J10.4	7,06	4,30	1,913192	2,246167	0,024693	0,208006
CDK19	314,37	1,44	0,642833	2,246111	0,024697	0,208006
RP11-16E23.3	103,39	1,70	0,757277	2,245646	0,024727	0,2081629
RP11-436J20.2	64,19	2,99	1,330996	2,243663	0,024854	0,2091407
RP11-274A11.4	4,84	-4,43	1,973212	-2,24335	0,024874	0,2092152
UBE2D3	4927,98	0,59	0,264149	2,242713	0,024915	0,2094665
NAT9	221,45	1,19	0,528641	2,242252	0,024945	0,209622
FAM9A	0,93	-2,56	1,142805	-2,24207	0,024957	NA
RP11-351O2.1	7,10	3,62	1,615715	2,24168	0,024982	0,209791
SMIM11B	113,80	-1,59	0,709545	-2,24159	0,024988	0,209791
AC010733.7	3,26	-1,73	0,773051	-2,24134	0,025004	NA
CACNA1C	10,16	5,27	2,350482	2,241276	0,025008	0,2098679
MFSD9	59,19	1,92	0,856782	2,240812	0,025038	0,2100255
RP1-20N2.4	56,82	1,83	0,81884	2,240051	0,025088	0,2103286
NEUROD2	89,96	-1,05	0,468283	-2,23984	0,025101	0,2103286
LIN54	62,00	2,12	0,946943	2,23964	0,025114	0,2103286
RP11-43N16.4	40,23	2,72	1,216401	2,239445	0,025127	0,2103286
GALNS	134,07	1,53	0,684291	2,239167	0,025145	0,2103286
SOAT1	661,07	0,87	0,387871	2,239153	0,025146	0,2103286
PGAM5	81,82	1,27	0,568764	2,239037	0,025154	0,2103286
RAD9A	141,96	-1,58	0,706281	-2,23852	0,025187	0,2104525
TMX4	667,89	1,15	0,511953	2,238327	0,0252	0,2104525
RP11-1338A7.1	12,90	5,15	2,302129	2,238076	0,025216	0,2104525
NCF1B	153,60	-1,97	0,879562	-2,23804	0,025218	0,2104525
FARS2	134,99	2,13	0,953199	2,237929	0,025226	0,2104525
SCAMP4	131,74	-1,34	0,597886	-2,23762	0,025246	0,2104525
CLINT1	1015,24	0,97	0,433183	2,237594	0,025248	0,2104525
SERPINB10	6,40	-2,20	0,981531	-2,23734	0,025264	0,2104982
FLNB	105,64	-2,41	1,078381	-2,23699	0,025287	0,2105612
RCCD1	36,41	-2,33	1,039912	-2,23688	0,025295	0,2105612
DET1	110,85	-1,66	0,743776	-2,23668	0,025307	0,210574
RN7SL2	48,08	-1,51	0,676233	-2,23622	0,025338	0,2107309
SNORD3B-1	41,09	-1,68	0,751283	-2,2349	0,025424	0,2113538
DDOST	2343,32	0,72	0,324037	2,234616	0,025443	0,2114152
TLR5	428,82	-1,67	0,749579	-2,23437	0,025459	0,2114561
FRS2	152,90	1,51	0,676459	2,233397	0,025523	0,2118927
TNFRSF1B	2546,99	-0,67	0,300783	-2,23305	0,025546	0,2119419
RP11-153M7.3	33,53	-1,50	0,672443	-2,23269	0,02557	0,2119419
ZNF773	50,61	1,71	0,767191	2,232636	0,025573	0,2119419
OXLD1	159,48	-1,39	0,6247	-2,23262	0,025574	0,2119419
KCTD6	109,54	-1,74	0,779693	-2,231	0,025681	0,2126758
OTUB1	1549,57	0,73	0,327733	2,230931	0,025686	0,2126758
UBA7	893,19	-0,75	0,334483	-2,23045	0,025718	0,2128142
RP11-588G21.2	27,83	-2,78	1,245441	-2,23017	0,025736	0,2128142
MRPL52	229,75	-0,81	0,364557	-2,23016	0,025737	0,2128142
CHPF	0,85	-3,11	1,393443	-2,22921	0,0258	NA
ACADSB	151,71	1,74	0,780988	2,22901	0,025813	0,2133444
CTD-2509G16.5	0,78	-2,55	1,143079	-2,22899	0,025814	NA

TMEM170A	433,43	1,85	0,829088	2,228852	0,025824	0,2133444
TRIM52	126,59	-1,38	0,619852	-2,22807	0,025876	0,2136812
TSTD1	134,66	-1,41	0,633115	-2,22764	0,025905	0,2138233
NLRP12	254,58	-1,33	0,597898	-2,22733	0,025925	0,2138912
ELOVL5	1028,83	0,84	0,375698	2,227115	0,02594	0,2138912
ZNF644	789,42	1,15	0,514652	2,226997	0,025947	0,2138912
RP1L1	21,29	-1,93	0,868299	-2,22627	0,025996	0,2141988
RASSF2	1380,67	0,84	0,376472	2,225837	0,026025	0,214271
UHRF1BP1L	553,57	-1,00	0,448488	-2,22579	0,026028	0,214271
ZNF575	12,91	3,88	1,744347	2,225205	0,026068	0,2145006
GSTM4	156,66	1,89	0,849224	2,224475	0,026116	0,2147414
MELK	6,89	-2,04	0,916212	-2,22443	0,02612	0,2147414
GPR157	95,45	1,52	0,685141	2,22396	0,026151	0,2149039
OR6J1	18,18	-1,16	0,522796	-2,22376	0,026165	0,2149186
CTC-316M18.1	4,29	-6,58	2,960852	-2,22328	0,026197	0,2149511
RP11-866E20.3	37,72	-1,44	0,646339	-2,22321	0,026202	0,2149511
AC020956.3	82,98	-1,00	0,448305	-2,22308	0,026211	0,2149511
PCYOX1	108,15	-1,46	0,657739	-2,22302	0,026215	0,2149511
RP11-242C19.3	8,68	-2,46	1,105297	-2,22282	0,026228	0,2149644
HECW2	100,09	-2,28	1,025111	-2,2223	0,026263	0,215157
KIAA1024L	10,35	-2,24	1,009894	-2,22185	0,026294	0,2153134
BRF1	161,08	1,37	0,61872	2,221588	0,026311	0,2153628
SND1-IT1	218,13	1,74	0,782834	2,220832	0,026362	0,2156865
RP11-90J7.3	2,44	-5,72	2,577318	-2,2206	0,026378	NA
RP11-163E9.2	9,98	-3,32	1,493506	-2,22058	0,02638	0,2157003
E2F8	6,45	2,14	0,962792	2,220143	0,026409	0,2157003
THUMPDI	648,56	0,89	0,400918	2,220068	0,026414	0,2157003
CORO7-PAM16	9,54	5,47	2,465256	2,219982	0,02642	0,2157003
WDFY3-AS2	10,60	5,35	2,411552	2,219948	0,026422	0,2157003
RP11-568K15.1	125,61	1,29	0,583267	2,219782	0,026434	0,2157003
IL1RN	976,71	1,13	0,507119	2,219531	0,026451	0,2157446
TRMT2B	74,76	1,85	0,834203	2,219244	0,02647	0,2157536
RP4-773A18.8	58,16	1,74	0,785619	2,219174	0,026475	0,2157536
ATRN	251,64	-2,07	0,932823	-2,21833	0,026533	0,2161297
TIGD2	17,73	3,06	1,37971	2,217727	0,026573	0,2161775
ZNF236	181,84	1,56	0,705366	2,217701	0,026575	0,2161775
C10orf110	9,12	3,64	1,641908	2,217613	0,026581	0,2161775
RN7SKP78	5,51	5,09	2,29678	2,217558	0,026585	0,2161775
RP11-298E2.2	6,88	5,41	2,442657	2,216634	0,026648	0,2164359
RNA5SP363	6,64	5,37	2,423574	2,216572	0,026652	0,2164359
PAPSS1	420,08	-1,14	0,512986	-2,21643	0,026662	0,2164359
ATP1B3	1742,67	0,86	0,389267	2,216049	0,026688	0,2164359
STAU2	228,03	1,53	0,689949	2,216016	0,02669	0,2164359
HSDL1	65,53	2,21	0,995673	2,215998	0,026692	0,2164359
ZNF567	57,70	-2,03	0,918012	-2,2159	0,026698	0,2164359
RP11-365O16.3	27,39	1,05	0,472857	2,215249	0,026743	0,216704
NME7	155,85	1,48	0,667619	2,214478	0,026796	0,2170368
RP4-673M15.1	60,24	-1,67	0,75286	-2,21431	0,026807	0,2170368
SBNO2	84,98	-1,66	0,749567	-2,21407	0,026824	0,2170762
UTRN	1953,03	-0,85	0,383451	-2,21357	0,026858	0,2172328

TMEM150A	111,92	2,04	0,921201	2,213383	0,026871	0,2172328
ADD1	1081,24	-0,70	0,315711	-2,21318	0,026885	0,2172328
RP11-227G15.8	4,90	-2,96	1,33791	-2,21311	0,02689	0,2172328
RP11-588L15.1	11,66	6,17	2,788106	2,212544	0,026929	0,2173289
RP3-473L9.4	19,34	1,84	0,831106	2,212479	0,026934	0,2173289
RP11-15J10.4	6,19	5,26	2,375986	2,212431	0,026937	0,2173289
LGR4	3,49	2,88	1,300066	2,211954	0,02697	NA
MCFD2	426,57	-1,10	0,499091	-2,21055	0,027067	0,2182098
TSPAN3	1002,94	1,03	0,466431	2,210514	0,02707	0,2182098
AF129408.17	5,93	5,19	2,350368	2,209659	0,027129	0,2185935
GYG2P1	21,10	-1,80	0,81691	-2,20939	0,027148	0,2186518
CTC-507E2.2	6,46	-4,85	2,197082	-2,20893	0,02718	0,2188055
UHMK1	940,71	0,99	0,449195	2,208773	0,02719	0,2188055
ABI2	197,13	1,79	0,810415	2,207818	0,027257	0,2192137
JAK2	1699,02	0,71	0,320274	2,207706	0,027265	0,2192137
ZDHHC14	62,55	2,22	1,005167	2,206985	0,027315	0,2194507
ANKRD13D	852,65	-0,81	0,367018	-2,20695	0,027318	0,2194507
VPS4B	382,59	-0,82	0,369499	-2,20671	0,027334	0,2194859
NOG	20,82	-0,99	0,450792	-2,20578	0,027399	0,2199161
RP11-256L6.3	5,86	-7,35	3,331726	-2,2054	0,027426	0,2199277
RPLP1	15348,21	-0,47	0,212521	-2,20537	0,027428	0,2199277
HNF4G	4,75	-1,60	0,726385	-2,20507	0,027449	0,2199277
RP11-214O1.3	22,91	1,89	0,855093	2,204745	0,027472	0,2199277
CMAS	294,74	-1,58	0,716692	-2,20464	0,027479	0,2199277
PNLIPRP1	9,97	-2,27	1,02816	-2,20461	0,027481	0,2199277
ADSS	347,28	-1,24	0,562032	-2,20458	0,027484	0,2199277
FBXO48	53,93	-1,06	0,478718	-2,20404	0,027522	0,2201377
DOHH	4,08	4,67	2,118404	2,203633	0,02755	0,2202286
PDZD9	7,54	3,58	1,623651	2,203025	0,027593	0,2202286
DUSP6	1001,61	-1,67	0,759068	-2,20291	0,027601	0,2202286
EMCN	21,41	-2,31	1,050891	-2,20269	0,027617	0,2202286
CA6	9,34	-1,29	0,58727	-2,20262	0,027622	0,2202286
ZNF45	24,80	2,39	1,085685	2,202575	0,027625	0,2202286
FAM110B	5,24	-3,15	1,429944	-2,20254	0,027627	0,2202286
SWI5	54,15	2,71	1,229773	2,202533	0,027628	0,2202286
TRAF3IP2	41,29	2,23	1,013965	2,202128	0,027656	0,2203619
RP11-6J24.6	11,21	-4,16	1,889581	-2,20182	0,027678	0,220412
OR7C1	107,30	-1,15	0,523315	-2,20159	0,027694	0,220412
RP11-538I12.2	3,97	4,62	2,098726	2,201536	0,027698	0,220412
RP11-520E6.1	14,78	-2,55	1,160238	-2,20127	0,027717	0,2204663
RN7SL538P	1,75	-2,81	1,275044	-2,20117	0,027724	NA
RP11-20B24.4	27,13	3,22	1,463166	2,200712	0,027756	0,2205993
HIST1H3G	5,48	4,50	2,046635	2,200401	0,027778	0,2205993
FMN1	670,67	-1,80	0,817615	-2,20032	0,027785	0,2205993
CCDC88A	4045,78	0,31	0,142182	2,200291	0,027786	0,2205993
RP13-228J13.6	14,40	3,83	1,742494	2,200145	0,027797	0,2205993
SLC1A3	65,97	4,01	1,821965	2,19994	0,027811	0,2205993
ANKRD42	102,39	-1,53	0,697354	-2,19984	0,027818	0,2205993
TRNT1	175,67	-1,12	0,508237	-2,1997	0,027828	0,2205993
TLR4	747,61	-0,89	0,406081	-2,19935	0,027853	0,2206123

INTS11	362,86	-1,19	0,54261	-2,19934	0,027854	0,2206123
ATP13A2	100,06	1,97	0,897092	2,199078	0,027872	0,2206661
CTC-281B15.1	56,76	-2,01	0,914585	-2,19888	0,027886	0,2206827
RP11-791G15.1	12,17	2,53	1,150948	2,198385	0,027922	0,2208687
NEDD4	483,43	-0,65	0,296568	-2,19742	0,02799	0,2213163
RP11-324I22.3	5,15	4,99	2,269759	2,19709	0,028014	0,2213203
KATNBL1	377,89	-0,70	0,319993	-2,19708	0,028014	0,2213203
RN7SL377P	4,02	2,99	1,363118	2,196841	0,028032	0,2213632
RP11-489M13.4	14,30	1,99	0,904694	2,196283	0,028072	0,2215842
PCLAF	59,18	1,55	0,705618	2,195777	0,028108	0,2217582
LLNLF-96A1.1	11455,68	-1,12	0,508725	-2,19564	0,028118	0,2217582
TM4SF20	8,17	2,56	1,165241	2,194473	0,028201	0,222325
RP11-89K11.1	4,97	4,08	1,859184	2,193673	0,028259	0,2224556
IVD	472,72	-1,01	0,460785	-2,19363	0,028262	0,2224556
KDM8	11,39	4,24	1,933836	2,193405	0,028278	0,2224556
SIM1	4,07	-3,09	1,406568	-2,19337	0,028281	0,2224556
CCBL2	276,68	1,94	0,883473	2,193293	0,028286	0,2224556
RGPD1	62,73	2,87	1,308637	2,192974	0,028309	0,2224556
UBR1	206,91	1,05	0,477934	2,192946	0,028311	0,2224556
MYNN	213,05	-1,74	0,791369	-2,19291	0,028314	0,2224556
IGHV1-69-2	1,37	-4,44	2,026753	-2,19284	0,028319	NA
RP11-498E2.9	6,86	-4,43	2,021201	-2,19256	0,028339	0,2224909
HS6ST1	192,34	-2,83	1,289008	-2,19241	0,02835	0,2224909
ZNF17	12,30	-2,02	0,919943	-2,19235	0,028354	0,2224909
GOLGA6L10	6,20	4,42	2,01832	2,191823	0,028392	0,2226976
SNORD3B-2	159,86	-1,12	0,509798	-2,19143	0,028421	0,2227345
RP11-258B16.1	2,64	-2,18	0,993048	-2,19141	0,028422	NA
AC055764.1	10,38	4,86	2,218286	2,191296	0,02843	0,2227345
RP11-267C16.1	82,21	-1,40	0,640746	-2,19102	0,02845	0,2227345
MTM1	193,84	1,72	0,78619	2,19099	0,028453	0,2227345
KIAA1524	78,57	2,52	1,150814	2,190683	0,028475	0,2227345
CTB-184G21.3	6,55	-1,61	0,734776	-2,19064	0,028478	0,2227345
PPP1R11	229,61	1,66	0,758926	2,190585	0,028482	0,2227345
RP11-552F3.12	40,37	-3,25	1,48555	-2,19032	0,028501	0,2227345
UBB	6707,44	0,45	0,203965	2,190235	0,028507	0,2227345
RP11-175P19.1	3,08	4,23	1,929853	2,190067	0,028519	NA
RP11-556O5.3	55,79	2,27	1,036202	2,190056	0,02852	0,2227345
C17orf99	5,70	-1,80	0,822106	-2,18991	0,028531	0,2227345
RP11-245D16.4	4,88	4,34	1,981729	2,189631	0,028551	0,2227345
GIN1	36,29	2,04	0,933191	2,189477	0,028562	0,2227345
AC125232.1	34,53	3,04	1,386781	2,189349	0,028572	0,2227345
TANGO6	113,46	1,25	0,569398	2,189279	0,028577	0,2227345
CYP3A4	1,68	-3,95	1,80345	-2,18926	0,028578	NA
RP11-576I22.2	2,91	-5,70	2,602888	-2,18864	0,028623	NA
RP11-357G3.2	4,23	4,71	2,153885	2,188492	0,028634	0,2230084
OVCH1	5,61	-4,47	2,044725	-2,18847	0,028636	0,2230084
MAP4K5	378,12	1,46	0,666111	2,18758	0,0287	0,2234174
ZNF716	28,31	-2,32	1,062727	-2,18726	0,028723	0,2234517
AC024084.1	6,05	5,22	2,386143	2,18719	0,028729	0,2234517
TRDJ1	3,52	-6,44	2,946569	-2,18645	0,028783	NA

SCNM1	950,39	0,64	0,292956	2,186033	0,028813	0,2240154
RP11-63E5.8	2,32	-2,53	1,156492	-2,18508	0,028883	NA
METTL16	171,50	1,08	0,49609	2,184878	0,028898	0,2245796
VSX1	1,08	-2,44	1,114588	-2,18484	0,028901	NA
RP11-580I1.2	2,75	-5,73	2,624017	-2,18463	0,028916	NA
RF00409	16,12	-2,54	1,164473	-2,18432	0,028938	0,2247994
RP11-73B2.7	3,15	-6,46	2,958147	-2,18422	0,028946	NA
MT-TF	22,40	-0,99	0,45375	-2,18416	0,02895	0,2247994
RP5-1093G23.1	3,01	-6,38	2,923094	-2,18403	0,02896	NA
CTD-2165H16.4	3,55	4,58	2,09554	2,183805	0,028977	NA
RP1-182O16.1	1,24	-2,04	0,932647	-2,1837	0,028984	NA
RP11-309H21.3	25,45	2,29	1,0498	2,183482	0,029	0,2250239
FAM26F	1034,29	1,08	0,496438	2,183441	0,029003	0,2250239
AC034187.2	12,86	-1,78	0,813232	-2,18288	0,029045	0,2252494
CTPS1	177,52	1,36	0,622042	2,182563	0,029068	0,2253376
UBXN1	1475,00	0,61	0,27825	2,18189	0,029118	0,2256286
IGHEP2	85,00	2,96	1,358831	2,181683	0,029133	0,2256347
RP1-149A16.17	11,41	6,14	2,815714	2,181497	0,029147	0,2256347
CTC-490E21.11	229,14	-1,10	0,503318	-2,18127	0,029163	0,2256347
GBAS	799,92	0,98	0,44869	2,181222	0,029167	0,2256347
ARG2	11,44	3,36	1,542194	2,180952	0,029187	0,2256957
ANXA1	10131,51	0,59	0,268465	2,180469	0,029223	0,2258778
RP11-793H13.10	82,89	-1,92	0,878397	-2,18013	0,029248	0,2258793
PXMP2	15,79	2,86	1,31338	2,180102	0,02925	0,2258793
RF00003	293,78	-0,60	0,276229	-2,17998	0,029259	0,2258793
RNF157	14,49	-1,44	0,661335	-2,17968	0,029281	0,2259551
RP4-794H19.4	81,78	-1,13	0,519222	-2,17932	0,029308	0,2260655
MRPS25	503,59	1,14	0,524743	2,17882	0,029345	0,2262594
CALN1	7,91	-1,51	0,690967	-2,17838	0,029377	0,2264154
E2F1	8,02	5,63	2,586722	2,178022	0,029404	0,2265295
COA1	449,76	1,08	0,496448	2,177634	0,029433	0,2266584
PSORS1C1	3,93	-2,05	0,939943	-2,17724	0,029463	0,2267111
TPM4	1671,15	0,59	0,272075	2,177215	0,029465	0,2267111
CCNB2	28,84	2,48	1,140496	2,175469	0,029595	0,2276203
SOS2	460,69	1,42	0,651251	2,175306	0,029607	0,2276203
CTA-407F11.8	2,75	4,09	1,880159	2,175033	0,029628	NA
RP11-596D21.1	22,63	4,45	2,04444	2,174443	0,029672	0,2280235
RILPL2	1046,43	0,78	0,357506	2,174269	0,029685	0,2280297
XXbac-B476C20.13	3,55	-2,10	0,967083	-2,17405	0,029702	NA
RP11-548K23.11	11,01	6,09	2,803164	2,173912	0,029712	0,2281418
AC010226.4	16,96	-2,86	1,316998	-2,17354	0,02974	0,2282619
RP11-379K22.2	7,17	-1,46	0,669987	-2,17325	0,029761	0,2283326
ATRX	1761,92	-0,90	0,4163	-2,17211	0,029847	0,2288979
CTD-2337A12.1	15,85	2,41	1,111017	2,171915	0,029862	0,2289179
AC000099.1	1,92	-3,47	1,598251	-2,17059	0,029963	NA
ADAMTS2	18,10	-1,96	0,903916	-2,17028	0,029986	0,2296316
SPA17	65,43	-3,00	1,384492	-2,17018	0,029993	0,2296316
TMEM110	178,80	-2,43	1,117673	-2,17016	0,029994	0,2296316
CTD-2540B15.11	271,67	-1,08	0,496634	-2,17003	0,030005	0,2296316
MRPS22	412,13	1,48	0,682594	2,169727	0,030028	0,2297132

DCX	3,75	-2,45	1,128469	-2,16944	0,030049	NA
ZNF132	7,27	4,86	2,241586	2,1692	0,030068	0,2298303
RP11-424G14.1	4,13	-3,71	1,710243	-2,1692	0,030068	0,2298303
AF127936.9	34,11	3,70	1,707263	2,168577	0,030115	0,2300563
PRSS12	15,06	3,24	1,494895	2,16839	0,030129	0,2300563
STK10	1181,27	-0,73	0,338478	-2,16832	0,030134	0,2300563
PPP6R1	407,65	-1,17	0,539489	-2,16804	0,030156	0,2301271
HMG3	1182,69	0,59	0,27343	2,167572	0,030191	0,2303028
RP11-630C16.2	5,11	-2,60	1,20128	-2,16694	0,03024	0,2304706
RP11-178C10.3	12,64	-1,74	0,803828	-2,16682	0,030248	0,2304706
SPTLC1	477,03	-1,15	0,528701	-2,16651	0,030273	0,2304706
STAU1	436,13	-0,99	0,45507	-2,16644	0,030277	0,2304706
RP11-261P13.5	3,25	-3,21	1,483261	-2,16639	0,030282	NA
CTD-2001J20.1	22,11	-0,84	0,38607	-2,16637	0,030283	0,2304706
SHQ1	254,61	1,87	0,864835	2,166309	0,030288	0,2304706
BIN1	342,98	1,16	0,537037	2,1659	0,030319	0,230611
AVIL	47,41	-2,41	1,111107	-2,16574	0,030331	0,230611
ABCG8	64,54	-0,99	0,455732	-2,16551	0,030348	0,2306314
AC073283.4	66,82	-1,38	0,636337	-2,16538	0,030358	0,2306314
RP11-28H5.2	3,08	-2,09	0,964883	-2,1653	0,030364	NA
CDC27P3	2,68	-5,69	2,630147	-2,16522	0,030371	NA
TP53INP2	127,43	2,41	1,113607	2,163665	0,03049	0,2314692
KIAA1191	203,30	1,32	0,610446	2,163603	0,030495	0,2314692
BRWD1	1056,24	-1,07	0,492727	-2,16346	0,030506	0,2314692
RP11-192H23.6	35,34	-2,16	0,998988	-2,1625	0,030579	0,2316042
AC092798.2	6,26	4,69	2,168956	2,162402	0,030587	0,2316042
TRBC2	159,56	-2,65	1,225911	-2,16239	0,030588	0,2316042
RP4-781K5.2	459,38	1,39	0,640552	2,162376	0,030589	0,2316042
AC015818.3	3,76	2,71	1,255424	2,16231	0,030594	0,2316042
NFAM1	235,55	-1,30	0,600769	-2,16205	0,030614	0,2316042
AGL	168,90	2,04	0,94387	2,161685	0,030642	0,2316042
RP4-736L20.5	45,04	-1,45	0,672803	-2,16167	0,030644	0,2316042
RP11-884K10.5	853,73	1,00	0,463282	2,161565	0,030652	0,2316042
OXCT2	13,73	5,26	2,432338	2,161476	0,030659	0,2316042
RP11-296A18.6	5,61	-2,11	0,978203	-2,16145	0,030661	0,2316042
TMEM187	44,58	3,56	1,645086	2,161244	0,030677	0,2316042
ROMO1	342,07	-0,81	0,375761	-2,16113	0,030686	0,2316042
KDM6B	600,48	-1,27	0,589337	-2,1608	0,030711	0,2317018
FGF23	155,62	-0,85	0,394622	-2,16054	0,030731	0,2317209
RP11-949J7.7	35,04	1,88	0,867905	2,160443	0,030738	0,2317209
RP11-1152H15.1	52,13	-1,46	0,67732	-2,16005	0,030769	0,2318547
MIS18BP1	1104,12	0,73	0,339118	2,159781	0,03079	0,2319183
AC114271.2	10,84	3,36	1,556722	2,159622	0,030802	0,2319183
RABAC1	1037,19	-0,55	0,256744	-2,15902	0,030848	0,2321741
FOLH1	12,73	-5,10	2,362066	-2,15884	0,030863	0,2321878
ELF4	330,75	1,02	0,473575	2,1583	0,030904	0,2322755
DIS3L	274,91	1,35	0,623952	2,158021	0,030926	0,2322755
CASP8AP2	330,54	-1,48	0,685951	-2,15797	0,03093	0,2322755
VEGFA	275,85	1,43	0,663464	2,157964	0,030931	0,2322755
WASHC1	139,96	-1,43	0,66324	-2,15788	0,030937	0,2322755

TRIM46	2,36	-2,36	1,092451	-2,15761	0,030958	NA
TMEM38B	85,10	2,01	0,930077	2,156669	0,031031	0,2327515
SEPT7	1425,27	0,58	0,267522	2,15664	0,031034	0,2327515
UPB1	23,82	-1,85	0,856123	-2,1565	0,031045	0,2327515
AP001062.7	32,44	3,50	1,623029	2,156429	0,03105	0,2327515
AC108142.1	5,01	-2,01	0,930336	-2,15595	0,031087	0,2329364
CTD-2270N23.1	1,34	-2,14	0,991378	-2,15589	0,031092	NA
RP11-148K14.2	33,93	-1,16	0,537884	-2,15544	0,031127	0,2331421
PPM1A	591,07	0,93	0,432032	2,155227	0,031144	0,2331731
KIRREL3	1,87	-2,80	1,30081	-2,15501	0,031161	NA
MAFG-AS1	5,53	-3,51	1,627278	-2,15441	0,031208	0,2335568
CYFIP2	382,20	-1,60	0,74251	-2,15425	0,03122	0,2335568
ZBTB22	33,68	-2,10	0,973586	-2,15346	0,031282	0,2338209
ZGRF1	98,08	1,72	0,798558	2,153376	0,031289	0,2338209
NACA	3750,38	0,39	0,183144	2,153322	0,031293	0,2338209
RP11-363P13.1	7,89	-3,94	1,828915	-2,15286	0,031329	0,2339952
RN7SL461P	6,23	1,93	0,89673	2,151971	0,0314	0,2344262
BTF3	5117,83	0,36	0,166859	2,151543	0,031433	0,2345841
RP11-752L20.3	6,92	-2,43	1,128067	-2,1509	0,031484	0,2348607
AP002387.1	6,97	-2,06	0,958685	-2,15069	0,031501	0,2348607
RP13-198D9.5	13,08	-1,39	0,646642	-2,15059	0,031508	0,2348607
PRKCZ	4,29	4,02	1,868139	2,149793	0,031572	0,2352382
RP11-2E11.6	3,71	-2,31	1,072759	-2,14947	0,031597	NA
RBM15B	250,53	1,63	0,757221	2,149248	0,031615	0,2354155
THEMIS2	1735,94	0,69	0,319177	2,149101	0,031626	0,2354155
PRDX6	1295,16	-0,62	0,28918	-2,14901	0,031633	0,2354155
AIDA	331,43	-1,49	0,691297	-2,14846	0,031677	0,2356465
SEC31A	701,85	-0,73	0,342057	-2,14808	0,031707	0,2357269
RP11-313F23.4	6,70	4,79	2,231284	2,148007	0,031713	0,2357269
CPNE1	1256,85	0,52	0,241349	2,147478	0,031755	0,2359448
ARHGEF39	21,15	1,62	0,752902	2,147129	0,031783	0,2360572
RP3-329A5.4	39,67	-2,07	0,966133	-2,14662	0,031823	0,2362625
UBE2L3	1195,81	0,49	0,229442	2,146219	0,031856	0,2363973
RNF214	173,29	-1,64	0,762838	-2,14608	0,031867	0,2363973
RP11-231C14.9	40,35	1,83	0,852777	2,145156	0,03194	0,2368354
TRIM45	42,75	2,71	1,26336	2,145017	0,031951	0,2368354
AC010761.8	28,57	1,67	0,779283	2,144089	0,032026	0,2372919
SLC24A4	199,37	-1,97	0,917526	-2,14322	0,032096	0,237716
KIF1C	144,23	-1,46	0,681892	-2,14185	0,032205	0,2384327
RNF167	216,10	1,08	0,503522	2,140874	0,032284	0,2388411
SMC3	690,62	1,13	0,526346	2,140849	0,032286	0,2388411
MRPL35P3	6,70	4,79	2,23831	2,140161	0,032342	0,2391567
RP11-252C24.3	24,98	-1,43	0,669457	-2,13974	0,032376	0,2392777
AC093642.4	5,16	4,99	2,332961	2,13964	0,032384	0,2392777
ZNF720	158,50	1,86	0,867859	2,139412	0,032402	0,2393195
PSMA4	2969,74	0,65	0,303082	2,139138	0,032425	0,2393472
AC005624.2	1,02	-2,66	1,24195	-2,13913	0,032426	NA
NIFK-AS1	35,68	2,20	1,02996	2,139047	0,032432	0,2393472
AGMO	1,26	-3,08	1,441556	-2,13856	0,032471	NA
UBC	18682,96	0,41	0,192609	2,137483	0,032559	0,2401885

PGAM1	1917,76	0,54	0,250939	2,136853	0,03261	0,2404709
VTI1B	622,01	1,08	0,504058	2,135704	0,032704	0,2408881
TRPT1	144,36	-1,66	0,775379	-2,13559	0,032713	0,2408881
RP11-496D24.2	12,17	-1,79	0,837701	-2,13526	0,03274	0,2408881
RP11-53O19.1	64,38	-1,43	0,66767	-2,13525	0,03274	0,2408881
RPL31P11	8,09	4,64	2,173403	2,135162	0,032748	0,2408881
CTB-131B5.4	57,57	-1,18	0,554595	-2,13509	0,032753	0,2408881
RP11-13G14.4	5,60	-4,00	1,871185	-2,13505	0,032757	0,2408881
RP11-44N22.3	43,27	-1,11	0,520128	-2,13486	0,032772	0,2409049
FAM162A	476,65	1,03	0,484477	2,13453	0,032799	0,2409137
SF3A1	579,66	1,47	0,687603	2,134529	0,032799	0,2409137
ANO9	1,12	-3,70	1,733708	-2,13452	0,0328	NA
CNBP	4188,06	0,63	0,297346	2,134016	0,032841	0,2410018
RCL1	71,44	1,62	0,759835	2,133918	0,03285	0,2410018
AKR1C1	20,12	-1,70	0,797667	-2,13373	0,032865	0,2410018
AC096655.2	208,17	-0,62	0,292413	-2,1336	0,032875	0,2410018
RP11-666F17.1	37,79	1,45	0,679555	2,133567	0,032878	0,2410018
RP11-44F14.7	11,40	-1,54	0,720444	-2,13343	0,032889	0,2410018
INTS1	604,08	-1,26	0,591945	-2,13285	0,032937	0,2411385
FAM105A	1154,35	1,06	0,498048	2,132735	0,032946	0,2411385
RN7SL605P	4,96	-2,49	1,166523	-2,13252	0,032964	0,2411385
CFAP221	48,27	-1,56	0,733412	-2,13249	0,032966	0,2411385
FRY	687,81	-1,48	0,694109	-2,13242	0,032973	0,2411385
AP001340.2	0,84	-2,67	1,254234	-2,13184	0,03302	NA
YAP1	2,60	-3,87	1,817087	-2,1318	0,033024	NA
AC093627.9	6,90	-3,59	1,68243	-2,13143	0,033054	0,2416237
RP5-1142A6.8	6,53	2,04	0,95731	2,131088	0,033082	0,2416237
RP11-706O15.7	19,36	-2,36	1,10716	-2,13103	0,033086	0,2416237
PSAP	14473,90	-0,34	0,158969	-2,13093	0,033095	0,2416237
SNHG3	486,27	-1,16	0,54235	-2,13082	0,033104	0,2416237
RP13-126P21.1	3,39	1,88	0,883224	2,130672	0,033116	NA
RP11-1277A3.2	8,18	3,90	1,830805	2,130501	0,03313	0,241721
TRAPPC6B	234,40	1,40	0,655311	2,130299	0,033147	0,2417477
KIF11	31,73	2,10	0,987988	2,13001	0,033171	0,2418268
C6orf48	1010,94	0,63	0,29557	2,129822	0,033186	0,2418454
SEMA3C	74,53	2,51	1,179077	2,129373	0,033223	0,2419331
NDRG4	10,89	2,84	1,331911	2,129362	0,033224	0,2419331
RP11-396B14.2	8,34	-4,46	2,094297	-2,12865	0,033283	0,2422646
RP11-347C12.10	6,55	5,34	2,509051	2,127848	0,03335	0,242656
RP11-241F15.2	8,48	-4,75	2,23347	-2,12743	0,033384	0,2426637
SPATA5L1	103,40	1,46	0,685959	2,127359	0,03339	0,2426637
USP8	1311,08	-1,14	0,534431	-2,12735	0,033391	0,2426637
RP13-580B18.4	12,43	3,16	1,484996	2,127206	0,033403	0,2426637
RP13-631K18.3	12,16	-1,35	0,635917	-2,12696	0,033424	0,2427183
DHRS7B	142,93	-1,89	0,88737	-2,12655	0,033458	0,2428729
ZSCAN26	188,23	-3,00	1,40993	-2,12607	0,033498	0,2430402
TMEM40	36,68	-2,25	1,058642	-2,12539	0,033554	0,2430402
RP11-861A13.4	29,52	1,83	0,859462	2,125178	0,033572	0,2430402
ZNF410	269,00	1,34	0,629709	2,125154	0,033574	0,2430402
AL022393.9	4,64	-6,40	3,009594	-2,12508	0,03358	0,2430402

BCKDHA	416,52	-0,68	0,321809	-2,12504	0,033583	0,2430402
TEDDM1	5,17	-3,15	1,483627	-2,12493	0,033593	0,2430402
NRP1	94,24	-1,60	0,754498	-2,12488	0,033596	0,2430402
AC005301.5	220,33	-1,27	0,596163	-2,12486	0,033598	0,2430402
AC139100.4	1,38	-4,04	1,901127	-2,12416	0,033657	NA
FGFR1OP	494,38	1,58	0,741899	2,123996	0,03367	0,2432589
RNF130	3399,36	0,60	0,281042	2,123706	0,033695	0,2432589
KLF12	307,14	-1,55	0,728956	-2,12361	0,033703	0,2432589
APCDD1	1,01	-2,80	1,319256	-2,12351	0,033711	NA
ZNF346	101,45	1,95	0,920408	2,123466	0,033715	0,2432589
RPL36	2716,74	-0,58	0,27107	-2,12343	0,033718	0,2432589
ANKRD12	1312,65	0,69	0,32695	2,123117	0,033744	0,2432589
CTC-327F10.5	5,14	4,99	2,352647	2,123065	0,033748	0,2432589
TBX21	17,91	-4,84	2,278439	-2,12306	0,033749	0,2432589
C20orf197	64,42	2,53	1,191964	2,123056	0,033749	0,2432589
POLR1A	252,75	1,81	0,853066	2,122931	0,03376	0,2432589
DXO	83,14	1,92	0,905851	2,122617	0,033786	0,2432589
AC005017.1	6,79	2,09	0,982577	2,122563	0,03379	0,2432589
HERPUD1	3471,62	0,72	0,341293	2,122369	0,033807	0,2432589
AC093391.2	54,47	-1,24	0,582683	-2,12231	0,033812	0,2432589
MYO1G	815,37	-0,84	0,396498	-2,12137	0,033891	0,2437097
LZIC	216,86	-1,53	0,722559	-2,1211	0,033913	0,2437097
RFNG	145,20	-1,54	0,728314	-2,1211	0,033914	0,2437097
PM20D2	121,83	-1,24	0,582732	-2,12083	0,033936	0,2437413
RP11-35J1.2	3,33	3,15	1,483586	2,120778	0,033941	NA
ZFP36	4735,19	0,54	0,252777	2,120508	0,033963	0,2437413
HEATR5A	265,44	1,39	0,654047	2,120456	0,033968	0,2437413
RP11-420L9.4	6,37	-1,72	0,811264	-2,12042	0,033971	0,2437413
SGTB	165,04	-1,63	0,76704	-2,12027	0,033984	0,2437413
CTD-2562J15.4	1,90	-2,66	1,256909	-2,11972	0,03403	NA
ACTR3B	41,48	-1,99	0,937659	-2,11971	0,034031	0,2437858
CPD	490,49	-1,51	0,711194	-2,11968	0,034033	0,2437858
VDR	247,93	1,61	0,760381	2,119632	0,034037	0,2437858
RP11-367H5.5	4,52	4,25	2,006137	2,119571	0,034042	0,2437858
STX4	319,53	-1,03	0,48481	-2,11932	0,034064	0,2438367
RP4-669P10.19	8,05	5,05	2,381631	2,119177	0,034076	0,2438367
RP11-429J17.7	8,73	-1,68	0,794392	-2,11851	0,034132	0,2441102
RP11-510C10.4	5,52	-3,56	1,681425	-2,11826	0,034153	0,2441102
C2-AS1	5,76	3,46	1,631704	2,117993	0,034176	0,2441102
RP4-548D19.4	8,52	-4,62	2,180349	-2,11788	0,034186	0,2441102
RP11-464F9.21	10,49	-5,61	2,647559	-2,11787	0,034186	0,2441102
RP11-730A19.5	6,05	-2,25	1,062193	-2,11779	0,034192	0,2441102
CIB1	1866,88	0,51	0,242327	2,117523	0,034215	0,2441192
AIMP2	289,28	1,74	0,81939	2,11745	0,034222	0,2441192
HSF4	45,54	2,97	1,402029	2,117278	0,034236	0,2441192
RP11-281A20.3	16,69	-2,18	1,029133	-2,11716	0,034246	0,2441192
RP11-1036E20.9	12,86	1,86	0,876331	2,116846	0,034273	0,2441263
SRM	307,38	-1,08	0,50935	-2,11684	0,034273	0,2441263
EOMES	49,23	-4,57	2,15866	-2,11642	0,034309	0,2442837
SMURF1	156,92	1,78	0,84141	2,116183	0,034329	0,2443366

SUMO1	963,53	0,55	0,261241	2,115756	0,034366	0,2443623
RBMS1	940,45	-0,90	0,426435	-2,1157	0,03437	0,2443623
RP11-562A8.4	12,58	-3,90	1,842528	-2,11561	0,034378	0,2443623
INSL4	11,83	-2,75	1,30052	-2,11525	0,034409	0,2443623
ZDHHC24	211,07	1,27	0,600794	2,115244	0,034409	0,2443623
CTB-41I6.2	4,04	4,63	2,190534	2,115148	0,034417	0,2443623
GSN	2459,58	0,56	0,263591	2,11506	0,034425	0,2443623
AC109642.1	25,35	-1,20	0,565186	-2,11458	0,034466	0,2445588
RP4-647J21.1	99,15	2,00	0,944575	2,114425	0,034479	0,2445604
RPL9P32	1,38	-3,05	1,44372	-2,11397	0,034518	NA
RP11-431H16.2	4,86	4,34	2,051236	2,113754	0,034536	0,2448733
NUP188	250,35	1,65	0,780822	2,113084	0,034594	0,2451863
SLC30A8	4,82	-2,26	1,068508	-2,11138	0,03474	0,246127
HNMT	489,35	-1,04	0,494711	-2,11109	0,034765	0,2462127
CAP1	4187,67	0,50	0,235872	2,110445	0,03482	0,2464728
CCR2	786,81	-1,33	0,630121	-2,11035	0,034828	0,2464728
RP3-394A18.1	529,70	-0,73	0,344303	-2,10976	0,034879	0,2465834
ZBTB8OS	169,50	-0,95	0,449121	-2,10971	0,034883	0,2465834
C10orf88	55,06	1,91	0,906158	2,109708	0,034883	0,2465834
RP11-10E18.4	5,90	4,02	1,908012	2,109478	0,034903	0,2466302
CELF2	3089,09	0,63	0,299383	2,109127	0,034934	0,2467039
PF4	33,78	-3,59	1,701033	-2,10905	0,03494	0,2467039
KDM3B	479,78	0,99	0,470297	2,108584	0,034981	0,2468942
OR4F17	20,44	-0,88	0,419408	-2,10832	0,035004	0,2469632
WARS2	235,74	1,91	0,907305	2,107855	0,035044	0,2471513
KB-1980E6.2	12,45	1,79	0,849787	2,107183	0,035102	0,2474645
RP4-544H6.2	4,99	-7,12	3,377292	-2,10703	0,035115	0,2474645
SNX15	82,00	1,29	0,613961	2,106653	0,035148	0,2476039
RP11-337A23.6	5,03	-7,13	3,383772	-2,10644	0,035166	0,2476399
YIF1B	1238,20	0,60	0,286638	2,106166	0,03519	0,2477141
PPID	127,79	1,53	0,726188	2,106003	0,035204	0,2477201
PRR11	151,54	1,09	0,518152	2,105738	0,035227	0,2477295
ST7L	110,68	1,40	0,662794	2,105681	0,035232	0,2477295
RP11-874J12.2	55,42	-2,85	1,354131	-2,10537	0,035259	0,2477572
BCAS1	11,96	-2,26	1,074058	-2,10533	0,035263	0,2477572
OCIAD2	46,13	1,84	0,872275	2,104729	0,035315	0,2480308
RP11-730E6.3	10,18	-5,52	2,621379	-2,10398	0,03538	0,2483965
AP000477.3	6,72	-2,43	1,157245	-2,10338	0,035433	0,24867
SLC39A1	212,18	1,73	0,822697	2,101098	0,035632	0,2499773
THOP1	74,09	-2,54	1,20692	-2,10064	0,035673	0,250134
RP11-78J21.2	11,05	3,34	1,591274	2,100313	0,035701	0,250134
PRDM2	604,92	-1,12	0,534857	-2,1003	0,035702	0,250134
TRMT12	72,61	-2,70	1,286413	-2,10023	0,035708	0,250134
PABPC4L	2,74	-6,25	2,977255	-2,09994	0,035734	NA
TENM1	20,04	-5,01	2,384406	-2,09971	0,035755	0,2503625
SPATS2	170,56	1,19	0,569206	2,099163	0,035803	0,2506044
ABR	604,09	-1,07	0,508518	-2,09876	0,035838	0,2507613
CTD-2651B20.1	3,00	-2,47	1,178	-2,09858	0,035854	NA
ACVR2B	23,06	-1,70	0,809671	-2,0981	0,035896	0,2510697
RP11-445N18.7	6,50	-1,40	0,668895	-2,0975	0,035949	0,2512557

RPL32P1	200,49	1,15	0,548751	2,097497	0,03595	0,2512557
CTD-2349P21.3	36,71	-1,87	0,892325	-2,09727	0,03597	0,2513005
WDR5B	37,13	-1,93	0,918621	-2,09663	0,036026	0,2515333
CCR4	11,55	-1,47	0,701715	-2,09649	0,036039	0,2515333
NR4A2	3280,13	0,77	0,369358	2,096437	0,036043	0,2515333
RP11-613D13.5	7,56	4,49	2,141269	2,09499	0,036172	0,252254
COA7	168,51	1,59	0,760212	2,094968	0,036174	0,252254
RP11-56B16.2	16,69	2,84	1,354858	2,093984	0,036261	0,2527703
CHUK	191,52	1,71	0,814655	2,0936	0,036296	0,252914
AF127577.11	48,45	2,16	1,029923	2,093157	0,036335	0,2530943
ALDH18A1	16,43	2,56	1,221972	2,092282	0,036413	0,2535439
KIAA1614	13,92	5,41	2,58833	2,091679	0,036467	0,2538243
IL2RG	1072,67	0,97	0,464648	2,090483	0,036574	0,2543505
RP11-196G18.23	10,16	-3,71	1,775672	-2,09039	0,036582	0,2543505
ZDHHC22	4,73	-2,83	1,352105	-2,09023	0,036597	0,2543505
RP11-258C19.5	151,53	-1,17	0,55868	-2,09004	0,036615	0,2543505
RP3-404F18.5	13,38	2,90	1,389676	2,089973	0,03662	0,2543505
RP11-339B9.1	1,07	-2,02	0,966134	-2,0898	0,036636	NA
AC098820.3	37,13	1,80	0,859992	2,089741	0,036641	0,2543505
TINCR	31,06	-2,25	1,078067	-2,08962	0,036652	0,2543505
RP11-276H1.2	7,19	5,47	2,616351	2,089536	0,036659	0,2543505
FRG1HP	188,94	-1,16	0,557536	-2,08934	0,036677	0,2543505
FAM221B	12,20	2,18	1,041815	2,089067	0,036702	0,2543505
C1orf127	32,95	-2,06	0,986906	-2,08902	0,036706	0,2543505
TUBE1	63,40	-1,47	0,703274	-2,08892	0,036715	0,2543505
DSP	11,78	-3,64	1,744315	-2,08886	0,036721	0,2543505
USP11	81,81	-1,64	0,785517	-2,0887	0,036735	0,2543549
RP11-325F22.4	252,13	-0,75	0,359264	-2,088	0,036798	0,254625
PSMA3	1214,64	0,57	0,274376	2,087963	0,036801	0,254625
CTD-2366F13.1	37,43	-2,70	1,293878	-2,08741	0,036851	0,2548722
RP11-88H9.2	27,76	-1,28	0,614874	-2,08718	0,036872	0,2549271
GPR89B	62,84	-1,87	0,895228	-2,08652	0,036931	0,255239
AC006196.1	4,89	-7,09	3,39782	-2,08591	0,036987	0,2553946
RNU5F-1	45,79	-1,33	0,638723	-2,08562	0,037013	0,2553946
RP11-33B1.2	36,04	-2,13	1,019742	-2,08561	0,037014	0,2553946
RNU4ATAC	56,20	-1,05	0,504644	-2,08556	0,037018	0,2553946
RP11-116D17.4	29,66	-1,20	0,577318	-2,08552	0,037022	0,2553946
RP11-264B17.3	11,63	4,18	2,004063	2,084028	0,037158	0,256144
SENP6	737,31	0,77	0,369254	2,084019	0,037158	0,256144
CARD16	1022,91	-0,46	0,220633	-2,08364	0,037193	0,2561712
USP1	371,50	1,12	0,53803	2,083628	0,037194	0,2561712
CTD-2301A4.3	16,15	1,96	0,939356	2,083474	0,037208	0,2561712
SHROOM1	12,81	-2,83	1,358892	-2,08329	0,037225	0,2561712
PPP5C	131,35	1,50	0,721058	2,082948	0,037256	0,2561712
CTD-3105H18.18	14,19	2,33	1,120287	2,082936	0,037257	0,2561712
LINC00337	9,41	-1,13	0,544037	-2,08292	0,037259	0,2561712
CPSF3	464,04	1,03	0,495152	2,082743	0,037275	0,2561859
RP11-63M22.2	111,41	1,85	0,889544	2,082545	0,037293	0,2562153
RP4-756H11.3	49,59	-0,81	0,387414	-2,08218	0,037326	0,2563501
ZNF432	86,07	2,02	0,969732	2,081729	0,037367	0,2565258

PPP1R37	20,89	-1,54	0,740941	-2,08137	0,0374	0,2565258
EPGN	9,77	4,19	2,011378	2,081321	0,037404	0,2565258
PKN1	700,31	-0,62	0,298658	-2,0813	0,037407	0,2565258
CTD-2058B24.2	4,48	-2,95	1,419773	-2,08043	0,037486	0,2569747
RP11-151A6.6	35,40	-1,72	0,82634	-2,07984	0,03754	0,2572493
DENND1B	635,05	1,16	0,556324	2,079545	0,037567	0,2572824
RP11-260O18.1	5,67	-3,01	1,446561	-2,07949	0,037572	0,2572824
TADA1	155,18	1,62	0,778827	2,079048	0,037613	0,2574649
AC005037.3	3,41	4,27	2,054047	2,078911	0,037626	NA
PAM	28,26	-2,27	1,091616	-2,07868	0,037647	0,2576033
RP11-151D14.1	6,51	2,63	1,26614	2,078455	0,037667	0,2576483
RNF175	108,93	-1,46	0,701609	-2,0776	0,037747	0,2580708
CXCL8	1595,18	0,94	0,452061	2,077483	0,037757	0,2580708
DDR1	7,85	4,87	2,344391	2,07721	0,037782	0,2581479
RP11-406O16.1	1,37	-4,87	2,346567	-2,07714	0,037788	NA
RP11-169K16.9	147,35	-1,22	0,589053	-2,07684	0,037817	0,2582688
TTC39C	467,96	-1,22	0,588616	-2,07672	0,037828	0,2582688
RP11-378I6.1	11,14	2,35	1,131376	2,076331	0,037863	0,2584112
CBLL1	174,65	1,49	0,717801	2,076192	0,037876	0,2584112
FAM76A	342,22	-0,84	0,406626	-2,07587	0,037906	0,2585198
IFT81	82,58	1,53	0,736	2,075681	0,037923	0,2585422
FXD5	3068,93	0,31	0,151207	2,075456	0,037944	0,2585422
RP11-245J9.5	21,09	-1,58	0,761119	-2,07538	0,037951	0,2585422
ERGIC3	1243,48	0,62	0,29946	2,075233	0,037965	0,2585422
ALDH3A2	418,46	1,31	0,632989	2,075072	0,03798	0,2585492
RP11-690C23.2	4,87	4,91	2,367012	2,07478	0,038007	0,2586284
RP11-705O1.8	27,59	-2,05	0,98872	-2,07454	0,038029	0,2586284
PAPD7	317,39	1,40	0,675888	2,074495	0,038033	0,2586284
RSAD1	193,62	1,90	0,916906	2,074347	0,038047	0,2586284
SMPDL3B	6,01	-3,21	1,54996	-2,07365	0,038112	0,2589188
HNRNPA1	7524,54	0,41	0,197363	2,073587	0,038118	0,2589188
BCL11B	65,35	-3,59	1,732356	-2,07299	0,038173	0,259201
UBR3	410,99	1,01	0,489675	2,072511	0,038218	0,2594097
GPR155	340,74	1,32	0,63739	2,071899	0,038275	0,2595402
RP11-361M10.5	43,04	2,50	1,205648	2,071898	0,038275	0,2595402
INIP	297,88	-1,30	0,627077	-2,07151	0,038311	0,2595402
KCNAB3	34,32	-1,90	0,916751	-2,07148	0,038314	0,2595402
CTD-2135D7.5	2,54	3,95	1,904645	2,071461	0,038316	NA
SLK	646,11	1,04	0,503128	2,071445	0,038317	0,2595402
RP11-489O18.1	16,55	1,78	0,860275	2,071408	0,038321	0,2595402
CTD-2579N5.1	0,71	-3,60	1,738064	-2,07062	0,038394	NA
RPL9P7	8,23	1,48	0,715996	2,070489	0,038407	0,2599728
RPL13AP5	10,47	-0,85	0,411048	-2,07043	0,038413	0,2599728
SPAG8	28,94	-4,37	2,11011	-2,0698	0,038471	0,2601205
BCL2L11	189,46	1,46	0,703857	2,069765	0,038474	0,2601205
RP11-406A9.2	5,71	-6,59	3,184733	-2,06967	0,038483	0,2601205
KLLN	50,94	-0,73	0,353534	-2,0696	0,03849	0,2601205
LIG1	25,22	3,25	1,570613	2,069179	0,038529	0,2602896
CTD-2540B15.12	0,65	-3,28	1,584401	-2,06894	0,038551	NA
GATA3	1,16	-3,80	1,838004	-2,06847	0,038596	NA

RP11-395I14.2	8,72	-1,95	0,944442	-2,06833	0,038609	0,2605785
ZNF324B	10,37	-2,80	1,355917	-2,06831	0,038611	0,2605785
RP11-118B23.6	73,93	1,54	0,742477	2,068276	0,038614	0,2605785
FRG1JP	2,88	-2,58	1,248382	-2,06803	0,038637	NA
MTMR12	325,94	-1,20	0,578772	-2,06748	0,038689	0,2609898
RP11-724N1.1	10,77	-0,99	0,481033	-2,06695	0,038739	0,2610016
HS3ST2	3,57	-2,65	1,2837	-2,06693	0,038741	NA
C1orf167	4,56	4,48	2,166795	2,066873	0,038746	0,2610016
TDRP	6,63	5,41	2,615085	2,066866	0,038747	0,2610016
RP11-350J20.5	55,77	-1,22	0,592056	-2,06686	0,038748	0,2610016
PDZD11	185,42	1,81	0,873948	2,066716	0,038761	0,2610016
RNA5SP282	8,01	2,97	1,4385	2,066494	0,038782	0,261048
SWT1	96,30	2,49	1,203661	2,065815	0,038846	0,2613371
BTG1	2813,94	-0,42	0,201291	-2,06568	0,038858	0,2613371
RP11-707G18.1	84,77	-1,04	0,503736	-2,06555	0,038871	0,2613371
RP11-146D12.2	4,02	4,10	1,98518	2,065444	0,038881	0,2613371
GCNT2	262,18	-1,29	0,626979	-2,06507	0,038916	0,261478
ACSM2A	56,94	-1,19	0,577379	-2,06488	0,038934	0,2615069
RNU5E-4P	6,47	2,41	1,166913	2,064645	0,038957	0,2615616
CALM2	10097,60	0,53	0,256718	2,063279	0,039086	0,2623364
FGD6	110,35	-1,64	0,79498	-2,06302	0,039111	0,2624092
AF228730.14	15,69	2,03	0,986118	2,062408	0,039169	0,262703
RP5-1042K10.14	4,86	4,91	2,383537	2,061651	0,039241	0,2629038
RNF113A	255,00	1,32	0,640458	2,061532	0,039252	0,2629038
RP11-117B7.1	30,47	-3,67	1,781411	-2,0615	0,039255	0,2629038
CPQ	366,86	1,11	0,537644	2,0615	0,039255	0,2629038
RHOXF1-AS1	9,14	4,01	1,943096	2,061322	0,039272	0,2629226
MTCH2	851,21	0,90	0,437213	2,060692	0,039332	0,2632075
SNORD11B	3,16	4,29	2,080333	2,060691	0,039333	NA
FOXP1	1037,99	-0,76	0,36981	-2,06058	0,039343	0,2632075
RAB42	4,69	-2,36	1,145712	-2,06025	0,039375	0,263326
RP11-178F10.3	9,22	-1,93	0,935023	-2,05985	0,039413	0,2633863
FCGR2B	1989,84	1,34	0,650386	2,059814	0,039416	0,2633863
HERC2P8	19,55	-1,36	0,658743	-2,05971	0,039427	0,2633863
CLNK	20,70	-1,33	0,644676	-2,05934	0,039462	0,2635287
PALD1	37,04	3,09	1,498381	2,059039	0,039491	0,2635373
LLNLF-187D8.1	8,55	-2,14	1,041453	-2,05903	0,039492	0,2635373
AMOTL1	27,28	2,90	1,410793	2,058562	0,039536	0,2637401
OBFC1	313,46	1,54	0,746142	2,057983	0,039592	0,2639669
BRF2	76,62	2,91	1,41567	2,057912	0,039599	0,2639669
CARM1L	11,49	-1,63	0,793206	-2,05716	0,039671	0,2643525
EIF2S3	2883,65	0,52	0,25242	2,056639	0,039721	0,2645588
NOL11	279,85	1,47	0,715072	2,056545	0,03973	0,2645588
PPM1F	701,31	0,68	0,332636	2,055845	0,039797	0,2647944
KLF6	8722,87	-0,45	0,218005	-2,05582	0,0398	0,2647944
RP11-832A4.5	51,87	2,69	1,307746	2,055734	0,039808	0,2647944
RN7SL823P	9,85	-4,49	2,184718	-2,05551	0,03983	0,2648127
FAXDC2	30,37	-1,89	0,91786	-2,05537	0,039843	0,2648127
RP11-322M19.1	142,32	1,23	0,597401	2,055198	0,03986	0,2648127
OPA3	227,96	1,10	0,537615	2,054971	0,039882	0,2648127

DNASE1	107,04	-1,46	0,708299	-2,05497	0,039882	0,2648127
UGT1A1	35,31	-1,41	0,687656	-2,05434	0,039942	0,2651196
CH17-385C13.2	63,54	-1,52	0,73988	-2,05381	0,039994	0,2652821
C10orf25	11,34	2,71	1,318915	2,053683	0,040006	0,2652821
LINC00526	7,30	4,91	2,390241	2,053648	0,04001	0,2652821
UBE2V1	1104,30	0,66	0,322108	2,053223	0,040051	0,2654609
MLLT11	40,19	2,04	0,992625	2,053012	0,040071	0,2655014
FAM92B	9,99	-2,31	1,123607	-2,05266	0,040106	0,2656349
HMG1	1630,84	0,70	0,340425	2,052363	0,040134	0,2657295
KMT2D	297,98	-1,17	0,568708	-2,05106	0,040262	0,2663459
RP11-357F12.1	4,21	2,16	1,053663	2,050984	0,040268	0,2663459
AC034110.1	23,18	-1,17	0,568688	-2,05096	0,04027	0,2663459
RP11-259K15.2	2,48	-2,29	1,116051	-2,05096	0,040271	NA
RN7SL32P	4,38	-1,92	0,935743	-2,0505	0,040316	0,2664614
RP11-294J22.7	69,08	1,79	0,873186	2,050491	0,040317	0,2664614
AC073130.1	141,05	-1,51	0,739009	-2,0496	0,040404	0,2669444
ENOX1	2,58	-1,81	0,88301	-2,04952	0,040411	NA
ZBED6	178,17	3,33	1,624473	2,049275	0,040435	0,267006
RP11-86H7.1	48,10	-1,93	0,944289	-2,04913	0,040449	0,267006
GNB2	1358,12	0,47	0,227608	2,049059	0,040456	0,267006
SLC1A1	2,64	-6,14	2,99601	-2,04879	0,040482	NA
ZNF790-AS1	19,41	-3,29	1,606146	-2,04833	0,040527	0,2672832
AP5Z1	295,00	-0,95	0,465654	-2,04819	0,040541	0,2672832
AC084219.4	18,09	4,89	2,387146	2,048099	0,04055	0,2672832
RP11-334C17.3	4,67	-1,48	0,721284	-2,0479	0,04057	0,2672832
ZNF254	61,79	1,68	0,821286	2,047632	0,040596	0,2672832
TPRX1	33,32	-1,88	0,919585	-2,04752	0,040607	0,2672832
BSND	16,81	-2,21	1,081274	-2,04748	0,040611	0,2672832
RP11-220D10.1	4,68	-4,81	2,348605	-2,04746	0,040613	0,2672832
COX10	141,65	-1,91	0,933936	-2,04717	0,040641	0,2672957
NRG1	100,13	-2,78	1,359622	-2,04714	0,040644	0,2672957
FBXL4	147,23	1,61	0,786035	2,046687	0,040689	0,2674966
FBXO10	7,11	5,90	2,885659	2,046015	0,040755	0,2677808
RSPH3	203,04	1,61	0,788641	2,045955	0,040761	0,2677808
RP11-158H5.2	3,26	3,74	1,830062	2,045612	0,040795	NA
ZNF331	510,77	1,19	0,583788	2,045343	0,040821	0,2680816
PYCARD	2054,37	-0,36	0,174235	-2,04513	0,040842	0,2681269
CH17-172B3.1	27,88	-1,68	0,821164	-2,04474	0,040881	0,2682813
AC083843.2	11,22	3,55	1,734065	2,044596	0,040895	0,2682813
RPL37A	3812,07	-0,60	0,291119	-2,04445	0,040909	0,2682813
GTF3C5	201,62	-1,33	0,64901	-2,0439	0,040963	0,2683336
GTPBP3	91,31	1,71	0,8347	2,043847	0,040969	0,2683336
FRYL	891,93	-0,80	0,391859	-2,04374	0,04098	0,2683336
BIRC3	382,55	0,96	0,470501	2,04365	0,040988	0,2683336
OIP5-AS1	603,60	-0,95	0,46634	-2,04364	0,040989	0,2683336
BEX4	345,60	1,38	0,676844	2,043322	0,041021	0,2684443
RTKN2	43,02	-1,44	0,703932	-2,04315	0,041038	0,2684634
PRF1	260,24	-2,41	1,179106	-2,04285	0,041067	0,2684751
AC005785.2	4,22	4,38	2,143116	2,042837	0,041069	0,2684751
RP11-310E22.5	1,47	-4,76	2,332231	-2,04261	0,041091	NA

RP11-723O4.2	14,42	-2,22	1,088324	-2,04242	0,04111	0,2686192
TIMELESS	85,56	2,11	1,033949	2,042233	0,041128	0,2686192
NORAD	758,34	-0,77	0,379157	-2,04218	0,041134	0,2686192
HSPB9	4,76	1,60	0,784488	2,041515	0,0412	0,2689546
RP13-685P2.5	15,26	-2,56	1,256782	-2,04092	0,041259	0,2692475
GHRL	172,74	1,63	0,7967	2,040767	0,041274	0,2692506
RP11-87C7.3	2,56	-2,41	1,181202	-2,04012	0,041339	NA
OMG	17,64	2,78	1,364803	2,039983	0,041352	0,2694788
RAB20	146,40	1,93	0,946682	2,039944	0,041356	0,2694788
NDUFA11	997,44	-0,46	0,226619	-2,0399	0,041361	0,2694788
SMG7	786,59	1,24	0,607494	2,039833	0,041367	0,2694788
AC093611.1	2,05	3,05	1,493938	2,039649	0,041385	NA
CTD-2319I12.1	32,90	2,23	1,094229	2,038915	0,041459	0,2699306
CTD-2026D20.3	41,71	1,51	0,741538	2,038772	0,041473	0,2699306
GTPBP8	151,22	1,64	0,804447	2,038702	0,04148	0,2699306
LPA	2,13	-5,43	2,661471	-2,03869	0,041481	NA
AC092295.7	11,89	2,04	1,003109	2,038477	0,041502	0,2699821
RNU4-40P	5,86	2,14	1,051451	2,038013	0,041549	0,270052
RFTN1	415,55	1,19	0,586282	2,03784	0,041566	0,270052
RP11-457M11.5	12,03	-2,06	1,013033	-2,03771	0,041579	0,270052
AARSD1	216,34	1,27	0,622525	2,037662	0,041584	0,270052
NUTF2	297,63	1,22	0,597346	2,037536	0,041596	0,270052
KIAA1551	1208,80	-0,71	0,350153	-2,0375	0,0416	0,270052
ARPC4	5390,09	-0,37	0,183672	-2,03689	0,041661	0,2703536
RP11-576M8.2	2,84	4,15	2,037625	2,036579	0,041692	NA
LEPROTL1	745,27	0,94	0,460777	2,036321	0,041718	0,2706297
ADGRE2	564,62	-1,02	0,499259	-2,0361	0,04174	0,2706778
RAD21	1206,37	0,74	0,363013	2,03575	0,041775	0,2708125
PBLD	26,33	1,48	0,726868	2,035468	0,041804	0,2708839
TNPO2	131,96	-1,36	0,669216	-2,03534	0,041816	0,2708839
THAP1	83,64	1,99	0,976531	2,035206	0,04183	0,2708839
SEC16B	12,05	-3,27	1,604879	-2,03488	0,041863	0,2709726
MAST4	44,45	1,74	0,853653	2,034545	0,041897	0,2709726
RABGAP1L	757,35	-0,86	0,425134	-2,03444	0,041907	0,2709726
RP11-467K18.3	9,11	2,72	1,337918	2,034409	0,04191	0,2709726
TADA2B	203,16	-1,68	0,825769	-2,03428	0,041923	0,2709726
B4GALT6	33,65	2,26	1,113131	2,034153	0,041936	0,2709726
AL022476.2	7,82	-1,81	0,891649	-2,03406	0,041946	0,2709726
HOMER2	295,66	1,85	0,911663	2,033292	0,042023	0,2713528
LSAMP	18,44	-2,04	1,004998	-2,03319	0,042034	0,2713528
RP11-621K7.1	5,72	-1,19	0,584186	-2,03229	0,042124	0,2717918
PTBP3	1254,56	0,57	0,279574	2,032224	0,042131	0,2717918
PPIL4	349,08	0,91	0,449848	2,031881	0,042166	0,2719211
AC108488.4	8,20	5,67	2,789737	2,031316	0,042223	0,2721959
RP4-601P9.2	3,10	-2,54	1,248653	-2,03105	0,04225	NA
CTA-243E7.4	40,33	-0,89	0,437929	-2,03094	0,042261	0,2723494
ZNF106	2113,85	-0,60	0,293883	-2,03052	0,042303	0,2724631
AC087859.1	56,47	-1,16	0,572197	-2,03042	0,042313	0,2724631
GCN1	545,67	-1,61	0,79394	-2,03033	0,042323	0,2724631
AP000580.1	6,79	-2,88	1,41866	-2,0301	0,042346	0,2724867

CDH12	8,85	-2,44	1,20348	-2,02984	0,042373	0,2724867
CYP46A1	271,41	-1,11	0,548574	-2,02976	0,042381	0,2724867
AMZ2P1	356,32	1,35	0,664737	2,029718	0,042385	0,2724867
AC025171.1	181,91	-1,12	0,553111	-2,02917	0,042441	0,2726316
IER3IP1	290,84	-0,94	0,461313	-2,02916	0,042442	0,2726316
ZNF652	580,77	0,81	0,400169	2,029065	0,042452	0,2726316
ATP8B4	615,01	0,96	0,472082	2,027908	0,04257	0,2732115
MCOLN1	331,45	-0,88	0,434243	-2,02789	0,042571	0,2732115
RP11-14N9.2	68,65	-1,03	0,51007	-2,02758	0,042603	0,2732717
C4orf48	200,40	-1,19	0,586917	-2,0274	0,042622	0,2732717
WDR34	8,38	4,65	2,294481	2,027368	0,042625	0,2732717
SORD	151,91	1,95	0,961648	2,027115	0,042651	0,2733435
DGKB	47,81	-2,19	1,078988	-2,0268	0,042683	0,2734572
CTB-111F10.1	2,17	-5,90	2,913478	-2,02605	0,04276	NA
PIK3CB	377,33	0,96	0,475413	2,025543	0,042812	0,2741228
IFIH1	333,41	-1,39	0,686486	-2,0255	0,042816	0,2741228
RAPGEF6	397,26	-1,12	0,554784	-2,02531	0,042835	0,2741498
RP11-382F24.6	3,35	-4,73	2,335314	-2,02479	0,042889	NA
AC090286.2	5,55	4,52	2,230697	2,024683	0,0429	0,2743479
NEBL	21,08	-2,25	1,109152	-2,02459	0,042909	0,2743479
RP11-288L9.4	23,06	2,04	1,008179	2,024579	0,042911	0,2743479
NDUFA1	902,82	-0,61	0,302249	-2,02415	0,042955	0,2744901
GLMN	106,08	-1,76	0,871945	-2,02408	0,042962	0,2744901
RP13-942N8.1	37,82	-1,97	0,975634	-2,02371	0,043	0,2746344
SLC13A4	21,18	2,06	1,018855	2,023497	0,043022	0,2746817
RP5-1172A22.1	2,78	-2,29	1,129977	-2,02296	0,043077	NA
TTC1	439,12	0,96	0,476588	2,022743	0,0431	0,2748162
TMSB4X	53194,52	0,28	0,139443	2,022722	0,043102	0,2748162
CYP3A43	9,98	-2,43	1,202205	-2,02264	0,043111	0,2748162
AC099057.8	16,50	-1,39	0,686604	-2,02248	0,043127	0,2748162
RP11-95I16.4	8,51	-1,52	0,752391	-2,0222	0,043156	0,2748162
SLC22A18AS	5,62	4,47	2,210947	2,021968	0,04318	0,2748162
LILRA2	721,13	0,86	0,426648	2,021922	0,043184	0,2748162
PHF24	23,03	-4,27	2,111545	-2,0219	0,043186	0,2748162
RP11-1079K10.5	7,49	-1,68	0,830736	-2,02145	0,043233	0,2748162
ZNF814	291,83	1,22	0,601381	2,021328	0,043246	0,2748162
DEAF1	282,01	-1,55	0,764526	-2,02128	0,043251	0,2748162
ABCA8	9,09	-1,90	0,941499	-2,02124	0,043254	0,2748162
BCL2L2	54,12	2,15	1,062771	2,021222	0,043257	0,2748162
TMEM229B	173,52	-1,74	0,859563	-2,02117	0,043262	0,2748162
SPATA6L	142,49	-1,53	0,755721	-2,02101	0,043279	0,2748162
PLD4	514,50	0,80	0,397912	2,021004	0,043279	0,2748162
ZNF587	112,59	1,29	0,636065	2,020802	0,0433	0,2748555
BID	1889,75	0,62	0,308517	2,020593	0,043322	0,2748992
RP11-88I18.2	43,11	-2,66	1,318126	-2,02019	0,043363	0,2750615
DMXL2	807,97	-0,89	0,440891	-2,02006	0,043377	0,2750615
U73166.2	24,24	-1,74	0,862115	-2,01947	0,043438	0,2752839
NSUN7	7,35	5,45	2,699309	2,019438	0,043442	0,2752839
CUX1	743,47	0,98	0,487094	2,019063	0,043481	0,2754365
ETV5	54,36	2,40	1,190418	2,018853	0,043503	0,2754814

RGS3	160,71	-2,04	1,010643	-2,01837	0,043553	0,2757048
RP11-1069G10.1	100,41	-1,42	0,702972	-2,01781	0,043611	0,2759827
LRRK1	917,54	-0,99	0,492819	-2,0175	0,043643	0,2760911
FZD3	55,47	1,38	0,686002	2,017142	0,043681	0,2762335
COX6C	983,75	-0,49	0,242924	-2,01699	0,043697	0,2762422
GJD2	8,48	-1,00	0,495468	-2,01565	0,043837	0,276961
RP11-572M11.1	8,21	3,95	1,959109	2,015614	0,04384	0,276961
CCL28	40,56	-1,46	0,725653	-2,01522	0,043881	0,2770164
RP11-554E23.2	4,07	-6,86	3,401947	-2,01507	0,043897	0,2770164
ADIPOR1	829,55	1,13	0,560322	2,015031	0,043901	0,2770164
FAM169B	24,25	2,14	1,064478	2,01486	0,043919	0,2770164
RP11-205M20.3	70,65	-1,21	0,598728	-2,01482	0,043924	0,2770164
PMCHL1	2,45	-2,42	1,200876	-2,01464	0,043942	NA
CCBE1	18,91	-0,91	0,452993	-2,01328	0,044085	0,2779389
TFDP1	181,51	1,18	0,585715	2,01289	0,044126	0,278064
RP11-10N16.2	4,28	3,01	1,493884	2,012699	0,044146	0,278064
FOKK1	276,79	-1,54	0,762709	-2,01267	0,044149	0,278064
RPL15	16555,97	0,31	0,151684	2,012473	0,04417	0,2781
RP11-973N13.4	8,89	4,62	2,297189	2,012275	0,044191	0,2781372
MARCH5	297,90	-1,74	0,864944	-2,01209	0,044211	0,2781671
ODF3B	640,38	-0,79	0,39118	-2,01126	0,044298	0,278623
MIR548W	7,91	-3,49	1,734467	-2,01095	0,044331	0,2786486
TMEM131	509,29	0,95	0,472117	2,010937	0,044332	0,2786486
SNHG4	11,23	-1,98	0,983761	-2,01064	0,044364	0,2787547
ENPP6	19,61	-1,41	0,702856	-2,0103	0,044399	0,2788431
AC159540.1	197,76	-0,95	0,474806	-2,0102	0,04441	0,2788431
CBWD6	169,98	-1,57	0,782142	-2,01008	0,044423	0,2788431
RP11-1099M24.6	79,20	1,42	0,706045	2,009644	0,044469	0,2790366
ZNF473	21,89	-3,49	1,737277	-2,00933	0,044502	0,2791529
TRIP12	1518,16	-0,96	0,477181	-2,00914	0,044523	0,2791849
BLK	4,72	-2,82	1,402488	-2,00835	0,044606	0,2796162
RIC1	465,62	1,32	0,655787	2,0082	0,044622	0,2796206
RP11-286N3.1	20,71	2,89	1,439572	2,007822	0,044662	0,2797776
TSHZ2	5,09	-1,93	0,962228	-2,00746	0,0447	0,279876
CLEC4E	331,53	-1,61	0,804142	-2,00737	0,04471	0,279876
AP003068.23	7,79	-2,01	1,001545	-2,0072	0,044728	0,279876
RP11-396C23.4	4,34	4,74	2,363071	2,007109	0,044738	0,279876
RP11-564C4.5	3,48	-6,11	3,04393	-2,00666	0,044786	NA
KCTD15	117,86	1,87	0,932416	2,006613	0,044791	0,2801126
GS1-124K5.14	89,62	-1,32	0,65586	-2,00628	0,044826	0,2802401
RP11-1057B6.1	4,95	4,36	2,173544	2,005648	0,044894	0,2805677
SERP1	2254,78	0,39	0,195245	2,005341	0,044927	0,2806778
SEC61G	295,16	-0,61	0,303697	-2,00498	0,044965	0,2808257
SLC37A4	39,89	3,15	1,570869	2,004425	0,045025	0,2810024
TUBA8	7,25	4,99	2,487262	2,004419	0,045025	0,2810024
TNKS2	659,25	0,61	0,303963	2,004291	0,045039	0,2810024
RP11-205M3.3	17,06	-2,27	1,133283	-2,00394	0,045076	0,2811061
ELP4	211,43	-1,45	0,725697	-2,0037	0,045103	0,2811061
SLC25A43	57,62	2,23	1,111666	2,003608	0,045112	0,2811061
ANKRD40	386,47	0,67	0,336036	2,003425	0,045132	0,2811061

HLA-DRB6	520,36	1,37	0,685993	2,0033	0,045145	0,2811061
CGA	6,28	-2,00	1,000301	-2,00329	0,045146	0,2811061
VENTX	400,58	-1,03	0,514065	-2,003	0,045177	0,2812055
EBF1	5,86	-1,75	0,873711	-2,00278	0,045201	0,2812306
UBXN7	570,42	-1,53	0,764815	-2,00261	0,045219	0,2812306
ICAM1	631,83	1,27	0,634231	2,00254	0,045227	0,2812306
RP11-167N24.3	10,80	-3,38	1,686862	-2,00236	0,045246	0,2812542
KCNK2	1,61	-2,84	1,418835	-2,002	0,045285	NA
A1BG	209,69	-1,01	0,505383	-2,0019	0,045296	0,2814216
RP11-502F1.1	15,98	-1,41	0,704591	-2,00175	0,045312	0,2814216
ADK	495,32	1,07	0,53281	2,001552	0,045333	0,2814216
RHD	70,80	-2,00	0,998452	-2,00155	0,045333	0,2814216
RP11-670E13.6	87,30	-1,22	0,608247	-2,00103	0,045389	0,2815916
DNAJB6	931,74	0,92	0,460589	2,001016	0,045391	0,2815916
AC092159.3	4,45	-5,63	2,813168	-2,00079	0,045415	0,2816497
MEPE	4,03	-6,83	3,416279	-2,00051	0,045446	0,2817455
RPL12L3	1,80	-2,07	1,034154	-2,00044	0,045453	NA
EIF2B3	263,51	1,34	0,669465	1,999807	0,045521	0,2820947
TTC7B	219,84	-1,06	0,528403	-1,9997	0,045532	0,2820947
RP11-157F20.1	3,23	3,73	1,867488	1,999223	0,045584	NA
ZNF264	170,19	-1,42	0,713009	-1,99831	0,045683	0,2828492
RP11-613M5.2	12,96	-0,66	0,329937	-1,99815	0,0457	0,2828492
NRGN	69,16	-1,03	0,515411	-1,99815	0,045701	0,2828492
CTD-2510L9.1	6,82	-2,26	1,129004	-1,99802	0,045715	0,2828492
ENPP5	0,87	-2,70	1,348924	-1,99801	0,045716	NA
CTD-3247F14.2	72,31	2,78	1,391501	1,997588	0,045761	0,282879
CTDSP2	955,91	-1,16	0,582991	-1,99758	0,045763	0,282879
PLA2G4D	40,47	-2,12	1,059298	-1,99755	0,045765	0,282879
RPS28	2653,43	-0,78	0,390505	-1,99726	0,045797	0,282948
CLNS1A	1314,41	0,97	0,485375	1,99705	0,04582	0,282948
SLC2A14	7,46	1,90	0,951055	1,997027	0,045822	0,282948
KIFC3	48,48	-1,90	0,952111	-1,99651	0,045878	0,2831979
MAP2K7	73,77	1,20	0,600087	1,996279	0,045904	0,2832624
C10orf128	952,28	1,07	0,534591	1,995825	0,045953	0,2834729
SCRIB	47,92	-1,80	0,90138	-1,99562	0,045975	0,2835165
ZDHHC12	264,50	1,34	0,673551	1,994926	0,046051	0,283805
TTC3	2089,15	0,65	0,325377	1,994821	0,046062	0,283805
CTC-241F20.4	7,79	5,58	2,79946	1,994772	0,046068	0,283805
ANKRD13C	173,53	1,54	0,773774	1,994407	0,046108	0,283956
YWHAB	6952,29	0,39	0,195934	1,99411	0,04614	0,2840619
AC139712.4	11,52	3,04	1,523616	1,993799	0,046174	0,2841774
AP003068.9	163,75	-1,21	0,604638	-1,9934	0,046218	0,2843309
BST1	296,99	-1,41	0,707241	-1,99319	0,046241	0,2843309
FOCAD	171,38	1,37	0,688844	1,993133	0,046247	0,2843309
RTEL1	170,97	-1,60	0,803208	-1,99301	0,04626	0,2843309
HEBP2	294,16	-0,71	0,357631	-1,99237	0,04633	0,2846692
MAGEH1	120,18	-2,60	1,307478	-1,99188	0,046384	0,2849068
RP3-522P13.2	8,08	4,05	2,03515	1,991515	0,046424	0,2850575
PLEKHA5	329,67	1,14	0,574242	1,991307	0,046447	0,2851033
MYO15B	944,93	-0,63	0,314865	-1,99095	0,046486	0,2852504

RAB37	78,26	-1,91	0,957454	-1,99068	0,046516	0,2853236
NUP58	311,43	0,93	0,467041	1,99051	0,046535	0,2853236
RP11-129B22.7	11,60	-1,68	0,843223	-1,99028	0,04656	0,2853236
PDE2A	22,49	3,35	1,683291	1,99008	0,046582	0,2853236
GALR1	32,28	-1,33	0,667273	-1,99002	0,046589	0,2853236
OR2M3	1017,12	-1,06	0,531022	-1,99001	0,04659	0,2853236
ITGA6	64,45	-3,47	1,745991	-1,98981	0,046612	0,2853617
PIAS2	456,40	-1,56	0,784981	-1,98904	0,046697	0,2857885
ANXA2	18876,83	0,48	0,239227	1,988782	0,046725	0,2858679
CCDC168	4,72	4,29	2,15593	1,98856	0,04675	0,2858791
MAP1LC3A	7,58	5,50	2,767218	1,988487	0,046758	0,2858791
STOML1	94,34	1,74	0,873083	1,988217	0,046788	0,2859287
RP11-81A22.4	52,48	1,21	0,610785	1,988135	0,046797	0,2859287
ZNF507	12,35	-1,70	0,856109	-1,98769	0,046846	0,2861373
CTD-2284J15.1	7,43	2,88	1,450385	1,987545	0,046862	0,2861396
RP11-119F7.5	1,59	-2,62	1,319177	-1,98724	0,046896	NA
RP11-38L15.3	14,05	3,44	1,729741	1,987228	0,046897	0,2862606
CROCC2	1,62	-5,13	2,579452	-1,98717	0,046904	NA
BCL3	151,24	1,12	0,564991	1,986746	0,046951	0,2864133
PHF8	258,20	-1,43	0,722232	-1,98663	0,046964	0,2864133
CARD8	700,35	-0,96	0,481072	-1,98659	0,046968	0,2864133
RNF19A	400,49	-0,98	0,490947	-1,9864	0,046989	0,2864468
SULT1A1	542,54	-1,35	0,679889	-1,98623	0,047008	0,2864687
PPP1R14D	0,99	-3,91	1,966744	-1,98619	0,047012	NA
JAZF1	220,53	-1,49	0,752888	-1,98532	0,047109	0,2869889
TAS2R4	3,11	-1,64	0,828452	-1,98503	0,047141	NA
IL23R	6,28	-2,86	1,440381	-1,9849	0,047156	0,2871788
VEZF1	541,06	0,79	0,398842	1,984563	0,047193	0,2872509
MICU2	259,36	0,97	0,490516	1,984516	0,047198	0,2872509
RP11-114F10.3	1,26	-2,46	1,240005	-1,98379	0,047279	NA
MIR320A	2,06	-5,84	2,941809	-1,98379	0,04728	NA
XYLT2	116,82	1,19	0,598762	1,983708	0,047288	0,2877043
TCEAL1	132,15	1,98	0,995817	1,983352	0,047328	0,2878522
CTD-2291D10.1	1,72	-2,34	1,177601	-1,98287	0,047382	NA
TONSL	76,94	-1,86	0,936107	-1,98269	0,047402	0,2882047
FANCB	28,06	-3,32	1,674283	-1,9824	0,047435	0,2883118
TACC2	50,99	-0,97	0,487085	-1,98207	0,047472	0,2884426
DCAF16	234,68	-1,56	0,784828	-1,98163	0,04752	0,2886445
ALAS1	177,94	1,79	0,904947	1,980906	0,047602	0,2890445
FAM208A	727,03	0,71	0,358444	1,980611	0,047635	0,2890669
VWA8	114,34	2,14	1,078202	1,980481	0,04765	0,2890669
RALGPS2	120,91	-1,92	0,968655	-1,98038	0,04766	0,2890669
CPSF6	495,04	0,94	0,474682	1,980252	0,047675	0,2890669
RP11-154D6.2	29,01	-0,92	0,464228	-1,98003	0,0477	0,2890669
RP11-58B17.1	366,02	-0,95	0,481463	-1,97984	0,047721	0,2890669
RSPH9	7,19	4,30	2,17298	1,979793	0,047727	0,2890669
UGCG	531,32	1,03	0,522703	1,97956	0,047753	0,2890669
EHHADH	42,02	2,00	1,010174	1,979516	0,047758	0,2890669
WBP4	109,86	1,02	0,516791	1,97949	0,047761	0,2890669
RP11-345J18.2	3,32	-2,77	1,39762	-1,97927	0,047786	NA

BCL9	7,54	5,31	2,685064	1,97925	0,047788	0,2891357
AC015987.1	6,03	3,19	1,61215	1,979018	0,047814	0,2892
SBDSP	56,69	1,73	0,872492	1,978755	0,047844	0,2892854
STAT5B	448,08	-1,14	0,577349	-1,97851	0,047871	0,2893575
VAMP8	2941,50	-0,39	0,195074	-1,97824	0,047902	0,2893749
KLHL18	437,15	-1,17	0,589809	-1,97821	0,047905	0,2893749
RP11-511P7.2	10,04	-1,73	0,874565	-1,97773	0,047959	0,2895607
RP11-77P6.2	43,82	-3,92	1,982789	-1,97766	0,047967	0,2895607
ANGPT4	9,80	1,83	0,926706	1,977278	0,04801	0,2895989
RAB21	489,48	1,08	0,54408	1,977205	0,048018	0,2895989
CSNK1G1	588,18	-1,48	0,750348	-1,97708	0,048032	0,2895989
SELL	3439,01	0,69	0,351451	1,976982	0,048044	0,2895989
CCDC13	15,85	2,06	1,042084	1,976916	0,048051	0,2895989
RP11-296K13.4	8,81	-2,92	1,476742	-1,9766	0,048086	0,2896404
EHD3	7,20	-2,13	1,076164	-1,97658	0,048089	0,2896404
SRFBP1	145,17	-0,94	0,475385	-1,97512	0,048254	0,2905065
CLDND1	373,15	1,08	0,548646	1,975035	0,048264	0,2905065
LINC00550	55,56	-2,04	1,030604	-1,97477	0,048294	0,2905932
PDIA3P1	1,07	-3,41	1,727402	-1,97426	0,048353	NA
RRNAD1	94,87	-1,68	0,8486	-1,97421	0,048358	0,290883
MKNK1	504,39	-0,76	0,385795	-1,97386	0,048397	0,2910249
AP001962.3	7,88	3,96	2,008168	1,97346	0,048443	0,2911957
LRRD1	4,26	-1,54	0,780551	-1,97334	0,048457	0,2911957
ILDR1	10,37	3,27	1,657121	1,973004	0,048495	0,2913306
PGLS	1432,68	0,56	0,285824	1,971441	0,048673	0,2923079
KCNJ3	22,98	-0,92	0,46912	-1,97102	0,048722	0,2924878
KCNE4	61,82	-1,23	0,625297	-1,97078	0,048749	0,2924878
FTH1	50801,77	0,42	0,211714	1,970766	0,048751	0,2924878
PNPLA2	279,67	-0,82	0,417726	-1,97037	0,048796	0,2926637
RP11-653B10.1	12,78	2,34	1,185276	1,970216	0,048814	0,2926774
GPATCH8	388,11	-0,82	0,413773	-1,97004	0,048834	0,2927007
UEVLD	87,73	1,00	0,505975	1,969907	0,048849	0,2927007
RAB3GAP2	280,50	-0,98	0,498947	-1,96955	0,048891	0,2928552
RAB11B	75,84	0,91	0,460676	1,969343	0,048914	0,2928616
ETFA	929,40	0,87	0,443672	1,969261	0,048923	0,2928616
RP3-522P13.1	3,33	3,21	1,629399	1,969179	0,048933	NA
RNPC3	200,08	1,02	0,51743	1,968975	0,048956	0,2929643
TMEM241	51,33	1,65	0,838186	1,968699	0,048988	0,2930595
NPFFR1	47,54	1,21	0,613519	1,968446	0,049017	0,2930654
AC004112.5	3,84	-6,74	3,423356	-1,96832	0,049031	0,2930654
UBA5	185,21	1,56	0,792151	1,96828	0,049036	0,2930654
PDPR	859,40	-0,80	0,408996	-1,96759	0,049116	0,2933564
KCTD17	37,58	-2,46	1,248173	-1,96758	0,049116	0,2933564
RP11-293P20.2	12,26	-1,81	0,918132	-1,96715	0,049166	0,2934794
MYO3B	22,68	-1,81	0,917789	-1,96713	0,049168	0,2934794
KCNJ2	38,00	-2,43	1,23673	-1,96696	0,049187	0,2934994
RP1-156L9.1	3,84	-6,74	3,427343	-1,96672	0,049215	0,2935266
RP11-458D21.5	80,32	-1,35	0,685777	-1,96662	0,049227	0,2935266
ZNF93	29,36	1,58	0,804224	1,966514	0,049239	0,2935266
RN7SL391P	1,10	-2,76	1,404	-1,96648	0,049244	NA

ATL3	715,23	-0,91	0,462084	-1,96605	0,049293	0,2937214
AC004076.7	20,25	-2,09	1,064463	-1,96596	0,049304	0,2937214
RP11-489E7.1	8,71	-1,96	0,999614	-1,96558	0,049347	0,2938857
LMBR1	272,41	1,56	0,795547	1,96544	0,049363	0,2938894
RP11-476B13.2	2,08	-2,74	1,39663	-1,96518	0,049393	NA
NCOA7	349,77	0,72	0,365395	1,964626	0,049458	0,2940999
SLC29A3	121,00	1,96	0,998572	1,964586	0,049462	0,2940999
CBR1	612,04	-1,17	0,594041	-1,96457	0,049465	0,2940999
ENTPD5	96,08	-2,08	1,060885	-1,96456	0,049465	0,2940999
RGS2	9647,47	0,57	0,288268	1,964452	0,049478	0,2940999
RP11-245J9.4	2,98	3,06	1,556502	1,964226	0,049504	NA
AMZ2	477,44	0,99	0,506244	1,964007	0,049529	0,2943123
MPP3	45,58	2,44	1,244249	1,96377	0,049557	0,2943816
AKT2	184,57	-1,05	0,536574	-1,96286	0,049663	0,2948728
USP32P3	23,66	1,44	0,733494	1,962732	0,049677	0,2948728
OR51E2	8,60	-1,52	0,775575	-1,96265	0,049687	0,2948728
SMIM3	143,02	2,05	1,042181	1,962425	0,049713	0,2949332
DACT3-AS1	3,51	2,80	1,425973	1,96179	0,049787	NA
POGZ	574,51	0,96	0,491098	1,961494	0,049821	0,295482
ADIPOR2	335,02	-1,19	0,609032	-1,96122	0,049853	0,2955776
CBWD1	578,37	0,91	0,466117	1,961021	0,049877	0,295621
NCAPH2	63,30	-1,64	0,834206	-1,96085	0,049896	0,2956424
RP5-848E13.3	49,80	2,00	1,021106	1,960422	0,049947	0,2957766
RP5-1171I10.5	146,13	-0,90	0,4614	-1,96027	0,049964	0,2957766
DPP8	565,72	-1,11	0,568482	-1,96025	0,049966	0,2957766
RP3-476K8.3	3,76	3,98	2,028849	1,96008	0,049986	0,295794
RN7SL656P	9,73	1,77	0,901224	1,959954	0,050001	0,295794
RNF146	79,44	1,88	0,960549	1,959448	0,05006	0,2960496
KIAA0825	88,33	1,62	0,82557	1,957945	0,050236	0,2969971
PAK1	2200,05	0,73	0,373709	1,957719	0,050263	0,2970597
DNAJC30	57,21	1,56	0,796293	1,957206	0,050323	0,297321
RP11-33E15.1	2,42	-5,90	3,016324	-1,95715	0,05033	NA
TCTN2	28,51	-1,31	0,668009	-1,95674	0,050378	0,2975496
RNU4-51P	35,91	1,96	1,001575	1,956443	0,050413	0,2975804
SMG8	46,64	3,23	1,65045	1,956425	0,050415	0,2975804
RP11-552M11.4	16,06	3,55	1,816212	1,956256	0,050435	0,2976037
CTD-2547G23.4	32,14	-1,89	0,965889	-1,95597	0,050468	0,2977046
RP5-1112F19.2	4,48	-2,29	1,170647	-1,9553	0,050548	0,2979005
RN7SL199P	9,69	1,76	0,899924	1,955292	0,050549	0,2979005
MED26	44,57	2,66	1,359946	1,955285	0,050549	0,2979005
RBM28	386,24	-1,12	0,574426	-1,95511	0,05057	0,2979276
RP11-231P20.2	27,46	1,28	0,653772	1,954197	0,050678	0,2983691
NOSTRIN	7,73	-2,17	1,111998	-1,95414	0,050685	0,2983691
RP11-77P16.4	14,47	1,95	0,995571	1,954069	0,050693	0,2983691
AC140481.2	3,03	-2,30	1,178462	-1,95388	0,050716	NA
CTD-3118D11.2	3,43	4,39	2,249234	1,953774	0,050728	NA
RASIP1	11,63	-5,37	2,747229	-1,95368	0,050739	0,2985457
BMPER	15,00	-1,76	0,899277	-1,95325	0,05079	0,2987474
RP11-573M3.5	8,87	-2,14	1,093653	-1,95312	0,050806	0,2987474
AF178030.2	21,61	2,87	1,468011	1,952374	0,050894	0,2991719

CCDC158	4,59	-1,70	0,872293	-1,95201	0,050938	0,2993346
FURIN	268,00	0,95	0,484803	1,951669	0,050977	0,2994746
UAP1	201,99	1,86	0,951214	1,951302	0,051021	0,2996075
RNF151	2,41	-5,89	3,017173	-1,95127	0,051025	NA
POLA1	113,87	-2,06	1,054671	-1,95121	0,051032	0,2996075
DUSP18	138,13	1,22	0,623325	1,950813	0,051079	0,2997884
CHKB	936,73	-0,58	0,298851	-1,95016	0,051156	0,3001469
ESCO1	320,05	-1,29	0,662505	-1,94964	0,051219	0,3003352
ARPC3	7201,97	0,41	0,212516	1,949625	0,051221	0,3003352
SH3BP4	253,02	1,73	0,889769	1,949023	0,051293	0,3006614
LYPD4	2,49	-1,76	0,903803	-1,94895	0,051302	NA
RP11-347H15.3	4,99	4,96	2,543936	1,948205	0,05139	0,3011401
RETN	159,27	-1,27	0,652507	-1,94806	0,051408	0,3011493
PTRHD1	477,73	0,56	0,286388	1,94768	0,051453	0,301318
CTC-436P18.4	87,21	-1,23	0,630457	-1,94743	0,051483	0,3013947
PPP1R16B	142,83	1,96	1,006614	1,947222	0,051508	0,3013947
C7orf26	90,14	-1,23	0,630884	-1,94717	0,051515	0,3013947
CTD-2506J14.1	3,23	3,56	1,83085	1,946946	0,051541	NA
C12orf45	1463,18	0,73	0,373341	1,946543	0,05159	0,3017365
CNN3	2,51	2,98	1,532321	1,946452	0,0516	NA
RP11-569D9.6	3,34	-5,39	2,771137	-1,94583	0,051676	NA
NR1H4	4,08	-6,86	3,528468	-1,94536	0,051732	0,3024748
PEX5	4,83	2,58	1,326116	1,945167	0,051755	0,3025134
DCP1A	312,65	0,94	0,483622	1,944489	0,051837	0,3028952
RP11-72O9.4	50,55	-1,08	0,555185	-1,94358	0,051947	0,3033197
DPM1	309,35	0,95	0,486742	1,943411	0,051966	0,3033197
RP11-135F9.4	56,83	1,47	0,756992	1,9434	0,051968	0,3033197
ANKZF1	262,83	-1,23	0,632764	-1,94335	0,051974	0,3033197
CTD-2314I6.1	16,37	-7,05	3,63033	-1,942	0,052137	0,3040471
KIR3DX1	48,37	-1,14	0,588587	-1,94196	0,052141	0,3040471
PRSS27	16,67	-1,17	0,601479	-1,94191	0,052148	0,3040471
RPS6	13936,71	0,31	0,157933	1,941722	0,052171	0,3040842
WDR86	1,47	-5,13	2,640358	-1,94151	0,052196	NA
CMTM7	1188,77	-0,70	0,359104	-1,94124	0,052229	0,3043305
RP11-140I24.2	3,21	-1,80	0,925513	-1,94092	0,052268	NA
CSNK1A1	1920,66	0,52	0,266108	1,940863	0,052275	0,3043687
COX6B1	1491,76	-0,47	0,241991	-1,94085	0,052276	0,3043687
DCP1B	23,55	2,51	1,291974	1,94078	0,052285	0,3043687
CELA2B	10,73	6,09	3,139288	1,940333	0,052339	0,3044579
CTD-3018O17.3	50,11	-1,44	0,740596	-1,94028	0,052345	0,3044579
PSMD1	449,93	-0,79	0,407837	-1,9402	0,052355	0,3044579
REPS1	271,29	1,25	0,645148	1,940115	0,052366	0,3044579
NDUFS4	526,21	0,78	0,403006	1,939654	0,052422	0,3045486
TRIM61	6,06	3,22	1,657863	1,939601	0,052428	0,3045486
CRADD	53,69	3,03	1,562173	1,939582	0,05243	0,3045486
CFAP73	7,06	5,37	2,771573	1,939127	0,052486	0,3047749
NOSIP	759,30	-0,73	0,376862	-1,93896	0,052506	0,3047854
AC107079.1	10,34	3,95	2,039504	1,938786	0,052527	0,3047854
MTRNR2L8	8,68	-0,81	0,419592	-1,93867	0,052541	0,3047854
CD68	1167,53	-0,76	0,39072	-1,93857	0,052553	0,3047854

HOMER1	22,29	2,74	1,415175	1,938241	0,052594	0,3049141
MCM3APAS	55,83	2,21	1,138814	1,938124	0,052608	0,3049141
MIER3	96,82	1,85	0,952996	1,937937	0,052631	0,3049511
CTD-2256P15.4	1,57	-3,01	1,55086	-1,93782	0,052645	NA
LA16c-380H5.2	0,81	-3,64	1,876812	-1,93774	0,052655	NA
AC012317.1	10,45	-1,25	0,644158	-1,93737	0,0527	0,3051272
NUP43	90,33	1,57	0,809218	1,937355	0,052702	0,3051272
B3GNT8	34,44	-4,27	2,206048	-1,93729	0,052711	0,3051272
RP11-225L12.2	69,34	-1,24	0,637614	-1,93708	0,052735	0,3051756
LY6G5B	34,02	-1,22	0,629238	-1,93678	0,052772	0,3052283
GOSR1	419,95	0,94	0,486041	1,93674	0,052777	0,3052283
CTA-373H7.7	12,28	-1,88	0,970349	-1,93635	0,052824	0,3054064
RP11-122K13.12	9,68	2,73	1,412402	1,936074	0,052859	0,3054374
CXorf23	124,46	-1,19	0,616887	-1,93604	0,052863	0,3054374
VOPP1	911,45	0,84	0,432689	1,935908	0,052879	0,3054374
SNRPB2	431,27	0,61	0,314923	1,935669	0,052908	0,3054471
CTD-2587M2.1	44,06	-1,35	0,698077	-1,93563	0,052914	0,3054471
RAB36	4,41	-1,70	0,876743	-1,93548	0,052931	0,305455
RN7SL567P	2,60	3,42	1,765123	1,935435	0,052937	NA
SGSM2	281,44	1,06	0,546328	1,934188	0,05309	0,3062757
PDCD6	1198,99	0,79	0,409767	1,934046	0,053107	0,3062813
DYNLL2	70,94	-1,49	0,768387	-1,93339	0,053188	0,3066538
DHX34	74,65	-1,33	0,685598	-1,9331	0,053223	0,3067274
NANOGP1	10,60	-1,65	0,855344	-1,93302	0,053234	0,3067274
C1orf158	17,33	-1,67	0,864343	-1,93282	0,053258	0,3067711
RP11-315I20.1	34,97	-1,29	0,669827	-1,93252	0,053295	0,3068247
ADM	25,18	2,95	1,52512	1,932288	0,053324	0,3068247
HYDIN2	8,61	-4,76	2,462419	-1,93225	0,053329	0,3068247
PDIA3	2084,04	0,52	0,271508	1,9321	0,053347	0,3068247
TMSB4XP4	22,65	0,84	0,43692	1,931961	0,053364	0,3068247
TRABD2A	95,47	-1,48	0,765398	-1,93175	0,053339	0,3068247
BFAR	388,89	1,07	0,552259	1,9317	0,053397	0,3068247
AC006262.4	13,36	-3,91	2,022218	-1,93154	0,053416	0,3068247
RP3-412A9.17	153,76	-0,73	0,378471	-1,93154	0,053416	0,3068247
IFFO2	175,58	1,81	0,936315	1,930788	0,053509	0,3072651
SYT6	2,43	-5,88	3,044494	-1,93061	0,053531	NA
AC135048.13	23,46	2,20	1,139231	1,930172	0,053586	0,3076073
RP11-128M1.1	3,42	-5,93	3,070276	-1,93012	0,053592	NA
ETV3	570,47	1,44	0,743733	1,93004	0,053602	0,3076073
MATK	34,88	-1,34	0,694688	-1,92954	0,053663	0,3078655
PIK3R1	458,31	-0,91	0,469522	-1,92918	0,053709	0,3080307
RP11-749H20.1	2,80	-5,29	2,740704	-1,92905	0,053725	NA
RP11-430C7.4	7,60	5,55	2,879579	1,928888	0,053745	0,3081251
RF00284	4,44	4,79	2,482827	1,928559	0,053786	0,3081251
KLF13	442,25	-0,84	0,433937	-1,92854	0,053788	0,3081251
RNASEH2A	135,27	1,32	0,686658	1,928512	0,053791	0,3081251
GNAQ	1692,52	0,60	0,313106	1,927965	0,053859	0,3084197
RP11-123O10.3	6,21	-1,89	0,982881	-1,92708	0,053969	0,3089525
SSTR2	73,05	-0,81	0,418889	-1,92667	0,054021	0,3090933
NSUN6	168,10	-1,45	0,750311	-1,92662	0,054027	0,3090933

CSTB	1404,74	0,46	0,23798	1,925848	0,054123	0,3093934
RNF222	6,79	-2,08	1,082131	-1,92574	0,054137	0,3093934
AC008888.7	6,83	-2,45	1,271676	-1,92568	0,054144	0,3093934
GIGYF2	581,22	0,75	0,391284	1,925605	0,054154	0,3093934
HEATR3	265,23	-1,10	0,56914	-1,92553	0,054163	0,3093934
ACTR6	207,22	-1,29	0,672614	-1,92525	0,054198	0,309499
RP6-109B7.4	7,33	3,04	1,577985	1,924804	0,054254	0,3096345
RP11-1012A1.4	5,90	5,37	2,790121	1,924798	0,054255	0,3096345
SNX24	26,33	4,06	2,108539	1,924314	0,054315	0,3098853
SYCP1	23,93	-1,94	1,008093	-1,92409	0,054343	0,3098995
RP11-126K1.6	13,07	1,88	0,978227	1,924028	0,054351	0,3098995
SPX	2,39	-5,86	3,047735	-1,92379	0,054381	NA
NEK10	18,56	1,56	0,810372	1,923374	0,054433	0,3101831
AC011515.2	9,95	3,59	1,865713	1,923317	0,05444	0,3101831
HOOK1	31,16	-2,83	1,471953	-1,92323	0,054451	0,3101831
ATP5D	1092,83	-0,75	0,387886	-1,92288	0,054495	0,3102907
RP11-53B2.6	17,97	-2,81	1,4622	-1,9228	0,054505	0,3102907
HIBADH	77,61	2,16	1,12376	1,922615	0,054528	0,3102907
PTK2	198,25	-1,08	0,559837	-1,9224	0,054556	0,3102907
PITPNC1	190,11	-1,68	0,872013	-1,92239	0,054556	0,3102907
YAE1D1	22,75	4,04	2,100209	1,922286	0,05457	0,3102907
RP11-358L22.2	12,91	-1,15	0,598597	-1,92189	0,054619	0,3104762
BIN3	218,43	1,35	0,701353	1,921536	0,054664	0,3106373
CNOT8	978,78	0,74	0,386769	1,921389	0,054683	0,310648
MACROD1	3,57	4,48	2,332941	1,921338	0,054689	NA
RP11-791G16.2	1,29	-2,57	1,340139	-1,92111	0,054718	NA
C10orf111	9,05	-1,18	0,613147	-1,92045	0,054801	0,311121
RNU6-60P	15,64	-3,32	1,731032	-1,92019	0,054834	0,311121
CTD-2510F5.4	4,79	-2,81	1,463331	-1,92008	0,054848	0,311121
RP5-940J5.6	16,98	-2,10	1,094106	-1,91995	0,054864	0,311121
HYAL1	3,07	-2,37	1,234061	-1,91995	0,054864	NA
NCKAP1	97,10	2,29	1,191321	1,919939	0,054866	0,311121
CTC-338M12.6	6,20	-1,79	0,929779	-1,91993	0,054866	0,311121
LZTS1	2,93	-2,35	1,225025	-1,91986	0,054875	NA
ZNF483	31,34	-0,93	0,482944	-1,91953	0,054917	0,311313
RN7SL418P	7,04	2,62	1,363181	1,919387	0,054935	0,311323
ABHD4	45,44	2,66	1,384712	1,918755	0,055015	0,3115795
AC011288.2	16,26	1,63	0,850707	1,918688	0,055024	0,3115795
STARD4	195,32	-1,58	0,821227	-1,91863	0,055031	0,3115795
LA16c-360H6.1	4,79	4,88	2,543861	1,917884	0,055126	0,3120216
ADRBK1	1101,98	-0,74	0,384717	-1,91774	0,055143	0,3120264
PTPN18	1849,19	0,49	0,254468	1,917439	0,055182	0,3120648
ZMIZ1	990,74	0,82	0,42963	1,917304	0,055199	0,3120648
CALCA	8,69	5,10	2,661815	1,917295	0,0552	0,3120648
SCN2A	148,14	-1,04	0,542531	-1,91688	0,055253	0,3121254
RP11-470M1.2	144,88	-1,26	0,659127	-1,91686	0,055256	0,3121254
EMC3	667,68	0,87	0,452599	1,916814	0,055262	0,3121254
ACD	88,66	1,45	0,754419	1,916672	0,05528	0,3121326
RP11-374F3.4	26,54	-1,01	0,528123	-1,9165	0,055301	0,3121582
RP11-467L19.14	6,17	1,88	0,982597	1,916293	0,055328	0,3122153

RP11-467L13.7	27,42	1,61	0,841972	1,915984	0,055367	0,3123264
NADK	686,00	-0,85	0,443801	-1,91573	0,055399	0,3123264
SPATS2L	421,24	0,92	0,479623	1,915574	0,055419	0,3123264
AC135050.5	5,25	-1,38	0,720555	-1,91548	0,055431	0,3123264
RP11-313P13.4	8,85	2,79	1,455761	1,915479	0,055431	0,3123264
RP11-396N11.1	8,07	2,70	1,409527	1,915146	0,055474	0,3124709
RP11-369J21.12	6,45	4,73	2,470066	1,914362	0,055574	0,312847
RP11-291L22.9	24,14	-1,48	0,773	-1,91411	0,055605	0,312847
GCHFR	183,30	-1,90	0,993868	-1,91407	0,055611	0,312847
RP11-667M19.10	3,29	-1,77	0,923114	-1,91403	0,055616	NA
RN7SL600P	36,79	1,59	0,831353	1,913995	0,055621	0,312847
PSPH	124,04	1,79	0,933936	1,913924	0,05563	0,312847
PIGN	560,50	-0,72	0,37857	-1,91369	0,05566	0,312847
RP11-214N9.1	4,56	4,82	2,517956	1,913673	0,055662	0,312847
RP11-138I1.4	973,13	0,49	0,257374	1,913402	0,055697	0,312847
MYEOV2	185,88	-0,67	0,350184	-1,91339	0,055698	0,312847
EDDM13	8,65	2,97	1,55424	1,913307	0,055709	0,312847
TRADD	280,15	1,45	0,757303	1,913044	0,055742	0,3129413
CTB-133P21.1	4,51	4,80	2,51133	1,912792	0,055775	0,3130284
GTF3C4	156,80	1,24	0,650915	1,912041	0,055871	0,3134195
RP11-259O2.3	47,05	-0,91	0,476157	-1,91198	0,055878	0,3134195
NT5M	16,68	2,14	1,118806	1,91172	0,055912	0,3134353
RP11-346C20.5	18,67	-1,33	0,694474	-1,9117	0,055915	0,3134353
ZBED3	50,43	2,12	1,107137	1,910977	0,056008	0,3138618
HDAC8	162,13	1,43	0,747996	1,910513	0,056067	0,3140529
GADD45GIP1	796,99	-0,71	0,371354	-1,91045	0,056076	0,3140529
CCDC80	168,05	-0,99	0,519461	-1,91032	0,056092	0,3140529
HIST2H2BF	52,94	-2,16	1,130438	-1,90946	0,056203	0,3145792
RP11-86H7.6	1,10	-3,20	1,674882	-1,90913	0,056246	NA
DDT	382,48	-0,48	0,251005	-1,90829	0,056354	0,3153303
CAMK2G	374,49	1,15	0,600679	1,907912	0,056403	0,3153509
AC063980.3	1,87	-2,24	1,175174	-1,90786	0,056409	NA
BAZ1A	1079,09	-0,70	0,36868	-1,90784	0,056412	0,3153509
ADAR	2161,51	-0,80	0,419681	-1,90775	0,056423	0,3153509
PCBD2	155,77	1,18	0,620429	1,907732	0,056426	0,3153509
RP11-213H15.1	4,50	4,22	2,211894	1,907224	0,056492	0,3156235
PDGFRB	1,37	-4,60	2,413529	-1,90719	0,056496	NA
TMEM205	947,76	-0,53	0,27857	-1,90679	0,056547	0,3157221
ERMN	115,77	2,11	1,105033	1,906746	0,056553	0,3157221
UNC119B	41,02	2,19	1,151087	1,906695	0,05656	0,3157221
PIGR	19,22	-2,04	1,06799	-1,90616	0,056629	0,3160106
TTLL9	16,15	2,01	1,05657	1,905741	0,056684	0,3161206
CDR2	24,63	1,64	0,859811	1,905595	0,056703	0,3161206
CPM	404,58	-0,98	0,516287	-1,90542	0,056725	0,3161206
MT-TQ	45,24	-1,02	0,535978	-1,90514	0,056761	0,3161206
UTP4	125,41	1,42	0,744369	1,905072	0,056771	0,3161206
TIE1	5,38	-2,09	1,097678	-1,90504	0,056775	0,3161206
GPSM3	1723,80	-0,40	0,211494	-1,90501	0,056779	0,3161206
RP11-843P14.1	9,49	-2,75	1,443029	-1,9049	0,056793	0,3161206
ZNF175	97,64	-2,60	1,36395	-1,90466	0,056825	0,3161206

PDK3	194,02	-2,29	1,203599	-1,90461	0,05683	0,3161206
TBCEL	123,53	1,83	0,95919	1,904516	0,056843	0,3161206
RP11-803D5.1	27,92	2,15	1,12879	1,904444	0,056852	0,3161206
WASHC2A	582,10	-0,97	0,509726	-1,9041	0,056898	0,3162777
LINC00310	33,97	-1,76	0,924866	-1,90358	0,056965	0,3164088
IKBKE	300,49	-1,81	0,949655	-1,90353	0,056972	0,3164088
FAM124B	89,34	-2,56	1,3468	-1,90348	0,056978	0,3164088
BPESC1	3,30	-1,39	0,728886	-1,90335	0,056995	NA
TKT	2608,92	-0,50	0,264316	-1,90326	0,057007	0,3164088
BRI3	584,13	-0,77	0,405947	-1,90323	0,057011	0,3164088
CALM3	511,55	-0,77	0,403439	-1,90313	0,057023	0,3164088
TSHZ1	278,07	1,42	0,74552	1,902972	0,057044	0,3164303
ANGPTL4	1,90	2,94	1,543884	1,902814	0,057065	NA
RIOK1	431,39	1,30	0,684978	1,902602	0,057092	0,3166036
RP11-73E17.2	31,86	2,28	1,196125	1,902328	0,057128	0,3167083
KLRG1	95,77	-1,80	0,946643	-1,9019	0,057184	0,3169249
RN7SL492P	21,18	-1,61	0,847077	-1,90151	0,057235	0,3171084
RP11-116D2.1	3,38	-3,02	1,587668	-1,90134	0,057258	NA
AC008280.2	1,13	-4,42	2,326564	-1,90082	0,057326	NA
RBM3	3574,10	0,66	0,346772	1,900657	0,057347	0,317636
MEX3C	125,96	1,22	0,640618	1,90044	0,057375	0,3176995
GDF15	6,26	-2,17	1,139976	-1,90023	0,057402	0,3177543
TCFL5	77,41	1,90	1,002858	1,899563	0,05749	0,3181471
RPS6KL1	40,11	-1,19	0,628826	-1,8986	0,057617	0,3186297
UBE2E2	400,26	1,16	0,608394	1,898567	0,057621	0,3186297
CAPN15	105,15	-1,15	0,603258	-1,89851	0,057629	0,3186297
PCSK5	7038,58	-1,53	0,804143	-1,89814	0,057677	0,3187999
RP11-362K14.5	24,58	1,10	0,580396	1,89794	0,057704	0,3188544
ERAP2	706,55	-0,96	0,506432	-1,89777	0,057727	0,3188619
BTN2A2	281,10	-1,27	0,667094	-1,89767	0,05774	0,3188619
NBPF19	3802,49	-0,53	0,278862	-1,89734	0,057783	0,3189873
PAPLN	110,53	-1,59	0,837861	-1,89724	0,057797	0,3189873
ECT2	49,96	-1,84	0,970634	-1,89699	0,057829	0,319072
NEXMIF	11,97	-2,50	1,31896	-1,89671	0,057866	0,3191292
CLEC12A	1387,03	-0,88	0,465844	-1,89652	0,057891	0,3191292
RF00156	4,58	4,20	2,213536	1,896422	0,057904	0,3191292
ANKMY1	134,97	-1,77	0,932044	-1,89639	0,057908	0,3191292
LRPAP1	1163,18	1,02	0,537797	1,895971	0,057964	0,3192623
SLC25A22	41,59	2,51	1,323479	1,895951	0,057967	0,3192623
RBM44	49,77	-2,01	1,059285	-1,89578	0,05799	0,3192663
RP11-113I24.1	204,64	-0,80	0,419993	-1,89569	0,058002	0,3192663
RP11-338E21.3	11,03	-1,86	0,983436	-1,89524	0,058061	0,3194984
RP11-358L16.4	1,82	-3,63	1,918797	-1,89441	0,05817	NA
NAA40	174,45	1,33	0,704466	1,894257	0,058191	0,3200557
KDM1B	285,79	1,12	0,590521	1,894214	0,058197	0,3200557
SGPP1	84,78	1,87	0,987726	1,893738	0,05826	0,3203035
AGA	178,48	1,93	1,02116	1,893615	0,058276	0,3203035
FAM160B1	254,55	1,85	0,977216	1,892847	0,058378	0,3206472
LRR8B	191,97	-1,41	0,744461	-1,89279	0,058386	0,3206472
SMC6	353,72	0,83	0,440731	1,89263	0,058407	0,3206472

NRG4	78,38	-1,57	0,831528	-1,89263	0,058408	0,3206472
ERLIN1	200,19	-1,71	0,905399	-1,89238	0,05844	0,3206528
RP11-85M11.2	14,35	2,16	1,142548	1,89236	0,058443	0,3206528
TCEAL4	158,14	-1,34	0,709365	-1,89207	0,058482	0,3207698
RP13-270P17.1	5,32	2,02	1,069938	1,891776	0,058521	0,3208901
RBM22	500,23	0,84	0,446571	1,89124	0,058592	0,3211874
RN7SL363P	3,22	2,70	1,427682	1,89104	0,058619	NA
CCL3	1807,01	-0,83	0,437638	-1,89087	0,058642	0,3213211
ZNF547	10,63	1,93	1,023078	1,890798	0,058651	0,3213211
APOBEC3G	325,43	1,23	0,651857	1,890154	0,058737	0,3216498
RP11-344E13.3	38,88	-1,93	1,023241	-1,89009	0,058746	0,3216498
RFXANK	317,11	-0,80	0,423689	-1,8899	0,058771	0,321694
PPFIA2	1,42	-4,60	2,432918	-1,88982	0,058782	NA
PYURF	1389,78	0,76	0,400881	1,889255	0,058858	0,3219437
SPINK1	4,93	4,37	2,312834	1,888998	0,058892	0,3219437
NFE2L1	168,88	-1,24	0,65777	-1,88898	0,058895	0,3219437
GRK4	18,50	-1,90	1,005897	-1,88897	0,058896	0,3219437
SHCBP1	143,54	-2,13	1,129397	-1,88891	0,058903	0,3219437
KIF3C	1,76	-2,72	1,441564	-1,88891	0,058904	NA
RP11-1149M10.1	0,92	-3,89	2,061507	-1,88836	0,058978	NA
LA16c-306E5.2	2,89	-5,83	3,085086	-1,8883	0,058986	NA
TIMM8B	278,86	-0,65	0,341662	-1,88815	0,059005	0,322406
WWC3	100,92	1,49	0,787213	1,887055	0,059153	0,3230246
RP11-196E1.3	31,50	1,27	0,67373	1,886933	0,059169	0,3230246
B4GALT4	182,44	1,49	0,789522	1,886924	0,059171	0,3230246
HIST2H2BE	183,94	1,51	0,801372	1,886506	0,059227	0,3230419
RGS19	1085,75	0,65	0,343331	1,886475	0,059231	0,3230419
ZBTB5	113,23	-1,95	1,035851	-1,88641	0,059239	0,3230419
EFCAB12	38,21	-1,54	0,818379	-1,88624	0,059263	0,3230419
MED8	372,85	1,38	0,734173	1,88617	0,059272	0,3230419
GLCCI1	90,67	-2,13	1,131985	-1,88603	0,059291	0,3230419
ZNF84	120,04	1,59	0,842108	1,885998	0,059295	0,3230419
SNORA37	2,47	-4,26	2,259481	-1,88512	0,059414	NA
DUX4L18	1,79	-4,18	2,21782	-1,88497	0,059433	NA
ARHGDI1B	10662,99	0,49	0,259324	1,884731	0,059466	0,3238783
RP3-426I6.5	9,98	3,68	1,953663	1,884364	0,059516	0,3240174
RPL5	11987,69	0,40	0,212349	1,884284	0,059527	0,3240174
CORIN	68,90	-1,09	0,579898	-1,88336	0,059652	0,3246046
MIR1290	4,78	-4,15	2,203662	-1,8831	0,059686	0,3246977
RP11-151A6.5	3,37	4,35	2,308238	1,883051	0,059693	NA
MVK	30,65	-2,38	1,264658	-1,8829	0,059714	0,3247308
KTN1	1215,26	0,49	0,257817	1,882758	0,059733	0,3247308
RP11-109N23.5	5,98	5,21	2,768697	1,882592	0,059756	0,3247308
DIS3L2	201,80	1,19	0,632243	1,882543	0,059762	0,3247308
AC007392.3	0,70	-2,72	1,443161	-1,88219	0,05981	NA
ERVMER34-1	4,59	1,88	0,998489	1,882108	0,059821	0,3248036
RP11-405M12.4	36,29	-2,02	1,073035	-1,88209	0,059824	0,3248036
TGIF1	526,29	0,70	0,372638	1,882058	0,059828	0,3248036
RP11-10K16.1	19,19	2,04	1,083141	1,881812	0,059862	0,3248905
CCZ1	528,01	-0,72	0,380562	-1,88137	0,059922	0,3250414

RP11-346I3.2	7,61	-1,58	0,838967	-1,88126	0,059937	0,3250414
APOBEC3D	17,69	-1,52	0,808207	-1,88121	0,059943	0,3250414
RP3-476K8.4	4,65	3,01	1,601149	1,881039	0,059967	0,3250414
IARS2	417,04	1,27	0,675003	1,880891	0,059987	0,3250414
RP11-10022.1	66,87	1,07	0,57127	1,880834	0,059995	0,3250414
LPAR3	16,83	-1,39	0,741279	-1,88055	0,060033	0,3250414
U2SURP	1056,29	0,76	0,402297	1,880505	0,060039	0,3250414
FAXC	19,35	-1,35	0,717836	-1,88045	0,060047	0,3250414
MGAT4C	323,49	-2,46	1,30735	-1,88005	0,060101	0,3252412
RP11-483E23.3	1,86	-5,69	3,027511	-1,87982	0,060132	NA
AC009303.1	31,37	-1,99	1,059175	-1,87968	0,060152	0,3253667
CDC27	521,31	-0,91	0,483775	-1,87957	0,060166	0,3253667
ZBTB3	41,43	-1,27	0,676166	-1,87939	0,060192	0,3253667
RP11-299H22.1	7,43	-1,95	1,036823	-1,87929	0,060205	0,3253667
SLC22A16	74,98	-1,85	0,984016	-1,87924	0,060212	0,3253667
THOC7	250,37	0,92	0,488238	1,878789	0,060273	0,3256057
RP11-145D11.1	3,16	4,30	2,287454	1,87875	0,060279	NA
EIF3L	4495,52	0,49	0,263184	1,878469	0,060317	0,3257469
RP11-107E5.4	49,24	-2,32	1,235664	-1,87829	0,060342	0,3257568
ZBTB8A	86,97	1,25	0,667055	1,8782	0,060354	0,3257568
PA2G4P4	5,50	2,94	1,565637	1,877865	0,0604	0,3259096
MRPL23	516,22	-0,79	0,423405	-1,87762	0,060433	0,3259972
ERP27	45,88	1,73	0,921669	1,877406	0,060463	0,3260595
TOR1AIP1	604,00	-0,96	0,509105	-1,87672	0,060556	0,3264687
CDKN1A	1715,22	0,84	0,447009	1,87628	0,060617	0,326702
RP11-95G17.2	6,71	5,38	2,866802	1,876123	0,060638	0,3267238
CHL1	1,70	-4,51	2,403745	-1,87595	0,060662	NA
MIEF1	269,38	1,19	0,634167	1,875888	0,060671	0,3268033
RP11-11N9.2	14,90	2,34	1,247758	1,875563	0,060715	0,3269488
ZNF24	762,41	-0,76	0,406793	-1,87537	0,060743	0,3269712
ZFYVE28	29,75	-3,50	1,86494	-1,87528	0,060755	0,3269712
TWSG1	89,02	1,66	0,883718	1,874984	0,060795	0,3270362
ASGR1	380,52	-0,86	0,459032	-1,87493	0,060802	0,3270362
DDX21	1724,26	0,51	0,273432	1,874728	0,06083	0,3270936
RIC8B	93,70	-1,75	0,93221	-1,87384	0,060952	0,3276549
SLC25A38	253,83	-1,22	0,652516	-1,87332	0,061025	0,3279508
RP5-857K21.9	23,65	-0,94	0,499762	-1,87292	0,061079	0,3281482
OCEL1	145,06	-0,96	0,510163	-1,87236	0,061157	0,3284699
TMPRSS11BNL	11,83	-1,50	0,80234	-1,87212	0,06119	0,328471
RP11-652L8.2	24,25	1,82	0,969547	1,872104	0,061192	0,328471
ELK4	634,71	-1,07	0,573669	-1,87187	0,061225	0,3285538
RP11-597K23.2	9,95	-1,35	0,721517	-1,8716	0,061263	0,328659
AMICA1	11668,39	0,47	0,248642	1,87146	0,061281	0,3286651
ATP5A1	4630,38	0,64	0,343932	1,871142	0,061325	0,3288069
RP11-561C5.3	33,94	-1,01	0,540103	-1,871	0,061345	0,3288192
SFT2D1	915,64	0,84	0,450281	1,870809	0,061372	0,3288315
RP11-31L22.5	306,37	-0,69	0,369846	-1,87073	0,061383	0,3288315
RPL39	2611,64	-0,55	0,296303	-1,87041	0,061427	0,3288996
AC004237.1	23,56	-0,91	0,484466	-1,87038	0,061431	0,3288996
ALDOC	65,88	2,67	1,426232	1,870183	0,061458	0,3289509

TUSC2	144,19	-0,96	0,515314	-1,86981	0,06151	0,3291333
EXOC8	115,30	-1,65	0,882015	-1,86955	0,061546	0,3292291
SLC44A4	36,86	-2,44	1,30522	-1,86906	0,061614	0,3294639
AP000432.3	618,54	-1,08	0,58057	-1,86856	0,061684	0,3294639
EEF1A1	97,34	1,72	0,919835	1,868467	0,061697	0,3294639
MAST1	5,93	-1,43	0,765824	-1,86846	0,061698	0,3294639
BTN3A3	348,53	-1,56	0,834848	-1,86844	0,061701	0,3294639
RP11-468E2.1	94,32	4,17	2,233233	1,868411	0,061705	0,3294639
RP11-113K21.5	76,05	-1,20	0,640998	-1,86831	0,061719	0,3294639
RP11-469N6.3	2,65	3,42	1,829762	1,868135	0,061743	NA
LA16c-390E6.5	252,62	-1,23	0,656284	-1,86811	0,061746	0,3294639
CTD-2370N5.3	8,94	4,39	2,347997	1,868036	0,061757	0,3294639
LHFPL5	96,06	-0,93	0,497411	-1,86797	0,061767	0,3294639
RP4-621N11.2	4,35	-3,32	1,775114	-1,86772	0,0618	0,3295491
FGFR2	9,94	-1,40	0,748004	-1,86734	0,061854	0,3297411
SERPINF1	281,09	1,10	0,590312	1,866948	0,061909	0,329938
RP11-44N21.3	3,28	-1,15	0,616533	-1,86684	0,061924	NA
RHOU	190,55	1,39	0,74613	1,866765	0,061934	0,32998
SAC3D1	31,44	-2,19	1,172169	-1,86649	0,061973	0,3300883
CTD-2568A17.1	11,38	-1,80	0,963992	-1,86632	0,061997	0,3301241
LRRC37A2	504,56	1,05	0,565405	1,865887	0,062057	0,3302578
CCT7	1443,14	0,63	0,338986	1,865858	0,062061	0,3302578
ELMOD2	116,90	1,77	0,947914	1,865757	0,062075	0,3302578
OTUD7A	3,84	2,98	1,596415	1,865448	0,062119	0,3303253
RIPOR2	2116,33	-0,62	0,330092	-1,86541	0,062124	0,3303253
RP11-580I16.2	3,02	4,20	2,252623	1,865382	0,062128	NA
B3GALNT2	178,56	1,28	0,687766	1,865215	0,062151	0,3303436
AC136290.1	29,65	-2,32	1,244747	-1,86514	0,062162	0,3303436
OMD	19,61	-3,90	2,092785	-1,8648	0,062209	0,3304978
ZNF20	13,73	-1,95	1,047496	-1,86378	0,062353	0,3311673
SKI	105,98	1,88	1,006326	1,863331	0,062416	0,331336
ZNF721	184,97	1,32	0,706194	1,863297	0,06242	0,331336
CTC-250I14.3	1,47	-1,91	1,023917	-1,86311	0,062447	NA
CTB-27N1.2	3,36	3,79	2,03496	1,863013	0,06246	NA
CCSER1	197,95	1,11	0,59722	1,862595	0,062519	0,3317661
DCAF7	1262,84	-0,55	0,296094	-1,86231	0,06256	0,3318667
RP11-44D5.1	3,12	2,11	1,132342	1,862243	0,062569	NA
RP11-109G23.3	58,85	-1,53	0,819699	-1,86208	0,062591	0,3318667
OR52I1	20,87	-1,24	0,668289	-1,86205	0,062597	0,3318667
RNU6-1284P	2,23	-5,08	2,730445	-1,862	0,062603	NA
FAM83G	6,58	2,27	1,221156	1,861954	0,06261	0,3318667
METTL1	91,80	2,21	1,184844	1,861827	0,062627	0,3318667
RP11-98O2.1	2,53	-2,44	1,311851	-1,86156	0,062665	NA
RN7SL507P	4,51	2,94	1,579075	1,861542	0,062668	0,3319641
CEBPB	198,95	-0,82	0,44276	-1,86144	0,062682	0,3319641
KCTD18	113,06	-1,15	0,616548	-1,86124	0,06271	0,3320212
ABL1	353,58	1,89	1,017803	1,860605	0,0628	0,3324024
RP11-284F21.9	2,96	-2,18	1,172858	-1,86046	0,062821	NA
TTC19	557,35	0,87	0,469981	1,860272	0,062847	0,3325417
RP11-533E19.7	15,38	-4,82	2,59157	-1,86017	0,062862	0,3325417

RP11-589P10.5	5,64	3,18	1,7112	1,85989	0,062901	0,3326049
RP5-882O7.5	22,82	-1,19	0,63818	-1,85983	0,06291	0,3326049
CLEC17A	30,07	1,91	1,029183	1,859525	0,062953	0,3327115
POLR3A	274,17	1,53	0,823011	1,859319	0,062982	0,3327115
CYSLTR2	140,89	1,83	0,984698	1,859307	0,062984	0,3327115
AC018755.18	6,22	5,27	2,833429	1,858897	0,063042	0,3327933
IPO7	409,23	0,95	0,51365	1,858822	0,063052	0,3327933
ARHGAP42	3,78	4,39	2,362934	1,858626	0,06308	0,3327933
ACTG1P9	11,97	-1,81	0,975505	-1,85859	0,063085	0,3327933
PBX3	294,39	1,14	0,615124	1,858465	0,063103	0,3327933
RPL6	10720,18	0,29	0,154264	1,858322	0,063123	0,3327933
ST20	61,32	-1,38	0,744586	-1,85814	0,063149	0,3327933
RP11-54O7.1	3,82	-2,06	1,108804	-1,8581	0,063155	0,3327933
NPIP3	689,79	0,93	0,497906	1,858063	0,06316	0,3327933
RP11-39K24.4	32,86	1,98	1,065383	1,857631	0,063221	0,3330226
OR5T2	9,12	-5,96	3,209025	-1,85725	0,063276	0,3332132
STX11	715,39	1,28	0,689779	1,856365	0,063402	0,333782
RP4-563E14.1	1,86	3,51	1,89144	1,856259	0,063417	NA
UQCC1	182,75	1,12	0,602518	1,856191	0,063426	0,333818
PEA15	1016,00	0,52	0,279861	1,855821	0,063479	0,3340009
ERVFRD-1	25,98	2,00	1,078644	1,855333	0,063549	0,3342728
RP11-651P23.4	3,04	4,24	2,283032	1,855274	0,063557	NA
RP11-154D6.1	14,00	2,19	1,178836	1,855025	0,063593	0,3343258
MEIOC	28,92	-1,24	0,666738	-1,85501	0,063595	0,3343258
PLPPR2	241,39	-1,38	0,742208	-1,85473	0,063634	0,3344394
FTLP10	0,88	-2,68	1,444159	-1,85447	0,063673	NA
ZNF224	192,07	-1,11	0,600804	-1,85415	0,063718	0,3347841
AC008072.1	21,16	-2,10	1,133819	-1,85388	0,063756	0,3348918
ZNF746	172,22	-1,59	0,858268	-1,85371	0,06378	0,3349214
ABCF2	374,94	-1,35	0,729515	-1,85358	0,063799	0,3349262
NAE1	119,36	-1,00	0,539876	-1,85316	0,063859	0,3351462
RER1	1204,36	0,75	0,404521	1,852979	0,063885	0,3351912
DYNC1LI1	694,06	0,83	0,446405	1,852691	0,063927	0,3352142
ZNF697	8,62	2,89	1,561531	1,852677	0,063929	0,3352142
VAV1	656,97	-0,74	0,399761	-1,85257	0,063944	0,3352142
RP11-287F9.2	4,97	1,77	0,958208	1,85237	0,063973	0,3352709
CTD-2515A14.1	7,75	-2,27	1,228298	-1,85167	0,064074	0,3357048
RP11-742B18.1	1,55	-3,45	1,861842	-1,85161	0,064082	NA
RP11-826N14.7	2,33	3,86	2,084413	1,851441	0,064106	NA
NBEAL1	280,59	-1,39	0,749985	-1,85098	0,064173	0,3361321
UGDH	48,89	-1,39	0,751573	-1,85067	0,064217	0,3362668
RP4-794I6.4	47,84	-0,61	0,327743	-1,85033	0,064266	0,3364309
RP11-484D2.4	12,42	1,72	0,931638	1,850021	0,064311	0,3365677
RP11-15A1.4	13,05	-1,02	0,550603	-1,84963	0,064367	0,3367698
TRAPPC10	382,49	0,81	0,439994	1,849502	0,064385	0,3367698
RIMS2	9,26	-1,31	0,708352	-1,84872	0,064498	0,3371781
IFT20	416,15	0,89	0,480245	1,848597	0,064516	0,3371781
UGT1A7	10,95	-1,95	1,056052	-1,84858	0,064518	0,3371781
COL6A3	10,50	-1,35	0,730791	-1,84836	0,06455	0,3372518
PRMT7	193,83	-1,33	0,717103	-1,84819	0,064575	0,3372854

CFTR	20,40	-1,65	0,891889	-1,84765	0,064653	0,3376006
HSBP1	964,43	-0,44	0,239237	-1,84737	0,064693	0,3377142
ANO7	4,46	-2,86	1,549481	-1,84693	0,064757	0,3379522
TMEM97	200,59	1,66	0,897156	1,846768	0,064781	0,3379823
RN7SL698P	18,35	1,73	0,935639	1,846195	0,064864	0,3383212
HMGB1P39	10,00	1,39	0,750767	1,845832	0,064917	0,3385016
ISYNA1	14,28	3,13	1,697063	1,845459	0,064971	0,3386534
QSER1	375,24	1,40	0,761307	1,845381	0,064982	0,3386534
RP11-767I20.1	3,66	-2,02	1,093066	-1,84517	0,065013	NA
HIST1H3D	1,93	3,57	1,936777	1,84494	0,065046	NA
XKR9	10,76	-1,72	0,930754	-1,84478	0,065069	0,3388157
LGALS9B	5,87	-3,06	1,659541	-1,84476	0,065072	0,3388157
HILPDA	44,17	-1,99	1,077254	-1,84476	0,065073	0,3388157
CHRNA1	6,92	3,72	2,018917	1,844593	0,065097	0,3388157
GRAMD3	81,74	-1,72	0,93073	-1,84454	0,065104	0,3388157
RP11-637O19.3	5,98	5,21	2,826029	1,844299	0,06514	0,3389044
RAPGEF2	464,80	-1,34	0,724792	-1,844	0,065183	0,3390344
MAF1	712,66	0,61	0,331456	1,843695	0,065228	0,3391725
RP11-666A8.13	16,26	-2,94	1,595209	-1,8433	0,065286	0,3393807
CTD-2339F6.1	5,22	-2,70	1,464144	-1,84303	0,065325	0,3393808
AC053503.12	6,05	-1,35	0,733239	-1,84299	0,065331	0,3393808
CTD-2373H9.3	32,12	-1,87	1,016531	-1,84292	0,065341	0,3393808
RNU1-46P	2,92	2,96	1,607146	1,842799	0,065358	NA
OR4K16P	5,14	-2,05	1,111991	-1,84268	0,065375	0,339465
MAP3K7CL	48,90	-1,80	0,974758	-1,84256	0,065394	0,3394685
P3H4	12,07	-1,58	0,857792	-1,84239	0,065418	0,3394978
AC096663.1	1,29	2,33	1,263168	1,842303	0,065431	NA
SLC25A11	835,93	0,95	0,514379	1,841898	0,06549	0,3397778
MAPKAP1	606,39	-0,84	0,453592	-1,84169	0,065521	0,3398431
CTC-459F4.2	71,55	1,85	1,005111	1,841286	0,06558	0,3398548
RFFL	176,19	1,37	0,741434	1,841037	0,065616	0,3398548
NAA30	192,96	1,72	0,932052	1,84091	0,065635	0,3398548
RP11-420G6.4	119,22	-1,33	0,722964	-1,84078	0,065654	0,3398548
CH17-449C21.2	93,77	1,20	0,650522	1,84069	0,065667	0,3398548
ITGB7	1233,58	0,61	0,333845	1,840534	0,06569	0,3398548
ZNF627	46,22	1,33	0,724128	1,840499	0,065695	0,3398548
PYGB	319,27	-0,96	0,519195	-1,84042	0,065706	0,3398548
ULK4P1	71,17	1,89	1,028745	1,840417	0,065707	0,3398548
AC007386.2	16,39	-1,64	0,891557	-1,84013	0,065749	0,3398548
NDUFS2	1300,86	0,80	0,434026	1,8401	0,065754	0,3398548
C20orf27	946,89	0,66	0,359414	1,84005	0,065761	0,3398548
PIGK	218,92	2,03	1,101808	1,840009	0,065767	0,3398548
FTHL10	11,14	0,85	0,460862	1,83984	0,065792	0,3398548
KDEL2	808,53	-0,58	0,313943	-1,8398	0,065797	0,3398548
TLDC1	65,05	1,82	0,991127	1,839308	0,06587	0,3400465
PIWIL2	1,29	-4,07	2,215221	-1,83931	0,06587	NA
VPS9D1	167,77	-1,22	0,660978	-1,83927	0,065876	0,3400465
DDX39B	1263,63	-0,37	0,202034	-1,83918	0,065889	0,3400465
USP28	159,84	1,47	0,799928	1,838758	0,065951	0,3402699
RP11-437B10.1	157,59	-0,90	0,490789	-1,83832	0,066016	0,3404899

BTG2	1458,82	0,54	0,292348	1,83822	0,06603	0,3404899
AP000351.12	3,70	-2,20	1,198785	-1,83795	0,066069	NA
ARL16	262,34	-0,87	0,472939	-1,83783	0,066087	0,3406081
MSL1	465,78	-0,93	0,508008	-1,83782	0,066089	0,3406081
PLCXD3	3,83	-2,23	1,214739	-1,83695	0,066217	0,3411711
C11orf65	53,65	-2,87	1,561526	-1,83655	0,066277	0,3413067
CCDC142	74,49	-1,76	0,960584	-1,83652	0,06628	0,3413067
CLCA2	2,68	-5,81	3,167491	-1,83557	0,066421	NA
WDFY2	2254,01	1,22	0,664389	1,835512	0,06643	0,3418957
RAN	1973,96	0,53	0,290972	1,835403	0,066446	0,3418957
RP11-143J12.2	42,90	2,84	1,547821	1,835379	0,06645	0,3418957
RP11-240O9.2	5,58	2,70	1,471426	1,835203	0,066476	0,3419348
SPDYE6	14,40	-3,07	1,670624	-1,83492	0,066517	0,3420557
ZNF446	75,62	2,44	1,331958	1,834697	0,066551	0,3421312
NDUFS5	655,09	-0,58	0,314355	-1,83422	0,066622	0,3423534
RP11-268I9.2	9,67	2,91	1,588832	1,834126	0,066635	0,3423534
AC131056.3	5,39	-4,06	2,213578	-1,83385	0,066676	0,3423534
RPLP2	5126,16	-0,61	0,331657	-1,8338	0,066683	0,3423534
SGO2	20,99	-1,45	0,793185	-1,83376	0,066689	0,3423534
CIT	17,70	3,96	2,161842	1,833662	0,066704	0,3423534
FAM20B	371,17	1,61	0,880503	1,832904	0,066817	0,3426626
ROPN1	5,87	-5,90	3,218669	-1,83284	0,066826	0,3426626
RP11-691G17.1	419,46	-0,93	0,508987	-1,83276	0,066838	0,3426626
ENPP1	43,74	-2,13	1,160455	-1,83276	0,066838	0,3426626
AC005086.3	2,45	-3,94	2,15051	-1,83246	0,066882	NA
MCCC2	415,35	1,03	0,560577	1,832391	0,066893	0,3428508
RN7SL487P	2,32	-2,56	1,3979	-1,8323	0,066907	NA
CTD-2050B12.1	3,03	-6,40	3,491466	-1,83223	0,066918	NA
NABP2	112,58	-1,30	0,709965	-1,8321	0,066937	0,3428934
RP13-616I3.1	5,05	-1,73	0,94435	-1,83209	0,066938	0,3428934
IDS	1177,11	0,63	0,34571	1,83076	0,067136	0,3436618
TIMM50	384,80	-0,77	0,42242	-1,83074	0,06714	0,3436618
GPX1	9754,43	-0,36	0,198006	-1,83071	0,067144	0,3436618
MEIS1	40,99	1,92	1,048759	1,83022	0,067217	0,3439295
RP11-352D13.5	3,06	-6,41	3,502643	-1,83004	0,067244	NA
RNLS	101,47	2,02	1,102625	1,830035	0,067245	0,3439295
RP11-779O18.3	3,24	-2,44	1,334052	-1,83002	0,067247	NA
PROCR	49,56	1,75	0,957972	1,829892	0,067266	0,3439295
RP11-13J8.1	7,44	-1,23	0,670869	-1,82948	0,067328	0,3439295
RP11-384E22.1	6,18	4,68	2,559509	1,829461	0,067331	0,3439295
ZNF461	20,19	-1,72	0,941891	-1,82946	0,067331	0,3439295
CTD-2653M23.1	8,57	5,73	3,131579	1,829405	0,067339	0,3439295
TMEM233	1,29	-4,05	2,214476	-1,82929	0,067356	NA
RP11-631B21.1	47,22	-1,35	0,736367	-1,8292	0,06737	0,3439295
ZFP1	12,59	3,03	1,65862	1,829154	0,067377	0,3439295
ARF3	991,66	0,68	0,374007	1,829124	0,067381	0,3439295
RP11-333I13.1	5,06	-1,57	0,855846	-1,82892	0,067411	0,3439628
TMA7	1056,26	-0,36	0,196503	-1,82883	0,067424	0,3439628
ZBTB6	45,31	2,60	1,419964	1,828181	0,067522	0,3442542
RP11-680E19.1	4,69	-1,42	0,77826	-1,82815	0,067527	0,3442542

MMP25	92,93	2,90	1,588674	1,828083	0,067537	0,3442542
PLOD3	414,18	-0,74	0,40633	-1,82746	0,067631	0,3446381
POTEI	68,70	-1,53	0,835062	-1,82689	0,067717	0,3449819
RP1-12G14.3	26,83	3,04	1,661898	1,826455	0,067782	0,3451542
DNAAF5	52,71	1,80	0,984309	1,826414	0,067788	0,3451542
CLDN9	9,04	5,23	2,863363	1,825947	0,067858	0,345418
RN7SL414P	0,49	-3,21	1,760106	-1,82579	0,067882	NA
CSDE1	2625,02	0,45	0,248786	1,825465	0,067931	0,3456928
RN7SL66P	2,25	-1,82	0,994893	-1,8254	0,067941	NA
EXTL3-AS1	42,00	1,70	0,930026	1,825074	0,06799	0,3458988
CLEC4M	4,84	-1,97	1,077522	-1,82467	0,06805	0,3461122
SRP14	1999,82	0,43	0,236391	1,823587	0,068215	0,3468519
RP11-44F14.5	12,75	2,36	1,29469	1,82324	0,068267	0,3470241
RP11-182N22.9	77,06	-1,77	0,972527	-1,82303	0,0683	0,3470943
ADAM32	594,67	-1,03	0,566254	-1,82276	0,068339	0,3471468
FGFBP2	43,26	-2,65	1,454324	-1,82271	0,068347	0,3471468
RP11-262N9.3	28,81	2,28	1,25307	1,822466	0,068384	0,347241
RP11-121L10.3	0,94	2,51	1,37589	1,822211	0,068423	NA
GPRC5C	83,51	1,99	1,093452	1,822175	0,068428	0,3473349
MPHOSPH8	512,62	-0,64	0,348788	-1,8221	0,06844	0,3473349
CYP20A1	233,70	1,14	0,628363	1,821308	0,06856	0,3476574
SH3BGRL2	51,17	-6,09	3,342454	-1,82126	0,068568	0,3476574
TIFA	86,37	-2,18	1,194701	-1,82121	0,068575	0,3476574
RP11-39K24.13	6,21	3,20	1,757582	1,821136	0,068586	0,3476574
SSFA2	680,22	1,14	0,624554	1,821064	0,068597	0,3476574
RP11-462G12.4	1,90	-1,68	0,924052	-1,82099	0,068608	NA
RP11-44M6.3	1,79	-1,40	0,769026	-1,82074	0,068646	NA
RP4-682C21.5	32,83	-1,61	0,8833	-1,81996	0,068766	0,348417
RNU2-66P	3,09	3,66	2,011614	1,819917	0,068772	NA
NAP1L1	3265,28	0,42	0,232628	1,819587	0,068822	0,3485628
OR4F15	4,07	-2,00	1,097728	-1,81952	0,068832	0,3485628
RP11-543E8.1	29,85	2,62	1,440619	1,819348	0,068858	0,3485798
ACO11247.2	5,66	-0,96	0,529199	-1,81925	0,068873	0,3485798
MIR1273H	10,38	1,56	0,856241	1,818871	0,068931	0,3487797
EMX2OS	28,32	1,61	0,885767	1,818562	0,068978	0,3489155
EPPK1	1,04	-2,53	1,391174	-1,81855	0,06898	NA
AC074117.10	40,32	1,73	0,953194	1,81845	0,068995	0,3489155
RP11-954J6.3	23,27	3,40	1,873282	1,81737	0,06916	0,349572
TCF23	17,27	-1,32	0,724403	-1,81733	0,069166	0,349572
RP11-57I17.4	6,06	-1,39	0,765623	-1,81714	0,069196	0,349572
KLHL30	4,10	-2,15	1,181284	-1,81705	0,06921	0,349572
ZNF14	51,90	2,46	1,356395	1,816986	0,069219	0,349572
TET3	751,70	-0,85	0,470149	-1,8163	0,069324	0,3498159
AP001422.3	3,90	4,56	2,511388	1,816295	0,069325	0,3498159
SOCS3	308,53	0,95	0,524263	1,816281	0,069327	0,3498159
GLTSCR2	547,31	-0,76	0,418228	-1,81615	0,069348	0,3498159
FSCN1	44,75	1,67	0,921618	1,815968	0,069375	0,3498159
FAM72A	63,61	1,45	0,800315	1,815735	0,069411	0,3498159
RP11-95M15.3	10,24	-1,49	0,820955	-1,81565	0,069423	0,3498159
C2orf54	7,46	-3,08	1,694677	-1,81558	0,069435	0,3498159

FBXO6	481,88	0,96	0,528833	1,815568	0,069437	0,3498159
PSPN	17,37	-1,34	0,73804	-1,81521	0,069492	0,3499987
RP11-279N8.3	22,20	1,35	0,745448	1,814771	0,069559	0,3501336
LY6G5C	56,72	2,04	1,124922	1,814695	0,069571	0,3501336
ENPP4	192,67	1,64	0,906021	1,814667	0,069575	0,3501336
RP11-161M6.3	3,07	-6,39	3,519674	-1,81444	0,06961	NA
TATDN1	278,88	1,36	0,751972	1,814346	0,069624	0,3502448
PIK3CG	334,14	1,40	0,77251	1,814279	0,069635	0,3502448
SLC35B4	341,29	-1,53	0,843385	-1,81397	0,069682	0,350303
SEC11A	1304,76	0,64	0,355155	1,813959	0,069684	0,350303
RP11-314A20.5	6,90	3,38	1,864032	1,813525	0,069751	0,3504694
NME2	1608,27	0,41	0,225072	1,813499	0,069755	0,3504694
MLKL	446,49	-0,97	0,53637	-1,81276	0,06987	0,3509513
RP11-370I10.12	24,37	-1,33	0,735093	-1,81215	0,069963	0,351194
USP15	2011,53	-0,38	0,207922	-1,81204	0,06998	0,351194
C19orf79	282,39	-0,77	0,424401	-1,81204	0,06998	0,351194
ATG16L1	127,51	1,46	0,804626	1,811833	0,070012	0,351194
OR5H1	11,06	-2,38	1,315868	-1,81183	0,070012	0,351194
OSGIN2	122,31	1,66	0,915852	1,811415	0,070077	0,3513286
UBE2A	585,43	1,07	0,587949	1,811413	0,070077	0,3513286
ZNF789	137,73	1,33	0,732608	1,810594	0,070204	0,3518694
RP11-142I20.1	2,20	-3,01	1,660576	-1,80998	0,070298	NA
CDH2	12,74	-5,49	3,032071	-1,80995	0,070304	0,3521924
PAFAH1B3	182,25	1,23	0,677229	1,809934	0,070306	0,3521924
SMG1	2104,97	0,67	0,368849	1,80969	0,070344	0,3522374
TMEM236	53,76	-1,14	0,630739	-1,80962	0,070355	0,3522374
MOSPD1	79,50	-1,89	1,043405	-1,80942	0,070385	0,3522374
CTD-2530H13.2	77,54	1,69	0,935308	1,809388	0,070391	0,3522374
FBXO22	235,34	1,57	0,866181	1,809077	0,070439	0,3522983
ARIH2OS	117,30	-1,78	0,984529	-1,80906	0,070442	0,3522983
MFAP5	14,84	2,60	1,439047	1,808836	0,070477	0,3522983
AC073065.3	11,90	-1,24	0,685943	-1,80882	0,070479	0,3522983
SLITRK3	3,20	-2,36	1,305566	-1,80857	0,070518	NA
FKBP9L	10,71	-1,26	0,699395	-1,80846	0,070535	0,3524877
SLC18A2	4,92	-4,03	2,226701	-1,80828	0,070563	0,3525292
TMEM147	1047,52	0,62	0,342494	1,80791	0,070621	0,352656
C12orf49	387,91	-1,57	0,867379	-1,80787	0,070626	0,352656
ZNF251	30,08	2,45	1,356461	1,807743	0,070646	0,3526635
RP11-190C22.9	2,98	3,62	2,004878	1,807385	0,070702	NA
RPL36A	1786,82	-0,52	0,287448	-1,80737	0,070705	0,3528618
CEP85	114,86	1,46	0,807297	1,806899	0,070778	0,3530557
GCNT1	215,47	-1,64	0,905896	-1,80687	0,070782	0,3530557
RP11-1334A24.6	1,93	-5,58	3,087953	-1,80619	0,070888	NA
TMEM160	442,56	-1,02	0,566523	-1,80606	0,070909	0,3535951
CYCSP40	4,87	4,91	2,72091	1,805783	0,070952	0,3537155
SERF1B	41,27	-1,32	0,730809	-1,80555	0,070988	0,3537786
SAPCD2	78,72	-3,07	1,701536	-1,80546	0,071003	0,3537786
RP11-696L21.2	2,87	-6,32	3,499063	-1,805	0,071075	NA
OGFRL1	2005,61	0,48	0,265801	1,804888	0,071092	0,3538838
GABRA1	2,72	-1,94	1,073792	-1,80486	0,071096	NA

RP11-473O4.3	7,76	4,42	2,451113	1,804701	0,071122	0,3538838
CYP3A5	149,39	-1,34	0,741231	-1,80469	0,071124	0,3538838
EZH1	388,19	-0,79	0,440146	-1,80463	0,071133	0,3538838
RABL6	177,12	-0,90	0,499775	-1,80458	0,071114	0,3538838
EPHB1	36,56	-2,89	1,600295	-1,80454	0,071147	0,3538838
YPEL3	581,09	-0,90	0,497641	-1,80447	0,071157	0,3538838
SLC27A3	394,37	-0,56	0,309612	-1,80429	0,071186	0,3539345
CHCHD3	351,52	0,97	0,540455	1,803961	0,071237	0,3540935
TOM1L1	27,73	-2,96	1,638676	-1,8037	0,071279	0,3542045
ARPC1B	7883,66	0,31	0,172524	1,803556	0,071301	0,3542203
RNU1-33P	1,94	-5,58	3,094145	-1,80331	0,071339	NA
PRAM1	810,82	-0,73	0,406086	-1,80307	0,071377	0,3545022
LZTS2	19,18	-1,96	1,088134	-1,80294	0,071398	0,354513
SEC16A	401,25	1,09	0,601952	1,802745	0,071428	0,3545678
RP11-894P9.1	59,52	1,70	0,945626	1,802625	0,071447	0,3545678
CTDNEP1	700,46	0,69	0,383052	1,802471	0,071471	0,3545929
RP11-1041F24.1	1,94	2,96	1,641301	1,801913	0,071559	NA
PLOD2	17,73	-2,20	1,223361	-1,80187	0,071566	0,3549013
BBIP1	296,40	-1,35	0,751374	-1,80181	0,071576	0,3549013
PRR29	39,64	-1,94	1,07922	-1,8016	0,071609	0,3549013
SLC1A2	80,48	-1,18	0,653208	-1,80159	0,07161	0,3549013
C8orf74	2,00	-2,74	1,523336	-1,80156	0,071615	NA
COX18	103,57	-1,14	0,633801	-1,80117	0,071676	0,3551369
RP11-879F14.1	5,10	2,61	1,44846	1,800711	0,071748	0,3553337
FLVCR1-AS1	67,30	-1,79	0,995153	-1,80067	0,071754	0,3553337
ARHGEF7	414,51	1,15	0,640548	1,800526	0,071778	0,355355
FBXL19	1,63	-5,52	3,064814	-1,8005	0,071782	NA
PRKD2	158,58	-1,30	0,72317	-1,80036	0,071805	0,3553935
RP11-56B16.5	3,73	4,53	2,51738	1,80033	0,071809	NA
PIK3R2	122,34	1,21	0,674394	1,800168	0,071834	0,3554089
AC011747.6	4,59	-1,88	1,045881	-1,80007	0,07185	0,3554089
RGS16	13,43	-1,16	0,644493	-1,79997	0,071865	0,3554089
RN7SL624P	2,64	-1,85	1,026463	-1,79982	0,07189	NA
ZNF529	114,69	-1,12	0,62071	-1,79872	0,072063	0,3562534
NAGPA	479,14	-0,89	0,49531	-1,79865	0,072074	0,3562534
CDK5RAP3	1194,81	-0,57	0,318972	-1,79841	0,072113	0,3563488
HELLPAR	3937,25	-0,66	0,368084	-1,79762	0,072237	0,3568703
TARBP2	142,13	-1,30	0,723654	-1,79744	0,072265	0,3569144
RNU6-1333P	7,99	3,03	1,68537	1,796484	0,072418	0,3574126
AGPAT3	810,57	0,73	0,404539	1,796459	0,072421	0,3574126
TMEM14B	756,48	0,48	0,26517	1,796445	0,072424	0,3574126
SOST	4,63	-2,62	1,456006	-1,79615	0,07247	0,3575452
HNRNPA1L2	28,31	1,91	1,062324	1,795794	0,072527	0,357733
RP13-49I15.6	3,48	4,43	2,467785	1,795505	0,072573	NA
NPAT	216,64	-1,15	0,640224	-1,7952	0,072623	0,3581082
CTB-107G13.1	3,35	3,18	1,772336	1,795019	0,072651	NA
LAMA4	60,89	-1,01	0,563611	-1,79494	0,072663	0,3582133
IL10RA	2537,75	0,48	0,269604	1,794752	0,072693	0,3582669
OR6C75	65,71	-1,25	0,69586	-1,79445	0,072741	0,3584055
RN7SL353P	1,47	-1,95	1,088401	-1,79422	0,072778	NA

PLAGL1	323,29	-1,01	0,563292	-1,7934	0,07291	0,3590783
CIZ1	194,29	-1,12	0,623996	-1,79328	0,072928	0,3590783
PRR14L	772,88	-1,19	0,661757	-1,7932	0,072941	0,3590783
CTD-2083E4.6	0,99	-4,15	2,31198	-1,79316	0,072947	NA
DTD1	321,13	1,21	0,672317	1,793101	0,072957	0,3590783
RP11-456D7.1	10,17	-1,33	0,739017	-1,793	0,072974	0,3590783
RP1-1J6.2	7,74	2,62	1,460842	1,792828	0,073	0,3591153
RP11-439M11.1	11,99	-1,13	0,628515	-1,79253	0,073048	0,359222
COL18A1	19,97	2,86	1,59332	1,792451	0,073061	0,359222
RP11-521D12.1	3,38	-1,87	1,043092	-1,7921	0,073117	NA
SVIL	336,99	-1,16	0,650044	-1,79198	0,073137	0,3595006
ZNF596	27,12	2,00	1,117569	1,791673	0,073185	0,3596391
RP11-29G8.3	43,51	-1,67	0,933684	-1,79152	0,07321	0,3596391
FAM71D	3,25	3,69	2,062544	1,791435	0,073224	NA
TOX4	613,15	-0,81	0,454335	-1,79131	0,073243	0,3596391
RP11-326A13.2	13,24	-0,99	0,55299	-1,79124	0,073256	0,3596391
SNU13	1208,81	0,46	0,259484	1,791017	0,073291	0,3596391
LTK	41,86	-2,48	1,385522	-1,791	0,073294	0,3596391
WDR93	12,74	1,95	1,091518	1,790778	0,073329	0,3596391
PDLIM5	496,25	-0,78	0,436712	-1,79075	0,073334	0,3596391
PLA2G6	27,30	-1,81	1,011036	-1,79071	0,07334	0,3596391
THOC6	311,60	1,07	0,598217	1,790555	0,073365	0,3596391
LRRC4	2,36	2,65	1,480924	1,790498	0,073374	NA
ADAMTS18	1,78	2,97	1,656273	1,790488	0,073376	NA
BBC3	26,82	2,02	1,125925	1,790475	0,073378	0,3596391
GALNT8	2,37	-3,20	1,787716	-1,79016	0,073428	NA
C19orf24	418,24	-0,55	0,30991	-1,79	0,073453	0,359777
DUX4	4,24	-2,71	1,512585	-1,78995	0,073463	0,359777
SLX4IP	121,53	1,49	0,835196	1,789913	0,073468	0,359777
FKBP14	169,44	-1,69	0,943931	-1,78982	0,073483	0,359777
RP11-552M6.1	4,38	3,59	2,008612	1,789405	0,07355	0,3599845
EXOC7	141,45	-1,10	0,613502	-1,78931	0,073564	0,3599845
ITGAM	625,07	-1,20	0,668804	-1,78894	0,073625	0,3601321
RNU6-1188P	4,97	4,95	2,766375	1,788887	0,073633	0,3601321
C2orf69	217,45	1,06	0,594762	1,788752	0,073655	0,3601435
RP11-368J21.3	43,51	2,07	1,158753	1,788504	0,073695	0,3602302
MRPL37P1	202,50	1,39	0,776175	1,788402	0,073711	0,3602302
SH3D19	52,32	2,24	1,253756	1,788182	0,073747	0,3603009
TRMU	292,01	-1,15	0,644594	-1,78807	0,073764	0,3603009
TBC1D13	95,93	-1,57	0,878482	-1,78754	0,07385	0,3606253
GCNT7	10,84	2,95	1,652165	1,787227	0,073901	0,3607782
MIR3175	3,51	3,85	2,15581	1,787079	0,073925	NA
CTSK	131,97	-2,00	1,120712	-1,78707	0,073927	0,3608097
SLC25A48	5,07	-1,43	0,802488	-1,78687	0,073959	0,3608722
RP11-427P5.3	2,61	4,02	2,251234	1,786652	0,073994	NA
BFSP1	7,01	-2,44	1,364611	-1,78636	0,074041	0,3611775
BRIP1	25,05	-1,22	0,684857	-1,78603	0,074094	0,3612901
RP11-6N17.10	12,64	-1,40	0,784292	-1,78598	0,074103	0,3612901
RP11-352G18.2	2,94	-2,43	1,360555	-1,78588	0,074119	NA
SLC10A3	40,97	2,45	1,36981	1,78569	0,074149	0,3614229

CHCHD7	300,24	1,06	0,593944	1,785321	0,074209	0,3615207
RP11-40H19.1	6,37	3,63	2,033012	1,785159	0,074235	0,3615207
SNTG2	3,18	3,11	1,740781	1,78512	0,074242	NA
PCGF3	454,96	-1,11	0,619389	-1,78509	0,074248	0,3615207
RP3-337H4.8	6,79	-1,06	0,59375	-1,78502	0,074258	0,3615207
FPGT-TNNI3K	11,06	2,33	1,304034	1,784964	0,074267	0,3615207
AC002310.12	12,10	-1,15	0,646463	-1,78485	0,074286	0,3615207
RPS6P20	2,08	-1,97	1,103485	-1,78476	0,0743	NA
HLA-DOB	202,90	1,54	0,864793	1,784525	0,074338	0,3616329
RRN3	194,97	1,26	0,708618	1,784465	0,074348	0,3616329
MMGT1	349,11	1,09	0,612855	1,784221	0,074388	0,3616641
PSMD2	1287,44	0,64	0,358059	1,78416	0,074398	0,3616641
UBXN11	715,69	-0,57	0,318836	-1,78407	0,074413	0,3616641
MDM2	694,25	-0,82	0,462416	-1,78358	0,074491	0,3619503
AP1G1	791,31	-1,16	0,651651	-1,7832	0,074554	0,3621561
ELMO2	207,63	1,38	0,771508	1,783085	0,074572	0,3621561
TNFAIP2	3302,46	-0,41	0,227333	-1,78246	0,074674	0,3625559
CMP21-97G8.1	1,23	2,91	1,631383	1,782176	0,07472	NA
SYNJ1	210,86	1,17	0,658951	1,782001	0,074749	0,3628248
TMEM150B	2,57	-2,26	1,2676	-1,782	0,07475	NA
PLAUR	3742,33	0,81	0,452978	1,781686	0,0748	0,3628892
SYN1	6,66	4,33	2,431733	1,78168	0,074801	0,3628892
RP11-666I19.2	1,43	-5,36	3,006635	-1,78142	0,074844	NA
GATS	12,45	2,25	1,265812	1,781025	0,074908	0,3632304
GTF3C6	803,08	0,41	0,232603	1,781005	0,074912	0,3632304
OSTC	1278,03	0,56	0,314113	1,780817	0,074942	0,3632304
MSMO1	64,02	-1,72	0,96437	-1,78077	0,07495	0,3632304
NCRNA00106	84,49	0,77	0,431247	1,780218	0,07504	0,3633642
MTPAP	626,93	0,92	0,516136	1,780211	0,075041	0,3633642
ST3GAL3	107,71	-0,87	0,488944	-1,78015	0,075052	0,3633642
DCAF17	82,03	1,64	0,918548	1,780009	0,075075	0,3633642
RP11-227G15.9	13,01	-1,54	0,863852	-1,77993	0,075088	0,3633642
SNRPF	272,29	-0,57	0,319328	-1,77989	0,075095	0,3633642
MRPL18	401,30	1,22	0,685116	1,779639	0,075135	0,3634654
FAM49A	1171,01	0,64	0,359428	1,779393	0,075175	0,363518
CMSS1	247,51	-1,18	0,664093	-1,77926	0,075196	0,363518
SRGN	12492,33	0,43	0,240341	1,779182	0,07521	0,363518
RP11-390F4.8	22,79	3,53	1,986499	1,779096	0,075224	0,363518
CEP68	297,87	-1,17	0,659469	-1,77884	0,075266	0,363569
RPL37	2296,07	-0,49	0,276233	-1,7787	0,075288	0,363569
RP11-100I7.1	29,77	-0,92	0,514703	-1,77867	0,075293	0,363569
ENDOV	152,05	-0,76	0,425912	-1,7783	0,075355	0,3637744
RN7SL113P	5,56	-2,36	1,330233	-1,77781	0,075435	0,3640645
AC092580.4	4,11	-3,45	1,938321	-1,77746	0,075492	0,3642442
SNORD63B	3,22	4,32	2,433277	1,777299	0,075519	NA
SNN	387,60	0,95	0,537038	1,777247	0,075528	0,3643221
CEP44	139,66	1,55	0,873107	1,777122	0,075548	0,3643268
ZNF785	93,24	1,48	0,832095	1,777	0,075568	0,3643291
CTC-338M12.5	2,78	-1,93	1,0881	-1,77696	0,075574	NA
LRRRC37B	82,18	-1,16	0,653493	-1,77666	0,075624	0,3643996

TXNDC17	358,90	-0,53	0,298834	-1,77654	0,075644	0,3643996
PDLIM1	357,39	1,61	0,904558	1,776404	0,075666	0,3643996
TRIM59	192,76	-1,37	0,773851	-1,77635	0,075675	0,3643996
SYT14	30,44	1,48	0,83047	1,776302	0,075683	0,3643996
LMOD3	6,62	-2,11	1,185863	-1,77618	0,075704	0,3643996
SYCP2L	17,17	2,47	1,390189	1,776079	0,07572	0,3643996
RF00100	34,92	-1,28	0,718194	-1,77586	0,075755	0,3644754
TMEM176A	95,71	-2,82	1,590395	-1,7757	0,075782	0,3645105
P3H3	1,46	-2,89	1,629376	-1,77496	0,075905	NA
CD59	414,79	1,20	0,67736	1,774856	0,075922	0,3650506
EPM2A	187,84	1,41	0,792133	1,774783	0,075934	0,3650506
HSP90AB2P	2,63	4,13	2,328736	1,774645	0,075957	NA
CTB-43P18.3	53,45	3,55	2,000472	1,774474	0,075985	0,3652023
AC013394.2	1349,76	0,46	0,257877	1,774344	0,076006	0,365211
PTGES2-AS1	10,12	2,21	1,248432	1,774006	0,076062	0,3653852
GTF2I	868,97	-0,85	0,480672	-1,7737	0,076112	0,3655309
SH3BGR	2,31	-3,85	2,170909	-1,7733	0,076179	NA
RP11-6B19.1	5,93	4,65	2,622678	1,773006	0,076228	0,365991
RP11-433J20.1	9,15	1,48	0,835634	1,772747	0,076271	0,3660845
HMGA1	349,25	0,65	0,369142	1,772609	0,076294	0,3660845
BROX	598,05	-0,59	0,334537	-1,77252	0,076308	0,3660845
TUBGCP5	203,02	-1,31	0,740618	-1,77231	0,076343	0,3660845
SLC9A4	22,70	-1,02	0,577554	-1,7723	0,076345	0,3660845
FBXO46	41,30	1,40	0,789252	1,771869	0,076416	0,3663297
SPRYD4	70,49	-1,24	0,698954	-1,7716	0,076461	0,3664484
PSG2	2,76	-1,86	1,050844	-1,77136	0,076502	NA
RP11-734I18.1	2,78	-3,81	2,153109	-1,77118	0,076531	NA
ABHD2	418,66	1,31	0,740475	1,77112	0,076541	0,36667
RP5-991O23.1	2,47	-3,77	2,130439	-1,77107	0,07655	NA
ADRBK2	1148,67	-0,61	0,342073	-1,77097	0,076565	0,36667
AC144833.1	1,66	3,34	1,887927	1,770968	0,076566	NA
RP11-335O4.3	9,48	-2,87	1,622873	-1,77094	0,076571	0,36667
SLC2A10	1,56	-1,96	1,106425	-1,77084	0,076587	NA
CD9	85,19	2,04	1,153456	1,770745	0,076603	0,36667
PLAU	77,25	2,54	1,434609	1,77073	0,076606	0,36667
PCDHAC1	1,67	-4,01	2,262425	-1,77039	0,076662	NA
FAM195A	188,30	-1,18	0,669081	-1,77025	0,076685	0,3669546
RPL38	1688,41	-0,60	0,341047	-1,77014	0,076704	0,3669546
FEN1	30,18	2,93	1,652919	1,769981	0,07673	0,3669837
TMEM88	7,67	2,83	1,598239	1,769694	0,076778	0,3671181
INSR	805,09	0,65	0,369081	1,769516	0,076808	0,3671655
RP11-252E2.2	0,86	-3,02	1,705688	-1,76952	0,076808	NA
SNRNP48	233,43	1,36	0,768008	1,769264	0,07685	0,3672723
TNS1	19,22	-2,22	1,253832	-1,76887	0,076916	0,3674919
PTDSS2	68,27	2,31	1,306499	1,768535	0,076971	0,3676647
CTC-461F20.1	1,76	-5,44	3,077695	-1,76794	0,07707	NA
ZBED9	3,04	-1,98	1,119683	-1,76786	0,077085	NA
RP11-881M11.8	3,87	4,02	2,272177	1,767709	0,07711	0,3679828
RP11-14I17.2	18,52	-1,43	0,807932	-1,76766	0,077118	0,3679828
WDSUB1	52,44	1,76	0,992934	1,767606	0,077127	0,3679828

DGCR2	154,72	-2,01	1,141903	-1,75753	0,078828	0,3720091
RP11-574K11.27	1,76	-5,41	3,07754	-1,75749	0,078834	NA
MAPK8	297,51	1,35	0,765432	1,757452	0,078841	0,3720091
AC004067.5	3,25	4,33	2,462651	1,757442	0,078843	NA
GULP1	36,28	-2,83	1,612163	-1,75727	0,078871	0,3720579
SIGLEC16	56,00	-2,58	1,468951	-1,7562	0,079055	0,3728289
RP11-115I8.1	1,91	-2,89	1,647123	-1,75608	0,079074	NA
EIF4E3	173,80	-1,71	0,971763	-1,75595	0,079096	0,3728902
AC012074.2	11,16	-2,31	1,316116	-1,75589	0,079108	0,3728902
SHC4	23,67	-1,92	1,094605	-1,75567	0,079146	0,3728902
ORAI3	169,59	-1,31	0,745659	-1,75565	0,079148	0,3728902
MAPK11P1L	1029,63	0,65	0,367943	1,754784	0,079296	0,3734956
SLC25A42	27,23	-2,61	1,485162	-1,75444	0,079355	0,3736779
AC006129.3	2,32	3,25	1,849706	1,754347	0,079371	NA
SNX3	1389,89	0,56	0,318382	1,754068	0,079419	0,3737962
RP11-417O18.1	27,00	-0,68	0,386834	-1,75406	0,07942	0,3737962
RP11-248B24.1	5,16	-1,57	0,894248	-1,75386	0,079454	0,3738027
RN7SL515P	4,31	3,57	2,038073	1,753816	0,079462	0,3738027
SLC48A1	133,67	-1,12	0,636422	-1,7535	0,079516	0,3738125
RPAP3	238,62	0,94	0,535864	1,753418	0,07953	0,3738125
ZNF852	42,61	-2,93	1,671486	-1,75336	0,079541	0,3738125
FAM129B	51,77	-1,25	0,715587	-1,75329	0,079553	0,3738125
ZBP1	90,41	-1,17	0,669047	-1,75322	0,079565	0,3738125
KIF26B	4,25	-5,82	3,319047	-1,75299	0,079604	0,3739048
RP11-977B10.2	52,51	2,57	1,464888	1,752581	0,079674	0,3741381
RP11-946L20.2	3,62	-4,20	2,398323	-1,75235	0,079713	NA
RP11-472N13.3	2,74	3,50	1,996337	1,751866	0,079797	NA
YBX3	1211,99	-0,55	0,316771	-1,75163	0,079838	0,3748145
NRBF2	204,43	0,88	0,501577	1,751297	0,079895	0,3749048
UNC45A	318,79	-1,24	0,709196	-1,75128	0,079898	0,3749048
RP11-814M22.1	2,63	-6,19	3,53551	-1,7511	0,079928	NA
CAMK2D	632,77	-0,89	0,508024	-1,75072	0,079994	0,375262
RP11-145M9.6	4,98	-2,17	1,237499	-1,75044	0,080042	0,3753102
RP1-283E3.8	97,29	-1,21	0,690102	-1,75043	0,080045	0,3753102
RNF135	594,67	-0,81	0,463612	-1,75028	0,080069	0,3753304
CTD-2583A14.8	6,34	-1,70	0,97254	-1,75003	0,080113	0,3754027
RPL21	5597,27	-0,29	0,168572	-1,74996	0,080125	0,3754027
RBL1	181,10	-1,75	1,000154	-1,74967	0,080175	0,375542
CD40	120,83	1,56	0,891143	1,74944	0,080215	0,3756353
FAM188A	179,18	1,50	0,858932	1,749153	0,080265	0,3757733
RP11-520H14.7	0,68	-3,56	2,036646	-1,74906	0,08028	NA
RP11-531A24.3	22,25	-1,35	0,774292	-1,749	0,080291	0,3758044
RP11-398C13.6	2,77	2,93	1,677517	1,748675	0,080347	NA
MT-TC	10,93	-0,94	0,536114	-1,74864	0,080353	0,3759971
CTB-131K11.1	16,64	2,11	1,207373	1,748501	0,080377	0,376017
RPL12P1	0,75	-3,01	1,719276	-1,74833	0,080408	NA
USPL1	271,57	1,23	0,704977	1,748217	0,080427	0,3761465
REV1	262,16	0,98	0,56265	1,748107	0,080445	0,3761465
NCOA3	1666,77	0,44	0,252305	1,747706	0,080515	0,3761634
UBE2D2	636,94	0,56	0,319505	1,747615	0,080531	0,3761634

NFATC2	347,15	1,53	0,877289	1,747614	0,080531	0,3761634
YLPM1	503,19	0,95	0,544257	1,747568	0,080539	0,3761634
EIF5AL1	29,50	-1,10	0,627462	-1,7475	0,08055	0,3761634
KLRF1	37,55	-3,00	1,715917	-1,74731	0,080583	0,3762223
AC103563.2	3,90	-5,59	3,198954	-1,74707	0,080625	0,3763223
COX19	448,36	-0,71	0,407816	-1,74686	0,080662	0,3764023
FMO5	82,85	1,30	0,743433	1,746709	0,080688	0,3764282
TTC21B	264,06	1,30	0,744974	1,746231	0,080771	0,376721
FKRP	84,45	-1,04	0,597787	-1,74602	0,080807	0,3767571
POLR3F	146,09	-1,84	1,055454	-1,74595	0,080819	0,3767571
RP11-433N2.1	2,19	2,54	1,454371	1,745892	0,08083	NA
CD274	12,64	5,59	3,203546	1,745808	0,080844	0,376781
RP1-240K6.5	8,28	-3,80	2,179311	-1,74567	0,080869	0,3768012
ARL13B	70,63	1,76	1,005972	1,745157	0,080957	0,3770506
PLGLB2	15,20	3,74	2,144887	1,744826	0,081015	0,3770506
ZC3HAV1	2064,80	0,67	0,38419	1,744783	0,081023	0,3770506
AC010883.5	11,18	2,69	1,540253	1,744705	0,081036	0,3770506
PGPEP1	255,65	-1,31	0,750116	-1,74465	0,081046	0,3770506
RN7SL575P	8,40	1,41	0,809617	1,744518	0,081069	0,3770506
RUSC2	47,92	-3,39	1,943947	-1,74434	0,081099	0,3770506
VWA5B1	127,40	-0,70	0,40038	-1,74425	0,081115	0,3770506
RP11-742N3.1	93,32	-0,73	0,41831	-1,74423	0,081118	0,3770506
SAFB2	386,12	-0,68	0,389161	-1,74419	0,081125	0,3770506
ITGA5	755,30	0,86	0,49497	1,744053	0,08115	0,3770713
MT-CO1	73397,88	-0,40	0,231051	-1,74379	0,081196	0,3771206
PRKCA	284,52	1,04	0,596408	1,743595	0,08123	0,3771206
RHOXF2	16,95	2,14	1,225674	1,743431	0,081258	0,3771206
NEGR1	256,20	-1,41	0,809189	-1,7433	0,08128	0,3771206
PRDX5	1488,45	-0,40	0,230031	-1,74319	0,081301	0,3771206
CD44	4132,00	0,49	0,278241	1,743156	0,081306	0,3771206
CR1	161,83	-1,76	1,007919	-1,7431	0,081315	0,3771206
WBP2	571,69	-0,62	0,357345	-1,74306	0,081323	0,3771206
CISH	118,44	-2,79	1,600249	-1,74274	0,08138	0,3772909
SEC24D	443,96	1,19	0,683136	1,742265	0,081462	0,3775789
C1RL	128,26	1,30	0,747061	1,74206	0,081498	0,3776513
CBWD3	296,98	-0,79	0,454797	-1,74174	0,081554	0,3778146
RP11-298E9.3	9,46	4,96	2,849915	1,741361	0,08162	0,377841
RN7SL225P	2,74	-2,35	1,348288	-1,74132	0,081627	NA
DDAH2	345,17	0,76	0,436912	1,74131	0,081629	0,377841
PHC1	31,36	-2,27	1,306103	-1,7412	0,081648	0,377841
RP11-544M22.13	90,72	2,77	1,58904	1,741135	0,08166	0,377841
HNRNPC	3461,42	0,39	0,22519	1,741089	0,081668	0,377841
DDA1	132,47	1,14	0,653166	1,741014	0,081681	0,377841
TRIM13	317,58	-0,93	0,535097	-1,74062	0,08175	0,3780667
FLYWCH1	215,63	-1,37	0,788002	-1,74042	0,081786	0,3781375
RFX5	350,32	1,08	0,618762	1,740137	0,081835	0,3781825
RP11-6O2.2	11,50	-1,77	1,020024	-1,7401	0,081841	0,3781825
CNOT2	842,66	0,68	0,39313	1,740014	0,081857	0,3781825
CRLF2	4,33	2,48	1,427435	1,739547	0,081939	0,3784674
TNFRSF14	1196,85	-0,80	0,459191	-1,73937	0,08197	0,3784767

DNAJC4	519,68	0,55	0,31806	1,731155	0,083424	0,3812594
MASP2	4,87	2,00	1,155184	1,731028	0,083447	0,3812692
CTD-2528A14.5	7,79	-2,29	1,320467	-1,73076	0,083494	0,3813564
RASGRP1	106,60	2,08	1,203396	1,730691	0,083507	0,3813564
MOB1B	720,27	0,75	0,436221	1,73051	0,083539	0,381396
FLRT2	46,56	-1,19	0,68699	-1,73041	0,083557	0,381396
AP001189.4	1,67	-5,33	3,082412	-1,73029	0,083578	NA
DUX4L34	0,65	-3,13	1,810162	-1,73028	0,08358	NA
RUNDC3B	21,41	1,69	0,979676	1,729998	0,083631	0,3816404
VSTM1	22,24	-6,26	3,618245	-1,7298	0,083665	0,3816914
PRDX1	1828,66	-0,55	0,319945	-1,72961	0,0837	0,3816914
RP11-761E20.1	28,56	2,19	1,2656	1,729591	0,083703	0,3816914
PPP1R10	357,61	-0,69	0,400706	-1,72925	0,083764	0,3818746
FCGR1A	262,90	-1,43	0,827069	-1,72874	0,083856	0,38211
PALM	7,51	-1,37	0,794228	-1,72873	0,083857	0,38211
FGD3	716,85	-0,93	0,539652	-1,72845	0,083908	0,3821825
C11orf70	7,31	1,28	0,738522	1,728415	0,083914	0,3821825
SHARPIN	185,01	-1,05	0,607924	-1,72817	0,083958	0,3822388
RP11-713N11.4	6,67	-3,19	1,843798	-1,72812	0,083967	0,3822388
MAP3K1	1490,96	-0,61	0,354382	-1,72781	0,084022	0,3823968
ZNF383	176,99	-1,17	0,677439	-1,72724	0,084125	0,3826834
ORC1	15,56	-2,34	1,356166	-1,72723	0,084127	0,3826834
FPR2	14,96	-2,45	1,416869	-1,72706	0,084157	0,3827266
GNB4	846,45	0,73	0,424964	1,726656	0,084229	0,3828522
SFXN5	212,93	1,07	0,621657	1,726618	0,084236	0,3828522
RP11-484D2.2	25,59	-1,50	0,866914	-1,72656	0,084246	0,3828522
PDE6B	77,62	-1,75	1,015027	-1,72619	0,084314	0,3829001
CIAPIN1	390,19	1,08	0,622972	1,726063	0,084336	0,3829001
DNAAF1	100,79	-1,46	0,84383	-1,72604	0,084341	0,3829001
ACSM3	48,33	-1,19	0,690554	-1,72581	0,084381	0,3829001
TAS2R64P	9,67	-2,39	1,386428	-1,72572	0,084398	0,3829001
ABHD14B	444,38	-0,91	0,527298	-1,7257	0,084402	0,3829001
PVR	30,67	-1,85	1,070257	-1,72568	0,084405	0,3829001
RNU2-2P	25,21	-1,05	0,607761	-1,72559	0,084421	0,3829001
RP11-1017G21.3	4,48	4,80	2,78162	1,725128	0,084504	0,3831844
RP13-650J16.1	16,44	2,47	1,431871	1,724888	0,084548	0,3832866
RP11-778D9.4	3,52	-1,41	0,818814	-1,72482	0,084559	NA
NDUFS1	542,82	1,00	0,578725	1,724252	0,084662	0,3837131
MFS12	176,71	1,02	0,592348	1,724004	0,084707	0,3837524
RP4-635E18.8	159,35	1,49	0,864586	1,723797	0,084744	0,3837524
RP11-375F2.2	15,60	-1,20	0,698189	-1,7238	0,084745	0,3837524
RP11-531A24.5	18,28	1,10	0,63835	1,723674	0,084767	0,3837524
CAMLG	312,71	0,82	0,474876	1,723632	0,084774	0,3837524
CARS	368,11	-0,99	0,571581	-1,72334	0,084826	0,3837524
ANKRD36B	206,14	1,43	0,828682	1,723219	0,084849	0,3837524
BLOC1S1	745,88	-0,43	0,251482	-1,72318	0,084856	0,3837524
MTMR9	489,76	0,99	0,571881	1,723067	0,084876	0,3837524
RP3-508I15.18	54,39	-0,93	0,541488	-1,72305	0,084879	0,3837524
USP34	1214,26	0,53	0,305109	1,722948	0,084898	0,3837524
MCL1	4715,74	0,44	0,254809	1,722826	0,08492	0,383759

SH3PXD2A-AS1	8,44	-2,29	1,328234	-1,72256	0,084968	0,3838839
RP3-446N13.1	23,65	-1,25	0,724145	-1,72225	0,085025	0,3840464
GINS1	24,76	-1,61	0,935509	-1,72196	0,085077	0,3840917
RP11-3B7.6	0,85	-2,65	1,540726	-1,72169	0,085126	NA
RP11-1C1.7	6,64	-1,26	0,732579	-1,72153	0,085155	0,3840917
RP11-872J21.3	7,83	2,79	1,622324	1,721515	0,085157	0,3840917
MAML2	84,91	-1,48	0,859919	-1,72143	0,085173	0,3840917
IBA57	116,00	0,84	0,486687	1,721188	0,085217	0,3840917
RNF168	549,19	-0,93	0,540402	-1,72098	0,085255	0,3840917
NAPSA	4,34	-1,56	0,904423	-1,72094	0,085262	0,3840917
NUDT8	15,91	3,26	1,892664	1,720918	0,085266	0,3840917
LMBRD1	541,17	-0,73	0,423572	-1,72073	0,085299	0,3840917
MFSD14C	507,70	-0,60	0,348832	-1,7206	0,085324	0,3840917
C5orf24	182,52	-1,17	0,678869	-1,72045	0,085351	0,3840917
C12orf29	76,16	-2,47	1,43319	-1,72044	0,085353	0,3840917
RP5-859M6.1	5,75	-1,72	1,00155	-1,72036	0,085368	0,3840917
CTD-2008P7.1	37,05	-1,37	0,793694	-1,72011	0,085413	0,3840917
U47924.31	230,26	-1,05	0,610895	-1,72009	0,085416	0,3840917
FBXW12	15,23	-1,38	0,803886	-1,72008	0,085417	0,3840917
NDUFV2	1269,88	0,61	0,353814	1,720066	0,085421	0,3840917
AVPI1	199,36	2,03	1,181992	1,720063	0,085421	0,3840917
SLC26A2	111,71	1,18	0,685481	1,720029	0,085427	0,3840917
RP11-777B9.5	2,80	-1,07	0,622125	-1,71987	0,085456	NA
RP11-289F5.1	4,43	-1,87	1,089924	-1,71975	0,085478	0,3842048
MFF	570,13	0,90	0,525965	1,719664	0,085494	0,3842048
CTD-2013N17.6	7,92	2,24	1,304004	1,719525	0,085519	0,3842253
CDKN2A	3,69	-3,36	1,953638	-1,71936	0,085549	NA
AC002076.10	2,24	3,22	1,871552	1,719114	0,085594	NA
VAV3	479,07	0,94	0,548458	1,719098	0,085597	0,3844497
PTCD2	112,34	1,52	0,882323	1,719024	0,08561	0,3844497
MAP7D1	619,11	-0,70	0,406651	-1,71852	0,085701	0,3847652
MCM4	73,11	1,34	0,780923	1,718166	0,085766	0,3849659
RP11-544I20.2	39,44	0,94	0,544828	1,718008	0,085795	0,3850025
RP5-928E24.4	1,68	-5,35	3,116617	-1,71772	0,085847	NA
SLFNL1-AS1	11,78	-0,94	0,548746	-1,71754	0,085881	0,3851833
SNAPC4	60,15	1,20	0,69628	1,717439	0,085899	0,3851833
PLSCR1	1632,13	0,67	0,387598	1,717397	0,085907	0,3851833
OR2J2	4,21	-1,46	0,851414	-1,71733	0,085918	0,3851833
TMEM176B	260,10	-3,32	1,933533	-1,71708	0,085965	0,3852986
RP11-331F4.5	4,41	-1,69	0,98304	-1,71663	0,086047	0,3855139
RP11-24M17.7	27,99	-1,21	0,703833	-1,71659	0,086054	0,3855139
RP5-1057J7.6	4,30	3,00	1,747632	1,716126	0,086139	0,3857229
DDB1	801,34	0,56	0,327955	1,716108	0,086142	0,3857229
TERF1	468,46	-0,85	0,494292	-1,71562	0,086231	0,3860286
SLC1A4	203,14	1,15	0,672973	1,715421	0,086268	0,3861003
NACAP1	8,73	-2,09	1,218705	-1,71524	0,086302	0,3861355
MPEG1	4674,74	0,34	0,197493	1,715073	0,086332	0,3861355
RP11-167P11.3	5,56	4,60	2,683835	1,714833	0,086376	0,3861355
FBXW2	446,68	1,13	0,660486	1,714765	0,086388	0,3861355
CTC-529L17.2	19,66	-6,21	3,618875	-1,71476	0,08639	0,3861355

RP11-391H12.6	4,13	-2,85	1,673013	-1,7032	0,088531	0,3915126
XXbac-B444P24.8	1,92	-2,13	1,250394	-1,70316	0,088538	NA
RP11-84A14.7	5,59	-1,33	0,779674	-1,70296	0,088576	0,3915126
NARS	479,07	0,76	0,445919	1,702846	0,088597	0,3915126
CEBPA-AS1	13,29	4,00	2,351986	1,702797	0,088606	0,3915126
MAGOH	127,29	0,88	0,514129	1,702677	0,088628	0,3915126
RP1-267L14.6	4,54	4,81	2,824881	1,702507	0,08866	0,3915126
KATNAL1	52,73	-1,59	0,936634	-1,70242	0,088677	0,3915126
RPS7	4380,37	0,24	0,139763	1,702419	0,088677	0,3915126
RP11-461I.1	3,44	-3,02	1,774375	-1,70115	0,088914	NA
P2RX1	379,16	-0,55	0,326132	-1,70035	0,089064	0,3930655
DCHS2	99,42	-1,31	0,769003	-1,70032	0,089071	0,3930655
CRIP1	2533,06	-0,56	0,330234	-1,69966	0,089195	0,3933739
FOSL1	36,26	2,08	1,222948	1,699618	0,089203	0,3933739
RP11-739N10.1	38,28	-1,72	1,013401	-1,69956	0,089214	0,3933739
ATAD1	290,03	-1,22	0,715312	-1,69949	0,089227	0,3933739
FZR1	121,88	1,78	1,047362	1,699336	0,089256	0,3933739
CTD-3211M3.1	4,36	4,76	2,798969	1,699274	0,089268	0,3933739
STARD13	14,29	3,25	1,914156	1,699054	0,089309	0,3934633
TMEM260	145,51	-0,97	0,569534	-1,69868	0,089379	0,39368
RP11-326K13.4	3,72	3,94	2,318451	1,698352	0,089441	NA
IL19	6,09	2,83	1,667723	1,698219	0,089466	0,3938543
NEUROD1	9,63	-0,78	0,456795	-1,69807	0,089495	0,3938543
OR5AN1	68,53	-1,63	0,956983	-1,69806	0,089497	0,3938543
AP001372.2	141,30	-1,87	1,102471	-1,69796	0,089515	0,3938543
ZNF136	97,27	1,62	0,956703	1,697886	0,089529	0,3938543
AP4S1	88,78	0,96	0,563949	1,697797	0,089546	0,3938543
RP11-497D6.4	33,23	-2,16	1,27348	-1,69759	0,089586	0,3939361
ALG2	390,09	1,04	0,610385	1,697296	0,089641	0,3939834
ZNF765	90,79	1,22	0,718217	1,697252	0,089649	0,3939834
TMEM140	50,42	1,45	0,854373	1,697152	0,089668	0,3939834
EP400	417,64	-0,96	0,565269	-1,69708	0,089681	0,3939834
TULP4	144,45	-1,23	0,725261	-1,69685	0,089726	0,3940853
LA16c-429E7.1	2,56	2,80	1,647635	1,696712	0,089751	NA
ZNF230	29,02	1,78	1,046622	1,696581	0,089776	0,3941312
AC100830.3	21,09	-1,13	0,664026	-1,69645	0,089801	0,3941312
TMEM41A	210,47	0,90	0,531844	1,696367	0,089816	0,3941312
GALNT18	2,37	-6,04	3,561635	-1,69637	0,089816	NA
RP11-274B18.2	15,60	-2,01	1,182772	-1,69634	0,089821	0,3941312
EFCAB3	65,05	0,94	0,552473	1,696191	0,08985	0,3941495
METAP1	365,58	-1,07	0,631019	-1,6961	0,089867	0,3941495
CYP2R1	160,93	-1,43	0,842518	-1,69589	0,089907	0,3941565
INPP5B	302,28	-1,15	0,679198	-1,69579	0,089925	0,3941565
ZNF737	13,00	1,64	0,968837	1,695754	0,089933	0,3941565
ATAD3C	16,54	-1,31	0,770805	-1,69519	0,090039	0,3944473
RP11-309N17.4	20,99	-0,88	0,520355	-1,69515	0,090048	0,3944473
CDV3	1775,36	0,49	0,289246	1,694958	0,090083	0,3944473
RP11-867G23.4	37,47	-1,95	1,148765	-1,69496	0,090084	0,3944473
RP11-422P24.10	0,81	-3,60	2,127372	-1,69449	0,090173	NA
RPS20	3260,57	-0,34	0,202586	-1,6943	0,090208	0,3949004

SLC28A3	1,00	-4,53	2,671471	-1,69412	0,090242	NA
RAB38	4,27	3,12	1,839943	1,693542	0,090352	0,3954375
PEBP1	1597,94	0,61	0,3603	1,693276	0,090403	0,3955157
RP11-258C19.3	5,74	4,56	2,691291	1,693225	0,090413	0,3955157
RP11-96D1.3	1,25	2,94	1,73426	1,693203	0,090417	NA
RN7SL402P	3,10	4,28	2,529889	1,693044	0,090447	NA
RN7SL652P	0,80	-2,06	1,215861	-1,69286	0,090483	NA
CTD-2396E7.11	6,53	1,71	1,011347	1,692569	0,090538	0,3959243
PPOX	106,76	1,47	0,870198	1,692511	0,090549	0,3959243
PIH1D3	2,40	2,66	1,570069	1,692321	0,090585	NA
HINT1	2388,74	0,34	0,199606	1,692066	0,090633	0,3961986
GORAB	72,73	2,03	1,201	1,691958	0,090654	0,3961986
EIF1B-AS1	37,01	-1,99	1,176439	-1,69148	0,090744	0,3965008
TMEM55A	443,04	1,38	0,81542	1,690987	0,090839	0,3968216
ZNF831	15,25	-3,53	2,088488	-1,6907	0,090894	0,3968831
FBXO17	7,90	2,22	1,315802	1,69056	0,090921	0,3968831
RP11-81A1.3	0,96	-4,50	2,659831	-1,69053	0,090926	NA
CCDC186	483,32	-1,07	0,635588	-1,69041	0,09095	0,3968831
RP1-23E21.2	4,17	-1,91	1,130333	-1,69036	0,090959	0,3968831
AC018642.1	18,18	1,71	1,010569	1,690356	0,09096	0,3968831
PLIN3	512,03	0,92	0,542654	1,690233	0,090983	0,3968922
RP11-96C23.13	26,47	-1,37	0,810342	-1,68861	0,091295	0,3980571
PAX8-AS1	160,60	1,56	0,925416	1,688517	0,091312	0,3980571
TRIM11	210,35	-1,23	0,725949	-1,6885	0,091315	0,3980571
G6PC3	268,30	1,00	0,593619	1,688294	0,091355	0,3981276
RRP12	294,18	0,92	0,546837	1,688196	0,091374	0,3981276
ANAPC2	10,71	2,44	1,445193	1,688053	0,091401	0,3981538
RP13-635I23.2	5,36	2,68	1,5862	1,687717	0,091466	0,3983418
GOLGA7B	1,73	-4,76	2,821089	-1,68725	0,091555	NA
RN7SL307P	0,97	-4,56	2,705509	-1,68715	0,091575	NA
TNFSF4	1,53	3,20	1,896225	1,687139	0,091577	NA
DHX15	998,76	-0,70	0,41532	-1,68673	0,091656	0,3990743
RP11-447M4.1	21,26	-1,91	1,134869	-1,68649	0,091702	0,3990743
RP5-1070A16.1	89,03	-1,09	0,64835	-1,68643	0,091713	0,3990743
ACOT2	48,82	1,99	1,177951	1,686156	0,091766	0,3990743
TEX2	152,94	1,62	0,958544	1,686155	0,091766	0,3990743
RP11-364P22.2	33,59	-1,51	0,896543	-1,68613	0,09177	0,3990743
GOT2	282,19	0,96	0,5694	1,685981	0,091799	0,3990743
RP11-507K12.1	8,50	5,72	3,394375	1,685951	0,091805	0,3990743
RP11-23P13.4	2,57	2,24	1,329468	1,68563	0,091867	NA
RP11-798G7.5	2,27	3,81	2,2623	1,685544	0,091884	NA
RP11-815J21.1	4,41	2,56	1,516985	1,685329	0,091925	0,3993536
FAM133B	560,12	-0,64	0,382704	-1,68527	0,091937	0,3993536
NME1	625,74	0,79	0,46981	1,685213	0,091948	0,3993536
RP11-350J20.13	9,28	5,84	3,466669	1,685128	0,091964	0,3993536
RP11-727A23.4	6,22	-1,77	1,052215	-1,68504	0,091982	0,3993536
ULBP2	3,63	3,90	2,314925	1,684987	0,091991	NA
ZC3H12A	166,03	1,21	0,718633	1,684949	0,091998	0,3993536
RP5-966M1.6	17,90	3,36	1,996687	1,684823	0,092023	0,399366
CDC42EP2	1,91	-2,15	1,274652	-1,68482	0,092023	NA

ZNF610	21,42	1,98	1,184211	1,676082	0,093722	0,4025159
GPD1L	147,68	-1,81	1,081802	-1,6759	0,093757	0,4025742
AC006011.4	17,86	1,75	1,045622	1,67518	0,093899	0,4030895
RPL18A	16029,66	-0,26	0,157418	-1,67469	0,093994	0,4032341
TSGA10	15,50	1,98	1,179924	1,674691	0,093995	0,4032341
NUDT16	574,73	1,01	0,601187	1,674677	0,093998	0,4032341
RP11-5L12.1	7,01	1,70	1,017278	1,674471	0,094038	0,4033144
ENTHD2	165,51	-0,97	0,580554	-1,67421	0,09409	0,4034422
LLNLR-284B4.2	3,47	-1,46	0,870146	-1,67405	0,094121	NA
RNF103	179,04	1,30	0,779576	1,673342	0,09426	0,4040803
NPY6R	1,53	2,62	1,567523	1,673208	0,094286	NA
DIABLO	448,82	1,08	0,647911	1,672949	0,094337	0,404286
HNRNP3	627,78	0,63	0,373875	1,672759	0,094375	0,404286
ETAA1	83,75	1,72	1,03029	1,672668	0,094393	0,404286
ETF1	1097,15	0,69	0,4105	1,672656	0,094395	0,404286
AC007491.1	3,47	-3,28	1,958625	-1,67237	0,094451	NA
AC013470.8	1,57	-2,24	1,339071	-1,67225	0,094475	NA
AC092162.1	1,09	-3,70	2,212108	-1,67204	0,094517	NA
CD38	314,92	-1,19	0,712591	-1,67189	0,094546	0,40484
ARMCX6	129,63	2,00	1,199551	1,671092	0,094704	0,4053944
RP11-255C15.3	18,69	1,70	1,015797	1,670942	0,094733	0,4053944
AC006129.1	521,91	0,67	0,403511	1,670903	0,094741	0,4053944
CUL2	283,92	1,28	0,765232	1,670471	0,094826	0,405666
MYCT1	2,86	-3,92	2,344777	-1,67025	0,09487	NA
EIF2B5	359,94	-1,08	0,643772	-1,67019	0,094882	0,4058094
RP11-288H12.3	50,42	2,33	1,396832	1,66959	0,095	0,4062247
RN7SL488P	3,18	-1,49	0,891213	-1,66941	0,095037	NA
CTC-484P3.1	35,82	-2,22	1,328943	-1,6693	0,095057	0,4062398
IBTK	611,37	-0,81	0,486395	-1,66929	0,09506	0,4062398
RP11-255B23.3	80,50	-0,75	0,447717	-1,66924	0,09507	0,4062398
RP11-366M4.11	29,31	2,93	1,755278	1,669119	0,095094	0,4062502
RAB28	87,07	1,45	0,866763	1,668914	0,095134	0,4063305
RP11-72I8.1	450,92	0,82	0,489762	1,668545	0,095208	0,4065496
C13orf45	1,02	-4,02	2,408797	-1,66835	0,095246	NA
RP11-519G16.3	29,98	-1,39	0,83083	-1,66823	0,09527	0,4067227
RP11-8L2.1	11,25	-1,92	1,154098	-1,6677	0,095376	0,4070825
RP4-736L20.4	22,47	-0,89	0,535512	-1,66725	0,095464	0,4072279
CHMP1B	1704,46	0,61	0,367631	1,66723	0,095469	0,4072279
ZNF253	27,00	1,72	1,034459	1,667081	0,095498	0,4072279
SEPW1	806,04	-0,51	0,306559	-1,66707	0,0955	0,4072279
EPB41L3	638,68	0,92	0,549202	1,666898	0,095535	0,4072279
FKBP3	407,19	0,77	0,46317	1,666864	0,095542	0,4072279
FBXO9	531,62	0,95	0,56782	1,66653	0,095608	0,4072919
USP30	61,68	-1,97	1,181728	-1,66651	0,095612	0,4072919
RP11-456I15.2	2,85	-2,62	1,572476	-1,66632	0,09565	NA
ABCC4	100,00	1,36	0,815266	1,666074	0,095699	0,4072919
RP11-498P14.5	7,28	-1,37	0,823233	-1,66606	0,095701	0,4072919
PLXNA4	9,91	2,41	1,444948	1,666009	0,095712	0,4072919
BRD9	493,89	-0,77	0,463568	-1,66594	0,095725	0,4072919
RPL22L1	209,17	-0,85	0,512689	-1,66581	0,095751	0,4072919

RP11-498C9.16	3,78	4,55	2,729693	1,665803	0,095753	0,4072919
SIRT7	392,81	-1,05	0,630462	-1,66576	0,095761	0,4072919
CTC-548K16.6	16,16	-1,49	0,897108	-1,66555	0,095804	0,4072919
FAM149B1	168,50	1,48	0,890541	1,665504	0,095812	0,4072919
MIR3153	15,68	3,13	1,881047	1,665469	0,095819	0,4072919
AP001469.7	3,85	-2,61	1,565735	-1,66516	0,095881	0,4073592
AC005062.2	41,22	0,71	0,429345	1,665108	0,095891	0,4073592
BRMS1L	23,25	2,05	1,232092	1,665027	0,095907	0,4073592
NEDD8	1566,62	-0,41	0,245586	-1,66495	0,095923	0,4073592
ZBTB40	280,58	-1,08	0,650872	-1,66459	0,095994	0,4075275
RP13-216E22.5	4,62	-1,77	1,060952	-1,66447	0,09602	0,4075275
MARCH7	676,77	0,61	0,364562	1,664377	0,096037	0,4075275
BTBD3	112,29	1,85	1,109568	1,664313	0,09605	0,4075275
RP5-916L7.1	58,25	-1,00	0,601456	-1,66419	0,096074	0,407531
SYT11	359,73	0,98	0,587079	1,66409	0,096095	0,407531
C2orf74	107,34	1,41	0,845908	1,663964	0,09612	0,4075449
CARNMT1	126,52	-1,25	0,754263	-1,6632	0,096273	0,4080618
TMEM177	23,06	-3,82	2,297815	-1,66313	0,096285	0,4080618
GRAMD2	18,48	2,10	1,263406	1,662652	0,096382	0,4082866
ADHFE1	82,91	1,77	1,062265	1,662651	0,096382	0,4082866
NCRNA00161	23,54	1,36	0,818093	1,662349	0,096443	0,4084498
RP11-124D2.7	7,69	1,28	0,768571	1,662179	0,096477	0,4085005
ANKRD45	26,14	-1,56	0,936777	-1,66196	0,096521	0,4085935
LUC7L	484,62	-0,63	0,376798	-1,66139	0,096636	0,4089873
RP13-714J12.1	3,78	3,37	2,028731	1,661047	0,096704	0,4091528
RP11-110H1.4	6,12	-2,59	1,559606	-1,66089	0,096735	0,4091528
ABI3BP	42,30	-1,52	0,913572	-1,66086	0,096741	0,4091528
RP11-161H23.8	6,14	-3,17	1,906552	-1,66063	0,096787	0,4092559
RP11-453A12.1	3,98	-1,82	1,097324	-1,66038	0,096837	0,409259
RETSAT	16,51	1,80	1,084091	1,660366	0,096841	0,409259
RP11-522B15.3	4,71	-1,34	0,807017	-1,6603	0,096854	0,409259
BIRC6	1372,36	-0,65	0,392538	-1,66004	0,096906	0,4093577
LRCH4	449,73	-0,76	0,460346	-1,65991	0,096933	0,4093577
TOMM20	641,33	0,67	0,404218	1,659857	0,096943	0,4093577
JAKMIP2	19,90	1,57	0,943873	1,659548	0,097005	0,4095273
RP11-649E7.7	1,03	-2,69	1,620326	-1,65946	0,097023	NA
RP11-468E2.10	3,10	-1,55	0,935451	-1,65942	0,097032	NA
DMTF1	828,69	-0,77	0,466863	-1,6593	0,097055	0,4096269
FAM13A	350,28	-0,94	0,567773	-1,65921	0,097073	0,4096269
DPH6	144,16	1,57	0,948864	1,6591	0,097096	0,409629
AC005616.1	1,47	-5,15	3,103678	-1,65908	0,0971	NA
RN7SL440P	2,14	-1,79	1,080987	-1,6588	0,097155	NA
EFHD1	7,66	2,48	1,496312	1,65843	0,097231	0,4099804
RP11-631M6.2	121,30	-1,01	0,608097	-1,65832	0,097253	0,4099804
AKIRIN1	855,83	0,55	0,334571	1,658113	0,097295	0,4099804
RP11-428G5.7	13,42	-1,13	0,683796	-1,65808	0,097302	0,4099804
AKAP10	375,17	-0,91	0,550504	-1,65803	0,097311	0,4099804
RNASE2	362,44	-0,94	0,564934	-1,65803	0,097311	0,4099804
AC006227.1	5,10	2,14	1,293309	1,657693	0,09738	0,4101757
RN7SL530P	2,61	2,86	1,725213	1,657565	0,097405	NA

NEXN	92,10	-1,17	0,710887	-1,64944	0,099058	0,4133169
COG5	342,79	-1,10	0,66811	-1,64868	0,099213	0,4138563
NME9	33,41	-1,64	0,993111	-1,64859	0,099232	0,4138563
HAVCR1	3,74	1,61	0,973993	1,648486	0,099253	NA
XCL1	1,43	-5,13	3,110583	-1,64829	0,099292	NA
IRAK1BP1	75,58	-0,95	0,577124	-1,64823	0,099306	0,4138573
KLF4	4973,66	0,45	0,270616	1,648212	0,099309	0,4138573
RP11-314O13.1	1,09	-2,93	1,779532	-1,64818	0,099316	NA
AC006115.7	58,83	-1,21	0,732733	-1,64807	0,099338	0,4138573
RPS3A	24030,41	0,30	0,184239	1,648065	0,099339	0,4138573
DUSP19	8,42	-1,05	0,635069	-1,64804	0,099344	0,4138573
EXOSC1	514,23	0,85	0,513728	1,647936	0,099366	0,4138573
CTD-3076M17.1	3,63	-2,41	1,462996	-1,6479	0,099373	NA
TCERG1L	0,57	-3,77	2,289193	-1,64787	0,09938	NA
RP11-27J8.3	51,69	1,50	0,911593	1,647562	0,099443	0,4140677
C8orf86	3,16	1,78	1,080365	1,647558	0,099443	NA
RNF216P1	95,81	-1,12	0,677852	-1,64747	0,099461	0,4140677
ATP5J2	478,84	-0,40	0,240703	-1,64725	0,099508	0,4141695
C21orf2	246,91	-1,00	0,604555	-1,64679	0,099601	0,4143847
VSTM4	17,81	-0,82	0,496343	-1,64678	0,099604	0,4143847
SERPINE2	16,49	-1,67	1,014366	-1,64646	0,099669	0,41454
LYRM9	80,93	-2,11	1,281676	-1,64638	0,099686	0,41454
SYNE3	457,06	-0,77	0,465107	-1,64619	0,099725	0,4146098
RPGRIP1	46,57	-1,69	1,02704	-1,64598	0,099768	0,4146468
RP11-73M18.8	115,26	1,95	1,183768	1,64593	0,099778	0,4146468
AP001469.9	48,84	-0,99	0,600242	-1,64582	0,099801	0,4146478
KIAA0430	489,73	0,75	0,455939	1,645711	0,099823	0,4146484
VRK1	127,94	1,05	0,638804	1,645464	0,099874	0,414704
C14orf159	540,73	-0,77	0,467524	-1,64541	0,099886	0,414704
RP11-598F7.6	1,36	-2,02	1,22809	-1,64523	0,099922	NA
RP5-1100I6.2	1,94	2,98	1,813042	1,645213	0,099926	NA
RP11-165E7.1	26,24	-1,12	0,678787	-1,64521	0,099926	0,414704
RP11-753H16.5	1,49	-4,10	2,489322	-1,64516	0,099937	NA
RN7SL552P	5,27	3,44	2,090265	1,644972	0,099975	0,414704
DHX16	241,37	1,27	0,76989	1,644633	0,100045	0,414704
UTP23	207,33	-1,03	0,62803	-1,64458	0,100056	0,414704
SUPT7L	343,93	0,87	0,531311	1,644545	0,100064	0,414704
RP11-338N10.1	6,38	-1,42	0,864719	-1,64443	0,100088	0,414704
IGSF22	33,80	-3,25	1,975796	-1,64416	0,100143	0,414704
C3orf18	23,12	2,36	1,435443	1,643945	0,100187	0,414704
SMURF2	185,50	0,97	0,589625	1,643843	0,100209	0,414704
NDUFB11	967,06	-0,37	0,227142	-1,64384	0,100209	0,414704
IL2RB	16,09	-2,05	1,248471	-1,64377	0,100224	0,414704
MEN1	90,35	1,58	0,960608	1,643747	0,100228	0,414704
CTD-2369P2.8	110,23	-1,68	1,023874	-1,64366	0,100247	0,414704
PPM1H	52,65	-2,50	1,519948	-1,64357	0,100266	0,414704
CCS	479,79	-0,64	0,392001	-1,64348	0,100284	0,414704
MOB2	121,81	1,37	0,832844	1,643228	0,100336	0,414704
RP11-158M2.2	12,82	2,51	1,525905	1,643201	0,100341	0,414704
CTC-426B10.1	43,53	2,29	1,394168	1,643193	0,100343	0,414704

IFT140	9,51	2,97	1,81522	1,634151	0,102227	0,418929
RP11-18I14.10	174,07	1,04	0,63353	1,63387	0,102286	0,4189698
KIAA0100	579,63	0,78	0,475659	1,633832	0,102294	0,4189698
PPBP	259,91	-3,06	1,871607	-1,63378	0,102305	0,4189698
THAP12	357,59	-0,87	0,531869	-1,63352	0,102359	0,4190173
PPT1	5104,79	0,54	0,3281	1,633512	0,102361	0,4190173
RP11-552M11.8	33,97	-1,39	0,848494	-1,6333	0,102406	0,4191065
EREG	1549,92	0,99	0,608327	1,632258	0,102625	0,4199122
CTD-2501B8.1	1,20	-3,97	2,431208	-1,6318	0,102721	NA
PHF10	589,84	-1,00	0,611274	-1,63179	0,102723	0,4202198
ZDHH8P	4,41	1,96	1,203953	1,631608	0,102762	0,4202873
CDHR3	8,58	-1,31	0,804011	-1,63145	0,102796	0,4203123
HCG18	409,93	-0,76	0,464121	-1,63128	0,102832	0,4203123
AXL	578,43	1,31	0,803359	1,631258	0,102836	0,4203123
C9orf84	6,91	2,90	1,777538	1,631135	0,102862	0,4203265
AKT1	386,08	0,75	0,461146	1,630848	0,102922	0,4204404
RP11-710F7.3	8,33	5,69	3,488969	1,630788	0,102935	0,4204404
RP11-45A17.2	15,04	-2,88	1,764108	-1,63042	0,103013	0,420666
RNU6-936P	3,35	3,80	2,328323	1,630308	0,103036	NA
SH2D2A	3,12	-3,56	2,186122	-1,63016	0,103068	NA
TP53RK	160,27	-1,24	0,758047	-1,63015	0,10307	0,4208057
RP11-417L19.6	3,33	3,79	2,322187	1,630035	0,103094	NA
RN7SL383P	2,11	-5,87	3,603151	-1,62979	0,103146	NA
GSTO1	1782,57	-0,40	0,247332	-1,62963	0,10318	0,4208935
BRPF1	344,72	1,02	0,627712	1,629582	0,10319	0,4208935
TXNL1	498,07	1,15	0,704063	1,629559	0,103195	0,4208935
NUDT13	57,04	2,09	1,283206	1,629421	0,103224	0,4208935
RRM1	178,28	1,29	0,791769	1,629391	0,10323	0,4208935
LYRM4	369,67	-0,98	0,60175	-1,62932	0,103246	0,4208935
RP11-10C24.3	5,05	2,22	1,364106	1,6293	0,10325	0,4208935
RP11-179A16.2	1,40	3,12	1,913203	1,629106	0,103291	NA
AC007292.3	15,56	1,55	0,951947	1,628721	0,103372	0,421301
RP11-315A16.1	6,97	-2,82	1,729268	-1,62809	0,103507	0,4217568
ZNF836	29,53	-1,15	0,707248	-1,62776	0,103575	0,4219444
MIR210HG	5,70	-1,43	0,876119	-1,62764	0,103601	0,4219565
SCN1B	45,34	-1,08	0,666435	-1,62733	0,103668	0,4219827
ZZEF1	632,29	-0,81	0,494893	-1,62712	0,103712	0,4219827
RP11-158I9.8	8,59	-1,69	1,039739	-1,6269	0,103757	0,4219827
AC005332.1	32,91	-1,22	0,747148	-1,6269	0,103758	0,4219827
HMOX2	399,06	0,98	0,603103	1,626839	0,103771	0,4219827
C2orf58	61,47	-1,20	0,736692	-1,62681	0,103777	0,4219827
AC005775.2	5,17	-1,11	0,683186	-1,62675	0,10379	0,4219827
RP11-252K23.1	1,28	-2,76	1,699486	-1,62675	0,103791	NA
CCDC114	4,48	-1,64	1,008161	-1,62669	0,103802	0,4219827
RP11-1102P22.3	29,87	2,06	1,263849	1,626649	0,103812	0,4219827
TYR	1,62	-1,57	0,967593	-1,62629	0,103887	NA
WDR45B	305,16	0,75	0,459075	1,62616	0,103916	0,4222541
SYCP3	32,61	1,94	1,194034	1,626062	0,103936	0,4222541
AC104113.2	3,07	4,26	2,618247	1,626053	0,103938	NA
TRMT1	294,59	-0,73	0,446684	-1,62598	0,103953	0,4222541

RILPL1	133,93	-1,10	0,690118	-1,59181	0,111428	0,4368149
NR1H3	48,72	-1,36	0,855746	-1,59107	0,111594	0,4373737
RNF123	109,55	1,45	0,908718	1,590859	0,111641	0,4374657
RP11-801G16.2	3,21	4,32	2,716909	1,589937	0,111849	NA
RP11-241F15.10	0,91	-3,79	2,385561	-1,58978	0,111885	NA
RP11-366L5.1	2,50	-1,60	1,009596	-1,58951	0,111944	NA
RPL31	5931,10	-0,29	0,180422	-1,58946	0,111956	0,4384796
RBM47	608,12	-0,54	0,341633	-1,58946	0,111958	0,4384796
C11orf83	187,45	-0,77	0,482643	-1,5894	0,111971	0,4384796
RP11-10L12.2	7,96	3,32	2,086429	1,588966	0,112068	0,4387683
NBPF26	707,38	-0,83	0,524906	-1,5884	0,112196	0,4391039
RP11-91H12.1	26,01	-3,85	2,422929	-1,58824	0,112232	0,4391039
PLXNB2	1176,81	-0,43	0,268736	-1,58821	0,112239	0,4391039
RP11-567M16.6	28,74	-2,04	1,286741	-1,58799	0,112288	0,4391039
RP11-368J21.1	639,85	0,88	0,551119	1,587899	0,112309	0,4391039
APOBEC3A	429,72	-2,09	1,314253	-1,58781	0,11233	0,4391039
FGF8	4,53	-1,05	0,65984	-1,58768	0,112358	0,4391039
RP11-823P9.1	43,47	-1,52	0,956935	-1,58767	0,11236	0,4391039
WDHD1	12,52	3,11	1,957141	1,587647	0,112366	0,4391039
CDCA3	10,17	-1,31	0,82292	-1,5875	0,112399	0,4391085
ZNF407	322,32	-0,96	0,604511	-1,58743	0,112415	0,4391085
TBCE	137,83	1,17	0,739045	1,586727	0,112575	0,439641
RP11-577B7.1	14,72	-1,00	0,631731	-1,58644	0,112641	0,4398066
PPP1R7	307,34	0,87	0,548659	1,585964	0,112747	0,4401315
NUP214	904,67	-0,64	0,40664	-1,58576	0,112793	0,4401532
NECAP2	601,04	-0,71	0,450334	-1,58573	0,1128	0,4401532
CCDC88B	774,84	-0,68	0,430813	-1,58551	0,11285	0,4402543
ELL2	103,19	-1,85	1,165405	-1,58523	0,112914	0,4404136
SNX32	2,49	3,89	2,456411	1,584801	0,113011	NA
GOLIM4	524,62	0,57	0,359649	1,584714	0,113031	0,4407768
LMBR1L	95,72	0,84	0,528937	1,584586	0,11306	0,4407983
RP11-453N18.1	58,59	-0,72	0,457402	-1,58431	0,113122	0,4409464
ZSCAN21	33,03	1,96	1,240831	1,583399	0,113331	0,4416654
RP5-1112D6.7	9,07	2,82	1,782308	1,583296	0,113354	0,4416654
RP11-165F24.3	114,21	1,34	0,845389	1,583151	0,113387	0,4417012
LRRC45	44,49	1,99	1,25552	1,582986	0,113425	0,4417551
RP11-366H4.3	9,96	-1,77	1,117391	-1,58285	0,113455	0,4417814
SYT13	2,12	-1,76	1,110143	-1,58272	0,113486	NA
AC022154.7	12,71	-1,16	0,734045	-1,58256	0,113523	0,4419515
RPS19	9418,27	-0,35	0,221267	-1,58224	0,113595	0,441989
RP11-761N21.1	1,66	-2,30	1,45603	-1,58221	0,113601	NA
RP11-147L13.2	103,14	1,01	0,638996	1,582117	0,113623	0,441989
RP11-538D16.2	185,09	-0,73	0,462508	-1,5821	0,113626	0,441989
RWDD2A	45,98	-3,11	1,965185	-1,58186	0,113681	0,441989
CCDC180	89,41	1,45	0,917668	1,581618	0,113737	0,441989
HEATR6	323,64	1,03	0,651941	1,581536	0,113756	0,441989
RP11-6D1.5	1,90	2,99	1,891937	1,581511	0,113761	NA
ZSWIM1	41,99	-0,66	0,414373	-1,58149	0,113765	0,441989
THOC3	116,91	1,87	1,182114	1,581441	0,113777	0,441989
SLC5A5	10,78	-1,23	0,778216	-1,58143	0,113779	0,441989

RP11-429E11.3	3,08	-1,61	1,020992	-1,58141	0,113783	NA
OR8A1	82,76	1,04	0,659637	1,581316	0,113806	0,441989
PANK3	424,27	1,17	0,742046	1,5812	0,113832	0,441989
TMEM106C	95,00	-2,31	1,461611	-1,58115	0,113844	0,441989
PRKACB	534,87	0,95	0,60267	1,581116	0,113851	0,441989
SDCCAG3	186,80	-1,15	0,725927	-1,58106	0,113865	0,441989
PCDH7	18,60	-3,16	2,001605	-1,5808	0,113924	0,4421274
RN7SKP151	1,85	3,52	2,22954	1,580058	0,114094	NA
CSNK1G2	496,50	-0,63	0,397898	-1,58002	0,114103	0,4427296
ISOC1	87,09	1,92	1,214688	1,579894	0,114131	0,4427461
GPR137B	74,34	1,85	1,169216	1,579721	0,114171	0,4428072
CTD-2194L12.3	4,16	3,51	2,22421	1,579514	0,114218	0,4428427
CRYBB2P1	181,34	-0,96	0,608154	-1,57947	0,114227	0,4428427
RN7SL38P	1,16	-1,98	1,25067	-1,57943	0,114238	NA
APPL1	766,72	0,69	0,439088	1,57898	0,114341	0,4431895
RP11-142A12.1	9,47	1,86	1,177356	1,578641	0,114418	0,4433981
P2RY11	39,13	-1,21	0,766098	-1,57839	0,114477	0,4435319
PRELID1	3189,51	0,40	0,253799	1,578283	0,114501	0,4435319
OR2G6	58,84	-1,35	0,853315	-1,57807	0,114549	0,443563
ZCRB1	330,27	0,62	0,392165	1,578041	0,114556	0,443563
RP11-497G19.7	26,60	1,32	0,839043	1,577929	0,114582	0,4435696
CTD-3193K9.7	26,31	-0,85	0,536753	-1,57725	0,114738	0,4440834
GPATCH3	110,48	1,21	0,764296	1,576967	0,114803	0,4441483
RP11-323P17.2	43,15	-0,92	0,586276	-1,57682	0,114838	0,4441483
RP11-130F10.1	30,24	-1,83	1,161202	-1,57674	0,114856	0,4441483
METTL9	1036,84	-0,59	0,375234	-1,57655	0,1149	0,4441483
ASTN2	75,72	-0,75	0,472655	-1,57649	0,114913	0,4441483
LRRC34	12,93	-0,96	0,609871	-1,5764	0,114934	0,4441483
ATP5I	413,18	-0,57	0,362188	-1,57631	0,114954	0,4441483
RP1-78B3.1	40,45	-0,66	0,415668	-1,57631	0,114955	0,4441483
RP11-2E17.1	8,47	1,96	1,246084	1,576161	0,114989	0,4441483
RBM6	1315,05	-0,57	0,360724	-1,57604	0,115016	0,4441483
MFHAS1	169,04	-1,71	1,086151	-1,57603	0,115018	0,4441483
PAIP1P1	3,02	3,63	2,304597	1,575859	0,115058	NA
NDST3	3,50	-1,62	1,027474	-1,57442	0,115391	NA
CTD-2227I18.1	0,80	-2,69	1,708916	-1,57399	0,115489	NA
CCR1	319,93	1,09	0,693947	1,573953	0,115498	0,4459115
RP11-204E9.1	1,48	-2,36	1,498135	-1,57324	0,115662	NA
SNAPC3	168,98	1,30	0,82878	1,57314	0,115686	0,4465445
AFAP1-AS1	7,23	-1,41	0,895597	-1,57261	0,11581	0,4468204
SLC6A11	1,99	2,38	1,516179	1,57256	0,115821	NA
SYNE1	492,47	-0,90	0,572903	-1,57247	0,115841	0,4468204
ZNF48	20,44	-2,44	1,550608	-1,57234	0,115872	0,4468204
GON4L	701,91	0,58	0,367187	1,572265	0,115889	0,4468204
EPHB4	15,87	-1,10	0,697718	-1,57209	0,115929	0,4468204
LEO1	139,15	1,08	0,689599	1,572066	0,115935	0,4468204
AQP7	16,91	-1,60	1,018313	-1,57204	0,115942	0,4468204
ATP1B1	529,72	0,80	0,506899	1,571935	0,115966	0,4468204
MLPH	22,02	-1,54	0,982875	-1,5719	0,115974	0,4468204
GLUDP7	5,50	3,31	2,103605	1,57176	0,116006	0,4468522

RP11-629E24.1	1,66	3,42	2,175041	1,571719	0,116016	NA
KPNA4	748,22	0,65	0,414093	1,571599	0,116044	0,4468661
NCAPH	5,35	2,80	1,779014	1,571455	0,116077	0,4468661
CENPK	50,27	-0,93	0,592299	-1,57142	0,116085	0,4468661
RP11-583M2.2	8,05	-0,85	0,541845	-1,57133	0,116106	0,4468661
RP11-330C7.1	5,04	4,97	3,161293	1,57098	0,116187	0,4469049
LMO2	492,40	-0,64	0,409411	-1,57095	0,116194	0,4469049
CTD-2008L17.2	9,55	-0,90	0,571028	-1,5709	0,116205	0,4469049
SLC12A4	174,58	-2,13	1,358252	-1,57087	0,116212	0,4469049
CTD-2616J11.16	1,31	3,05	1,940225	1,570379	0,116327	NA
RP11-1348G14.1	2,47	-1,21	0,7721	-1,57036	0,116331	NA
TM9SF3	1050,61	0,76	0,485532	1,570051	0,116403	0,4470872
GABPB2	363,01	-1,09	0,696496	-1,57004	0,116406	0,4470872
TMEM159	123,05	-1,05	0,667924	-1,57	0,116415	0,4470872
FAM174A	27,43	-2,22	1,413663	-1,57	0,116415	0,4470872
GOLGA3	833,21	-0,83	0,530109	-1,56989	0,116441	0,4470872
RP11-358D17.2	11,62	-1,14	0,725345	-1,56988	0,116444	0,4470872
ORAI1	361,46	-0,96	0,612282	-1,56979	0,116465	0,4470872
HDAC2	806,29	0,69	0,437711	1,569536	0,116523	0,4470872
TRMT10C	143,35	0,78	0,497298	1,569529	0,116525	0,4470872
PHOSPHO2	16,36	2,05	1,309206	1,569511	0,116529	0,4470872
RP11-356C4.4	39,84	-1,52	0,965404	-1,5694	0,116554	0,4470872
FBXO7	1017,28	0,58	0,370496	1,569392	0,116557	0,4470872
RP11-16P20.3	5,04	-2,40	1,528569	-1,56932	0,116574	0,4470872
CTC-575I10.1	0,79	-2,45	1,562274	-1,56924	0,116591	NA
ARHGAP21	360,01	0,93	0,593855	1,569171	0,116608	0,4470872
C11orf58	1309,51	0,48	0,306178	1,56912	0,11662	0,4470872
RDH10	37,81	1,95	1,242772	1,568709	0,116716	0,4472379
RPL9P9	6405,54	0,47	0,302656	1,56855	0,116753	0,4472379
RP11-512H23.2	6,21	5,27	3,359697	1,568545	0,116754	0,4472379
MRPL15	388,58	1,16	0,739411	1,568539	0,116755	0,4472379
RP11-108M9.3	2,05	-4,26	2,715998	-1,56838	0,116792	NA
CFB	0,85	-3,67	2,341407	-1,56821	0,116831	NA
RP11-134D3.1	7,86	-1,53	0,978246	-1,5682	0,116835	0,447368
METTL2A	99,87	1,26	0,80299	1,568161	0,116844	0,447368
PPP2R5D	44,88	-2,29	1,460401	-1,56798	0,116885	0,447368
IL6ST	754,01	1,21	0,769328	1,567981	0,116886	0,447368
RP11-522H2.3	1,23	-4,91	3,13441	-1,56785	0,116916	NA
BMS1	527,04	0,82	0,524982	1,567714	0,116948	0,4473711
RP11-411D10.1	18,75	-1,68	1,071762	-1,56769	0,116953	0,4473711
HEXDC-IT1	52,17	-0,75	0,477332	-1,56767	0,116959	0,4473711
IPO8	330,60	-0,82	0,521034	-1,56746	0,117007	0,4474627
BLVRB	2168,80	-0,50	0,319967	-1,56729	0,117048	0,4475291
PELO	52,97	2,03	1,29554	1,567063	0,1171	0,4476361
USO1	476,37	-0,76	0,483469	-1,56681	0,117159	0,4476785
SDCBP	2574,94	-0,50	0,318466	-1,56665	0,117196	0,4476785
PTPRD	34,01	-3,51	2,241526	-1,56665	0,117197	0,4476785
CTC-228N24.3	71,13	-1,52	0,970788	-1,5666	0,117207	0,4476785
RP11-262D11.2	0,93	-1,63	1,041178	-1,56622	0,117298	NA
UNC119	873,38	0,62	0,397936	1,566177	0,117307	0,4479679

RP11-65F13.1	15,75	2,30	1,467525	1,566001	0,117348	0,4480333
UBAP2	188,74	0,72	0,462147	1,565887	0,117375	0,4480434
LRRC4C	1,59	-3,54	2,263788	-1,56559	0,117445	NA
SLC35A1	433,66	-1,06	0,679882	-1,56548	0,11747	0,4482578
ANKRD50	268,74	-1,06	0,675343	-1,56536	0,117499	0,4482578
PAAF1	248,41	1,10	0,704243	1,565269	0,11752	0,4482578
TVP23A	69,87	1,13	0,724955	1,565236	0,117528	0,4482578
RP3-402G11.26	1,74	3,44	2,198966	1,56515	0,117548	NA
INPP4A	873,95	-0,96	0,612266	-1,56511	0,117558	0,4482817
UBE3D	53,04	-1,67	1,069793	-1,56466	0,117662	0,4485845
AC064860.2	18,10	-0,98	0,627938	-1,56453	0,117694	0,4486148
RP1-90L6.2	52,97	-0,96	0,613151	-1,56421	0,117767	0,4488039
C10orf53	5,05	-1,67	1,066556	-1,56408	0,117799	0,4488039
HYAL4	4,96	-1,60	1,020382	-1,56401	0,117816	0,4488039
RP11-177F15.1	0,96	-2,47	1,579017	-1,56394	0,117831	NA
RNU6-375P	1,33	-3,88	2,483221	-1,56376	0,117875	NA
RP11-353N14.4	5,30	-1,65	1,05305	-1,56369	0,117891	0,4490001
TMPRSS15	0,62	-3,24	2,075404	-1,56349	0,117939	NA
HAUS5	78,70	1,62	1,037626	1,563453	0,117946	0,4490652
TNFSF12	65,26	-1,50	0,959646	-1,56327	0,117989	0,4490652
RP11-66A2.2	5,29	-1,61	1,032285	-1,56325	0,117994	0,4490652
ARHGAP19	45,72	1,53	0,980164	1,563203	0,118005	0,4490652
FKBP1A	2530,61	0,45	0,285975	1,562778	0,118105	0,4493106
MITF	96,15	-1,61	1,027963	-1,56272	0,118118	0,4493106
RPP30	233,59	1,02	0,650843	1,562307	0,118216	0,4493908
SPIN1	264,81	-1,08	0,688468	-1,56228	0,118222	0,4493908
NFE2L2	1192,28	0,77	0,491399	1,562228	0,118234	0,4493908
RP11-4L24.4	106,43	-2,40	1,537234	-1,56222	0,118235	0,4493908
SLC38A3	1,35	2,44	1,563662	1,562082	0,118269	NA
CAPNS1	1892,41	-0,42	0,268614	-1,56182	0,118331	0,4496624
RP11-843B15.4	0,77	-3,09	1,981632	-1,5618	0,118335	NA
PEX13	127,79	1,46	0,931931	1,561691	0,118361	0,4496843
RNASE6	3437,92	0,57	0,368041	1,561263	0,118462	0,4499759
PDZK1	3,23	4,35	2,787855	1,561237	0,118468	NA
PDGFA	220,25	-0,69	0,439893	-1,5609	0,118547	0,4500902
TMTC2	108,64	-1,45	0,929945	-1,56083	0,118564	0,4500902
RP11-120K18.2	12,72	-1,27	0,810536	-1,56083	0,118564	0,4500902
PCDHA4	198,81	-0,87	0,558495	-1,56064	0,118608	0,4501643
CTC-308K20.4	0,83	-2,98	1,907194	-1,56047	0,118648	NA
RN7SL799P	0,75	-2,93	1,875915	-1,56022	0,118708	NA
CYP2A7	5,20	5,30	3,397034	1,559646	0,118843	0,4509654
DTWD2	51,06	1,46	0,938128	1,559331	0,118918	0,451142
SLC16A3	153,98	-0,71	0,456906	-1,55914	0,118963	0,451142
LRRC3	16,51	-1,17	0,75033	-1,559	0,118996	0,451142
MDM4	3032,69	0,48	0,308195	1,558962	0,119005	0,451142
RP11-296E23.2	28,29	1,17	0,751738	1,558723	0,119062	0,451142
ECI2	404,63	1,22	0,785569	1,558689	0,11907	0,451142
GYPE	5,34	2,52	1,616323	1,55854	0,119105	0,451142
ITIH4	162,60	-1,01	0,64851	-1,55852	0,119111	0,451142
EPHX4	7,84	-2,29	1,466863	-1,55848	0,11912	0,451142

BDKRB1	4,23	-1,68	1,076893	-1,55843	0,119133	0,451142
MT-TP	59,87	-0,90	0,578135	-1,55823	0,119178	0,4512221
HRG	5,12	-1,66	1,064003	-1,55746	0,119362	0,4518275
RP11-881M11.4	0,75	-3,73	2,396452	-1,5572	0,119422	NA
BNIPL	21,90	1,62	1,04301	1,557197	0,119424	0,4519685
FBXW9	62,24	-2,33	1,497407	-1,55697	0,119478	0,4520146
RABEP2	98,08	-1,18	0,758586	-1,55694	0,119484	0,4520146
RP11-265M18.2	106,95	0,84	0,540513	1,556793	0,11952	0,4520172
RNU6ATAC27P	1,00	-3,29	2,116504	-1,55676	0,119529	NA
SNRPA1	650,83	0,59	0,375849	1,556734	0,119534	0,4520172
WBSCR27	0,66	-3,21	2,064812	-1,5566	0,119564	NA
JAG1	42,40	1,74	1,115925	1,556516	0,119585	0,4521206
PLA2G2F	1,41	-4,36	2,802076	-1,55649	0,119592	NA
ATP8A2	2,09	-2,04	1,309827	-1,55633	0,11963	NA
RN7SL5P	1,69	-2,03	1,304748	-1,55627	0,119643	NA
MAP3K10	39,26	-1,26	0,810841	-1,5562	0,11966	0,4522929
RP11-509E10.3	12,94	-1,01	0,649776	-1,55612	0,11968	0,4522929
SAMHD1	10417,07	0,25	0,163236	1,555959	0,119718	0,4523461
SLC22A23	26,79	-3,21	2,065161	-1,55583	0,119749	0,4523704
MIB2	52,41	-1,39	0,896315	-1,55544	0,119842	0,4525536
RP11-429G19.2	447,43	-0,94	0,602411	-1,55517	0,119906	0,4525536
ERC1	447,65	-0,80	0,513852	-1,55516	0,119909	0,4525536
CDHR1	17,28	-3,74	2,402204	-1,55515	0,11991	0,4525536
NDUFA3	302,60	-0,39	0,251711	-1,55496	0,119955	0,4525536
PSEN2	92,21	2,13	1,37043	1,554947	0,119959	0,4525536
RNF114	729,45	0,79	0,509122	1,55491	0,119967	0,4525536
AJ239322.1	5,26	-1,41	0,907324	-1,55466	0,120027	0,4526657
GIMAP4	676,74	-1,13	0,72413	-1,55458	0,120046	0,4526657
RP11-218M11.7	17,41	-1,26	0,808189	-1,55386	0,120217	0,4531306
RP5-1086D14.5	3,85	3,98	2,563021	1,553669	0,120263	0,4531306
RP11-147L13.8	2,01	-1,45	0,936065	-1,55364	0,12027	NA
RP11-314N13.9	19,15	1,05	0,675654	1,553628	0,120273	0,4531306
KLC1	802,96	-0,46	0,2939	-1,5535	0,120304	0,4531306
RP11-44D19.1	51,75	-0,88	0,569201	-1,55338	0,120332	0,4531306
CNKSR2	170,96	-0,83	0,537332	-1,55338	0,120332	0,4531306
PRPF40A	1610,49	0,57	0,368129	1,55335	0,12034	0,4531306
HK2	616,52	0,82	0,529571	1,553108	0,120397	0,4531524
SLC25A10	6,95	4,95	3,187087	1,552945	0,120436	0,4531524
CENPM	33,36	-1,69	1,087701	-1,55294	0,120437	0,4531524
DTWD1	246,33	-0,89	0,570699	-1,55284	0,120462	0,4531524
RP11-70L8.5	151,20	-1,12	0,718575	-1,55264	0,12051	0,4531524
RBL2	651,73	-0,71	0,458813	-1,55259	0,120521	0,4531524
RP11-17E2.2	19,81	-1,94	1,248025	-1,55227	0,120598	0,4531524
GATM	48,17	1,39	0,896003	1,552264	0,120599	0,4531524
ZNF629	25,01	-1,96	1,261374	-1,55221	0,120612	0,4531524
KIFAP3	110,02	1,53	0,982775	1,552179	0,120619	0,4531524
AP4M1	51,33	1,26	0,811102	1,552172	0,120621	0,4531524
VASP	728,23	-0,49	0,317083	-1,5521	0,120638	0,4531524
ZNF841	41,44	-1,84	1,184676	-1,55197	0,12067	0,4531815
FBXW11	314,70	1,38	0,88932	1,551347	0,120819	0,4536488

RN7SL689P	3,32	1,53	0,988233	1,550921	0,12092	NA
RN7SL737P	2,97	4,20	2,706279	1,550884	0,120929	NA
TSPAN15	6,58	4,40	2,838906	1,550764	0,120958	0,4539977
RP11-506B4.3	51,72	2,87	1,852417	1,550678	0,120979	0,4539977
RP11-345M22.2	7,84	-2,33	1,501844	-1,55061	0,120996	0,4539977
GUK1	2259,93	-0,37	0,239433	-1,55055	0,121009	0,4539977
ICT1	229,12	0,96	0,618125	1,550212	0,121091	0,454185
ZNF321P	38,17	1,37	0,881908	1,55014	0,121108	0,454185
MIR3690	2,31	3,85	2,484924	1,549482	0,121266	NA
AC123886.2	57,43	1,29	0,830051	1,549046	0,121371	0,454964
SLC35C2	363,53	0,76	0,488409	1,548946	0,121395	0,454964
RN7SL481P	8,20	-2,10	1,357927	-1,54894	0,121396	0,454964
DNHD1	122,92	1,48	0,954625	1,548868	0,121413	0,454964
ADI1	862,11	0,78	0,502616	1,54864	0,121468	0,4550658
MED10	390,29	0,85	0,54675	1,548552	0,121489	0,4550658
RP11-82O18.2	13,92	1,60	1,03092	1,548075	0,121604	0,455404
CCDC146	84,11	-1,36	0,880589	-1,54752	0,121739	0,4558168
RP11-153A23.6	87,57	-1,14	0,738978	-1,54731	0,121789	0,4558416
H2AFY2	36,72	1,91	1,233463	1,547259	0,121801	0,4558416
RP11-212D3.4	38,89	-1,34	0,869149	-1,54718	0,121819	0,4558416
ZCCHC8	296,01	0,96	0,62047	1,546927	0,121881	0,4559411
PRH1	65,02	1,46	0,94202	1,54687	0,121895	0,4559411
CH507-24F1.2	4,10	4,73	3,057738	1,546661	0,121945	0,455953
NGLY1	449,07	0,72	0,46282	1,54662	0,121955	0,455953
CCNT2	458,89	0,89	0,574233	1,546511	0,121981	0,455953
AC073987.1	16,43	-3,19	2,060343	-1,54636	0,122018	0,455953
RP11-1109M24.16	7,87	-3,74	2,420549	-1,54635	0,12202	0,455953
CTD-2144E22.9	161,69	-2,06	1,330398	-1,54618	0,122061	0,4560117
AARS2	55,90	1,43	0,923333	1,545874	0,122135	0,4561979
RP11-1035H13.2	7,84	2,04	1,320355	1,545613	0,122198	0,4563415
CCDC106	1,72	3,34	2,161903	1,545456	0,122236	NA
TYW5	114,72	1,20	0,774446	1,545133	0,122314	0,4566835
RP11-719K4.6	13,88	1,59	1,030458	1,544815	0,122391	0,4568786
EXOC6	268,17	-0,84	0,54271	-1,5446	0,122442	0,4569784
RP1-102E24.10	6,53	-2,13	1,377984	-1,54434	0,122507	0,4570241
ZNF517	73,91	-1,73	1,11745	-1,54429	0,122519	0,4570241
RF00004	1288,87	-0,55	0,354861	-1,54425	0,122528	0,4570241
ZNF555	125,06	-0,76	0,490036	-1,544	0,122588	0,4571563
ZNF16	93,55	1,38	0,89616	1,543775	0,122643	0,457269
CTD-3126B10.5	2,98	4,21	2,729901	1,543628	0,122678	NA
RP11-484D2.3	3,01	4,22	2,731628	1,543048	0,122819	NA
PRPF3	345,69	-0,83	0,537482	-1,54271	0,122901	0,4580502
AF038458.5	3,92	-1,30	0,839506	-1,54271	0,122902	0,4580502
TMEM41B	174,27	1,00	0,645602	1,542533	0,122944	0,4581169
NCCRP1	7,48	1,10	0,71081	1,542275	0,123007	0,4582586
DCDC1	4,74	-1,53	0,990767	-1,54217	0,123032	0,4582587
RP11-258F1.1	21,03	1,06	0,684187	1,54207	0,123057	0,4582606
AC009403.2	48,35	1,19	0,774238	1,541482	0,123199	0,4587003
ATAD2B	1191,98	0,64	0,415795	1,541364	0,123228	0,4587153
RP11-260E18.1	1,99	3,02	1,959139	1,54116	0,123278	NA

CH17-260O16.1	4,69	3,68	2,387206	1,54114	0,123283	0,4588272
AC140481.7	0,78	-4,23	2,747834	-1,54101	0,123316	NA
RP11-63B13.1	201,95	-0,93	0,605973	-1,54068	0,123394	0,4591158
HLA-H	68,27	0,67	0,434766	1,540594	0,123416	0,4591158
RP11-573D15.2	11,42	-1,67	1,082056	-1,54048	0,123442	0,4591158
FNDC3B	572,70	-0,97	0,6318	-1,54037	0,123469	0,4591158
MAN2A2	361,13	1,11	0,720535	1,540314	0,123484	0,4591158
RP1-317E23.3	1,66	2,72	1,767469	1,540199	0,123512	NA
RPTOR	64,67	1,69	1,096656	1,539999	0,123561	0,4593099
ZSWIM6	283,71	-0,83	0,538881	-1,53961	0,123656	0,4595723
CTC-429P9.2	4,53	-2,05	1,331175	-1,53946	0,123693	0,459617
RP11-346C4.3	1,20	2,88	1,868771	1,539197	0,123756	NA
NDUFS6	608,40	-0,47	0,302434	-1,53895	0,123817	0,4599404
TFRC	582,55	0,78	0,503818	1,538898	0,123829	0,4599404
RP11-484D2.5	1,85	2,93	1,904832	1,538746	0,123866	NA
ANKRD23	18,03	2,19	1,426308	1,538664	0,123886	0,4600606
BLVRA	800,37	-0,87	0,565726	-1,53842	0,123946	0,4601901
EIF3F	3094,56	0,33	0,212949	1,53828	0,12398	0,4602256
BRWD3	382,77	0,79	0,514721	1,538172	0,124006	0,4602314
GHRLOS2	12,19	3,06	1,992605	1,53796	0,124058	0,4603322
RP11-104E19.1	29,94	1,23	0,799288	1,537778	0,124103	0,4604053
LLOXNC01-157D4.1	50,02	1,30	0,846722	1,537525	0,124165	0,4605437
COG2	214,23	1,12	0,731355	1,537403	0,124195	0,460562
CMKLR1	23,84	-2,90	1,888833	-1,53675	0,124354	0,4610523
RP11-316M21.7	10,12	1,63	1,05849	1,536661	0,124376	0,4610523
SLC35A5	294,28	0,98	0,640398	1,536439	0,124431	0,4611625
AC068522.4	2,86	2,52	1,63827	1,536396	0,124441	NA
SPAST	294,19	0,58	0,375488	1,536284	0,124469	0,4612074
RN7SKP166	4,16	4,69	3,054608	1,536187	0,124493	0,4612074
AL035610.1	63,00	-1,18	0,770437	-1,53597	0,124545	0,4613089
RP11-666A8.7	19,29	-0,90	0,586666	-1,53562	0,124631	0,4615377
RP11-55K22.5	2,73	2,25	1,464553	1,535515	0,124657	NA
DDIT4	883,35	0,89	0,57754	1,53545	0,124673	0,4616014
ZNF641	351,11	-0,88	0,573098	-1,53503	0,124777	0,4617898
COL4A5	21,04	-1,69	1,103313	-1,535	0,124783	0,4617898
RHOF	349,79	0,87	0,568379	1,534855	0,124819	0,4617898
ZNF34	43,78	-2,06	1,341428	-1,53484	0,124823	0,4617898
RNY4P34	1,72	3,43	2,231755	1,534829	0,124826	NA
RP11-463J10.2	33,17	-1,91	1,247204	-1,53467	0,124865	0,4617905
RP11-219B4.7	3,08	3,06	1,993137	1,534616	0,124878	NA
DNAJC16	224,66	1,25	0,815097	1,534288	0,124959	0,4617905
ZNF568	61,97	1,08	0,705531	1,534136	0,124996	0,4617905
TCEANC	22,00	-1,47	0,960793	-1,53394	0,125045	0,4617905
ANKDD1B	2,93	-3,81	2,484519	-1,53379	0,12508	NA
RP3-354N19.3	6,58	4,20	2,736162	1,53368	0,125108	0,4617905
RP11-466F5.8	46,02	-1,16	0,753269	-1,53365	0,125116	0,4617905
C1orf198	26,47	2,30	1,502773	1,53352	0,125148	0,4617905
ZNF788	37,88	-1,19	0,773249	-1,53335	0,125189	0,4617905
RP5-991C6.4	6,36	-2,94	1,917085	-1,53335	0,12519	0,4617905
GADD45B	2319,43	0,62	0,404382	1,533336	0,125193	0,4617905

NUSAP1	35,77	1,35	0,882287	1,53329	0,125204	0,4617905
RBM8A	1498,96	0,40	0,261115	1,533186	0,12523	0,4617905
POMGNT1	76,69	-1,18	0,767742	-1,53317	0,125233	0,4617905
CUL9	164,65	-0,86	0,561381	-1,53303	0,125268	0,4617905
AC007880.1	3,92	4,02	2,620967	1,533	0,125276	0,4617905
CKAP4	84,86	-1,27	0,83156	-1,53298	0,12528	0,4617905
ZNF76	113,85	-1,32	0,859957	-1,53295	0,125288	0,4617905
AC010746.2	140,64	1,07	0,695838	1,532904	0,1253	0,4617905
APOBEC2	22,88	-2,16	1,40642	-1,53288	0,125306	0,4617905
AC016712.2	2,12	-1,43	0,935371	-1,53286	0,12531	NA
RP11-571F15.3	4,76	3,28	2,137175	1,532803	0,125324	0,4617905
RDH11	305,57	1,13	0,735926	1,532573	0,125381	0,4617905
USP19	201,25	-0,94	0,61182	-1,5325	0,1254	0,4617905
APBB3	148,44	-1,24	0,809816	-1,53248	0,125403	0,4617905
MCPH1	187,76	-0,81	0,527934	-1,53242	0,125419	0,4617905
CTB-147C22.6	1,72	-5,58	3,642832	-1,53207	0,125504	NA
ZNF557	383,49	-0,71	0,465176	-1,53201	0,125519	0,4620167
RP11-722P11.8	8,04	-1,64	1,070615	-1,53197	0,12553	0,4620167
DNAL4	27,38	1,87	1,223952	1,53159	0,125624	0,4620563
RNU6-878P	9,65	3,81	2,490597	1,531562	0,125631	0,4620563
MYO1A	16,22	-2,71	1,766408	-1,53156	0,125631	0,4620563
PWP2	63,09	2,35	1,536962	1,531363	0,12568	0,4620563
AC021016.6	4,56	-3,02	1,969688	-1,53128	0,125701	0,4620563
RP11-656G9.3	10,90	-1,56	1,020703	-1,53125	0,125708	0,4620563
TNFAIP3	1629,03	0,54	0,353674	1,531145	0,125733	0,4620563
SIRT5	80,17	-0,84	0,54655	-1,53112	0,12574	0,4620563
GART	283,09	-0,99	0,643885	-1,53087	0,125801	0,4621905
RN7SL455P	2,30	2,64	1,723218	1,53078	0,125824	NA
CP	30,65	2,56	1,675759	1,530613	0,125865	0,4623191
CCDC15	21,72	2,29	1,497046	1,530488	0,125896	0,4623191
MRPS23	497,07	1,12	0,732294	1,530428	0,125911	0,4623191
AC021068.1	13,32	1,76	1,150191	1,530022	0,126011	0,4625963
RP11-867G23.3	30,91	-0,64	0,415892	-1,52953	0,126134	0,4628328
COL1A2	24,40	-1,52	0,991167	-1,52924	0,126205	0,4628328
PSME4	720,78	0,81	0,532086	1,529234	0,126206	0,4628328
MLEC	699,58	0,73	0,474441	1,529199	0,126215	0,4628328
CTD-2527I21.5	16,87	-1,11	0,728164	-1,52918	0,126219	0,4628328
SEMA4A	969,46	-0,51	0,333232	-1,52916	0,126225	0,4628328
FAM227B	37,93	-1,66	1,085953	-1,52878	0,126318	0,4630842
DSEL	11,04	-0,78	0,50963	-1,52864	0,126353	0,4631205
RP11-385J1.2	8,89	-3,10	2,028153	-1,52852	0,126384	0,4631431
FAHD1	190,32	1,36	0,889579	1,528301	0,126438	0,4632484
XXyac-YM21GA2.7	2,84	2,36	1,546222	1,527946	0,126526	NA
AL132780.10	36,52	1,87	1,224011	1,527582	0,126616	0,4638109
MIR616	15,08	2,53	1,657654	1,526645	0,126849	0,4645729
TRIB1	1229,33	0,60	0,395987	1,526503	0,126885	0,4646108
PFKL	890,66	-0,47	0,306737	-1,52639	0,126912	0,4646183
RNU6-226P	3,06	4,24	2,777843	1,526178	0,126965	NA
CELF4	23,80	-0,84	0,550484	-1,52613	0,126979	0,4647724
TMEM106B	528,63	-1,10	0,718923	-1,52562	0,127105	0,4649654

LILRA6	200,00	-1,01	0,663793	-1,52561	0,127107	0,4649654
SLC30A1	229,27	1,11	0,724794	1,525473	0,127141	0,4649654
SLC20A1	862,39	0,51	0,334358	1,525449	0,127147	0,4649654
TUBG2	35,63	-2,44	1,596529	-1,52541	0,127156	0,4649654
C19orf43	441,36	-0,58	0,379223	-1,52461	0,127356	0,4654812
GK	318,54	-0,74	0,484108	-1,5246	0,127358	0,4654812
ZYG11B	412,55	0,88	0,579284	1,524546	0,127372	0,4654812
RP11-454H13.5	44,52	1,36	0,891391	1,524079	0,127489	0,4658152
RP11-70I4.1	5,89	2,84	1,861206	1,523772	0,127566	0,4660039
NLRX1	26,06	2,24	1,467749	1,523518	0,127629	0,4661446
SIGLEC6	6,40	3,99	2,622344	1,523295	0,127685	0,4662568
RP6-109B7.3	9,95	-0,99	0,652309	-1,52271	0,127832	0,4666408
ARHGAP24	228,58	-1,75	1,149818	-1,52267	0,12784	0,4666408
SLC35F6	366,17	0,80	0,528055	1,522512	0,127881	0,4666978
PACRG	13,58	-1,64	1,077109	-1,52204	0,127999	0,4670358
RF00139	2,87	3,56	2,336955	1,521749	0,128072	NA
C8orf33	338,99	-0,85	0,556282	-1,52169	0,128088	0,4672697
RP11-187O7.3	2,14	3,71	2,441268	1,521596	0,12811	NA
PECAM1	1372,01	-0,50	0,329826	-1,52148	0,12814	0,4673672
RP11-211G23.1	4,00	-1,75	1,148167	-1,52121	0,128208	0,4675233
RP11-446E24.3	0,76	-3,30	2,16694	-1,52115	0,128222	NA
ENO1	8569,80	0,29	0,193225	1,520643	0,128349	0,4679059
STAG3	30,18	1,63	1,072747	1,520589	0,128363	0,4679059
GIMAP8	144,79	-1,74	1,145087	-1,52033	0,128427	0,4679491
CTA-229A8.5	9,90	2,61	1,713707	1,520309	0,128433	0,4679491
MED20	46,45	-1,76	1,157221	-1,52017	0,128469	0,4679491
WIPI1	134,60	-0,90	0,594921	-1,52014	0,128475	0,4679491
MRPL17	111,47	1,33	0,87415	1,519908	0,128534	0,4680262
RP11-114H24.6	21,03	-1,54	1,014459	-1,51986	0,128547	0,4680262
FMN2	2,55	-2,20	1,445157	-1,51948	0,128641	NA
COL3A1	16,15	-5,50	3,616658	-1,51944	0,128651	0,4680484
MPV17	796,20	0,71	0,468923	1,519436	0,128653	0,4680484
NOS2P3	15,85	-1,57	1,036149	-1,51942	0,128657	0,4680484
ZCCHC2	471,26	-1,37	0,899324	-1,5194	0,128661	0,4680484
TARS	425,92	-0,76	0,502499	-1,51931	0,128685	0,4680484
RP11-66D17.3	16,15	-0,81	0,531199	-1,51923	0,128704	0,4680484
CIDECP	209,61	1,26	0,827459	1,518943	0,128777	0,4682224
MIF	1115,05	-0,40	0,260398	-1,51879	0,128815	0,4682682
RP11-129M16.4	8,17	2,83	1,867205	1,518283	0,128943	0,4684645
F8	9,59	1,41	0,929406	1,51815	0,128976	0,4684645
GOLGA6L22	36,51	-1,26	0,832928	-1,51813	0,128981	0,4684645
GOLGA6L4	14,75	2,40	1,582535	1,518105	0,128988	0,4684645
PSMB9	2455,38	0,38	0,249219	1,517857	0,129051	0,4684645
LL22NC01-81G9.3	5,32	-1,80	1,185412	-1,51774	0,12908	0,4684645
GPR161	14,23	2,10	1,381934	1,517587	0,129118	0,4684645
TIMM13	748,92	-0,50	0,330818	-1,51755	0,129129	0,4684645
CASC4	562,84	0,61	0,399206	1,517356	0,129177	0,4684645
CD151	49,75	-0,74	0,484451	-1,51733	0,129183	0,4684645
YEATS2	319,83	0,91	0,597238	1,51727	0,129199	0,4684645
EEF1A19	5,78	0,97	0,638963	1,517155	0,129228	0,4684645

TMEM269	35,18	-1,08	0,7122	-1,51709	0,129244	0,4684645
NYNRIN	3,83	3,38	2,229722	1,517039	0,129257	0,4684645
SERGEF	78,53	1,56	1,028131	1,516915	0,129288	0,4684645
SZT2	601,71	-0,67	0,441343	-1,51691	0,12929	0,4684645
DDX3X	4245,05	0,29	0,191752	1,516881	0,129297	0,4684645
RN7SL397P	13,05	-1,75	1,151351	-1,51677	0,129324	0,468471
ZNRD1	149,94	1,22	0,80198	1,516366	0,129427	0,4687536
RAE1	338,96	1,05	0,691139	1,51551	0,129643	0,4694456
CD40LG	3,37	-1,62	1,069348	-1,51513	0,129739	NA
AC020594.5	2,88	-4,48	2,957618	-1,51512	0,129743	NA
LCA5L	8,04	1,76	1,160736	1,51492	0,129793	0,469895
CTSC	1545,68	0,60	0,396171	1,514732	0,12984	0,4699766
RP11-423E7.2	4,83	-1,79	1,181379	-1,51436	0,129934	0,4702246
RNU5D-1	44,03	-0,90	0,597327	-1,51399	0,130027	0,4704015
RP11-702L6.4	23,66	-1,08	0,713183	-1,51397	0,130034	0,4704015
CTC-281M20.1	4,93	2,60	1,717707	1,513851	0,130064	0,4704185
RP4-714D9.5	98,89	-1,02	0,674458	-1,5136	0,130128	0,4705598
PTPRN	3,82	2,34	1,543144	1,513299	0,130204	0,4707421
ANKRD9	14,60	-1,11	0,731169	-1,51319	0,130232	0,4707523
SELT	1302,73	0,70	0,464666	1,512661	0,130366	0,4711448
RRP36	196,34	-1,03	0,67933	-1,51256	0,130391	0,4711463
RP3-354J5.2	6,39	1,41	0,931366	1,512216	0,130479	0,4713706
NEK6	152,99	-1,60	1,058864	-1,51205	0,130522	0,4714349
UCKL1-AS1	42,98	-1,31	0,864548	-1,51194	0,130549	0,4714424
RN7SL836P	0,67	-2,80	1,850266	-1,51187	0,130566	NA
PDIA6	1261,62	0,50	0,33123	1,51161	0,130633	0,4716535
CA3	5,27	4,32	2,856863	1,511084	0,130767	0,4720376
MARK2	145,47	-1,07	0,706681	-1,51082	0,130835	0,4720376
RFXAP	19,84	2,28	1,511645	1,510693	0,130867	0,4720376
RP5-857K21.6	35,84	-0,62	0,409631	-1,51069	0,130868	0,4720376
AZIN1	713,23	-0,85	0,56294	-1,51061	0,130889	0,4720376
PPIL3	316,83	1,05	0,692171	1,510594	0,130892	0,4720376
ANOS1	1,32	-4,37	2,892964	-1,51039	0,130943	NA
NCOA6	405,05	-0,70	0,465005	-1,51032	0,130962	0,4721977
RP11-804F13.1	0,75	-2,60	1,719758	-1,51021	0,130989	NA
LRRC47	301,65	-0,85	0,563295	-1,51021	0,130989	0,4722045
SYVN1	132,84	1,05	0,697306	1,510072	0,131025	0,4722432
CHST15	90,41	-2,24	1,485791	-1,50974	0,131109	0,4723802
CTC-471J1.8	5,88	-2,46	1,62932	-1,50972	0,131114	0,4723802
CDCA2	3,79	4,71	3,122058	1,50953	0,131163	0,4724155
RP1-261G23.7	0,77	-3,66	2,423931	-1,5095	0,131171	NA
MTMR8	6,19	4,79	3,17408	1,509388	0,1312	0,4724155
RRAS	111,79	-1,63	1,082704	-1,50932	0,131216	0,4724155
TOR1AIP2	888,35	-0,48	0,319038	-1,50929	0,131225	0,4724155
KIAA1755	11,13	1,89	1,253912	1,509119	0,131268	0,4724799
TPT1-AS1	170,09	-0,83	0,550251	-1,50868	0,13138	0,4727256
MAX	453,35	0,49	0,321645	1,508653	0,131387	0,4727256
PINK1	148,99	-1,37	0,905941	-1,50838	0,131458	0,4728472
RP11-297K7.2	26,80	-3,65	2,418456	-1,50832	0,131472	0,4728472
TBRG1	619,11	-0,56	0,36955	-1,50815	0,131516	0,4729151

CTC-33909.1	9,48	-1,00	0,661751	-1,50794	0,13157	0,473018
PDZD4	0,79	-3,19	2,115116	-1,50748	0,131686	NA
RBBP5	222,59	0,75	0,494332	1,507343	0,131723	0,4734635
RP11-576D8.4	9,02	1,09	0,720831	1,507207	0,131758	0,4734635
DISC1	348,78	-0,76	0,503262	-1,50704	0,1318	0,4734635
OR9H1P	15,96	-1,09	0,725656	-1,50701	0,131807	0,4734635
C14orf105	4,74	-1,15	0,762488	-1,50696	0,131822	0,4734635
CTB-3601.7	8,14	1,85	1,226779	1,506667	0,131896	0,4736392
CTD-2083E4.4	26,19	1,14	0,756988	1,506545	0,131927	0,4736607
RP5-1056H1.2	6,37	-1,06	0,705484	-1,50626	0,132	0,4738309
PHF23	96,78	-1,19	0,78986	-1,506	0,132068	0,4738823
HNRNPDL	2632,53	0,46	0,304726	1,505863	0,132102	0,4738823
SHTN1	597,51	0,55	0,362197	1,505771	0,132126	0,4738823
ZNF133	167,80	-1,87	1,239317	-1,50572	0,132138	0,4738823
AC093838.7	37,38	-1,20	0,799177	-1,50571	0,132142	0,4738823
PADI4	109,66	-1,69	1,120529	-1,50548	0,1322	0,473998
DYRK1A	819,22	-0,71	0,471152	-1,50521	0,132271	0,4740677
C8orf82	21,92	-1,53	1,014179	-1,50519	0,132276	0,4740677
RSC1A1	5,58	5,11	3,396904	1,505081	0,132303	0,4740677
RPS20P22	6,68	-1,35	0,897607	-1,50501	0,132321	0,4740677
PA2G4	863,08	0,62	0,412988	1,504881	0,132355	0,4740967
AC105749.1	0,48	-3,41	2,264177	-1,50484	0,132365	NA
AP001595.1	9,64	-2,25	1,496058	-1,50474	0,132391	0,4741353
FMO6P	1,19	-2,64	1,751526	-1,50454	0,132442	NA
RP11-640L9.2	5,81	-1,68	1,115902	-1,50446	0,132464	0,4743054
RP11-640N11.2	21,95	-1,36	0,902481	-1,50433	0,132496	0,4743293
CASP14	20,40	-1,43	0,948926	-1,50398	0,132585	0,4745573
EGFLAM	2,91	3,52	2,343658	1,50397	0,132589	NA
RP11-976B16.1	13,20	-1,32	0,875563	-1,50374	0,132647	0,4746875
BCAT1	435,44	1,11	0,735035	1,503609	0,132682	0,4747213
SRSF8	354,15	1,07	0,709464	1,503304	0,132761	0,474911
RP11-625I7.1	3,70	4,52	3,00719	1,503275	0,132768	NA
RP11-18H7.1	124,26	-0,93	0,621903	-1,50309	0,132815	0,4749115
RP11-267A15.1	5,18	-1,34	0,888558	-1,50303	0,132831	0,4749115
CTD-3049M7.1	45,95	-0,98	0,653925	-1,50301	0,132837	0,4749115
IDO1	15,70	1,68	1,119286	1,502841	0,13288	0,4749405
SGSH	474,66	-0,90	0,59618	-1,50278	0,132897	0,4749405
CTD-2290P7.1	1,60	-5,48	3,643325	-1,50275	0,132903	NA
GMIP	314,80	-0,76	0,503364	-1,50255	0,132955	0,4750576
RF01518	0,67	-3,08	2,048819	-1,50246	0,132978	NA
RP11-537H15.3	1,13	-1,71	1,135457	-1,50235	0,133008	NA
RP11-39K24.7	4,64	4,26	2,832933	1,502345	0,133008	0,47508
AVEN	13,64	2,06	1,373465	1,50231	0,133017	0,47508
HYAL2	107,99	1,97	1,313616	1,5022	0,133045	0,47508
ACBD5	250,50	-1,11	0,741765	-1,50213	0,133063	0,47508
GLYAT	48,33	-1,22	0,815548	-1,50188	0,133129	0,4751744
TALDO1	2693,01	-0,36	0,242672	-1,50183	0,133141	0,4751744
AC073869.1	0,85	-4,12	2,746841	-1,50167	0,133182	NA
NPIPA3	3,35	-2,51	1,670346	-1,50154	0,133217	NA
PDP2	55,83	1,24	0,826391	1,50118	0,133309	0,4756615

RP11-458B24.2	245,00	-0,58	0,387082	-1,50106	0,13334	0,4756615
HAR1B	2,05	3,67	2,441983	1,500855	0,133393	NA
WTIP	108,69	-0,85	0,563425	-1,5008	0,133407	0,4756615
PMM1	350,43	1,27	0,844597	1,500743	0,133422	0,4756615
SPCS3	1155,71	0,51	0,341937	1,500669	0,133441	0,4756615
SUCO	446,39	0,85	0,569727	1,50064	0,133449	0,4756615
SFT2D2	1569,81	0,70	0,468965	1,500538	0,133475	0,4756615
ZNF200	161,73	-1,46	0,96975	-1,50051	0,133482	0,4756615
RN7SL73P	13,18	-0,95	0,632429	-1,50038	0,133516	0,4756927
AC007283.4	3,79	3,39	2,262764	1,499846	0,133654	0,4760235
REEP6	4,02	4,58	3,051005	1,499823	0,13366	0,4760235
RP11-177F11.1	1,35	-1,75	1,169682	-1,49965	0,133705	NA
SPTLC3	460,11	-0,96	0,643483	-1,49963	0,133711	0,4761138
CTD-2026K11.4	8,50	3,15	2,09868	1,499299	0,133796	0,4762856
SPG21	869,20	0,54	0,362569	1,499106	0,133846	0,4762856
C4orf33	305,39	-0,95	0,634403	-1,49908	0,133852	0,4762856
NDRG2	870,06	0,70	0,469387	1,499046	0,133862	0,4762856
RP5-1126H10.2	0,59	-2,77	1,84493	-1,49884	0,133915	NA
ACTN4	170,60	0,82	0,546104	1,498513	0,134	0,4766361
CTD-2373N4.5	30,69	2,74	1,831215	1,498276	0,134062	0,4766361
CASK	194,30	1,02	0,683348	1,498221	0,134076	0,4766361
TTLL5	151,17	1,17	0,782513	1,498107	0,134105	0,4766361
RP11-747D18.1	1,91	-1,58	1,057084	-1,49802	0,134128	NA
RP11-87H9.5	6,18	-1,64	1,097651	-1,49795	0,134145	0,4766361
C12orf60	14,40	-1,44	0,964014	-1,49786	0,13417	0,4766361
YWHAH	706,20	0,66	0,442315	1,497817	0,134181	0,4766361
FARP2	232,66	1,23	0,819166	1,49771	0,134209	0,4766361
RP1-222E13.10	130,05	1,51	1,010708	1,497651	0,134224	0,4766361
SNX16	75,45	-1,69	1,12876	-1,49758	0,134241	0,4766361
AL136419.6	134,39	-0,92	0,617296	-1,49758	0,134242	0,4766361
ZKSCAN1	727,48	-0,77	0,515606	-1,49745	0,134275	0,4766634
RABGGTB	832,05	0,50	0,332278	1,497334	0,134306	0,4766821
CREG2	15,16	-1,20	0,799777	-1,4968	0,134444	0,4770811
GPNMB	1,68	-2,12	1,41427	-1,49665	0,134485	NA
RP4-798C17.6	15,87	-0,86	0,571824	-1,49662	0,134493	0,477162
RP11-57P14.3	3,38	3,35	2,240041	1,496577	0,134503	NA
USH2A	62,21	-4,50	3,009048	-1,49651	0,134521	0,4771705
TSC22D1-AS1	3,94	-1,61	1,078923	-1,49631	0,134574	0,4771796
SZRD1	413,01	0,54	0,362835	1,496303	0,134575	0,4771796
BCAS3	185,49	-0,71	0,474302	-1,49608	0,134633	0,477256
PPP2R1B	180,92	1,53	1,025519	1,496024	0,134647	0,477256
SPC24	31,77	-0,78	0,523514	-1,49592	0,134675	0,4772643
LDOC1L	59,99	1,51	1,011054	1,495605	0,134757	0,4774607
RP11-775G23.1	1,31	-3,44	2,300597	-1,49558	0,134763	NA
LA16c-60D12.2	83,27	-0,78	0,52192	-1,49517	0,13487	0,4777722
XXbac-BPG296P20.15	5,36	1,08	0,724677	1,494871	0,134948	0,4778522
RP11-567M16.5	3,83	4,57	3,057046	1,494827	0,13496	0,4778522
HIST1H2BC	6,55	3,26	2,18109	1,494788	0,13497	0,4778522
ADAM11	3,62	-3,46	2,313332	-1,49466	0,135004	NA
PAFAH1B1	586,01	-0,60	0,400215	-1,49465	0,135005	0,4778828

SCNN1A	12,24	-1,19	0,795001	-1,49447	0,135053	0,4778828
TANGO2	322,40	1,00	0,667159	1,494313	0,135094	0,4778828
MIR3180-4	26,76	1,85	1,235789	1,494244	0,135112	0,4778828
PCDHGA1	1,99	1,67	1,118367	1,494243	0,135112	NA
ZBTB48	287,95	-0,74	0,494487	-1,49421	0,135122	0,4778828
FAM120C	143,36	1,22	0,8165	1,494099	0,13515	0,4778828
SLC25A35	107,48	-1,63	1,091275	-1,49407	0,135158	0,4778828
C7orf31	25,40	-1,94	1,295971	-1,49381	0,135225	0,4780294
PRKAB1	186,52	0,93	0,622133	1,493635	0,135271	0,4780999
AC091878.1	28,10	-1,10	0,736079	-1,4935	0,135307	0,4781359
AC012314.20	1,42	2,49	1,668204	1,493357	0,135344	NA
HIVEP2	275,06	1,21	0,813044	1,493256	0,13537	0,478239
CITF22-123F2.1	4,77	-1,33	0,892977	-1,4931	0,13541	0,478239
RP11-104F15.9	8,79	-2,55	1,710884	-1,49309	0,135413	0,478239
MRPL3	623,16	0,71	0,473215	1,492648	0,135529	0,478558
TNFSF10	1207,61	-0,73	0,489603	-1,4925	0,135569	0,4786087
RP13-49I15.5	5,56	-1,36	0,914073	-1,49232	0,135614	0,4786402
PVT1	79,67	1,51	1,012721	1,492265	0,13563	0,4786402
CTC-348L14.1	42,62	-1,74	1,16965	-1,49167	0,135786	0,4790991
ZFP41	6,71	2,89	1,938309	1,491335	0,135874	0,4792566
CDC42SE2	1960,66	0,35	0,232952	1,491214	0,135905	0,4792566
AC104135.3	15,42	-1,90	1,274635	-1,49121	0,135907	0,4792566
RP11-80K21.3	0,87	-2,35	1,574346	-1,49115	0,135923	NA
PSD3	17,31	-1,94	1,301149	-1,49092	0,135983	0,4794326
MELTF	3,57	3,03	2,035189	1,4906	0,136067	NA
SLC35A3	305,63	0,89	0,596603	1,490392	0,136121	0,4796378
HHIPL1	22,44	-1,84	1,237844	-1,49026	0,136156	0,4796378
HPSS	478,48	0,74	0,498551	1,49013	0,13619	0,4796378
ALS2CR11	7,26	-3,86	2,587924	-1,49006	0,136208	0,4796378
METTL2B	177,62	-1,09	0,729695	-1,49003	0,136216	0,4796378
PORCN	35,17	-1,79	1,204	-1,48994	0,136239	0,4796378
GRB10	27,93	-2,39	1,601036	-1,48984	0,136267	0,4796378
KIF13A	228,61	1,28	0,860999	1,489821	0,136271	0,4796378
C12orf76	344,82	1,05	0,703924	1,489813	0,136273	0,4796378
CD69	538,55	0,93	0,621929	1,489648	0,136317	0,4797004
PDE4DIP	604,66	-0,68	0,45342	-1,48923	0,136427	0,4799806
ATM	1008,43	-0,53	0,355704	-1,48915	0,136448	0,4799806
USP20	102,27	-1,47	0,987415	-1,48884	0,136529	0,4800241
CTC-591M7.1	41,87	-1,46	0,978233	-1,48882	0,136535	0,4800241
ZNF277	177,47	0,73	0,487907	1,488763	0,13655	0,4800241
GRIA1	16,46	-2,06	1,381491	-1,48865	0,13658	0,4800241
RP11-108M9.4	44,59	-0,61	0,406441	-1,48861	0,13659	0,4800241
RP11-403P17.4	13,94	-1,45	0,975152	-1,48799	0,136754	0,4804577
GTF2IRD2B	203,00	-1,13	0,7575	-1,48795	0,136765	0,4804577
SPAG9	701,43	0,72	0,480956	1,487576	0,136863	0,480712
RSPH4A	5,30	4,28	2,879278	1,487296	0,136937	0,4807873
LDLRAD2	12,41	2,04	1,369865	1,487293	0,136937	0,4807873
RP11-391A7.1	2,62	-1,80	1,207155	-1,48718	0,136966	NA
SH3BP5L	48,74	1,96	1,319336	1,487149	0,136976	0,4807873
DOT1L	167,54	-0,98	0,662249	-1,4871	0,136988	0,4807873

RP11-426A6.7	5,27	-2,19	1,470901	-1,48667	0,137102	0,4810988
RP11-274B21.4	2,59	4,01	2,696423	1,486394	0,137175	NA
C5AR1	39,98	-1,21	0,811954	-1,48613	0,137244	0,4815065
ARHGEF40	373,09	-0,87	0,587632	-1,48572	0,137352	0,4817937
FLOT1	858,69	0,58	0,388038	1,485383	0,137442	0,4818869
RP11-1046B16.3	52,85	-1,52	1,025062	-1,48524	0,137482	0,4818869
SSSCA1	327,26	-0,73	0,49023	-1,48513	0,137509	0,4818869
ALG14	324,38	1,25	0,840801	1,48496	0,137555	0,4818869
FGD1	5,51	5,10	3,433615	1,484943	0,137559	0,4818869
GSE1	483,12	0,62	0,418988	1,484926	0,137563	0,4818869
OR2AT4	215,48	-0,58	0,392093	-1,48485	0,137584	0,4818869
ZNF90	21,37	-1,53	1,032052	-1,48484	0,137587	0,4818869
GSTCD	41,45	-1,15	0,771913	-1,48474	0,137612	0,4818869
RP13-467E5.1	3,38	3,80	2,560733	1,484084	0,137787	NA
GRINA	571,16	-0,62	0,419703	-1,48398	0,137815	0,48212
RN7SL847P	1,81	-1,71	1,150442	-1,48392	0,137829	NA
MRPL28	573,06	-0,70	0,468401	-1,48389	0,137837	0,48212
ME3	94,10	1,52	1,026563	1,483858	0,137847	0,48212
RF00012	167,26	-0,54	0,363352	-1,48379	0,137864	0,48212
RP11-25K21.4	306,18	1,28	0,861391	1,483729	0,137881	0,48212
RP11-321L2.2	12,35	1,26	0,846817	1,483718	0,137884	0,48212
RP11-69E11.7	3,40	3,80	2,563423	1,483701	0,137888	NA
PIM3	489,98	0,90	0,606376	1,483641	0,137904	0,48212
RERE	402,72	0,68	0,460566	1,483638	0,137905	0,48212
RP11-797A18.6	55,61	-1,74	1,174562	-1,48361	0,137911	0,48212
RP11-720L3.1	8,95	-1,49	1,004236	-1,48332	0,13799	0,4822802
CTB-151G24.2	4,53	3,66	2,46562	1,483246	0,138009	0,4822802
AP003774.1	1,61	2,15	1,451701	1,483027	0,138067	NA
GRM4	3,46	-1,53	1,032355	-1,48294	0,138091	NA
RP11-454F8.2	29,73	1,16	0,784953	1,482889	0,138104	0,4825211
ADARB1	242,76	-2,67	1,803036	-1,48278	0,138132	0,4825281
XPNPEP1	421,06	0,74	0,497235	1,482591	0,138183	0,4826164
RP11-261C10.5	1,95	2,35	1,585179	1,482582	0,138185	NA
ZFYVE1	104,43	1,59	1,074236	1,482466	0,138216	0,4826421
OR5AU1	36,17	-0,86	0,580908	-1,48222	0,13828	0,482775
DOCK7	575,11	-1,00	0,672496	-1,48187	0,138374	0,4830122
AC009404.2	15,50	-0,87	0,589325	-1,48152	0,138469	0,4832503
ZNF628	68,44	-1,95	1,314471	-1,48098	0,138611	0,4836561
SPRY4	2,28	-1,73	1,168393	-1,48087	0,138642	NA
UBE2Q2P1	24,74	-1,75	1,181682	-1,4808	0,13866	0,4837387
ARPC1A	310,50	0,46	0,308406	1,480589	0,138716	0,4838421
CUEDC1	40,68	1,94	1,311014	1,480383	0,138771	0,4839021
RP11-23P13.6	1,69	-4,22	2,847339	-1,48036	0,138776	NA
ZFYVE26	218,97	-1,19	0,803383	-1,48033	0,138785	0,4839021
RPS26P31	0,82	-1,71	1,157705	-1,48027	0,1388	NA
LPAR4	4,11	-0,80	0,538421	-1,47999	0,138875	0,4839789
UQCRCQ	820,50	-0,36	0,242155	-1,47997	0,138881	0,4839789
TMEM67	40,13	-0,77	0,519821	-1,47995	0,138885	0,4839789
CPEB4	341,52	1,28	0,86652	1,479776	0,138933	0,4839887
SORL1	1264,30	-0,66	0,447984	-1,47975	0,13894	0,4839887

CTA-286B10.8	0,70	2,11	1,42337	1,479382	0,139038	NA
GZMB	131,07	-1,56	1,056388	-1,4791	0,139113	0,4845011
EEF1B2	5401,29	0,28	0,188824	1,47885	0,13918	0,4846192
MMADHC	605,87	0,83	0,563181	1,478779	0,139199	0,4846192
RP11-2N5.2	3,55	-1,31	0,885153	-1,47865	0,139235	NA
RP11-1033A18.1	1,63	-1,24	0,838072	-1,47835	0,139314	NA
COG4	477,41	-0,75	0,509818	-1,47813	0,139374	0,4849817
RP11-219E24.1	40,39	-0,62	0,41642	-1,47807	0,13939	0,4849817
UBALD1	12,37	-1,04	0,703093	-1,47805	0,139396	0,4849817
AL121653.4	12,76	-1,17	0,791657	-1,478	0,139408	0,4849817
AC005921.2	3,59	-1,35	0,914195	-1,47773	0,13948	NA
RGPD6	288,68	0,73	0,491945	1,47728	0,139601	0,4853949
DGCR6L	439,02	-0,81	0,547859	-1,47727	0,139604	0,4853949
COL15A1	4,46	-1,46	0,991357	-1,4772	0,139623	0,4853949
ZFHX4	26,72	-2,47	1,674609	-1,47717	0,139631	0,4853949
PPFIA4	28,21	2,22	1,50588	1,476863	0,139712	0,4854966
SBSPON	17,27	1,37	0,929036	1,476836	0,13972	0,4854966
ZNF577	97,47	1,01	0,68299	1,476766	0,139738	0,4854966
MVP	805,10	-0,63	0,429637	-1,47656	0,139793	0,4855943
TCF3	187,51	-1,04	0,70663	-1,47645	0,139823	0,4856102
RP11-662I13.3	15,58	-1,15	0,779752	-1,47622	0,139885	0,4856538
C19orf53	470,55	-0,46	0,314702	-1,47621	0,139888	0,4856538
AC016749.2	2,15	3,13	2,12275	1,47602	0,139938	NA
RP11-323F24.5	133,52	-0,75	0,510211	-1,47549	0,140082	0,4862358
RP11-251G23.5	24,88	-1,38	0,933327	-1,47524	0,140147	0,4863296
PIGV	59,21	-2,21	1,496291	-1,47519	0,140161	0,4863296
CSAD	187,74	-1,03	0,695128	-1,47489	0,140243	0,4864921
ANXA13	30,73	-1,23	0,830676	-1,47482	0,14026	0,4864921
RP11-83A24.2	235,86	-0,76	0,51882	-1,47436	0,140385	0,4867266
SPINK8	5,21	-4,97	3,37336	-1,47423	0,14042	0,4867266
RP11-345J4.6	4,16	-2,38	1,61769	-1,47421	0,140426	0,4867266
MANSC1	48,48	-1,11	0,75406	-1,47414	0,140445	0,4867266
WNT7A	1,45	-2,19	1,482381	-1,47411	0,140453	NA
RP11-17M16.2	11,77	2,28	1,546259	1,474075	0,140461	0,4867266
PLP2	1480,52	0,40	0,268395	1,473977	0,140488	0,4867266
RP11-339A11.2	23,17	1,27	0,862171	1,473891	0,140511	0,4867266
RP4-809F18.1	2,93	2,98	2,020275	1,473879	0,140514	NA
ATP6V1B2	1818,93	0,43	0,293367	1,473691	0,140565	0,4868223
AP000473.6	0,40	-2,95	2,004128	-1,47321	0,140695	NA
SNX17	2005,45	-0,42	0,283953	-1,47299	0,140754	0,487388
RP11-192H23.8	21,45	1,27	0,863441	1,472863	0,140788	0,487414
RP11-452C13.1	2,66	3,44	2,335263	1,472817	0,1408	NA
CTD-3088G3.6	9,35	-1,60	1,084156	-1,47244	0,140903	0,4877219
RP11-527N22.1	2,22	1,91	1,295788	1,472247	0,140954	NA
PAN3	650,64	0,55	0,376001	1,472231	0,140959	0,4878224
RP11-1060G2.2	17,13	2,00	1,361403	1,471956	0,141033	0,4879886
SLC3A1	16,48	1,39	0,942237	1,471503	0,141155	0,4883214
SUPT6H	627,57	0,61	0,414716	1,471362	0,141193	0,4883624
TSPYL2	129,52	1,32	0,89996	1,470703	0,141371	0,4888615
ZCCHC3	185,20	1,35	0,917882	1,470634	0,14139	0,4888615

RP11-489P6.1	28,04	1,01	0,687654	1,470407	0,141452	0,4889257
RP11-361D15.2	27,76	1,40	0,951819	1,47037	0,141461	0,4889257
RIPK3	169,36	1,38	0,93594	1,470274	0,141488	0,4889257
DARS	671,79	0,65	0,44223	1,469907	0,141587	0,489178
PIK3IP1	258,95	-1,40	0,953767	-1,46972	0,141636	0,4892579
CH507-145C22.1	2,27	3,17	2,158868	1,46954	0,141686	NA
CTD-2024I7.13	72,42	-1,60	1,08936	-1,46932	0,141745	0,4895419
RPL17-C18orf32	3,61	4,49	3,054658	1,469303	0,141751	NA
PARP4P2	0,86	-2,88	1,959298	-1,46894	0,14185	NA
SCARNA9	29,05	-0,86	0,588458	-1,46891	0,141857	0,4898084
RP11-763B22.4	1,40	3,11	2,119768	1,468803	0,141886	NA
CTSA	496,24	-0,71	0,48564	-1,4687	0,141914	0,4898084
SMAD7	13,73	2,29	1,562208	1,46866	0,141925	0,4898084
RP11-135F9.3	143,66	1,12	0,760908	1,468587	0,141945	0,4898084
RN7SL683P	20,79	-3,41	2,321587	-1,46839	0,142	0,4898084
RANGAP1	260,27	-1,07	0,73212	-1,46833	0,142015	0,4898084
RP4-694B14.5	49,52	-0,95	0,650028	-1,4683	0,142024	0,4898084
COASY	433,10	0,70	0,4767	1,468264	0,142033	0,4898084
FAM195B	500,07	-0,54	0,368515	-1,46798	0,142109	0,4899691
RP11-666A8.8	5,15	-1,73	1,175927	-1,46776	0,142169	0,4899691
RP11-328J2.1	8,71	-2,45	1,672586	-1,46774	0,142175	0,4899691
GRPEL1	631,00	0,69	0,466764	1,467704	0,142185	0,4899691
SPECC1	1051,26	0,40	0,269374	1,467384	0,142272	0,4900278
CRIM1	220,01	-1,58	1,076236	-1,46729	0,142297	0,4900278
ACP6	120,02	-1,57	1,072955	-1,46728	0,142301	0,4900278
PLEKHA3	276,77	-1,09	0,740196	-1,46725	0,142307	0,4900278
ZMYM3	190,05	-1,47	0,999441	-1,46708	0,142355	0,4901017
CLK3	554,28	0,70	0,479763	1,466979	0,142382	0,4901037
RP11-643A5.3	9,66	-4,59	3,127933	-1,46673	0,142449	0,4902464
RP11-463O9.8	5,38	-1,94	1,319583	-1,46655	0,142498	0,4903225
RP11-6D1.3	2,51	3,96	2,701186	1,466521	0,142506	NA
AP000550.1	7,21	2,03	1,384815	1,466231	0,142585	0,4904838
P2RY14	137,20	1,35	0,919	1,466094	0,142623	0,4904838
APBA1	31,61	1,73	1,178532	1,465988	0,142651	0,4904838
WDR12	355,82	-1,04	0,711713	-1,46579	0,142705	0,4904838
CYP27A1	22,61	-3,29	2,245038	-1,46579	0,142706	0,4904838
GS1-279B7.2	15,25	-2,45	1,669172	-1,46579	0,142707	0,4904838
LINC00461	0,99	-2,64	1,803999	-1,46563	0,142749	NA
RNU6-672P	1,85	2,94	2,007463	1,465573	0,142765	NA
NEMP2	115,93	-1,35	0,922663	-1,46549	0,142787	0,4904838
AC073130.3	26,91	-2,44	1,667242	-1,46547	0,142792	0,4904838
PARP12	461,87	-0,75	0,514603	-1,46541	0,142808	0,4904838
TXNDC16	165,36	-1,35	0,92316	-1,46541	0,142808	0,4904838
ZDHHC18	269,67	0,91	0,623219	1,465204	0,142865	0,4905073
ZNF467	286,94	-0,78	0,533827	-1,46519	0,142868	0,4905073
CD164	2126,95	0,55	0,372987	1,465065	0,142903	0,4905099
ARMC8	408,66	-0,79	0,537697	-1,465	0,142921	0,4905099
RP11-286O18.1	9,41	3,03	2,067226	1,464707	0,143001	0,4906219
PREX2	21,66	-1,58	1,081672	-1,46466	0,143013	0,4906219
RAP1B	2122,11	0,39	0,267129	1,464589	0,143033	0,4906219

PCDH24	1,66	-5,34	3,647447	-1,46412	0,143161	NA
TNS3	368,96	-0,72	0,488542	-1,46405	0,143179	0,4910324
TMUB1	60,31	-1,38	0,940773	-1,46394	0,14321	0,4910459
ZDHHC4	260,10	-0,98	0,670934	-1,46373	0,143268	0,4910618
ZNF726	28,14	-1,24	0,845573	-1,4636	0,143304	0,4910618
MIR100HG	22,04	-0,93	0,633655	-1,46355	0,143318	0,4910618
TGDS	101,39	1,61	1,099802	1,463539	0,14332	0,4910618
RP11-488C13.6	0,94	-4,13	2,819853	-1,46352	0,143324	NA
HACD3	222,53	1,04	0,707901	1,463435	0,143348	0,4910691
CTC-329D1.2	3,34	4,37	2,983243	1,463241	0,143402	NA
XKR5	8,47	-0,97	0,659933	-1,46314	0,143428	0,491189
SRBD1	165,50	1,09	0,743226	1,463049	0,143454	0,491189
FAR1	1257,85	0,65	0,443778	1,463018	0,143463	0,491189
RP13-554M15.2	229,69	1,51	1,035067	1,462886	0,143499	0,491222
RP11-693M3.1	19,72	1,96	1,341106	1,462419	0,143626	0,4914819
CRLF3	381,38	-0,60	0,409883	-1,46242	0,143627	0,4914819
RP11-484L7.2	750,64	0,42	0,286606	1,462085	0,143718	0,4916361
SGK3	558,19	0,57	0,388724	1,462058	0,143725	0,4916361
SNX29	437,66	0,81	0,554337	1,461895	0,14377	0,4916846
RP11-529E15.1	14,14	-0,91	0,624576	-1,46173	0,143816	0,4916846
BAG4	301,65	1,03	0,704647	1,461717	0,143819	0,4916846
NFE4	13,51	1,91	1,309879	1,461615	0,143847	0,49169
PRKCH	280,48	-0,93	0,633294	-1,46135	0,14392	0,4918484
RP11-147L13.14	1,94	2,96	2,028645	1,461136	0,143978	NA
SF1	1810,53	0,31	0,210175	1,461115	0,143984	0,4919776
RP11-426D19.1	66,96	-0,84	0,574732	-1,46097	0,144022	0,4920195
RF00561	11,50	2,80	1,917686	1,460756	0,144082	0,4920866
AC116366.4	319,82	-0,92	0,631553	-1,46071	0,144095	0,4920866
PLIN5	47,20	-0,75	0,510812	-1,46057	0,144132	0,492124
FAM111B	66,56	-0,95	0,649511	-1,45996	0,144301	0,4926081
RP11-632K20.2	31,37	1,92	1,311985	1,459727	0,144365	0,4927379
FAM95B1	26,97	1,99	1,363586	1,459424	0,144448	0,4927973
GIPC1	9,46	-1,30	0,89227	-1,45913	0,144529	0,4927973
AHRR	19,60	1,81	1,241018	1,458995	0,144566	0,4927973
SPATA7	37,99	-1,52	1,044516	-1,45897	0,144574	0,4927973
NOP14	201,90	-0,94	0,643306	-1,45894	0,14458	0,4927973
AC002551.1	25,33	-0,88	0,603314	-1,45894	0,144582	0,4927973
DTNA	243,83	0,87	0,59774	1,458897	0,144593	0,4927973
PBDC1	394,35	0,75	0,513511	1,458893	0,144594	0,4927973
RP11-613C6.4	2,53	3,96	2,718189	1,458595	0,144677	NA
ATG12	436,32	0,76	0,518615	1,45852	0,144697	0,493057
RP11-507J18.5	13,89	-1,56	1,072009	-1,4584	0,14473	0,4930619
RGMB	4,49	4,54	3,115979	1,458282	0,144763	0,4930619
RP11-474I16.8	4,23	-1,88	1,288966	-1,45823	0,144778	0,4930619
RP11-445P17.4	1,05	-4,60	3,152357	-1,45814	0,144803	NA
OR51B8P	1,43	-5,31	3,644211	-1,45789	0,144872	NA
RP11-823P9.4	11,99	1,28	0,877734	1,45757	0,144959	0,4935879
CTD-2269F5.1	4,15	4,16	2,851984	1,457288	0,145037	0,4936806
TMEM206	278,80	1,18	0,809103	1,457279	0,145039	0,4936806
AC011718.2	0,88	-2,83	1,939687	-1,4571	0,145088	NA

NSMCE1	641,47	-0,72	0,491937	-1,45693	0,145135	0,4938786
AC106782.18	21,36	1,64	1,127654	1,456731	0,145191	0,4938786
BORA	29,52	2,17	1,487526	1,456509	0,145252	0,4938786
LSM1	358,15	-0,51	0,35182	-1,45649	0,145258	0,4938786
AC027317.2	7,25	-1,08	0,741749	-1,45645	0,145269	0,4938786
INTS12	100,73	-1,39	0,957837	-1,45639	0,145284	0,4938786
NF1	665,42	0,82	0,564453	1,456322	0,145304	0,4938786
RP11-480I12.4	8,11	-1,63	1,118564	-1,45622	0,145331	0,4938786
RP11-205A8.4	7,26	-1,56	1,068476	-1,4562	0,145336	0,4938786
SOX7	6,24	-1,13	0,777569	-1,45601	0,14539	0,4938965
LACTB	396,10	-0,75	0,516407	-1,45599	0,145395	0,4938965
RP1-149A16.3	4,42	-4,89	3,362493	-1,45562	0,145497	0,4941542
CTC-527H23.3	5,67	2,79	1,917007	1,455332	0,145577	0,494286
PCSK6	17,79	1,37	0,941329	1,455289	0,145589	0,494286
AC002456.2	2,35	3,86	2,651864	1,455083	0,145646	NA
RPS29	2278,84	-0,54	0,369494	-1,45494	0,145686	0,4945236
RP11-42B7.1	20,97	-1,25	0,857017	-1,45478	0,14573	0,4945674
FAM114A1	156,45	-1,51	1,039114	-1,4547	0,145752	0,4945674
ARIH1	723,05	0,95	0,653587	1,454446	0,145823	0,4947172
RP11-322D14.2	0,66	-3,96	2,720301	-1,45436	0,145845	NA
KCTD1	14,07	1,31	0,902674	1,454346	0,14585	0,494721
RP11-156P1.3	30,75	1,73	1,186975	1,454083	0,145923	0,4948295
RP3-340H11.2	3,78	4,55	3,12897	1,454039	0,145935	0,4948295
PTPN5	5,64	-3,46	2,381701	-1,45384	0,145989	0,494922
RP11-574F21.2	2,74	3,47	2,38798	1,453735	0,14602	NA
OR52B5P	1,57	2,31	1,585993	1,45371	0,146027	NA
RP11-161H23.5	518,84	0,47	0,32463	1,453598	0,146058	0,4950638
NR2E3	2,39	3,92	2,697013	1,453579	0,146063	NA
RP11-927P21.5	3,23	4,33	2,97903	1,453497	0,146086	NA
MIR143HG	37,45	-0,63	0,435783	-1,45287	0,146259	0,495657
ATP6V1D	292,33	0,81	0,559381	1,451852	0,146543	0,4963021
UBE2G1	524,48	0,93	0,6383	1,451845	0,146545	0,4963021
NBPF8P	579,49	-0,84	0,577526	-1,45183	0,146548	0,4963021
AC079776.7	5,48	5,04	3,474751	1,451803	0,146557	0,4963021
BCL9L	7,87	2,00	1,379298	1,451683	0,14659	0,4963073
RP11-81H14.2	44,95	-1,35	0,932359	-1,45143	0,14666	0,4963073
ZNF358	28,81	-1,49	1,026697	-1,45135	0,146681	0,4963073
TMX3	498,09	0,93	0,641842	1,451326	0,146689	0,4963073
SLC13A3	4,86	2,38	1,64259	1,451308	0,146694	0,4963073
SLC52A3	7,04	1,06	0,732572	1,451222	0,146718	0,4963073
CA12	1,25	-2,18	1,499269	-1,45115	0,146737	NA
MED1	242,59	0,87	0,596676	1,451005	0,146778	0,4964213
RN7SL14P	3,45	2,02	1,389065	1,450868	0,146817	NA
RP5-995J12.2	16,73	-1,84	1,271252	-1,45082	0,146831	0,4965095
KCNK1	3,15	4,45	3,064298	1,450791	0,146838	NA
RP11-223I10.1	1,13	2,11	1,454306	1,450219	0,146998	NA
RP3-325F22.3	4,27	-2,66	1,836884	-1,45014	0,14702	0,4968724
ABC12-49244600F4.4	7,06	-2,12	1,463403	-1,45012	0,147025	0,4968724
LTB4R2	7,24	2,60	1,792603	1,450039	0,147048	0,4968724
IKZF5	199,47	1,00	0,692361	1,449977	0,147065	0,4968724

OR9M1P	20,25	2,51	1,731512	1,449951	0,147072	0,4968724
RP11-4B16.4	86,73	1,27	0,877878	1,44967	0,147151	0,4970205
RCBTB1	233,64	1,09	0,748532	1,449586	0,147174	0,4970205
RP11-424M24.3	1,51	3,24	2,232605	1,449577	0,147177	NA
SPCS2	530,08	0,68	0,470053	1,449507	0,147196	0,4970205
ZNF428	28,04	-1,20	0,826381	-1,44919	0,147285	0,4972311
RP11-401N16.2	0,72	-3,45	2,381204	-1,44909	0,147312	NA
SP140	235,07	1,08	0,74394	1,447991	0,14762	0,4981807
RN7SL472P	1,44	2,52	1,740799	1,447859	0,147656	NA
YY1AP1	888,79	0,83	0,57603	1,447748	0,147688	0,4981807
MC1R	1,29	-3,01	2,080721	-1,44768	0,147708	NA
AC005041.9	4,37	-1,84	1,274074	-1,44765	0,147715	0,4981807
CSAR2	139,06	-0,62	0,428585	-1,44744	0,147773	0,4981807
RP11-152H18.3	1,84	3,51	2,42433	1,447361	0,147796	NA
ZNF664	180,41	-1,15	0,796126	-1,44735	0,147799	0,4981807
DUSP22	915,18	-0,60	0,413722	-1,44729	0,147817	0,4981807
HSD3B7	36,40	-1,80	1,242029	-1,44722	0,147836	0,4981807
ATG4B	740,84	0,60	0,413361	1,44721	0,147838	0,4981807
CTB-50L17.10	60,02	-1,49	1,029146	-1,44713	0,14786	0,4981807
RP1-278C19.3	83,65	0,83	0,572349	1,447065	0,147879	0,4981807
AC004951.6	32,72	-1,13	0,777937	-1,44705	0,147883	0,4981807
TKFC	174,87	1,07	0,741599	1,447033	0,147888	0,4981807
FTHL23	29,56	0,74	0,508559	1,446923	0,147919	0,498194
HMMR	2,39	2,99	2,067542	1,446707	0,147979	NA
RP11-212I21.4	73,21	-1,42	0,984726	-1,44666	0,147992	0,4982259
ATF5	170,19	0,82	0,5677	1,446508	0,148035	0,4982259
KDM5A	1621,63	-0,45	0,310193	-1,4465	0,148038	0,4982259
IRF2BP2	1789,37	0,55	0,378698	1,446415	0,148061	0,4982259
ZFP36L1	1148,52	0,32	0,222853	1,446411	0,148062	0,4982259
AC018816.3	1,40	3,16	2,181924	1,446253	0,148106	NA
RP11-309H8.3	2,16	-3,22	2,225461	-1,44624	0,14811	NA
OR2M4	39,84	-1,11	0,767193	-1,44603	0,148169	0,4984973
RARB	0,59	-3,08	2,129398	-1,44584	0,148221	NA
RP11-537A6.9	2,23	3,78	2,615665	1,445619	0,148284	NA
TMEM145	14,22	-1,57	1,086325	-1,44552	0,148311	0,4987959
ACLY	467,46	0,62	0,426656	1,445521	0,148312	0,4987959
RP11-338L22.2	0,82	-3,47	2,398317	-1,44548	0,148323	NA
RPL7AP11	1,24	-1,59	1,097145	-1,44542	0,148341	NA
OTUD4	510,31	-0,81	0,562064	-1,44541	0,148342	0,4988087
PHTF1	281,96	0,91	0,631702	1,444855	0,148499	0,4991798
NF2	431,07	0,76	0,528077	1,444828	0,148506	0,4991798
RBP7	16,36	-2,75	1,902233	-1,4445	0,148599	0,4993804
TRAF4	77,10	1,18	0,816199	1,444424	0,14862	0,4993804
PCDHB13	9,43	-1,53	1,05993	-1,44402	0,148732	0,4995062
CDK11A	238,84	0,77	0,536411	1,444012	0,148735	0,4995062
PARP8	644,84	-0,70	0,483724	-1,44393	0,148758	0,4995062
SEPN1	420,05	-0,58	0,403571	-1,44391	0,148765	0,4995062
RGAG4	31,82	-1,47	1,017877	-1,44357	0,14886	0,4997357
RNY1P4	3,38	4,39	3,043853	1,443442	0,148896	NA
DUSP28	153,64	1,07	0,742181	1,443056	0,149005	0,5000128

UBE2M	121,75	-0,54	0,374002	-1,44292	0,149042	0,5000128
CREB1	668,98	-0,93	0,642816	-1,4429	0,149047	0,5000128
CTC-510F12.6	244,69	-0,77	0,533313	-1,44283	0,14907	0,5000128
RUSC1-AS1	77,33	0,96	0,663383	1,442801	0,149077	0,5000128
RN7SL40P	5,08	-1,50	1,04186	-1,4426	0,149133	0,500111
SETBP1	41,83	1,97	1,36733	1,442505	0,14916	0,5001116
RN7SL666P	3,22	1,90	1,317411	1,442424	0,149183	NA
RP11-762H8.3	1,75	2,25	1,561179	1,442365	0,149199	NA
RP11-517I24.5	32,72	0,89	0,614249	1,442237	0,149235	0,5002747
AC010761.6	5,00	-1,44	0,997623	-1,44193	0,149321	0,5004137
CNP	603,56	0,56	0,387459	1,4419	0,149331	0,5004137
DSG2	2,47	1,41	0,97513	1,441656	0,149399	NA
P3H1	381,23	-0,84	0,580863	-1,44161	0,149414	0,5006023
RP11-569A2.2	7,76	-1,83	1,267558	-1,44126	0,149512	0,5007842
ORC3	100,61	-1,66	1,151009	-1,44122	0,149522	0,5007842
FAM83C	2,61	-2,05	1,425044	-1,44118	0,149533	NA
CTD-2369P2.10	26,46	-1,19	0,828306	-1,44104	0,149573	0,5008652
TFEB	478,25	-0,79	0,546137	-1,44089	0,149615	0,500871
MIR155HG	1,63	2,75	1,908301	1,440875	0,14962	NA
FAM98B	181,90	0,93	0,643015	1,440689	0,149673	0,500871
RP13-15E13.1	17,93	-1,18	0,82146	-1,44065	0,149683	0,500871
DLST	113,88	-1,17	0,814461	-1,4404	0,149754	0,500871
IL1RL2	10,44	-2,58	1,791805	-1,44037	0,149764	0,500871
RP11-582H21.1	14,48	3,31	2,296318	1,440346	0,14977	0,500871
RP11-349F21.5	8,27	-1,77	1,231858	-1,44023	0,149801	0,500871
FAM118B	201,38	1,07	0,740621	1,440206	0,149809	0,500871
RP11-1149O23.3	35,95	-2,04	1,418289	-1,44012	0,149834	0,500871
LASP1	476,88	0,53	0,366283	1,440066	0,149849	0,500871
MKRN2OS	10,12	-1,29	0,895918	-1,43999	0,149871	0,500871
TCF20	200,77	-1,00	0,696213	-1,4397	0,149951	0,5010484
CCDC56	529,50	-0,95	0,658685	-1,43947	0,150019	0,5011142
IFT88	76,20	-1,02	0,708068	-1,43944	0,150025	0,5011142
HECTD4	371,80	0,69	0,47706	1,439117	0,150117	0,5012596
RP11-325F22.2	65,76	-1,31	0,909037	-1,43876	0,15022	0,5012596
SUCLA2	237,22	0,78	0,542993	1,43871	0,150233	0,5012596
RP5-842K24.2	24,23	-1,47	1,020155	-1,43867	0,150244	0,5012596
RP11-61K9.2	7,66	-1,10	0,761936	-1,43865	0,150251	0,5012596
RP11-483F11.7	2,50	3,94	2,740693	1,438617	0,150259	NA
C16orf89	3,99	-1,30	0,90325	-1,4385	0,150291	0,5012596
PRRG1	5,50	-1,46	1,017578	-1,43848	0,150298	0,5012596
RP11-11N9.4	76,10	1,32	0,918539	1,438472	0,1503	0,5012596
FAM83F	69,92	-0,68	0,471885	-1,43834	0,150339	0,5012596
RP4-539M6.14	22,50	-1,28	0,886956	-1,43832	0,150343	0,5012596
TNFRSF12A	12,25	3,88	2,697863	1,438246	0,150364	0,5012596
CTB-22K14.1	40,91	0,73	0,505299	1,43804	0,150423	0,5013642
HDDC2	145,95	-1,14	0,792073	-1,43786	0,150473	0,5014428
RNU5E-6P	2,55	-1,44	1,001177	-1,43765	0,150533	NA
ARHGAP8	20,26	-1,36	0,948114	-1,43749	0,15058	0,5016258
NUBP1	273,37	0,86	0,59816	1,437478	0,150582	0,5016258
AC097724.3	8,20	-1,13	0,784262	-1,4372	0,150662	0,5018012

RP11-375D13.2	1,24	2,34	1,626869	1,437152	0,150675	NA
OGDH	411,76	0,71	0,496125	1,436876	0,150753	0,5019695
CYBA	2223,01	-0,35	0,241308	-1,43683	0,150766	0,5019695
RP11-343J18.1	2,58	3,99	2,77432	1,436814	0,150771	NA
ZNF462	10,15	-0,69	0,476869	-1,43672	0,150797	0,5019827
ZNF57	0,92	-2,81	1,956191	-1,43643	0,15088	NA
COX4I1	7375,18	-0,21	0,148639	-1,43626	0,15093	0,5023336
AC019185.4	0,84	-2,17	1,513592	-1,43621	0,150942	NA
CTA-212D2.2	2,67	-2,28	1,587338	-1,43617	0,150954	NA
UNKL	113,04	-1,47	1,022364	-1,4361	0,150974	0,5023915
FADS1	288,70	-0,84	0,583705	-1,43588	0,151036	0,5025073
BCAT2	126,91	-1,19	0,830338	-1,43562	0,15111	0,5025954
CTA-276F8.1	26,52	1,53	1,063969	1,4356	0,151116	0,5025954
RIPK2	748,14	0,79	0,550923	1,435474	0,151152	0,5026242
RABGAP1	523,22	-1,03	0,720655	-1,43527	0,151209	0,5027254
SCARNA5	17,61	-2,12	1,475217	-1,43455	0,151417	0,5032768
CHMP2B	474,72	0,67	0,47027	1,434501	0,151429	0,5032768
KDEL3	2,44	3,34	2,331875	1,434266	0,151496	NA
RP11-452L6.1	11,86	-2,72	1,897408	-1,43404	0,151562	0,5035897
RNF187	162,48	-0,54	0,375567	-1,43398	0,151578	0,5035897
SLC7A2	0,88	2,21	1,538975	1,433916	0,151596	NA
EIF3H	2136,58	0,49	0,343729	1,433826	0,151622	0,5036418
CDS1	50,07	1,48	1,033096	1,433736	0,151647	0,5036418
AC004878.8	0,62	-3,82	2,661762	-1,43341	0,15174	NA
ZNF235	69,29	1,85	1,294083	1,433337	0,151762	0,5039306
FUT2	9,10	-1,03	0,721656	-1,43317	0,151808	0,5039374
XXbac-B476C20.9	9,81	2,46	1,71536	1,433133	0,15182	0,5039374
FKBP9	31,74	-0,83	0,578533	-1,43305	0,151845	0,5039374
RP3-330O12.5	6,70	-0,96	0,667619	-1,43247	0,15201	0,5042194
SLC12A8	62,20	-1,71	1,196602	-1,43238	0,152035	0,5042194
FAM126B	477,47	-1,16	0,810443	-1,43231	0,152055	0,5042194
RP11-26E5.1	5,99	4,06	2,83737	1,432295	0,15206	0,5042194
RAB2A	833,14	0,44	0,305417	1,432274	0,152065	0,5042194
RP11-289H16.1	28,91	2,02	1,408688	1,432139	0,152104	0,5042581
PROX2	3,50	2,04	1,422846	1,432049	0,15213	NA
RPS26	1132,66	-0,52	0,360968	-1,4319	0,152172	0,5043922
APIP	240,30	0,81	0,562922	1,431754	0,152214	0,5044327
ZNF107	94,63	-1,39	0,970244	-1,43167	0,152238	0,5044327
AF241726.4	2,43	2,07	1,448757	1,431535	0,152277	NA
DRAP1	549,31	0,41	0,288238	1,431527	0,152279	0,5044796
FAM63A	157,19	1,28	0,893845	1,431383	0,152321	0,5045263
VPRBP	181,25	-1,28	0,897428	-1,43119	0,152375	0,504571
NDUFA10	1099,34	0,48	0,336541	1,431127	0,152394	0,504571
RP11-110J1.5	15,42	3,30	2,303801	1,431017	0,152425	0,504571
TYW1B	79,62	-2,05	1,43135	-1,43096	0,152443	0,504571
FBXL22	1,29	-2,28	1,593191	-1,43092	0,152454	NA
POF1B	22,71	-1,75	1,221522	-1,43064	0,152533	0,5047799
ADAM33	6,15	-1,47	1,024703	-1,43017	0,152669	0,5051416
SEPT14	16,34	-1,32	0,926065	-1,42996	0,152729	0,5052266
TRAPPC3L	120,27	-1,04	0,724068	-1,42989	0,152749	0,5052266

RP11-430H10.2	7,36	-1,59	1,114467	-1,42943	0,152882	0,5055097
RP11-15G8.1	19,50	-0,88	0,61701	-1,4294	0,152889	0,5055097
CYP2C19	4,52	2,27	1,585625	1,429069	0,152984	0,5057348
RP1-138B7.5	1,66	3,35	2,34477	1,429013	0,153	NA
CEP250	385,90	-1,35	0,94225	-1,42894	0,153021	0,5057653
LSM6	296,43	0,48	0,333592	1,428599	0,15312	0,5060019
RP11-259P1.1	3,21	4,31	3,018853	1,428472	0,153156	NA
ITGA7	41,01	-3,41	2,386278	-1,42832	0,153199	0,5061732
PIP4K2A	1725,12	0,40	0,276726	1,427969	0,153301	0,5064204
AC062028.1	1,42	-1,78	1,244154	-1,42793	0,153313	NA
RPS2L1	0,81	1,69	1,180742	1,427652	0,153392	NA
RP11-120K9.2	6,58	-2,21	1,545656	-1,42729	0,153496	0,5069742
TBX18	1,32	-5,21	3,651313	-1,42669	0,153669	NA
PPP2R5E	567,89	0,67	0,470706	1,426681	0,153672	0,5074208
ZBTB17	200,09	-0,94	0,655477	-1,42663	0,153685	0,5074208
IFNAR1	543,77	0,90	0,628125	1,426476	0,153731	0,5074817
LINC00547	128,07	-0,76	0,531619	-1,42612	0,153833	0,5077289
AC139099.3	0,63	-2,43	1,700912	-1,42582	0,153919	NA
PARP2	61,92	-1,11	0,781702	-1,42582	0,15392	0,5079238
ENC1	139,40	1,23	0,862235	1,425682	0,15396	0,5079677
LINC00581	3,13	-1,10	0,771226	-1,42555	0,153998	NA
RUSC1	117,63	-1,38	0,968848	-1,42554	0,154002	0,5080151
RP11-546M21.6	3,39	-1,16	0,817289	-1,42526	0,154081	NA
AC096921.2	7,76	5,02	3,522212	1,42521	0,154097	0,5082372
RP11-65L19.4	2,72	-1,30	0,909416	-1,42511	0,154127	NA
RP11-560A15.3	1,35	1,86	1,302219	1,425082	0,154133	NA
TTLL4	297,40	1,15	0,80684	1,424573	0,154281	0,5087545
RP11-544A12.8	63,70	1,22	0,8577	1,424135	0,154407	0,5090823
RPS3AP34	11,76	3,40	2,385239	1,423941	0,154464	0,509177
RP5-1153D9.5	3,26	-1,59	1,114678	-1,42372	0,154528	NA
CTD-2127H9.1	24,94	-2,11	1,482526	-1,42353	0,154584	0,5094832
OSR2	6,00	3,87	2,721866	1,423278	0,154655	0,509629
LINC00092	15,33	-1,79	1,257185	-1,42314	0,154696	0,5096714
PRPS1	109,32	-1,14	0,801721	-1,42299	0,154738	0,5097213
RP11-643M14.1	0,83	-3,14	2,203806	-1,42293	0,154756	NA
PTGER3	9,15	3,34	2,350331	1,422862	0,154776	0,5097563
SLC24A1	157,34	1,33	0,938	1,422758	0,154806	0,5097645
SON	2743,38	-0,33	0,2325	-1,42249	0,154884	0,5099063
SEMA6D	50,47	-2,35	1,651736	-1,42236	0,154923	0,5099063
RPS6KA1	1145,67	0,55	0,384044	1,422327	0,154931	0,5099063
CTD-2287O16.1	0,90	2,50	1,757503	1,422121	0,154991	NA
NLRC4	126,43	-1,28	0,902885	-1,42198	0,155033	0,5099617
RP11-374P20.5	59,96	-1,39	0,978068	-1,42196	0,155039	0,5099617
GTDC1	58,34	1,24	0,874052	1,421916	0,155051	0,5099617
RP11-506N2.1	60,47	-1,31	0,922	-1,42183	0,155077	0,5099617
KIAA0922	686,46	0,74	0,520573	1,421796	0,155085	0,5099617
CNPY1	1,86	-2,05	1,443672	-1,42168	0,155119	NA
G2E3	152,05	-0,59	0,413656	-1,42131	0,155226	0,5101761
RP11-783K16.14	1,30	-3,31	2,330336	-1,4213	0,155229	NA
COX6B2	24,73	-0,94	0,664573	-1,42127	0,155239	0,5101761

IMMP1L	60,61	1,46	1,02818	1,421241	0,155247	0,5101761
GAS7	696,24	-0,72	0,506615	-1,42116	0,15527	0,5101761
EMSY	207,60	1,04	0,729658	1,4211	0,155288	0,5101761
RP11-136H19.1	7,42	1,54	1,085821	1,420661	0,155415	0,5105056
MIIP	278,32	-0,76	0,536355	-1,42043	0,155483	0,5106379
SERPINF2	18,32	1,58	1,112989	1,420114	0,155575	0,5108481
KIFC2	10,33	3,26	2,297595	1,419755	0,155679	0,5111006
DPEP2	315,86	0,82	0,579999	1,419449	0,155768	0,5112527
KHDC1	16,26	-1,09	0,76455	-1,41925	0,155826	0,5112527
CTC-241N9.1	1,61	3,31	2,333655	1,419179	0,155847	NA
AC104024.1	4,82	-1,20	0,847657	-1,41916	0,155852	0,5112527
RP11-10E18.6	11,39	-1,76	1,23967	-1,41913	0,155862	0,5112527
NRXN1	263,95	-1,91	1,348898	-1,41894	0,155917	0,5112527
RP11-42O15.3	5,62	-1,10	0,778478	-1,4188	0,155956	0,5112527
AC008985.1	29,32	-1,24	0,875478	-1,41879	0,155961	0,5112527
ZNF786	26,17	1,44	1,016997	1,418786	0,155961	0,5112527
AC015922.6	3,66	-2,13	1,500381	-1,41874	0,155975	NA
KAT2B	300,58	1,00	0,703585	1,418714	0,155982	0,5112527
RP1-56L9.7	17,72	1,11	0,782972	1,418653	0,156	0,5112527
CTD-2545M3.2	33,72	-0,83	0,583546	-1,41846	0,156057	0,5112806
PLGRKT	136,22	1,17	0,82199	1,418436	0,156064	0,5112806
CPT1A	513,82	0,79	0,558763	1,418316	0,156099	0,5113055
TAF9B	164,63	-0,82	0,577432	-1,41793	0,156211	0,5115825
GPKOW	94,33	-1,77	1,252058	-1,41764	0,156296	0,5116184
ENY2	815,23	-0,37	0,261039	-1,41751	0,156334	0,5116184
RP11-272L14.3	14,54	1,59	1,123407	1,417485	0,156341	0,5116184
P2RX4	470,58	-0,63	0,446491	-1,41744	0,156353	0,5116184
RP11-513I15.6	630,81	1,10	0,776492	1,417397	0,156367	0,5116184
ARMC7	96,42	1,56	1,103926	1,417329	0,156387	0,5116184
RP11-419C5.1	146,11	1,19	0,839624	1,416776	0,156548	0,5119911
NDUFA12	795,09	0,41	0,287125	1,416751	0,156556	0,5119911
EIF4H	1516,16	0,52	0,364237	1,416565	0,15661	0,5120791
WFDC3	6,98	-2,27	1,601524	-1,41636	0,156671	0,5121615
STAT4	59,17	-1,38	0,97441	-1,41605	0,156762	0,5121615
RP11-29H23.4	4,40	4,77	3,372092	1,415978	0,156782	0,5121615
ABCA7	515,51	-0,58	0,408822	-1,41594	0,156794	0,5121615
SMIM4	64,18	-0,90	0,632225	-1,4159	0,156804	0,5121615
SERF1A	18,40	-1,62	1,144689	-1,41583	0,156825	0,5121615
RP11-182L21.6	46,78	1,27	0,899781	1,415821	0,156828	0,5121615
RP11-778D9.8	4,79	-1,47	1,04089	-1,41565	0,156877	0,5122331
SCN2B	10,25	-1,26	0,892621	-1,4152	0,157009	0,5125186
ILKAP	436,46	-0,70	0,494051	-1,41517	0,15702	0,5125186
RP5-1050D4.3	11,65	-1,08	0,761777	-1,41488	0,157104	0,5127023
AGK	202,61	-1,40	0,986688	-1,41456	0,157196	0,5129147
AP000688.11	0,81	-3,45	2,43611	-1,41453	0,157207	NA
RP11-449P15.2	48,83	-1,24	0,877212	-1,41436	0,157255	0,5129944
RBKS	76,69	-0,94	0,666992	-1,41429	0,157276	0,5129944
POPDC2	5,19	2,14	1,511505	1,413895	0,157393	0,5132855
CTD-2073O6.1	0,48	-1,93	1,363941	-1,4137	0,15745	NA
CTDSP1	699,46	-0,57	0,400605	-1,41328	0,157573	0,5136232

IER3	435,62	-1,07	0,757998	-1,41327	0,157576	0,5136232
RP11-550P23.3	7,46	-1,16	0,823365	-1,4131	0,157628	0,5136232
SNORA12	5,32	-1,29	0,910966	-1,41307	0,157634	0,5136232
SDF4	167,81	-0,90	0,640234	-1,41307	0,157634	0,5136232
RP11-251P6.1	1,29	-1,56	1,104947	-1,41292	0,15768	NA
CARHSP1	135,30	-0,93	0,658232	-1,41288	0,15769	0,5136923
PAQR8	196,38	-1,03	0,731946	-1,41281	0,157711	0,5136923
CTC-527H23.2	1,28	-5,15	3,645331	-1,41214	0,157909	NA
CMP21-T1230.1	5,41	-1,48	1,04881	-1,41209	0,157923	0,5142286
IFT27	171,16	0,80	0,565941	1,412065	0,157931	0,5142286
C4orf36	1,88	2,71	1,917981	1,411814	0,158005	NA
PLPP7	7,98	-1,32	0,935096	-1,41172	0,158034	0,5144732
DDHD2	154,53	1,03	0,733052	1,411515	0,158093	0,5145759
PLEKHH3	17,56	1,45	1,030785	1,411106	0,158213	0,5148783
TTYH3	146,12	0,65	0,461865	1,410804	0,158303	0,5149576
RP13-104F24.3	188,14	1,19	0,846809	1,410801	0,158303	0,5149576
RP1-298J18.1	4,10	-0,93	0,661004	-1,41074	0,158321	0,5149576
MROH7-TTC4	0,58	-2,94	2,085405	-1,41067	0,158342	NA
PRDX4	230,41	-1,14	0,808502	-1,4105	0,158391	0,515096
POP4	391,77	0,91	0,641978	1,410202	0,15848	0,5152958
EVPL	3,77	-2,34	1,661951	-1,41009	0,158515	0,5153053
SCAI	75,95	-1,03	0,727832	-1,41	0,158538	0,5153053
TRIM68	5,39	1,58	1,122776	1,409832	0,158589	0,5153806
RP11-195B3.1	1,77	3,45	2,446969	1,409413	0,158713	NA
CTC-543D15.1	1,89	-1,37	0,973358	-1,40933	0,158736	NA
NUGGC	38,64	-0,92	0,651959	-1,40918	0,158781	0,5159141
RP6-159A1.4	267,30	-1,07	0,757506	-1,40907	0,158815	0,5159324
ULK2	235,83	-0,99	0,70033	-1,40871	0,15892	0,5161019
MYL6	15134,78	-0,22	0,153348	-1,40863	0,158944	0,5161019
KIF14	30,74	-1,39	0,988805	-1,40858	0,158959	0,5161019
RPL9	7166,92	-0,31	0,21761	-1,40852	0,158978	0,5161019
LEMD3	227,97	-0,90	0,638106	-1,40817	0,159081	0,5163459
RP11-16E18.3	8,68	2,90	2,057884	1,407733	0,15921	0,5165259
FKBP6	7,07	-4,42	3,140414	-1,40769	0,159222	0,5165259
PRKY	252,89	-1,97	1,396157	-1,40747	0,159289	0,5165259
RP11-293M10.6	11,38	1,55	1,100825	1,407385	0,159313	0,5165259
RP11-626G11.1	9,18	-1,43	1,015798	-1,40733	0,159329	0,5165259
RP11-266L9.2	44,31	-1,56	1,107713	-1,40726	0,159352	0,5165259
KLF10	1195,92	0,49	0,349338	1,407243	0,159355	0,5165259
RP1-228H13.2	10,67	2,04	1,452739	1,407101	0,159398	0,5165259
RNU6-469P	3,12	2,39	1,698552	1,407044	0,159414	NA
RP4-669L17.8	2,92	4,18	2,971878	1,406965	0,159438	NA
FLI1	511,59	0,60	0,424086	1,406791	0,159489	0,5165259
ZFR	1051,68	0,71	0,501891	1,406736	0,159506	0,5165259
C9orf147	70,10	1,21	0,861147	1,4067	0,159516	0,5165259
RP11-930O11.2	15,15	-2,27	1,612704	-1,40665	0,159532	0,5165259
RP11-302M6.5	4,37	4,76	3,385453	1,406601	0,159546	0,5165259
NPAP1	58,61	-0,70	0,501039	-1,40653	0,159566	0,5165259
VPS13A	253,38	-1,11	0,786962	-1,40652	0,159569	0,5165259
DDRGK1	264,92	-0,72	0,510335	-1,40639	0,159608	0,5165259

RP11-637O19.2	3,13	1,45	1,031357	1,406206	0,159663	NA
LIF	2,28	3,82	2,716194	1,406134	0,159684	NA
ATG9A	275,68	-1,24	0,881792	-1,4061	0,159694	0,5165259
RP5-1049G16.4	5,19	3,85	2,736207	1,405989	0,159727	0,5165259
RBM14	357,44	-0,62	0,442006	-1,40591	0,159752	0,5165259
OSBPL1A	190,88	-1,00	0,711256	-1,40585	0,15977	0,5165259
RP11-305O6.4	22,67	1,61	1,147291	1,405634	0,159833	0,5165259
FAM181B	10,29	1,65	1,173002	1,405565	0,159853	0,5165259
RP11-806J6.1	3,76	2,12	1,508635	1,405429	0,159894	NA
IQCC	9,76	-0,92	0,656695	-1,40542	0,159896	0,5165259
RP11-73M11.3	4,52	-1,36	0,965693	-1,40542	0,159897	0,5165259
DUS2	135,64	-1,36	0,965589	-1,40529	0,159934	0,5165259
RP11-165M1.1	17,82	1,40	0,999755	1,405231	0,159952	0,5165259
SEPHS1	182,13	1,10	0,77941	1,405133	0,159982	0,5165259
STXBP2	922,21	-0,46	0,330267	-1,40491	0,160047	0,5165259
B3GNTL1	144,32	1,00	0,709934	1,404907	0,160049	0,5165259
RN7SL791P	9,36	2,21	1,569895	1,40484	0,160069	0,5165259
AC010127.5	19,00	3,01	2,142226	1,404838	0,16007	0,5165259
PPP1R16A	103,01	1,13	0,804585	1,404831	0,160071	0,5165259
PRR26	5,42	-2,63	1,87205	-1,40479	0,160085	0,5165259
RP11-305L7.7	24,96	-1,21	0,859319	-1,40475	0,160095	0,5165259
IMPA1	87,01	1,15	0,821572	1,404684	0,160115	0,5165259
AL591893.1	91,76	-0,90	0,641488	-1,40456	0,160152	0,5165259
EFNA4	42,80	-2,42	1,722813	-1,40452	0,160163	0,5165259
MOB3C	49,36	1,91	1,358661	1,404369	0,160209	0,5165549
RP11-2B6.2	25,48	2,69	1,914448	1,404302	0,160229	0,5165549
RP5-916O11.2	12,81	-1,67	1,192147	-1,40421	0,160256	0,5165549
PPIAP9	1,22	2,23	1,591537	1,40401	0,160316	NA
HSPA12B	4,93	4,36	3,102456	1,40394	0,160337	0,5167232
RP4-569M23.4	6,01	5,23	3,722202	1,403851	0,160363	0,5167232
AC114730.2	1,65	2,12	1,511624	1,403661	0,16042	NA
TRAIP	2,22	3,82	2,72267	1,403365	0,160508	NA
C19orf70	586,12	-0,45	0,322038	-1,40332	0,16052	0,5167828
LIPG	115,05	-0,75	0,531228	-1,40327	0,160535	0,5167828
NAGK	2018,06	-0,37	0,262648	-1,40316	0,16057	0,5167828
TMEM209	73,52	0,94	0,672765	1,40315	0,160572	0,5167828
ZNF174	16,26	2,43	1,734955	1,403069	0,160596	0,5167828
CTD-3222D19.4	20,83	-1,46	1,039353	-1,40304	0,160604	0,5167828
SLC2A13	21,66	1,56	1,114787	1,403018	0,160612	0,5167828
BTN3A1	535,70	-0,83	0,59154	-1,40301	0,160613	0,5167828
DGAT1	636,91	-0,66	0,472915	-1,40295	0,160632	0,5167828
RP5-857K21.11	54,47	-0,55	0,393168	-1,40275	0,160691	0,5168839
CCDC191	56,97	-1,34	0,952412	-1,40265	0,16072	0,5168869
FAM46C	90,44	1,64	1,168997	1,402297	0,160827	0,5169888
TIPARP	754,65	0,92	0,654197	1,402283	0,160831	0,5169888
TARDBP	1106,78	-0,47	0,334675	-1,40227	0,160835	0,5169888
RP11-23J9.5	4,88	-3,13	2,22936	-1,40214	0,160874	0,5170239
CTB-55O6.12	146,77	-1,29	0,92271	-1,40204	0,160904	0,5170322
CGREF1	1,13	-2,43	1,731394	-1,40172	0,160998	NA
SNX1	721,78	-0,67	0,475722	-1,40171	0,161002	0,5172588

CCPG1	482,98	-0,65	0,460836	-1,40161	0,161032	0,5172638
ARL4A	863,36	0,64	0,456202	1,401352	0,161109	0,5174229
IL6R	2127,93	0,33	0,236321	1,401158	0,161167	0,5174576
RP11-546D6.3	24,43	-2,37	1,689701	-1,40113	0,161175	0,5174576
C11orf68	81,85	1,52	1,081637	1,400989	0,161217	0,5175033
LRRFIP2	435,33	-0,68	0,485527	-1,40055	0,161347	0,5178313
RP11-118B22.2	11,85	1,71	1,219298	1,40029	0,161427	0,517996
RP11-160C18.2	1,92	-3,25	2,319699	-1,40028	0,161429	NA
RP11-178L8.8	1,34	3,05	2,181102	1,400016	0,161509	NA
FUK	90,51	-0,91	0,649728	-1,40002	0,161509	0,517996
SNAI1	65,77	1,98	1,41333	1,399823	0,161566	0,517996
KRI1	222,59	-0,72	0,516147	-1,39976	0,161585	0,517996
DNAJC25	93,79	1,10	0,785027	1,3997	0,161603	0,517996
RP11-546O6.4	27,63	-1,44	1,030428	-1,39967	0,161612	0,517996
RP1-101G11.3	24,32	-0,88	0,632264	-1,39966	0,161616	0,517996
CLYBL	34,50	-2,08	1,487168	-1,39958	0,16164	0,517996
RP11-269F19.2	1,61	3,30	2,354984	1,399533	0,161653	NA
MUC6	27,08	-2,97	2,12525	-1,39948	0,16167	0,517996
CYP2D7P1	36,21	2,13	1,519971	1,399453	0,161677	0,517996
FBLIM1	21,32	-1,25	0,895289	-1,39935	0,161707	0,518004
DLGAP1	27,90	-1,39	0,990048	-1,39915	0,161768	0,5181084
PLIN4	2,99	4,21	3,009946	1,399122	0,161777	NA
JAGN1	233,83	1,10	0,788717	1,398228	0,162045	0,5187566
ZDHHC20	422,34	-0,94	0,669329	-1,39819	0,162056	0,5187566
MAPK9	201,12	-1,29	0,922472	-1,39801	0,16211	0,5187566
DHRS9	213,89	1,54	1,099305	1,397986	0,162117	0,5187566
ARL5B	472,82	0,90	0,642746	1,39798	0,162119	0,5187566
RP1-301L19.1	1,20	-5,10	3,649217	-1,39796	0,162125	NA
RP11-513O17.3	2,68	-1,82	1,300255	-1,39793	0,162136	NA
GDPD3	16,14	-1,83	1,309932	-1,39782	0,162166	0,5187566
CTC-205M6.2	35,71	1,57	1,124662	1,397779	0,162179	0,5187566
LTBP4	106,05	1,00	0,718158	1,397459	0,162276	0,5187566
HNRNPAB	247,06	0,75	0,539658	1,397178	0,16236	0,5187566
NANOGP4	7,28	3,65	2,613314	1,39711	0,162381	0,5187566
CTB-43P18.1	101,28	-1,01	0,721441	-1,39709	0,162388	0,5187566
CTD-2313J17.1	12,15	1,77	1,264807	1,397085	0,162388	0,5187566
NPM1	3917,55	0,37	0,265598	1,396703	0,162503	0,5187566
NDUFC1	278,95	-0,56	0,402261	-1,3967	0,162503	0,5187566
NUP160	256,18	0,91	0,655052	1,39666	0,162516	0,5187566
PRKCDBP	120,05	-1,58	1,133334	-1,39666	0,162516	0,5187566
ATP10D	284,96	0,83	0,592173	1,396605	0,162532	0,5187566
CTA-797E19.1	30,44	2,84	2,030629	1,396568	0,162544	0,5187566
POLR1C	334,20	1,09	0,779035	1,396567	0,162544	0,5187566
TMEM87B	213,45	-0,91	0,652544	-1,39656	0,162547	0,5187566
GDPD1	42,79	1,37	0,978997	1,396527	0,162556	0,5187566
RP11-863P13.3	40,80	0,99	0,708061	1,396396	0,162595	0,5187939
PEX5L	5,10	-1,84	1,316281	-1,39627	0,162633	0,5188246
ATP6V0D1	2619,58	-0,42	0,299322	-1,39617	0,162664	0,5188357
RNF165	8,25	-1,23	0,882127	-1,39599	0,162719	0,5189201
RP11-225N10.1	9,77	-1,94	1,387324	-1,39585	0,162761	0,5189663

RP11-876K22.2	3,96	-4,25	3,043677	-1,39572	0,1628	0,5190014
RP5-1044O17.1	22,48	-0,78	0,561124	-1,39544	0,162883	0,5191565
RP11-212P7.1	0,87	2,43	1,738949	1,395371	0,162904	NA
DCAF11	515,36	-0,66	0,473789	-1,39537	0,162904	0,5191565
CTD-2267D19.3	2,95	4,19	3,006442	1,395212	0,162952	NA
RPS27A	5812,55	-0,28	0,199443	-1,3952	0,162957	0,5191891
RP11-687F6.5	2,86	-1,84	1,320433	-1,39515	0,16297	NA
AC074366.3	15,79	0,97	0,697679	1,395151	0,16297	0,5191891
RSF1	847,96	-0,56	0,403618	-1,39477	0,163085	0,5193941
RP11-722G7.1	9,04	-1,12	0,80454	-1,39475	0,163091	0,5193941
RP11-56N19.5	3,20	-1,26	0,900036	-1,39457	0,163145	NA
TRIM39	124,47	1,21	0,867514	1,39451	0,163164	0,5195377
ARHGEF18	130,36	-1,18	0,843594	-1,39441	0,163194	0,5195455
RP11-124A7.2	1,57	-1,78	1,277032	-1,39406	0,1633	NA
DSTN	359,16	0,69	0,492539	1,394048	0,163303	0,5196893
RP11-348A11.5	20,09	-3,10	2,226134	-1,394	0,163318	0,5196893
AAED1	309,45	0,95	0,678018	1,393982	0,163323	0,5196893
RN7SL774P	5,65	1,33	0,954076	1,393855	0,163361	0,5197227
ATP6V0A4	1,14	-3,56	2,556603	-1,39367	0,163418	NA
NFKBIA	14027,17	0,40	0,287719	1,393665	0,163419	0,5198167
CTC-467M3.1	2,83	-2,85	2,042795	-1,39363	0,163429	NA
AC083875.2	1,38	-4,55	3,261871	-1,39356	0,16345	NA
PMS2L1	56,67	-1,54	1,103354	-1,39339	0,163502	0,5199058
COPS4	424,31	-0,97	0,693254	-1,39324	0,163546	0,5199058
RP11-112L7.1	6,97	-1,03	0,738044	-1,39314	0,163577	0,5199058
RP11-32P22.1	2,05	3,66	2,630251	1,393055	0,163603	NA
RPL26	3403,97	-0,25	0,181779	-1,39299	0,163622	0,5199058
RP5-898J17.1	7,67	-2,27	1,628016	-1,39297	0,16363	0,5199058
SPDYE3	14,68	1,31	0,941765	1,392933	0,16364	0,5199058
MEST	18,70	-1,92	1,376488	-1,39293	0,163642	0,5199058
POM121L9P	2,06	-3,42	2,459361	-1,39245	0,163787	NA
GLT1D1	14,84	-2,35	1,68576	-1,39235	0,163816	0,5203676
RTN4RL2	3,03	4,10	2,946845	1,392289	0,163835	NA
RTFDC1	964,94	0,58	0,419734	1,39204	0,16391	0,5204404
MGC2752	13,06	-2,04	1,468257	-1,39196	0,163935	0,5204404
PRELID3B	496,08	0,64	0,460994	1,391939	0,163941	0,5204404
ZDHHC23	4,11	3,43	2,465676	1,391907	0,163951	0,5204404
GALNT1	801,91	0,68	0,485955	1,391672	0,164022	0,5204881
IZUMO2	4,20	-1,28	0,92102	-1,3916	0,164043	0,5204881
AK3	152,88	-1,11	0,79428	-1,39158	0,16405	0,5204881
RP5-828H9.3	3,50	-2,00	1,439678	-1,39144	0,164091	NA
AP003419.16	21,93	-1,22	0,88035	-1,3914	0,164105	0,5205564
SNRPD1	636,36	-0,47	0,336067	-1,39127	0,164143	0,5205564
RP11-219A15.1	6,41	-2,86	2,05587	-1,39123	0,164155	0,5205564
HIST1H2BH	2,09	3,70	2,657721	1,391157	0,164178	NA
ALDH1B1	29,85	1,19	0,857656	1,390946	0,164242	0,520699
NSF	451,12	0,83	0,598924	1,390815	0,164282	0,520699
RP11-659E9.2	5,57	-1,00	0,719461	-1,39081	0,164284	0,520699
NDUFAF1	126,85	1,47	1,057603	1,39061	0,164344	0,5207226
NAP1L5	3,94	2,48	1,785263	1,390598	0,164347	0,5207226

FBXO16	10,68	-1,33	0,959171	-1,3901	0,164498	0,5210646
CLLU1	6,66	1,67	1,199738	1,390058	0,164511	0,5210646
MAPK8IP2	9,14	-0,93	0,667794	-1,38996	0,164541	0,5210711
CTA-392E5.1	0,91	-4,48	3,221479	-1,38981	0,164587	NA
MARVELD1	364,29	-0,74	0,530498	-1,38968	0,164625	0,5211288
RP11-804N13.1	1,80	2,88	2,073801	1,38966	0,164632	NA
MMAA	67,39	1,78	1,281679	1,389627	0,164642	0,5211288
PDIA5	35,51	1,56	1,125084	1,389622	0,164644	0,5211288
KIZ	119,10	1,53	1,104431	1,389199	0,164772	0,5213768
STK17B	5229,85	0,31	0,223037	1,38918	0,164778	0,5213768
UBR4	1023,58	-0,45	0,327371	-1,38906	0,164814	0,5214028
RPLP1P11	1,52	3,24	2,333343	1,388747	0,16491	NA
XRCC4	101,43	-1,17	0,845637	-1,38862	0,164948	0,5217358
SMIM22	6,64	-1,40	1,006692	-1,38832	0,16504	0,5218722
PCDH9	56,41	-0,91	0,657476	-1,38825	0,16506	0,5218722
CCDC81	6,58	-1,09	0,787151	-1,38818	0,165083	0,5218722
CTD-2258A20.5	0,71	-3,80	2,734519	-1,38816	0,16509	NA
CTC-564N23.2	2,61	3,43	2,471393	1,388083	0,165112	NA
CTB-50L17.9	2,46	-2,68	1,930862	-1,38807	0,165115	NA
CCND2	760,25	-0,95	0,682607	-1,38778	0,165205	0,5218722
HMG20B	230,59	-0,73	0,526817	-1,38774	0,165215	0,5218722
CTD-2553L13.5	41,71	1,00	0,719653	1,387741	0,165216	0,5218722
AC116366.7	60,85	2,35	1,69561	1,387704	0,165227	0,5218722
UHRF1BP1	273,76	-1,15	0,831401	-1,38756	0,16527	0,5218722
LAMC1	2,49	3,84	2,768322	1,387558	0,165272	NA
NDN	11,46	2,46	1,770639	1,387528	0,165281	0,5218722
CTC-490E21.14	15,51	-1,56	1,125971	-1,38745	0,165304	0,5218722
IQGAP1	3983,89	-0,28	0,204778	-1,3874	0,165319	0,5218722
ATPAF1	192,79	1,22	0,882027	1,387375	0,165327	0,5218722
RP5-1069C8.2	189,38	-0,84	0,604174	-1,38718	0,165385	0,521967
RP11-255M2.3	14,51	-1,75	1,263348	-1,38696	0,165454	0,5220318
TNFAIP1	51,94	1,43	1,03446	1,386933	0,165462	0,5220318
CTD-2547E10.2	682,07	0,68	0,489872	1,386764	0,165514	0,5221061
ARHGAP19-SLIT1	45,27	-2,41	1,741211	-1,38665	0,165549	0,5221293
RNU6-20P	0,65	-2,69	1,941515	-1,38659	0,165568	NA
FOXN1	1,16	-5,06	3,64908	-1,3865	0,165596	NA
B3GNT4	9,23	2,65	1,908233	1,386383	0,16563	0,5222157
YBX1	3192,00	0,22	0,158429	1,386374	0,165633	0,5222157
LINC01176	61,31	-1,74	1,251728	-1,38622	0,165679	0,5222725
SPAM1	0,92	-4,42	3,186638	-1,38608	0,165722	NA
CHI3L2	32,02	1,11	0,8031	1,385724	0,165831	0,5225321
RN7SL310P	1,09	2,78	2,006449	1,385702	0,165838	NA
SNORD104	8,05	-0,86	0,623752	-1,38565	0,165853	0,5225321
KLHL32	11,02	-3,75	2,706719	-1,38559	0,165871	0,5225321
MAGEA10	13,54	-1,52	1,100569	-1,38558	0,165874	0,5225321
METTL7A	399,83	-0,48	0,34437	-1,38549	0,165901	0,5225321
PDZD8	434,50	0,94	0,677556	1,38532	0,165955	0,5226109
SHOC2	574,20	-0,53	0,382193	-1,38521	0,165987	0,5226247
PKD1	55,52	-1,37	0,989743	-1,38487	0,166093	0,5228711
RN7SL523P	0,78	2,29	1,652707	1,384724	0,166137	NA

RP1-40E16.2	4,90	-0,98	0,706527	-1,3846	0,166174	0,5230368
CSE1L	226,97	0,82	0,594168	1,384488	0,166209	0,5230581
MAEL	2,37	-1,98	1,432661	-1,38445	0,166222	NA
AC107081.5	19,74	1,41	1,020203	1,384387	0,16624	0,5230674
SLC5A3	217,38	-1,32	0,953957	-1,38409	0,16633	0,5231632
CD6	73,32	-0,90	0,648124	-1,38402	0,166351	0,5231632
ZGPAT	249,48	1,15	0,828929	1,383982	0,166364	0,5231632
CTD-3037G24.4	8,87	-2,29	1,657182	-1,38392	0,166383	0,5231632
RP11-246A10.1	16,71	1,36	0,984254	1,383713	0,166446	0,5232289
RP11-80H18.3	94,94	1,42	1,027852	1,383642	0,166468	0,5232289
IL16	977,12	0,64	0,465605	1,383501	0,166511	0,5232289
RP11-163O17.1	553,86	0,61	0,439067	1,383484	0,166516	0,5232289
TRAPPC5	1859,26	-0,33	0,236656	-1,38319	0,166607	0,5232456
SLC36A3	2,49	1,53	1,106689	1,383145	0,16662	NA
ITIH5	35,74	-1,03	0,745453	-1,38314	0,166623	0,5232456
MCAT	162,75	1,52	1,098412	1,383124	0,166627	0,5232456
PRELP	19,50	-0,98	0,707833	-1,3831	0,166634	0,5232456
RNU1-13P	3,69	2,83	2,04906	1,382826	0,166718	NA
RP11-671J11.7	9,74	-1,06	0,764983	-1,38258	0,166793	0,5236531
AC004878.2	7,90	-1,53	1,109158	-1,38249	0,16682	0,5236531
CCDC71	5,06	4,39	3,173461	1,382164	0,166921	0,5238815
RP11-67B16.1	3,57	1,76	1,274111	1,38198	0,166978	NA
ZNF485	12,50	1,89	1,365424	1,381909	0,166999	0,5240387
ATP10B	19,55	-0,94	0,6817	-1,3818	0,167032	0,5240511
PTPN1	601,06	0,64	0,460981	1,38151	0,167122	0,5242468
MIR4637	3,59	3,88	2,809385	1,381479	0,167132	NA
RNU6-298P	0,87	-2,54	1,837645	-1,38136	0,167167	NA
RP13-452N2.1	18,20	-1,06	0,766628	-1,38133	0,167176	0,5242842
AUNIP	6,02	-1,25	0,901761	-1,3812	0,167218	0,5242842
H2AFZ	2216,21	0,43	0,309899	1,381196	0,167219	0,5242842
AC144530.1	9,53	1,39	1,003168	1,380887	0,167314	0,5244439
LILRB5	8,49	1,17	0,849312	1,380847	0,167326	0,5244439
RN7SL296P	1,36	-1,90	1,375538	-1,38077	0,167351	NA
OTUD1	836,46	0,63	0,45638	1,38051	0,16743	0,5246804
RP11-51F16.1	59,06	1,11	0,807532	1,380077	0,167563	0,5250099
MMEL1	3,44	3,55	2,573268	1,380059	0,167568	NA
MRTO4	199,75	0,91	0,66312	1,379826	0,16764	0,5251128
RP5-892K4.1	17,65	-0,98	0,708911	-1,37979	0,167652	0,5251128
RP11-579D7.2	0,74	-2,97	2,151382	-1,37955	0,167726	NA
RP11-168O16.1	4,17	1,72	1,249527	1,379232	0,167823	0,5255602
OR5BA1P	8,58	-1,26	0,916384	-1,37858	0,168023	0,5260346
MIR326	4,07	-2,49	1,809318	-1,37846	0,168062	0,5260346
WDR25	78,56	-1,39	1,011667	-1,37818	0,168148	0,5260346
RP11-624G17.3	3,72	2,42	1,753919	1,378171	0,168151	NA
RNU2-1	128,24	-0,55	0,396792	-1,37812	0,168166	0,5260346
CTD-2012K14.6	2,66	3,50	2,539529	1,378091	0,168175	NA
RP11-734K2.4	29,12	-1,25	0,906039	-1,37798	0,16821	0,5260346
SPRTN	94,02	-1,16	0,843007	-1,37798	0,168211	0,5260346
BECN1	703,04	0,82	0,597061	1,377934	0,168224	0,5260346
HNRPA1L-2	1,33	1,83	1,326111	1,377914	0,16823	NA

TMEM69	244,54	1,27	0,918791	1,377739	0,168284	0,5260346
RPL39P26	3,88	4,60	3,335623	1,37769	0,168299	0,5260346
INPP4B	58,74	-1,67	1,215254	-1,37769	0,1683	0,5260346
RP11-946L16.1	2,82	4,12	2,99369	1,377559	0,16834	NA
KCNIP4-IT1	31,81	-0,94	0,684036	-1,37751	0,168355	0,5260346
RP11-627G18.4	3,41	2,06	1,497953	1,377414	0,168384	NA
CTNBL1	460,06	0,61	0,443732	1,377326	0,168412	0,5260346
RP11-612B6.2	2,01	3,66	2,653791	1,377315	0,168415	NA
PSMD4	1559,36	-0,33	0,241528	-1,37728	0,168425	0,5260346
RP11-749H20.4	1,89	2,92	2,117989	1,377262	0,168431	NA
RP11-461G12.2	1,81	2,87	2,083934	1,377186	0,168455	NA
ZNF425	27,10	-1,16	0,842391	-1,37711	0,168478	0,5260346
WHAMMP2	97,94	0,91	0,659414	1,377103	0,16848	0,5260346
NDRG3	216,90	1,02	0,739415	1,376917	0,168538	0,5260346
NPFF	7,19	-2,40	1,740429	-1,37689	0,168545	0,5260346
RP11-147C23.1	1,17	-5,02	3,646679	-1,37677	0,168582	NA
MRAP2	4,72	1,97	1,433948	1,376619	0,16863	0,5260346
MIR1537	7,49	2,70	1,961592	1,376523	0,16866	0,5260346
RP11-488C13.5	122,43	0,92	0,66931	1,376488	0,168671	0,5260346
CACNA1D	10,66	-1,22	0,888268	-1,37647	0,168676	0,5260346
ACADM	441,06	-0,74	0,534263	-1,3764	0,168697	0,5260346
RP4-655J12.4	9,43	2,01	1,461033	1,37635	0,168713	0,5260346
RP11-875O11.1	6,85	-1,51	1,096392	-1,37624	0,168749	0,5260346
AC093415.4	4,80	1,46	1,063397	1,37618	0,168766	0,5260346
RPL35A	1810,00	-0,32	0,234791	-1,37615	0,168776	0,5260346
ZNF763	64,89	1,59	1,157493	1,376019	0,168816	0,5260346
SMIM13	66,20	-1,31	0,952752	-1,37593	0,168844	0,5260346
AC108463.2	1,98	3,62	2,631519	1,375912	0,168849	NA
SPINT1	579,03	0,57	0,417885	1,375871	0,168861	0,5260346
AC016907.3	118,87	-0,63	0,460887	-1,37577	0,168892	0,5260346
MOG	9,07	-1,69	1,227307	-1,37572	0,168908	0,5260346
RPS15A	2206,54	-0,32	0,234297	-1,3757	0,168913	0,5260346
MRPS24	708,96	0,48	0,346725	1,375613	0,168942	0,5260346
RP11-57A19.2	20,30	-0,76	0,550908	-1,3756	0,168946	0,5260346
PUM2	908,46	0,53	0,38351	1,375538	0,168965	0,5260346
ADCK2	157,87	-1,26	0,914821	-1,37545	0,168993	0,5260346
SDHA	457,66	0,53	0,384684	1,375349	0,169023	0,5260419
RN7SL50P	2,85	-2,50	1,818431	-1,37529	0,169042	NA
RP11-684B2.4	0,75	-2,05	1,493931	-1,3752	0,169071	NA
C16orf54	747,25	0,66	0,476511	1,374954	0,169146	0,5263352
MECOM	91,27	-1,04	0,755351	-1,37435	0,169334	0,5268081
AC006994.2	2,11	3,35	2,433928	1,374343	0,169335	NA
RP11-796A5.4	7,51	-1,96	1,426459	-1,37426	0,169361	0,5268081
PCDH12	31,44	-2,72	1,978048	-1,37413	0,169401	0,5268081
NPC2	2903,03	-0,34	0,244349	-1,3741	0,169411	0,5268081
LRRC37A16P	9,05	1,59	1,156395	1,37388	0,169479	0,5269313
CLASP2	826,68	0,65	0,471557	1,373683	0,16954	0,5270334
RP11-295M3.2	1,04	2,66	1,93594	1,373681	0,169541	NA
ZBED5	410,51	0,84	0,615051	1,373394	0,16963	0,5272246
EFCAB11	119,75	-1,27	0,928408	-1,37311	0,169719	0,5273632

RPS11	10680,76	-0,26	0,190231	-1,37307	0,169731	0,5273632
ART4	1,20	-2,27	1,650581	-1,37286	0,169795	NA
GPM6B	12,27	1,31	0,952488	1,372673	0,169854	0,5276562
KHDRBS2	6,90	3,21	2,335943	1,372439	0,169927	0,5277312
LA16c-306A4.2	5,42	-1,31	0,955094	-1,37235	0,169954	0,5277312
ZBED3-AS1	151,43	-0,85	0,622414	-1,37232	0,169963	0,5277312
RP11-170N16.3	8,20	-1,52	1,106712	-1,37215	0,170016	0,5278069
RP5-821D11.7	65,07	-1,33	0,967668	-1,3719	0,170093	0,5279097
CTD-2015G9.2	5,35	-1,48	1,075408	-1,37177	0,170134	0,5279097
AC004696.2	120,64	1,11	0,812247	1,371773	0,170134	0,5279097
EPOR	71,93	-1,68	1,222564	-1,37147	0,170228	0,5280722
ARL8B	1037,88	0,48	0,348907	1,371422	0,170243	0,5280722
MROH6	123,83	-0,82	0,597565	-1,3705	0,17053	0,5286619
IL1R1	236,81	-1,76	1,282225	-1,37037	0,170572	0,5286619
F5	159,59	-2,63	1,918954	-1,37036	0,170575	0,5286619
WBSCR16	141,81	-1,02	0,742153	-1,37031	0,17059	0,5286619
CFI	58,18	1,20	0,87395	1,370285	0,170598	0,5286619
TMEM9B	670,07	0,61	0,446968	1,370266	0,170604	0,5286619
EGFL6	1,13	-5,00	3,648464	-1,37015	0,170641	NA
VPS35	1392,82	-0,48	0,348675	-1,37011	0,170654	0,5287281
MS4A4A	253,41	-0,76	0,554999	-1,36955	0,170826	0,5291749
PLEKHD1	76,10	-1,17	0,852586	-1,36943	0,170866	0,5292095
MED29	331,17	0,46	0,338924	1,369241	0,170924	0,529288
ATXN10	1019,55	0,63	0,459248	1,369163	0,170948	0,529288
RN7SL132P	4,98	1,67	1,217072	1,368811	0,171058	0,5295409
RAPGEF1	719,15	0,63	0,4578	1,368634	0,171114	0,5296241
CCDC151	10,07	-1,86	1,3621	-1,3684	0,171188	0,5297664
RP11-111M22.2	82,33	-1,29	0,944365	-1,36821	0,171248	0,5298542
ZNF266	439,28	-0,69	0,505575	-1,36812	0,171273	0,5298542
CSF3R	1883,14	-0,32	0,230801	-1,36785	0,171358	0,5300071
ARMC10	238,83	0,82	0,600793	1,367783	0,17138	0,5300071
DOCK2	1393,90	0,42	0,308179	1,367591	0,17144	0,5301057
EEF1DP3	27,21	-2,61	1,909021	-1,36738	0,171508	0,5302262
DCTN2	830,89	-0,63	0,459807	-1,36728	0,171538	0,5302313
AC009495.3	1,62	3,33	2,436834	1,367235	0,171552	NA
RP11-202K23.1	20,76	-2,14	1,567577	-1,36696	0,171636	0,5304478
SH3PXD2A	68,28	1,24	0,907123	1,36657	0,17176	0,5307333
RP11-364F11.1	10,19	-3,66	2,677479	-1,3664	0,171814	0,5307333
RP11-413E1.4	5,45	2,94	2,152321	1,366317	0,17184	0,5307333
RP11-266L9.4	9,63	4,84	3,539833	1,366275	0,171853	0,5307333
SOD2	1980,62	-0,71	0,516686	-1,36622	0,171871	0,5307333
FAM118A	1055,42	-0,73	0,535478	-1,36602	0,171932	0,5307579
RP11-9J18.1	28,99	-1,56	1,143041	-1,36601	0,171936	0,5307579
RSPH10B2	3,01	1,46	1,070992	1,365654	0,172048	NA
RP4-706A16.3	1,46	-1,86	1,361846	-1,36549	0,172098	NA
CTB-129P6.7	57,87	-0,63	0,459112	-1,36547	0,172104	0,5311874
RP11-718D19.1	30,77	0,84	0,613129	1,365353	0,172142	0,5312167
HMBOX1	421,65	0,85	0,623829	1,365218	0,172185	0,5312594
TCEAL9	0,51	-3,19	2,339274	-1,36508	0,172228	NA
EXOSC3	194,55	-0,99	0,725708	-1,36507	0,17223	0,5313123

CLRN1	1,00	-2,26	1,654387	-1,36502	0,172247	NA
XXbac-BPG55C20.5	79,28	1,62	1,188495	1,364755	0,17233	0,5315005
RAB22A	434,47	-0,89	0,652415	-1,36466	0,172361	0,5315005
RP3-425P12.1	13,80	-2,04	1,496444	-1,36459	0,172383	0,5315005
DPYSL2	2482,23	0,40	0,289654	1,36446	0,172423	0,5315005
RP11-131M11.3	23,85	-1,05	0,769936	-1,36442	0,172434	0,5315005
PCYT2	209,56	-1,22	0,890974	-1,36424	0,172493	0,5315925
BOLL	1,82	-1,58	1,160904	-1,36386	0,172612	NA
RP11-51J9.5	69,66	-0,67	0,493069	-1,36373	0,172652	0,5319541
TTLL2	1,21	-2,60	1,906208	-1,36362	0,172686	NA
SPDYE2B	7,67	2,02	1,483044	1,363566	0,172704	0,5319541
RP11-154D17.1	13,18	-1,80	1,31815	-1,36353	0,172716	0,5319541
OR55B1P	13,22	2,05	1,502763	1,363502	0,172724	0,5319541
INE1	5,50	-1,00	0,73026	-1,36327	0,172799	0,532095
RP11-749H20.3	46,76	-0,82	0,600643	-1,36306	0,172864	0,5321641
TEX15	2,66	4,08	2,996404	1,36303	0,172873	NA
MTMR6	584,56	0,81	0,595473	1,363014	0,172878	0,5321641
RP11-478C19.2	2,62	4,02	2,952443	1,362949	0,172899	NA
LRP5	13,34	-3,22	2,362169	-1,36276	0,172957	0,532318
RP11-244H3.1	2,71	4,07	2,988698	1,362567	0,173019	NA
UNC80	64,82	-1,05	0,771613	-1,36253	0,173029	0,5324532
OR1J1	0,61	-2,26	1,661956	-1,3624	0,173071	NA
ZBTB49	32,65	-2,13	1,566958	-1,36237	0,173081	0,5325235
FAM20A	17,66	-1,72	1,263136	-1,36204	0,173187	0,5327613
CD86	2516,02	0,42	0,306431	1,361861	0,173242	0,5328193
CPOX	111,79	-1,59	1,165717	-1,36172	0,173286	0,5328193
RP11-571I18.5	4,46	-2,14	1,573265	-1,3617	0,173292	0,5328193
ADAP2	526,28	-0,70	0,513326	-1,36157	0,173334	0,5328536
CBWD5	611,91	-0,43	0,318124	-1,36149	0,17336	0,5328536
NKIRAS1	53,02	1,30	0,955279	1,361271	0,173428	0,5329746
OR8J3	0,89	-1,91	1,402524	-1,3612	0,17345	NA
RP11-300J18.3	2,36	-2,59	1,905921	-1,36092	0,17354	NA
RPS8	5063,54	-0,32	0,233855	-1,36084	0,173563	0,5332169
ISG15	3929,15	-0,96	0,707029	-1,36084	0,173564	0,5332169
CATSPERB	13,18	0,96	0,702022	1,360528	0,173663	0,5334321
EEF2K	162,52	1,09	0,798002	1,360355	0,173718	0,5334899
MTMR10	484,66	1,03	0,760198	1,360263	0,173747	0,5334899
ZNF682	23,35	1,73	1,271232	1,36011	0,173795	0,5334899
SLC31A1	405,24	-0,59	0,435573	-1,36011	0,173796	0,5334899
XPO4	206,95	1,05	0,775558	1,359671	0,173934	0,5338242
ATP2A1	0,87	-3,74	2,747597	-1,35939	0,174023	NA
ANXA2P2	31,28	0,55	0,405666	1,359149	0,174099	0,5341356
TSEN2	98,81	-1,25	0,917028	-1,35912	0,174107	0,5341356
APP	114,80	-0,80	0,592074	-1,35891	0,174174	0,5341356
FAM198B	286,13	-1,11	0,81482	-1,35886	0,17419	0,5341356
RYR2	30,52	-3,43	2,523564	-1,35883	0,174201	0,5341356
C9orf69	134,42	-1,28	0,943745	-1,35867	0,174253	0,5341356
TMEM35	3,99	1,63	1,200237	1,358652	0,174257	0,5341356
SIT1	6,62	2,18	1,603995	1,358626	0,174265	0,5341356
TVP23C	24,46	1,25	0,91783	1,358395	0,174338	0,5342719

MESDC1	106,63	0,81	0,598031	1,358094	0,174434	0,5344593
REXO1	31,20	-1,36	0,997929	-1,35798	0,174471	0,5344593
BATF2	0,78	-3,75	2,76297	-1,3579	0,174494	NA
DEGS2	15,22	2,92	2,151998	1,357821	0,174521	0,5344593
MED4	379,06	0,73	0,53483	1,357803	0,174526	0,5344593
RP4-761J14.10	12,74	-1,83	1,345125	-1,3577	0,17456	0,5344593
AC092535.3	6,42	2,89	2,128861	1,357644	0,174577	0,5344593
AANAT	4,15	1,62	1,19601	1,357569	0,174601	0,5344593
AC093620.5	1,29	-4,38	3,229241	-1,35747	0,174631	NA
RP11-691H4.3	42,42	-2,47	1,816405	-1,35725	0,174701	0,5345198
ACADS	137,29	1,40	1,031898	1,357217	0,174712	0,5345198
AC005523.2	131,02	0,73	0,534564	1,357192	0,17472	0,5345198
PMEPA1	10,62	2,17	1,59621	1,357088	0,174753	0,5345198
RP11-124N14.4	377,54	-0,63	0,462697	-1,35703	0,174773	0,5345198
RP11-403P17.6	10,28	1,66	1,223613	1,356964	0,174793	0,5345198
LYNX1	1,18	-2,86	2,110867	-1,35687	0,174823	NA
AC007277.3	0,84	-2,06	1,515233	-1,35684	0,174833	NA
RP11-474P2.5	6,98	1,45	1,069589	1,356449	0,174956	0,5348507
RBM23	649,64	-0,50	0,36682	-1,35637	0,174982	0,5348507
SLC6A16	10,36	-1,99	1,468598	-1,35635	0,174987	0,5348507
ANXA3	4,63	1,44	1,05984	1,355821	0,175156	0,5352792
RP1-199J3.5	2,76	3,51	2,590964	1,355748	0,175179	NA
RP11-490O6.2	35,56	-1,24	0,917806	-1,35573	0,175186	0,5352818
PHF6	254,83	0,88	0,646945	1,355599	0,175227	0,5352997
LHX4	3,52	2,51	1,850351	1,355571	0,175236	NA
RN7SL275P	5,28	-0,97	0,718079	-1,35553	0,17525	0,5352997
EPS15L1	246,35	0,83	0,611491	1,355438	0,175278	0,5352997
HMGXB3	330,57	-0,75	0,552584	-1,35527	0,17533	0,535372
TLCD2	31,68	-0,58	0,428861	-1,35516	0,175368	0,5353992
RP11-159H22.2	2,02	3,05	2,251709	1,355065	0,175397	NA
ABHD14A-ACY1	7,25	2,04	1,505817	1,354881	0,175456	0,5354094
TLR8	438,98	-1,03	0,7638	-1,35481	0,175477	0,5354094
RP3-402G11.25	45,11	1,55	1,145373	1,354782	0,175487	0,5354094
MTFP1	179,71	-1,14	0,842816	-1,35472	0,175508	0,5354094
FAM20C	278,00	1,10	0,812829	1,354693	0,175515	0,5354094
GOLT1B	382,11	0,93	0,688132	1,353843	0,175786	0,5358692
BSPRY	18,37	1,56	1,154524	1,353839	0,175788	0,5358692
VN1R5	2,56	-3,29	2,431507	-1,35367	0,175841	NA
CDH12P2	10,70	-2,09	1,540419	-1,35365	0,17585	0,5358692
ABHD17B	71,45	1,01	0,746202	1,35363	0,175854	0,5358692
CHTF18	30,06	-2,17	1,602054	-1,35359	0,175867	0,5358692
RXRA	576,63	-0,66	0,490278	-1,35359	0,175867	0,5358692
AC073283.7	40,75	1,69	1,252052	1,353503	0,175895	0,5358692
STK38L	578,19	0,70	0,520858	1,353448	0,175912	0,5358692
INTS9	212,59	-1,20	0,882979	-1,3534	0,175929	0,5358692
CTD-2186M15.3	13,75	2,21	1,629548	1,353318	0,175954	0,5358692
RP11-221J22.1	2,57	4,00	2,956762	1,353282	0,175966	NA
MICA	119,70	-1,13	0,833518	-1,35295	0,17607	0,5361361
SLC44A5	2,25	-1,06	0,781413	-1,35255	0,176199	NA
SNORD27	0,64	-2,50	1,846223	-1,35245	0,176231	NA

LHFP	112,62	1,56	1,152783	1,35235	0,176263	0,5366358
ERCC5	556,96	0,52	0,388069	1,352167	0,176322	0,5367259
SAMD11	0,56	-3,26	2,408025	-1,35202	0,17637	NA
USP13	280,73	1,31	0,971034	1,351984	0,17638	0,536816
RP11-534L6.5	1,43	2,53	1,871145	1,351822	0,176432	NA
RP4-671O14.7	198,11	-0,81	0,602859	-1,35172	0,176466	0,5368625
CTA-150C2.16	12,06	1,03	0,763956	1,351532	0,176525	0,5368625
IQCF1	1,10	-1,76	1,301273	-1,35152	0,176528	NA
TMTC3	102,46	-1,14	0,845473	-1,3515	0,176535	0,5368625
FRRS1	48,27	-1,12	0,829392	-1,35146	0,176548	0,5368625
LLGL2	92,08	-1,52	1,124815	-1,35143	0,176559	0,5368625
RP11-723J4.3	6,73	-1,24	0,916257	-1,35138	0,176575	0,5368625
TINF2	487,36	-0,58	0,427804	-1,35131	0,176598	0,5368625
RP11-283I3.6	32,24	-1,27	0,936342	-1,3512	0,176632	0,5368788
PSMB10	2968,21	-0,26	0,191821	-1,35106	0,176677	0,5369165
SYT10	3,78	3,27	2,418921	1,35098	0,176702	0,5369165
SLC5A1	4,99	2,38	1,764707	1,350745	0,176777	0,5370426
RP5-832C2.8	1,49	-3,98	2,950332	-1,3505	0,176857	NA
CRTAP	1385,55	0,56	0,413767	1,350402	0,176887	0,5370426
TMEM203	202,67	-1,02	0,751749	-1,35039	0,17689	0,5370426
MCM7	390,39	-0,90	0,664247	-1,35038	0,176893	0,5370426
RP1-149C7.1	3,33	-1,62	1,196509	-1,35033	0,17691	NA
SLC35E2	149,51	-0,72	0,535675	-1,35019	0,176955	0,5370426
GLIPR1L2	23,51	-1,38	1,023612	-1,35012	0,176977	0,5370426
ARHGAP31	460,29	0,81	0,599222	1,350094	0,176986	0,5370426
GTF2H1	187,07	-1,04	0,772292	-1,35005	0,176999	0,5370426
CEMP1	41,45	-1,78	1,318801	-1,35004	0,177003	0,5370426
RP11-571M6.7	93,30	-1,08	0,800004	-1,34955	0,17716	0,5374321
PARP4	882,57	0,60	0,444376	1,349433	0,177198	0,537458
CTD-2012J19.3	2,93	2,56	1,894958	1,349305	0,177239	NA
TASP1	92,84	1,32	0,975898	1,349273	0,177249	0,5375262
PTGER4	1627,96	0,60	0,448242	1,348869	0,177379	0,5377964
CLCN1	20,02	-2,82	2,093228	-1,34877	0,177411	0,5377964
UBTFL5	13,58	-4,29	3,183724	-1,34867	0,177443	0,5377964
RNF213	4257,95	-0,52	0,388278	-1,34864	0,177454	0,5377964
RP1-197B17.5	14,79	1,88	1,393719	1,34848	0,177504	0,5378395
GGPS1	168,91	-1,04	0,773339	-1,34841	0,177526	0,5378395
RP11-85G21.3	0,65	-2,86	2,122058	-1,34839	0,177532	NA
CAMK1D	527,36	0,59	0,435975	1,348075	0,177634	0,5378673
CTD-2326C4.1	15,22	1,00	0,738806	1,34805	0,177642	0,5378673
CD209	46,89	-1,29	0,957783	-1,34802	0,177652	0,5378673
RAB11A	1091,21	0,60	0,445575	1,347946	0,177676	0,5378673
WAPL	977,52	0,54	0,397503	1,347933	0,17768	0,5378673
SNORD13	8,10	-0,89	0,657846	-1,34759	0,177791	0,5378971
PLEKHH2	19,67	-1,02	0,760459	-1,34756	0,177801	0,5378971
HARS2	236,48	1,29	0,955228	1,347515	0,177814	0,5378971
RP11-185E15.1	5,21	5,02	3,722492	1,347495	0,177821	0,5378971
RP11-678G14.4	6,44	1,44	1,072064	1,347454	0,177834	0,5378971
DNMT3A	128,18	-1,09	0,811369	-1,34701	0,177976	0,5382398
MBNL1-AS1	80,98	1,17	0,871308	1,346912	0,178009	0,5382494

EIF3E	3470,33	0,37	0,271629	1,346655	0,178091	0,5384126
RP11-173B14.5	7,29	-2,86	2,124529	-1,34643	0,178165	0,5385474
RP5-1198O20.5	4,84	1,68	1,246725	1,346044	0,178288	0,5388328
C12orf10	391,78	-0,64	0,47357	-1,34589	0,178338	0,5388944
RP11-216B9.7	11,61	-2,04	1,517371	-1,34567	0,178409	0,538978
PRSS8	10,47	-1,24	0,920461	-1,34563	0,178423	0,538978
CTD-2384A14.1	0,86	-2,43	1,805248	-1,34552	0,178459	NA
CDK16	145,91	-0,75	0,555091	-1,34536	0,178507	0,5391447
GPR3	26,97	2,19	1,625982	1,345153	0,178576	0,5391851
RP11-77A13.1	20,60	2,53	1,880371	1,345144	0,178579	0,5391851
ZNF613	6,35	1,84	1,365718	1,344865	0,178669	0,5393127
YPEL2	358,20	-0,81	0,600621	-1,34483	0,17868	0,5393127
MRPL51	693,36	-0,42	0,311891	-1,34474	0,178708	0,5393127
PLXDC1	39,38	-1,08	0,805225	-1,34448	0,178794	0,5394836
UBE2T	4,36	3,60	2,675836	1,344183	0,178889	0,5396841
HLA-G	2,69	-1,05	0,782102	-1,34407	0,178926	NA
LRRC8C	693,18	-1,04	0,777207	-1,34396	0,178962	0,5398164
RP11-571O6.2	24,79	-0,68	0,509332	-1,34372	0,179038	0,5399572
ZNF439	79,26	-0,78	0,578997	-1,34334	0,179162	0,5402392
RP11-598F7.4	2,57	2,07	1,542018	1,343276	0,179183	NA
AC009404.5	3,51	2,80	2,087403	1,343263	0,179187	NA
KCNMB4	21,83	1,60	1,189198	1,343249	0,179191	0,5402392
RP11-39N8.2	50,70	-1,32	0,981985	-1,34316	0,17922	0,5402392
ACO2	711,64	-0,72	0,533202	-1,34292	0,179298	0,5402392
IFRD2	203,03	-0,94	0,696304	-1,34284	0,179323	0,5402392
CSMD2	19,29	2,05	1,528366	1,342824	0,179329	0,5402392
HCG14	8,79	3,08	2,290632	1,342793	0,179339	0,5402392
RP11-382J24.2	12,26	-3,41	2,536441	-1,34272	0,179363	0,5402392
RP11-773H22.4	2,41	3,33	2,477821	1,342702	0,179368	NA
ATP2A2	310,08	-0,79	0,58835	-1,34237	0,179475	0,540488
AL133249.1	1,20	2,26	1,684224	1,342207	0,179529	NA
GAK	819,29	-0,56	0,419736	-1,34212	0,179557	0,5405087
RP11-589M4.1	12,31	-2,79	2,080851	-1,34209	0,179566	0,5405087
HEATR5B	640,61	0,60	0,444196	1,341995	0,179597	0,5405087
RN7SL338P	1,80	-1,66	1,235623	-1,34196	0,179608	NA
RP11-595B24.1	3,11	-1,72	1,281088	-1,34175	0,179678	NA
EIF3G	1409,96	0,34	0,250993	1,341685	0,179698	0,5405087
RNASE1	133,27	-1,69	1,261654	-1,34163	0,179716	0,5405087
KCNH3	24,59	-2,92	2,176953	-1,34152	0,17975	0,5405087
YRDC	170,58	0,99	0,740065	1,341498	0,179759	0,5405087
AKR1A1	1533,68	-0,40	0,301815	-1,34147	0,179768	0,5405087
MIR5194	3,77	4,55	3,390654	1,341457	0,179772	0,5405087
NSUN5	207,90	-1,18	0,882619	-1,34146	0,179773	0,5405087
SERPINB5	1,19	-2,53	1,88882	-1,34138	0,179796	NA
RP11-58H15.4	2,61	4,01	2,99041	1,341355	0,179805	NA
RP13-143G15.4	48,82	-1,49	1,108723	-1,34103	0,179912	0,5408397
RP11-214O1.1	3,68	-0,79	0,587268	-1,3409	0,179952	NA
CTD-3184A7.4	102,84	-1,10	0,817993	-1,34066	0,180031	0,5410387
JUND	759,17	-0,66	0,494663	-1,34064	0,180036	0,5410387
RP5-914P20.5	13,01	2,24	1,670057	1,340372	0,180124	0,5412167

NUDT17	53,14	1,90	1,420565	1,340109	0,18021	0,5413863
CEBPZ	453,10	-0,83	0,619932	-1,33989	0,180283	0,5415176
HAS1	0,83	-3,81	2,844649	-1,33981	0,180306	NA
EIF3LP2	0,85	-1,52	1,132597	-1,33981	0,180308	NA
PPM1G	841,72	0,49	0,366612	1,339536	0,180396	0,541771
BAX	88,63	-0,90	0,669193	-1,33912	0,180531	0,5420512
TUBGCP4	174,89	0,93	0,692221	1,33907	0,180548	0,5420512
TPPP3	207,40	1,16	0,863632	1,338877	0,180611	0,5421047
RP11-703M24.5	11,57	-1,07	0,798632	-1,33884	0,180624	0,5421047
CTD-2339L15.3	2,49	1,84	1,372742	1,33881	0,180632	NA
TRA2A	1528,25	0,43	0,317805	1,338637	0,180689	0,5422119
CYB5D1	55,97	1,93	1,445531	1,338204	0,18083	0,5424821
CHRFAM7A	76,61	2,00	1,49291	1,338182	0,180837	0,5424821
CTD-2013M15.1	2,39	2,14	1,596515	1,338022	0,180889	NA
RP11-234K19.2	11,26	2,26	1,687127	1,337931	0,180919	0,54264
ERP29	1132,67	0,42	0,316995	1,337372	0,181101	0,5429575
HDHD3	83,45	-1,84	1,377394	-1,33737	0,181102	0,5429575
BCR	233,17	1,11	0,83314	1,337338	0,181112	0,5429575
RP11-431M3.1	13,18	-2,71	2,023732	-1,33703	0,181214	0,5431742
CTD-2306A12.1	2,70	4,06	3,033359	1,337005	0,181221	NA
TMEM169	3,71	-1,31	0,979755	-1,33688	0,181262	NA
ADGRE5	2745,89	-0,44	0,332642	-1,33684	0,181275	0,5432154
TM6SF1	146,65	1,35	1,00947	1,3368	0,181288	0,5432154
AC007193.8	1,28	-1,56	1,165516	-1,33679	0,18129	NA
SLC16A5	82,87	1,25	0,935947	1,336707	0,181318	0,5432154
RPL31P52	2,72	4,07	3,046244	1,336678	0,181328	NA
TAF10	214,57	-0,47	0,354714	-1,33663	0,181344	0,5432154
WDR13	497,00	-0,81	0,604023	-1,33653	0,181375	0,5432195
RP11-114G22.1	12,48	1,30	0,972388	1,336284	0,181457	0,5433195
CITF22-49E9.3	5,97	4,64	3,475923	1,336216	0,181479	0,5433195
DFNB59	12,71	2,26	1,689324	1,336163	0,181496	0,5433195
HUS1	260,47	-0,95	0,709324	-1,33604	0,181537	0,5433233
RP11-744N12.2	27,50	-1,52	1,140182	-1,33598	0,181556	0,5433233
RP11-323N12.5	11,99	-2,32	1,734109	-1,33579	0,181617	0,543358
MMS19	234,55	-0,70	0,523841	-1,33574	0,181635	0,543358
CXXC1	401,16	0,83	0,621131	1,335495	0,181714	0,543358
NUP205	236,49	0,74	0,553863	1,335464	0,181724	0,543358
SMARCD3	182,39	-0,92	0,685956	-1,33545	0,181729	0,543358
WDR48	486,48	0,69	0,51739	1,335409	0,181742	0,543358
RP11-15G16.1	2,27	-1,79	1,337149	-1,33538	0,181753	NA
EIF2A	775,31	-0,61	0,458383	-1,3352	0,18181	0,5434735
RPL7AP31	19,64	-4,82	3,612236	-1,33507	0,181854	0,5435161
AC016739.2	3,23	-0,82	0,615104	-1,3348	0,181941	NA
RP11-486I11.2	47,28	-2,58	1,930556	-1,33472	0,181969	0,5437468
FGR	3472,84	-0,26	0,192794	-1,33461	0,182004	0,5437468
RPL23	5181,85	-0,32	0,237635	-1,33457	0,182019	0,5437468
LA16c-431H6.7	2,48	1,80	1,350539	1,334429	0,182063	NA
PBOV1	4,25	-1,18	0,885709	-1,33441	0,18207	0,5438136
GCM1	3,61	-1,15	0,862927	-1,33402	0,182196	NA
KCNK6	1006,77	0,33	0,24995	1,333965	0,182215	0,5441603

RP11-78J21.6	5,36	-2,98	2,235581	-1,33386	0,18225	0,5441767
RNU6-807P	2,38	3,89	2,917781	1,333753	0,182285	NA
FOXK2	539,03	0,89	0,665394	1,333576	0,182343	0,544366
HTRA4	58,96	-0,98	0,73697	-1,3334	0,1824	0,5443715
RP11-5G9.6	0,97	-3,33	2,494044	-1,33336	0,182414	NA
RN7SL154P	0,74	-2,81	2,110986	-1,33329	0,182435	NA
RP4-739H11.4	21,00	-2,21	1,65716	-1,33319	0,182469	0,5443715
TRIM33	728,58	0,73	0,549772	1,333046	0,182517	0,5443715
RP11-344P13.1	13,78	2,73	2,049473	1,333041	0,182518	0,5443715
RP11-383J24.5	148,74	-1,35	1,011777	-1,333	0,182532	0,5443715
KBTBD4	4,10	3,27	2,450434	1,332955	0,182547	0,5443715
ARHGEF1	810,45	-0,48	0,357712	-1,33288	0,182571	0,5443715
LINC01127	4,58	-1,75	1,309956	-1,33286	0,182579	0,5443715
RP4-668E10.4	2,97	3,08	2,312553	1,332797	0,182599	NA
AC004782.1	49,73	1,88	1,409722	1,332453	0,182711	0,5446384
HBEGF	1826,37	0,55	0,412882	1,332406	0,182727	0,5446384
SAAL1	147,22	-1,20	0,901417	-1,33225	0,182778	0,5447048
FOXO4	6,88	2,42	1,817824	1,332064	0,182839	0,544799
BET1	167,28	-1,01	0,758698	-1,33178	0,182932	0,5449252
DSCAM	12,56	-3,69	2,767801	-1,33176	0,18294	0,5449252
BDH2	44,79	1,96	1,47092	1,331385	0,183062	0,5450608
RP11-670E13.3	14,48	2,31	1,738505	1,331342	0,183077	0,5450608
CTD-2377D24.6	5,41	1,36	1,022776	1,331322	0,183083	0,5450608
RP11-268G12.1	2,57	-1,14	0,859839	-1,33132	0,183084	NA
RNA5-8SN3	26,72	-0,79	0,595426	-1,33124	0,183111	0,5450608
SPDL1	33,81	1,96	1,473421	1,331117	0,183151	0,5450608
RP11-70F11.8	2,80	-1,57	1,180716	-1,3311	0,183156	NA
RN7SL351P	25,25	-0,86	0,646322	-1,33108	0,183162	0,5450608
SCAND1	1484,87	-0,39	0,29552	-1,33088	0,183227	0,5451684
RP11-443A13.5	74,24	-0,94	0,707362	-1,33072	0,18328	0,5452385
AC007326.11	134,35	0,73	0,549363	1,330596	0,183322	0,5452765
MSR1	263,39	-0,61	0,45588	-1,32973	0,183607	0,546036
RP3-425C14.5	27,28	-0,97	0,732291	-1,3294	0,183716	0,5462738
RP11-82L2.1	122,49	-0,85	0,63803	-1,32903	0,183837	0,5464715
RPA4	11,00	2,12	1,596078	1,329021	0,183841	0,5464715
RDX	207,68	-0,79	0,596233	-1,32893	0,183872	0,5464773
RP11-196D18.3	2,33	-1,40	1,052528	-1,32846	0,184027	NA
CHID1	415,80	0,95	0,711389	1,328399	0,184046	0,5468418
RP1-69M21.2	12,41	-1,67	1,258332	-1,32838	0,184054	0,5468418
RP3-329A5.8	4,58	1,21	0,907335	1,328222	0,184105	0,5468913
TAC3	2,14	3,70	2,78361	1,328199	0,184112	NA
PPIAP2	2,45	3,32	2,496335	1,328134	0,184134	NA
RP11-160N1.10	1,95	3,58	2,699744	1,327887	0,184216	NA
EEA1	550,65	-0,58	0,433434	-1,32783	0,184234	0,5468913
RP11-231E4.4	173,62	-1,21	0,913644	-1,32776	0,184259	0,5468913
AC018890.6	1,03	-3,02	2,273514	-1,3277	0,184276	NA
RP4-657E11.10	1,86	3,52	2,651995	1,327674	0,184286	NA
CTU2	39,45	1,61	1,21313	1,327669	0,184288	0,5468913
NFATC3	502,92	-0,83	0,622327	-1,32758	0,184316	0,5468913
ZNF322	56,54	1,79	1,350184	1,327554	0,184326	0,5468913

ADAMTS20	3,52	3,75	2,824385	1,327543	0,184329	NA
RP11-841O20.2	12,17	2,21	1,663724	1,327472	0,184353	0,5468913
C4orf47	5,09	3,75	2,82563	1,327437	0,184364	0,5468913
AC073128.10	0,68	-3,60	2,712457	-1,32738	0,184382	NA
RPLP1P6	3,93	-3,68	2,771165	-1,32716	0,184457	0,5468913
IMPACT	350,14	1,05	0,791936	1,327151	0,184459	0,5468913
STS	92,96	-1,84	1,386179	-1,32702	0,184502	0,5468913
ZNF492	5,83	1,59	1,195151	1,326984	0,184514	0,5468913
MIPEP	63,51	2,01	1,518516	1,326952	0,184524	0,5468913
RNA5-8SN4	13,31	-0,82	0,619701	-1,32692	0,184535	0,5468913
GPBAR1	472,21	-1,02	0,771057	-1,32689	0,184545	0,5468913
NCL	2904,72	0,36	0,272676	1,326848	0,184559	0,5468913
COL9A2	169,32	0,75	0,562031	1,326793	0,184577	0,5468913
RP11-144F15.1	3,52	4,45	3,350592	1,326746	0,184593	NA
FAM103A1	235,91	1,00	0,752927	1,326602	0,18464	0,5468913
ANKRD33B	3,04	3,69	2,782933	1,326596	0,184642	NA
RP11-369L4.1	0,81	-1,96	1,478992	-1,32654	0,184659	NA
PSMC4	880,23	0,67	0,503418	1,326473	0,184683	0,5468913
GSDMB	137,62	-1,18	0,892216	-1,32644	0,184694	0,5468913
RP11-109I13.2	11,20	1,17	0,884968	1,326363	0,18472	0,5468913
RPS25	3772,56	-0,22	0,167382	-1,32631	0,184736	0,5468913
EIF4A3	1215,68	0,48	0,3601	1,326256	0,184755	0,5468913
TEN1	318,64	-0,70	0,525209	-1,32615	0,184789	0,5468913
GIMAP1	186,96	-1,11	0,836776	-1,3261	0,184805	0,5468913
AC087294.2	2,99	3,35	2,522938	1,32597	0,18485	NA
RNU6-539P	1,86	3,53	2,662135	1,325822	0,184899	NA
FAM43A	66,01	-1,42	1,069729	-1,32573	0,184928	0,5471662
LRMP	803,70	0,72	0,544961	1,325587	0,184976	0,5472231
ZNF835	13,09	-0,68	0,514224	-1,32531	0,185067	0,5473502
ZNF32	181,77	1,44	1,08511	1,32528	0,185078	0,5473502
RP11-51M18.1	1,99	3,02	2,280018	1,32526	0,185085	NA
MAGEF1	193,97	1,33	1,002865	1,325121	0,185131	0,5474197
SNORD12C	20,96	1,77	1,336745	1,32466	0,185284	0,5477849
RP11-1415C14.3	32,15	-2,35	1,773695	-1,32455	0,185321	0,547808
PLCB3	53,61	1,13	0,857102	1,324072	0,185479	0,5481557
AC005618.6	4,81	1,82	1,378293	1,323888	0,18554	0,5481557
KMT2A	864,52	-0,53	0,400725	-1,32385	0,185553	0,5481557
SLC25A17	83,49	1,36	1,030808	1,323838	0,185557	0,5481557
RP1-239B22.5	14,05	1,55	1,174452	1,323518	0,185663	0,548383
FGFR4	0,64	-3,65	2,761658	-1,32347	0,18568	NA
CELP	11,82	1,51	1,13906	1,323282	0,185742	0,5484167
SLC35G2	5,12	-1,16	0,874018	-1,32327	0,185745	0,5484167
NGDN	538,83	0,68	0,510124	1,323217	0,185763	0,5484167
AC092338.5	7,07	2,03	1,534687	1,322909	0,185866	0,5486321
RP11-124K4.1	1,18	2,22	1,678312	1,322646	0,185953	NA
C2orf49	75,21	-1,04	0,786639	-1,32258	0,185975	0,548868
PDPK1	458,68	-0,62	0,466558	-1,32242	0,186027	0,5489349
CTD-2333M24.1	2,08	1,91	1,446742	1,322357	0,186049	NA
CTA-125H2.1	5,79	-0,91	0,689019	-1,32219	0,186105	0,5490784
CDC16	400,36	0,74	0,557854	1,322001	0,186168	0,5490866

TGFBR3	85,26	-1,80	1,361453	-1,32196	0,186183	0,5490866
XXbac-BPG254F23.5	126,95	1,23	0,933891	1,321915	0,186197	0,5490866
RP5-849H19.3	4,69	1,70	1,28795	1,321599	0,186302	0,5493098
RN7SL366P	0,98	-3,75	2,836982	-1,32112	0,186461	NA
RN7SL145P	14,72	-1,23	0,931149	-1,32108	0,186474	0,5495428
KLHL12	191,58	1,12	0,850341	1,321083	0,186474	0,5495428
ZNF397	155,94	-0,90	0,684101	-1,32108	0,186476	0,5495428
RP13-638C3.3	3,59	4,48	3,391993	1,321015	0,186496	NA
OSBP2	17,63	-2,03	1,538041	-1,32099	0,186505	0,5495428
RP11-18E13.1	1,13	2,22	1,679683	1,320797	0,186569	NA
NSUN4	513,30	0,81	0,610139	1,320794	0,18657	0,5495428
CYP4B1	1,81	-1,17	0,884082	-1,32079	0,186572	NA
RNU5A-1	40,24	-1,01	0,761228	-1,32072	0,186596	0,5495428
RP11-121E16.1	0,97	-3,75	2,842226	-1,32065	0,186617	NA
MBLAC2	6,36	2,28	1,72905	1,320625	0,186626	0,5495428
RP5-1198O20.4	32,05	-0,87	0,662302	-1,32039	0,186704	0,5495428
MMS22L	360,13	-0,86	0,652242	-1,32038	0,186707	0,5495428
RP4-737E23.2	2,10	3,73	2,82172	1,32035	0,186718	NA
RP11-755F10.1	2,54	3,97	3,009548	1,320272	0,186744	NA
TP53I13	297,35	0,91	0,685854	1,320269	0,186745	0,5495428
C4orf17	42,73	-1,43	1,080137	-1,32026	0,186749	0,5495428
CTC-523E23.3	25,80	1,99	1,506967	1,32021	0,186765	0,5495428
ADCY3	133,72	1,40	1,064161	1,320176	0,186776	0,5495428
SGMS2	303,95	-0,97	0,731949	-1,32012	0,186794	0,5495428
CARD9	365,09	-0,67	0,507987	-1,31996	0,186849	0,5495833
RP13-259N13.2	3,74	1,27	0,964514	1,319914	0,186864	NA
RNA5-8S5	13,35	-0,82	0,618648	-1,3199	0,186867	0,5495833
PPIAP11	0,89	-1,66	1,261318	-1,31911	0,187134	NA
RP5-855D21.1	5,83	3,16	2,395844	1,319075	0,187144	0,5502852
RP11-478K7.2	0,61	-3,12	2,366643	-1,31904	0,187157	NA
EEF2	2233,66	-0,41	0,308859	-1,31901	0,187165	0,5502852
WNT4	8,57	1,86	1,413056	1,318749	0,187253	0,5504568
RP11-19G24.3	1,26	2,87	2,174088	1,31826	0,187417	NA
LRSAM1	147,98	-0,84	0,637485	-1,31813	0,187461	0,5509809
DPM3	68,27	-0,66	0,498465	-1,31783	0,187562	0,5510857
TF	251,65	-0,66	0,502818	-1,31772	0,187596	0,5510857
INO80C	217,53	-0,70	0,534122	-1,31763	0,187626	0,5510857
TIMM22	166,41	1,19	0,900649	1,317567	0,187649	0,5510857
MPO	8,01	-3,34	2,534052	-1,31738	0,18771	0,5510857
THG1L	254,52	1,04	0,786485	1,317327	0,187729	0,5510857
SOX4	222,15	-0,80	0,607153	-1,31732	0,187732	0,5510857
ZNF79	6,33	3,17	2,403976	1,317176	0,18778	0,5510857
KLHL26	25,79	-1,12	0,84879	-1,31716	0,187786	0,5510857
WWOX	127,90	-0,73	0,554301	-1,31714	0,187793	0,5510857
ARHGEF6	1070,85	0,35	0,265682	1,316929	0,187862	0,5510955
ECD	126,52	0,81	0,617527	1,316899	0,187873	0,5510955
RP11-437J2.3	35,06	1,05	0,794144	1,316786	0,18791	0,5510955
UBN2	298,92	-0,64	0,484647	-1,31671	0,187937	0,5510955
SUMO2	2069,22	0,23	0,175838	1,316685	0,187944	0,5510955
MYBL2	2,03	-1,55	1,178665	-1,31655	0,187988	NA

AF001548.5	23,15	-2,23	1,69678	-1,31645	0,188024	0,5512312
PSMB2	940,92	0,60	0,455599	1,316371	0,18805	0,5512312
RP11-667K14.5	16,84	-1,38	1,049117	-1,31616	0,188121	0,5512862
RP11-212D19.4	1,75	3,43	2,605385	1,316084	0,188146	NA
TMEM217	1,97	2,37	1,800763	1,316073	0,188149	NA
HLA-DRB5	5474,59	0,82	0,62103	1,316057	0,188155	0,5512862
CTD-2531D15.5	11,33	2,14	1,625196	1,315999	0,188174	0,5512862
RP3-335E1.1	4,81	4,90	3,722674	1,315961	0,188187	0,5512862
CHST14	71,13	1,60	1,213627	1,315646	0,188293	0,5515096
EVA1B	44,99	-1,25	0,951554	-1,31545	0,188359	0,5516153
AC046143.7	33,70	-1,71	1,298417	-1,31528	0,188416	0,5516402
SDR42E1	5,29	-1,41	1,071863	-1,31522	0,188435	0,5516402
NELL1	22,57	-2,34	1,780602	-1,31515	0,18846	0,5516402
ADTB1L1	0,70	-2,88	2,18956	-1,31512	0,188469	NA
AC006378.2	0,72	2,12	1,61093	1,315077	0,188484	NA
GABRE	19,66	-1,18	0,898726	-1,31504	0,188497	0,5516402
STXBP4	95,40	-1,42	1,080509	-1,31498	0,188515	0,5516402
OR4N2	18,73	-4,75	3,61276	-1,31459	0,188646	0,5517834
TFE3	207,99	-0,71	0,539873	-1,31453	0,188668	0,5517834
SETD1B	386,06	0,58	0,438504	1,314496	0,188679	0,5517834
AMER2	18,92	-1,77	1,347529	-1,31442	0,188706	0,5517834
RP11-274H24.2	105,51	-0,68	0,518433	-1,3144	0,188713	0,5517834
RP11-524C21.2	0,70	-3,63	2,761772	-1,31423	0,18877	NA
H1FX	396,12	-0,68	0,514848	-1,31419	0,188781	0,5518981
RP11-374M1.2	5,94	1,58	1,205471	1,314016	0,188841	0,5519844
RP4-549L20.3	1,20	2,30	1,75012	1,313892	0,188883	NA
RP11-3A3.1	12,35	-1,02	0,776525	-1,31363	0,188971	0,552279
DROSHA	184,31	-0,86	0,656216	-1,31342	0,18904	0,5523946
MED27	256,14	1,11	0,847371	1,313196	0,189117	0,5525091
RP11-442N1.2	12,66	-0,94	0,717487	-1,31303	0,189174	0,5525091
ZNF417	62,90	-1,58	1,20519	-1,31281	0,189247	0,5525091
CTD-2651B20.7	5,71	3,18	2,42123	1,312724	0,189276	0,5525091
OR14J1	119,97	-0,64	0,491111	-1,31269	0,189287	0,5525091
RP11-305N23.1	4,59	-1,80	1,374608	-1,31265	0,189302	0,5525091
GLRA3	18,90	1,41	1,075856	1,312632	0,189307	0,5525091
H2AFJ	532,37	-0,52	0,395918	-1,3126	0,189317	0,5525091
PPP1R1C	2,13	1,49	1,132366	1,312589	0,189322	NA
RP11-387D10.3	8,51	1,13	0,857409	1,312294	0,189421	0,5527256
RN7SL375P	0,84	-2,61	1,987384	-1,31217	0,189463	NA
CTA-228A9.4	191,07	-0,44	0,337813	-1,31196	0,189534	0,5529692
ANG	72,68	-1,75	1,332663	-1,31171	0,189617	0,5531235
AC005606.14	2,53	3,97	3,025715	1,311496	0,18969	NA
RP11-662J14.2	2,98	1,51	1,147891	1,311445	0,189707	NA
FOLR3	1,89	-3,90	2,977668	-1,31142	0,189716	NA
HINT2	345,61	0,65	0,494994	1,311409	0,189719	0,5532515
RP4-664K17.2	7,99	-0,96	0,730544	-1,31136	0,189738	0,5532515
SESN2	171,16	1,28	0,978789	1,311278	0,189764	0,5532515
TTF1	126,91	-1,04	0,795642	-1,31123	0,18978	0,5532515
RP11-361L15.3	2,00	-2,82	2,149742	-1,3111	0,189823	NA
RP5-844F9.1	9,72	-3,08	2,352903	-1,31096	0,189872	0,5534346

SNX8	312,90	0,86	0,658738	1,310709	0,189956	0,5534837
NIPSNAP3B	56,57	1,38	1,050262	1,310681	0,189966	0,5534837
CTD-2203K17.1	3,87	3,44	2,622669	1,31058	0,19	0,5534837
C19orf73	5,46	4,51	3,43752	1,310555	0,190008	0,5534837
RN7SL395P	0,54	-2,47	1,882767	-1,31054	0,190013	NA
RNA5SP455	2,28	3,82	2,916621	1,31046	0,19004	NA
MED16	193,13	-0,70	0,531298	-1,31042	0,190053	0,5534837
SEMA4C	7,77	-0,95	0,724921	-1,31014	0,19015	0,5534837
AC079779.4	3,93	-0,85	0,646779	-1,31012	0,190157	0,5534837
MAP3K2	1483,94	-0,58	0,440247	-1,31008	0,190169	0,5534837
GNPDA1	298,43	-1,15	0,878621	-1,31007	0,190172	0,5534837
HIVEP1	173,75	0,89	0,682173	1,310027	0,190187	0,5534837
RP3-333A15.2	22,94	-1,75	1,334395	-1,30983	0,190252	0,5535888
TTK	4,66	3,60	2,745324	1,309525	0,190357	0,5538051
MEGF9	871,42	-0,44	0,334233	-1,30913	0,19049	0,5540541
UACA	65,33	-1,16	0,884857	-1,3091	0,190502	0,5540541
MFSD11	215,08	0,76	0,577409	1,308957	0,190549	0,5541051
RASAL1	2,90	-1,13	0,861824	-1,30891	0,190565	NA
AP001065.2	0,96	-4,78	3,650803	-1,30888	0,190574	NA
CTSL	112,99	-1,48	1,129765	-1,30884	0,190588	0,5541312
CLDN14	2,01	-2,62	2,003575	-1,30877	0,190612	NA
MRPS17	134,21	0,85	0,650792	1,308701	0,190636	0,554184
RP11-803D5.5	2,34	2,19	1,673651	1,308694	0,190638	NA
RN7SL294P	0,80	-3,14	2,401361	-1,30845	0,190722	NA
AP2S1	1923,56	0,24	0,185492	1,308214	0,190801	0,5544862
CYP4A22	3,89	-2,71	2,068729	-1,30806	0,190852	0,5544862
CYB5R3	428,61	0,69	0,52964	1,308057	0,190854	0,5544862
NECTIN4	5,08	1,62	1,241973	1,308043	0,190859	0,5544862
GPR4	7,59	-1,54	1,176951	-1,3077	0,190977	0,5547418
RP11-114M1.2	3,26	-1,55	1,18424	-1,30755	0,191027	NA
RP11-792A8.5	2,11	2,47	1,890492	1,307387	0,191081	NA
RP5-857K21.7	3,14	-0,90	0,687012	-1,30702	0,191207	NA
HID1	2,59	-2,08	1,589316	-1,30701	0,19121	NA
CASP4	1633,58	0,41	0,311721	1,306947	0,191231	0,5553934
COL6A1	1,00	-4,77	3,648869	-1,30694	0,191232	NA
F8A3	3,35	3,18	2,437142	1,306856	0,191262	NA
NFASC	7,42	-1,05	0,8033	-1,30633	0,191442	0,5559113
DEF6	513,21	0,58	0,44372	1,306246	0,191469	0,5559113
DPY30	209,22	0,69	0,526427	1,306117	0,191513	0,5559521
RP11-96H17.1	1,37	2,44	1,86742	1,305998	0,191553	NA
MPV17L2	130,52	1,18	0,906123	1,305995	0,191554	0,5559582
FABP5	372,04	-0,68	0,518625	-1,30593	0,191575	0,5559582
MORC1	3,11	3,73	2,860725	1,305565	0,191701	NA
SLC44A2	123,25	-1,22	0,931111	-1,30538	0,191763	0,5563644
ABT1	305,23	0,91	0,695584	1,305348	0,191775	0,5563644
C14orf132	1,92	-1,38	1,053419	-1,3053	0,19179	NA
ZNF252P	98,07	0,89	0,684519	1,304925	0,191918	0,5566766
NMRK1	120,27	1,30	0,994758	1,304856	0,191942	0,5566766
FRG2	0,77	-2,12	1,622842	-1,30472	0,19199	NA
AC009961.5	3,61	3,32	2,541468	1,304552	0,192045	NA

RP11-617D20.1	52,00	-1,13	0,868679	-1,30451	0,192061	0,5569349
IL7	55,19	1,89	1,451221	1,304393	0,1921	0,5569604
CASS4	239,38	0,91	0,695567	1,304278	0,192139	0,5569872
RN7SL801P	3,29	-1,78	1,363235	-1,304	0,192234	NA
PNPLA6	858,12	-0,46	0,352792	-1,30385	0,192284	0,5573214
CTD-2514C3.1	6,62	3,40	2,61001	1,303746	0,19232	0,5573394
IQCD	2,99	3,58	2,746688	1,303419	0,192432	NA
AP5B1	64,81	-1,34	1,028798	-1,30315	0,192524	0,5578435
RP11-344B2.3	1,38	-1,59	1,22175	-1,30307	0,192551	NA
RP11-496N17.2	250,47	-0,93	0,714579	-1,30301	0,192573	0,5578976
CH17-472G23.2	37,43	-0,93	0,713139	-1,30268	0,192683	0,5581293
SURF1	611,59	-0,54	0,413646	-1,30256	0,192725	0,5581634
AC004988.1	1,33	1,78	1,363532	1,302488	0,192749	NA
MIR576	3,36	4,38	3,366042	1,302461	0,192759	NA
ABCG1	49,94	-1,05	0,808538	-1,30237	0,19279	0,5582654
CTD-2311M21.3	3,68	1,44	1,102256	1,302035	0,192904	NA
NDUFB8	1513,71	0,28	0,21557	1,301956	0,192932	0,5585314
MED11	256,90	0,60	0,463641	1,301926	0,192942	0,5585314
TECR	459,10	0,55	0,421922	1,30181	0,192981	0,5585595
CD72	159,11	1,26	0,965522	1,301603	0,193052	0,5586768
RP5-900K19.2	21,74	2,17	1,667193	1,301345	0,19314	0,5588455
ZZZ3	411,79	0,97	0,743718	1,30119	0,193194	0,5589125
MAFF	202,10	0,87	0,66579	1,300909	0,19329	0,5591032
RPS14	11924,34	-0,32	0,242197	-1,30078	0,193334	0,5591457
AC007875.2	0,77	-2,58	1,982125	-1,30057	0,193407	NA
SH2D6	34,04	-0,78	0,599441	-1,30017	0,193543	0,5596631
RP5-961K14.2	7,53	-0,83	0,639568	-1,30005	0,193585	0,5596764
PTPN11	544,69	-0,59	0,453061	-1,29998	0,193608	0,5596764
NAALAD2	5,23	2,22	1,706633	1,299857	0,19365	0,5597105
RND3	1,11	-2,66	2,049524	-1,29977	0,193681	NA
SUSD3	132,87	1,34	1,029906	1,299681	0,19371	0,559798
RNU6-638P	3,89	3,41	2,627394	1,299466	0,193784	0,5599242
RP11-426J5.3	1,76	2,24	1,725604	1,299276	0,193849	NA
RP11-136I14.5	2,53	2,76	2,12127	1,29917	0,193885	NA
TCEANC2	183,12	0,76	0,583172	1,298615	0,194076	0,5606349
SNORA23	0,56	-2,77	2,132877	-1,2985	0,194115	NA
NOTO	37,72	1,32	1,018506	1,298489	0,19412	0,5606349
CD101	258,70	0,80	0,616301	1,298486	0,19412	0,5606349
FYTTD1	508,02	-0,61	0,470354	-1,29815	0,194237	0,5608859
AC022311.1	2,97	-1,90	1,46613	-1,29809	0,194256	NA
MASP1	9,16	-1,02	0,783886	-1,29769	0,194395	0,5612361
TXLNG	140,87	1,10	0,848321	1,297617	0,194419	0,5612361
MKRN3	5,85	-1,09	0,837258	-1,29749	0,194461	0,5612706
RP11-304L19.13	8,06	1,25	0,964408	1,297286	0,194533	0,5613585
POLI	151,60	0,88	0,681508	1,29723	0,194552	0,5613585
RP11-727A23.11	3,38	4,39	3,383575	1,296852	0,194682	NA
RP11-613F22.5	3,42	4,41	3,401379	1,296373	0,194847	NA
OSBPL8	1201,55	0,41	0,313954	1,296368	0,194849	0,5621273
RP11-449K6.4	0,82	-2,50	1,927671	-1,29608	0,194946	NA
RP11-57A19.7	9,66	-0,92	0,710543	-1,29604	0,194962	0,5621701

C5orf51	307,14	1,14	0,878733	1,29593	0,195	0,5621701
C6orf123	6,36	-0,89	0,685317	-1,29581	0,195041	0,5621701
ASB4	77,54	-0,87	0,668198	-1,29577	0,195053	0,5621701
RN7SL851P	1,12	-3,00	2,315075	-1,29575	0,195061	NA
AC114788.2	0,87	1,77	1,36591	1,295656	0,195094	NA
SNX33	57,19	1,69	1,30797	1,295631	0,195103	0,5621701
XRN1	684,92	0,46	0,354396	1,295592	0,195116	0,5621701
AC007383.4	5,37	4,47	3,451024	1,295576	0,195122	0,5621701
AEN	274,47	0,95	0,73392	1,295444	0,195167	0,5621701
SLFN11	421,94	-0,88	0,676439	-1,29542	0,195176	0,5621701
SHISA4	4,50	4,82	3,722874	1,295393	0,195185	0,5621701
ZNF404	17,37	2,05	1,586262	1,295361	0,195196	0,5621701
RP11-958J22.1	19,06	-1,06	0,819708	-1,29522	0,195246	0,5622257
CC2D2A	142,01	1,11	0,855007	1,295002	0,195319	0,5622257
RF00096	6,57	-2,21	1,70925	-1,295	0,19532	0,5622257
RP11-857B24.1	5,71	4,55	3,513642	1,294954	0,195336	0,5622257
RP11-562L8.1	0,50	-1,97	1,522685	-1,29491	0,195352	NA
SMIM15	189,50	-0,83	0,637306	-1,2947	0,195424	0,5623915
RP1-190J20.2	0,85	2,37	1,834372	1,294606	0,195456	NA
BMP4	1,34	2,74	2,115	1,294592	0,195461	NA
RP11-372K14.2	10,94	2,32	1,792019	1,294487	0,195497	0,5625153
ARIH2	710,11	0,63	0,489983	1,294276	0,19557	0,5625209
P2RX5-TAX1BP3	83,11	-0,77	0,598599	-1,29425	0,195577	0,5625209
CHMP3	824,47	-0,61	0,472928	-1,29422	0,19559	0,5625209
RN7SKP292	1,66	3,37	2,601514	1,293754	0,19575	NA
MKS1	47,40	1,46	1,130512	1,293682	0,195775	0,5629676
RP11-613D13.10	8,42	1,79	1,383961	1,293344	0,195892	0,5631851
BEST2	4,32	-1,36	1,052267	-1,29325	0,195926	0,5631851
RN7SL655P	15,44	-1,08	0,834598	-1,29315	0,19596	0,5631851
ZWINT	3,26	2,50	1,931247	1,293049	0,195994	NA
RN7SL587P	29,80	0,95	0,734982	1,293049	0,195994	0,5631851
MICU3	4,83	4,81	3,723245	1,292974	0,19602	0,5631851
RP11-406H23.2	2,30	3,25	2,513734	1,292971	0,196021	NA
MEI1	95,64	1,13	0,87027	1,292938	0,196033	0,5631851
RP5-1112D6.4	27,40	-1,67	1,295548	-1,29255	0,196168	0,563487
MPZL1	231,90	0,92	0,70988	1,292077	0,19633	0,5637631
RP4-798A10.7	20,59	-2,22	1,718955	-1,29207	0,196333	0,5637631
CTD-2349P21.9	5,60	2,58	1,999942	1,291958	0,196372	0,5637631
CXXC5	206,99	-0,58	0,450711	-1,29192	0,196385	0,5637631
RP11-102.1	2,01	-2,86	2,213884	-1,2917	0,19646	NA
WEE2	0,97	-4,71	3,647212	-1,29166	0,196473	NA
RP11-713N11.6	13,41	1,90	1,470307	1,291509	0,196527	0,5640769
CLEC2D	504,12	-0,75	0,580858	-1,29142	0,196558	0,5640769
MAS1	37,40	-0,68	0,526045	-1,29129	0,196603	0,5640769
KCMF1	456,45	0,63	0,489899	1,291228	0,196625	0,5640769
RP11-355I22.3	2,79	-1,91	1,482537	-1,2912	0,196633	NA
RP4-598G3.1	18,52	2,37	1,832035	1,291115	0,196664	0,5640769
RP11-3P9.1	32,70	2,97	2,303616	1,291017	0,196698	0,5640769
CRYL1	442,90	1,13	0,876378	1,290959	0,196718	0,5640769
TFSM	107,98	1,24	0,963591	1,290746	0,196792	0,5640769

ACO09264.1	28,45	0,94	0,725528	1,290737	0,196795	0,5640769
H2AFY	3376,89	0,19	0,149294	1,290729	0,196798	0,5640769
RN7SL751P	0,96	1,97	1,524327	1,290719	0,196801	NA
RN7SL445P	0,54	-3,02	2,340161	-1,29063	0,196833	NA
TAPBP	2990,91	0,21	0,16528	1,29034	0,196933	0,5643563
AK9	85,28	0,87	0,674516	1,290266	0,196958	0,5643563
C21orf58	12,60	-1,02	0,790663	-1,29019	0,196986	0,5643563
PRR12	14,75	1,77	1,370561	1,290024	0,197042	0,5644304
TARID	5,71	-1,56	1,207832	-1,28993	0,197075	0,5644363
ZNF7	249,16	-0,76	0,587203	-1,28973	0,197144	0,5645461
RP11-481J2.2	1,71	2,19	1,701634	1,289702	0,197154	NA
U91319.1	2,10	2,48	1,92687	1,289628	0,19718	NA
MCM3AP	750,24	-0,62	0,4825	-1,28927	0,197305	0,5648191
OPRK1	3,75	-1,61	1,251627	-1,28922	0,197321	NA
CTNNB1	1266,38	0,34	0,260532	1,289212	0,197324	0,5648191
LINCO0921	58,88	1,33	1,03426	1,289138	0,19735	0,5648191
RP11-1C8.5	18,25	-0,66	0,515011	-1,28904	0,197383	0,5648191
MAU2	321,76	0,68	0,527917	1,289021	0,197391	0,5648191
EGFL8	7,08	-1,50	1,160261	-1,28893	0,197423	0,5648194
RP11-34P13.10	110,33	-0,65	0,505371	-1,28877	0,197478	0,5648194
RP11-367B6.2	18,18	-1,62	1,253525	-1,28876	0,197482	0,5648194
MYSM1	456,74	0,70	0,545281	1,288516	0,197566	0,5648205
WDR55	328,95	0,76	0,587746	1,2885	0,197572	0,5648205
ACO07228.5	9,41	-0,96	0,744305	-1,2885	0,197573	0,5648205
HP1BP3	1116,49	-0,40	0,309885	-1,2881	0,197711	0,5650587
MAP3K13	242,21	0,78	0,603894	1,288029	0,197736	0,5650587
RP11-634H22.1	11,21	1,73	1,342901	1,287995	0,197748	0,5650587
CTD-2224J9.9	1,29	2,97	2,304672	1,287802	0,197815	NA
FBXO31	51,17	-1,92	1,489434	-1,28756	0,1979	0,5653904
MRPL47	216,29	0,91	0,70945	1,287487	0,197925	0,5653904
S100A7A	1,64	-3,86	3,001706	-1,28747	0,197931	NA
C3	20,79	0,86	0,668578	1,287325	0,197981	0,5654154
GPSM2	93,57	-0,69	0,535754	-1,28722	0,198017	0,5654154
ACO97495.2	4,01	-3,97	3,082604	-1,2872	0,198025	0,5654154
PRPF39	167,35	0,97	0,750829	1,287067	0,198071	0,5654614
ISPD	16,25	-1,35	1,046823	-1,28683	0,198154	0,5654622
PDE6G	84,73	-1,60	1,244544	-1,28681	0,19816	0,5654622
DNTTIP2	1325,90	-0,53	0,415115	-1,28674	0,198185	0,5654622
RP13-314C10.5	5,15	-1,49	1,156996	-1,28672	0,198193	0,5654622
B4GALNT3	11,33	-3,06	2,376476	-1,28661	0,198232	0,5654861
DHRS4L2	365,20	-0,47	0,369062	-1,28621	0,198368	0,5657896
KIF9	125,80	-1,07	0,832709	-1,2861	0,198408	0,5658167
RP11-820I16.4	2,43	-3,15	2,445726	-1,28599	0,198448	NA
SERPINB1	1799,57	-0,33	0,257919	-1,28596	0,198456	0,5658671
RP13-858C7.1	9,20	1,64	1,272752	1,285666	0,19856	0,5660746
EIF4A1	9996,65	0,24	0,185279	1,28533	0,198677	0,566237
CTA-384D8.35	81,69	1,19	0,927018	1,285251	0,198705	0,566237
CLCF1	1,86	3,47	2,701424	1,285245	0,198707	NA
FKBP2	333,65	-0,43	0,333915	-1,28524	0,198708	0,566237
SH3KBP1	1380,14	0,46	0,358605	1,285148	0,19874	0,5662428

CTC-421K24.1	1,82	2,91	2,26396	1,284863	0,19884	NA
USP45	61,88	1,05	0,820355	1,284805	0,198861	0,5663549
CDH8	57,23	-1,51	1,178453	-1,28479	0,198867	0,5663549
ZRANB2	520,79	0,40	0,313363	1,284762	0,198876	0,5663549
TCF25	1276,37	-0,40	0,312032	-1,28469	0,198902	0,5663549
FDXR	13,55	2,26	1,756876	1,28438	0,199009	0,5665742
RP11-307P5.2	4,79	-1,39	1,080193	-1,28423	0,19906	0,5665804
CDK5RAP2	295,47	-0,75	0,587192	-1,28419	0,199074	0,5665804
RP11-102N12.3	71,36	0,91	0,707339	1,284113	0,199103	0,5665804
LINC00677	2,90	-3,56	2,773694	-1,28389	0,19918	NA
RP11-390D11.1	2,48	-2,30	1,794425	-1,28379	0,199216	NA
ARL11	120,14	-1,15	0,895422	-1,28375	0,199229	0,5667857
FLT3LG	41,90	-1,06	0,82756	-1,28367	0,199259	0,5667857
COL28A1	8,02	-1,20	0,934129	-1,28365	0,199266	0,5667857
RP11-18H21.2	0,81	-2,81	2,187902	-1,28364	0,199268	NA
PCDHB2	0,61	-1,68	1,310151	-1,28292	0,199522	NA
MYO1H	1,81	-4,51	3,517507	-1,28267	0,199609	NA
ORMDL2	389,46	-0,50	0,388773	-1,28259	0,199635	0,5677496
C10orf71	1,09	2,98	2,322044	1,28233	0,199727	NA
AC093726.6	119,87	0,97	0,756428	1,282101	0,199807	0,5680691
HELZ2	81,86	-0,96	0,747767	-1,2821	0,199809	0,5680691
EFCAB7	31,44	-2,26	1,763588	-1,28187	0,199887	0,5682055
RP11-67A1.4	1,26	2,95	2,303171	1,281797	0,199914	NA
RP11-94H18.1	0,71	-4,10	3,201789	-1,28175	0,199929	NA
RP11-305O6.3	10,53	-1,47	1,148975	-1,28167	0,199959	0,5683209
FBXO15	710,91	-0,72	0,565517	-1,28104	0,200181	0,5687835
ZNF302	187,50	-0,56	0,433513	-1,28103	0,200182	0,5687835
RP11-838N2.5	2,56	2,15	1,682026	1,281004	0,200192	NA
LYST	2142,76	-0,41	0,318087	-1,28028	0,200447	0,5693147
RP1-67K17.4	30,46	-1,23	0,962691	-1,28027	0,200452	0,5693147
MAP1LC3B	1206,46	0,46	0,358342	1,280221	0,200467	0,5693147
AP001628.6	3,15	4,28	3,341994	1,280176	0,200483	NA
PTDSS1	744,36	0,60	0,466658	1,280075	0,200519	0,5693147
NPB	4,72	-4,00	3,124409	-1,28006	0,200522	0,5693147
RP1-34B20.21	36,52	1,35	1,05346	1,279867	0,200592	0,5693653
RP11-799D4.4	16,29	-1,20	0,934508	-1,27981	0,200613	0,5693653
RP11-1082L8.3	2,20	3,75	2,930429	1,279517	0,200715	NA
CMIP	316,89	-0,78	0,610255	-1,27951	0,200717	0,5693653
C1orf52	293,54	-0,94	0,733081	-1,27944	0,200743	0,5693653
AC093323.3	68,36	-1,60	1,25082	-1,27931	0,200788	0,5693653
SEPT9	709,97	0,61	0,477756	1,279293	0,200794	0,5693653
NIPA2	483,93	0,80	0,623165	1,279244	0,200811	0,5693653
AQP11	22,79	2,41	1,88211	1,279244	0,200811	0,5693653
AC083884.8	117,59	-1,00	0,78363	-1,2792	0,200825	0,5693653
PANK4	51,13	-1,47	1,148215	-1,27913	0,200852	0,5693653
SPNS1	786,19	-0,50	0,389928	-1,27906	0,200877	0,5693653
RN7SL350P	0,78	-3,05	2,382944	-1,279	0,200898	NA
USHBP1	10,67	-0,93	0,725241	-1,27889	0,200937	0,5693834
COPS2	442,69	0,76	0,593784	1,278865	0,200944	0,5693834
RP11-422P24.11	1,24	2,96	2,316871	1,278713	0,200998	NA

CDK12	435,30	0,70	0,547941	1,278637	0,201025	0,5694109
CTC-539A10.7	4,33	-1,12	0,873077	-1,27863	0,201029	0,5694109
FAM184A	25,77	-4,47	3,492646	-1,27858	0,201046	0,5694109
SYNRG	240,05	-0,72	0,559601	-1,27822	0,201173	0,569542
SPDYE2	51,12	-1,11	0,872015	-1,27818	0,201186	0,569542
IPP	16,79	-1,30	1,018781	-1,27818	0,201188	0,569542
MAP4K1	1103,72	0,36	0,27992	1,278098	0,201215	0,569542
PCDHGB6	5,17	1,12	0,876471	1,277878	0,201292	0,5696752
SEC61A2	52,59	1,61	1,261916	1,277621	0,201383	0,5698222
RP5-947P14.1	37,66	0,94	0,737105	1,277555	0,201407	0,5698222
RP11-294O2.1	29,46	-0,66	0,52031	-1,27738	0,201468	0,5698222
FIRRE	66,71	-0,94	0,7353	-1,27729	0,201501	0,5698222
TNKS1BP1	2,07	3,81	2,987088	1,276977	0,20161	NA
AC027269.2	16,69	-0,99	0,771754	-1,27685	0,201656	0,5698222
PDLIM2	401,46	-0,60	0,468452	-1,27681	0,20167	0,5698222
TTC13	217,71	1,09	0,852644	1,276769	0,201684	0,5698222
AC096669.3	36,45	-1,68	1,312024	-1,27674	0,201694	0,5698222
LA16c-358B7.3	39,52	-1,24	0,970769	-1,27673	0,201697	0,5698222
FAM186A	26,65	-1,18	0,923472	-1,27672	0,2017	0,5698222
AHNAK	5291,20	-0,34	0,26291	-1,27669	0,201711	0,5698222
RP5-1000K24.2	38,04	1,20	0,936033	1,27669	0,201712	0,5698222
CGGBP1	757,51	-0,68	0,5331	-1,27635	0,201831	0,5700711
RP11-151N17.2	89,08	1,02	0,80005	1,276258	0,201864	0,5700796
GLTPD2	3,18	4,31	3,375794	1,276051	0,201937	NA
RP11-295D4.3	48,63	1,28	1,000656	1,275804	0,202025	0,5704465
KIAA1210	2,42	1,34	1,047807	1,275782	0,202033	NA
RP11-379I19.3	10,63	2,00	1,56572	1,275634	0,202085	0,5705296
GAD2	0,71	-4,15	3,256895	-1,27561	0,202093	NA
OR2C3	10,94	1,33	1,041433	1,275428	0,202158	0,5706483
VPS13B	605,33	0,66	0,516914	1,275234	0,202227	0,5707562
PEX11G	33,64	-1,39	1,087194	-1,27503	0,2023	0,57077
FAN1	49,38	1,81	1,418715	1,274936	0,202332	0,57077
GEMIN7	317,91	0,65	0,513404	1,274863	0,202358	0,57077
RP11-452H21.1	2,25	3,81	2,986954	1,274809	0,202377	NA
ZNF888	28,82	1,10	0,865139	1,274767	0,202392	0,57077
PPIA	8311,16	0,24	0,186657	1,274724	0,202407	0,57077
HACD4	1633,04	-0,39	0,307005	-1,2747	0,202415	0,57077
PTPRS	14,17	-0,95	0,74494	-1,27441	0,202519	0,5709756
SMOC1	2,95	-2,42	1,899488	-1,27428	0,202563	NA
LINC01012	17,86	-0,99	0,776947	-1,27418	0,202598	0,5711113
CNOT7	1296,69	0,66	0,515743	1,274074	0,202637	0,5711358
RP11-129K20.2	0,71	-4,10	3,21607	-1,27395	0,20268	NA
CEBPZOS	223,83	0,50	0,394733	1,273875	0,202708	0,5711839
GYG2	1,34	2,40	1,886498	1,273875	0,202708	NA
ACSL5	736,05	0,86	0,676775	1,273775	0,202743	0,5711839
PSMB6	2200,32	0,35	0,274096	1,273766	0,202746	0,5711839
PHOSPHO1	3,72	4,03	3,164501	1,273745	0,202754	NA
ARHGAP17	708,36	0,42	0,326674	1,273638	0,202792	0,5712247
AC002075.4	1,70	-0,99	0,780371	-1,27348	0,202847	NA
RP11-166O4.3	175,01	1,22	0,955487	1,273188	0,202951	0,5715875

RP3-382I10.7	2,98	2,54	1,998602	1,273158	0,202962	NA
CTD-2373J6.2	0,88	-4,65	3,651545	-1,27268	0,203132	NA
RP5-908M14.10	16,13	1,51	1,188835	1,272488	0,2032	0,5722006
GDF9	2,57	3,85	3,023429	1,27236	0,203245	NA
EME1	6,35	2,72	2,135089	1,272226	0,203293	0,5723751
AC074141.3	15,81	-1,35	1,060481	-1,27214	0,203323	0,5723751
RP4-591N18.2	45,67	0,59	0,460925	1,271824	0,203436	0,5726048
PHF19	167,51	1,01	0,793659	1,271456	0,203566	0,5728865
TMED3	854,83	-0,61	0,479476	-1,27132	0,203617	0,572936
ALG12	33,07	2,19	1,722502	1,271234	0,203646	0,572936
MED14	320,49	0,92	0,727705	1,270991	0,203732	0,5730919
CSPP1	262,92	-0,92	0,720633	-1,27085	0,203782	0,5731469
WTAP	1419,34	0,40	0,312071	1,270734	0,203823	0,5731758
CTD-3236F5.1	12,74	-2,12	1,668174	-1,27044	0,203928	0,5732749
NREP	616,28	0,54	0,426006	1,270332	0,203967	0,5732749
GYG1	431,86	-0,67	0,523607	-1,27018	0,204019	0,5732749
AC009506.1	24,64	2,04	1,606932	1,270082	0,204055	0,5732749
RP11-120K19.3	39,62	-2,33	1,836023	-1,27001	0,204081	0,5732749
AC093642.1	14,07	-1,62	1,277602	-1,26993	0,20411	0,5732749
RPL32P26	4,25	4,73	3,722977	1,269899	0,20412	0,5732749
CYP2B7P1	6,20	-1,07	0,841158	-1,26986	0,204133	0,5732749
CTD-2547E10.4	11,43	0,96	0,759234	1,269784	0,204161	0,5732749
TMEM53	32,90	1,34	1,051955	1,26977	0,204167	0,5732749
RP11-1275H24.3	1,91	2,96	2,334731	1,269614	0,204222	NA
PTK7	40,93	-0,96	0,755181	-1,2695	0,204263	0,5734591
RP11-517B11.7	3,28	4,35	3,426834	1,269492	0,204266	NA
RP11-16M8.2	20,66	-2,91	2,289016	-1,26922	0,204364	0,5736214
RP11-15A1.7	18,65	-2,39	1,88332	-1,26908	0,204411	0,5736214
RP11-744K17.1	17,80	-1,69	1,333888	-1,26908	0,204413	0,5736214
AC009495.2	20,40	-1,79	1,413621	-1,26881	0,204508	0,5738013
ABHD16A	331,86	0,66	0,516708	1,268538	0,204606	0,5739497
CTD-2587H24.14	8,74	-1,07	0,843778	-1,26849	0,204623	0,5739497
CSTF3	139,76	-0,56	0,445206	-1,26837	0,204665	0,5739824
RN7SL123P	3,07	-1,17	0,925371	-1,26825	0,204707	NA
RP11-335K5.2	15,17	-1,02	0,808087	-1,26821	0,204723	0,5740575
RP11-214F16.2	3,54	-1,29	1,016315	-1,26797	0,204807	NA
AC019118.2	3,53	2,06	1,628101	1,267899	0,204834	NA
MBD6	248,84	-0,77	0,610618	-1,26767	0,204916	0,5744557
AC004510.3	9,81	-2,02	1,592171	-1,26764	0,204927	0,5744557
ZNHIT1	930,42	-0,31	0,244241	-1,26734	0,205032	0,5746651
RP11-65F13.2	3,61	-1,31	1,030456	-1,26726	0,205061	NA
RP11-411A19.5	21,71	0,86	0,680015	1,267168	0,205095	0,5747549
C11orf31	1613,14	-0,33	0,263651	-1,26703	0,205145	0,5748068
RP4-761J14.8	185,63	1,16	0,919528	1,266931	0,20518	0,5748185
CTD-3193O13.12	3,52	-1,22	0,960769	-1,26679	0,205232	NA
PPP4R2	342,64	0,60	0,47683	1,266734	0,205251	0,5749303
TP63	3,97	1,93	1,521109	1,266198	0,205442	0,5753801
PKN3	1,34	-3,39	2,675019	-1,26602	0,205505	NA
NUFIP1	70,85	1,17	0,922485	1,265692	0,205623	0,5758008
RP11-661A12.12	8,04	-0,85	0,671989	-1,2655	0,205692	0,5758287

SAMD3	32,07	-1,42	1,121122	-1,26542	0,20572	0,5758287
CTC-444N24.11	193,01	-0,60	0,471205	-1,26513	0,205825	0,5758287
ENDOG	35,76	-1,70	1,342294	-1,26511	0,205833	0,5758287
RP11-615I2.1	1,05	-2,35	1,859956	-1,26503	0,205859	NA
DRAM1	167,47	0,75	0,592959	1,265026	0,205862	0,5758287
AD000684.2	12,99	-1,71	1,351905	-1,26489	0,205909	0,5758287
RP11-445F6.2	0,53	-3,08	2,437999	-1,26484	0,205928	NA
RNF39	2,16	3,75	2,963091	1,264804	0,205941	NA
SEC23IP	523,50	-0,99	0,784221	-1,26477	0,205954	0,5758287
ADIPOQ	6,94	-1,22	0,966652	-1,26473	0,20597	0,5758287
ZNF639	215,37	-1,06	0,841168	-1,2647	0,205979	0,5758287
SLC4A8	117,56	0,95	0,749865	1,264609	0,206012	0,5758287
ADGRG4	12,57	-2,66	2,101584	-1,26457	0,206027	0,5758287
RP3-449O17.1	62,93	-0,76	0,599787	-1,26456	0,206029	0,5758287
FCRL5	262,24	-0,66	0,525822	-1,26454	0,206036	0,5758287
CCND3	1935,77	-0,31	0,246946	-1,26436	0,206101	0,5759256
GJC1	38,14	-0,59	0,462755	-1,26426	0,206135	0,5759334
KLC4	40,50	-0,86	0,683515	-1,26416	0,206173	0,5759525
IGHMBP2	78,68	1,01	0,798602	1,263735	0,206325	0,5762883
MATN1	5,98	-1,75	1,382465	-1,26362	0,206367	0,5762883
DNTTIP1	412,25	-0,67	0,530189	-1,26348	0,206418	0,5762883
RP11-242P2.2	14,29	0,81	0,643069	1,2634	0,206445	0,5762883
ORC6	209,38	-0,52	0,407644	-1,26337	0,206456	0,5762883
RN7SL134P	0,72	-2,04	1,615738	-1,26331	0,206478	NA
ARAP2	388,06	-0,81	0,641068	-1,26323	0,206505	0,5762883
FPR1	1585,49	-0,66	0,521136	-1,2632	0,206517	0,5762883
FHOD1	509,52	-0,55	0,43365	-1,26313	0,206541	0,5762883
RP11-497H16.9	34,01	1,40	1,105148	1,263027	0,20658	0,5763103
FAAH	87,53	-1,09	0,862916	-1,26276	0,206674	0,5763386
OR8H1	6,83	1,26	0,994692	1,262736	0,206684	0,5763386
RP6-91H8.3	184,27	0,88	0,694063	1,262682	0,206703	0,5763386
URGCP	279,67	-1,00	0,793953	-1,26265	0,206714	0,5763386
RP11-867G2.5	3,12	4,27	3,383895	1,262648	0,206716	NA
EPG5	278,40	0,75	0,592423	1,262458	0,206784	0,5763803
RP11-130C19.3	5,06	-1,09	0,866322	-1,26228	0,206847	0,5763803
RP11-234A1.1	5,05	-1,07	0,849541	-1,26227	0,20685	0,5763803
SEC61B	946,75	0,24	0,192568	1,262268	0,206853	0,5763803
FBXO33	409,96	-0,73	0,576167	-1,26209	0,206917	0,5764747
GRM3	2,22	-1,19	0,943489	-1,262	0,206948	NA
AC012513.6	6,47	-0,88	0,698772	-1,26182	0,207012	0,576651
SNRPG	516,46	-0,43	0,339366	-1,26174	0,207043	0,576651
AC067945.4	0,48	-3,48	2,758903	-1,26171	0,207053	NA
PIK3R3	28,04	1,32	1,048297	1,261534	0,207117	0,5767129
RP11-478H13.2	12,25	-1,81	1,434613	-1,26151	0,207127	0,5767129
RP11-527H14.2	2,47	-1,32	1,049403	-1,26134	0,207185	NA
LRIG2	295,09	0,75	0,593384	1,261335	0,207188	0,5767974
APLP1	3,25	1,46	1,158906	1,261315	0,207196	NA
AC105053.4	3,08	4,26	3,376321	1,261127	0,207263	NA
RP11-5K23.3	2,18	3,75	2,969702	1,261096	0,207274	NA
C1orf35	251,58	-0,59	0,469161	-1,26108	0,207281	0,5769408

GPR132	114,13	1,01	0,800521	1,26102	0,207302	0,5769408
MAT2A	2796,58	0,51	0,402081	1,260783	0,207387	0,5769644
TCEA2	52,72	-1,34	1,062946	-1,26077	0,20739	0,5769644
LRRC38	1,22	2,92	2,315775	1,26072	0,20741	NA
TRRAP	331,61	-0,81	0,639515	-1,26071	0,207413	0,5769644
GOLGA8B	236,22	-0,85	0,671469	-1,26065	0,207434	0,5769644
LIAS	186,87	-0,70	0,553188	-1,26036	0,207538	0,5771677
CTSB	3102,39	-0,35	0,278431	-1,25994	0,207692	0,5773099
GS1-114I9.1	54,33	-2,02	1,603683	-1,2599	0,207706	0,5773099
SPOCD1	8,16	1,21	0,961531	1,25986	0,20772	0,5773099
MOK	90,60	0,86	0,683792	1,259836	0,207729	0,5773099
RP11-542P2.2	21,64	0,94	0,748707	1,259791	0,207745	0,5773099
RN7SL316P	1,13	2,82	2,240119	1,259631	0,207803	NA
RP11-154C3.2	1,11	-1,79	1,421724	-1,25952	0,207841	NA
RNU6-1069P	3,24	1,66	1,316685	1,259435	0,207873	NA
RN7SL231P	1,13	2,82	2,240035	1,259415	0,20788	NA
ACAT1	408,14	-0,50	0,39906	-1,25912	0,207986	0,5778931
RN7SL15P	0,63	-2,70	2,145689	-1,25905	0,208013	NA
AC005037.7	1,10	2,79	2,214637	1,259041	0,208016	NA
RP11-29H23.1	18,37	-2,04	1,623132	-1,25876	0,208116	0,5781077
MEIKIN	4,63	2,66	2,112325	1,258738	0,208125	0,5781077
AP000318.2	2,01	-1,48	1,178347	-1,25866	0,208153	NA
RP11-76C10.3	15,74	0,88	0,698538	1,258646	0,208158	0,5781139
CTD-2231E14.5	3,25	-1,72	1,365974	-1,25842	0,20824	NA
FAM104A	308,29	-0,86	0,684812	-1,25836	0,208262	0,5783143
RP11-392O17.1	23,82	-0,57	0,449121	-1,25826	0,208297	0,5783267
CATSPER1	110,58	-1,05	0,835916	-1,2579	0,208427	0,5784889
RP3-466P17.3	49,52	-1,04	0,828903	-1,25789	0,208432	0,5784889
RAX2	6,63	-1,46	1,162977	-1,25781	0,208461	0,5784889
PBX4	1,37	-3,26	2,590332	-1,25774	0,208486	NA
HIST1H3A	37,19	-1,80	1,432108	-1,25763	0,208524	0,5784889
RP11-702L15.4	3,04	2,25	1,786749	1,257632	0,208525	NA
AC007365.3	20,62	1,63	1,294063	1,257355	0,208625	0,5784889
TRIP4	117,66	0,89	0,705138	1,257312	0,208641	0,5784889
ZNF169	63,35	0,87	0,690687	1,257265	0,208658	0,5784889
ANAPC5	1504,24	-0,31	0,247128	-1,25725	0,208663	0,5784889
TBKBP1	45,47	1,67	1,330827	1,257196	0,208683	0,5784889
RP11-225B17.2	2,46	-1,25	0,996303	-1,25716	0,208697	NA
RP11-336K24.12	8,51	1,39	1,105097	1,257145	0,208701	0,5784889
RP5-1057J7.7	28,61	-0,74	0,590357	-1,25709	0,20872	0,5784889
CYB5B	295,08	0,85	0,679823	1,257069	0,208729	0,5784889
CTD-2003C8.2	1,00	2,62	2,082879	1,256733	0,20885	NA
ZBTB41	122,77	1,29	1,025128	1,256639	0,208884	0,5788342
RP11-180I4.2	4,13	4,68	3,723065	1,256402	0,20897	0,5789569
NUPL2	314,50	0,71	0,565588	1,256345	0,208991	0,5789569
RP11-586L23.1	3,22	-1,55	1,232456	-1,25633	0,208998	NA
RP1-86D1.5	1,53	1,99	1,582552	1,25627	0,209018	NA
ZNF486	22,12	-0,73	0,583158	-1,25595	0,209135	0,5792687
CTC-499B15.8	1,20	-2,64	2,100907	-1,25593	0,209143	NA
AC003092.1	2,19	2,56	2,039034	1,255917	0,209146	NA

CTD-2282P23.2	0,94	2,54	2,020664	1,255868	0,209164	NA
RP11-96K19.2	27,32	1,78	1,416374	1,25578	0,209196	0,5793523
RP11-1047D15.2	3,36	-1,54	1,222974	-1,25577	0,2092	NA
RP11-558N14.1	5,24	-1,13	0,900117	-1,25537	0,209346	0,579681
AMPD3	111,89	-0,93	0,741248	-1,25506	0,209455	0,5798116
MNT	209,71	-0,70	0,558783	-1,25493	0,209503	0,5798116
AC137499.2	13,45	-3,79	3,019005	-1,25487	0,209526	0,5798116
RP11-888D10.3	2,37	-2,42	1,926351	-1,25485	0,209534	NA
DYNAP	57,47	0,95	0,757959	1,254814	0,209546	0,5798116
TTLL1	17,40	1,61	1,285649	1,254807	0,209549	0,5798116
RPL35	2098,35	-0,36	0,284681	-1,25462	0,209618	0,5799174
C1QL3	5,05	3,91	3,119298	1,254207	0,209767	0,5802396
KAZN	9,50	-1,36	1,088366	-1,25408	0,209814	0,5802396
ZNF738	67,49	0,97	0,769707	1,253964	0,209855	0,5802396
HCG9	5,05	2,65	2,115492	1,253895	0,20988	0,5802396
MDH1B	2,46	-3,42	2,723782	-1,25382	0,209906	NA
MRPL9	293,09	0,61	0,488133	1,253735	0,209938	0,5802396
RP11-473I1.5	5,77	2,58	2,058739	1,253677	0,209959	0,5802396
RPS24	4169,87	-0,24	0,190542	-1,25364	0,209973	0,5802396
ATG10	161,93	0,72	0,576059	1,253585	0,209993	0,5802396
RSL24D1	895,80	-0,40	0,319683	-1,25352	0,210015	0,5802396
RP11-178H8.2	5,33	-1,03	0,818461	-1,25336	0,210074	0,5803148
NIPAL4	1,67	2,78	2,221572	1,253057	0,210185	NA
CPNE3	1298,54	0,82	0,650905	1,252946	0,210225	0,5806479
PACRGL	89,38	-1,16	0,926492	-1,25274	0,210299	0,580657
LHPP	131,39	0,86	0,688935	1,252695	0,210317	0,580657
NSUN5P2	148,04	-0,65	0,517774	-1,25258	0,210359	0,580657
RP11-6B6.3	5,75	1,68	1,339056	1,252518	0,210381	0,580657
ST3GAL5	647,01	-0,64	0,507158	-1,25251	0,210385	0,580657
CENPO	47,97	1,47	1,172022	1,252143	0,210518	0,5808245
RP11-196G11.3	6,68	-1,14	0,906484	-1,2521	0,210533	0,5808245
ARAP1	1416,97	-0,53	0,422044	-1,25208	0,210539	0,5808245
PLA2G15	164,18	-0,90	0,71561	-1,25198	0,210576	0,5808398
PRKG2	3,00	-1,81	1,448966	-1,25164	0,2107	NA
PDE1B	48,04	-0,82	0,65686	-1,25158	0,210723	0,5810229
GALNTL5	7,95	-1,68	1,340636	-1,25156	0,210729	0,5810229
NOTCH4	64,87	-1,16	0,92843	-1,25154	0,210736	0,5810229
SDF2L1	397,11	0,69	0,54912	1,251398	0,210789	0,5810839
RPLPOP2	18,85	-0,85	0,679025	-1,2512	0,210863	0,5811996
KAT5	244,69	-0,96	0,768493	-1,251	0,210935	0,5812335
ARL2	409,56	0,42	0,337435	1,250972	0,210945	0,5812335
LINS1	218,69	-1,06	0,843502	-1,25088	0,210979	0,5812335
CTD-2532N20.1	4,42	3,58	2,863899	1,250821	0,211	0,5812335
MAP7D2	2,92	3,46	2,764908	1,250811	0,211003	NA
AC009478.1	0,67	-4,02	3,216094	-1,25067	0,211056	NA
RP11-10J21.2	4,44	-1,35	1,082926	-1,2506	0,211082	0,5812557
CCDC149	193,91	-1,31	1,050564	-1,25059	0,211084	0,5812557
OSCP1	2,88	2,98	2,385727	1,250544	0,211101	NA
TAF13	168,73	0,55	0,441335	1,250542	0,211102	0,5812557
GDNF-AS1	1,12	2,10	1,678263	1,250199	0,211227	NA

SUPT3H	45,74	-1,05	0,836486	-1,25016	0,211241	0,581492
RP11-136F16.1	9,81	1,11	0,885905	1,250136	0,21125	0,581492
GLB1	1259,25	0,60	0,479352	1,249965	0,211312	0,5815779
RP11-707O23.1	0,86	-2,45	1,963391	-1,24996	0,211313	NA
SUFU	122,99	1,32	1,057263	1,249877	0,211345	0,581579
GTF2IRD1	14,48	0,74	0,589057	1,249793	0,211375	0,581579
RP11-82L7.4	7,61	-2,47	1,978102	-1,24964	0,211432	0,5816354
R3HCC1L	233,10	0,98	0,783065	1,249566	0,211458	0,5816354
AC093038.1	1,40	2,47	1,974709	1,249451	0,2115	NA
BNIP2	1662,67	-0,41	0,325418	-1,24925	0,211575	0,581779
SNAP29	352,03	0,66	0,527397	1,249138	0,211615	0,581779
DNALI1	3,34	3,92	3,136565	1,249122	0,21162	NA
AC004797.1	1,02	-4,08	3,266535	-1,24911	0,211626	NA
RNASE9	0,94	-4,56	3,65165	-1,24903	0,211656	NA
RP11-471B22.3	27,96	-1,03	0,823291	-1,24901	0,211663	0,581779
RP11-443B7.1	7,69	1,69	1,352676	1,248949	0,211684	0,581779
DDX10	361,58	-0,69	0,551088	-1,24895	0,211685	0,581779
GCSH	36,97	1,18	0,94321	1,248908	0,211699	0,581779
PNMAL1	6,66	0,83	0,665908	1,248824	0,211729	0,581779
RP13-923O23.6	2,11	-2,07	1,658678	-1,24873	0,211762	NA
RNU4-1	3,34	-1,84	1,472922	-1,24865	0,211793	NA
ACTR3	3016,58	0,44	0,351038	1,248636	0,211798	0,5818664
NUP88	212,92	0,72	0,580377	1,248566	0,211824	0,5818664
RP11-583F2.2	17,47	1,11	0,892882	1,248362	0,211899	0,5818963
LIMCH1	72,50	1,47	1,179332	1,24836	0,211899	0,5818963
CTTN	5,08	-1,20	0,960095	-1,24828	0,211928	0,5818963
RP11-419L4.1	4,39	-3,56	2,854996	-1,24819	0,211963	0,5819011
SUPT5H	786,00	-0,50	0,397691	-1,2481	0,211993	0,5819011
RN7SL798P	7,80	-1,81	1,452694	-1,24789	0,21207	0,5819872
RP11-195F19.9	6,03	1,88	1,507388	1,247695	0,212143	0,5819872
RP11-370I10.2	19,24	-1,57	1,260984	-1,24767	0,212152	0,5819872
PRKDC	1051,58	0,46	0,368074	1,247658	0,212157	0,5819872
LA16c-OS12.2	3,33	-1,67	1,33584	-1,2476	0,212179	NA
RP11-170K4.2	4,23	-1,27	1,015047	-1,24759	0,212181	0,5819872
EIF4G2	4208,00	0,19	0,155379	1,247021	0,21239	0,5823516
MARCO	80,22	-1,59	1,275432	-1,24698	0,212406	0,5823516
AFF2	14,20	-1,86	1,492939	-1,24697	0,212407	0,5823516
RP1-197B17.3	2,16	3,76	3,013599	1,246791	0,212474	NA
RP11-363G15.2	1,05	-1,67	1,336765	-1,24667	0,21252	NA
MCM2	23,02	1,96	1,569498	1,246665	0,21252	0,5824056
FAM182A	47,91	-2,50	2,00164	-1,24666	0,212523	0,5824056
ZBTB20	856,72	-0,83	0,662818	-1,24661	0,212539	0,5824056
TCTE1	5,73	1,02	0,821235	1,246578	0,212552	0,5824056
AC074338.4	2,23	-2,78	2,231645	-1,24647	0,212593	NA
MRGBP	65,09	1,24	0,994046	1,245934	0,212789	0,5827813
MXRA7	99,39	-1,10	0,884037	-1,24584	0,212822	0,5827813
MCC	11,02	-0,83	0,665761	-1,24579	0,212843	0,5827813
KCNJ6	73,94	-0,60	0,485419	-1,24578	0,212844	0,5827813
ST3GAL6	454,47	0,61	0,489661	1,245756	0,212854	0,5827813
RAB24	1505,17	-0,42	0,334345	-1,24569	0,212877	0,5827813

RP11-74E22.3	2,92	4,17	3,349513	1,245684	0,21288	NA
C7orf60	122,60	-1,21	0,970721	-1,24553	0,212936	0,5828571
RNU6-1099P	2,01	3,65	2,92835	1,245389	0,212989	NA
METTL14	135,70	0,78	0,622871	1,24521	0,213054	0,5830947
RN7SL291P	3,27	-2,75	2,206725	-1,2452	0,213059	NA
PUS1	155,90	1,10	0,884722	1,244984	0,213138	0,5832362
STX5	174,40	-0,90	0,722872	-1,24489	0,213173	0,5832488
RNF223	2,88	1,75	1,407652	1,244703	0,213241	NA
MYOF	787,34	0,82	0,656691	1,244696	0,213244	0,5833549
RP11-848D3.2	20,00	-1,06	0,854089	-1,24442	0,213345	0,5835463
ANKS3	62,15	1,27	1,021276	1,244187	0,213431	0,5836166
RP13-188A5.1	10,55	1,75	1,404155	1,244134	0,21345	0,5836166
RP11-304L19.5	11,41	-1,29	1,033884	-1,24409	0,213465	0,5836166
GOLGA8H	1,06	-2,58	2,075628	-1,2438	0,213574	NA
CRYBG2	30,25	-3,15	2,529	-1,24378	0,213581	0,5838366
NXT2	106,01	1,29	1,037459	1,243706	0,213608	0,5838366
NEK4	107,88	1,26	1,011976	1,243497	0,213685	0,5839607
INTS6	536,21	-0,57	0,459881	-1,24333	0,213746	0,5839991
RP11-1072N2.3	4,55	-2,37	1,903187	-1,24329	0,213762	0,5839991
ST8SIA6	9,16	-1,23	0,985993	-1,2432	0,213793	0,5839991
OR3A3	5,02	-1,13	0,907053	-1,24306	0,213845	0,5840562
RP1-85F18.6	1,57	3,28	2,636504	1,242933	0,213893	NA
AC073236.2	3,58	4,63	3,725082	1,242888	0,213909	NA
GPR12	1,86	-1,34	1,079567	-1,24273	0,213967	NA
RTCB	687,63	0,62	0,497119	1,242604	0,214014	0,5844304
RAB9B	0,78	-3,53	2,844333	-1,24259	0,21402	NA
CRTC3	231,69	0,80	0,641541	1,242404	0,214088	0,5845358
SNX13	420,97	0,56	0,453668	1,242329	0,214115	0,5845358
CTD-2002J20.1	4,30	3,56	2,86263	1,242118	0,214193	0,5846421
RP11-646I6.3	55,43	0,79	0,637126	1,242053	0,214217	0,5846421
RP11-235D19.4	2,04	3,65	2,937571	1,241738	0,214333	NA
LINC00266-1	0,86	-4,53	3,648643	-1,24173	0,214335	NA
SESN3	247,87	-1,14	0,918576	-1,24155	0,214402	0,585005
CTC-529I10.2	17,47	1,35	1,090859	1,241523	0,214413	0,585005
RNA5SP68	2,13	3,72	2,998541	1,241347	0,214478	NA
KCNQ5	4,00	3,57	2,880082	1,241177	0,21454	0,5851381
SNORA55	0,41	-2,02	1,627326	-1,24118	0,21454	NA
RP11-728F11.4	13,20	-1,34	1,079771	-1,24117	0,214542	0,5851381
RP11-42L13.1	7,34	-1,65	1,329008	-1,24113	0,214556	0,5851381
FIBP	890,53	0,42	0,337707	1,240983	0,214612	0,5852008
R3HDML	0,65	-3,03	2,438742	-1,24091	0,214638	NA
LYSMD1	10,45	1,35	1,088307	1,240903	0,214642	0,5852008
CSTL1	0,75	-1,55	1,252205	-1,24059	0,214756	NA
RP11-848P1.9	49,33	-0,98	0,792446	-1,24053	0,21478	0,5854925
AC027612.6	27,40	1,50	1,208407	1,240305	0,214863	0,5856215
ACSL3	266,14	0,69	0,553302	1,24023	0,214891	0,5856215
APTX	281,39	0,82	0,659628	1,239701	0,215086	0,5860686
PTGES	13,61	-1,03	0,830783	-1,23953	0,21515	0,5861559
RP11-384P7.7	7,30	-1,23	0,993665	-1,23922	0,215263	0,5862688
RP1-34B21.6	56,85	1,24	0,999151	1,239164	0,215285	0,5862688

ANKLE2	684,37	-0,54	0,432201	-1,23916	0,215286	0,5862688
ZKSCAN7	3,06	-1,47	1,185088	-1,23915	0,215291	NA
TTC8	153,39	1,27	1,025139	1,23882	0,215412	0,5865277
CTD-2021A8.3	2,06	2,45	1,977696	1,238794	0,215422	NA
ST6GALNAC4	67,48	1,18	0,948728	1,238689	0,215461	0,5865735
PUS7L	604,46	0,88	0,709867	1,238381	0,215575	0,5866849
RPS21	1055,79	-0,47	0,380432	-1,23834	0,21559	0,5866849
KCTD5	158,63	1,12	0,907157	1,238324	0,215596	0,5866849
COX7C	1042,07	-0,32	0,260789	-1,23814	0,215664	0,5867335
PRRG3	28,99	-0,46	0,374835	-1,23811	0,215677	0,5867335
KCNE1	43,77	-0,88	0,710414	-1,23798	0,215724	0,5867413
RC3H1	876,91	-0,71	0,576379	-1,23793	0,215743	0,5867413
FUBP3	197,01	-0,81	0,656219	-1,23751	0,215897	0,5868936
C17orf64	3,89	4,61	3,723477	1,237442	0,215923	0,5868936
ZNF813	46,21	-1,16	0,933956	-1,23737	0,21595	0,5868936
FAM184B	15,55	-1,12	0,904326	-1,23732	0,215967	0,5868936
SNRNP35	189,40	-0,52	0,421458	-1,23731	0,215972	0,5868936
RP3-510L9.1	7,43	2,07	1,670363	1,237255	0,215992	0,5868936
MAN2C1	729,39	-0,34	0,271492	-1,23718	0,21602	0,5868936
AC012442.5	1,18	2,88	2,326518	1,236973	0,216097	NA
RP11-138I1.2	13,42	-2,22	1,797385	-1,23696	0,216101	0,587014
RP11-468B6.3	4,73	4,28	3,463768	1,236871	0,216135	0,587014
RP11-775C24.3	21,20	-0,95	0,76558	-1,23681	0,216159	0,587014
AGPAT6	806,45	0,64	0,520239	1,236673	0,216208	0,5870631
AC005062.3	7,35	-0,69	0,555466	-1,23656	0,216249	0,5870661
RP11-403P17.3	15,44	1,01	0,815653	1,236501	0,216273	0,5870661
ZCCHC6	758,44	-0,63	0,510483	-1,23633	0,216337	0,5871415
THUMPD2	128,46	0,93	0,75284	1,236183	0,216391	0,5871415
FBXO5	78,05	1,52	1,228518	1,236171	0,216395	0,5871415
RNU11	12,65	-1,12	0,909344	-1,23605	0,216439	0,5871739
RP11-16B13.1	3,01	-3,40	2,749807	-1,236	0,216457	NA
RP11-378J18.6	0,92	-3,16	2,558496	-1,23573	0,216557	NA
TUFM	1733,32	0,41	0,330914	1,235632	0,216595	0,5874898
TNFRSF13B	5,33	1,31	1,056271	1,235571	0,216618	0,5874898
MT-TA	12,53	-0,68	0,546836	-1,23548	0,216651	0,5874942
MRPL35	187,82	1,11	0,896238	1,235212	0,216752	0,5876137
PTX3	78,68	1,64	1,329967	1,235153	0,216773	0,5876137
RP11-522L3.4	0,82	-4,01	3,247389	-1,23513	0,216783	NA
ICK	66,05	-0,88	0,70907	-1,23511	0,21679	0,5876137
ABLIM3	0,81	-4,51	3,652645	-1,23504	0,216816	NA
CCDC17	31,94	2,14	1,735346	1,234882	0,216874	0,5877565
ZFP57	3,58	3,00	2,429232	1,234871	0,216878	NA
AP001505.10	9,75	1,37	1,106242	1,23469	0,216946	0,5878275
ADAT3	28,03	2,28	1,849203	1,234587	0,216984	0,5878275
RP11-359N11.2	6,93	-1,99	1,611061	-1,23456	0,216995	0,5878275
RP4-753D10.5	3,25	-1,13	0,91713	-1,23451	0,217011	NA
RP11-1191J2.5	11,99	-3,39	2,747517	-1,23415	0,217148	0,5881298
OTOF	20,13	-2,42	1,964452	-1,23402	0,217196	0,5881298
CDKN2AIP	70,44	1,62	1,316817	1,234003	0,217202	0,5881298
USMG5	328,39	-0,37	0,302602	-1,23392	0,217233	0,5881298

PPP1R12A	1329,84	-0,37	0,30183	-1,23381	0,217274	0,5881544
GPR34	15,54	2,15	1,745834	1,23371	0,217311	0,5881684
RP11-506B6.6	1,78	2,82	2,282075	1,233706	0,217313	NA
CCDC144B	735,15	-0,59	0,476232	-1,23358	0,21736	0,5881818
RP11-1072C15.6	11,68	-0,71	0,572661	-1,23344	0,217412	0,5881818
PES1	81,37	0,87	0,707698	1,233354	0,217444	0,5881818
RP11-303E16.8	5,89	1,71	1,382557	1,233314	0,217459	0,5881818
RP11-863H1.1	43,75	-1,37	1,107876	-1,23323	0,21749	0,5881818
ARFRP1	350,44	-0,95	0,772686	-1,23319	0,217506	0,5881818
DNAJC6	0,75	-2,02	1,634879	-1,23312	0,21753	NA
C6orf227	22,66	-0,66	0,53837	-1,23304	0,21756	0,5882433
CD8B	4,26	-3,27	2,649453	-1,23294	0,217597	0,5882579
TOMM22	1073,65	0,41	0,332518	1,232661	0,217702	0,5884576
CFAP57	2,92	2,33	1,894079	1,232439	0,217785	NA
LIN52	78,94	-0,93	0,752317	-1,23243	0,217787	0,5886018
SPARCL1	2,33	2,05	1,662691	1,23243	0,217788	NA
RP11-53A1.3	3,49	-1,50	1,215148	-1,23238	0,217809	NA
KRT80	1,55	-1,98	1,603274	-1,23236	0,217814	NA
RP11-175G14.2	14,08	-3,74	3,034007	-1,23231	0,217834	0,5886426
CTD-3110H11.3	202,50	-0,57	0,461381	-1,23217	0,217884	0,5886926
RP11-239L20.6	3,69	3,91	3,173183	1,232103	0,217911	NA
FAM78A	129,79	0,93	0,753221	1,231974	0,217959	0,5887805
RNF217	195,00	-0,90	0,728296	-1,23192	0,21798	0,5887805
MND1	5,15	2,48	2,015295	1,231641	0,218083	0,5889731
TMEM104	174,88	0,84	0,682764	1,231451	0,218154	0,5889743
CNTN4	4,99	-1,53	1,24098	-1,23131	0,218206	0,5889743
EHBP1L1	426,50	-0,87	0,70306	-1,23127	0,21822	0,5889743
TMEM262	3,86	4,58	3,72325	1,231169	0,21826	0,5889743
RP11-961A15.1	22,62	-0,87	0,705041	-1,23116	0,218262	0,5889743
CTC-436K13.1	5,75	-2,99	2,42477	-1,23113	0,218273	0,5889743
AC053503.6	1,70	-1,64	1,328974	-1,23107	0,218296	NA
ADSSL1	20,82	-1,21	0,984973	-1,23098	0,218329	0,5890394
RP11-100L22.1	5,86	-2,94	2,38567	-1,23059	0,218478	0,5893551
TSPAN4	297,61	-0,84	0,68499	-1,23047	0,218522	0,5893896
RP11-288L9.1	2,45	-3,42	2,780617	-1,23038	0,218555	NA
BX470102.3	3,21	3,73	3,029392	1,230344	0,218568	NA
AC005546.2	1,21	2,25	1,827561	1,230259	0,2186	NA
RNU6-1003P	2,08	3,09	2,508007	1,230101	0,218659	NA
CTD-2270F17.1	1,33	-2,24	1,818306	-1,23004	0,218682	NA
RP6-91H8.1	3,21	-1,44	1,174561	-1,22974	0,218793	NA
TOMM70	186,50	0,95	0,773005	1,229674	0,218819	0,5900296
AC007386.4	15,85	1,37	1,111803	1,229587	0,218852	0,5900296
AC109828.1	8,02	-1,04	0,848549	-1,22958	0,218855	0,5900296
RP11-123C21.2	52,93	1,35	1,100126	1,229393	0,218924	0,5901319
AC006000.5	35,12	-1,03	0,836026	-1,22924	0,218983	0,5902037
HIST3H2BB	39,64	-0,65	0,528923	-1,22915	0,219017	0,5902101
RAB23	2,32	3,81	3,103262	1,229055	0,219051	NA
SMYD3	91,76	-1,31	1,066181	-1,22905	0,219052	0,5902193
RP11-1281K21.6	2,14	3,72	3,028291	1,228651	0,219203	NA
IKBIP	188,03	0,81	0,659872	1,228525	0,21925	0,5906172

AC007099.1	12,83	-1,17	0,948697	-1,22849	0,219263	0,5906172
CSNK1E	281,48	-0,59	0,481385	-1,22832	0,219327	0,5906566
TMEM194A	54,45	-2,04	1,663315	-1,22823	0,21936	0,5906566
RP11-21I4.1	11,50	-1,36	1,105163	-1,22815	0,219389	0,5906566
OR8B9P	28,05	-0,57	0,464485	-1,22811	0,219405	0,5906566
MROH1	223,10	-0,71	0,579399	-1,2279	0,219484	0,5906822
COQ7	336,50	-0,67	0,544544	-1,22785	0,219503	0,5906822
AP006621.5	27,15	-1,53	1,248557	-1,22779	0,219525	0,5906822
S100Z	120,67	-0,75	0,608317	-1,22772	0,219553	0,5906822
PRELID2	75,15	-1,20	0,978443	-1,22766	0,219573	0,5906822
TMEM189-UBE2V1	2,47	2,31	1,883567	1,227612	0,219593	NA
RP11-10G12.1	0,62	-1,93	1,569301	-1,22751	0,219631	NA
SRPX2	10,23	-1,32	1,076808	-1,22747	0,219645	0,5907889
RN7SL664P	0,91	2,49	2,027329	1,22712	0,219778	NA
RP11-298E9.5	0,80	-4,48	3,651127	-1,22705	0,219804	NA
RP11-514P8.12	113,37	0,68	0,551455	1,226928	0,21985	0,591255
NXPE3	397,93	0,80	0,654552	1,226843	0,219882	0,591256
RP11-307L3.2	0,53	-2,39	1,944719	-1,22665	0,219955	NA
RBFOX1	8,15	-1,49	1,215126	-1,22624	0,220107	0,5916225
FXN	328,35	0,68	0,557483	1,226245	0,220107	0,5916225
CTD-2643I7.5	21,62	-1,01	0,824188	-1,22623	0,220113	0,5916225
WASH4P	1,32	2,43	1,984105	1,226013	0,220194	NA
KMT2B	261,02	-0,91	0,745081	-1,22596	0,220212	0,5917409
GCH1	207,81	0,86	0,704999	1,225831	0,220262	0,5917409
ADPGK	1447,29	0,41	0,337211	1,225797	0,220275	0,5917409
PAX8	28,33	2,38	1,944936	1,225676	0,220321	0,5917409
RP11-164C12.2	29,33	-1,30	1,059471	-1,22564	0,220333	0,5917409
GRM6	14,52	-0,78	0,632867	-1,2256	0,220348	0,5917409
RP11-39K24.11	12,66	2,14	1,744691	1,225199	0,2205	0,5919454
DZIP1L	42,79	-2,22	1,810582	-1,22519	0,220503	0,5919454
NBPF3	38,12	-1,23	1,004841	-1,22512	0,220529	0,5919454
CCDC62	14,84	1,58	1,288791	1,225062	0,220552	0,5919454
CTD-2619J13.16	4,07	-1,61	1,317296	-1,22486	0,220628	0,5920073
RP11-380N8.4	14,18	-1,89	1,544251	-1,22474	0,220674	0,5920073
GPR33	2,87	4,15	3,387614	1,224735	0,220675	NA
ADAMTS4	55,63	-0,58	0,475137	-1,22469	0,22069	0,5920073
AC013448.1	10,77	-0,99	0,805539	-1,22454	0,22075	0,5920073
RP11-131P10.2	7,29	-1,77	1,44532	-1,22451	0,22076	0,5920073
OR10J1	7,51	-0,95	0,772141	-1,22449	0,220766	0,5920073
SCN3A	6,59	2,42	1,972859	1,22436	0,220816	0,5920575
CTB-175E5.4	85,91	0,99	0,812668	1,224215	0,220871	0,5920769
TOMM7	564,44	-0,42	0,345762	-1,22417	0,220887	0,5920769
DIO2	1,34	2,34	1,91446	1,223905	0,220988	NA
TRAPPC8	457,14	-0,57	0,462929	-1,22385	0,221008	0,5922557
SNX10	735,96	-0,48	0,391598	-1,22379	0,22103	0,5922557
RP11-632K20.7	253,18	-0,65	0,534862	-1,22374	0,221049	0,5922557
CTD-2015H6.2	0,77	-3,45	2,817904	-1,22362	0,221097	NA
AC010145.4	1,43	3,14	2,566917	1,223613	0,221098	NA
DICER1	1006,30	-0,51	0,413585	-1,22347	0,221153	0,5924482
RP11-380N8.7	2,85	4,13	3,37957	1,22346	0,221156	NA

TCEA1P	3,92	-2,02	1,652003	-1,22297	0,221343	0,592857
RP11-513G19.1	14,61	1,15	0,9439	1,222862	0,221382	0,592857
RP11-26J3.3	146,26	-0,93	0,763055	-1,22278	0,221415	0,592857
USP31	19,62	1,33	1,08999	1,222726	0,221433	0,592857
PCAT1	54,73	-0,96	0,785683	-1,22245	0,221539	0,5929632
KLHDC10	319,03	0,74	0,607051	1,222425	0,221547	0,5929632
CSNK1G2-AS1	12,74	1,57	1,280541	1,222368	0,221568	0,5929632
DYDC1	0,75	-2,38	1,946841	-1,22213	0,221658	NA
EFCAB6	23,69	1,35	1,107835	1,222089	0,221674	0,5931606
AC018693.7	0,66	-3,40	2,781498	-1,22181	0,221781	NA
FAM66E	17,60	-2,79	2,28318	-1,22145	0,221914	0,5933439
AC002429.5	18,82	-1,40	1,147536	-1,22144	0,221919	0,5933439
PMS2P6	2,65	4,04	3,306263	1,221435	0,221921	NA
FTSJ1	113,79	1,05	0,859496	1,221386	0,22194	0,5933439
RP11-452L6.5	46,78	-1,40	1,143351	-1,22136	0,221949	0,5933439
FST	0,82	-2,07	1,691452	-1,22126	0,221988	NA
DNER	2,39	3,07	2,516114	1,221254	0,22199	NA
RPSAP57	0,79	-4,46	3,651365	-1,22124	0,221996	NA
NMUR1	14,80	-0,90	0,737047	-1,2212	0,222011	0,5933439
RP11-111F5.4	8,00	1,56	1,278256	1,221189	0,222014	0,5933439
UBAP1	191,83	0,82	0,670209	1,22118	0,222018	0,5933439
AR	10,38	-1,25	1,020023	-1,22113	0,222038	0,5933439
ABTB1	362,05	-0,63	0,513368	-1,22099	0,222088	0,5933439
BPHL	55,43	1,01	0,824568	1,220984	0,222092	0,5933439
RP11-170J3.2	34,80	-1,73	1,4168	-1,22098	0,222094	0,5933439
VNN2	69,44	-1,24	1,014573	-1,22081	0,222157	0,5933439
AC009237.11	5,53	4,54	3,72239	1,220718	0,222193	0,5933439
ELAC2	215,43	-0,84	0,685642	-1,22069	0,222205	0,5933439
USP49	104,90	-0,79	0,646777	-1,22064	0,222221	0,5933439
MINK1	158,41	0,75	0,612009	1,220344	0,222334	0,5934093
DNAJC24	66,97	-0,83	0,680896	-1,22031	0,222346	0,5934093
AC005488.13	8,38	-2,04	1,673465	-1,22019	0,222391	0,5934093
CHURC1-FNTB	25,78	-1,15	0,94038	-1,22019	0,222394	0,5934093
RP11-80P20.3	77,48	-0,66	0,542537	-1,22016	0,222405	0,5934093
TIGD5	30,28	1,21	0,991659	1,220052	0,222445	0,5934093
NFATC1	132,55	1,07	0,880023	1,21999	0,222469	0,5934093
DIO1	3,19	4,20	3,44624	1,219933	0,22249	NA
VPS13C	2152,13	0,30	0,246561	1,219822	0,222532	0,5934943
AC068490.1	3,14	1,56	1,281218	1,2198	0,222541	NA
POLR2G	1279,13	0,34	0,276656	1,218922	0,222874	0,5940915
RP5-1125A11.4	10,49	-1,75	1,433057	-1,21892	0,222875	0,5940915
COPE	1419,64	0,36	0,293889	1,218903	0,222881	0,5940915
NPDC1	18,81	-2,81	2,301371	-1,21889	0,222888	0,5940915
CALML4	88,26	-1,23	1,012275	-1,21881	0,222916	0,5940915
RP11-165J3.5	0,79	-4,45	3,651326	-1,21876	0,222936	NA
ATXN7L3	114,47	-0,78	0,640086	-1,21847	0,223046	0,5941718
PARP14	3057,62	-0,43	0,351734	-1,21846	0,223048	0,5941718
RP11-586K12.1	48,31	-1,70	1,398905	-1,21828	0,223118	0,5941718
LAGE3	109,94	-0,50	0,413107	-1,21824	0,223133	0,5941718
DNMT3B	9,90	-2,24	1,836058	-1,21814	0,223173	0,5941718

MKRN2	151,85	1,44	1,180219	1,218078	0,223194	0,5941718
RP11-361L15.5	22,86	-0,52	0,423613	-1,21801	0,223219	0,5941718
RP11-153I24.4	5,09	-2,07	1,69583	-1,21797	0,223235	0,5941718
HHEX	356,34	0,66	0,544197	1,217936	0,223248	0,5941718
RP11-513G11.3	0,72	-2,17	1,778652	-1,21783	0,223288	NA
A2ML1	32,65	-1,01	0,825993	-1,2178	0,223299	0,5941718
TUBB2A	55,56	2,45	2,010563	1,217759	0,223316	0,5941718
RP11-793H13.11	22,34	-2,00	1,644985	-1,21772	0,223329	0,5941718
ITGB8	18,24	-0,84	0,692101	-1,21756	0,223392	0,5941809
VAT1	90,81	-1,00	0,825154	-1,21755	0,223397	0,5941809
CCNE2	2,55	-3,33	2,731642	-1,21743	0,223443	NA
TNFRSF10B	532,63	0,69	0,569144	1,217392	0,223455	0,5942509
OR6R2P	0,46	-2,24	1,84015	-1,2172	0,223528	NA
AP3B1	539,70	0,64	0,526971	1,216895	0,223644	0,5945365
SLIT2	4,31	4,21	3,462662	1,216773	0,22369	0,5945365
KLHL11	2,05	3,66	3,007234	1,216693	0,223721	NA
SCP2	938,56	0,51	0,423137	1,216631	0,223745	0,5945365
CNTNAP2	116,81	-0,86	0,706154	-1,21662	0,223748	0,5945365
RP11-420A21.1	3,72	4,53	3,723348	1,216575	0,223766	NA
CTD-2553L13.10	26,15	-2,36	1,940319	-1,21648	0,223803	0,5945365
RP4-620F22.3	26,81	-1,21	0,997506	-1,2164	0,223831	0,5945365
FAM229A	34,92	1,64	1,345404	1,216399	0,223833	0,5945365
CA5BP	309,36	-0,64	0,523953	-1,21621	0,223905	0,5945365
AC092066.1	26,96	-0,84	0,688147	-1,21619	0,223912	0,5945365
LEKR1	214,41	-0,80	0,661275	-1,21613	0,223937	0,5945365
CTD-2017C7.1	8,88	1,29	1,059466	1,216083	0,223953	0,5945365
RP1-228P16.8	2,68	4,05	3,331594	1,215971	0,223996	NA
GPR82	39,43	-1,47	1,2082	-1,21592	0,224016	0,5945365
ASPH	375,17	-0,78	0,637664	-1,2159	0,224022	0,5945365
POLR3GL	306,49	-0,64	0,52881	-1,2159	0,224024	0,5945365
CTD-3032J10.3	13,75	1,33	1,092136	1,215841	0,224046	0,5945365
ZNF770	156,85	1,18	0,970563	1,215767	0,224074	0,5945365
RP11-503E24.2	2,13	3,72	3,056392	1,215696	0,224101	NA
ADRB2	240,71	-1,01	0,83242	-1,21563	0,224125	0,5945882
GTPBP2	244,37	0,43	0,356317	1,215403	0,224213	0,5947355
RP11-731D1.4	1,11	2,78	2,289775	1,21514	0,224313	NA
RP1-32B1.4	2,85	1,31	1,079216	1,214673	0,224491	NA
SMAGP	80,90	-0,83	0,6812	-1,21466	0,224494	0,5953175
RSRC2	1113,18	0,39	0,31716	1,214647	0,224501	0,5953175
BCL7A	110,28	0,70	0,577614	1,214576	0,224528	0,5953175
CTU1	1,02	-3,07	2,52541	-1,21452	0,224547	NA
IGSF11	3,11	-2,21	1,819535	-1,21433	0,224622	NA
RP11-387A1.6	2,18	1,48	1,215954	1,214329	0,224622	NA
LMO7	106,57	0,89	0,734503	1,21432	0,224626	0,5954914
RP11-148G20.1	1,03	2,69	2,218922	1,214239	0,224656	NA
RP11-848P1.4	175,09	-0,58	0,476716	-1,21418	0,224679	0,5955132
MYBPC3	20,66	1,30	1,07416	1,214131	0,224698	0,5955132
RP11-231P20.5	1,10	2,77	2,281314	1,21373	0,224851	NA
B3GNT5	329,61	0,81	0,664223	1,213708	0,224859	0,5958561
CYP4V2	143,94	1,01	0,835717	1,213508	0,224936	0,5959738

ABAT	104,72	0,86	0,704684	1,213334	0,225002	0,5960648
RP11-849I19.2	103,28	-1,07	0,880395	-1,21308	0,225099	0,5961922
CTD-2135D7.4	5,00	-2,02	1,663225	-1,21304	0,225114	0,5961922
PITX2	0,55	-3,93	3,239192	-1,21299	0,225135	NA
S100A11	2517,85	-0,25	0,205518	-1,21288	0,225176	0,59627
RP11-269F19.9	2,66	4,05	3,340402	1,212839	0,225191	NA
RP11-47I22.3	106,94	-0,65	0,534652	-1,21257	0,225295	0,5963972
PHGDH	24,91	0,77	0,636063	1,212556	0,2253	0,5963972
RP11-617D20.2	2,21	-1,42	1,173313	-1,21245	0,225339	NA
MYT1	5,09	3,84	3,163443	1,212444	0,225342	0,5963972
MIR548AJ2	20,28	-1,74	1,432153	-1,21235	0,225379	0,5963972
RB1CC1	640,79	0,55	0,449579	1,212253	0,225415	0,5963972
HNRNPF	1068,45	0,47	0,391393	1,212252	0,225416	0,5963972
ZNF761	103,58	-1,00	0,826058	-1,21196	0,225528	0,5965261
ESRRA	71,23	1,18	0,974445	1,211957	0,225529	0,5965261
AJ011931.1	5,54	4,51	3,722389	1,21128	0,225788	0,5970729
PIP5K1C	116,87	0,93	0,766277	1,211233	0,225806	0,5970729
CFAP206	8,52	1,67	1,37925	1,211166	0,225832	0,5970729
HDAC11	3,57	2,16	1,783158	1,210847	0,225954	NA
ZNF215	6,61	-1,18	0,974945	-1,21082	0,225965	0,5972376
STX17	210,91	-0,75	0,622406	-1,21074	0,225996	0,5972376
SPAG16	134,64	1,17	0,969072	1,210707	0,226008	0,5972376
RP1-178F15.4	1,59	-1,70	1,407962	-1,21056	0,226064	NA
PYGM	23,54	-0,96	0,794676	-1,21049	0,226089	0,5972376
RP4-612B15.3	0,45	-2,86	2,36636	-1,21036	0,22614	NA
NEK9	527,47	0,69	0,572966	1,210358	0,226142	0,5972376
LAIR1	260,49	-0,82	0,680425	-1,21023	0,22619	0,5972376
POLR3D	125,60	1,16	0,957291	1,21021	0,226198	0,5972376
A2M	92,87	-1,17	0,968101	-1,21018	0,226212	0,5972376
F2RL2	102,82	0,91	0,755672	1,210172	0,226213	0,5972376
CTD-2020K17.1	83,42	0,66	0,545955	1,210166	0,226215	0,5972376
TAS2R10	2,06	3,67	3,033933	1,209846	0,226338	NA
SPAG11B	2,04	3,59	2,96564	1,20983	0,226344	NA
PPARD	66,86	-1,01	0,833031	-1,2098	0,226357	0,5975263
LINC00934	1,63	-1,16	0,957264	-1,20965	0,226413	NA
SH3GLB1	816,36	0,40	0,327683	1,209312	0,226543	0,5976367
DBF4	151,89	0,88	0,730262	1,20931	0,226544	0,5976367
CTC-548K16.1	6,88	0,99	0,815859	1,209303	0,226546	0,5976367
NME5	2,47	3,31	2,739033	1,2093	0,226548	NA
RP11-759A24.2	1,88	-1,40	1,156627	-1,20926	0,226563	NA
RP11-156E8.1	42,90	-0,98	0,806397	-1,20921	0,226583	0,5976367
ATP5L	2546,46	-0,22	0,178467	-1,20916	0,226602	0,5976367
MIR548AA2	4,96	1,70	1,408247	1,209103	0,226623	0,5976367
MIR548D2	4,96	1,70	1,408247	1,209103	0,226623	0,5976367
RP11-846F4.12	0,98	-1,54	1,274656	-1,20891	0,226697	NA
RP11-84C10.2	6,27	-1,71	1,411922	-1,20886	0,226718	0,5978022
CTD-2547L24.4	1,44	-1,68	1,387465	-1,2086	0,226818	NA
AC013472.3	5,49	-1,34	1,105612	-1,20827	0,226943	0,5982605
AC087069.1	4,22	3,13	2,592758	1,208229	0,226959	0,5982605
RN7SL535P	1,80	-2,70	2,234119	-1,20808	0,227015	NA

FAM160B2	126,91	-0,85	0,702225	-1,20805	0,227027	0,5982605
RP4-564F22.5	14,98	-1,27	1,049167	-1,20801	0,227044	0,5982605
RP11-179A16.1	3,86	1,65	1,367514	1,207986	0,227053	0,5982605
CIDEB	551,76	0,59	0,486666	1,207755	0,227142	0,5984096
RPL35AP3	1,59	-2,13	1,762745	-1,20771	0,227158	NA
SMIM6	2,07	3,69	3,055802	1,207663	0,227177	NA
XXyac-YX60D10.1	0,52	-2,84	2,348883	-1,20766	0,227177	NA
GUCD1	222,38	-0,83	0,685987	-1,2076	0,227203	0,5984452
GALNT3	250,61	0,92	0,763913	1,207553	0,227219	0,5984452
RP11-867G23.12	0,72	-2,43	2,010004	-1,20736	0,227294	NA
XX-FW81066F1.2	1,96	3,60	2,984008	1,207348	0,227298	NA
CIDEC	0,84	-4,01	3,320519	-1,20729	0,22732	NA
C3orf67	2,35	-1,08	0,898189	-1,20718	0,227361	NA
RP11-758P17.2	1,88	2,95	2,442668	1,20714	0,227378	NA
RP11-231G15.2	2,09	-1,54	1,272704	-1,20698	0,227442	NA
RP11-136K14.2	8,46	-2,06	1,710672	-1,2069	0,22747	0,5989434
GGT6	13,47	-0,66	0,545821	-1,20689	0,227473	0,5989434
AC002044.1	22,50	-1,23	1,015672	-1,20663	0,227574	0,5991258
AC097635.2	0,76	-4,41	3,651973	-1,2065	0,227626	NA
KCNQ3	1,03	-2,23	1,847018	-1,20645	0,227643	NA
MFAP3	55,58	1,76	1,462117	1,206233	0,227728	0,5994449
XXyac-YR21IF11.1	29,72	-1,13	0,940788	-1,20613	0,227768	0,5994559
HSD17B2	153,15	0,55	0,455222	1,206055	0,227796	0,5994559
ATIC	313,14	0,62	0,512332	1,205881	0,227863	0,5995357
SP1	661,17	-0,59	0,485573	-1,20581	0,227891	0,5995357
HOXA7	3,07	3,73	3,096532	1,205699	0,227933	NA
TMEM63A	346,22	-0,85	0,705767	-1,2057	0,227934	0,5995629
RP11-280F2.2	11,77	-0,96	0,792782	-1,20561	0,22797	0,5995722
RP11-476H20.1	14,26	-1,24	1,028846	-1,20533	0,228078	0,5997721
OR8D1	15,84	-1,78	1,474781	-1,20519	0,22813	0,5998235
ATP11B	388,02	-0,60	0,501083	-1,20509	0,22817	0,5998419
RP11-536I6.1	24,24	-1,21	1,003805	-1,20501	0,228201	0,5998419
YDJC	253,73	1,06	0,875711	1,204808	0,228278	0,599958
C6orf226	62,74	-1,06	0,87642	-1,20468	0,228328	0,6000061
ZNF845	51,80	1,04	0,860183	1,204413	0,22843	0,6001504
KIAA1462	8,83	1,68	1,393254	1,204368	0,228447	0,6001504
RP11-82O19.2	8,63	-3,27	2,719555	-1,20418	0,228521	0,6002598
HKR1	83,99	0,84	0,700521	1,204057	0,228567	0,6002959
ZBTB18	229,42	0,52	0,434249	1,203832	0,228655	0,6003867
RP11-433J8.1	10,27	-1,43	1,191453	-1,2038	0,228666	0,6003867
RP4-813D12.3	1,53	-1,49	1,24014	-1,20376	0,228683	NA
C15orf58	153,08	0,88	0,72762	1,203632	0,228732	0,6004364
AC005086.4	5,91	-1,01	0,840579	-1,20359	0,22875	0,6004364
STT3B	1062,82	0,47	0,387008	1,203458	0,228799	0,6004802
NFKBID	482,54	0,65	0,543762	1,202939	0,229	0,6007594
AC004041.2	2,01	3,03	2,520007	1,202909	0,229012	NA
SEPT1	38,85	-1,15	0,954059	-1,2028	0,229055	0,6007594
USP4	989,36	0,49	0,404151	1,202785	0,22906	0,6007594
DNAJB14	794,20	0,52	0,435397	1,202767	0,229066	0,6007594
EAF2	381,58	0,76	0,630354	1,202766	0,229067	0,6007594

CTD-2280E9.1	0,83	-2,70	2,243807	-1,20272	0,229085	NA
CACNB3	24,68	-0,97	0,805569	-1,20268	0,2291	0,6007608
EPM2AIP1	493,58	0,71	0,586524	1,202382	0,229216	0,6008318
PCYT1A	514,93	-0,71	0,591935	-1,20238	0,229217	0,6008318
OR5A1	79,73	-0,68	0,567086	-1,20236	0,229224	0,6008318
RN7SL478P	1,17	2,84	2,365386	1,202026	0,229354	NA
PHACTR4	483,30	-0,71	0,588462	-1,20175	0,229461	0,6013667
RNU6-494P	3,58	4,47	3,723493	1,20171	0,229476	NA
ZNF468	120,33	0,87	0,723233	1,201668	0,229492	0,6013667
USP41	2,45	4,05	3,366825	1,201631	0,229507	NA
CDC14A	174,80	0,91	0,758164	1,201097	0,229714	0,6018489
RP5-1039K5.16	14,47	-1,21	1,004547	-1,20103	0,229741	0,6018489
RP6-91H8.5	65,16	-0,51	0,422947	-1,20052	0,229938	0,6022792
KLHL15	315,24	0,86	0,719918	1,200351	0,230003	0,6023237
OSBPL10	103,62	-0,89	0,739055	-1,20027	0,230034	0,6023237
STK16	73,69	-1,96	1,6366	-1,20023	0,230052	0,6023237
NIPAL3	260,07	0,76	0,63704	1,199932	0,230166	0,6024967
CDKN2D	329,46	0,81	0,672776	1,199813	0,230212	0,6024967
RP11-582H21.2	9,74	-2,40	1,9976	-1,19981	0,230215	0,6024967
CEACAM4	313,21	0,96	0,798887	1,19925	0,230431	0,602977
RP11-54A4.2	3,20	3,72	3,099906	1,199174	0,23046	NA
C12orf54	0,69	-3,41	2,845806	-1,19913	0,230476	NA
KMT5B	425,51	-0,63	0,524954	-1,1991	0,230488	0,603041
TRMT13	130,99	-1,05	0,871752	-1,19901	0,230522	0,6030466
ILF3	1187,76	0,35	0,294312	1,198826	0,230595	0,6031533
RP11-865I6.2	2,69	1,38	1,150963	1,198503	0,230721	NA
RP11-440K22.1	0,65	-2,37	1,978529	-1,19842	0,230754	NA
RP11-150O12.4	0,78	-2,40	2,001113	-1,19838	0,23077	NA
RP11-761N21.2	9,81	-0,56	0,464131	-1,19825	0,230821	0,6036592
CTD-2349P21.6	3,29	1,64	1,371835	1,198005	0,230915	NA
PAIP1	266,90	-0,56	0,469691	-1,19768	0,231041	0,6041059
IDH3B	1055,97	0,59	0,49437	1,197596	0,231074	0,6041059
IGKV3-11	2,97	-1,49	1,247881	-1,1976	0,231075	NA
ZER1	225,81	-1,11	0,927118	-1,19742	0,231142	0,6041059
ABCC9	94,04	-0,78	0,647658	-1,1974	0,231152	0,6041059
CTNNA2	154,17	-1,80	1,500906	-1,19739	0,231155	0,6041059
DUX4L50	6,56	-2,15	1,797252	-1,19727	0,2312	0,6041387
COX20	238,64	0,81	0,673887	1,197139	0,231252	0,6041919
RP11-1228E12.2	1,81	3,48	2,911356	1,197027	0,231296	NA
RP11-794P6.1	5,73	-1,17	0,976088	-1,197	0,231305	0,6042261
GAPDHP72	5,58	1,29	1,078152	1,196939	0,23133	0,6042261
LOXL2	28,00	1,06	0,884517	1,196818	0,231378	0,6042644
RP11-65J3.2	1,47	2,56	2,142	1,196705	0,231422	NA
ESR1	23,14	-1,79	1,495683	-1,1966	0,231461	0,6043986
RP11-308B16.1	2,05	2,44	2,037376	1,196403	0,231539	NA
P2RY13	679,38	0,75	0,62434	1,196361	0,231556	0,6044423
AFF4	614,79	0,60	0,502262	1,196348	0,231561	0,6044423
DNAJC9-AS1	32,58	1,86	1,555135	1,19631	0,231576	0,6044423
RP11-632K20.6	1,10	-3,96	3,309409	-1,19614	0,23164	NA
RP11-174N3.4	3,52	-0,89	0,746799	-1,19606	0,231671	NA

ANLN	25,63	-1,73	1,443744	-1,19605	0,231677	0,6046216
GNA13	1293,28	0,55	0,459632	1,195539	0,231876	0,6050575
AC105253.1	17,45	-1,57	1,313907	-1,19544	0,231914	0,6050584
RP11-115K3.2	0,50	-2,89	2,41391	-1,19543	0,23192	NA
CSRP1	569,43	0,73	0,614022	1,19537	0,231943	0,6050584
RN7SL122P	8,45	1,53	1,282237	1,195266	0,231983	0,6050584
CNTD1	4,06	1,93	1,613713	1,195054	0,232066	0,6050584
AC084117.3	4,94	3,01	2,51867	1,195044	0,23207	0,6050584
RP11-789C2.1	3,97	1,86	1,553721	1,195039	0,232072	0,6050584
RP11-163G10.3	0,72	1,54	1,286447	1,194963	0,232101	NA
FGFR10P2	383,79	-0,61	0,510726	-1,19464	0,232226	0,6053762
FBXW4	323,28	0,96	0,804113	1,194494	0,232285	0,6054439
SYNGR2	4455,99	0,23	0,195328	1,194186	0,232405	0,605673
RN7SL173P	10,16	-0,97	0,80992	-1,19382	0,232549	0,6059626
RP11-370K11.1	2,98	3,64	3,045151	1,193811	0,232552	NA
RP1-59D14.8	4,28	-3,37	2,824179	-1,19372	0,232589	0,605982
RP11-107F6.3	7,97	-0,79	0,66023	-1,19363	0,232622	0,6059835
SREBF1	98,75	-0,92	0,774148	-1,19348	0,232682	0,6060542
RP11-326C3.13	1,64	2,74	2,297628	1,193428	0,232702	NA
RNF152	26,92	-1,18	0,987881	-1,19319	0,232794	0,6062063
RP11-318E3.4	2,60	4,01	3,360654	1,193167	0,232804	NA
COX7A2L	1389,95	0,40	0,335825	1,19311	0,232826	0,6062063
SMCR8	119,74	0,58	0,490277	1,19306	0,232846	0,6062063
ITPRIPL2	193,64	0,61	0,507407	1,192927	0,232898	0,6062063
RP3-427A4.2	5,99	-1,56	1,30659	-1,19287	0,23292	0,6062063
OR2T7	5,25	1,33	1,117726	1,192831	0,232936	0,6062063
CDH9	1,59	-2,01	1,681733	-1,19276	0,232964	NA
WDR72	4,49	-1,08	0,902716	-1,19252	0,233058	0,6063326
DAGLB	542,66	0,63	0,531383	1,192423	0,233096	0,6063326
PPP3CC	210,27	0,90	0,757624	1,192381	0,233112	0,6063326
EXOSC9	443,56	0,79	0,664	1,192374	0,233115	0,6063326
SPRED1	112,91	1,32	1,107853	1,192149	0,233203	0,6064771
KIAA0125	45,19	-1,99	1,673699	-1,19186	0,233316	0,6065213
RP11-2J18.1	17,32	-1,16	0,971273	-1,19184	0,233325	0,6065213
AC083864.3	4,11	-1,50	1,258419	-1,19177	0,23335	0,6065213
NCBP3	497,90	-0,61	0,514969	-1,19165	0,233398	0,6065213
CHIT1	2,16	-2,40	2,015035	-1,19158	0,233427	NA
C9orf85	133,47	-1,00	0,838497	-1,19158	0,233427	0,6065213
CTB-83J4.2	10,46	2,85	2,390708	1,191558	0,233435	0,6065213
SARAF	3357,31	0,31	0,261399	1,191519	0,23345	0,6065213
C9orf172	2,40	3,29	2,763924	1,191428	0,233486	NA
MIF-AS1	3,13	2,18	1,828732	1,191401	0,233496	NA
RP1-43E13.2	4,92	3,35	2,810946	1,191122	0,233606	0,6065213
GABPA	277,67	0,85	0,71016	1,191055	0,233632	0,6065213
PPP1R32	40,70	-1,50	1,259829	-1,191	0,233654	0,6065213
RN7SL465P	21,93	-0,85	0,712127	-1,19091	0,233689	0,6065213
CTD-3064H18.4	6,49	-1,62	1,358268	-1,19089	0,233695	0,6065213
XRCC5	2307,80	-0,41	0,346739	-1,19088	0,233702	0,6065213
RP11-53B2.5	3,55	2,45	2,055229	1,190874	0,233703	NA
SNORD13E	16,13	-1,02	0,85595	-1,19078	0,233742	0,6065213

RP11-316M1.12	39,14	-2,04	1,717198	-1,19064	0,233795	0,6065213
WISP2	14,18	-0,79	0,659726	-1,19058	0,233818	0,6065213
DPP7	644,20	-0,50	0,422776	-1,19053	0,233837	0,6065213
FAM160A2	227,72	-0,66	0,556077	-1,19042	0,233882	0,6065213
GOLGA6L9	12,84	1,61	1,354028	1,190404	0,233888	0,6065213
RP11-392P7.3	54,50	1,22	1,027549	1,190335	0,233915	0,6065213
NEURL1	15,90	0,90	0,753626	1,190278	0,233937	0,6065213
NAALADL2	43,44	-1,27	1,065108	-1,19025	0,23395	0,6065213
RP11-342M1.3	5,12	1,19	0,997309	1,190196	0,23397	0,6065213
CTD-2535L24.2	0,73	-4,35	3,652683	-1,19017	0,233979	NA
ZC3H12D	135,88	-0,98	0,827182	-1,18995	0,234065	0,6065343
GLDC	12,89	-0,96	0,805441	-1,18989	0,234091	0,6065343
TAS2R31	2,42	3,30	2,774923	1,189847	0,234107	NA
RP11-676J12.4	13,74	-1,08	0,904095	-1,18972	0,234156	0,6065343
TMEM218	300,95	-0,93	0,78463	-1,18964	0,234187	0,6065343
PIN1	400,51	-0,64	0,536218	-1,18964	0,234187	0,6065343
FBXO18	379,52	-0,51	0,425446	-1,1896	0,234203	0,6065343
PAF1	263,31	-0,81	0,678202	-1,18946	0,234259	0,6065343
RP11-344N10.5	27,56	-0,72	0,608646	-1,18936	0,234298	0,6065343
RP11-96D1.10	56,77	-1,59	1,333261	-1,18928	0,23433	0,6065343
RP11-158G18.1	7,28	1,83	1,539774	1,189245	0,234343	0,6065343
RP1-274L7.4	12,45	-1,15	0,968327	-1,18916	0,234375	0,6065343
CTD-2012K14.5	54,43	-0,54	0,450715	-1,18913	0,234388	0,6065343
RP11-337C18.8	29,23	1,71	1,435111	1,189105	0,234398	0,6065343
RP11-752G15.8	3,39	1,45	1,215838	1,189104	0,234399	NA
RP13-580B18.1	2,00	3,62	3,041737	1,188975	0,23445	NA
RP11-53B2.4	11,25	1,46	1,228713	1,188926	0,234469	0,6065612
AC087886.1	16,89	1,39	1,169964	1,188913	0,234474	0,6065612
RBM12	271,80	0,84	0,710135	1,18858	0,234605	0,6067564
SCARB2	857,61	-0,56	0,473255	-1,18852	0,23463	0,6067564
PSMG2	560,42	0,56	0,467728	1,188473	0,234647	0,6067564
POMT1	106,97	-0,84	0,706307	-1,18833	0,234704	0,6068181
USP2	1,69	3,50	2,942459	1,188317	0,234709	NA
RP11-387H17.6	7,13	-1,15	0,96436	-1,18815	0,234774	0,6069157
TMEM56	1,32	-1,69	1,418633	-1,18814	0,23478	NA
RP11-181E22.4	7,43	-1,93	1,62127	-1,18804	0,234816	0,6069325
TBC1D14	427,84	0,81	0,682843	1,187968	0,234846	0,6069325
AC011816.4	2,13	-0,98	0,826306	-1,1879	0,234872	NA
RP11-810P12.5	6,03	-3,46	2,913405	-1,18759	0,234993	0,6071479
RP11-542M13.3	7,63	2,54	2,142218	1,187551	0,23501	0,6071479
C1orf105	4,51	-3,07	2,589171	-1,18751	0,235027	0,6071479
MPZL3	210,67	-1,00	0,838462	-1,18735	0,23509	0,6071552
CPSF7	238,46	0,75	0,632634	1,187227	0,235138	0,6071552
MSRB3	29,33	-1,21	1,02198	-1,18722	0,23514	0,6071552
CFAP58	3,76	4,42	3,723283	1,187099	0,235189	0,6071552
RP11-386G11.10	1052,70	0,66	0,552123	1,1869	0,235267	0,6071552
CNIH4	304,15	0,68	0,576827	1,186845	0,235289	0,6071552
ALPK3	1,95	3,47	2,927452	1,186839	0,235291	NA
RPL36AL	1147,71	-0,27	0,227093	-1,18683	0,235295	0,6071552
ACBD7	14,90	-1,12	0,939671	-1,18678	0,235315	0,6071552

NIPAL2	336,47	-0,95	0,803993	-1,18676	0,235324	0,6071552
ZBTB46	86,74	-1,23	1,03342	-1,18639	0,235469	0,6074467
KB-1552D7.2	8,66	1,38	1,161423	1,186291	0,235508	0,6074612
MIR4434	2,88	3,57	3,010247	1,186267	0,235517	NA
NRSN2	3,25	3,65	3,080017	1,186243	0,235526	NA
AC127904.2	44,44	-0,80	0,674748	-1,18608	0,235591	0,607569
RP11-977G19.11	5,54	1,32	1,11599	1,185958	0,235639	0,607569
B3GALT6	173,93	1,04	0,880582	1,185937	0,235647	0,607569
RN7SL615P	6,63	1,71	1,442028	1,185845	0,235684	0,6075786
CETN3	68,80	1,48	1,246864	1,185557	0,235797	0,6077871
RP11-217B7.3	3,44	4,41	3,723608	1,185449	0,23584	NA
RP11-12G12.6	1,35	3,07	2,587013	1,18532	0,235891	NA
CARD11	33,25	-1,81	1,529484	-1,18507	0,235988	0,6080766
MYLK	105,87	-0,79	0,669281	-1,18507	0,235988	0,6080766
RP5-1039K5.12	8,38	1,16	0,98231	1,185025	0,236008	0,6080766
MRPL24	368,91	-0,72	0,604542	-1,18491	0,236052	0,608108
AMZ1	80,19	1,30	1,095592	1,184704	0,236134	0,6081956
PIGB	147,32	0,63	0,534158	1,1845	0,236215	0,6081956
CTD-3025N20.3	0,91	-3,88	3,274952	-1,18441	0,23625	NA
BAG6	804,45	-0,34	0,288468	-1,18441	0,23625	0,6081956
RP11-166O4.6	52,97	-0,89	0,749558	-1,18439	0,23626	0,6081956
LY75	502,88	0,65	0,545158	1,184287	0,2363	0,6081956
CDK6	426,05	0,84	0,711029	1,184257	0,236311	0,6081956
TACC3	367,06	-0,54	0,456663	-1,18425	0,236315	0,6081956
AC092301.3	1,25	-1,84	1,552459	-1,18411	0,236369	NA
CTD-2116F7.1	22,26	0,86	0,728035	1,183796	0,236494	0,6084487
JHDM1D-AS1	192,58	-0,78	0,661312	-1,1837	0,236533	0,6084487
GIMAP6	109,00	-1,30	1,099713	-1,18362	0,236562	0,6084487
ZFP14	165,14	-1,15	0,973342	-1,18355	0,23659	0,6084487
RP11-104C4.2	0,61	-3,84	3,245713	-1,18333	0,236679	NA
TUBA1C	712,71	0,48	0,402762	1,1833	0,23669	0,6084487
ABCD4	132,72	-0,79	0,666937	-1,18328	0,236696	0,6084487
RP11-664D7.4	49,79	-1,12	0,944653	-1,18312	0,236761	0,6084487
ZNF740	40,27	-1,03	0,873726	-1,1831	0,23677	0,6084487
FGL2	5258,70	0,24	0,206261	1,183024	0,2368	0,6084487
RP11-585F1.6	1,33	3,06	2,588592	1,182936	0,236834	NA
RP1-68D18.2	12,78	-1,23	1,037387	-1,1829	0,236847	0,6084487
KLC3	37,47	-0,51	0,434159	-1,18288	0,236859	0,6084487
RP11-760N9.1	241,31	-0,53	0,444867	-1,18286	0,236865	0,6084487
RP11-106M3.2	9,65	1,47	1,241424	1,182796	0,23689	0,6084487
TP53BP1	212,66	-0,75	0,637441	-1,18276	0,236904	0,6084487
RP11-864I4.1	49,51	-1,72	1,453882	-1,18276	0,236904	0,6084487
SPRYD7	78,36	-1,15	0,975363	-1,18266	0,236942	0,608463
RNU6-890P	1,20	-2,04	1,72846	-1,18242	0,23704	NA
SAA1	0,72	-4,32	3,653625	-1,18233	0,237074	NA
ATL2	176,18	0,77	0,652989	1,182325	0,237077	0,6087234
RP11-536C10.3	2,65	2,18	1,847583	1,182205	0,237124	NA
RNU6-652P	2,41	3,91	3,308862	1,181996	0,237207	NA
SEMA6A	151,24	-1,56	1,317048	-1,18135	0,237465	0,6096353
AC009120.3	6,60	-2,54	2,151991	-1,18117	0,237535	0,6097317

GPC5-AS1	1,06	2,70	2,290236	1,181086	0,237569	NA
RP11-178L8.9	4,64	2,17	1,833649	1,181004	0,237601	0,6097372
PAPD5	602,86	-0,57	0,479652	-1,18092	0,237635	0,6097372
RP5-828K20.2	40,31	-0,56	0,47125	-1,18092	0,237635	0,6097372
LAMTOR1	2027,40	0,23	0,191989	1,180732	0,237709	0,6097817
B3GAT2	11,77	-1,03	0,869922	-1,18071	0,237718	0,6097817
TECRL	37,47	-0,85	0,718278	-1,18055	0,237781	0,6098218
UMODL1	0,89	-4,32	3,656141	-1,18052	0,237792	NA
ATXN7	238,06	0,70	0,592396	1,180505	0,237799	0,6098218
LA16c-444G7.2	1,10	2,78	2,350727	1,180488	0,237806	NA
RP11-383I23.2	59,30	-1,00	0,850677	-1,18007	0,23797	0,6101765
AP001626.2	4,69	1,44	1,217781	1,179942	0,238023	0,6101843
TSSC4	149,66	-0,85	0,717245	-1,17975	0,2381	0,6101843
RP11-904M10.1	5,73	2,75	2,328148	1,179737	0,238105	0,6101843
CTD-2561B21.7	7,86	-1,45	1,232827	-1,17961	0,238156	0,6101843
SEMA4B	51,01	0,76	0,643468	1,1796	0,23816	0,6101843
RP11-174G6.1	7,70	1,07	0,908451	1,179572	0,23817	0,6101843
RP11-901H12.1	4,10	2,03	1,720877	1,179413	0,238234	0,6102632
SLC16A14	1,86	-2,74	2,32517	-1,1794	0,238239	NA
RP11-148K1.10	4,64	-1,35	1,147812	-1,17928	0,238287	0,6103153
HECW1	5,67	-1,79	1,52184	-1,17874	0,2385	0,6105836
C16orf58	84,40	1,28	1,086657	1,17872	0,23851	0,6105836
FAM86DP	11,97	-1,12	0,94661	-1,17872	0,238511	0,6105836
WASHC3	486,66	0,58	0,49212	1,17864	0,238542	0,6105836
RP1-179N16.6	18,30	-0,61	0,516483	-1,1786	0,238556	0,6105836
LRRC57	257,03	0,71	0,599283	1,178504	0,238596	0,6106013
PHKB	606,84	0,60	0,50671	1,178255	0,238695	0,6107043
RP11-673E1.1	53,28	-0,62	0,52727	-1,17821	0,238712	0,6107043
SMYD2	115,93	-1,08	0,915234	-1,17811	0,238754	0,6107043
MIR137HG	19,64	0,74	0,631003	1,178074	0,238767	0,6107043
AP2B1	547,86	0,67	0,567972	1,177937	0,238822	0,6107603
ZMIZ2	426,27	0,60	0,506112	1,177817	0,23887	0,6107988
RP11-51P8.1	1,16	-1,53	1,3025	-1,17767	0,238929	NA
PDCD11	198,27	-0,79	0,670588	-1,17766	0,238932	0,6108368
SLC9A9	167,60	-0,91	0,775731	-1,17761	0,238954	0,6108368
RP11-356M20.3	3,58	-1,00	0,851798	-1,17754	0,238979	NA
OR4D9	86,37	-0,61	0,518793	-1,17753	0,238983	0,6108368
RP3-468B3.3	45,73	-0,96	0,814944	-1,17741	0,239033	0,610881
KCNK3	13,41	-0,76	0,641906	-1,17719	0,23912	0,6109263
AC007064.24	18,64	1,83	1,553621	1,177127	0,239145	0,6109263
OR2A3P	9,16	1,85	1,57149	1,177115	0,239149	0,6109263
CDIP1	191,83	1,01	0,85786	1,176944	0,239218	0,6109507
RP11-1042B17.3	136,33	-0,63	0,53948	-1,17693	0,239225	0,6109507
RPS17	3538,48	-0,27	0,233502	-1,17667	0,239329	0,6110566
ZFH3	508,37	-0,67	0,571686	-1,17662	0,239349	0,6110566
RGR	39,32	-0,89	0,757119	-1,17646	0,239413	0,6110566
AC012314.19	16,56	-1,67	1,420465	-1,17637	0,239448	0,6110566
EXOSC6	439,46	-0,43	0,365123	-1,17628	0,239482	0,6110566
SH3GL1	126,76	-0,59	0,50446	-1,17628	0,239484	0,6110566
SENP5	231,67	-0,61	0,520219	-1,1762	0,239515	0,6110566

TACSTD2	2,27	2,59	2,203899	1,176193	0,239518	NA
AKAP17A	348,41	0,44	0,370471	1,176165	0,239529	0,6110566
PKD1P5	1,14	-3,03	2,57552	-1,17605	0,239573	NA
CCR9	4,01	4,04	3,434966	1,175658	0,239731	0,6113897
CCDC181	6,43	3,82	3,25028	1,175597	0,239756	0,6113897
C8orf41	113,29	-0,70	0,598397	-1,17559	0,239758	0,6113897
ZNF365	10,06	-1,66	1,40915	-1,17518	0,239921	0,6117206
RN7SL403P	1,09	-1,46	1,242677	-1,17516	0,239932	NA
LUZP1	416,30	0,61	0,519698	1,174576	0,240164	0,6122574
RP1-71L16.1	1,87	3,54	3,0117	1,174534	0,240181	NA
TMED6	3,37	4,37	3,723666	1,174285	0,240281	NA
TRIM26	317,64	0,62	0,527709	1,174208	0,240312	0,6125495
RP11-126K1.8	21,05	-0,96	0,81828	-1,17409	0,240359	0,6125668
OR4K17	26,89	-1,00	0,855486	-1,17403	0,240384	0,6125668
RP11-374F3.5	3,68	-1,78	1,518383	-1,17397	0,240406	NA
PWRN2	1,55	-3,59	3,057691	-1,17391	0,240432	NA
HES2	9,57	-0,97	0,822643	-1,17323	0,240704	0,6132224
SSR2	2158,97	0,34	0,292709	1,173186	0,240721	0,6132224
FRA10AC1	141,02	0,84	0,717328	1,17307	0,240768	0,6132224
RP11-714L20.1	4,44	-1,30	1,110216	-1,17293	0,240825	0,6132224
RP11-583F2.6	1,67	3,38	2,881432	1,172908	0,240833	NA
TPR	1251,24	0,57	0,487617	1,172897	0,240837	0,6132224
AATF	386,45	-0,54	0,463773	-1,17289	0,240839	0,6132224
IQCF3	43,11	-0,88	0,751027	-1,17277	0,240889	0,6132649
CNTROB	126,67	0,89	0,758257	1,172647	0,240938	0,6133045
VTN	2,50	4,00	3,410343	1,172624	0,240947	NA
AF127577.10	22,60	2,17	1,854244	1,172548	0,240977	0,6133215
RNU6-79P	0,61	-3,24	2,766833	-1,17219	0,241122	NA
MIR570	7,32	-2,70	2,304495	-1,17211	0,241152	0,6136488
COA6	158,79	-0,68	0,581695	-1,17206	0,241172	0,6136488
LSM7	564,23	-0,35	0,300131	-1,17186	0,241254	0,613773
STK31	10,50	-1,00	0,853861	-1,17168	0,241325	0,613872
NSMCE3	149,61	0,94	0,802868	1,171474	0,241408	0,6139984
VTRNA1-1	2,27	-1,44	1,226307	-1,17133	0,241464	NA
RN7SL246P	16,71	-1,78	1,516211	-1,17122	0,241509	0,6141559
KCNV1	60,10	-0,70	0,60113	-1,17116	0,241536	0,6141559
AC091633.3	2,65	3,64	3,10531	1,171063	0,241573	NA
ZNF135	2,79	1,46	1,249771	1,17103	0,241587	NA
ARL3	139,22	0,86	0,732831	1,170768	0,241692	0,6144681
POU6F1	19,22	1,22	1,043255	1,170648	0,24174	0,6145069
AC004166.5	1,34	3,04	2,592858	1,170606	0,241757	NA
AC009166.7	8,73	-1,23	1,050665	-1,17049	0,241806	0,6145835
SQRDL	1087,76	0,51	0,434683	1,170372	0,241851	0,6145835
RP11-34E5.2	3,93	4,01	3,424776	1,170327	0,241869	0,6145835
NANS	850,78	0,39	0,33276	1,169784	0,242088	0,6149036
MAN1C1	104,35	1,09	0,929566	1,169645	0,242144	0,6149036
ERC2	15,87	-2,67	2,28659	-1,16958	0,242171	0,6149036
RP4-758J18.2	10,50	1,83	1,566007	1,169544	0,242184	0,6149036
MOCOS	34,11	1,23	1,052764	1,169469	0,242215	0,6149036
ATP5G2	3618,97	0,19	0,166029	1,169342	0,242266	0,6149036

ACTR5	153,84	1,02	0,87615	1,169321	0,242274	0,6149036
SLC35C1	113,86	1,18	1,012294	1,169287	0,242288	0,6149036
AC008079.10	147,71	-0,48	0,410705	-1,16928	0,242293	0,6149036
CCDC116	0,60	-3,80	3,24685	-1,1692	0,242322	NA
RP11-81A1.4	8,13	-0,93	0,798612	-1,16915	0,242343	0,6149466
HIST2H3D	14,02	2,86	2,446122	1,168723	0,242515	0,6152997
CTD-3116E22.7	2,78	1,40	1,199034	1,168629	0,242553	NA
C19orf45	11,30	-1,53	1,312001	-1,1684	0,242647	0,6155515
RP11-30L15.6	1,01	2,67	2,28266	1,168191	0,24273	NA
TMEM128	252,69	0,96	0,820573	1,168121	0,242758	0,6156198
RP11-506H20.1	5,50	-1,50	1,283538	-1,16808	0,242775	0,6156198
DDX19A	233,37	-0,53	0,450532	-1,16806	0,242782	0,6156198
RP11-826N14.6	10,93	-1,37	1,169005	-1,168	0,242807	0,6156198
AC027125.2	18,02	-1,02	0,873211	-1,16792	0,24284	0,615621
RP11-70C1.3	3,65	-3,31	2,83615	-1,16789	0,242851	NA
AP000487.6	3,23	1,65	1,413711	1,167877	0,242856	NA
RP11-728G15.1	2,31	1,72	1,47664	1,167478	0,243018	NA
RP11-658F2.2	4,65	1,12	0,958467	1,167478	0,243018	0,6158836
PI4KAP1	168,20	1,16	0,995439	1,167333	0,243076	0,6158836
FAM49B	2705,98	0,31	0,262071	1,167298	0,24309	0,6158836
RP11-48B3.4	1,73	2,83	2,428069	1,167257	0,243107	NA
DDX20	68,67	1,20	1,026275	1,167167	0,243143	0,6158836
BLOC1S5	244,13	0,80	0,6886	1,167155	0,243148	0,6158836
ZFPL1	107,12	-0,95	0,813991	-1,1671	0,243168	0,6158836
IRF2	201,17	-0,39	0,337645	-1,16709	0,243176	0,6158836
MAPK8IP3	200,51	0,85	0,728249	1,166794	0,243294	0,6160337
NUP85	196,55	0,58	0,496965	1,166693	0,243334	0,6160337
RP11-339B21.11	13,17	2,60	2,224993	1,166678	0,24334	0,6160337
KIAA2012	26,52	0,77	0,661939	1,166612	0,243367	0,6160337
TSPAN10	35,02	-0,75	0,646734	-1,1665	0,243411	0,6160613
RP11-188P20.3	1,42	-3,47	2,971375	-1,16643	0,243439	NA
RP11-400F1.1	2,36	-1,07	0,920274	-1,16629	0,243497	NA
RP11-159F24.2	18,16	-1,26	1,08077	-1,16628	0,243502	0,6162068
KCNMB3	71,78	-1,36	1,163895	-1,16604	0,243599	0,616296
PDE3B	182,80	-0,98	0,838299	-1,16602	0,243606	0,616296
WDR62	13,19	-0,84	0,71993	-1,16592	0,243648	0,616296
HLA-C	3314,64	-0,25	0,217861	-1,16586	0,24367	0,616296
FAM201A	1,72	1,74	1,489921	1,165628	0,243765	NA
TANK	877,85	-0,45	0,386895	-1,16554	0,2438	0,6165418
RP11-281O15.7	3,26	4,34	3,723776	1,165531	0,243804	NA
TGFBR1	563,38	0,86	0,7417	1,16543	0,243845	0,6165687
ERF	2,56	-2,01	1,723867	-1,16541	0,243855	NA
C19orf40	43,87	-0,70	0,601071	-1,16525	0,243917	0,6165687
RP11-474D14.2	1,10	-3,84	3,295381	-1,16525	0,24392	NA
SORBS3	112,30	-0,82	0,706244	-1,16523	0,243926	0,6165687
LRP1B	65,79	1,36	1,171216	1,165126	0,243968	0,6165687
FAM110A	234,88	0,70	0,598759	1,165106	0,243976	0,6165687
UHRF2	283,98	-0,72	0,616709	-1,1649	0,244058	0,6166392
CTC-441N14.2	17,23	-0,95	0,81484	-1,16487	0,24407	0,6166392
CTD-2201G3.1	8,20	-2,70	2,314064	-1,16464	0,244167	0,6167103

FAM65A	526,46	0,81	0,699465	1,164586	0,244187	0,6167103
C3orf38	285,46	-0,88	0,757811	-1,16456	0,244198	0,6167103
RP11-3K24.1	9,79	-2,18	1,873088	-1,16435	0,244284	0,6167689
KCNC2	4,19	-1,64	1,404661	-1,16434	0,244288	0,6167689
HECTD2	11,49	1,64	1,408005	1,164236	0,244328	0,6167884
GKAP1	6,24	-1,42	1,216723	-1,16411	0,24438	0,6168227
ADSL	745,61	0,54	0,462626	1,164039	0,244408	0,6168227
SAT2	593,78	-0,41	0,348439	-1,16391	0,24446	0,6168684
ANKRD27	147,86	0,94	0,80676	1,163713	0,24454	0,6169005
AC002550.5	1,71	3,41	2,933951	1,163663	0,24456	NA
FAM185A	25,24	-1,31	1,128048	-1,16357	0,244598	0,6169005
RAP2B	1821,00	0,42	0,359273	1,163471	0,244638	0,6169005
RP11-403E24.1	0,68	-4,25	3,653808	-1,16343	0,244656	NA
GAREM1	76,86	-1,65	1,414992	-1,16342	0,244658	0,6169005
DLGAP3	10,18	-1,15	0,989201	-1,16339	0,244673	0,6169005
DCDC2	3,83	-1,50	1,28875	-1,16337	0,244679	0,6169005
GTF2F1	342,01	-0,68	0,584762	-1,16331	0,244704	0,6169005
TACR1	3,02	4,33	3,724775	1,163196	0,24475	NA
THRIL	53,84	2,24	1,929254	1,16295	0,24485	0,6171833
AC010150.1	2,80	3,55	3,056521	1,162616	0,244985	NA
KTN1-AS1	13,05	-1,46	1,254663	-1,16261	0,244989	0,6172464
MCM6	129,27	-1,13	0,970822	-1,1625	0,245032	0,6172464
AC004549.6	6,33	-2,63	2,261388	-1,16242	0,245065	0,6172464
MRPS14	268,41	-0,85	0,729543	-1,16236	0,245091	0,6172464
ZNF283	60,04	1,14	0,980978	1,162315	0,245107	0,6172464
C16orf96	3,24	4,33	3,723818	1,162278	0,245123	NA
FAM209B	6,66	-2,09	1,797997	-1,16222	0,245146	0,6172464
CIRBP	1011,88	-0,37	0,318655	-1,16217	0,245166	0,6172464
RBX1	653,77	-0,31	0,266093	-1,16213	0,245184	0,6172464
C12orf50	78,74	-0,57	0,490326	-1,1621	0,245193	0,6172464
RP11-104C4.6	7,41	-3,17	2,731826	-1,16203	0,245224	0,6172464
OR2A5	53,14	-0,92	0,792745	-1,16199	0,24524	0,6172464
APOOL	332,81	-0,69	0,597684	-1,1619	0,245274	0,61725
S1PR1	7,78	2,46	2,118788	1,161807	0,245314	0,6172626
RPS6KC1	335,31	0,70	0,601672	1,161729	0,245346	0,6172626
RP11-210M15.2	18,64	-1,19	1,024777	-1,16157	0,245411	0,6173435
BOLA2	59,18	-0,65	0,5564	-1,16128	0,245527	0,6175519
DNM2	559,95	0,61	0,525706	1,161076	0,245611	0,617668
RREB1	484,00	0,45	0,387969	1,161006	0,24564	0,617668
RP11-473J6.1	3,27	-1,15	0,992207	-1,16091	0,24568	NA
CCDC126	63,02	0,98	0,843479	1,160807	0,24572	0,617722
KLHL42	143,04	0,98	0,847177	1,160789	0,245728	0,617722
ZNF600	49,30	1,09	0,942211	1,160599	0,245805	0,6178335
UBE4B	235,61	0,76	0,657655	1,160355	0,245904	0,6179533
CTD-2517M22.14	5,57	-1,64	1,410887	-1,16032	0,245919	0,6179533
RP11-465N4.4	2,37	3,87	3,336914	1,160155	0,245986	NA
RP11-522I20.3	3,90	-1,70	1,4638	-1,16013	0,245996	0,6180038
RP4-710H13.2	2,39	3,89	3,351707	1,160019	0,246041	NA
CTD-2609K8.3	4,16	2,08	1,792629	1,159998	0,246049	0,6180038
NOS3	17,36	1,32	1,137124	1,159961	0,246065	0,6180038

GPR174	11,37	-1,23	1,060739	-1,15993	0,246076	0,6180038
MLF2	847,18	0,39	0,334662	1,159861	0,246105	0,6180038
ZCCHC17	372,27	0,60	0,517252	1,159645	0,246193	0,6181413
KLHL17	77,80	-1,38	1,187497	-1,15949	0,246258	0,6182204
PLAA	252,99	-0,90	0,775116	-1,15921	0,246369	0,6184147
RP11-608O8.2	1,67	3,37	2,910058	1,159212	0,24637	NA
RP11-378J18.8	33,38	1,12	0,962756	1,158871	0,246509	0,6186832
CTB-31N19.3	122,48	0,91	0,786129	1,158672	0,24659	0,6188034
RP11-177H2.2	3,22	4,31	3,72385	1,158554	0,246638	NA
RP4-583P15.15	2,25	3,84	3,317117	1,158339	0,246726	NA
RP11-722M1.1	13,80	-2,54	2,196556	-1,15817	0,246795	0,6192339
RP11-530C5.2	37,13	-0,92	0,791456	-1,15773	0,246974	0,6193089
VSIG4	286,81	-1,11	0,961995	-1,15768	0,246996	0,6193089
MIR597	0,68	-4,23	3,653865	-1,15765	0,247006	NA
CASP9	262,06	0,98	0,846036	1,157626	0,247017	0,6193089
RP11-501O2.5	1,04	2,71	2,341902	1,157518	0,247061	NA
RP11-115J16.1	25,04	-1,65	1,422081	-1,15741	0,247103	0,6193089
RP11-621L6.2	8,12	-0,78	0,673337	-1,15731	0,247145	0,6193089
PCBP2-OT1	5,43	-1,40	1,208395	-1,1573	0,247148	0,6193089
RP11-413H22.2	2,15	-2,62	2,259741	-1,1573	0,247149	NA
KB-1732A1.1	14,43	1,68	1,453074	1,157286	0,247155	0,6193089
ARSA	221,56	-0,78	0,676119	-1,15728	0,24716	0,6193089
CSNK2A1	891,28	0,42	0,366577	1,157166	0,247205	0,6193089
RP11-89M22.3	0,67	-2,29	1,976152	-1,15716	0,247205	NA
RP11-426L16.8	9,60	-1,33	1,145387	-1,15713	0,247218	0,6193089
FAM13C	5,13	2,61	2,251897	1,157103	0,24723	0,6193089
B3GALNT1	15,58	-1,37	1,186735	-1,15701	0,247268	0,6193089
RP11-586K12.11	7,29	-1,58	1,369696	-1,15693	0,247301	0,6193089
FAM104B	91,38	1,09	0,946294	1,156903	0,247312	0,6193089
PUS7	52,86	1,23	1,061342	1,156771	0,247366	0,6193089
AC016722.1	12,90	0,81	0,69953	1,156742	0,247378	0,6193089
RP11-737O24.5	53,22	1,14	0,98622	1,156594	0,247438	0,6193089
PRAG1	45,72	-1,58	1,363118	-1,1565	0,247476	0,6193089
MYOM1	41,63	-0,92	0,798603	-1,15648	0,247484	0,6193089
BICD2	618,93	0,54	0,467339	1,156466	0,247491	0,6193089
RP3-460G2.2	17,44	1,66	1,439124	1,156345	0,24754	0,6193493
RP11-198P15.1	0,66	-3,32	2,867519	-1,15628	0,247569	NA
CIPC	68,39	1,04	0,899954	1,15616	0,247616	0,6194551
RP11-326A19.5	1,64	3,34	2,891003	1,156146	0,247621	NA
RP11-23D24.2	5,96	1,90	1,646984	1,156012	0,247676	0,6195237
OLR1	106,38	0,91	0,790471	1,155884	0,247728	0,619571
RP3-509I19.11	0,84	-2,07	1,791194	-1,1557	0,247804	NA
SSX2IP	93,87	1,45	1,254512	1,155686	0,24781	0,6196909
RP11-687F6.4	2,58	1,43	1,233634	1,155507	0,247883	NA
FOXL1	0,69	-4,24	3,666861	-1,15529	0,24797	NA
EID1	2521,95	0,34	0,289993	1,155238	0,247993	0,6200161
AP000442.4	2,14	-1,18	1,018265	-1,1551	0,248051	NA
RP11-58D2.1	22,01	-1,17	1,015561	-1,15509	0,248054	0,6200161
AC006978.6	502,56	0,68	0,584864	1,155084	0,248056	0,6200161
RP11-1B20.1	0,64	-1,99	1,723973	-1,15503	0,248079	NA

SIDT1	105,56	0,62	0,53943	1,154971	0,248102	0,6200161
IGDCC3	1,64	1,58	1,371245	1,154811	0,248168	NA
ASTN1	2,11	3,19	2,766527	1,154785	0,248179	NA
RP11-661A12.5	4,21	3,56	3,084592	1,154783	0,248179	0,6200161
RP11-701H24.9	7,62	-3,43	2,97294	-1,15475	0,248191	0,6200161
TMEM259	345,15	-0,73	0,628796	-1,15471	0,24821	0,6200161
RNU1-16P	5,53	2,55	2,212004	1,15467	0,248226	0,6200161
RP11-16C1.2	25,03	1,16	1,002105	1,154636	0,24824	0,6200161
FAP	0,85	-4,22	3,656656	-1,15454	0,248278	NA
CYTH3	39,51	1,21	1,046402	1,154537	0,24828	0,620034
C3orf70	12,78	-0,82	0,708154	-1,15438	0,248343	0,6200872
OR2AG1	21,44	-0,97	0,839368	-1,15432	0,248368	0,6200872
YAF2	231,63	0,66	0,57469	1,154228	0,248407	0,6201005
WFS1	2,34	-2,95	2,553737	-1,15409	0,248463	NA
RP11-1348G14.5	5,94	-0,98	0,850501	-1,15397	0,248514	0,6202854
MIR6087	0,58	-1,55	1,343999	-1,15389	0,248544	NA
SMIM8	83,70	-1,05	0,910407	-1,15388	0,248549	0,620288
CCDC22	187,75	-0,81	0,703918	-1,15366	0,248639	0,6203764
HDAC9	964,41	0,54	0,472091	1,153614	0,248659	0,6203764
SYS1	308,82	-0,87	0,757142	-1,15344	0,248728	0,6203764
RP11-343C2.12	54,36	-1,09	0,947359	-1,15336	0,248764	0,6203764
ARL8A	68,72	0,61	0,525831	1,153309	0,248783	0,6203764
OR7E38P	39,27	-1,37	1,184744	-1,15331	0,248784	0,6203764
NOA1	218,67	-0,76	0,655178	-1,15307	0,24888	0,6204529
RP11-690D19.3	55,32	0,95	0,821438	1,15307	0,248881	0,6204529
C5orf42	269,11	0,81	0,701369	1,152788	0,248998	0,6205993
PLEKHJ1	747,51	-0,31	0,268057	-1,15276	0,249007	0,6205993
NME6	357,88	0,83	0,722152	1,152554	0,249094	0,6207047
FUNDC2	897,16	0,53	0,462818	1,152499	0,249116	0,6207047
RN7SL819P	3,37	-1,32	1,149699	-1,15247	0,249129	NA
ANKRD19	37,37	-1,54	1,338093	-1,15238	0,249166	0,6207472
CCDC183	2,10	-2,42	2,100585	-1,15231	0,249193	NA
UPF1	278,16	0,75	0,654245	1,152207	0,249236	0,6208381
RP11-711C17.2	7,12	-2,26	1,963034	-1,15208	0,249289	0,6208871
PCDHGC3	6,10	-2,36	2,047051	-1,15197	0,249333	0,6209138
CTC-559E9.1	19,79	-1,28	1,111869	-1,15186	0,24938	0,6209474
LL22NC03-N95F10.1	0,57	-3,73	3,242114	-1,15178	0,249413	NA
ANKRD20A1	25,86	1,54	1,333614	1,151186	0,249656	0,6214011
CTC-459F4.1	15,19	1,41	1,226003	1,151183	0,249657	0,6214011
RP3-332O11.2	4,70	-1,48	1,289438	-1,15117	0,249663	0,6214011
TBL3	223,06	1,08	0,940058	1,15098	0,249741	0,6214314
STAT5A	797,20	0,48	0,413933	1,150977	0,249742	0,6214314
RP11-664I21.5	3,35	1,68	1,462234	1,15094	0,249757	NA
RP11-264E18.1	1,09	-2,97	2,583888	-1,15089	0,249776	NA
ZG16	1,98	-1,28	1,111665	-1,15067	0,249869	NA
DDX51	119,38	0,89	0,770436	1,150463	0,249953	0,6218752
RP11-888D10.4	17,26	1,85	1,608918	1,15024	0,250045	0,6219552
RP13-104F24.2	202,55	0,50	0,436423	1,150222	0,250052	0,6219552
TGM2	43,11	0,87	0,758953	1,150058	0,25012	0,6220403
RN7SL667P	7,62	-0,85	0,742299	-1,14991	0,25018	0,6220991

ATP2C1	307,86	0,91	0,787243	1,149828	0,250215	0,6220991
ERMAP	178,37	0,91	0,792785	1,149757	0,250244	0,6220991
RP11-511H23.1	0,64	-1,67	1,45419	-1,14971	0,250265	NA
GALNT10	252,77	-0,71	0,617769	-1,14956	0,250327	0,6222227
SEMA3B	1,41	2,50	2,172314	1,149379	0,2504	NA
RP11-1379J22.2	4,03	2,32	2,014561	1,149303	0,250431	0,6223347
RP11-54F2.9	23,37	-1,11	0,964489	-1,14926	0,250447	0,6223347
RPL24	2263,88	0,21	0,184661	1,149132	0,250502	0,6223347
FAM35A	165,66	-0,77	0,670038	-1,14912	0,250506	0,6223347
KCNK10	34,88	-0,81	0,703446	-1,14886	0,250613	0,6225167
TRIM44	980,15	0,54	0,471719	1,148415	0,250797	0,622822
ZNF670	7,78	1,78	1,553147	1,148385	0,25081	0,622822
PML	391,61	0,54	0,468466	1,148321	0,250836	0,622822
RF02124	1,69	-1,52	1,327019	-1,14831	0,25084	NA
RAP2C	296,54	-0,64	0,555077	-1,14814	0,250911	0,6229251
PSMD11	776,31	-0,39	0,343238	-1,14796	0,250984	0,6230227
FRMD8	257,56	0,91	0,792207	1,147806	0,251048	0,6230227
QTRT1	124,07	-0,73	0,638861	-1,14778	0,251058	0,6230227
RP11-1072C15.4	3,12	4,27	3,723943	1,147742	0,251075	NA
GPR83	26,94	-0,99	0,859803	-1,14772	0,251084	0,6230227
RP13-890H12.2	4,24	3,54	3,085332	1,147379	0,251225	0,6232882
RP11-429J17.8	19,50	-0,76	0,666616	-1,14678	0,251471	0,6237937
RPP25	7,88	1,77	1,5461	1,146724	0,251496	0,6237937
RP11-43N22.1	2,42	3,90	3,405508	1,146644	0,251529	NA
KLHL23	7,37	-0,85	0,738844	-1,14661	0,251543	0,6238288
PTPRH	4,00	-1,13	0,984106	-1,14624	0,251694	0,6241192
FBLN5	1,46	2,19	1,906576	1,146175	0,251723	NA
PDGFC	132,53	-1,25	1,094565	-1,14583	0,251866	0,6244616
RP11-145G20.1	21,22	-0,75	0,656047	-1,14572	0,251911	0,6244921
RMI1	141,52	1,20	1,044285	1,145431	0,252031	0,624623
RP11-154J22.1	24,14	-0,81	0,708445	-1,14543	0,252031	0,624623
AC003664.1	1,38	1,86	1,625009	1,145389	0,252048	NA
CDK11B	215,38	0,57	0,493555	1,145146	0,252149	0,6248302
OR1M1	19,49	-0,63	0,548303	-1,14506	0,252184	0,6248354
RP11-517A5.5	51,55	-1,53	1,333561	-1,14485	0,25227	0,6249649
RP1-240K6.3	0,56	-3,72	3,25269	-1,14468	0,252342	NA
RP11-315O6.1	0,65	-3,74	3,271351	-1,14436	0,252473	NA
CNPPD1	568,54	0,46	0,40452	1,144255	0,252518	0,6253344
LIN9	3,77	2,45	2,138534	1,144233	0,252527	0,6253344
MBTPS1	383,76	-0,41	0,360608	-1,14415	0,252562	0,6253344
RP11-147L13.15	66,85	-0,55	0,48403	-1,14409	0,252587	0,6253344
RP11-305E17.6	2,31	3,85	3,363981	1,144028	0,252612	NA
DLGAP4	199,57	-0,72	0,626804	-1,144	0,252622	0,6253344
ARRDC1	785,90	0,44	0,381265	1,14399	0,252628	0,6253344
RUBCN	297,65	-0,60	0,527636	-1,14393	0,252655	0,6253344
RN7SL767P	0,58	-3,76	3,284496	-1,14383	0,252695	NA
AC131180.3	3,71	-1,46	1,278011	-1,14377	0,25272	NA
RP11-63A11.1	1,70	-1,30	1,136889	-1,14364	0,252775	NA
RP11-712L6.5	4,86	-2,78	2,431651	-1,14359	0,252794	0,6255966
RBBP6	1128,89	0,46	0,399823	1,143444	0,252854	0,625662

CTD-2562G15.2	3,11	4,26	3,723951	1,14332	0,252906	NA
RP11-318G21.4	6,70	-1,02	0,895279	-1,14325	0,252936	0,6256689
ATF6B	319,40	0,73	0,6428	1,143227	0,252944	0,6256689
LRRC16A	103,13	-0,70	0,608855	-1,14319	0,252958	0,6256689
MRPL44	211,65	-1,01	0,884613	-1,14299	0,253044	0,6257455
ZNF74	32,05	-1,01	0,883046	-1,14296	0,253056	0,6257455
SFRP4	4,23	2,77	2,420277	1,142819	0,253114	0,6258052
RN7SL591P	1,24	2,94	2,569572	1,142746	0,253144	NA
EPS8	415,85	-0,82	0,714737	-1,14261	0,253199	0,6258902
LINC00539	27,82	-2,39	2,091558	-1,14257	0,253216	0,6258902
RP11-2C24.9	174,37	0,77	0,672168	1,142484	0,253253	0,6258993
STAB2	2,85	3,54	3,099619	1,142388	0,253293	NA
RP5-1180D12.1	4,26	1,09	0,958513	1,142349	0,253309	0,6259546
SHE	8,04	-0,75	0,65715	-1,14225	0,25335	0,6259737
AC064846.1	174,86	-0,64	0,563581	-1,14178	0,253547	0,6263774
CALR	1834,74	-0,44	0,389675	-1,14159	0,253624	0,626483
SLC17A9	170,59	0,67	0,588767	1,141428	0,253692	0,6265678
RP11-775C24.5	3,07	4,25	3,723998	1,141389	0,253708	NA
RP1-197B17.7	7,35	-1,71	1,495929	-1,14119	0,253792	0,6267313
SULT1B1	224,05	0,72	0,631683	1,140933	0,253898	0,6268816
PIH1D1	496,42	-0,47	0,415748	-1,14082	0,253945	0,6268816
TCEAL3	36,60	1,11	0,972065	1,140799	0,253954	0,6268816
XXbac-BPG248L24.12	19,34	1,09	0,958714	1,140701	0,253994	0,6268987
POLE4	412,96	-0,47	0,408429	-1,14038	0,25413	0,6271499
CORO1B	184,81	0,61	0,539174	1,140212	0,254198	0,6272348
RP5-1189D6.1	2,17	3,76	3,301439	1,139899	0,254329	NA
RP11-680A11.5	35,55	-0,77	0,678403	-1,13975	0,254392	0,6275166
RP11-770J1.4	11,58	-0,76	0,664832	-1,13973	0,254397	0,6275166
RP11-1110F20.1	0,79	-2,51	2,206356	-1,13973	0,254398	NA
RP11-277A4.4	4,87	-0,98	0,861125	-1,13969	0,254414	0,6275166
RHOT1	396,45	0,59	0,513623	1,139615	0,254447	0,6275166
CTD-2177J2.2	0,73	-1,65	1,451153	-1,13945	0,254513	NA
MRPL4	189,59	0,57	0,501222	1,139425	0,254526	0,6276055
GUSB	536,99	0,61	0,534853	1,139366	0,25455	0,6276055
RN7SL423P	0,42	-1,91	1,678055	-1,13918	0,254626	NA
NSFL1C	559,90	0,55	0,483181	1,139183	0,254627	0,6277108
SGCB	3,29	1,59	1,39287	1,139176	0,25463	NA
PPM1B	495,61	0,62	0,54402	1,139071	0,254674	0,6277429
SRF	378,42	0,49	0,431594	1,13892	0,254736	0,6277703
SCN8A	30,56	-2,35	2,067479	-1,13884	0,25477	0,6277703
ASAH2B	8,05	-1,11	0,97115	-1,1388	0,254786	0,6277703
CTC-444N24.6	1,67	3,38	2,96369	1,138797	0,254788	NA
C2CD4A	4,45	-0,97	0,854322	-1,1385	0,254912	0,6279971
APITD1-CORT	0,71	2,21	1,942175	1,13833	0,254983	NA
RIMKLA	5,23	1,30	1,138758	1,138317	0,254988	0,6281017
RP11-297B17.3	0,96	-1,47	1,294358	-1,13827	0,255009	NA
RP11-982M15.8	28,71	-0,59	0,518351	-1,13818	0,255043	0,628119
AC003991.3	118,71	-0,54	0,478448	-1,13814	0,255063	0,628119
OR7E128P	3,38	2,73	2,401224	1,138035	0,255106	NA
CTD-3076O17.2	24,58	0,59	0,519931	1,137958	0,255138	0,628119

AC007050.9	13,09	1,21	1,063365	1,137954	0,25514	0,628119
ANKRD18B	49,55	-1,88	1,654059	-1,13789	0,255165	0,628119
GDI1	149,90	-0,46	0,40194	-1,13782	0,255198	0,628119
MLF1	29,06	-1,54	1,349918	-1,13754	0,255311	0,6282288
THOC5	284,85	0,96	0,843221	1,137529	0,255317	0,6282288
GDPD2	6,32	1,78	1,566335	1,137386	0,255377	0,6282288
FAM217B	326,49	-0,78	0,6831	-1,13739	0,255377	0,6282288
RP11-1094M14.14	2,53	-1,28	1,124864	-1,13735	0,255393	NA
AC005162.4	16,04	1,43	1,25661	1,137232	0,255441	0,6282849
RP3-347M6.1	3,87	0,84	0,740221	1,137169	0,255468	0,6282849
FBXO34	163,54	0,92	0,806818	1,136881	0,255588	0,6284981
MYPOP	32,48	0,98	0,861706	1,136635	0,255691	0,6286682
RP11-144O23.22	1,78	-2,51	2,207878	-1,13661	0,2557	NA
RP1-163M9.8	1,10	-1,94	1,709365	-1,13661	0,255701	NA
ALS2CR12	18,41	-1,21	1,064526	-1,13655	0,255725	0,6286694
NVL	133,88	-0,44	0,39149	-1,13638	0,255797	0,6286818
AF121898.1	4,09	-1,06	0,935471	-1,13633	0,255817	0,6286818
RNU6-7	1,26	2,29	2,014979	1,136157	0,255891	NA
RNU6-8	1,26	2,29	2,014979	1,136157	0,255891	NA
PDCD2	391,75	0,70	0,613046	1,13615	0,255894	0,6286818
SEPSECS-AS1	498,68	-0,59	0,520316	-1,13604	0,25594	0,6286818
EMILIN3	0,64	-4,15	3,655152	-1,136	0,255955	NA
RP11-213P13.1	0,64	-4,15	3,655424	-1,13596	0,255975	NA
RP11-266J6.2	1,59	3,31	2,91049	1,13592	0,25599	NA
SPDYE5	21,17	-1,08	0,950714	-1,13586	0,256016	0,6286818
HIPK4	0,64	-4,15	3,655172	-1,13572	0,256072	NA
TBK1	335,71	0,52	0,461847	1,135717	0,256075	0,6286818
RP11-455P21.2	0,64	-3,68	3,243907	-1,13565	0,256104	NA
CTA-113A6.2	12,86	1,20	1,06082	1,135543	0,256148	0,6286818
RP11-352D13.6	21,79	-1,33	1,172723	-1,13552	0,256156	0,6286818
XXbac-BPG252P9.10	39,35	-1,83	1,615455	-1,13547	0,256178	0,6286818
ANXA7	734,37	0,43	0,376265	1,135451	0,256186	0,6286818
SPPL2A	507,42	0,67	0,588148	1,135257	0,256268	0,6286818
SYT16	24,45	0,79	0,693077	1,135093	0,256336	0,6286818
ARHGEF38	22,92	-1,47	1,296503	-1,13509	0,256337	0,6286818
RP11-144G16.1	0,64	-4,15	3,655065	-1,13499	0,256381	NA
RPS5	8111,16	0,20	0,179473	1,134974	0,256386	0,6286818
RP11-143J12.3	31,91	1,17	1,029258	1,134972	0,256387	0,6286818
RP11-481A20.11	32,71	-1,44	1,271189	-1,13494	0,256401	0,6286818
RP11-315D16.2	47,02	1,48	1,302353	1,134861	0,256433	0,6286818
TAOK3	1508,46	0,40	0,354898	1,134779	0,256468	0,6286818
VDAC3	1195,55	0,57	0,504174	1,134715	0,256495	0,6286818
TMEM266	30,33	-0,72	0,63156	-1,13469	0,256507	0,6286818
LPGAT1	988,67	-0,60	0,529716	-1,13455	0,256562	0,6286818
TFAP2E	4,29	-3,61	3,186233	-1,13455	0,256564	0,6286818
CTA-345G4.1	31,38	-2,59	2,282887	-1,13454	0,256569	0,6286818
RP11-19E18.2	3,94	-3,63	3,195518	-1,13451	0,256581	0,6286818
MTIF3	320,25	0,63	0,551872	1,134463	0,256601	0,6286818
POU2F1	361,14	-1,05	0,923481	-1,13437	0,256641	0,6286818
EFL1	126,33	-0,86	0,760894	-1,13432	0,25666	0,6286818

HRH2	451,79	-0,60	0,526098	-1,13428	0,256677	0,6286818
MAATS1	1,96	1,78	1,571589	1,134281	0,256677	NA
AC008073.7	1,44	-1,70	1,503119	-1,13412	0,256744	NA
SS18L2	355,43	0,58	0,514512	1,133935	0,256822	0,6289548
SDS	59,07	-0,94	0,829486	-1,1338	0,256879	0,6289651
NAP1L2	0,64	-4,14	3,655234	-1,13379	0,256883	NA
TBC1D29	6,11	-2,61	2,301465	-1,13355	0,256985	0,6289651
AC000095.12	37,97	-0,68	0,597215	-1,13352	0,256995	0,6289651
AC005027.4	29,69	0,98	0,868595	1,133397	0,257047	0,6289651
PER1	1697,74	-0,45	0,399125	-1,13339	0,257049	0,6289651
NTNG2	19,40	-1,33	1,174881	-1,13339	0,257049	0,6289651
CTTNBP2NL	276,10	0,73	0,644853	1,133347	0,257069	0,6289651
AC003051.1	5,69	-1,04	0,918977	-1,13328	0,257096	0,6289651
RP11-567F11.2	4,53	-3,63	3,20784	-1,13286	0,257273	0,629292
TNFRSF4	0,64	-4,14	3,655701	-1,13284	0,257281	NA
ZBTB7B	41,44	-0,90	0,791212	-1,13279	0,257303	0,629292
STYX	349,38	0,75	0,65821	1,132721	0,257332	0,629292
RP11-292F9.1	3,03	1,20	1,060713	1,132567	0,257396	NA
RP11-407P18.1	1,73	2,20	1,946345	1,132561	0,257399	NA
MXD3	103,92	1,06	0,934942	1,132396	0,257468	0,6295425
EGLN1	393,37	-0,74	0,655645	-1,13213	0,257578	0,629648
SLC50A1	326,71	-0,53	0,471165	-1,13213	0,257579	0,629648
TAZ	434,48	-0,50	0,440489	-1,13185	0,257699	0,6297842
KCTD21	50,36	-0,91	0,801163	-1,13184	0,257702	0,6297842
DVL1	50,30	-0,99	0,874995	-1,13173	0,257747	0,6298124
RP11-751H17.1	2,82	-1,24	1,095819	-1,1317	0,257759	NA
OR2A12	1,02	-1,82	1,607272	-1,13139	0,257891	NA
CTH	13,66	-1,09	0,966449	-1,13098	0,258063	0,6305008
OR4F5	0,56	-3,13	2,76855	-1,13072	0,258172	NA
KIAA0087	1,09	-1,24	1,101086	-1,13067	0,258193	NA
RP11-413G22.2	7,38	-2,60	2,29718	-1,13065	0,258202	0,6307566
C1orf146	5,76	-1,16	1,025271	-1,13049	0,258271	0,630844
RP11-252A24.2	42,99	-0,72	0,640033	-1,13027	0,258362	0,6309837
RP11-100I17.2	32,25	-1,62	1,433042	-1,13016	0,25841	0,6309938
TTC31	234,68	0,92	0,816245	1,130065	0,258449	0,6309938
CLK2	403,16	-0,68	0,60313	-1,13002	0,258468	0,6309938
RPUSD2	87,33	-1,38	1,220906	-1,1298	0,25856	0,6311347
RP11-280K24.1	0,63	-4,13	3,65539	-1,12966	0,258619	NA
FIS1	927,25	-0,36	0,318173	-1,12963	0,258632	0,6311943
YIPF4	741,82	0,65	0,57145	1,129481	0,258695	0,6311943
RP11-154H17.1	18,93	1,34	1,182248	1,129423	0,25872	0,6311943
CTD-2561J22.4	18,06	0,97	0,860357	1,129421	0,25872	0,6311943
PAK7	1,43	-2,48	2,193891	-1,129	0,258896	NA
NHP2	929,55	0,26	0,234188	1,128965	0,258913	0,631554
CNST	274,68	0,84	0,742626	1,128911	0,258935	0,631554
MYO9A	481,83	-0,65	0,574792	-1,12881	0,258978	0,6315739
IMMP2L	58,34	1,25	1,106995	1,128648	0,259046	0,6315941
HIST1H4E	60,63	-1,26	1,114978	-1,12852	0,259102	0,6315941
AC000068.9	5,28	-1,96	1,737274	-1,12848	0,259117	0,6315941
BPTF	1612,21	-0,44	0,387995	-1,12847	0,259122	0,6315941

RNU2-28P	8,08	-2,13	1,890018	-1,12828	0,259202	0,6317075
RP11-30K9.4	3,71	-1,36	1,203457	-1,12806	0,259295	NA
RP11-244H3.5	28,60	-1,25	1,111503	-1,128	0,25932	0,6318064
ITGA1	35,29	0,79	0,702715	1,127982	0,259327	0,6318064
CTD-2303H24.2	229,40	-0,75	0,661849	-1,12794	0,259345	0,6318064
RP11-716O23.2	0,48	-1,71	1,514997	-1,12781	0,259401	NA
PMFBP1	27,63	2,20	1,950099	1,127789	0,259409	0,6318297
NIT2	433,12	0,69	0,611111	1,127713	0,259441	0,6318297
SNRK	380,74	0,60	0,530786	1,127678	0,259456	0,6318297
MIR548AA1	3,39	1,55	1,378447	1,127568	0,259502	NA
MIR548D1	3,39	1,55	1,378447	1,127568	0,259502	NA
BRAF	399,82	0,57	0,501434	1,127439	0,259557	0,6318762
RP11-173A16.1	8,28	2,47	2,190397	1,12742	0,259565	0,6318762
ZNF620	38,19	1,00	0,890513	1,127391	0,259577	0,6318762
ZNF354A	116,58	0,75	0,669067	1,127231	0,259645	0,6319189
FAM124A	14,38	-0,79	0,702397	-1,12719	0,259662	0,6319189
PPIEL	75,92	0,89	0,792709	1,126972	0,259754	0,6319887
LINC00670	170,32	-0,63	0,560092	-1,12695	0,259764	0,6319887
FABP3	2,23	3,80	3,370424	1,126924	0,259775	NA
FRMD1	3,42	-1,21	1,075442	-1,12679	0,259833	NA
RP11-181D10.2	5,69	-1,60	1,418847	-1,12676	0,259844	0,6319887
WIZ-89927D4.1	14,19	1,72	1,525676	1,126682	0,259877	0,6319887
SMAD2	1197,19	-0,79	0,699305	-1,12653	0,259943	0,6319887
RP11-317C20.9	12,17	-1,20	1,064513	-1,12651	0,259949	0,6319887
SNORA33	22,15	1,80	1,60186	1,126488	0,259959	0,6319887
TST	318,29	-0,90	0,795076	-1,12645	0,259974	0,6319887
GUCY1B3	3,76	2,20	1,950738	1,126399	0,259997	0,6319887
ARFIP2	258,39	0,95	0,841784	1,126257	0,260057	0,6320515
BHLHE41	0,42	-2,35	2,082792	-1,12619	0,260084	NA
APOBEC3C	760,60	0,36	0,321498	1,12615	0,260102	0,6320795
LPCAT3	137,23	-0,96	0,85489	-1,12586	0,260225	0,6322941
GRN	11035,41	-0,22	0,197601	-1,12578	0,260258	0,6322941
EGLN2	502,00	-0,54	0,478508	-1,12549	0,260383	0,6323023
SCARNA23	2,93	4,19	3,72417	1,125478	0,260386	NA
RP11-727A23.5	53,44	-1,05	0,933864	-1,12541	0,260415	0,6323023
CXCL14	18,14	-0,51	0,45702	-1,12535	0,260443	0,6323023
CASP2	520,01	0,49	0,439168	1,125336	0,260447	0,6323023
ZCCHC14	63,31	-1,04	0,924272	-1,12531	0,260457	0,6323023
CCT8	1743,68	0,52	0,466043	1,125291	0,260466	0,6323023
RP1-71H19.2	2,95	4,19	3,724146	1,125177	0,260514	NA
ENOSF1	104,52	0,90	0,79992	1,125177	0,260514	0,6323368
RP11-109D9.3	0,94	-2,36	2,095835	-1,12503	0,260578	NA
RNU6-1016P	7,65	1,11	0,982523	1,124901	0,260631	0,6325382
BMPR1B	2,95	-0,78	0,690545	-1,12488	0,26064	NA
AC007403.3	1,40	1,86	1,656102	1,124835	0,260659	NA
RP11-31F15.1	235,57	0,80	0,714696	1,124744	0,260698	0,6326174
RP11-519C12.1	7,07	2,45	2,17493	1,124492	0,260804	0,6327938
CYB561D1	121,56	-0,95	0,845757	-1,12433	0,260874	0,6328345
RP11-417F21.1	65,27	1,65	1,472015	1,124233	0,260914	0,6328345
U91328.19	55,43	-0,83	0,741155	-1,12421	0,260923	0,6328345

UBAP2L	565,10	0,51	0,452195	1,1239	0,261055	0,6330279
OPRM1	22,05	0,88	0,782049	1,123804	0,261096	0,6330279
HSP90AB4P	50,60	-1,46	1,300967	-1,12373	0,261127	0,6330279
RP11-627D16.1	7,05	-2,60	2,3173	-1,1237	0,261139	0,6330279
FRMPD2L2	2,16	3,75	3,333459	1,123669	0,261153	NA
LIPE	9,64	1,23	1,092043	1,123615	0,261177	0,6330368
RP11-324H6.6	9,16	-2,06	1,83375	-1,1233	0,26131	0,6332786
ZNF543	9,47	1,07	0,951633	1,123149	0,261374	0,6333511
RP11-631M6.3	103,24	0,89	0,79644	1,122922	0,26147	0,6334233
LILRA5	709,23	-0,51	0,451518	-1,12288	0,261487	0,6334233
DNAJC10	967,73	0,44	0,389745	1,122838	0,261506	0,6334233
CLCN3	284,53	0,57	0,510597	1,122731	0,261552	0,6334508
FAM86B1	2,87	1,83	1,633365	1,12252	0,261641	NA
RP11-359K18.4	24,47	1,56	1,393437	1,122369	0,261706	0,6334915
SFMBT2	691,48	1,02	0,911195	1,122332	0,261721	0,6334915
USP32P2	105,50	0,96	0,853479	1,122332	0,261721	0,6334915
RP11-725D20.1	2,08	-1,09	0,968507	-1,12232	0,261728	NA
PHF13	11,24	-2,48	2,208007	-1,1223	0,261734	0,6334915
RP11-273G15.2	31,39	-1,04	0,929703	-1,12229	0,261739	0,6334915
CCNA2	3,18	2,28	2,036413	1,121947	0,261885	NA
RP11-126O1.5	29,23	2,35	2,096094	1,121832	0,261934	0,6337032
TAF11	312,75	0,64	0,572756	1,121793	0,26195	0,6337032
CTD-2201E18.5	9,16	-0,94	0,841641	-1,12178	0,261956	0,6337032
RP11-525G12.1	4,40	4,18	3,722932	1,121765	0,261962	0,6337032
LTBP1	0,62	-2,28	2,03607	-1,12163	0,262019	NA
OR2L3	34,74	-1,24	1,104446	-1,12157	0,262044	0,6337219
GNRH1	21,83	-1,78	1,586077	-1,12156	0,262048	0,6337219
RP11-333E13.4	6,06	0,97	0,863993	1,121506	0,262072	0,6337219
RP11-442G21.1	0,62	-4,10	3,655803	-1,12144	0,262101	NA
C9orf139	130,36	-1,29	1,150848	-1,12133	0,262146	0,6338184
RN7SL498P	1,61	-1,69	1,511352	-1,12115	0,262223	NA
RP1-20N2.8	33,60	1,34	1,197126	1,121129	0,262233	0,6338778
RN7SL665P	4,55	2,14	1,908605	1,121115	0,262239	0,6338778
CCDC170	186,50	0,78	0,691563	1,120875	0,262341	0,6340425
GOLGA8J	0,68	-1,96	1,75222	-1,12086	0,262349	NA
OR7A5	31,38	-1,23	1,09879	-1,12066	0,262432	0,6341
SERPING1	118,63	-1,29	1,14896	-1,12066	0,262433	0,6341
RF00493	2,36	-2,19	1,955868	-1,12045	0,262521	NA
SSH3	21,99	-1,25	1,115036	-1,12038	0,262551	0,6343011
AURKAPS1	3,70	-2,43	2,164494	-1,12038	0,262551	NA
ZC3H18	247,87	-0,72	0,646561	-1,12026	0,262602	0,6343419
RP5-966M1.2	0,66	-3,64	3,252498	-1,12014	0,262656	NA
ABCB6	5,53	-2,46	2,195282	-1,12005	0,262694	0,6344834
SPG20	284,60	-0,53	0,46973	-1,11988	0,262766	0,6345441
AC009948.5	184,91	0,69	0,612262	1,119804	0,262797	0,6345441
RP6-201G10.2	2,89	4,17	3,724217	1,119775	0,262809	NA
RIMS3	6,35	2,11	1,882208	1,119733	0,262828	0,6345441
RP11-686F15.2	0,62	-4,09	3,656203	-1,11966	0,262857	NA
ID2	7044,86	0,30	0,267985	1,119629	0,262872	0,6345441
SEZ6	17,58	1,20	1,069353	1,119587	0,26289	0,6345441

CTC-277H1.7	11,18	-1,06	0,945939	-1,11945	0,26295	0,6346065
GPR162	81,51	0,89	0,794427	1,119011	0,263135	0,6349084
CAMP	14,57	-2,56	2,284384	-1,11896	0,263157	0,6349084
PHF20	969,95	0,52	0,46293	1,118913	0,263177	0,6349084
RNA5SP37	2,90	4,17	3,724215	1,118771	0,263238	NA
EFHB	22,08	1,35	1,207423	1,118754	0,263245	0,6349893
FAM107A	3,41	-0,84	0,74868	-1,11872	0,263258	NA
ORM2	23,39	1,30	1,159305	1,118599	0,263311	0,635067
RP11-394B2.5	22,46	-2,32	2,072565	-1,11799	0,26357	0,6355783
CTC-497E21.4	17,06	-0,74	0,660518	-1,1179	0,263609	0,6355783
ADGRA3	76,31	1,36	1,217322	1,11774	0,263678	0,6355783
RP5-903G2.2	0,55	-3,63	3,248695	-1,11774	0,263678	NA
RNU6-1026P	12,98	-3,09	2,765097	-1,11772	0,263688	0,6355783
BAK1	222,96	0,98	0,873283	1,117666	0,263709	0,6355783
RP11-202P11.1	1,74	-2,08	1,860539	-1,11754	0,263762	NA
ANKUB1	8,18	-0,84	0,750781	-1,11753	0,263768	0,6355783
CASP7	111,09	-1,21	1,080354	-1,11752	0,263773	0,6355783
PPM1L	125,03	-0,87	0,779682	-1,11741	0,263817	0,6355783
RP11-269F21.3	6,44	-1,62	1,450734	-1,11738	0,263831	0,6355783
RP11-126O1.6	2,10	3,70	3,310709	1,117091	0,263955	NA
PRG2	2,19	3,76	3,36859	1,117086	0,263958	NA
BUD13	129,74	-0,80	0,719451	-1,11653	0,264197	0,6363779
SPTAN1	415,95	-0,53	0,478572	-1,11644	0,264232	0,6363812
CUTC	409,76	0,93	0,833188	1,116268	0,264308	0,6364797
RP11-343B5.1	1,69	2,19	1,965248	1,116189	0,264341	NA
RP11-626G11.5	1,84	2,14	1,920021	1,116147	0,264359	NA
EBNA1BP2	331,38	0,71	0,635839	1,115657	0,264569	0,6370263
MYH11	86,96	-1,04	0,930589	-1,11548	0,264643	0,6370448
RP11-950C14.7	13,09	-2,45	2,197775	-1,11548	0,264645	0,6370448
RP11-343N15.2	3,06	2,51	2,253044	1,115242	0,264747	NA
NCOA2	792,53	-0,82	0,73294	-1,115	0,264851	0,637351
PHF3	892,67	-0,52	0,466759	-1,11499	0,264853	0,637351
DLEU1	118,21	-0,88	0,788555	-1,11494	0,264875	0,637351
SYNCRIP	1457,97	0,42	0,376146	1,114738	0,264963	0,6374798
TMEM245	295,29	0,70	0,631222	1,114612	0,265017	0,637527
RNU6-199P	1,31	2,41	2,158852	1,114598	0,265023	NA
CLEC4GP1	0,73	-4,07	3,654512	-1,11457	0,265036	NA
ARHGAP26	1672,35	-0,46	0,413781	-1,11434	0,265135	0,6377172
FGF13	478,96	-0,92	0,824111	-1,11427	0,265164	0,6377172
CTD-3137H5.5	3,94	-2,90	2,607424	-1,11398	0,265286	0,6379268
CHRNB1	66,13	-0,83	0,741322	-1,11378	0,265375	0,638023
HAL	17,43	-1,36	1,225391	-1,11373	0,265394	0,638023
RP11-464F9.22	0,90	1,82	1,630891	1,113654	0,265428	NA
ZNF714	145,31	0,78	0,699658	1,11344	0,26552	0,6382418
AC110926.4	5,17	-1,05	0,941752	-1,1133	0,265578	0,6383009
MYH9	2345,29	-0,50	0,450212	-1,11313	0,265652	0,6383943
PDXK	505,30	-0,77	0,688611	-1,1127	0,265838	0,6387605
CCER2	2,21	3,06	2,746517	1,11251	0,265919	NA
APEH	641,52	-0,42	0,378632	-1,11218	0,266059	0,6392075
AC013474.4	2,63	1,27	1,142942	1,112166	0,266067	NA

RP11-157B13.7	3,45	-1,26	1,133104	-1,11198	0,266145	NA
CDK14	117,13	1,24	1,118771	1,111945	0,266162	0,6393727
CCT3	1381,38	0,41	0,365247	1,111733	0,266253	0,6395085
TDG	260,83	0,65	0,588984	1,111434	0,266382	0,6396609
SLC2A8	49,98	-0,81	0,729593	-1,11143	0,266385	0,6396609
RP11-1260E13.4	0,67	-4,07	3,665436	-1,11141	0,26639	NA
XXbac-BPG300A18.13	3,33	-2,34	2,102175	-1,11127	0,266452	NA
ZCCHC4	86,70	-1,05	0,945362	-1,11117	0,266495	0,6398432
POSTN	0,62	-3,61	3,250456	-1,11101	0,266563	NA
C14orf64	30,47	-0,75	0,678006	-1,11099	0,266573	0,639946
RP11-328C8.2	2,04	3,66	3,297603	1,110871	0,266624	NA
RP11-380P13.2	1,78	-1,58	1,426504	-1,11084	0,266638	NA
CTD-2337I7.1	1,52	-1,90	1,708312	-1,11065	0,266719	NA
RP11-130L8.1	0,77	-2,50	2,24779	-1,11064	0,266723	NA
RP11-426L16.3	0,60	-4,06	3,656582	-1,11053	0,266769	NA
RN7SL200P	3,86	2,64	2,377811	1,110472	0,266796	0,6402701
SYNPO2L	14,53	-0,55	0,495876	-1,11045	0,266807	0,6402701
CTA-722E9.1	54,94	-1,61	1,44857	-1,11042	0,266816	0,6402701
ZFP92	8,26	-0,76	0,685418	-1,11036	0,266845	0,6402701
AP000253.1	8,75	-1,03	0,930185	-1,11014	0,26694	0,6404152
ST7OT1	0,60	-4,06	3,656478	-1,10988	0,26705	NA
ROM1	2,93	3,81	3,431649	1,109846	0,267065	NA
ONECUT3	19,81	-0,52	0,464963	-1,10977	0,2671	0,6406474
RP3-400N23.9	20,86	-0,48	0,430447	-1,10975	0,267106	0,6406474
ANXA9	11,09	-1,75	1,580465	-1,10961	0,267167	0,6407108
PPP2R2B	135,59	-1,42	1,277783	-1,10945	0,267237	0,6407628
GCDH	164,82	0,76	0,687962	1,109401	0,267257	0,6407628
CTD-3074O7.5	8,80	1,41	1,275088	1,109168	0,267358	0,6409209
CTA-256D12.11	1,30	-2,94	2,650489	-1,10911	0,267383	NA
USE1	266,31	-0,57	0,510585	-1,1089	0,267473	0,641116
SLC30A6	69,57	1,07	0,967325	1,10873	0,267547	0,6412092
LRRC28	133,52	-0,99	0,891864	-1,10854	0,26763	0,6412197
RP11-457M11.7	5,01	1,41	1,272668	1,108485	0,267653	0,6412197
IL12B	4,26	0,89	0,805662	1,10848	0,267654	0,6412197
SPIN4	17,39	-1,43	1,290156	-1,10833	0,267718	0,6412883
RP11-66N11.8	34,66	-1,17	1,055997	-1,10811	0,267814	0,6414376
CYB561	37,96	0,94	0,845878	1,107895	0,267907	0,6414488
CCDC6	1008,09	0,43	0,38401	1,107882	0,267913	0,6414488
STRBP	77,36	-1,17	1,057636	-1,10786	0,267923	0,6414488
RAB1B	390,47	0,41	0,370437	1,107568	0,268049	0,6415979
RP11-131H24.5	4,52	-0,82	0,742592	-1,10754	0,26806	0,6415979
ZNF2	23,07	-1,23	1,114441	-1,10748	0,268088	0,6415979
CTD-2528A14.1	2,48	3,35	3,02553	1,107413	0,268116	NA
RP11-690I21.2	2,21	3,77	3,403113	1,107296	0,268166	NA
RP11-58E21.1	9,18	-0,98	0,886111	-1,10724	0,268192	0,6416681
TAF12	336,00	-0,87	0,783615	-1,10715	0,26823	0,6416681
CRHR2	2,54	2,37	2,143336	1,107132	0,268237	NA
RN7SL180P	6,32	-1,57	1,416303	-1,10712	0,268242	0,6416681
ZFAND1	175,23	0,89	0,801316	1,107089	0,268256	0,6416681
RP4-646B12.2	0,66	-1,56	1,40904	-1,10707	0,268262	NA

RP11-388C12.8	7,16	-1,10	0,99772	-1,10695	0,268316	0,6417023
F2RL1	3,28	-1,38	1,249132	-1,10693	0,268324	NA
CLN5	573,22	-0,43	0,39246	-1,1069	0,268339	0,6417023
SNORD91A	0,92	2,47	2,235562	1,10683	0,268367	NA
AHCYL1	632,02	-0,43	0,384761	-1,10596	0,268743	0,6425873
AC011893.3	0,50	-1,88	1,701013	-1,10588	0,268778	NA
RP11-262H14.7	1,57	2,67	2,411147	1,105623	0,26889	NA
RP11-334E15.1	141,18	-0,67	0,607796	-1,10556	0,268917	0,6429192
RP11-144G7.2	1,14	2,21	1,999535	1,105285	0,269036	NA
VWCE	2,69	-1,10	0,997618	-1,1052	0,269075	NA
TXNDC11	360,29	0,58	0,525929	1,105195	0,269075	0,6432155
LA16c-381G6.1	0,95	2,55	2,305896	1,105069	0,26913	NA
TRMT44	126,58	0,84	0,76152	1,104896	0,269205	0,643334
RHNO1	90,84	0,84	0,761743	1,104788	0,269251	0,643334
CCT8P1	4,49	2,74	2,479244	1,104777	0,269256	0,643334
l29074.5	14,54	1,26	1,142012	1,104761	0,269263	0,643334
TFAP2A-AS2	0,56	-1,47	1,329672	-1,10474	0,269274	NA
SNORD20	1,81	2,89	2,617081	1,104697	0,269291	NA
RP11-467L20.10	2,74	3,06	2,77194	1,104649	0,269312	NA
AKAP12	5,07	1,78	1,612816	1,104369	0,269433	0,6436343
TMTC4	137,43	-1,19	1,081633	-1,10431	0,269458	0,6436343
TM2D3	412,95	-0,71	0,644898	-1,10423	0,269493	0,6436348
PHF5A	193,07	0,92	0,831152	1,104105	0,269548	0,6436833
RP11-411K7.1	1,53	-1,34	1,215071	-1,10405	0,26957	NA
DHRS13	2,83	4,11	3,72435	1,103873	0,269648	NA
RP11-555K12.3	5,90	2,24	2,029905	1,10364	0,269749	0,6440821
TMEM199	234,78	-0,82	0,746502	-1,10348	0,269819	0,6440901
ARHGEF10L	227,49	-0,64	0,577819	-1,10347	0,269822	0,6440901
GHRHR	0,58	-4,04	3,662891	-1,10329	0,2699	NA
LENG8	313,27	0,49	0,442117	1,103132	0,26997	0,6443604
DCDC2C	0,58	-4,03	3,657904	-1,10304	0,27001	NA
MYOT	1,50	3,29	2,984076	1,103015	0,27002	NA
LL22NC03-2H8.4	0,67	-3,14	2,846556	-1,103	0,270028	NA
ZNF780B	146,52	-0,95	0,859276	-1,10284	0,270098	0,6445747
RP11-304F15.3	0,71	-1,79	1,619718	-1,10281	0,270111	NA
SALL3	0,61	-3,61	3,269481	-1,10278	0,270125	NA
RP11-526A4.1	10,82	-1,04	0,942698	-1,10277	0,270129	0,6445747
RFX6	2,59	4,11	3,725009	1,102647	0,27018	NA
CTC-250P20.2	1,53	3,25	2,948125	1,102643	0,270182	NA
RP11-762H8.2	87,78	-0,58	0,530503	-1,10261	0,270198	0,6446574
RP11-578F21.12	28,99	0,83	0,755566	1,10204	0,270444	0,6451619
KLHDC7B	68,38	-1,83	1,661035	-1,10176	0,270566	0,6452925
FAM83D	28,61	1,08	0,981211	1,101754	0,270569	0,6452925
RP11-713M15.1	11,42	-1,85	1,683767	-1,10157	0,270647	0,6453392
MX2	1822,25	-0,50	0,454037	-1,10153	0,270666	0,6453392
MZT2A	97,87	0,73	0,666728	1,10147	0,270692	0,6453392
RP11-341D18.5	0,59	-4,03	3,656929	-1,10137	0,270737	NA
RP11-849H4.2	35,39	-0,95	0,86259	-1,10124	0,270793	0,6454785
RAB3IP	306,58	-0,99	0,894779	-1,10118	0,27082	0,6454785
RP11-727A23.10	112,84	-0,77	0,700698	-1,10108	0,270861	0,645494

EDA	2,81	1,83	1,663256	1,100923	0,27093	NA
CH507-9B2.4	0,59	-4,03	3,656769	-1,10084	0,270964	NA
MT-TL2	1,43	-1,31	1,190875	-1,10073	0,271016	NA
ZNHIT2	62,10	-1,58	1,439722	-1,10071	0,271021	0,6457658
CERS6	406,96	-0,72	0,651679	-1,1006	0,271069	0,6457658
GTF2H5	165,10	-0,44	0,404164	-1,10058	0,271079	0,6457658
ZNF292	1424,34	0,34	0,312371	1,100305	0,271199	0,6459688
ZNF12	135,36	0,97	0,882482	1,100044	0,271313	0,6461571
UBTD1	36,84	-1,52	1,381303	-1,09995	0,271355	0,646175
CDCA4	92,44	1,36	1,234753	1,099795	0,271421	0,6462499
AC006539.3	0,59	-4,02	3,656995	-1,09975	0,271442	NA
RP11-389J22.1	0,59	-4,02	3,656995	-1,09975	0,271442	NA
RP6-191P20.4	23,84	-0,69	0,62951	-1,09965	0,271483	0,6463137
GABRQ	0,59	-4,02	3,657004	-1,09949	0,271554	NA
CTB-63M22.1	1,92	-1,49	1,358186	-1,09947	0,271561	NA
RN7SL197P	1,52	2,63	2,396178	1,099403	0,271592	NA
MAP2K5	314,80	0,55	0,503779	1,099384	0,271601	0,6464866
NR2C2	261,95	0,64	0,579869	1,099328	0,271625	0,6464866
ADPRHL1	3,32	-0,98	0,892878	-1,09922	0,271671	NA
RP11-667M19.6	0,94	-1,66	1,508836	-1,09908	0,271733	NA
RP11-474G23.3	16,04	0,95	0,865545	1,099045	0,271749	0,6466219
CTB-181H17.1	9,66	-0,75	0,677993	-1,09902	0,271759	0,6466219
TROVE2	664,91	-0,44	0,397338	-1,09896	0,271786	0,6466219
FZD2	222,18	-0,86	0,784626	-1,09887	0,271823	0,6466261
GLI2	1,30	2,35	2,139792	1,098855	0,271831	NA
AC004016.2	2,75	4,09	3,724417	1,098791	0,271859	NA
SPIN3	39,52	0,79	0,714639	1,098743	0,27188	0,64668
DRG2	349,31	-0,59	0,534857	-1,09859	0,271947	0,6467557
EDC3	96,78	0,80	0,732434	1,098343	0,272055	0,64693
RP11-67K19.3	55,67	-0,96	0,876265	-1,09816	0,272134	0,6470198
LIN7C	175,62	0,70	0,635117	1,097905	0,272246	0,6470198
TULP1	1,59	2,67	2,431916	1,097869	0,272262	NA
RYBP	483,02	0,46	0,417252	1,097834	0,272277	0,6470198
SAFB	575,33	0,52	0,475701	1,097832	0,272278	0,6470198
SCHLAP1	12,41	1,16	1,05238	1,097741	0,272318	0,6470198
IL10RB	892,53	-0,52	0,471856	-1,09764	0,272361	0,6470198
RAD17	135,52	-0,81	0,740726	-1,09759	0,272385	0,6470198
RP11-90L1.8	58,77	-0,64	0,587005	-1,09756	0,272398	0,6470198
RP11-77K12.9	1,48	-1,35	1,229447	-1,09748	0,27243	NA
RP11-108O10.2	15,48	0,76	0,692733	1,097413	0,272461	0,6470198
PLEKHG7	1,95	-2,43	2,21248	-1,09741	0,272461	NA
WDR89	100,01	1,15	1,044886	1,097399	0,272467	0,6470198
NFX1	422,31	0,56	0,51414	1,09738	0,272475	0,6470198
RP11-538C21.2	8,04	1,56	1,421484	1,097189	0,272559	0,6470464
IDH1	268,68	0,75	0,683762	1,097167	0,272568	0,6470464
RP11-1060J15.7	17,30	1,28	1,165021	1,097116	0,272591	0,6470464
XXbac-BPG294E21.9	2,94	2,05	1,871389	1,096901	0,272685	NA
DCLK3	2,35	-3,21	2,931006	-1,09689	0,272691	NA
RP11-159F24.3	9,12	1,80	1,63852	1,096734	0,272758	0,6470665
RP11-297A16.4	2,94	-2,52	2,301703	-1,09668	0,272782	NA

METTL21B	52,78	0,98	0,892805	1,096626	0,272805	0,6470665
CC2D1A	174,93	-0,69	0,633743	-1,09656	0,272832	0,6470665
C3orf62	206,20	-0,51	0,465545	-1,09653	0,272849	0,6470665
CTD-219704.1	0,62	1,94	1,767028	1,09652	0,272851	NA
NPTXR	19,24	-1,21	1,103276	-1,09651	0,272855	0,6470665
ALS2CR10	26,32	-0,71	0,645338	-1,0965	0,272859	0,6470665
GABRD	16,17	0,80	0,733746	1,096489	0,272865	0,6470665
SMAD3	384,13	0,85	0,778909	1,09646	0,272877	0,6470665
RP11-135J2.3	2,55	3,40	3,100554	1,096408	0,2729	NA
AC092214.10	65,65	-1,37	1,251382	-1,09631	0,272942	0,6470742
SKIDA1	14,21	1,06	0,968291	1,096294	0,27295	0,6470742
CTD-3032J10.2	3,53	1,68	1,535477	1,096161	0,273008	NA
CDC42BPA	81,77	1,54	1,40619	1,095779	0,273176	0,6474371
RP11-87M18.2	21,51	-1,46	1,335057	-1,09578	0,273176	0,6474371
RP11-256L6.5	6,71	0,98	0,895505	1,095668	0,273224	0,6474371
NUP37	85,94	0,84	0,771183	1,095608	0,27325	0,6474371
POU6F2	2,48	2,60	2,374959	1,095594	0,273257	NA
CALB1	8,91	1,72	1,572784	1,09548	0,273306	0,6474371
RP11-69L16.5	7,03	-0,46	0,418489	-1,09547	0,273312	0,6474371
RIF1	605,52	0,52	0,476546	1,095367	0,273356	0,6474589
RP11-775J23.2	1,88	2,95	2,693307	1,095299	0,273386	NA
MIR4677	0,58	-4,01	3,657217	-1,09524	0,273411	NA
TFR2	10,26	1,11	1,017098	1,095118	0,273465	0,6476346
XXbac-B135H6.18	2,73	4,08	3,72445	1,095109	0,273469	NA
NR2C2AP	37,69	-1,93	1,761374	-1,09497	0,273528	0,6476632
ZBTB44	530,95	-0,74	0,674096	-1,09491	0,273555	0,6476632
RPUSD1	91,76	1,15	1,050483	1,094852	0,273582	0,6476632
DHX58	222,63	-0,87	0,796141	-1,09472	0,273641	0,6476848
PPP1R26	37,94	1,29	1,180552	1,094653	0,273669	0,6476848
RN7SL143P	2,91	2,53	2,312411	1,094595	0,273694	NA
OSCAR	308,33	0,61	0,553174	1,094351	0,273801	0,6476848
HVCN1	330,21	-0,59	0,539127	-1,09434	0,273806	0,6476848
KCNN3	5,48	1,38	1,257269	1,094297	0,273825	0,6476848
CTB-139P11.2	30,44	-0,79	0,726439	-1,09426	0,273841	0,6476848
AP001271.2	44,43	0,99	0,903704	1,094219	0,273859	0,6476848
RP11-105N13.2	6,33	0,96	0,879427	1,094196	0,273869	0,6476848
AC004957.5	0,57	-4,00	3,657252	-1,09384	0,274025	NA
UBE4A	646,78	-0,57	0,518907	-1,09381	0,274037	0,647925
SEPT6	868,77	-0,39	0,356699	-1,09381	0,27404	0,647925
RP11-212P7.2	96,87	0,51	0,463652	1,093499	0,274175	0,6480499
RP4-620E11.8	2,25	2,17	1,982541	1,093498	0,274175	NA
BBS2	173,21	1,06	0,971704	1,093479	0,274184	0,6480499
RP11-488P3.1	1,33	-1,98	1,809408	-1,09346	0,274193	NA
CCDC129	13,34	-1,58	1,44122	-1,09341	0,274214	0,6480499
SNRPD2	1260,31	-0,27	0,249001	-1,09337	0,274233	0,6480499
CTD-2300H10.2	0,47	-1,88	1,717785	-1,09319	0,274309	NA
RP11-679C8.2	10,76	-0,90	0,82312	-1,0931	0,274348	0,6482398
COTL1	15237,50	0,14	0,131851	1,09294	0,27442	0,6483285
AD000090.2	42,85	0,75	0,685048	1,092819	0,274473	0,6483715
RP1-148H17.1	1,51	3,21	2,93945	1,09278	0,274491	NA

ALCAM	839,40	0,57	0,518564	1,092725	0,274515	0,6483872
FGF2	0,57	-1,44	1,31939	-1,09253	0,274599	NA
DENND5A	571,64	-0,55	0,505875	-1,09245	0,274637	0,6485708
ALMS1P	0,89	-2,88	2,636856	-1,09237	0,274668	NA
DALRD3	185,67	-0,65	0,599587	-1,09237	0,274669	0,6485708
RNU4-80P	1,27	-2,62	2,395779	-1,09232	0,274691	NA
RP11-333J10.2	2,02	3,64	3,328203	1,092247	0,274725	NA
RP11-792A8.4	37,69	-0,82	0,753007	-1,09225	0,274725	0,6485708
MAP4K4	552,88	-0,82	0,750838	-1,09223	0,274732	0,6485708
LINC00314	5,61	-0,99	0,90879	-1,09202	0,274825	0,6487073
RP11-15F12.1	2,70	4,07	3,724488	1,091953	0,274854	NA
RP11-347I19.7	13,52	2,04	1,869104	1,091928	0,274865	0,6487201
DNAJC9	244,14	1,02	0,931674	1,091683	0,274972	0,6488126
CCNJ	103,21	-0,96	0,879477	-1,09165	0,274985	0,6488126
CSGALNACT1	45,67	-0,88	0,804419	-1,0916	0,275009	0,6488126
CLEC5A	3,86	3,43	3,13821	1,091441	0,275079	0,6488895
CD200R1	184,97	0,98	0,900793	1,091368	0,275111	0,6488895
RP11-565F19.3	1,10	2,77	2,54072	1,091344	0,275121	NA
RP11-193E15.4	0,78	-1,29	1,185157	-1,09133	0,275126	NA
RP11-351A11.1	0,57	-3,99	3,657384	-1,09132	0,275134	NA
RP11-455O6.9	2,14	2,06	1,888592	1,090984	0,27528	NA
WBP1	292,62	0,62	0,572753	1,090976	0,275283	0,6492136
RP11-344B5.2	0,84	2,41	2,208051	1,090748	0,275384	NA
INVS	63,28	-1,16	1,068186	-1,09062	0,275438	0,6494004
NUDT16P1	167,28	-0,90	0,827983	-1,09058	0,275457	0,6494004
FHAD1	3,51	-1,12	1,027989	-1,09056	0,275466	NA
NFAT5	286,49	0,52	0,479554	1,090498	0,275494	0,6494004
ANKRD18A	10,05	-1,55	1,418285	-1,09048	0,275502	0,6494004
RP11-666A20.4	4,45	-0,81	0,746755	-1,09033	0,275566	0,6494067
PCBD1	119,31	0,66	0,603983	1,090315	0,275575	0,6494067
FGF13-AS1	3,53	-1,54	1,413564	-1,09027	0,275593	NA
MYCBP2	1882,03	0,39	0,356729	1,090111	0,275664	0,6494855
PPP1R15A	1814,70	0,33	0,301935	1,09008	0,275678	0,6494855
RNASET2	3569,17	0,26	0,241933	1,08997	0,275726	0,6495176
CTD-2022H16.3	0,52	-3,10	2,843143	-1,08979	0,275804	NA
RNA5SP465	1,48	3,19	2,931224	1,089761	0,275818	NA
PRMT5	154,23	0,90	0,829359	1,089753	0,275822	0,6496584
ST8SIA5	33,87	-0,67	0,619431	-1,08968	0,275856	0,6496584
PDE4C	19,43	-0,50	0,463519	-1,08947	0,275947	0,6497915
RP4-794H19.2	13,64	-2,46	2,261981	-1,08929	0,276024	0,6498201
ZNF559	219,20	-1,19	1,092666	-1,08928	0,276029	0,6498201
MYOG	1,09	-1,14	1,045301	-1,08923	0,276052	NA
RP4-680D5.9	1,09	2,76	2,537265	1,089198	0,276066	NA
NECAB1	3,41	1,57	1,443308	1,089038	0,276137	NA
AC006132.1	2,04	2,38	2,185582	1,089032	0,27614	NA
COLQ	4,99	2,22	2,038957	1,089003	0,276153	0,6499467
RPS6P21	18,89	-3,93	3,610525	-1,08899	0,276159	0,6499467
CTD-2081K17.2	3,16	1,38	1,27076	1,088971	0,276167	NA
COPB1	1079,06	0,44	0,404748	1,088923	0,276188	0,6499467
SNORA27	0,51	-3,53	3,246443	-1,08884	0,276222	NA

RP11-83M16.5	0,69	2,09	1,924155	1,088694	0,276289	NA
MED22	141,37	-0,90	0,830878	-1,08858	0,276338	0,6501734
ALKBH1	62,52	-1,51	1,386348	-1,08853	0,276361	0,6501734
RP11-128N14.4	0,97	-2,28	2,090369	-1,08846	0,276391	NA
NCKIPSD	57,49	1,25	1,14496	1,08843	0,276405	0,6501734
RP11-374N7.2	90,75	-0,61	0,563244	-1,08839	0,276424	0,6501734
RP11-764D10.2	9,75	-1,45	1,329738	-1,08819	0,27651	0,6502596
GALNT13	3,49	-2,82	2,593564	-1,08815	0,276528	NA
OR4K13	7,12	-1,03	0,947253	-1,08815	0,276531	0,6502596
RP11-240M16.1	1,94	3,61	3,321137	1,08814	0,276533	NA
SNX11	255,50	-0,97	0,894682	-1,08779	0,276688	0,6504793
CTD-2019O4.1	4,69	-2,24	2,061037	-1,08778	0,276694	0,6504793
TARSL2	44,22	-0,80	0,734209	-1,08769	0,276732	0,6504853
RN7SL783P	0,65	-2,38	2,191505	-1,08751	0,27681	NA
RP11-313P13.3	11,89	2,17	1,998167	1,087485	0,276822	0,6505511
PPIAL4G	31,85	-0,61	0,556789	-1,08747	0,27683	0,6505511
AC129929.5	1,49	3,19	2,936848	1,08738	0,276869	NA
SP100	1557,61	-0,27	0,246118	-1,08718	0,276956	0,6507672
RP11-968A15.2	2,39	2,72	2,506487	1,0871	0,276992	NA
CCAR1	944,68	-0,42	0,386445	-1,08705	0,277015	0,6508222
RP11-4F22.3	0,89	-1,65	1,52093	-1,08703	0,277025	NA
RP11-290D2.5	2,75	-3,04	2,798144	-1,08692	0,277074	NA
MPP6	42,46	1,14	1,050755	1,086806	0,277122	0,6508681
ASF1A	221,05	0,91	0,840179	1,086753	0,277146	0,6508681
ZNF579	17,25	0,90	0,830887	1,086702	0,277168	0,6508681
AC008277.1	6,14	2,23	2,052484	1,086689	0,277174	0,6508681
AC006995.8	2,98	1,66	1,526297	1,086599	0,277214	NA
GS1-124K5.4	23,08	-1,35	1,247026	-1,08637	0,277315	0,6511166
RNY1P11	0,66	-1,49	1,371265	-1,08631	0,277341	NA
LYPLA1	962,23	0,31	0,289026	1,086163	0,277407	0,651249
RN7SKP266	47,84	1,57	1,445632	1,086085	0,277442	0,651249
MFSD4B	81,27	1,08	0,996492	1,085869	0,277537	0,6513904
AC012358.8	100,25	0,49	0,452893	1,085698	0,277613	0,6514861
PLXDC2	1410,79	-0,41	0,376322	-1,08551	0,277695	0,6515911
SEMA5A	9,45	0,66	0,60804	1,085199	0,277834	0,6515911
TERF2IP	842,00	0,47	0,4297	1,085185	0,27784	0,6515911
AP1G2	694,71	-0,44	0,40245	-1,08518	0,277842	0,6515911
RP11-686D22.4	23,01	-1,55	1,42872	-1,08514	0,277859	0,6515911
SCARNA3	23,19	-2,26	2,085302	-1,08512	0,277867	0,6515911
RP11-216B9.8	9,74	-0,89	0,824652	-1,08483	0,277998	0,6518148
MLLT10	409,38	0,66	0,608549	1,084719	0,278046	0,6518457
RP11-413N19.2	1,65	1,61	1,485685	1,0846	0,278099	NA
RP11-161H23.9	1,10	2,12	1,957865	1,084485	0,27815	NA
ACAT2	115,62	1,24	1,145038	1,084451	0,278165	0,6519778
VWA5B2	0,65	-3,61	3,324973	-1,08441	0,278182	NA
CXCL2	279,73	1,00	0,92579	1,084319	0,278223	0,6519778
AC091969.1	1,43	1,99	1,837146	1,0843	0,278232	NA
SMG9	408,69	-0,65	0,594982	-1,08414	0,278302	0,6519778
CLEC18A	26,38	-1,48	1,364779	-1,08407	0,278332	0,6519778
ZNF83	150,22	0,63	0,579313	1,083987	0,27837	0,6519778

DGKE	246,13	0,91	0,841703	1,083983	0,278372	0,6519778
RP11-58H15.1	51,65	1,30	1,203983	1,083873	0,278421	0,6519778
RNU6-977P	2,51	-2,78	2,56269	-1,08368	0,278509	NA
CTD-3239E11.2	1,44	1,93	1,777036	1,083675	0,278509	NA
CTD-2647E9.3	24,13	-1,33	1,224415	-1,08364	0,278525	0,6519778
PTK6	38,47	1,20	1,110622	1,083628	0,27853	0,6519778
ZNF37A	374,55	-0,49	0,453707	-1,0836	0,278543	0,6519778
RP11-1072A3.2	5,44	-1,81	1,671714	-1,08357	0,278557	0,6519778
RP11-495P10.1	31,74	-1,33	1,225837	-1,08356	0,278562	0,6519778
GS1-174L6.4	2,01	-1,27	1,168775	-1,08354	0,278567	NA
TSTD2	129,85	0,81	0,745302	1,083512	0,278581	0,6519778
AC092675.3	14,63	-3,09	2,851215	-1,08328	0,278683	0,6519778
CTC-276H5.1	16,03	-2,18	2,013439	-1,08328	0,278684	0,6519778
C6orf89	705,67	0,72	0,664532	1,083275	0,278686	0,6519778
PDCL	88,05	-1,11	1,020517	-1,08325	0,278698	0,6519778
ITPKB	197,09	-0,73	0,67835	-1,08303	0,278795	0,6520503
TMOD2	170,34	-0,70	0,642435	-1,08296	0,278826	0,6520503
CTC-788C1.1	1,53	-0,92	0,850143	-1,0829	0,278853	NA
CDC42EP3	848,29	0,46	0,422347	1,082875	0,278864	0,6520503
ETFB	763,51	0,37	0,339139	1,082863	0,278869	0,6520503
NDUFAF6	140,92	0,74	0,683654	1,082778	0,278907	0,6520562
CMC4	125,46	1,35	1,244825	1,082644	0,278967	0,65211
RP11-101E3.5	0,56	-3,96	3,657762	-1,08257	0,279	NA
PCAT14	138,10	0,57	0,525736	1,082543	0,279011	0,65211
RP11-206L10.2	173,45	-0,57	0,526581	-1,08249	0,279035	0,65211
AC007250.4	15,04	-1,51	1,397152	-1,08235	0,279096	0,6521693
ATP6V1F	1486,62	0,28	0,262486	1,082131	0,279194	0,6522662
HIST2H2AC	72,65	-0,60	0,550208	-1,0821	0,279207	0,6522662
AC064874.2	2,60	-0,78	0,720567	-1,0821	0,279209	NA
RP11-162O12.2	0,53	-3,08	2,849347	-1,08206	0,279225	NA
AC023797.1	1,08	2,76	2,554237	1,081909	0,279293	NA
CXorf40B	279,69	0,77	0,716269	1,081802	0,279341	0,6524737
CD207	4,79	2,27	2,098767	1,081745	0,279366	0,6524737
SLC25A46	265,59	-0,75	0,692285	-1,08156	0,27945	0,6525234
C14orf1	127,71	0,98	0,904418	1,081474	0,279487	0,6525234
TMEM256	169,61	-0,48	0,439501	-1,08142	0,279511	0,6525234
RP11-241F15.1	7,58	-3,20	2,956934	-1,08138	0,279528	0,6525234
RP5-899E9.1	1,96	3,61	3,342587	1,081224	0,279597	NA
CTB-89H12.4	945,47	0,37	0,342985	1,08114	0,279635	0,6526615
FGFBP3	4,44	-2,93	2,706618	-1,08109	0,279657	0,6526615
RP11-317M11.1	1,24	-2,15	1,985662	-1,08077	0,279798	NA
RP11-1085N6.3	3,45	1,37	1,267653	1,08075	0,279808	NA
RP11-382J12.1	35,97	-0,73	0,677015	-1,08066	0,27985	0,6528257
RP11-12A20.7	16,40	1,10	1,017894	1,080654	0,279851	0,6528257
C1orf21	35,40	-1,54	1,428066	-1,08062	0,279866	0,6528257
AF127936.7	10,01	-1,29	1,196869	-1,08062	0,279868	0,6528257
HEATR4	15,78	1,44	1,336878	1,080341	0,27999	0,6530302
CTGF	1,25	2,32	2,151148	1,080261	0,280026	NA
C19orf25	86,71	-0,82	0,759083	-1,08014	0,280081	0,6531472
RP11-218M22.1	13,43	-1,56	1,443822	-1,08007	0,280111	0,6531472

RGS20	1,91	3,61	3,343983	1,079985	0,280149	NA
EIF3B	1268,30	-0,44	0,409188	-1,0799	0,280187	0,6532286
KLHDC4	152,52	0,90	0,832816	1,079743	0,280257	0,6532286
ELF5	3,62	-1,08	0,995722	-1,07974	0,280258	NA
TBC1D5	754,65	0,62	0,577118	1,079696	0,280278	0,6532286
PSMD10	395,97	-0,76	0,700539	-1,07962	0,280309	0,6532286
CTD-2515O10.6	154,48	-1,05	0,972586	-1,07955	0,280342	0,6532286
FAAP100	388,97	-0,65	0,600478	-1,07952	0,280356	0,6532286
RP11-335E6.2	15,79	-0,77	0,711292	-1,07936	0,280425	0,6533074
CTC-273B12.5	0,55	-3,95	3,662513	-1,07935	0,280434	NA
PARP6	388,69	-0,44	0,411418	-1,07911	0,280541	0,6533151
DCN	29,20	-0,90	0,830591	-1,07909	0,280546	0,6533151
HMGCS1	332,95	0,61	0,565669	1,079041	0,28057	0,6533151
GTF2E1	65,80	-1,24	1,152993	-1,07898	0,280598	0,6533151
SDC3	101,37	-0,46	0,430835	-1,07895	0,280609	0,6533151
RP5-842K16.2	1,33	-2,87	2,663995	-1,07885	0,280653	NA
AC015978.3	1,97	2,40	2,220744	1,078836	0,280661	NA
COMMD4	572,34	-0,49	0,453261	-1,07875	0,280699	0,6533151
RP11-94H18.3	3,58	1,74	1,60935	1,078654	0,280742	NA
SMCHD1	1264,58	-0,32	0,29502	-1,07865	0,280745	0,6533151
SCARA3	1,27	-2,91	2,699136	-1,07856	0,280785	NA
FKBP11	116,94	0,81	0,748946	1,078551	0,280788	0,6533151
ZNF296	40,61	-1,01	0,938772	-1,07845	0,280832	0,6533151
AC113189.5	6,70	-1,90	1,763984	-1,07839	0,280861	0,6533151
RP5-968D22.3	24,29	-1,37	1,274294	-1,07836	0,280873	0,6533151
TMEM161B	161,38	0,80	0,739691	1,07834	0,280882	0,6533151
AC003006.7	0,56	-3,94	3,65776	-1,0783	0,2809	NA
RP11-616L12.1	5,47	1,40	1,295712	1,078262	0,280917	0,6533151
TMEM99	19,42	-2,38	2,203801	-1,07825	0,28092	0,6533151
DEPDC5	331,03	0,61	0,563213	1,078072	0,281002	0,6534227
RP11-817O13.2	1,39	-1,32	1,224158	-1,07803	0,281019	NA
CLEC1B	108,62	-0,98	0,907605	-1,07795	0,281056	0,6534685
RP11-392B6.1	20,18	-1,56	1,445685	-1,07787	0,281094	0,6534739
AC012363.13	0,48	-1,82	1,686	-1,07778	0,281132	NA
TGIF2	221,49	0,82	0,757276	1,07775	0,281145	0,6535119
AC026188.1	1,64	1,62	1,506761	1,077662	0,281185	NA
LPIN1	512,96	0,54	0,502752	1,077565	0,281228	0,653575
SMG6	142,07	-0,78	0,725231	-1,07753	0,281243	0,653575
SLC19A2	68,38	-1,11	1,034597	-1,07745	0,28128	0,653579
CTC-205M6.3	209,33	-0,80	0,738912	-1,07733	0,281332	0,6536181
RP11-350G8.7	0,43	-3,03	2,809939	-1,07724	0,281373	NA
MIRLET7I	0,90	-2,79	2,592127	-1,07716	0,28141	NA
TIAL1	759,35	0,33	0,30971	1,077141	0,281417	0,6537357
NLRP7	0,38	-1,78	1,653609	-1,07701	0,281478	NA
SNORA32	0,52	-1,81	1,679143	-1,07697	0,281492	NA
AC099344.4	0,97	-2,47	2,296512	-1,07693	0,281513	NA
STARD5	94,43	1,07	0,993499	1,076832	0,281555	0,6539248
RP11-88E10.4	24,13	0,98	0,907346	1,076701	0,281614	0,6539248
RP11-70F11.6	28,47	-0,73	0,682062	-1,07661	0,281653	0,6539248
RP11-231E4.2	10,74	1,09	1,014817	1,076579	0,281669	0,6539248

SLC43A3	670,26	-0,41	0,37953	-1,07656	0,281675	0,6539248
RP11-15B17.4	0,55	-3,94	3,657636	-1,07647	0,281717	NA
ZNF764	40,27	1,17	1,090084	1,076432	0,281734	0,6539248
DCPS	277,25	0,74	0,68928	1,076364	0,281764	0,6539248
OAS3	831,23	0,80	0,747038	1,07633	0,28178	0,6539248
RP11-573G6.10	0,74	-3,56	3,306106	-1,07592	0,281962	NA
RP11-215A21.2	1,69	-0,78	0,722359	-1,0759	0,281973	NA
CDK18	40,31	-1,01	0,935863	-1,07589	0,281976	0,6542933
AC116035.1	3,93	-1,41	1,315238	-1,07577	0,282029	0,6542933
RP4-737A23.2	4,38	1,17	1,087847	1,075739	0,282044	0,6542933
RP11-486M23.1	1,87	3,54	3,294147	1,075149	0,282308	NA
LINC00960	27,59	-0,94	0,873141	-1,07514	0,282311	0,6548298
AHR	2130,57	0,62	0,578991	1,075	0,282375	0,6548972
LRRC16B	1,31	-1,93	1,798687	-1,07484	0,282447	NA
ZNF441	94,79	-1,08	1,006915	-1,07481	0,28246	0,6550126
STON2	91,80	0,91	0,850634	1,074462	0,282616	0,6552923
AC114812.9	1,92	3,57	3,322709	1,074352	0,282665	NA
SYNJ2	80,87	0,90	0,834431	1,074341	0,28267	0,6553181
ODC1	556,72	-0,73	0,674873	-1,07428	0,282697	0,6553181
RP11-59H1.4	0,55	-3,93	3,658073	-1,0741	0,282776	NA
CCDC71L	40,50	1,21	1,127072	1,074061	0,282795	0,6554639
CTD-2135D7.3	1,08	-1,51	1,404737	-1,0739	0,282869	NA
RP11-89K21.2	0,55	-3,93	3,658147	-1,07384	0,282892	NA
AC092192.1	1,18	-2,60	2,420354	-1,07373	0,282946	NA
SNORA53	0,64	-2,15	2,001074	-1,07367	0,282969	NA
SCUBE2	22,62	1,08	1,008366	1,073607	0,282999	0,6557305
NCBP1	383,31	0,54	0,505617	1,073556	0,283022	0,6557305
LPIN3	40,28	-0,68	0,634097	-1,07348	0,283056	0,6557305
SEPT8	58,80	-1,41	1,316473	-1,07345	0,28307	0,6557305
RP11-532N4.2	7,94	1,45	1,348942	1,073411	0,283087	0,6557305
PROX1	17,60	1,24	1,154636	1,073297	0,283138	0,6557676
MATR3	1904,73	0,36	0,33246	1,073108	0,283223	0,6558825
RP11-768G7.2	0,63	-2,40	2,239648	-1,073	0,283272	NA
RP11-1100L3.8	1133,29	0,49	0,460469	1,072922	0,283306	0,6559939
ZNF860	0,81	-1,83	1,708652	-1,0729	0,283318	NA
RP11-27I1.2	187,69	-0,71	0,661645	-1,07278	0,283371	0,6560613
RP11-8J9.4	3,09	3,66	3,415715	1,072614	0,283445	NA
RP13-395E19.3	28,89	1,35	1,254467	1,07254	0,283478	0,6562277
AC012370.2	2,57	3,99	3,724697	1,07252	0,283486	NA
RP11-174G17.3	0,91	-3,62	3,374838	-1,07236	0,283559	NA
RP11-124M17.1	7,60	-2,21	2,059837	-1,07235	0,283561	0,6562779
GNL3	490,19	0,60	0,556379	1,072275	0,283597	0,6562779
RP11-665C16.5	3,85	3,99	3,723292	1,072219	0,283622	0,6562779
MRPL53	253,55	-0,33	0,3058	-1,07218	0,28364	0,6562779
DHX37	75,65	-0,87	0,808682	-1,07185	0,283789	0,6563377
CNTNAP1	24,24	0,95	0,884899	1,071736	0,283839	0,6563377
CEP89	153,49	0,78	0,727592	1,071646	0,283879	0,6563377
RP11-902B17.1	45,81	-0,74	0,688585	-1,07156	0,283916	0,6563377
RP11-434C1.1	42,79	-1,32	1,228597	-1,07155	0,283924	0,6563377
TTC27	70,82	-1,25	1,163774	-1,07152	0,283936	0,6563377

AC004057.1	314,50	-0,43	0,400291	-1,0715	0,283945	0,6563377
LGALS1	6189,83	-0,25	0,237326	-1,07149	0,283949	0,6563377
ZNF234	59,86	1,02	0,954001	1,071344	0,284015	0,6564098
AC007464.1	35,59	1,41	1,314757	1,071186	0,284086	0,6564921
RNU6-233P	1,54	2,64	2,463491	1,070908	0,284211	NA
ANKRD7	2,69	-1,45	1,351862	-1,07053	0,284379	NA
RIPK1	289,66	-0,56	0,523863	-1,07026	0,284503	0,6572686
WRNIP1	266,25	0,87	0,81506	1,070084	0,284581	0,6572686
RP3-370M22.6	51,37	-0,51	0,476862	-1,07006	0,284594	0,6572686
OR10A2	5,03	-0,78	0,732478	-1,07	0,284618	0,6572686
AC021218.2	0,85	-3,57	3,340271	-1,06999	0,284625	NA
TWF1	249,46	-0,78	0,730734	-1,06998	0,284628	0,6572686
SIRT1	362,28	0,58	0,539774	1,069937	0,284648	0,6572686
RP11-326C3.14	19,68	-1,54	1,443433	-1,06986	0,28468	0,6572686
GPR65	618,87	-0,52	0,483066	-1,06981	0,284705	0,6572686
RP11-278A23.4	0,54	-3,91	3,658364	-1,06963	0,284784	NA
CTD-2260A17.1	27,72	1,43	1,337309	1,069607	0,284796	0,6573418
AC078937.4	13,01	-0,91	0,851689	-1,06958	0,284807	0,6573418
AC122136.1	3,19	2,58	2,41136	1,069478	0,284854	NA
C6orf59	15,32	-1,75	1,637952	-1,06929	0,284937	0,6575165
RPL15P3	14,38	0,50	0,471573	1,069258	0,284953	0,6575165
GSK3A	44,89	-0,80	0,744374	-1,0691	0,285027	0,6576044
CEP70	6,11	1,87	1,749634	1,068873	0,285127	0,6576775
KCNJ5	36,15	-0,72	0,67318	-1,06887	0,285129	0,6576775
RP11-481J13.1	1,56	-1,51	1,416131	-1,06884	0,285143	NA
MYO19	161,62	0,76	0,713922	1,068552	0,285271	0,6579243
KNG1	3,70	3,43	3,208324	1,068161	0,285448	NA
MGAT5	146,75	0,84	0,782968	1,068145	0,285455	0,6582431
ZNF783	151,56	-1,03	0,962173	-1,06809	0,28548	0,6582431
HHIP	12,62	1,10	1,031129	1,068002	0,28552	0,6582517
AC005022.1	3,72	-2,04	1,914469	-1,06793	0,285552	NA
HEXA	1390,40	0,30	0,279375	1,067879	0,285575	0,6582983
ZNF512B	32,62	1,76	1,653167	1,067592	0,285704	0,6585147
CMPK1	618,80	-0,46	0,433381	-1,06744	0,285774	0,6585938
EPHA2	6,47	-2,14	2,001538	-1,06735	0,285812	0,6585987
RN7SL57P	2,52	3,98	3,724784	1,06734	0,285819	NA
ARL17B	215,35	0,57	0,530172	1,067103	0,285925	0,6587096
RAD50	440,05	0,57	0,534027	1,067091	0,285931	0,6587096
AKAP8L	110,62	0,90	0,839089	1,067005	0,28597	0,6587179
ILK	1198,43	-0,40	0,377904	-1,06678	0,286072	0,6588726
CTD-2600O9.1	7,42	1,09	1,020267	1,066519	0,286189	0,6590513
GLYR1	312,62	0,54	0,502241	1,066449	0,286221	0,6590513
VASH1	268,82	0,80	0,747323	1,066288	0,286293	0,6591203
C9orf78	731,50	0,37	0,348604	1,066226	0,286321	0,6591203
RP11-114F3.4	0,65	-2,63	2,468545	-1,06597	0,286437	NA
RP5-884C9.2	0,49	-3,49	3,271537	-1,06585	0,28649	NA
CNNM3	50,33	-1,32	1,240753	-1,06581	0,28651	0,6594066
ELMSAN1	973,29	0,36	0,333436	1,065794	0,286517	0,6594066
RP11-554D13.1	0,52	-2,56	2,400363	-1,06575	0,286535	NA
IGHG4	2,39	2,96	2,780074	1,065557	0,286624	NA

NOP16	341,12	-0,72	0,67186	-1,06554	0,286633	0,6595073
CLMN	284,74	-0,73	0,683321	-1,06549	0,286655	0,6595073
RP11-810P12.7	105,73	-0,88	0,826174	-1,06522	0,286778	0,6595073
RBM48	144,47	-0,90	0,842594	-1,06521	0,286782	0,6595073
RASGEF1A	43,41	1,17	1,102391	1,065159	0,286804	0,6595073
SMOX	78,09	1,37	1,290167	1,06512	0,286822	0,6595073
CDC73	515,30	0,60	0,562256	1,065114	0,286825	0,6595073
C1orf123	451,96	0,68	0,634399	1,064998	0,286877	0,6595073
NCOR1	1776,07	0,28	0,259386	1,064847	0,286945	0,6595073
RP11-140L24.3	1,85	2,93	2,748367	1,064735	0,286996	NA
GPLD1	16,81	-0,64	0,603216	-1,06467	0,287025	0,6595073
RIIAD1	0,54	-3,90	3,659003	-1,06466	0,287028	NA
XXcos-LUCA16.1	35,29	1,30	1,218698	1,064648	0,287035	0,6595073
DAAM1	467,04	-0,70	0,660082	-1,06462	0,287048	0,6595073
RP11-88I21.2	9,29	0,99	0,926079	1,064615	0,28705	0,6595073
MRPL54	619,59	-0,31	0,290646	-1,06456	0,287075	0,6595073
AIP	1251,26	0,44	0,409745	1,064522	0,287092	0,6595073
RP11-215P8.3	1,37	1,86	1,746656	1,064264	0,287209	NA
RP11-468D11.1	0,54	-3,89	3,659114	-1,06419	0,287245	NA
RP11-757G14.1	8,61	1,48	1,393423	1,063838	0,287402	0,6601378
FOXA1	1,14	-3,89	3,655249	-1,06357	0,287526	NA
KIF20B	134,77	0,74	0,694307	1,063483	0,287563	0,6601648
RPL17	8575,80	-0,17	0,159368	-1,06348	0,287565	0,6601648
TP53I11	33,61	1,40	1,311923	1,063465	0,287571	0,6601648
MRRF	432,26	0,69	0,647456	1,063398	0,287602	0,6601648
RP11-34P1.1	1,34	1,78	1,672564	1,063379	0,28761	NA
PPIL6	12,30	-0,85	0,801914	-1,06334	0,287629	0,6601648
RP4-732G19.2	0,53	-3,89	3,659155	-1,06324	0,287671	NA
FTX	719,64	-0,54	0,50737	-1,06322	0,287681	0,6601648
ATP6V0C	394,17	-0,30	0,280103	-1,06312	0,287727	0,6601648
RNASE10	2,99	-1,81	1,698345	-1,06312	0,287727	NA
BOP1	141,07	-0,92	0,868337	-1,06311	0,287733	0,6601648
CD79B	147,83	-1,09	1,024959	-1,06304	0,287763	0,6601648
PPAT	39,36	-0,99	0,933571	-1,06298	0,287789	0,6601648
KIAA1370	263,16	0,85	0,799887	1,062951	0,287804	0,6601648
RP11-706O15.5	1,04	2,69	2,528145	1,062894	0,28783	NA
RP13-52K8.1	0,53	-3,89	3,659109	-1,0628	0,287872	NA
H1FOO	0,53	-3,89	3,65951	-1,06268	0,287927	NA
TUBA4A	302,02	-0,90	0,850199	-1,06256	0,28798	0,6604859
MEMO1	598,11	0,56	0,525761	1,062483	0,288016	0,6604884
AEBP1	1,06	-1,71	1,61124	-1,06246	0,288029	NA
SPPL2B	111,50	0,89	0,833977	1,06232	0,28809	0,6605766
MAP2K1	859,36	0,46	0,434542	1,062224	0,288134	0,6605961
MIR7843	0,53	-3,89	3,659106	-1,06216	0,288164	NA
AGAP9	224,09	-0,94	0,884119	-1,06214	0,288173	0,6606028
CTD-2526A2.4	0,79	-1,32	1,242118	-1,062	0,288234	NA
CTD-2165H16.1	6,10	0,55	0,517427	1,061913	0,288275	0,6606855
PIGZ	24,67	1,71	1,606422	1,061823	0,288316	0,6606855
RP11-307C12.12	17,07	-1,52	1,433262	-1,0618	0,288329	0,6606855
TBX6	6,09	-1,12	1,05352	-1,06175	0,288351	0,6606855

RP11-309M23.1	0,53	-3,88	3,659165	-1,06163	0,288405	NA
CFHR1	1,55	-1,32	1,246471	-1,06155	0,28844	NA
CYP2AC1P	0,63	-3,88	3,65693	-1,06151	0,288459	NA
BET1L	213,12	-0,72	0,678475	-1,06124	0,288581	0,661131
DCAF15	35,79	-0,94	0,885782	-1,06102	0,288683	0,6612239
RP11-677M14.8	7,08	1,70	1,599752	1,060995	0,288692	0,6612239
LAP3	1897,55	0,34	0,319009	1,060805	0,288778	0,6612279
NDUFA4	1903,45	-0,32	0,304959	-1,06078	0,288789	0,6612279
DOCK1	128,34	-1,52	1,42914	-1,06076	0,288801	0,6612279
RP11-353H3.1	3,50	-0,67	0,631738	-1,06062	0,28886	NA
RP11-93L9.1	56,64	-0,84	0,79258	-1,06059	0,288875	0,6613171
RP11-555E18.2	2,26	-3,28	3,089879	-1,06037	0,288977	NA
RPS6KB2	156,64	0,78	0,735209	1,060333	0,288993	0,6615057
RP11-416A17.6	105,94	1,19	1,122159	1,060019	0,289136	0,6615773
CTD-2143L24.1	43,59	-1,37	1,290564	-1,05996	0,289163	0,6615773
C9orf152	2,33	-1,21	1,141616	-1,05991	0,289187	NA
ANPEP	369,07	0,87	0,821748	1,059902	0,289189	0,6615773
CTD-2545M3.8	43,71	-1,67	1,574879	-1,05983	0,289221	0,6615773
KHSRP	80,14	0,71	0,674474	1,059816	0,289228	0,6615773
CHD3	667,85	-0,55	0,514532	-1,0598	0,289238	0,6615773
CTC-543D15.8	1,03	2,07	1,95273	1,059775	0,289247	NA
RP11-182I10.2	1,87	3,54	3,337494	1,059757	0,289255	NA
GATB	180,33	-0,99	0,932183	-1,0596	0,289329	0,661627
CTC-304I17.6	26,05	-0,74	0,694535	-1,05959	0,289331	0,661627
GALE	115,76	0,92	0,868774	1,059482	0,28938	0,661659
RP11-292E2.2	1,80	-2,95	2,779955	-1,05941	0,289414	NA
CDCA7	35,44	1,33	1,255095	1,059313	0,289457	0,6616838
SAV1	116,35	1,03	0,976044	1,059302	0,289462	0,6616838
RP11-800A3.3	2,84	2,97	2,801306	1,059287	0,289469	NA
OR52K3P	18,27	-2,33	2,198837	-1,05916	0,289525	0,6617459
FAM138E	7,08	-1,35	1,277972	-1,05895	0,289625	0,6618119
OR1A1	94,65	-0,67	0,631497	-1,05882	0,289682	0,6618119
RP3-333A15.1	2,73	1,27	1,196676	1,058799	0,289691	NA
APBB1IP	760,91	-0,53	0,496352	-1,05876	0,289709	0,6618119
RP5-888M10.2	3,02	3,63	3,432342	1,05872	0,289727	NA
ZNF285	11,16	-0,95	0,893751	-1,05867	0,289752	0,6618119
ABALON	1,32	3,04	2,873734	1,058631	0,289768	NA
RP3-322G13.5	2,41	2,68	2,534874	1,058584	0,289789	NA
MAML3	356,62	0,64	0,608531	1,058584	0,289789	0,6618119
CTD-2649C14.2	25,80	-0,45	0,42881	-1,05849	0,289831	0,6618119
RP11-395L14.11	9,72	2,08	1,964564	1,05842	0,289864	0,6618119
TRERF1	199,37	0,58	0,54429	1,058322	0,289908	0,6618119
MARS	597,06	0,43	0,404306	1,058321	0,289909	0,6618119
ZNF284	55,01	-0,95	0,901698	-1,05822	0,289954	0,6618119
RP11-331G2.7	1,84	-1,85	1,750288	-1,05814	0,289992	NA
ARSE	9,77	1,63	1,545021	1,058092	0,290014	0,6618119
RP11-473M20.5	4,10	1,36	1,284896	1,058069	0,290024	0,6618119
RP11-463I20.3	7,62	-2,53	2,391601	-1,05801	0,290052	0,6618119
GRM1	4,41	1,76	1,658862	1,058008	0,290052	0,6618119
NPC1L1	2,72	-3,00	2,833616	-1,05793	0,290086	NA

OR51B5	3,34	-1,03	0,97045	-1,05786	0,290121	NA
APOO	79,40	1,00	0,942247	1,057782	0,290155	0,6618242
EEF1B4	10,61	0,80	0,758842	1,057767	0,290162	0,6618242
MIR2116	2,46	3,94	3,724901	1,057678	0,290202	NA
AC073043.1	17,75	-0,94	0,892383	-1,05768	0,290203	0,6618242
RP11-294N21.3	0,53	-3,87	3,659323	-1,05758	0,290247	NA
RP11-306O13.1	87,30	-0,40	0,376874	-1,05756	0,290257	0,6618242
ZNF138	53,93	1,37	1,295704	1,057546	0,290262	0,6618242
CTC-281F24.3	13,04	-0,64	0,606236	-1,05753	0,290271	0,6618242
ZC3H7B	48,85	0,75	0,712031	1,057357	0,290349	0,6618963
RN7SL48P	15,63	-0,70	0,665464	-1,0573	0,290373	0,6618963
SLC25A16	209,11	-0,86	0,815244	-1,05708	0,290476	0,6620496
THAP10	2,46	3,94	3,724904	1,057033	0,290497	NA
MRPL19	173,30	-0,83	0,781364	-1,05693	0,290543	0,6621208
ZNF776	59,02	-0,70	0,660308	-1,05671	0,290644	0,6622135
MSH6	264,58	0,45	0,424721	1,056651	0,290671	0,6622135
RP11-806O11.1	2,50	1,92	1,820449	1,056588	0,2907	NA
UBE2J1	687,21	0,50	0,471922	1,056534	0,290725	0,6622135
HGS	310,19	-0,60	0,567139	-1,05653	0,290726	0,6622135
CTD-2336O2.3	3,00	-2,10	1,984387	-1,05651	0,290735	NA
TBL2	83,16	-0,85	0,804696	-1,05635	0,290807	0,6623156
CTC-250I14.6	0,80	2,36	2,236756	1,056309	0,290827	NA
RP1-155D22.2	0,52	-3,86	3,659415	-1,05592	0,291003	NA
RNF7	678,85	0,37	0,351894	1,055766	0,291075	0,662778
RNU4-72P	2,81	1,38	1,309016	1,055753	0,291081	NA
RNU2-58P	7,37	-1,76	1,66262	-1,05567	0,291118	0,662778
OTUD6A	7,32	1,10	1,038189	1,055618	0,291143	0,662778
AC004019.13	12,73	-0,70	0,663025	-1,0556	0,291152	0,662778
OR7E25P	52,33	-0,54	0,515674	-1,0555	0,291198	0,6628018
SCARNA16	0,72	-2,33	2,205875	-1,05546	0,291215	NA
RP11-295D4.5	2,08	-1,70	1,614054	-1,05545	0,291222	NA
DUOX1	14,94	-1,38	1,312073	-1,05525	0,29131	0,6628352
GTF2E2	219,55	-0,80	0,756163	-1,05524	0,291317	0,6628352
ECSIT	380,35	-0,60	0,568076	-1,05523	0,29132	0,6628352
HERC2P2	132,44	0,96	0,91417	1,055039	0,291408	0,662954
MUT	137,88	1,14	1,077874	1,054893	0,291474	0,6630242
ADAM17	281,98	0,59	0,555437	1,054629	0,291595	0,6632109
RN7SL822P	1,51	2,60	2,464175	1,054526	0,291642	NA
RP13-122B23.13	151,24	-1,01	0,960734	-1,0545	0,291654	0,6632109
THRB	63,24	-1,82	1,728539	-1,05448	0,291663	0,6632109
ASMTL	271,13	0,84	0,796442	1,054377	0,29171	0,6632371
TLE6	0,73	-3,86	3,657152	-1,05435	0,291722	NA
BRI3BP	569,19	0,43	0,410802	1,054225	0,29178	0,6633143
RP11-418I22.2	0,47	-3,43	3,25856	-1,05403	0,29187	NA
RNU6-268P	3,40	1,25	1,181235	1,054013	0,291877	NA
NSD3	698,40	-0,48	0,458403	-1,0539	0,291929	0,663508
RPP21	136,22	-0,49	0,467547	-1,05388	0,291936	0,663508
C1orf229	3,26	-0,94	0,894966	-1,0536	0,292065	NA
RP11-438L7.1	67,68	-0,58	0,552881	-1,05357	0,292078	0,6636672
ZNF649	45,96	1,14	1,079053	1,053574	0,292078	0,6636672

ME2	845,75	-0,47	0,448898	-1,05331	0,292198	0,6636741
CELSR2	15,49	-1,95	1,855002	-1,05322	0,29224	0,6636741
CTD-2175M1.1	10,62	-2,08	1,974412	-1,05316	0,292267	0,6636741
MBD1	184,18	0,73	0,696196	1,05311	0,292291	0,6636741
PPIL2	296,35	0,69	0,659727	1,053077	0,292306	0,6636741
SUSD1	245,03	0,64	0,610185	1,052992	0,292345	0,6636741
RP11-321N4.4	16,07	-1,22	1,155359	-1,05298	0,292351	0,6636741
RP11-347C12.1	86,03	0,42	0,40019	1,052945	0,292366	0,6636741
OR13I1P	3,51	-1,10	1,048723	-1,05285	0,292411	NA
AGAP1	1,29	2,25	2,138033	1,052789	0,292438	NA
AC016737.1	0,52	-3,85	3,659549	-1,05263	0,292512	NA
PCNT	541,82	0,75	0,709627	1,052544	0,29255	0,6640107
NPIPA5	23,35	1,26	1,194562	1,052449	0,292594	0,6640284
VPS4A	385,76	0,43	0,407825	1,052291	0,292666	0,6641118
NDUFC2	864,91	0,23	0,218955	1,05208	0,292763	0,6642505
RP11-35J10.7	9,62	-1,65	1,56865	-1,05191	0,29284	0,6642675
RP11-145J3.3	7,84	-2,70	2,565086	-1,05183	0,292876	0,6642675
RP11-293F5.2	13,12	-0,57	0,543598	-1,05178	0,2929	0,6642675
PACS1	276,50	-0,68	0,645007	-1,05175	0,292913	0,6642675
AC156455.1	2,15	1,76	1,669748	1,051543	0,293009	NA
ZNF787	31,73	1,00	0,953169	1,051434	0,293059	0,6644799
IGSF5	4,85	-2,36	2,242783	-1,05134	0,293103	0,6644799
MSANTD3	31,39	-1,11	1,056322	-1,05131	0,293114	0,6644799
FASTKD1	211,66	-0,68	0,646434	-1,05121	0,293164	0,6644952
AC006946.16	31,76	-1,07	1,014029	-1,05112	0,293204	0,6644952
AP000892.6	145,80	-1,03	0,979963	-1,05107	0,293228	0,6644952
RNU6-957P	1,30	3,02	2,876725	1,05094	0,293286	NA
ZFPM2	6,12	1,27	1,208968	1,050701	0,293396	0,6647949
RP11-730G20.1	2,33	2,22	2,116227	1,050663	0,293413	NA
RP5-994D16.9	1,84	3,50	3,33515	1,05053	0,293475	NA
RP6-65G23.1	2,64	-1,29	1,232208	-1,05045	0,293512	NA
EIF4B	3335,34	0,33	0,312912	1,050394	0,293537	0,6649804
RP11-734K23.9	32,87	0,82	0,778828	1,050367	0,293549	0,6649804
RP11-348N5.7	1,20	2,26	2,156146	1,050254	0,293601	NA
FOXP4	19,66	-1,10	1,046536	-1,05025	0,293603	0,6650211
RP11-104N10.1	3,87	1,75	1,667264	1,050077	0,293683	0,6651209
MED13	764,41	-0,59	0,558472	-1,04993	0,293749	0,6651888
CACNA1B	9,49	1,92	1,825172	1,049827	0,293798	0,6651895
RP11-29013.1	0,42	-2,95	2,809347	-1,04981	0,293807	NA
SHANK2	3,66	-1,50	1,426208	-1,04976	0,293828	NA
CWC15	651,65	-0,47	0,451457	-1,04971	0,293851	0,6651895
UFSP2	116,39	1,13	1,076287	1,049662	0,293873	0,6651895
EMC8	213,84	0,67	0,637472	1,049622	0,293892	0,6651895
EFCAB2	170,45	0,72	0,68757	1,049411	0,293989	0,6653289
MC5R	1,94	1,38	1,311911	1,049346	0,294019	NA
TESC	192,71	-0,96	0,918419	-1,04928	0,29405	0,6653849
SMARCD2	313,23	0,62	0,593886	1,049115	0,294125	0,6653995
SPATA20	182,53	0,87	0,833146	1,04911	0,294128	0,6653995
CTB-119C2.1	3,78	2,53	2,41162	1,048948	0,294202	0,6654868
RP11-301L8.2	1,03	2,69	2,566045	1,048862	0,294242	NA

RP5-1139I1.1	12,66	-0,69	0,657995	-1,04879	0,294276	0,66557
CBS	6,29	-1,13	1,08205	-1,04859	0,294366	0,66557
RPL13	20114,07	-0,20	0,188552	-1,04834	0,294483	0,66557
CTC-459F4.6	0,52	-3,84	3,659781	-1,04826	0,294517	NA
SNX22	34,80	-0,73	0,69275	-1,04822	0,294536	0,66557
SEC23A	179,34	-0,66	0,633849	-1,04821	0,29454	0,66557
SNHG15	1076,96	0,43	0,410432	1,048197	0,294548	0,66557
PLCL1	3,07	1,31	1,250857	1,048093	0,294596	NA
GP2	4,71	-1,05	1,005854	-1,04809	0,294597	0,66557
RP11-74N20.1	24,07	-0,93	0,884826	-1,04807	0,294606	0,66557
UBE2E1	224,68	-0,46	0,441422	-1,04805	0,294613	0,66557
RP11-227L6.1	5,58	-0,82	0,779586	-1,04805	0,294616	0,66557
WNK4	2,63	-1,15	1,093454	-1,04801	0,294632	NA
RP11-345J4.1	0,49	-3,44	3,285367	-1,04798	0,294649	NA
RALBP1	396,59	-0,56	0,533063	-1,04797	0,29465	0,66557
LRRN4	1,82	3,49	3,332244	1,047947	0,294663	NA
MT-TS1	116,55	-0,40	0,381887	-1,04794	0,294668	0,66557
CTA-228A9.3	25,82	-0,84	0,80195	-1,04785	0,294709	0,6655821
PMF1	538,04	0,41	0,394985	1,047598	0,294824	0,6657603
RP11-138P22.1	1,09	-1,38	1,321954	-1,04755	0,294846	NA
TNRC6B	1443,44	-0,42	0,401716	-1,0475	0,294871	0,6657856
P2RY8	373,22	-0,59	0,56003	-1,04733	0,294949	0,6658805
CTB-159G17.3	1,62	-1,50	1,432315	-1,04717	0,295023	NA
RP11-313I2.11	4,33	-1,35	1,291336	-1,04709	0,295057	0,6659774
CTD-2552B11.4	89,69	0,94	0,894849	1,047079	0,295063	0,6659774
DIRAS2	2,32	-1,35	1,285142	-1,047	0,295099	NA
NCRNA00277	2,34	3,90	3,725465	1,046777	0,295202	NA
RP11-341J3.1	86,56	-0,49	0,46495	-1,04676	0,295208	0,6662234
RP11-358L22.3	23,21	0,73	0,699655	1,046638	0,295266	0,6662273
RF00591	0,51	-3,83	3,661314	-1,04661	0,295279	NA
RP11-779O18.1	20,86	-1,80	1,720734	-1,04654	0,295313	0,6662273
IKZF1	851,41	0,43	0,406373	1,046513	0,295324	0,6662273
RP11-298A18.1	1,91	3,57	3,407042	1,046503	0,295329	NA
RP11-632C17__A.1	0,83	-1,82	1,736237	-1,0465	0,295332	NA
RP11-523O18.7	4,84	1,34	1,281801	1,046397	0,295378	0,6662273
TIAF1	63,15	0,80	0,768164	1,046345	0,295402	0,6662273
NUFIP2	1125,58	0,48	0,460911	1,046296	0,295425	0,6662273
RP11-478J18.1	131,44	-0,79	0,752153	-1,04607	0,295527	0,6662961
RP11-84A19.2	37,10	-0,36	0,345489	-1,04605	0,295536	0,6662961
MVD	72,52	-0,79	0,757455	-1,04587	0,295621	0,6662961
RP11-665J16.1	2,39	3,90	3,725037	1,045862	0,295625	NA
PSMD14	460,58	0,91	0,865683	1,045851	0,29563	0,6662961
TRIM72	61,20	-0,63	0,606305	-1,04584	0,295634	0,6662961
OR52N1	2,43	-1,18	1,125826	-1,04577	0,295669	NA
GOLPH3L	60,47	0,97	0,923473	1,045666	0,295715	0,6662976
RNPEP	905,86	-0,37	0,352826	-1,04564	0,295729	0,6662976
RAB3A	18,96	1,27	1,217057	1,045568	0,295761	0,6662976
CTC-525D6.1	29,47	-0,97	0,923968	-1,04553	0,295778	0,6662976
TMEM8A	189,39	-0,78	0,749147	-1,04538	0,29585	0,6663779
FAM84A	32,52	-3,77	3,608826	-1,045	0,296025	0,6666918

RP5-967N21.7	1,86	3,53	3,38198	1,044936	0,296053	NA
LIPM	2,38	3,89	3,725043	1,044721	0,296152	NA
RP11-776A13.1	14,45	-0,66	0,635185	-1,04464	0,296188	0,6669461
NKX6-2	4,51	-1,29	1,230766	-1,0446	0,296209	0,6669461
RP11-426C22.5	245,87	0,69	0,657984	1,044512	0,296249	0,6669538
CMC1	168,26	-0,66	0,631676	-1,04443	0,296286	0,6669573
UPK3BL	461,22	-0,50	0,474647	-1,04435	0,296324	0,6669588
CTA-339C12.1	10,29	1,71	1,639255	1,044265	0,296363	0,6669588
RRAGA	271,56	0,88	0,84403	1,044197	0,296394	0,6669588
GDA	11,16	1,01	0,967311	1,043939	0,296513	0,6670566
AC131097.4	0,51	-3,82	3,660449	-1,0439	0,296531	NA
RP11-529F4.1	1,74	3,43	3,281444	1,043758	0,296598	NA
CTD-2521M24.4	21,92	-0,56	0,539312	-1,04373	0,296611	0,6670566
ACSS1	510,53	0,43	0,412783	1,043702	0,296623	0,6670566
AC002472.15	16,72	-1,09	1,044075	-1,04369	0,296629	0,6670566
RP11-799O21.2	1,81	3,48	3,33575	1,043647	0,296649	NA
RP3-424M6.4	23,77	1,03	0,988059	1,043623	0,29666	0,6670566
IGF2BP1	14,13	1,02	0,976598	1,043568	0,296685	0,6670566
CREB3L2	486,80	0,64	0,611129	1,04354	0,296698	0,6670566
CMTR1	129,47	-0,89	0,851934	-1,04348	0,296725	0,6670566
PUS10	118,34	-0,92	0,886578	-1,04319	0,296862	0,6672208
PRPS2	445,53	-0,98	0,939354	-1,04311	0,296898	0,6672208
RP11-20G6.2	10,59	-0,95	0,914203	-1,04307	0,296916	0,6672208
RP11-67H24.3	147,85	-2,07	1,989183	-1,04287	0,297008	0,6672208
RF00598	2,81	3,54	3,393874	1,042792	0,297044	NA
RP11-315A16.3	4,01	-1,61	1,547519	-1,04277	0,297057	0,6672208
RP11-396O20.1	5,10	-3,76	3,604744	-1,04275	0,297066	0,6672208
RP11-290D2.6	3,87	-1,62	1,551019	-1,04274	0,29707	0,6672208
RP11-326C3.12	20,39	-0,68	0,653136	-1,04263	0,297119	0,6672208
PKD1P6	54,64	0,89	0,858053	1,042622	0,297123	0,6672208
CLIC4	178,21	0,79	0,756016	1,042551	0,297156	0,6672208
CDC25C	0,57	-2,25	2,15762	-1,04252	0,297169	NA
PADI6	23,40	-1,85	1,774499	-1,04236	0,297244	0,6673363
WNT9A	4,30	-1,38	1,320727	-1,04227	0,297284	0,6673451
RAB44	56,76	-1,43	1,370749	-1,04212	0,297355	0,6673451
INPP5E	77,28	-1,15	1,104898	-1,04212	0,297355	0,6673451
PDCL3	425,74	0,52	0,500809	1,041996	0,297414	0,6673958
URB1	94,02	0,89	0,855795	1,041839	0,297486	0,6674786
RP11-277I20.3	0,38	-3,38	3,24033	-1,04173	0,297536	NA
AP000892.4	8,35	-1,23	1,182111	-1,04144	0,297672	0,667748
CXorf21	657,58	0,67	0,643668	1,041374	0,297702	0,667748
SDHC	351,16	0,68	0,655649	1,041321	0,297727	0,667748
RP1-102G20.5	10,92	2,38	2,289178	1,041271	0,29775	0,667748
RP11-883G14.1	0,58	-2,97	2,854836	-1,04095	0,297898	NA
TMA16	158,35	-0,52	0,494946	-1,04089	0,297928	0,6680058
RP11-439L18.1	1,37	3,11	2,987526	1,040879	0,297932	NA
RP11-20E24.1	5,99	-2,05	1,968201	-1,0408	0,297967	0,6680058
SIGLEC10	168,10	-0,65	0,628199	-1,04079	0,297973	0,6680058
RP11-1286E23.1	1,56	-3,17	3,047454	-1,04074	0,297995	NA
C1orf43	1108,15	0,42	0,399717	1,04062	0,298052	0,6680321

EEF1A1P5	108,61	0,33	0,314628	1,040611	0,298056	0,6680321
MIR5480	2,36	3,88	3,725094	1,040407	0,298151	NA
SNAPC2	82,75	1,04	0,998482	1,040372	0,298167	0,6682001
DNASE1L2	2,39	3,87	3,725019	1,04021	0,298242	NA
RP11-454L9.2	1,68	-2,83	2,718194	-1,04006	0,29831	NA
NAIF1	53,93	-1,24	1,195299	-1,04004	0,298323	0,6684693
RP4-695O20.1	23,26	0,66	0,638715	1,039941	0,298367	0,6684881
ARMCX4	79,05	-0,86	0,831437	-1,03972	0,298469	0,6685253
OSGEP	887,83	0,40	0,387575	1,039705	0,298477	0,6685253
MPLKIP	431,58	0,66	0,630923	1,039673	0,298492	0,6685253
RP11-759A24.1	1,23	-1,22	1,177702	-1,03959	0,298532	NA
VPS37A	192,52	0,99	0,955736	1,039538	0,298555	0,6685857
RNA5SP199	0,50	-3,80	3,660402	-1,0393	0,298665	NA
MPP2	1,04	-3,51	3,374781	-1,0391	0,298759	NA
AC004453.8	1,30	1,75	1,681013	1,039055	0,298779	NA
OXCT1	127,58	0,93	0,898093	1,038896	0,298853	0,6691732
CHURC1	735,03	0,40	0,381451	1,038656	0,298965	0,6692185
CCDC97	97,49	-0,93	0,898545	-1,03849	0,299042	0,6692185
SESTD1	352,45	-0,78	0,746651	-1,03847	0,299052	0,6692185
RN7SL368P	87,40	-0,86	0,827603	-1,03846	0,299057	0,6692185
ATF1	131,95	0,72	0,692211	1,038413	0,299078	0,6692185
TIAM1	360,25	-0,57	0,550683	-1,03824	0,299157	0,6692185
RP11-125B21.2	3,35	-1,16	1,121419	-1,03822	0,299167	NA
SAP30L	156,29	-0,89	0,859407	-1,03822	0,299168	0,6692185
RPS18	13059,78	-0,19	0,184329	-1,03818	0,299185	0,6692185
GGT1	68,73	-0,93	0,893697	-1,03816	0,299197	0,6692185
AC007161.5	1,24	3,02	2,907295	1,038136	0,299207	NA
VPS25	668,01	0,61	0,590725	1,0378	0,299363	0,6695101
RP11-455F5.6	3,10	-0,82	0,791569	-1,03779	0,299368	NA
FAM120A	1519,59	-0,18	0,174672	-1,03751	0,299498	0,6697303
RPS15AP18	0,74	-3,42	3,295406	-1,03745	0,299526	NA
HSPA5	2405,07	0,46	0,439968	1,037272	0,299609	0,6698988
RNA5SP281	5,65	-1,96	1,894019	-1,03714	0,299673	0,6699428
RP11-1399P15.1	3,33	3,19	3,075909	1,037059	0,299709	NA
LIN37	23,10	-1,62	1,559488	-1,03704	0,299717	0,6699428
POMP	1081,04	-0,33	0,317198	-1,037	0,299737	0,6699428
RSPH10B	2,33	1,01	0,970734	1,036874	0,299795	NA
DHRX	288,96	0,57	0,554277	1,036786	0,299836	0,6700829
AC010761.14	1,45	-1,63	1,567916	-1,03666	0,299895	NA
MMD	137,71	0,80	0,77457	1,036552	0,299945	0,6701541
RP11-493E12.2	18,16	1,21	1,171114	1,036394	0,300018	0,6701541
RP13-131K19.2	5,28	-2,56	2,466104	-1,03637	0,30003	0,6701541
SMCO4	390,80	-0,47	0,456852	-1,03631	0,300059	0,6701541
MAT2B	721,60	-0,57	0,545787	-1,03625	0,300085	0,6701541
RP11-357H14.17	10,44	-0,52	0,505807	-1,03625	0,300086	0,6701541
ZNF70	21,35	-0,48	0,46093	-1,03611	0,30015	0,6701541
AC073257.1	31,69	-0,76	0,730673	-1,03608	0,300167	0,6701541
SCO1	342,59	-0,74	0,713963	-1,03602	0,300192	0,6701541
RNU7-30P	2,33	3,86	3,725165	1,03571	0,300338	NA
SLC35G5	2,31	1,53	1,475442	1,035512	0,30043	NA

GPR173	4,73	-1,63	1,573174	-1,03549	0,30044	0,6706287
SEC14L6	20,06	-0,55	0,534057	-1,03524	0,300555	0,6708047
DNM1L	793,59	0,42	0,406004	1,035121	0,300612	0,6708519
RP11-711K1.8	2,01	-2,20	2,128533	-1,035	0,300671	NA
AC021107.3	1,08	-1,29	1,245324	-1,03496	0,300689	NA
RP11-461A8.1	1,84	-1,70	1,63945	-1,03494	0,300696	NA
RP11-665C16.1	21,51	1,77	1,710147	1,034833	0,300747	0,6710716
ATP5O	2423,50	0,21	0,203321	1,034689	0,300814	0,671141
RP11-1055B8.1	12,69	-1,40	1,354142	-1,03461	0,300853	0,6711479
ABC8	197,30	-0,61	0,591999	-1,03435	0,300974	0,6712663
FXYD6	33,05	-1,52	1,473448	-1,03434	0,300978	0,6712663
RP5-1010E17.2	2,43	-0,91	0,875747	-1,0343	0,300996	NA
RN7SL326P	1,28	-1,45	1,403819	-1,03425	0,301017	NA
RP11-930P14.2	21,28	0,87	0,837996	1,03418	0,301052	0,6713496
SIPA1L3	99,11	-0,84	0,815258	-1,0341	0,30109	0,6713544
MIR3682	2,33	3,85	3,725198	1,034027	0,301124	NA
MLN	0,49	-3,79	3,662314	-1,03387	0,301196	NA
RP11-673D15.7	9,32	-2,05	1,981519	-1,03362	0,301314	0,6717338
SLC8A3	0,33	-2,85	2,76099	-1,0336	0,301324	NA
NMT1	215,61	-0,52	0,501644	-1,03355	0,301347	0,6717338
HTATSF1	363,03	0,76	0,732527	1,033503	0,301369	0,6717338
CTD-2587H24.10	2,32	3,85	3,725199	1,033473	0,301383	NA
RP11-513M16.7	1,22	2,93	2,832198	1,033442	0,301397	NA
RP11-611D20.2	10,62	-2,69	2,60053	-1,03301	0,3016	0,6721686
PLEKHH1	10,81	1,17	1,134087	1,032875	0,301662	0,6722274
CDC42	6030,14	0,27	0,260528	1,032628	0,301778	0,6723497
RP11-40A8.3	27,49	-1,22	1,179022	-1,0326	0,301789	0,6723497
SYCE2	1,18	2,66	2,573714	1,032525	0,301826	NA
RP11-246E12.2	17,45	-0,84	0,814426	-1,03237	0,301897	0,6724247
RAD51L3-RFFL	0,49	-3,78	3,664096	-1,03227	0,301946	NA
DDX23	347,85	0,76	0,739246	1,032225	0,301967	0,6724247
SDK2	41,22	-1,56	1,512548	-1,0322	0,301978	0,6724247
RPL19P21	0,69	-1,42	1,379292	-1,03219	0,301983	NA
NDUFA5	377,89	-0,47	0,450778	-1,03216	0,301995	0,6724247
RP11-304F15.4	5,20	0,70	0,68123	1,032146	0,302004	0,6724247
FOPNL	167,74	-0,71	0,685764	-1,03205	0,302047	0,6724413
KLK15	0,49	-3,78	3,660867	-1,03192	0,302111	NA
NNAT	0,69	-1,82	1,765184	-1,03183	0,302153	NA
ZNF3	119,18	0,66	0,639674	1,031815	0,302159	0,6726091
HMCN2	1,65	-1,77	1,712609	-1,03177	0,30218	NA
ALOX5AP	716,47	0,49	0,47048	1,031724	0,302202	0,6726237
RP1-102H19.7	1,12	1,53	1,485076	1,031589	0,302265	NA
CPXM2	1,40	-1,67	1,617547	-1,03159	0,302265	NA
CTD-2600H12.2	125,15	0,80	0,773547	1,031559	0,302279	0,6727153
RP11-371I20.2	29,04	-0,57	0,555508	-1,03132	0,302389	0,6727728
SLC27A5	184,42	-0,89	0,860987	-1,03131	0,302396	0,6727728
RP11-166O4.5	12,47	-0,79	0,7681	-1,03127	0,302413	0,6727728
GDNF	3,05	-1,12	1,08941	-1,03102	0,302529	NA
CTD-2538G9.5	1,00	2,02	1,956348	1,030912	0,302582	NA
RP11-675P14.2	2,96	1,45	1,403008	1,030911	0,302582	NA

LYZ	75355,54	0,22	0,208931	1,030861	0,302606	0,6731214
FAM228B	375,63	-0,48	0,46748	-1,03078	0,302644	0,6731246
CCL4	292,01	-1,33	1,286386	-1,03047	0,302788	0,6733234
RP11-550P17.1	2,29	3,84	3,725223	1,030445	0,302801	NA
RP11-393B14.1	42,53	1,27	1,233215	1,030436	0,302806	0,6733234
AC073254.1	11,45	0,93	0,899201	1,030054	0,302985	0,6736417
NKAPL	0,40	-2,89	2,80357	-1,02969	0,303157	NA
ZMYND15	10,18	1,97	1,917624	1,029642	0,303178	0,673991
RP11-187O7.1	0,64	-2,28	2,216248	-1,02958	0,303208	NA
C14orf80	45,41	1,10	1,072801	1,029405	0,30329	0,674158
IFNK	1,02	2,65	2,579962	1,02897	0,303494	NA
ADH1A	0,49	-3,77	3,660259	-1,02878	0,303584	NA
PRR5-ARHGAP8	0,76	-1,32	1,28149	-1,02864	0,30365	NA
RP11-107O13.1	2,36	2,66	2,581823	1,028471	0,303729	NA
MST1L	0,81	-3,50	3,403611	-1,02801	0,303947	NA
EMD	63,59	0,69	0,669467	1,027964	0,303967	0,6755821
AC007389.3	6,75	-0,75	0,726873	-1,02771	0,304085	0,6757073
YY2	9,10	1,67	1,627503	1,027666	0,304107	0,6757073
RP11-307E17.8	13,96	1,24	1,207361	1,027613	0,304132	0,6757073
MIR6775	1,66	3,36	3,27372	1,027255	0,3043	NA
SEC31B	331,29	0,58	0,567135	1,027128	0,30436	0,6761286
RNU2-17P	0,49	-3,76	3,660551	-1,02712	0,304364	NA
ACP7	8,91	-0,97	0,94645	-1,02706	0,304394	0,6761286
FAM216A	46,24	-0,94	0,916891	-1,02684	0,304494	0,6762693
APOL3	296,26	-0,63	0,609261	-1,02673	0,304546	0,6762769
NME4	141,58	0,73	0,712393	1,026683	0,30457	0,6762769
RP13-210D15.8	1,30	2,99	2,914908	1,026176	0,304809	NA
TXNDC12	656,63	0,45	0,43878	1,026019	0,304882	0,6768901
RP11-538P18.1	21,88	-1,90	1,847609	-1,02591	0,304936	0,6769281
RP4-580N22.2	2,27	3,82	3,725357	1,025818	0,304977	NA
HRNR	0,59	-2,57	2,507212	-1,02575	0,30501	NA
GARS	452,80	-0,46	0,449595	-1,02566	0,305052	0,677022
AC004985.13	42,85	0,81	0,794007	1,025611	0,305075	0,677022
RP11-203P23.1	14,13	-2,38	2,32385	-1,02558	0,305087	0,677022
CITF22-49D8.1	0,76	-1,90	1,848887	-1,02558	0,305089	NA
CHST5	18,32	-0,61	0,599099	-1,02541	0,305171	0,6770492
RP5-915N17.11	10,79	0,89	0,864632	1,025404	0,305173	0,6770492
TFAP4	69,88	-0,59	0,573495	-1,02527	0,305238	0,6771141
TET1	2,26	-1,37	1,334593	-1,02504	0,305345	NA
CRTC1	63,61	0,89	0,86701	1,025003	0,305362	0,6773075
CLSTN2	7,79	-0,94	0,912514	-1,02482	0,305449	0,6773592
SLC25A25	62,57	1,26	1,233082	1,024799	0,305458	0,6773592
RP11-375N15.1	0,57	-3,75	3,659027	-1,02478	0,305465	NA
HDAC6	234,00	0,48	0,468956	1,02451	0,305594	0,6774057
TVP23B	146,35	-0,93	0,902998	-1,02446	0,305618	0,6774057
STAM	184,05	-0,90	0,881452	-1,02441	0,305641	0,6774057
SGCG	0,57	-3,75	3,65905	-1,02437	0,305662	NA
RPA2	496,01	0,54	0,530223	1,024342	0,305674	0,6774057
EAPP	527,42	-0,36	0,354772	-1,0243	0,305695	0,6774057
RP6-74O6.6	0,45	-3,35	3,271412	-1,02421	0,305736	NA

GOLGA6C	0,37	-3,35	3,270627	-1,02419	0,305746	NA
ELF1	1723,51	0,32	0,312052	1,02411	0,305783	0,6774057
LEPR	61,91	-0,96	0,939723	-1,02406	0,305806	0,6774057
RP11-227G15.10	14,35	0,76	0,73853	1,024056	0,305809	0,6774057
WDR77	575,58	0,78	0,761966	1,024042	0,305816	0,6774057
RP11-231C14.4	1285,21	0,30	0,293761	1,023984	0,305843	0,6774057
KY	1,48	-1,10	1,072815	-1,02393	0,30587	NA
RP11-886H22.1	0,49	-3,75	3,661571	-1,02372	0,305967	NA
RP11-386J22.3	58,25	0,64	0,628161	1,023677	0,305988	0,6775251
ZNF780A	241,97	-0,77	0,750434	-1,02366	0,305998	0,6775251
RNPEPL1	477,18	0,53	0,522298	1,023638	0,306006	0,6775251
SLC25A31	0,57	-3,75	3,659084	-1,0235	0,306071	NA
CCT6P1	26,29	1,17	1,145824	1,023375	0,30613	0,6776983
GPN1	343,82	-0,79	0,771159	-1,02332	0,306157	0,6776983
NUF2	0,90	-1,61	1,572309	-1,02325	0,306191	NA
RNF180	80,94	-0,66	0,643678	-1,02285	0,306377	0,678031
UNG	31,05	1,49	1,460746	1,022797	0,306404	0,678031
SIMC1	142,26	-0,57	0,553995	-1,02277	0,306417	0,678031
CDCA8	3,41	3,81	3,723677	1,022659	0,306469	NA
RP11-834C11.7	0,74	-1,56	1,528091	-1,02258	0,306505	NA
MCF2L	7,08	-0,79	0,774416	-1,02256	0,306516	0,6781604
AC111200.10	2,18	3,14	3,075406	1,022522	0,306534	NA
PWRN1	18,26	-0,99	0,965864	-1,02249	0,306548	0,6781604
APOA1	1,26	2,97	2,90722	1,022434	0,306576	NA
RP11-823P9.3	1,58	2,04	1,997337	1,022375	0,306603	NA
IPO11	134,01	1,09	1,061462	1,022205	0,306684	0,6783349
PRADC1	94,29	-1,30	1,268474	-1,02217	0,3067	0,6783349
RN7SL524P	3,42	-0,81	0,793249	-1,02216	0,306703	NA
C6orf62	2858,67	0,44	0,431795	1,021954	0,306803	0,6784817
RP11-946P6.4	2,23	-2,02	1,979295	-1,02178	0,306887	NA
AL022344.2	0,48	-3,74	3,661357	-1,02171	0,306919	NA
RP11-19O2.2	1,53	-1,84	1,802197	-1,02164	0,306951	NA
VIMP	355,56	0,48	0,467755	1,021402	0,307064	0,6789283
CHKA	460,86	0,50	0,493996	1,021351	0,307088	0,6789283
ITPRIPL1	20,84	-0,96	0,94021	-1,02125	0,307135	0,6789283
FBRS	144,45	0,48	0,468778	1,021219	0,307151	0,6789283
CTD-2081C10.1	0,48	-3,74	3,661895	-1,02116	0,307176	NA
CD22	59,26	0,81	0,796278	1,020929	0,307288	0,6791516
RP3-522P13.4	2,72	3,48	3,411752	1,020895	0,307304	NA
RN7SL401P	1,26	2,94	2,884434	1,020756	0,30737	NA
AC005264.2	34,51	1,21	1,185928	1,020536	0,307474	0,6794821
RP11-716O23.1	0,48	-3,74	3,661657	-1,02048	0,3075	NA
DPF2	252,60	-0,49	0,481879	-1,02035	0,307561	0,6795931
FN1	20,75	1,27	1,246727	1,020253	0,307609	0,6796175
KCNK17	7,38	1,29	1,263189	1,020016	0,307721	0,6797176
RP11-661D19.3	2,11	-2,13	2,085945	-1,01995	0,307752	NA
FNBP1	1594,35	0,31	0,301405	1,019936	0,307759	0,6797176
SAMSN1	1105,79	0,50	0,491036	1,019925	0,307764	0,6797176
RP11-731K22.1	8,17	-0,74	0,724265	-1,01985	0,3078	0,6797176
ADH6	1,06	-1,17	1,142674	-1,01971	0,307866	NA

GPRIN3	735,53	0,58	0,57275	1,019598	0,307919	0,6798995
RP11-1094M14.8	0,56	-3,73	3,659311	-1,01945	0,30799	NA
RP11-65L3.4	1,58	2,08	2,040601	1,019417	0,308005	NA
RP11-531F16.3	9,26	-1,07	1,054271	-1,01932	0,308049	0,6801056
RP5-1071N3.1	2,84	2,94	2,881587	1,019186	0,308115	NA
DCD	1,36	-0,99	0,97252	-1,01913	0,308143	NA
HSP90B2P	0,40	-2,82	2,769341	-1,01912	0,308148	NA
FANCE	14,81	1,23	1,211633	1,018952	0,308226	0,6803758
RP11-24C3.2	2,53	-1,34	1,314341	-1,01894	0,308232	NA
RP11-239E10.3	5,98	1,03	1,013882	1,018913	0,308244	0,6803758
RP11-48B14.1	0,71	2,08	2,03908	1,018874	0,308263	NA
AMPH	5,84	-1,30	1,277808	-1,01882	0,308286	0,6803877
KCNK7	1,29	-3,73	3,656312	-1,01881	0,308295	NA
RP11-116D17.3	6,91	0,78	0,765437	1,018566	0,308409	0,680521
RN7SL658P	0,69	1,36	1,335697	1,018564	0,30841	NA
TCF7L2	84,77	-1,38	1,351981	-1,01854	0,30842	0,680521
RP11-383H13.1	6,40	1,43	1,404485	1,0184	0,308488	0,6805899
CTC-210G5.1	1,10	-2,44	2,397324	-1,0182	0,308583	NA
UBTF	280,31	-0,54	0,52655	-1,01798	0,30869	0,6807908
DDR2	109,76	-3,17	3,116923	-1,01791	0,308723	0,6807908
PCA3	79,40	1,00	0,985198	1,017813	0,308767	0,6807908
RP11-521B24.3	7,63	-0,71	0,697452	-1,01774	0,308802	0,6807908
BACE2	2,77	1,75	1,715056	1,017616	0,308861	NA
TMEM64	89,74	0,98	0,96609	1,017605	0,308866	0,6807908
MYO5C	44,26	1,23	1,204275	1,017496	0,308918	0,6807908
ICA1L	211,48	-0,53	0,517386	-1,01748	0,308926	0,6807908
FBXO21	197,09	-0,65	0,634634	-1,01747	0,30893	0,6807908
IMPDH2	513,85	0,50	0,493986	1,017386	0,30897	0,6807908
MYCBPAP	32,31	-0,73	0,721016	-1,01729	0,309014	0,6807908
CALD1	23,82	-1,02	1,003962	-1,01726	0,309029	0,6807908
LRRC58	609,61	-0,46	0,449438	-1,01721	0,309052	0,6807908
XKR8	80,33	0,93	0,913543	1,017208	0,309055	0,6807908
TRPM2	267,01	-0,60	0,587369	-1,0171	0,309106	0,6808232
OR4N3P	0,48	-3,72	3,661876	-1,0171	0,309106	NA
AC002539.1	0,62	-2,94	2,895182	-1,01695	0,309179	NA
CTD-2313J23.1	74,01	-0,64	0,625616	-1,01678	0,309259	0,6810793
MUC16	27,44	-2,05	2,02038	-1,01663	0,309328	0,6811253
C5orf15	332,83	-0,53	0,520441	-1,01652	0,309381	0,6811253
RP11-416O18.1	21,35	-0,76	0,747844	-1,0165	0,309389	0,6811253
RP11-493P1.2	1,23	2,94	2,890121	1,016445	0,309417	NA
LSM14B	10,56	-0,82	0,80217	-1,01632	0,309478	0,6811315
ATXN1L	175,29	-0,88	0,868042	-1,01628	0,309498	0,6811315
PADI2	216,51	0,48	0,475087	1,016267	0,309502	0,6811315
ARGFXP1	1,23	1,70	1,668501	1,016241	0,309515	NA
RP11-977G19.14	0,80	2,28	2,239201	1,016223	0,309523	NA
RP11-62E14.2	0,47	-2,90	2,855001	-1,01618	0,309544	NA
KIRREL3-AS2	0,50	-2,82	2,774719	-1,01618	0,309545	NA
RP5-1065J22.8	23,51	0,96	0,941287	1,01586	0,309696	0,681478
COLEC10	7,44	-2,24	2,201988	-1,01573	0,309756	0,6815292
LTN1	523,96	-0,74	0,728884	-1,01553	0,309855	0,6816068

MALAT1	61730,57	-0,17	0,168348	-1,01551	0,309865	0,6816068
CR848007.2	2,28	2,58	2,53948	1,015495	0,30987	NA
ENDOD1	176,13	-1,07	1,051737	-1,01536	0,309936	0,681608
RP4-616B8.5	4,97	-0,91	0,899859	-1,01532	0,309952	0,681608
MAGEB10	6,94	1,17	1,14915	1,015274	0,309975	0,681608
RP11-410K21.2	2,35	1,82	1,789936	1,015273	0,309976	NA
CCDC137	124,99	-0,94	0,931048	-1,01486	0,310171	0,6819588
RP11-346D14.1	359,03	-0,45	0,446901	-1,0147	0,310246	0,6820239
RP1-62D2.3	0,47	-2,89	2,845297	-1,01467	0,310261	NA
HOPX	52,47	-0,79	0,778849	-1,01463	0,310283	0,6820239
TMEM135	33,52	-0,74	0,733735	-1,01457	0,310311	0,6820239
RP11-129B9.2	0,47	-3,72	3,661989	-1,01449	0,310349	NA
LINC00493	381,07	-0,30	0,292118	-1,01449	0,310351	0,6820324
MIR4308	2,20	3,78	3,725439	1,014203	0,310486	NA
RNA5SP128	2,20	3,78	3,72544	1,014086	0,310542	NA
CTC-359M8.1	2,43	-2,88	2,843865	-1,01389	0,310635	NA
POLR2F	274,78	-0,36	0,351041	-1,01382	0,31067	0,6825467
CFAP45	2,85	2,26	2,227927	1,013806	0,310675	NA
MSL2	328,26	-0,73	0,717888	-1,01374	0,310706	0,6825467
DYSF	21,43	-2,56	2,529494	-1,01365	0,310751	0,6825467
RP11-823E8.3	2,20	3,78	3,725442	1,013591	0,310778	NA
RNA5SP483	0,47	-3,71	3,662032	-1,01352	0,310811	NA
EMC7	350,41	0,50	0,493667	1,013367	0,310885	0,6825467
RP11-231C14.7	80,29	0,73	0,721182	1,013235	0,310948	0,6825467
CTA-313A17.2	2,56	3,42	3,376322	1,013225	0,310953	NA
HIPK3	1596,73	-0,44	0,436546	-1,0132	0,310964	0,6825467
MKL1	717,65	0,38	0,371202	1,013151	0,310988	0,6825467
STEAP3	58,15	1,52	1,499265	1,013115	0,311005	0,6825467
CEP85L	558,38	0,61	0,600563	1,012908	0,311104	0,6825467
RP11-255G12.5	0,87	-3,44	3,392914	-1,0129	0,311109	NA
RP11-1280N14.3	2,21	3,77	3,725445	1,012883	0,311116	NA
ATP13A4	1,32	2,93	2,892007	1,012843	0,311135	NA
CDK9	271,48	0,62	0,616257	1,012784	0,311164	0,6825467
TCERG1	951,29	0,33	0,329288	1,01273	0,311189	0,6825467
FPGT	103,90	-1,29	1,274525	-1,01262	0,311239	0,6825467
RP11-426C22.10	153,44	-0,90	0,89215	-1,01256	0,311271	0,6825467
NINJ2	188,04	-1,10	1,090646	-1,01255	0,311275	0,6825467
RP11-269M20.3	3,88	1,09	1,074628	1,012452	0,311322	0,6825467
GOLGA8K	3,62	1,91	1,884309	1,012452	0,311322	NA
SOX6	139,57	-1,69	1,673381	-1,01242	0,311336	0,6825467
GLUDP3	13,18	0,73	0,719557	1,01241	0,311342	0,6825467
TUBB3	7,15	-1,29	1,273157	-1,01241	0,311344	0,6825467
TMEM35B	360,72	-1,02	1,005476	-1,01237	0,31136	0,6825467
MRLN	14,14	0,81	0,80386	1,012345	0,311373	0,6825467
AK6	123,21	1,02	1,009582	1,01229	0,3114	0,6825467
THADA	485,35	0,66	0,655358	1,012278	0,311405	0,6825467
TTC14	368,17	0,54	0,538331	1,012188	0,311448	0,6825467
RHOA	5286,84	0,20	0,196827	1,012148	0,311467	0,6825467
TRBJ1-2	0,47	-3,71	3,662238	-1,01213	0,311474	NA
CTD-2293H3.2	0,55	-3,70	3,659621	-1,01211	0,311484	NA

GOLGA8R	12,45	0,91	0,896485	1,012074	0,311502	0,6825467
CTC-268N12.3	3,26	-1,21	1,197917	-1,01204	0,311517	NA
RP11-227G15.11	0,81	-1,50	1,480747	-1,01202	0,31153	NA
UBXN4	1204,31	0,37	0,361352	1,011955	0,31156	0,6825917
MIR337	0,47	-3,71	3,662258	-1,01177	0,311646	NA
DNAH8	2,23	3,77	3,725321	1,011739	0,311663	NA
CTD-2035E11.5	38,03	-1,50	1,478769	-1,01162	0,311718	0,6827953
RP11-532L16.1	0,60	-1,40	1,380218	-1,01162	0,311722	NA
ZNF781	10,59	-1,08	1,067956	-1,01156	0,31175	0,6827953
TUG1	1107,26	0,57	0,566327	1,01153	0,311763	0,6827953
AC006518.7	1,23	2,93	2,894	1,011167	0,311936	NA
ERICH6	1,09	-2,38	2,357133	-1,01113	0,311956	NA
RASL10A	9,83	-1,28	1,263429	-1,01099	0,312021	0,6831294
ZSCAN10	6,08	1,38	1,36178	1,010971	0,31203	0,6831294
ATP5H	1003,59	-0,22	0,218598	-1,01097	0,312031	0,6831294
TRIOBP	382,61	-0,67	0,6581	-1,01087	0,31208	0,6831294
LONP2	840,13	0,44	0,438377	1,010828	0,312099	0,6831294
RP11-671J11.2	15,40	-1,62	1,601123	-1,01073	0,312148	0,6831556
RP11-170L3.7	1,70	3,38	3,346901	1,010706	0,312157	NA
RP11-61L14.6	0,47	-3,70	3,661945	-1,01067	0,312175	NA
RP4-630C24.3	0,73	-2,27	2,251062	-1,01004	0,312475	NA
PAEP	2,21	-1,40	1,385883	-1,00989	0,312547	NA
ZMYM4	304,71	0,59	0,584601	1,009806	0,312588	0,6837465
AL133243.4	54,07	-0,79	0,784081	-1,00979	0,312596	0,6837465
RP11-941F15.1	9,49	-0,65	0,646483	-1,00968	0,312648	0,6837465
AC079325.8	26,87	-1,00	0,98619	-1,00964	0,312666	0,6837465
RP11-240L7.5	61,67	-0,65	0,640936	-1,0095	0,312734	0,6837465
EXT1	185,40	-1,23	1,219326	-1,0095	0,312734	0,6837465
RP1-313I6.12	43,22	-0,77	0,762002	-1,00949	0,31274	0,6837465
MRPL13	415,96	0,50	0,496732	1,009454	0,312757	0,6837465
IAH1	938,83	0,42	0,420184	1,009375	0,312795	0,6837465
VTA1	502,16	0,88	0,868782	1,009354	0,312805	0,6837465
WISP3	7,85	-0,81	0,797775	-1,00932	0,312822	0,6837465
PDCD1	1,28	2,94	2,911821	1,009273	0,312844	NA
RRP7A	580,42	-0,50	0,49519	-1,00923	0,312862	0,6837544
RP11-638L3.3	5,85	-1,45	1,436167	-1,009	0,312977	0,6838202
MMRN2	26,65	1,16	1,1485	1,008895	0,313025	0,6838202
CRCP	234,07	0,53	0,529572	1,008891	0,313027	0,6838202
STRC	25,50	0,68	0,678188	1,008865	0,313039	0,6838202
RP11-304L19.8	1,52	2,63	2,609277	1,008805	0,313068	NA
RP4-539M6.22	2,18	3,76	3,725496	1,00877	0,313085	NA
OR10J2P	2,18	3,76	3,725502	1,008727	0,313105	NA
RP4-534N18.2	11,42	-1,21	1,19553	-1,00867	0,313131	0,6838609
SAG	35,75	-0,55	0,542586	-1,00862	0,313158	0,6838609
RAB17	3,14	1,03	1,021409	1,008517	0,313206	NA
RP11-1100L3.7	148,04	0,54	0,53408	1,008484	0,313222	0,6838609
RP1-290I10.7	9,09	-0,72	0,716267	-1,00844	0,313241	0,6838609
RP11-49I4.3	4,55	1,44	1,424903	1,008443	0,313242	0,6838609
DAD1	962,66	-0,25	0,250522	-1,00829	0,313314	0,6839378
KLHL36	343,25	-0,63	0,624881	-1,00815	0,313384	0,6839864

HSP90AB1	5382,73	0,23	0,232169	1,008094	0,31341	0,6839864
CRAT	152,69	-1,06	1,052412	-1,00789	0,313506	0,6840508
FRMD4A	25,58	-0,87	0,868043	-1,00788	0,313513	0,6840508
RNVU1-19	19,96	-0,66	0,659017	-1,00772	0,313589	0,6841116
PAQR3	78,35	0,95	0,945718	1,007668	0,313614	0,6841116
ZNF595	81,05	-1,28	1,273549	-1,00758	0,313656	0,6841224
RP11-353N14.2	1,91	1,78	1,76662	1,007519	0,313685	NA
MROH8	5,05	1,03	1,017819	1,007435	0,313726	0,6841954
RP11-231P20.6	1,49	-1,16	1,146578	-1,00735	0,313767	NA
MTFR1L	572,53	0,51	0,50203	1,007183	0,313847	0,6843785
LTBP2	2,95	-2,88	2,861281	-1,00691	0,31398	NA
AFG3L2	433,80	0,49	0,48807	1,006788	0,314036	0,684506
RP1-111D6.5	4,41	-1,01	0,999066	-1,00666	0,314097	0,684506
ABHD15	120,49	0,80	0,797807	1,006659	0,314099	0,684506
POLR2J	607,53	-0,27	0,271362	-1,00665	0,314105	0,684506
OR8G1	18,59	-0,93	0,924762	-1,00663	0,31411	0,684506
ORMDL1	643,25	-0,52	0,513787	-1,00657	0,314144	0,684506
FRMD4B	495,25	0,38	0,380155	1,006479	0,314185	0,684506
SUN1	262,16	0,78	0,770211	1,006449	0,314199	0,684506
RN7SL653P	0,84	-2,55	2,528868	-1,00644	0,314202	NA
NCRNA00051	0,79	-2,00	1,987883	-1,00636	0,314241	NA
PBX1	77,45	-0,88	0,874751	-1,0063	0,31427	0,6845784
RDH12	1,83	1,86	1,850544	1,006019	0,314407	NA
RAB4B-EGLN2	1,23	2,94	2,923914	1,005808	0,314508	NA
UBE2G2	1390,18	0,35	0,347691	1,005559	0,314628	0,6852789
TLN1	1106,70	-0,35	0,345054	-1,00521	0,314795	0,6853868
RP11-347H15.4	3,25	-1,72	1,714013	-1,00518	0,314811	NA
LAS1L	184,94	0,78	0,773235	1,005094	0,314852	0,6853868
SHKBP1	1059,72	-0,37	0,367087	-1,00509	0,314855	0,6853868
GMEB1	205,27	0,59	0,582312	1,005035	0,31488	0,6853868
PSMC1	735,46	0,41	0,407352	1,005006	0,314894	0,6853868
TOR2A	521,63	0,64	0,640302	1,004973	0,31491	0,6853868
SCG3	4,04	-1,56	1,550595	-1,00492	0,314935	0,6853868
RP11-666G4.1	3,39	-1,23	1,22411	-1,00485	0,314967	NA
TJP1	73,21	0,76	0,760342	1,004777	0,315004	0,6854564
RP11-337N6.2	27,38	-0,95	0,941707	-1,00467	0,315057	0,6854904
GALNTL6	2,33	3,07	3,056074	1,004646	0,315067	NA
RP11-567M21.3	5,47	-0,84	0,840704	-1,00456	0,315108	0,6855216
RABEPK	298,13	-0,83	0,828509	-1,0043	0,315232	0,6856378
RP11-378E13.3	17,84	-0,66	0,658044	-1,0043	0,315235	0,6856378
CDK20	0,61	-3,67	3,659004	-1,00419	0,315287	NA
MIR181A1HG	239,67	0,64	0,637265	1,004152	0,315305	0,6856773
STIM2	516,41	-0,54	0,540932	-1,00411	0,315327	0,6856773
RP11-165H20.1	2,46	-1,46	1,45886	-1,00397	0,315394	NA
PALLD	46,23	-0,83	0,829901	-1,00396	0,315399	0,6856966
BDH1	54,49	0,95	0,942385	1,003936	0,315409	0,6856966
RP11-204M4.2	8,36	-1,86	1,849059	-1,00385	0,315449	0,6857019
PPFIA1	541,50	-0,62	0,613219	-1,00369	0,315526	0,6857897
NRBP2	7,14	-1,38	1,372814	-1,00352	0,315611	0,6858795
MARK3	830,99	-0,32	0,316193	-1,00346	0,315641	0,6858795

LINC00200	2,06	3,74	3,726005	1,003454	0,315642	NA
ELN	25,78	-0,49	0,489009	-1,00328	0,315724	0,6859788
CD164L2	0,94	-2,64	2,634317	-1,00324	0,315746	NA
AFG3L1P	321,95	-0,59	0,584165	-1,00317	0,315779	0,6860193
IGHV1OR15-1	0,46	-3,67	3,662751	-1,00311	0,315806	NA
RP11-294C11.4	0,46	-3,67	3,662751	-1,00311	0,315806	NA
CLDN11	11,96	-0,56	0,560662	-1,00295	0,315885	0,6861692
RP13-20L14.10	2,14	3,74	3,725592	1,002819	0,315948	NA
AP000654.4	10,26	1,14	1,13884	1,002761	0,315976	0,6862366
P2RY12	10,24	1,65	1,647764	1,002733	0,31599	0,6862366
FBXO3	230,64	-0,77	0,767971	-1,00263	0,316038	0,6862612
PRDX3	1353,14	0,50	0,494414	1,002539	0,316083	0,6862794
FITM1	1,68	2,73	2,721348	1,002357	0,316171	NA
RP11-266K4.8	2,32	2,69	2,683631	1,002329	0,316185	NA
MAP7D3	119,45	-0,73	0,724946	-1,00225	0,316224	0,6864892
IMPG2	10,19	1,20	1,194001	1,002186	0,316254	0,6864892
APOL6	857,17	-0,35	0,344423	-1,00197	0,316357	0,686556
AC023115.2	8,88	-1,12	1,120446	-1,00194	0,316373	0,686556
RP11-804A23.4	7,30	-1,53	1,523361	-1,00189	0,316395	0,686556
LIN28A	15,00	1,06	1,059215	1,001735	0,316472	0,686642
H3F3C	1,98	1,00	0,997063	1,00167	0,316503	NA
ATG7	497,32	-0,37	0,368837	-1,00161	0,31653	0,6866896
AC007317.1	0,46	-3,67	3,66248	-1,0011	0,316777	NA
COP55	803,28	0,46	0,459904	1,001099	0,316779	0,687109
RP11-38O23.5	2,15	3,73	3,72558	1,00108	0,316788	NA
CCT6A	1814,75	0,35	0,348894	1,00104	0,316807	0,687109
HSPA1B	124,26	0,86	0,859663	1,000945	0,316853	0,687109
RP11-552C15.1	25,43	-1,94	1,935115	-1,00091	0,316872	0,687109
RN7SL11P	3,18	2,03	2,029605	1,000822	0,316913	NA
GNRHR2	133,14	-0,73	0,726922	-1,0007	0,316974	0,6871181
ARFIP1	167,52	-0,62	0,617515	-1,00066	0,316993	0,6871181
PHLDA2	289,89	0,69	0,690683	1,000585	0,317028	0,6871181
ZNF519	59,13	0,69	0,686264	1,000549	0,317045	0,6871181
SRSF7	2512,24	0,32	0,323869	1,000452	0,317092	0,6871181
ARHGEF19	32,76	-1,65	1,652731	-1,00032	0,317155	0,6871181
RN7SL25P	5,83	1,14	1,136664	1,000231	0,317198	0,6871181
COG3	243,04	0,56	0,558749	1,000222	0,317203	0,6871181
MRPL42	592,64	-0,65	0,647221	-1,00014	0,317243	0,6871181
RN7SL230P	6,66	1,91	1,909328	0,999962	0,317329	0,6871181
EIF5	3624,72	0,26	0,262992	0,999901	0,317358	0,6871181
DGKD	739,22	-0,59	0,593651	-0,99989	0,317365	0,6871181
UBE3A	860,99	0,56	0,563832	0,999841	0,317388	0,6871181
RP11-255N4.3	0,90	-1,36	1,35635	-0,9998	0,317405	NA
CCT4	924,16	0,34	0,339017	0,999776	0,317419	0,6871181
POP1	78,06	1,25	1,246798	0,99968	0,317465	0,6871181
RP11-2711.4	16,94	-1,92	1,917788	-0,99968	0,317467	0,6871181
RP11-253E3.1	3,37	-0,63	0,633313	-0,99933	0,317633	NA
ASPN	7,73	1,35	1,349643	0,999226	0,317685	0,6872722
RP11-16L9.1	0,83	-1,89	1,887622	-0,99919	0,317704	NA
RP4-610L12.1	3,86	1,84	1,845888	0,999139	0,317727	0,6872722

RP11-51J9.4	9,93	-0,96	0,957934	-0,99912	0,317737	0,6872722
ADGRF5	0,90	-3,35	3,35446	-0,99904	0,317776	NA
RP11-33D13.2	2,01	-0,90	0,897039	-0,99903	0,317779	NA
MUM1	145,04	-0,96	0,965161	-0,99894	0,317823	0,6872722
SLC23A1	5,30	2,30	2,297546	0,998905	0,317841	0,6872722
RP11-112J3.16	0,45	-2,46	2,460464	-0,9989	0,317843	NA
RP11-603J24.6	2,60	-2,84	2,847528	-0,99883	0,317875	NA
LLPH	643,20	-0,44	0,443792	-0,99882	0,317884	0,6872722
AC009948.3	122,56	-0,74	0,736748	-0,99881	0,317887	0,6872722
EFTUD2	767,14	-0,44	0,443525	-0,9988	0,317893	0,6872722
SEPT13	208,06	0,59	0,59027	0,998718	0,317931	0,6872722
SLC51A	27,21	-0,88	0,880003	-0,99868	0,317948	0,6872722
TRAV6	0,45	-3,66	3,662601	-0,99868	0,317949	NA
CH507-528H12.1	189,18	-0,88	0,882742	-0,99861	0,317986	0,6872722
SBNO1	777,00	-0,51	0,510202	-0,99859	0,317994	0,6872722
RP11-165N12.2	80,68	-0,70	0,705204	-0,99854	0,318018	0,6872722
RHOQ	675,18	-0,48	0,485184	-0,9984	0,318086	0,687313
RP11-500C12.1	73,49	1,50	1,506739	0,998348	0,318111	0,687313
RP11-397E7.4	2,50	3,38	3,382571	0,998272	0,318147	NA
PSMC5	870,93	0,35	0,349224	0,998148	0,318207	0,6874011
KANSL2	304,93	0,75	0,75216	0,998045	0,318257	0,6874011
FMO4	15,00	-2,65	2,651898	-0,99801	0,318274	0,6874011
PHACTR2	896,79	0,44	0,445159	0,99788	0,318337	0,6874011
CH507-513H4.1	189,28	-0,88	0,882238	-0,99787	0,318343	0,6874011
TEP1	421,58	-0,68	0,683469	-0,99781	0,318373	0,6874011
RP1-142L7.5	1,62	-1,61	1,614221	-0,99761	0,318471	NA
MCF2L2	68,45	0,75	0,748505	0,997551	0,318497	0,687518
HMGB3	78,10	0,90	0,901492	0,997542	0,318501	0,687518
CTC-575D19.1	1,28	-0,99	0,994897	-0,99749	0,318525	NA
HARS	298,95	0,68	0,678478	0,997454	0,318544	0,6875303
POLDIP3	545,14	-0,54	0,539883	-0,99731	0,318612	0,6875929
RP11-293I14.2	2,12	3,72	3,725646	0,997216	0,31866	NA
OR9Q1	0,73	-1,80	1,806957	-0,99721	0,318662	NA
KIF5B	1347,88	0,33	0,334429	0,997179	0,318677	0,6875929
RP11-55J15.1	4,96	-3,61	3,619551	-0,99717	0,318684	0,6875929
SLC9A2	2,28	3,40	3,406047	0,997024	0,318753	NA
RP11-862L9.3	2,01	1,88	1,890667	0,996716	0,318902	NA
LL22NC03-63E9.3	20,45	1,08	1,083134	0,996702	0,318909	0,6879661
PI4K2B	57,51	-0,89	0,897804	-0,99666	0,318931	0,6879661
RP11-360F5.1	30,55	1,69	1,697922	0,996524	0,318996	0,6879731
RP11-73G16.1	11,59	-0,56	0,559453	-0,9965	0,319008	0,6879731
TBC1D3P5	3,17	3,11	3,122939	0,996449	0,319032	NA
AC105935.1	1,33	1,28	1,285026	0,996419	0,319047	NA
RP1-71H24.1	5,96	0,78	0,786654	0,996404	0,319054	0,6879924
RP11-253M7.4	0,95	-1,24	1,24686	-0,99637	0,31907	NA
RP11-338C15.3	1,56	3,29	3,29784	0,996344	0,319083	NA
NRAP	34,53	-3,59	3,608552	-0,99624	0,319134	0,6880848
RP11-266K4.12	1,60	3,30	3,315667	0,99612	0,319192	NA
WDR45	572,10	0,37	0,370887	0,995986	0,319257	0,6881906
CACNA2D4	198,11	-1,02	1,019512	-0,99599	0,319257	0,6881906

ZSWIM8-AS1	1,97	1,91	1,916416	0,995837	0,319329	NA
FAM219A	18,44	1,06	1,063018	0,995643	0,319424	0,6884284
MLC1	2,14	-1,92	1,930199	-0,99559	0,319447	NA
TCP11L1	131,44	-1,14	1,14606	-0,99556	0,319466	0,6884284
PGM2	276,40	0,81	0,813399	0,995531	0,319478	0,6884284
RP11-16C1.3	1,56	2,66	2,674526	0,995358	0,319562	NA
PARD3	2,90	-2,36	2,375667	-0,9953	0,319592	NA
RNU6-606P	2,10	3,71	3,725698	0,995235	0,319622	NA
AC006129.2	42,41	-0,88	0,882932	-0,99501	0,319731	0,6888938
RP11-458B24.1	0,45	-3,64	3,66281	-0,99493	0,31977	NA
ADCK1	64,85	1,16	1,164665	0,994928	0,319771	0,6889006
RP11-820K3.3	3,89	-1,16	1,165834	-0,99481	0,319831	0,6889064
XPR1	246,31	0,81	0,817641	0,9947	0,319882	0,6889064
ANXA11	820,32	-0,28	0,28144	-0,99469	0,319885	0,6889064
RP11-473I1.6	7,46	-0,86	0,866979	-0,9946	0,319932	0,6889278
RNU6-595P	18,25	-1,79	1,801381	-0,9944	0,320029	0,6890558
RP11-834C11.3	6,95	1,01	1,017384	0,994154	0,320148	0,6891505
SERPINB9	490,78	0,60	0,601447	0,994104	0,320172	0,6891505
AC007743.1	76,88	0,42	0,425819	0,994081	0,320184	0,6891505
DLX4	3,85	1,92	1,929624	0,993892	0,320275	0,689268
OSBPL6	20,84	-0,95	0,957063	-0,99373	0,320356	0,6893515
RP11-262K1.1	0,45	-3,64	3,663315	-0,99361	0,320411	NA
NDRG1	422,60	0,47	0,473251	0,993573	0,320431	0,6893515
AC007246.3	85,15	0,47	0,475706	0,993533	0,32045	0,6893515
IFT46	9,61	1,25	1,263024	0,993483	0,320474	0,6893515
IGSF8	158,78	0,98	0,990616	0,993432	0,320499	0,6893515
C10orf95	0,56	-3,27	3,29564	-0,99326	0,320584	NA
RN7SL677P	1,15	2,83	2,852867	0,99321	0,320607	NA
HMGNS	56,93	-1,26	1,266393	-0,99316	0,320633	0,689509
PLEKHM1P	244,77	-0,46	0,466433	-0,99313	0,320647	0,689509
MECR	148,26	-0,81	0,819205	-0,99287	0,320773	0,6895153
RP11-867O8.5	8,51	-0,78	0,781087	-0,99276	0,320828	0,6895153
MTND2P12	6,39	1,30	1,309364	0,99275	0,320832	0,6895153
ZBTB24	171,84	-0,70	0,708607	-0,99272	0,320846	0,6895153
COA5	204,25	0,40	0,402869	0,992675	0,320868	0,6895153
AC092296.1	75,69	-0,85	0,859376	-0,99267	0,320872	0,6895153
COMMD5	386,27	0,55	0,55194	0,992586	0,320912	0,6895212
F3	6,56	1,36	1,372031	0,992506	0,320951	0,6895254
RP11-529E10.7	2,48	-1,11	1,117058	-0,99228	0,321063	NA
AC140076.1	24,79	1,95	1,964639	0,992236	0,321082	0,6895408
RP11-316C10.1	3,14	3,11	3,132957	0,992183	0,321108	NA
RP11-803F22.1	0,62	-2,18	2,198707	-0,99218	0,321109	NA
TRIML2	31,43	-0,77	0,780518	-0,99218	0,321112	0,6895408
RP11-419I17.1	329,14	-0,40	0,404715	-0,99214	0,321129	0,6895408
ZDHHC15	76,50	-0,65	0,655658	-0,99211	0,321143	0,6895408
CTB-152G17.6	77,62	-0,59	0,594789	-0,99211	0,321143	0,6895408
RP13-20L14.1	8,17	0,87	0,877623	0,992027	0,321184	0,6895494
TNK2	361,62	-0,49	0,491268	-0,99191	0,321239	0,6895881
RP11-12L8.1	0,75	-2,87	2,88996	-0,99189	0,321252	NA
RP5-991G20.1	3,34	2,38	2,395596	0,991817	0,321287	NA

RP11-665C16.6	2,08	-1,66	1,676367	-0,99179	0,321301	NA
RP11-110H10.2	108,23	-0,57	0,572556	-0,99177	0,321311	0,6896183
POLR1D	1081,16	-0,37	0,377164	-0,9917	0,321343	0,6896183
RP11-403N16.4	8,38	-2,07	2,08543	-0,99155	0,321419	0,6896183
UTP11	341,23	0,65	0,65844	0,991426	0,321478	0,6896183
RAB11FIP1	1795,22	0,31	0,311789	0,991385	0,321497	0,6896183
PREPL	126,40	-0,65	0,654376	-0,99138	0,321499	0,6896183
KIF23	18,27	0,83	0,839182	0,99129	0,321544	0,6896183
RP11-524F11.2	4,71	-0,94	0,952184	-0,99128	0,32155	0,6896183
AC007275.1	3,13	1,22	1,229685	0,991241	0,321568	NA
RP11-99H20.1	2,03	3,69	3,725897	0,991082	0,321645	NA
SKP2	122,75	0,84	0,848213	0,991079	0,321647	0,6897471
RP11-290O12.1	0,76	-1,39	1,406454	-0,99102	0,321676	NA
HDAC10	30,58	1,07	1,081987	0,990657	0,321853	0,6899198
PLD3	954,68	-0,32	0,321796	-0,99064	0,321863	0,6899198
RN7SL55P	0,45	-3,63	3,663035	-0,99063	0,321866	NA
FOXRED1	147,46	-0,85	0,854747	-0,99057	0,321898	0,6899198
RP5-1021I20.4	50,34	0,99	0,998612	0,99049	0,321934	0,6899198
RP11-713P17.3	6,44	-0,91	0,915205	-0,99048	0,32194	0,6899198
MGA	642,63	-0,72	0,728689	-0,99042	0,321969	0,6899198
COL9A1	4,16	1,10	1,114495	0,990382	0,321987	0,6899198
EPN2	21,22	0,64	0,641866	0,990236	0,322059	0,6899931
RP11-23J9.4	2,10	3,69	3,725715	0,990043	0,322153	NA
IFNGR1	2128,18	0,40	0,403194	0,989927	0,32221	0,6901997
UQCRC1	2566,67	-0,22	0,221042	-0,98976	0,32229	0,6901997
SLC4A1AP	404,70	-0,42	0,422915	-0,98974	0,322301	0,6901997
ZNF844	86,99	-0,45	0,459616	-0,9897	0,322321	0,6901997
TAC4	46,98	-0,86	0,870103	-0,98966	0,322341	0,6901997
CSRNP1	788,28	0,48	0,485764	0,989578	0,32238	0,6902059
CTC-527H23.1	0,44	-3,63	3,663664	-0,98957	0,322386	NA
RN7SL505P	1,04	-1,89	1,909894	-0,98954	0,322399	NA
FABP2	117,42	-0,48	0,486079	-0,98945	0,322444	0,6902624
IGHG3	3,36	1,88	1,897085	0,989405	0,322465	NA
RD3	8,50	-0,67	0,672336	-0,98935	0,322493	0,6902878
POLR2J2	63,64	-0,75	0,756651	-0,98911	0,322607	0,6903062
GOLGA7	375,03	-0,58	0,585542	-0,98906	0,322633	0,6903062
RP3-496C20.1	9,50	1,26	1,278001	0,989026	0,32265	0,6903062
AC017048.4	0,63	-3,62	3,658819	-0,989	0,322662	NA
FEM1B	533,79	-0,83	0,843995	-0,98898	0,322671	0,6903062
CTD-2194F12.1	6,84	-0,81	0,818975	-0,98895	0,322688	0,6903062
TBC1D3	2,09	3,68	3,725763	0,988878	0,322723	NA
KCNA2	6,40	-1,65	1,667537	-0,98884	0,32274	0,6903062
POLD2	182,99	0,46	0,460464	0,988799	0,322761	0,6903062
AKAP9	2276,30	-0,34	0,348053	-0,98862	0,322849	0,6904151
CTC-472C24.1	2,09	3,68	3,725755	0,988477	0,322919	NA
RP11-756D7.2	5,80	-1,31	1,323959	-0,98841	0,322953	0,6905183
MED28	757,74	0,48	0,480881	0,988369	0,322972	0,6905183
HIST1H2AD	7,82	2,40	2,430774	0,988212	0,323049	0,6905683
AC112217.2	15,28	0,73	0,739204	0,98817	0,323069	0,6905683
OAT	387,44	-0,82	0,82756	-0,98807	0,323118	0,6905683

ARHGAP33	3,13	1,95	1,97681	0,987951	0,323177	NA
CHST10	7,80	-1,65	1,675193	-0,98784	0,323229	0,6905683
CCDC153	34,73	-0,73	0,74195	-0,9878	0,32325	0,6905683
MMP14	1,60	2,40	2,433678	0,987743	0,323278	NA
HAT1	340,67	0,76	0,771809	0,98769	0,323304	0,6905683
MTAP	533,36	0,61	0,620911	0,987668	0,323315	0,6905683
SLC9A6	113,41	0,76	0,772532	0,987633	0,323333	0,6905683
AC006273.4	12,49	1,03	1,045027	0,987614	0,323342	0,6905683
RP11-318C24.2	18,58	1,26	1,275266	0,987564	0,323366	0,6905683
RP11-42F12.1	9,33	-0,70	0,708614	-0,98718	0,323552	0,6908858
RP11-451N19.1	2,07	3,68	3,725796	0,987094	0,323596	NA
TEKT3	0,99	2,60	2,632107	0,986951	0,323666	NA
GPX8	4,27	-0,97	0,987045	-0,98693	0,323678	0,6910748
INTS6L	191,21	-0,71	0,719173	-0,98675	0,323767	0,6911054
VBP1	366,17	0,61	0,619562	0,986716	0,323782	0,6911054
DEDD2	140,42	-0,73	0,742865	-0,98665	0,323814	0,6911054
SRPX	2,96	3,67	3,724255	0,986528	0,323874	NA
HMGXB4	245,42	0,55	0,558908	0,986522	0,323877	0,6911054
HAMP	35,84	-0,73	0,735413	-0,98652	0,323878	0,6911054
MIR548Q	1,95	2,99	3,034683	0,986461	0,323907	NA
RP11-177C12.1	1,51	3,23	3,273601	0,98644	0,323917	NA
NRIP2	42,74	1,32	1,341212	0,986231	0,32402	0,6912447
RP5-1180E21.5	58,28	-0,63	0,634389	-0,9862	0,324037	0,6912447
RP11-317N8.5	2,64	-1,10	1,112175	-0,9862	0,324037	NA
ATF7IP2	189,80	0,70	0,708426	0,986102	0,324083	0,6912447
PSMC3	648,86	-0,51	0,519328	-0,98604	0,324114	0,6912447
HNRNPH2	684,01	0,47	0,477631	0,986008	0,324129	0,6912447
BBS7	24,50	-1,52	1,536995	-0,98575	0,324258	0,6914398
RP11-44F14.1	87,44	-0,70	0,709884	-0,98548	0,32439	0,6914641
RP11-466F5.10	4,67	1,48	1,498784	0,985442	0,324407	0,6914641
MAMDC4	25,12	-1,41	1,430211	-0,98539	0,324433	0,6914641
CBLN3	15,10	-1,73	1,752677	-0,98535	0,32445	0,6914641
SNRNP25	321,11	0,58	0,590395	0,985144	0,324553	0,6914641
METAP1D	38,20	-1,86	1,892495	-0,98509	0,324581	0,6914641
KCTD20	691,30	0,41	0,413658	0,985006	0,324621	0,6914641
TAS2R30	12,82	1,30	1,323711	0,98499	0,324629	0,6914641
RN7SKP149	3,81	-2,01	2,044197	-0,98495	0,324648	0,6914641
RP11-556O5.7	26,45	-0,97	0,98537	-0,9849	0,324673	0,6914641
HPS6	21,66	-1,46	1,477705	-0,98489	0,324678	0,6914641
RP11-134F2.8	31,50	-0,88	0,890614	-0,98479	0,324729	0,6914836
SRSF4	1136,09	0,37	0,371908	0,984706	0,324769	0,6914836
RP11-319G9.3	53,64	-0,93	0,945576	-0,98465	0,324798	0,6914836
CTA-211A9.5	118,61	0,99	1,005524	0,984465	0,324887	0,6915928
TMED5	620,83	0,46	0,465474	0,98433	0,324953	0,6916304
AC011526.1	21,25	1,38	1,404552	0,984253	0,324991	0,6916304
CASC10	4,06	1,08	1,094155	0,984149	0,325042	0,6916304
CD46	1022,12	0,30	0,301085	0,984127	0,325053	0,6916304
OSBPL11	387,95	-0,36	0,36307	-0,98399	0,325122	0,6916977
AF127577.8	1,91	-1,29	1,313472	-0,98396	0,325137	NA
HIST1H2BPS2	0,54	-3,60	3,661609	-0,98366	0,325284	NA

SLC38A6	85,34	-0,75	0,767065	-0,98351	0,325359	0,6920744
U2AF2	54,72	0,85	0,865902	0,983427	0,325397	0,6920744
AHCYL2	295,97	0,93	0,947678	0,9834	0,325411	0,6920744
COMMD1	406,64	-0,36	0,36303	-0,98316	0,325531	0,6921842
SIK3	532,67	-0,46	0,467758	-0,98314	0,325537	0,6921842
ZNF92	120,19	-0,61	0,624822	-0,98293	0,325644	0,6923321
RPLP0	15141,83	0,17	0,169613	0,982836	0,325688	0,6923351
RP11-222A11.1	46,73	0,81	0,82401	0,982773	0,325719	0,6923351
CHI3L1	3,01	1,15	1,173207	0,982717	0,325747	NA
PLRG1	227,04	0,77	0,781374	0,982634	0,325787	0,6923758
RP1-272E8.1	12,30	-1,24	1,2589	-0,98258	0,325813	0,6923758
RP11-532F6.3	2,08	2,48	2,526591	0,982551	0,325828	NA
ANXA2R	220,81	-0,68	0,696019	-0,98247	0,325866	0,6924097
SPDYE1	6,53	0,90	0,916643	0,982328	0,325938	0,6924428
FAM197Y3	0,48	1,54	1,568956	0,982266	0,325969	NA
I3MBTL3	90,91	0,88	0,900342	0,982251	0,325976	0,6924428
RP11-797D24.4	0,44	-3,60	3,664127	-0,98223	0,325987	NA
RIN2	477,48	-0,65	0,66231	-0,98217	0,326018	0,6924428
POLN	19,22	-0,70	0,716782	-0,98214	0,326031	0,6924428
RP11-173A16.2	1,09	2,78	2,826446	0,9821	0,326051	NA
RP11-814P5.1	4,69	1,15	1,166956	0,982059	0,326071	0,692449
PC	40,39	-1,53	1,555661	-0,98178	0,32621	0,692536
DENND4A	977,04	-0,53	0,541943	-0,98173	0,326234	0,692536
ARVCF	3,81	3,44	3,50772	0,981702	0,326247	0,692536
MDM1	91,47	1,03	1,048316	0,981674	0,326261	0,692536
FBXL17	148,20	-0,81	0,829704	-0,98157	0,326313	0,6925677
AC013403.9	1,29	-1,93	1,961438	-0,98143	0,326378	NA
RP11-367F23.1	1,52	3,23	3,286676	0,981408	0,326392	NA
FBXW8	71,23	1,03	1,054543	0,981375	0,326408	0,692681
ZNF385A	187,47	0,42	0,427642	0,981276	0,326456	0,692681
RP11-171L9.1	1,25	2,34	2,384426	0,981106	0,32654	NA
RP11-108M12.1	0,73	-1,53	1,555121	-0,9808	0,32669	NA
CTC-265F19.2	15,04	-0,69	0,703652	-0,9808	0,32669	0,692681
RP11-309L24.4	2,50	2,75	2,80524	0,980651	0,326765	NA
RN7SL34P	1,26	2,37	2,417918	0,980519	0,32683	NA
ADAMTS8	0,65	-2,17	2,216597	-0,98051	0,326835	NA
DHRS2	14,68	-1,01	1,03041	-0,9805	0,326838	0,692681
FAM227A	45,92	-0,56	0,575928	-0,98044	0,326867	0,692681
KANSL1	1007,76	0,38	0,389606	0,980393	0,326892	0,692681
TRAPPC11	423,64	-0,55	0,556067	-0,98028	0,326949	0,692681
KIAA0195	419,88	-0,59	0,60169	-0,98015	0,32701	0,692681
RP11-69C13.1	14,43	-0,98	0,996376	-0,98015	0,327014	0,692681
AC016734.3	57,53	-0,99	1,006018	-0,98005	0,327059	0,692681
PIGU	136,18	0,83	0,850297	0,98001	0,327081	0,692681
CSTF2T	97,89	-0,95	0,968875	-0,98	0,327087	0,692681
SMTN	17,66	1,33	1,354766	0,979998	0,327087	0,692681
RP11-707F2.2	0,43	-3,59	3,664229	-0,97997	0,327103	NA
RP11-304M2.2	10,59	-1,58	1,608465	-0,97993	0,327119	0,692681
FIGNL1	8,33	1,86	1,901582	0,979913	0,327129	0,692681
FAM193B	353,80	-0,53	0,541242	-0,97991	0,327131	0,692681

BMPR2	370,49	0,63	0,644033	0,979898	0,327137	0,692681
RNU6-574P	1,12	2,80	2,862388	0,979808	0,327181	NA
CTC-260E6.3	22,71	0,95	0,974328	0,979731	0,327219	0,692681
CTA-481E9.4	38,07	-0,86	0,882106	-0,97966	0,327253	0,692681
ARID5B	269,08	-0,81	0,825734	-0,97963	0,327267	0,692681
RP1-265C24.9	51,39	-0,54	0,554758	-0,97954	0,327315	0,692681
AP000997.3	14,73	-0,99	1,007449	-0,97949	0,327337	0,692681
CTC-277H1.6	9,21	-0,78	0,800428	-0,97946	0,327352	0,692681
ZNF22	318,93	0,66	0,672628	0,979461	0,327352	0,692681
RP11-597A11.5	1,19	-1,10	1,118092	-0,97945	0,327357	NA
RP13-270P17.2	35,44	1,65	1,68386	0,979366	0,327399	0,692681
RP11-390B4.5	12,65	-0,93	0,948987	-0,97937	0,327399	0,692681
RP11-131L23.1	16,67	-1,21	1,237814	-0,97927	0,327448	0,692681
AC006296.3	34,15	-0,82	0,837719	-0,97924	0,327459	0,692681
FITM2	20,47	0,90	0,914528	0,979193	0,327485	0,692681
RP11-45A17.4	13,40	0,86	0,876761	0,979172	0,327495	0,692681
CD52	2197,29	-0,33	0,336845	-0,97912	0,32752	0,692681
ZNF436	5,07	1,87	1,911394	0,978909	0,327625	0,6927236
RP11-95D17.1	60,21	0,84	0,857573	0,97889	0,327634	0,6927236
C6orf106	463,43	0,55	0,564082	0,978854	0,327652	0,6927236
LDHAL6B	0,67	-2,44	2,487854	-0,97885	0,327652	NA
CTD-2507G9.1	7,25	-1,14	1,167355	-0,97872	0,327718	0,6927562
HNF1A	1,28	2,35	2,402465	0,978564	0,327795	NA
MGEA5	1853,79	-0,30	0,31133	-0,97856	0,327797	0,6927562
CAPS2	54,06	-0,82	0,836406	-0,97853	0,327815	0,6927562
RP1-267D11.6	8,91	1,59	1,629065	0,978522	0,327816	0,6927562
TRMO	259,47	-0,76	0,780356	-0,97844	0,327856	0,692762
AC009120.4	39,74	-0,75	0,765533	-0,97836	0,327894	0,6927632
GPBP1L1	571,01	0,54	0,548272	0,978263	0,327944	0,6927904
RP11-87C12.5	1,09	2,77	2,83096	0,978183	0,327984	NA
LDB3	13,54	-0,62	0,632372	-0,9781	0,328025	0,692882
SLC9A3R2	3,34	1,26	1,292051	0,977926	0,328111	NA
RP11-463D19.1	0,74	-2,87	2,940761	-0,97759	0,328279	NA
PRR3	207,28	-0,95	0,974207	-0,9775	0,328324	0,6934342
AC005300.5	1,29	2,39	2,439985	0,977474	0,328335	NA
MMACHC	34,55	-0,66	0,676905	-0,9773	0,328418	0,6935177
EIF2AK4	1028,72	0,33	0,336738	0,977115	0,328512	0,6935177
RP11-627K11.6	21,12	0,74	0,754869	0,97697	0,328584	0,6935177
NPEPPS	771,22	-0,34	0,351243	-0,97694	0,328598	0,6935177
RP11-497G19.2	0,43	-3,58	3,664679	-0,97693	0,328605	NA
MAP9	7,16	2,45	2,512369	0,976908	0,328615	0,6935177
MEAF6	382,47	0,56	0,570569	0,976895	0,328621	0,6935177
LINC00324	167,33	0,89	0,913294	0,976889	0,328624	0,6935177
ZNF471	393,15	-0,39	0,394895	-0,97667	0,328733	0,6935979
RP11-244N9.4	19,12	-1,20	1,227564	-0,97666	0,328737	0,6935979
RP11-317B3.2	0,51	-3,58	3,661878	-0,9766	0,328768	NA
ARHGAP22	61,60	-0,73	0,742693	-0,9763	0,328916	0,6938246
AC006460.2	3,86	1,68	1,717613	0,976294	0,328919	0,6938246
MT1F	9,38	-1,71	1,749033	-0,97605	0,329042	0,6940049
LA16c-306E5.1	0,43	-3,58	3,664677	-0,97602	0,329053	NA

CEACAMP3	1,31	2,40	2,45476	0,975934	0,329097	NA
SNAI3	107,83	0,88	0,901819	0,975837	0,329145	0,6941344
IGKC	109,23	-0,78	0,797783	-0,97577	0,329177	0,6941344
AP001046.5	2,00	3,64	3,725957	0,975726	0,3292	NA
RP11-546K22.3	2,36	3,29	3,370786	0,975672	0,329227	NA
RP11-184E9.1	12,55	-1,21	1,236209	-0,97555	0,329285	0,694246
PIP4K2C	67,68	-1,24	1,266614	-0,97551	0,329305	0,694246
GPR32	0,95	2,55	2,618742	0,975341	0,329391	NA
RN7SL577P	1,62	-1,29	1,324422	-0,97532	0,329402	NA
IQCK	16,81	-0,97	0,99942	-0,9753	0,329411	0,6943898
RNU2-41P	1,49	2,60	2,662168	0,97514	0,329491	NA
RP11-139H14.5	4,32	1,84	1,888395	0,975005	0,329558	0,6946216
RP11-226M10.3	2,02	-1,33	1,360942	-0,97493	0,329597	NA
GUSBP2	41,46	-0,80	0,817222	-0,97486	0,329629	0,6946932
AC024168.2	1,48	2,59	2,661977	0,974779	0,32967	NA
CTSH	4088,00	0,26	0,267863	0,974481	0,329818	0,6947954
MIR3180-2	7,87	-1,56	1,603582	-0,9744	0,329856	0,6947954
MIR3180-3	7,87	-1,56	1,603582	-0,9744	0,329856	0,6947954
PHACTR3	59,09	-0,91	0,935627	-0,9744	0,329857	0,6947954
RP11-996F15.2	8,36	-1,51	1,553096	-0,97439	0,329864	0,6947954
POTEE	1,99	3,63	3,726164	0,974268	0,329924	NA
CTD-3138B18.5	24,08	-1,25	1,278889	-0,97424	0,329939	0,6948731
AC104532.4	2,82	1,22	1,249527	0,97412	0,329997	NA
GPX4	2130,10	-0,25	0,252101	-0,97409	0,330012	0,6948747
AC010761.13	38,70	-1,69	1,734183	-0,97409	0,330014	0,6948747
ANKRD37	51,59	1,07	1,093853	0,973928	0,330092	0,6949233
CTD-2033D15.3	6,98	-2,50	2,57091	-0,97379	0,330163	0,6949233
TRIM8	476,77	-0,37	0,379387	-0,97376	0,330177	0,6949233
TAOK1	1379,18	0,54	0,557319	0,973712	0,3302	0,6949233
AC005944.2	79,28	-0,57	0,587371	-0,97366	0,330224	0,6949233
RP11-25I15.2	1,94	-1,05	1,082154	-0,97356	0,330276	NA
SLFN12	309,19	-0,74	0,760498	-0,9735	0,330304	0,6950134
PAPPA2	3,23	-2,86	2,933947	-0,97345	0,33033	NA
RP11-63M22.1	9,90	0,92	0,945862	0,973418	0,330346	0,6950221
RP11-1070N10.6	2,33	1,82	1,869838	0,973339	0,330385	NA
CYP21A1P	4,22	1,43	1,472177	0,973254	0,330427	0,6951146
DENND6B	139,65	-0,80	0,821698	-0,97306	0,330526	0,6952438
OXR1	499,29	0,52	0,533805	0,972911	0,330597	0,6953159
RP1-69B10.3	1,98	3,62	3,726009	0,972875	0,330615	NA
COQ9	147,51	-0,88	0,900998	-0,97283	0,330637	0,6953204
RP1-92O14.6	1,15	2,84	2,919246	0,972742	0,330681	NA
RP11-22B23.1	3,70	-1,47	1,510805	-0,97265	0,330728	NA
ARPIN	192,71	-0,63	0,652374	-0,97239	0,330856	0,6957018
RP11-219G17.4	3,65	-0,85	0,873066	-0,97221	0,330947	NA
AC010240.2	7,09	1,41	1,446649	0,972189	0,330957	0,6958354
RP11-133O22.6	1,53	3,25	3,339205	0,972042	0,331029	NA
RP4-790G17.7	8,55	-0,83	0,850408	-0,97198	0,331059	0,6959731
SCN9A	89,07	0,70	0,716677	0,971877	0,331112	0,6959845
RP4-738P15.6	52,04	-0,53	0,541439	-0,97176	0,331169	0,6959845
RPAIN	480,77	0,50	0,515858	0,971729	0,331185	0,6959845

ZDHHC11	1,56	2,13	2,192083	0,971714	0,331193	NA
UROD	757,58	0,50	0,517504	0,97167	0,331215	0,6959845
GALNT6	399,58	-0,64	0,659533	-0,97148	0,331307	0,6961005
RNU6-1024P	1,65	-1,41	1,451933	-0,97146	0,33132	NA
CTD-2104P17.2	0,52	-3,56	3,662553	-0,97132	0,33139	NA
GTF2H2B	60,68	0,89	0,913339	0,971203	0,331447	0,6963159
ANKRD13B	2,81	-1,90	1,953249	-0,97114	0,331478	NA
EVL	636,07	0,37	0,381535	0,970952	0,331572	0,6965004
RP11-1134I14.2	0,71	2,14	2,201792	0,970935	0,331581	NA
RN7SL172P	14,31	-0,82	0,840487	-0,97087	0,331612	0,6965007
CTC-525D6.3	14,08	1,55	1,596519	0,970801	0,331647	0,6965007
bP-2120IH5.1	17,25	-1,28	1,317372	-0,97067	0,331713	0,6965594
APOB	1,31	2,37	2,444701	0,970603	0,331746	NA
RP11-277I20.2	8,41	1,67	1,718664	0,970533	0,331781	0,6966239
MDN1	459,73	0,61	0,628576	0,970446	0,331824	0,6966361
PPP2R4	219,82	0,44	0,452592	0,970264	0,331915	0,6967337
NCRNA00114	13,79	0,89	0,92063	0,970202	0,331946	0,6967337
GGNBP2	1332,58	0,35	0,35778	0,970018	0,332037	0,6967468
TRIP13	2,79	1,39	1,433353	0,97001	0,332041	NA
RP11-3P22.2	2,62	-3,46	3,562381	-0,96997	0,332061	NA
AC017076.4	26,37	-0,74	0,763929	-0,96994	0,332074	0,6967468
MIR3975	16,75	-1,68	1,730163	-0,96991	0,332091	0,6967468
RP11-293M10.4	3,66	3,33	3,433172	0,969894	0,332099	NA
BUB3	755,02	-0,43	0,447865	-0,96987	0,332112	0,6967468
RN7SL508P	0,42	-3,55	3,665247	-0,96987	0,332113	NA
RP11-669C19.1	24,71	-0,92	0,946532	-0,96981	0,332139	0,6967468
RP11-460B17.1	0,42	-3,55	3,665298	-0,96977	0,33216	NA
TTF2	223,22	-0,76	0,783698	-0,96962	0,332235	0,6967799
UQCR10	802,65	-0,32	0,326592	-0,96956	0,332265	0,6967799
RP11-337N6.1	2,94	-2,13	2,198288	-0,96955	0,332269	NA
KLHL29	9,29	1,36	1,406436	0,969464	0,332314	0,6967799
CASC5	53,95	1,14	1,176581	0,969412	0,33234	0,6967799
AC096579.14	32,82	0,86	0,891177	0,969407	0,332342	0,6967799
RP11-38O23.4	7,19	-0,84	0,865619	-0,96927	0,332411	0,6968065
RP11-359E19.2	1,77	2,24	2,309315	0,969262	0,332414	NA
RP11-560J1.2	1,08	2,75	2,841002	0,969214	0,332438	NA
ARF1	3202,29	0,22	0,224965	0,96916	0,332465	0,6968065
SLC44A3	0,50	-3,55	3,661324	-0,9691	0,332494	NA
GCA	803,60	0,49	0,507685	0,96904	0,332525	0,6968065
RP11-361L15.4	5,72	-1,39	1,434688	-0,96901	0,332539	0,6968065
AIMP1	406,06	0,36	0,373529	0,969006	0,332542	0,6968065
RP11-532F6.2	1,51	2,59	2,671252	0,968898	0,332596	NA
L3HYPDH	121,18	-0,81	0,837329	-0,96874	0,332674	0,6969961
RP11-192H23.5	1,85	-1,39	1,430709	-0,96872	0,332685	NA
MRPL1	128,22	0,51	0,525109	0,968675	0,332707	0,6969961
RN7SL865P	0,75	-1,63	1,678007	-0,96866	0,332716	NA
RP11-805F19.5	0,85	-2,48	2,555891	-0,9685	0,332792	NA
RP5-1107A17.3	1,25	-1,03	1,06573	-0,96811	0,33299	NA
RP11-7F17.5	5,39	-0,59	0,614351	-0,96802	0,333033	0,6975428
DCLRE1C	380,04	0,59	0,612523	0,968002	0,333043	0,6975428

MTUS2	0,94	-1,83	1,889639	-0,96789	0,333098	NA
GNL3L	86,19	0,92	0,951194	0,96785	0,33312	0,6975876
MIR24-2	0,78	-2,21	2,278761	-0,96777	0,333158	NA
LARP1	811,10	0,54	0,559998	0,967769	0,33316	0,6975876
C1orf159	61,99	-0,91	0,94308	-0,96773	0,333177	0,6975876
RP11-27H1.1	3,13	3,09	3,191828	0,967693	0,333198	NA
TMCO6	41,32	-1,01	1,043272	-0,96762	0,333235	0,6976294
RP11-238O13.1	0,42	-3,55	3,665248	-0,96749	0,3333	NA
NELFE	626,81	-0,57	0,591692	-0,96741	0,333338	0,6977668
ARL6IP1	992,25	0,36	0,376517	0,967129	0,33348	0,6979848
CTC-232P5.4	0,50	-3,54	3,662545	-0,96699	0,333547	NA
TPD52	29,05	0,90	0,927444	0,966975	0,333557	0,6980675
RP11-613D13.2	0,81	1,66	1,721131	0,966877	0,333605	NA
CTA-384D8.34	22,06	-0,63	0,656053	-0,96681	0,333641	0,6981661
DCHS1	3,53	2,44	2,518734	0,966761	0,333664	NA
RP11-139E19.3	1,13	2,80	2,893123	0,966667	0,33371	NA
RP11-311F12.1	2,37	1,52	1,57318	0,966659	0,333714	NA
RP11-905F6.1	45,14	-0,62	0,639707	-0,96645	0,333817	0,6981955
FAM122C	125,96	-0,84	0,870237	-0,96643	0,333828	0,6981955
ETHE1	941,18	0,48	0,495662	0,966325	0,333882	0,6981955
RP11-216B9.6	11,48	-1,21	1,255356	-0,96632	0,333884	0,6981955
SCRN2	114,67	-1,08	1,113976	-0,9663	0,333896	0,6981955
RP5-967N21.12	5,22	1,95	2,019407	0,966255	0,333917	0,6981955
RP13-511M20.1	180,19	0,58	0,603476	0,966252	0,333918	0,6981955
RP4-635E18.9	7,02	1,88	1,950075	0,965945	0,334072	0,6983299
C14orf178	7,09	0,77	0,796206	0,965919	0,334084	0,6983299
LEAP2	18,59	1,17	1,209162	0,965872	0,334108	0,6983299
CTD-3193K9.4	0,42	-3,54	3,664954	-0,96571	0,334187	NA
SCCPDH	36,28	1,19	1,233761	0,965692	0,334199	0,6983299
AP003068.22	5,32	-1,03	1,067356	-0,96568	0,334206	0,6983299
CLDN22	0,42	-3,54	3,665508	-0,96557	0,33426	NA
MAPK3	156,75	-0,74	0,763247	-0,96553	0,334279	0,6983299
RNF6	256,74	0,71	0,735467	0,96552	0,334285	0,6983299
TSPAN2	6,26	-1,59	1,646774	-0,96543	0,334331	0,6983299
RAB35	46,47	1,05	1,08514	0,965375	0,334357	0,6983299
R3HDM4	319,15	-0,34	0,35349	-0,96537	0,334358	0,6983299
AC004540.5	1,44	3,20	3,313121	0,96512	0,334485	NA
ZFX2	2,35	2,90	3,003121	0,965064	0,334513	NA
CHST9-AS1	3,31	-1,12	1,160749	-0,96504	0,334525	NA
RN7SL283P	0,57	-1,87	1,937705	-0,96499	0,33455	NA
FCHO2	72,69	0,67	0,693057	0,964926	0,334582	0,6986591
BTBD2	191,00	0,50	0,523273	0,964909	0,33459	0,6986591
STYXL1	240,45	0,63	0,656975	0,964826	0,334632	0,6986682
TRBV5-1	0,42	-3,54	3,665035	-0,96474	0,334674	NA
FANCD2OS	3,43	-1,02	1,058426	-0,96465	0,33472	NA
YWHAG	298,04	-0,48	0,494546	-0,96464	0,334724	0,6986947
RP11-350G8.5	12,99	0,90	0,936843	0,964451	0,33482	0,6986947
CTA-992D9.11	11,75	-0,86	0,886769	-0,96443	0,334829	0,6986947
SYT8	1,48	1,33	1,37739	0,964393	0,334849	NA
RP11-14I2.2	0,42	-3,54	3,665606	-0,96438	0,334854	NA

IPO5	481,00	0,58	0,599258	0,964284	0,334903	0,6986947
RP11-297A16.2	1,78	2,12	2,196981	0,96423	0,33493	NA
CTC-308K20.1	41,50	-1,14	1,178903	-0,96423	0,334931	0,6986947
SLC35G1	22,73	-0,96	0,990978	-0,96421	0,33494	0,6986947
CTD-2574D22.4	7,06	1,25	1,293776	0,964158	0,334967	0,6986947
C21orf59	300,16	0,49	0,509057	0,964152	0,33497	0,6986947
AACS	205,45	-0,54	0,564815	-0,96409	0,335	0,6986947
RNF185	117,90	-0,96	1,00027	-0,96405	0,33502	0,6986947
EXD2	72,33	-1,01	1,050609	-0,96389	0,335099	0,6987808
RP11-342K6.4	2,03	-1,42	1,473105	-0,96376	0,335169	NA
GPR179	0,42	-3,53	3,663137	-0,96354	0,335277	NA
AC005017.2	0,49	-3,53	3,662375	-0,96351	0,335294	NA
IGKV3D-15	0,55	1,80	1,867472	0,963411	0,335342	NA
NPTN	625,46	0,54	0,565522	0,963362	0,335366	0,6992586
TMEM87A	894,12	-0,36	0,373659	-0,96295	0,335573	0,6996115
RP11-564A8.4	1,59	-0,94	0,979378	-0,96265	0,335725	NA
RECQL5	159,30	0,96	0,999697	0,962626	0,335735	0,6998712
RP11-378J18.9	4,88	-1,26	1,314343	-0,96233	0,335883	0,7000633
RP11-582E3.6	84,70	0,74	0,769099	0,962293	0,335902	0,7000633
RP11-361H10.5	48,31	-0,81	0,837583	-0,96207	0,336017	0,7002229
AC108868.4	1,58	1,38	1,431684	0,962045	0,336027	NA
RP4-561L24.3	1,52	2,62	2,720893	0,961673	0,336214	NA
DNAJC11	107,52	-0,80	0,831215	-0,96165	0,336223	0,7005537
RP11-171I2.4	1,94	3,58	3,726155	0,96165	0,336226	NA
C19orf10	1025,24	-0,37	0,385289	-0,9616	0,336251	0,7005537
CTC-523E23.5	6,73	-0,80	0,82827	-0,96152	0,33629	0,700558
ZMAT3	234,70	0,75	0,780364	0,961297	0,336403	0,7006592
LRGUK	3,80	3,58	3,724742	0,961274	0,336414	0,7006592
PRPF38B	1628,54	0,25	0,261268	0,961078	0,336513	0,7007866
RP11-295G24.5	0,86	2,41	2,504228	0,961051	0,336527	NA
RP11-402B2.1	0,41	-3,52	3,665817	-0,96098	0,336563	NA
GADD45A	58,33	0,83	0,86458	0,960925	0,33659	0,700809
RP11-443G13.3	1,92	3,58	3,726267	0,960916	0,336594	NA
RIOK2	182,59	0,84	0,878635	0,960891	0,336607	0,700809
RP11-115P16.3	13,96	-1,71	1,774753	-0,96083	0,336637	0,700809
C16orf86	14,87	-1,26	1,310627	-0,96062	0,336743	0,7009422
RN7SKP195	0,58	-3,52	3,660123	-0,96053	0,336786	NA
EGF	0,47	-3,11	3,239782	-0,96049	0,336808	NA
CTD-2036A2.1	4,08	-0,78	0,815641	-0,96037	0,336871	0,7009422
RP11-32K4.1	16,87	-1,16	1,203813	-0,96026	0,336922	0,7009422
TMEM230	912,28	0,57	0,591813	0,960245	0,336932	0,7009422
EAF1	445,67	0,60	0,627787	0,960242	0,336934	0,7009422
GTSE1	27,37	0,71	0,735171	0,960211	0,336949	0,7009422
TIGD1L	154,45	0,59	0,619393	0,96018	0,336965	0,7009422
RP11-480I12.2	0,73	-1,99	2,069823	-0,9601	0,337005	NA
RNMT	355,33	-0,33	0,344673	-0,95995	0,337078	0,7011
GPR18	100,79	0,75	0,784507	0,959213	0,337451	0,7017975
RP11-395N6.2	1,92	3,57	3,726212	0,959107	0,337505	NA
PLA2G16	57,41	-0,78	0,815594	-0,95894	0,337588	0,7020038
RP11-404F10.1	1,15	2,22	2,315906	0,958937	0,33759	NA

RAB3B	36,85	-0,64	0,670004	-0,95874	0,337692	0,7021406
LINC00205	33,05	-1,06	1,108654	-0,95864	0,337742	0,70216
RNU4-20P	0,51	-3,51	3,663195	-0,95862	0,337748	NA
ATP5SL	307,43	-0,66	0,692532	-0,95857	0,337777	0,70216
TBC1D21	0,63	-3,51	3,660839	-0,95856	0,337783	NA
FABP5L3	1,41	-1,41	1,471673	-0,95845	0,337837	NA
RP11-753G20.1	7,92	-0,40	0,419754	-0,95842	0,337849	0,7022331
TMCC1	164,22	0,73	0,760239	0,958293	0,337915	0,7022911
AL163953.3	13,95	0,79	0,824334	0,958155	0,337985	0,7023022
ZHX3	74,14	-0,99	1,030326	-0,95813	0,337996	0,7023022
RP5-905H7.11	0,41	-3,51	3,66422	-0,95787	0,338128	NA
RP11-295P22.1	0,41	-3,51	3,666013	-0,95786	0,338133	NA
RP3-446N13.3	66,69	-0,86	0,893699	-0,95771	0,338207	0,7026607
NOMO3	81,65	-0,64	0,670333	-0,95764	0,338244	0,7026607
AC005086.2	0,75	-1,32	1,373355	-0,95755	0,338291	NA
RP11-138H11.1	1,90	3,57	3,726232	0,957432	0,338349	NA
TRIM58	23,45	0,92	0,957842	0,95712	0,338507	0,7031057
CDH24	2,03	-3,01	3,140987	-0,95708	0,338525	NA
TVP23C-CDRT4	0,88	2,30	2,40692	0,957059	0,338537	NA
RP11-579O24.3	17,79	-0,65	0,676275	-0,95704	0,338545	0,7031057
ADGRF3	4,70	1,88	1,961409	0,956985	0,338575	0,7031057
RP11-415D17.3	5,42	-0,70	0,726407	-0,95692	0,338609	0,7031057
RN7SL714P	1,56	-0,92	0,958211	-0,95678	0,338677	NA
GLIDR	39,40	-1,28	1,33825	-0,95678	0,338679	0,7031716
NNMT	1,99	1,14	1,195037	0,956644	0,338747	NA
RP11-80H5.9	31,24	-0,83	0,863667	-0,9566	0,338767	0,7032769
RP11-794M8.1	25,36	-0,61	0,633974	-0,95617	0,338989	0,703483
BRWD1-IT2	1,43	2,55	2,661968	0,956116	0,339014	NA
TXNIP	6448,96	-0,36	0,375577	-0,95607	0,339035	0,703483
MRPL45	308,03	0,66	0,69544	0,956024	0,33906	0,703483
RP11-732M18.4	11,82	0,90	0,940905	0,955907	0,339119	0,703483
ZNF430	262,39	0,54	0,56357	0,955897	0,339124	0,703483
PLEKHM1	196,13	-0,46	0,479333	-0,95583	0,339156	0,703483
LAT2	1165,56	0,34	0,356625	0,955816	0,339165	0,703483
RAB39A	33,41	1,38	1,447973	0,955763	0,339192	0,703483
GPS2	391,24	0,38	0,393124	0,955733	0,339207	0,703483
LRRN2	2,53	1,22	1,278346	0,955669	0,339239	NA
RNU4-9P	0,51	-3,50	3,663272	-0,9556	0,339277	NA
AC004538.3	10,18	-1,31	1,365929	-0,95553	0,33931	0,7036184
PRPF6	474,72	-0,59	0,612491	-0,95533	0,339409	0,7037441
GBP3	270,25	-0,60	0,630104	-0,95514	0,339507	0,7038473
NASP	530,73	0,35	0,368776	0,954889	0,339634	0,7038473
RP4-753P9.3	10,10	1,86	1,94794	0,954872	0,339642	0,7038473
ATRNL1	13,09	2,48	2,592598	0,954847	0,339655	0,7038473
MOCS3	55,15	1,00	1,046257	0,954677	0,339741	0,7038473
SCARB1	186,55	-0,77	0,806085	-0,95463	0,339766	0,7038473
RP11-739P1.3	18,90	-0,42	0,441658	-0,9546	0,339782	0,7038473
WDR49	93,04	0,90	0,94622	0,954477	0,339842	0,7038473
AC140134.2	15,09	-1,14	1,194459	-0,95445	0,339854	0,7038473
RP11-974F13.3	15,09	-1,14	1,194459	-0,95445	0,339854	0,7038473

NR4A1	1999,01	0,44	0,455994	0,954393	0,339885	0,7038473
RP11-22N19.2	167,26	0,73	0,761354	0,954339	0,339912	0,7038473
TMED8	338,34	-0,53	0,554448	-0,95426	0,339954	0,7038561
RP11-199F11.1	0,88	1,80	1,889215	0,954223	0,339971	NA
RP4-547N15.3	7,25	-0,81	0,848868	-0,9541	0,340035	0,703907
DAW1	2,93	-1,19	1,250822	-0,9541	0,340035	NA
DDX11	159,93	-0,55	0,575963	-0,95406	0,340055	0,703907
BANP	313,86	0,53	0,56037	0,953863	0,340153	0,7040325
RP11-728E14.3	3,84	1,10	1,156787	0,953589	0,340292	0,7042411
RP11-278H7.1	7,22	2,71	2,841908	0,953514	0,34033	0,7042416
RP4-673D20.6	0,53	-2,71	2,847638	-0,95337	0,340401	NA
RP11-206M11.7	0,56	-1,82	1,910269	-0,95333	0,340425	NA
GDF6	1,70	-1,53	1,606621	-0,95333	0,340425	NA
AC104782.3	15,54	-0,95	0,99579	-0,9533	0,340436	0,7043199
MKLN1	816,71	0,50	0,527721	0,95329	0,340443	0,7043199
DMWD	33,82	-0,56	0,584366	-0,9532	0,340487	0,7043325
AP000459.7	29,28	0,90	0,946677	0,952844	0,340669	0,7045809
NOX4	14,39	-0,62	0,652177	-0,95282	0,340683	0,7045809
SYNJ2BP-COX16	20,90	1,28	1,340569	0,952546	0,34082	0,7047092
CUX2	5,34	2,05	2,153947	0,952523	0,340832	0,7047092
GCLC	377,08	0,58	0,605054	0,95247	0,340859	0,7047092
L3MBTL2	171,72	0,70	0,73202	0,952266	0,340962	0,7048444
AB019438.55	55,29	0,70	0,738778	0,952176	0,341008	0,7048606
RP5-1057J7.8	1,80	1,30	1,363301	0,952048	0,341073	NA
CEP192	346,75	-0,48	0,504858	-0,95203	0,341083	0,7048626
BOLA1	89,17	-1,31	1,378599	-0,95199	0,341101	0,7048626
PEX16	552,19	0,67	0,700522	0,95195	0,341122	0,7048626
CELA1	1,42	3,13	3,290355	0,951909	0,341143	NA
RPL9P30	1,38	3,11	3,26341	0,951721	0,341238	NA
CD2AP	354,66	0,69	0,720075	0,951711	0,341243	0,7050342
NKAP	304,22	0,34	0,361023	0,95161	0,341295	0,7050624
KIAA0408	1,23	-1,31	1,381676	-0,95147	0,341365	NA
MCTP1	680,55	0,27	0,28689	0,951457	0,341372	0,7051283
RF01233	1,64	2,12	2,227813	0,95141	0,341396	NA
AF131216.8	4,85	-1,41	1,483357	-0,9514	0,341403	0,7051283
SPACA4	0,55	-3,48	3,661144	-0,95133	0,341438	NA
UBE2Z	618,37	0,44	0,459678	0,951193	0,341506	0,7052639
SC22CB-1E7.1	1,38	2,49	2,620815	0,951067	0,34157	NA
ATXN8OS	6,90	-1,05	1,103205	-0,95098	0,341613	0,7054067
RP11-45L9.1	0,50	-3,11	3,270166	-0,95095	0,341628	NA
ADPRM	62,91	1,22	1,280671	0,9509	0,341655	0,7054145
TXNDC15	198,65	0,59	0,62017	0,950568	0,341824	0,7055715
PAOX	59,65	-1,03	1,078482	-0,95051	0,341856	0,7055715
CPNE7	1,53	3,16	3,319934	0,950396	0,341911	NA
CTB-50L17.16	2,56	1,40	1,475697	0,950355	0,341932	NA
ZNF846	87,42	0,70	0,737491	0,950312	0,341954	0,7055715
RP11-314D7.2	130,70	-0,55	0,577709	-0,95027	0,341974	0,7055715
BAG5	513,76	-0,67	0,707844	-0,95011	0,342058	0,7055715
SMAP1	437,32	0,66	0,690664	0,950004	0,34211	0,7055715
RP11-730A19.6	11,41	-0,46	0,488607	-0,94991	0,342158	0,7055715

NMD3	329,15	0,63	0,660693	0,949877	0,342175	0,7055715
PFKP	129,86	-0,76	0,801202	-0,94982	0,342203	0,7055715
RP11-342I1.2	3,95	-1,81	1,90774	-0,94982	0,342203	0,7055715
NCAPD2	144,58	0,76	0,795955	0,949817	0,342205	0,7055715
U2AF1L4	562,47	0,41	0,432176	0,949786	0,342221	0,7055715
CDC5L	680,02	-0,43	0,452053	-0,94978	0,342224	0,7055715
CTB-31O20.2	202,87	0,78	0,823393	0,949663	0,342283	0,7055989
RP11-34P13.9	29,29	-1,45	1,526279	-0,9496	0,342313	0,7055989
AC005562.1	102,17	0,92	0,97074	0,949506	0,342363	0,7056237
RGCC	371,60	0,57	0,59703	0,949392	0,342421	0,7056657
RP5-890E16.4	0,47	-3,17	3,335256	-0,94909	0,342576	NA
RP11-169E6.4	4,15	-0,98	1,029184	-0,94901	0,342616	0,7059813
RP11-330H6.6	5,20	-0,70	0,738348	-0,94892	0,342661	0,7059813
C11orf21	407,11	-0,46	0,481354	-0,94887	0,342688	0,7059813
TMIE	2,25	-2,71	2,858539	-0,94886	0,34269	NA
RAB3GAP1	347,39	0,44	0,461921	0,948777	0,342734	0,7059968
CTC-366B18.2	7,90	-1,64	1,731664	-0,94863	0,342811	0,7060166
AC068831.15	161,83	-0,58	0,613867	-0,9486	0,342827	0,7060166
HADH	308,58	0,57	0,602701	0,948331	0,342961	0,7060166
SLC35E4	45,32	0,72	0,761227	0,948317	0,342968	0,7060166
RP11-887P2.6	0,93	1,87	1,976149	0,948209	0,343023	NA
MLH1	314,47	0,63	0,669431	0,948131	0,343063	0,7060166
ALMS1	269,03	0,74	0,782677	0,948126	0,343065	0,7060166
AC018442.1	1,86	3,53	3,726377	0,948126	0,343065	NA
DNAJB2	57,92	-0,96	1,008281	-0,94812	0,343069	0,7060166
C19orf38	543,08	-0,47	0,49361	-0,9481	0,343077	0,7060166
C16orf88	227,29	0,78	0,819025	0,948087	0,343085	0,7060166
AC141586.5	109,26	0,51	0,542862	0,947948	0,343156	0,7060608
RP11-313J2.1	15,42	-0,57	0,597916	-0,9479	0,343182	0,7060608
AC008746.11	15,47	-0,80	0,84743	-0,94781	0,343224	0,7060693
PAK6	5,58	-0,84	0,88746	-0,94764	0,343314	0,7060705
RPL7	20604,76	0,20	0,215559	0,94763	0,343318	0,7060705
RP13-941N14.1	1,86	3,53	3,726387	0,947525	0,343371	NA
SPATA2	44,59	-0,90	0,947312	-0,94752	0,343374	0,7060705
THOC1	339,26	-0,55	0,576236	-0,94751	0,343377	0,7060705
RP11-680C21.1	7,50	-0,81	0,855161	-0,94733	0,343471	0,706186
RP11-470H9.1	0,40	-3,47	3,666683	-0,94725	0,343512	NA
CD300LG	4,60	-1,16	1,220714	-0,94714	0,343568	0,7063076
RP11-571L19.8	0,46	-3,14	3,312933	-0,94694	0,343667	NA
RP11-682B13.2	1,96	1,97	2,076396	0,946846	0,343717	NA
RBM12B	128,18	-0,92	0,966661	-0,94662	0,343835	0,7067773
TOP1MT	273,34	0,52	0,544234	0,946527	0,34388	0,706792
CDKL5	113,92	-0,52	0,554704	-0,9464	0,343944	0,7068452
PELP1	65,14	0,82	0,862709	0,946109	0,344093	0,7070745
PTPN14	46,84	-0,44	0,46528	-0,94603	0,344135	0,7070818
RP13-36G14.2	1,11	2,77	2,92932	0,946009	0,344144	NA
NPRL2	286,17	-0,70	0,737418	-0,94591	0,344195	0,7071283
RNA5SP195	1,86	3,52	3,726389	0,945704	0,3443	NA
TNFRSF9	109,90	-0,57	0,605439	-0,94561	0,344345	0,7072225
RP11-561O23.9	36,38	0,74	0,783732	0,945575	0,344365	0,7072225

CTD-2538G9.6	4,32	-1,23	1,299155	-0,94554	0,344381	0,7072225
RAB40C	93,77	-1,17	1,239888	-0,94546	0,344427	0,7072225
DQX1	1,79	3,52	3,726696	0,945448	0,344443	NA
SLC36A1	186,38	-0,94	0,995629	-0,94545	0,344431	0,7072225
RP11-550E22.3	77,80	-0,50	0,533322	-0,94537	0,344472	0,7072274
BPNT1	90,90	0,81	0,85619	0,945284	0,344514	0,7072365
MANEA	71,14	0,87	0,91536	0,945187	0,344564	0,7072599
ITGBL1	2,41	1,65	1,747923	0,94498	0,344669	NA
ABC12-49244600F4.3	85,79	-0,79	0,839733	-0,94486	0,344732	0,7075281
CFAP52	2,25	-1,26	1,333938	-0,94469	0,344815	NA
KDM4B	196,84	0,61	0,646526	0,944612	0,344857	0,7076071
PGP	117,02	0,83	0,880297	0,944554	0,344887	0,7076071
RP11-800A18.3	13,03	0,87	0,918119	0,944476	0,344926	0,7076071
PINLYP	19,58	-0,65	0,684518	-0,94441	0,344958	0,7076071
RP11-44M6.1	12,15	-0,66	0,700221	-0,9444	0,344965	0,7076071
EXOC3L2	4,88	-0,81	0,85693	-0,94431	0,345009	0,7076071
IZUMO4	1,69	3,19	3,373249	0,944304	0,345014	NA
XXyac-YRM2039.3	30,08	0,96	1,015763	0,94426	0,345037	0,7076071
FAM102A	52,37	-1,31	1,391989	-0,94418	0,345076	0,7076089
STIP1	442,75	-0,66	0,698332	-0,9439	0,345222	0,7078304
OR8H2	0,97	-1,66	1,760615	-0,94378	0,345284	NA
RPS12P26	1,04	2,71	2,867204	0,943628	0,34536	NA
IGHV3-16	1,39	3,09	3,272998	0,943583	0,345383	NA
RP4-814D15.2	54,81	-0,87	0,926618	-0,94351	0,34542	0,7081592
RP11-496H1.1	0,54	1,78	1,883269	0,943428	0,345462	NA
EEF1A12	2,37	0,84	0,895736	0,943211	0,345573	NA
ADAMTS17	3,36	-1,08	1,148988	-0,9432	0,34558	NA
ZNF526	78,32	-0,76	0,801904	-0,94317	0,345593	0,7083977
F2RL3	29,42	-0,61	0,647222	-0,94313	0,345613	0,7083977
RP11-672L10.2	0,95	1,94	2,053603	0,942958	0,345703	NA
FBXL2	52,51	-0,78	0,823441	-0,9429	0,34573	0,7085605
RP11-513C4.1	0,93	1,91	2,021205	0,942856	0,345755	NA
PSMC2	646,10	0,52	0,552637	0,942772	0,345797	0,7085641
TPD52L1	57,63	-0,51	0,544554	-0,94275	0,345808	0,7085641
SLX1B-SULT1A4	64,84	0,71	0,750999	0,942675	0,345847	0,7085659
RP11-24J19.1	17,11	1,12	1,188126	0,942549	0,345912	0,70862
RP3-333H23.8	3,31	1,36	1,442578	0,942494	0,34594	NA
RN7SL45P	5,68	-1,28	1,35353	-0,94247	0,345951	0,7086226
RP11-182J1.12	0,67	2,04	2,167755	0,942351	0,346013	NA
RNU4ATAC11P	1,50	-1,89	2,007821	-0,94231	0,346034	NA
RP11-290O12.2	0,49	-3,45	3,664111	-0,94224	0,346067	NA
RN7SL399P	0,50	-2,06	2,19076	-0,94223	0,346074	NA
RP11-762L8.6	4,62	2,24	2,374029	0,942094	0,346145	0,7089411
RP4-641G12.3	0,49	-3,09	3,276243	-0,94208	0,346151	NA
LIMK1	135,20	-0,54	0,571352	-0,942	0,346191	0,7089571
RP11-649A18.5	3,09	1,27	1,351091	0,941599	0,346398	NA
RN7SL517P	3,34	-1,73	1,841297	-0,94141	0,346497	NA
RP11-361D14.2	0,47	-3,45	3,664379	-0,9414	0,3465	NA
FAM134C	151,21	0,67	0,716982	0,941303	0,34655	0,7094441
DSTNP2	15,13	-0,92	0,981325	-0,9413	0,346551	0,7094441

PLEC	1446,56	-0,31	0,327486	-0,94127	0,346565	0,7094441
CEP112	32,99	-0,87	0,927514	-0,94124	0,346581	0,7094441
CTD-3046C4.1	1,88	3,51	3,726419	0,941074	0,346667	NA
WDR82	428,70	-0,46	0,484516	-0,94095	0,34673	0,7096005
DNAJC7	802,40	0,32	0,34354	0,940944	0,346734	0,7096005
MRPL57	397,46	-0,34	0,365344	-0,94065	0,346883	0,7097234
RP11-205K6.3	1,83	3,50	3,726496	0,940559	0,346931	NA
KRTCAP3	7,62	-2,40	2,550033	-0,94047	0,346974	0,7097234
RP11-573D15.9	29,83	-1,24	1,315332	-0,94042	0,347003	0,7097234
POLG2	98,25	-0,53	0,558435	-0,94035	0,347036	0,7097234
MLLT3	149,75	-0,94	1,00392	-0,94032	0,347054	0,7097234
RHOG	2627,91	0,25	0,267763	0,940309	0,347059	0,7097234
FAM212B	25,10	-0,60	0,639785	-0,94026	0,347083	0,7097234
RP5-882O7.1	4,58	-2,10	2,232178	-0,94023	0,347099	0,7097234
RP11-263G22.1	1,66	2,76	2,938919	0,940148	0,347142	NA
MTL5	3,45	1,28	1,366522	0,940114	0,347159	NA
USF3	252,12	0,53	0,561421	0,939966	0,347235	0,7098518
STK33	128,40	-0,57	0,607852	-0,93996	0,347238	0,7098518
ASAP1	1162,61	0,49	0,525706	0,93986	0,347289	0,7098789
HIST2H2AA4	1056,70	-0,24	0,257708	-0,93975	0,347344	0,7099135
RP11-480I12.5	1,53	1,30	1,388459	0,939606	0,34742	NA
RP11-605P22.1	2,29	-3,36	3,571463	-0,93947	0,34749	NA
RP11-325I22.3	1,94	-2,09	2,231101	-0,939	0,347732	NA
RP11-12M9.3	0,71	-1,28	1,364777	-0,93898	0,347741	NA
RP11-480C16.1	54,59	-0,70	0,748053	-0,93876	0,347855	0,7105618
RGL4	5,48	1,76	1,874403	0,938751	0,347859	0,7105618
RP11-318G8.4	3,82	-1,02	1,083157	-0,93864	0,347918	0,7105618
AJ003147.11	15,12	-0,97	1,033579	-0,93857	0,347952	0,7105618
ADRB1	7,08	-0,92	0,979042	-0,93857	0,347954	0,7105618
CTC-453G23.7	27,33	-0,69	0,733118	-0,93856	0,347956	0,7105618
CIR1	310,53	-0,37	0,38983	-0,93855	0,347964	0,7105618
SLX1A	577,46	-0,40	0,427035	-0,93854	0,347967	0,7105618
DYNLL1	880,65	0,24	0,259012	0,938292	0,348095	0,7106989
SPOPL	753,92	0,49	0,522416	0,93826	0,348111	0,7106989
EIF4EBP2	1239,89	0,30	0,317054	0,938125	0,34818	0,7107348
NADSYN1	662,40	-0,38	0,409921	-0,93808	0,348205	0,7107348
FIGLA	1,81	3,50	3,726556	0,938035	0,348227	NA
AIPL1	3,14	-0,82	0,878742	-0,93801	0,348238	NA
RP1-29C18.8	68,14	-1,22	1,296521	-0,93791	0,348289	0,7108291
CTD-2521M24.6	6,05	-0,93	0,990265	-0,93758	0,348462	0,7111039
UPF3B	220,72	0,47	0,501137	0,937497	0,348503	0,7111096
RP5-1010E17.1	0,40	-2,28	2,430235	-0,93733	0,348591	NA
RP11-776H12.1	117,70	-0,87	0,930637	-0,93731	0,348597	0,7111743
RHBDD1	153,49	0,89	0,944512	0,937287	0,348611	0,7111743
RP11-127B20.2	1,65	2,12	2,263035	0,937197	0,348657	NA
RP1-229K20.5	10,49	-3,39	3,612379	-0,93709	0,34871	0,7112987
RP11-484H12.6	1,33	2,42	2,580007	0,936938	0,34879	NA
RN7SL141P	6,82	-2,62	2,794808	-0,93691	0,348805	0,7114129
FAUP1	3,74	-0,62	0,66008	-0,9368	0,348864	NA
P3H2	61,75	1,19	1,272076	0,936741	0,348892	0,7114734

IGLV1-51	3,64	-1,11	1,187927	-0,93666	0,348931	NA
SEC14L2	6,35	-1,49	1,593209	-0,93658	0,348975	0,7114734
GINS4	57,28	-0,82	0,870844	-0,93653	0,349002	0,7114734
ASB13	130,86	-0,86	0,917013	-0,93653	0,349002	0,7114734
CLTCL1	6,34	-2,11	2,251981	-0,93647	0,34903	0,7114734
AC005538.2	0,49	-2,32	2,473509	-0,93645	0,349044	NA
SMKR1	0,39	-3,43	3,666755	-0,93639	0,349071	NA
MT-TI	1,88	-1,24	1,323372	-0,93639	0,349073	NA
RP11-706O15.1	142,58	-0,48	0,514165	-0,93632	0,349111	0,7114734
FLG2	3,50	-0,90	0,958816	-0,93631	0,349116	NA
NOLC1	574,11	-0,42	0,446657	-0,93627	0,349133	0,7114734
LPPR3	1,72	3,49	3,727046	0,936203	0,349169	NA
RN7SL236P	1,23	2,28	2,438637	0,936167	0,349187	NA
RP11-697E2.12	0,39	-3,43	3,667405	-0,93613	0,349207	NA
RP11-619I22.1	7,17	-1,28	1,365403	-0,9361	0,349222	0,7114734
CHMP4C	3,32	1,18	1,259168	0,936079	0,349232	NA
HYI	27,38	1,12	1,195065	0,936042	0,349252	0,7114734
STOM	547,53	-0,49	0,524097	-0,936	0,349275	0,7114734
RPL13P2	0,93	-1,08	1,152616	-0,93592	0,349312	NA
SLCO1B3	1,89	3,49	3,726536	0,935914	0,349317	NA
RAD21-AS1	105,07	-0,69	0,736636	-0,93586	0,349347	0,7114734
AC022173.2	1,81	3,49	3,726538	0,935686	0,349435	NA
RP11-621L6.3	0,46	-3,12	3,335865	-0,93567	0,349442	NA
KIF21B	44,74	0,96	1,026537	0,935491	0,349536	0,7114734
RP11-330L19.1	1,17	-1,25	1,338322	-0,93544	0,34956	NA
KIAA1841	114,77	0,59	0,630776	0,935402	0,349581	0,7114734
TRMT6	515,74	0,45	0,477801	0,935382	0,349591	0,7114734
C11orf73	518,44	-0,38	0,406434	-0,93533	0,349617	0,7114734
IL4I1	91,19	-1,11	1,187194	-0,93527	0,349651	0,7114734
DDX50	278,32	-0,40	0,428171	-0,93508	0,349749	0,7114734
BEND5	10,67	1,90	2,036189	0,935038	0,349769	0,7114734
RP11-162G9.1	8,01	-0,90	0,95724	-0,93501	0,349782	0,7114734
DUSP1	13887,48	0,28	0,301221	0,935012	0,349782	0,7114734
ATG14	155,68	0,55	0,591081	0,93477	0,349907	0,7114734
RP11-434D9.1	0,34	-2,62	2,799698	-0,93475	0,349919	NA
PLA2G4B	148,26	-0,54	0,581298	-0,93475	0,349919	0,7114734
CTB-40H15.4	0,81	2,34	2,501621	0,934667	0,34996	NA
RP1-59D14.9	40,25	-0,24	0,256025	-0,93457	0,35001	0,7114734
RP11-118A1.2	40,25	-0,24	0,256025	-0,93457	0,35001	0,7114734
RP11-294N21.2	40,25	-0,24	0,256025	-0,93457	0,35001	0,7114734
CYP51A1	434,10	0,43	0,457903	0,934565	0,350012	0,7114734
LIPA	630,48	0,50	0,531597	0,934415	0,35009	0,7114734
API5	626,28	-0,56	0,594709	-0,93441	0,350093	0,7114734
RP11-73M11.2	106,87	-1,04	1,109889	-0,93436	0,350118	0,7114734
CCDC136	4,50	2,07	2,217386	0,934344	0,350126	0,7114734
L3MBTL4	18,93	1,01	1,084861	0,934338	0,35013	0,7114734
RP11-421F16.3	47,19	0,71	0,757847	0,93433	0,350134	0,7114734
CFAP161	1,71	3,48	3,727055	0,934294	0,350152	NA
TDRD12	12,64	-0,85	0,914073	-0,93422	0,350191	0,7114734
CTC-559E9.5	4,42	-1,81	1,938603	-0,93422	0,350192	0,7114734

CREBRF	572,46	0,52	0,556826	0,934187	0,350208	0,7114734
PTMAP1	1,38	3,10	3,315371	0,934152	0,350225	NA
GABBR2	9,21	-0,59	0,632709	-0,93414	0,350233	0,7114734
RP11-509E17.1	22,65	-0,81	0,862788	-0,9341	0,350254	0,7114734
ZFP36L2	3344,07	-0,24	0,259337	-0,93389	0,350358	0,7114734
TSPAN6	11,19	-0,77	0,829751	-0,93389	0,350359	0,7114734
OR2T10	2,80	-2,68	2,866591	-0,93389	0,350362	NA
RCS1	899,15	-0,32	0,344287	-0,93388	0,350364	0,7114734
RP11-416N2.4	8,37	-0,95	1,020095	-0,9335	0,350563	0,7117124
TMPRSS6	1,39	3,10	3,323166	0,933435	0,350595	NA
RP11-240G22.5	39,31	-0,89	0,955909	-0,93336	0,350632	0,7117124
SWSAP1	166,06	-0,78	0,84087	-0,93331	0,350661	0,7117124
G3BP2	873,15	-0,39	0,415271	-0,93326	0,350684	0,7117124
DDO	10,52	-1,48	1,590657	-0,93322	0,350704	0,7117124
ZBTB10	284,05	0,57	0,614778	0,933198	0,350718	0,7117124
IFI6	1695,96	-0,68	0,732089	-0,93314	0,350749	0,7117124
DCAF4L1	1,81	-1,46	1,568942	-0,93291	0,350867	NA
FAM172A	206,21	0,67	0,718462	0,932837	0,350904	0,7119494
RP11-1281K21.1	0,38	-3,42	3,668247	-0,93271	0,350968	NA
MIR3180-1	8,70	-1,32	1,419443	-0,93257	0,351039	0,7121458
RPL29P19	1,21	1,08	1,162664	0,932377	0,351142	NA
CCM2	614,90	-0,51	0,551865	-0,93234	0,351163	0,7123181
RP11-461A8.5	0,67	2,01	2,158292	0,932282	0,351191	NA
PLEKHM2	591,63	0,43	0,456967	0,931988	0,351343	0,7126055
RP11-133M8.1	0,91	-2,40	2,576123	-0,9318	0,351438	NA
RN7SL663P	0,82	2,33	2,503809	0,931775	0,351453	NA
MIR6862-1	0,87	-2,74	2,936722	-0,93174	0,35147	NA
MIR6862-2	0,87	-2,74	2,936722	-0,93174	0,35147	NA
LSM2	286,12	0,46	0,497623	0,9317	0,351492	0,7127687
XXYac-YX155B6.5	9,08	-0,71	0,761603	-0,93168	0,3515	0,7127687
RP11-318M2.2	16,65	-0,60	0,642813	-0,93138	0,351656	0,71292
CTD-2619J13.17	14,66	0,80	0,854908	0,931264	0,351717	0,71292
POLH	32,08	-0,97	1,043502	-0,93113	0,351784	0,71292
TRANK1	162,52	-0,63	0,678938	-0,93113	0,351784	0,71292
RP11-466I1.1	0,46	-3,41	3,664658	-0,93106	0,351823	NA
NPIP5	2699,54	-0,22	0,239135	-0,93103	0,351836	0,71292
RP11-77G23.5	15,70	-0,47	0,502379	-0,93103	0,351837	0,71292
DMAP1	482,07	-0,59	0,634125	-0,93102	0,351843	0,71292
AC007240.1	2,16	-1,06	1,136024	-0,93089	0,35191	NA
RFPL1-AS1	28,21	0,74	0,794783	0,930842	0,351935	0,71303
ZSWIM3	0,37	-3,08	3,310638	-0,93079	0,351961	NA
PRR33	2,38	1,29	1,385737	0,930656	0,352031	NA
RP11-655H13.2	1,79	3,47	3,726604	0,930635	0,352042	NA
CCDC159	159,13	-0,49	0,527158	-0,93061	0,352053	0,7131914
ADAM5	2,72	-2,02	2,169548	-0,93057	0,352074	NA
DNAJC15	685,36	0,34	0,360334	0,930499	0,352113	0,7132306
TMC4	15,89	-1,55	1,664648	-0,93033	0,352199	0,7132306
LINC00271	39,98	-0,61	0,655539	-0,93029	0,352221	0,7132306
FBXL15	644,36	-0,53	0,56594	-0,93028	0,352226	0,7132306
RP11-843A23.1	3,59	1,86	2,001022	0,93024	0,352247	NA

AADAT	3,02	1,09	1,173334	0,930155	0,352291	NA
RAB6A	493,42	-0,40	0,434928	-0,92979	0,352482	0,7136713
RP11-540A21.2	1,92	1,75	1,884736	0,929634	0,352561	NA
PPP1R2	913,83	0,30	0,324551	0,929458	0,352652	0,7139379
IQCA1	2,67	3,26	3,509633	0,929406	0,352679	NA
CTD-2033D15.2	6,09	2,89	3,113318	0,929296	0,352736	0,7140294
PHF2	108,79	0,80	0,858184	0,929114	0,35283	0,7140635
RP11-411B6.6	80,26	0,41	0,443911	0,929017	0,35288	0,7140635
RP11-889L3.1	1,24	-0,93	0,997871	-0,92901	0,352886	NA
RP11-85I21.1	10,81	0,97	1,04163	0,928996	0,352891	0,7140635
RNU6-107P	12,20	2,26	2,431314	0,928968	0,352906	0,7140635
RP6-109B7.2	3,75	-1,62	1,748873	-0,92892	0,352933	NA
RP11-553P9.3	0,69	-1,23	1,327565	-0,92878	0,353004	NA
MALSU1	280,60	0,57	0,609513	0,928669	0,353061	0,7142065
ADRA2B	12,29	2,37	2,554663	0,928644	0,353074	0,7142065
RP3-322G13.7	17,63	2,13	2,298871	0,92853	0,353133	0,7142065
POLE2	8,75	1,86	2,000044	0,928512	0,353142	0,7142065
RP11-575C20.1	1,78	3,46	3,72668	0,928405	0,353198	NA
RP11-569G13.2	46,59	-0,46	0,491184	-0,92839	0,353207	0,7142065
RP11-304L19.3	6,88	-0,94	1,014737	-0,92839	0,353207	0,7142065
CHRM5	19,33	-0,76	0,818931	-0,92829	0,353259	0,7142347
RP4-560B9.2	2,06	0,86	0,930721	0,928151	0,353329	NA
RP5-1024G6.5	0,68	-2,70	2,906821	-0,92809	0,353361	NA
RP11-509E10.1	13,68	-1,03	1,108337	-0,92802	0,353397	0,7144166
RNA5SP442	0,38	-3,40	3,668474	-0,92797	0,353421	NA
B3GAT3	222,35	-0,65	0,699333	-0,92796	0,353426	0,7144166
RP3-348I23.3	1,78	3,46	3,726654	0,927888	0,353466	NA
RP11-356K23.2	5,46	1,12	1,211129	0,927861	0,35348	0,7144477
IER2	3320,01	0,23	0,246748	0,927769	0,353527	0,7144664
RP11-527J8.1	1,76	3,46	3,726683	0,927754	0,353535	NA
CTD-2583A14.11	21,65	-1,30	1,404155	-0,92752	0,353657	0,7146512
MAPKBP1	57,15	0,77	0,825202	0,927417	0,35371	0,7146798
RP11-298O21.5	2,11	-1,95	2,097311	-0,9274	0,353718	NA
CABLES1	2,21	-2,01	2,167555	-0,9274	0,35372	NA
TAB3	271,07	0,57	0,610657	0,927301	0,35377	0,714724
ATF7IP	983,83	0,36	0,385623	0,92705	0,353901	0,7148492
RP11-258C19.6	7,89	-1,51	1,627002	-0,92699	0,353931	0,7148492
YWHAQ	1395,64	0,32	0,344259	0,926908	0,353974	0,7148492
METTL10	130,99	0,73	0,791101	0,926795	0,354033	0,7148492
CTRC	23,41	1,05	1,131344	0,926755	0,354054	0,7148492
NRN1	8,03	-1,19	1,282196	-0,92674	0,354063	0,7148492
POLR1B	85,69	0,81	0,877625	0,92653	0,354171	0,7149695
GTF2IP1	446,94	0,54	0,582161	0,926392	0,354242	0,7149695
RP11-629N8.4	2,46	-1,16	1,251163	-0,92633	0,354273	NA
UBXN2A	183,71	-0,55	0,592155	-0,92627	0,354305	0,7149695
MAGED2	193,28	-0,82	0,882151	-0,92623	0,354326	0,7149695
RP11-362I1.1	0,91	1,90	2,049219	0,92623	0,354326	NA
RP11-475O6.1	3,69	-0,78	0,847257	-0,92622	0,354331	NA
RP11-108M21.1	32,30	0,80	0,86505	0,926182	0,354351	0,7149695
PELI1	358,32	-0,62	0,671352	-0,92609	0,3544	0,7149695

RP11-489P20.1	0,70	1,43	1,54466	0,926055	0,354417	NA
CTD-2278I10.4	11,23	-1,69	1,829396	-0,92603	0,354428	0,7149695
TMEM191C	64,22	-0,96	1,034208	-0,92603	0,354443	0,7149695
RN7SL790P	1,90	1,42	1,529059	0,925917	0,354489	NA
PDS5A	1086,69	0,41	0,439212	0,925896	0,3545	0,714972
RAB11FIP3	39,46	1,16	1,252941	0,92582	0,35454	0,714972
ACO15849.16	84,12	0,92	0,991486	0,925806	0,354547	0,714972
MAPK14	934,89	-0,35	0,373058	-0,92573	0,354585	0,714972
TMEM208	693,36	-0,38	0,405943	-0,92556	0,354673	0,714972
PSRC1	36,23	1,27	1,368569	0,925496	0,354708	0,714972
AIF1L	1,83	3,45	3,727482	0,925485	0,354714	NA
ACO16735.2	9,85	1,16	1,257825	0,925423	0,354746	0,714972
DVL3	223,63	0,52	0,560782	0,925386	0,354765	0,714972
CNGA1	1,36	-1,54	1,662258	-0,92537	0,354776	NA
RP11-141M1.4	22,08	0,94	1,018354	0,925217	0,354853	0,714972
RP11-93O7.5	16,21	-0,90	0,97347	-0,92516	0,354884	0,714972
CDHR4	1,27	-1,51	1,632168	-0,92515	0,354887	NA
PFDN4	107,68	-0,43	0,463507	-0,9251	0,354911	0,714972
FAM3A	196,25	-0,65	0,703957	-0,92509	0,354919	0,714972
CTD-2001C12.1	21,03	-1,27	1,373132	-0,925	0,354964	0,714972
CLECL1	111,87	0,76	0,825219	0,924987	0,354973	0,714972
FCN1	6654,88	-0,25	0,273426	-0,92492	0,35501	0,714972
CNPY3	3224,36	0,22	0,242077	0,924846	0,355046	0,714972
ACO05330.2	3,22	1,93	2,088599	0,924833	0,355053	NA
GAS2L3	93,68	-0,87	0,94344	-0,9247	0,355123	0,7150243
RP4-604K5.3	46,53	0,98	1,061688	0,924649	0,355149	0,7150243
RP11-34P13.8	15,17	-2,26	2,444918	-0,92441	0,355274	0,7151987
CTC-559E9.8	0,80	2,28	2,463459	0,924377	0,35529	NA
FOXJ2	336,75	0,62	0,674692	0,924151	0,355407	0,7153907
RP11-174G6.5	89,34	-0,68	0,730608	-0,92408	0,355447	0,7153922
GDAP1	81,73	-1,42	1,539663	-0,92379	0,355597	0,7155759
CLASP1	245,37	0,58	0,628204	0,923721	0,355631	0,7155759
ACO26166.1	0,47	-3,09	3,340359	-0,92361	0,355688	NA
PAH	3,47	1,97	2,133495	0,923599	0,355695	NA
WI2-85898F10.1	75,75	-0,35	0,381043	-0,92358	0,355704	0,7155759
STEAP2	10,48	0,87	0,942452	0,923578	0,355706	0,7155759
RP11-749H20.6	15,26	-1,04	1,121079	-0,92353	0,35573	0,7155759
TRMT1L	156,56	-0,82	0,883897	-0,92338	0,355811	0,715606
TOMM20L	1,76	3,44	3,726837	0,923367	0,355816	NA
NRXN3	7,14	1,12	1,217664	0,923351	0,355825	0,715606
RP11-554F20.1	2,48	2,16	2,336367	0,923233	0,355886	NA
RP1-29C18.10	3,80	1,77	1,917798	0,923182	0,355912	0,715606
RP11-467D6.1	30,51	0,97	1,053287	0,923161	0,355924	0,715606
AC126118.1	4,77	2,91	3,154866	0,923134	0,355938	0,715606
SFTPD-AS1	123,15	-0,39	0,426503	-0,92299	0,356012	0,7156198
RNF38	317,56	0,56	0,6085	0,922966	0,356025	0,7156198
GP1BA	0,57	1,79	1,942145	0,922931	0,356043	NA
KIAA0226L	13,62	-0,96	1,038927	-0,92287	0,356077	0,7156198
OXER1	68,57	-1,44	1,560295	-0,92282	0,356102	0,7156198
RP11-188C12.2	35,60	1,22	1,319282	0,922752	0,356137	0,7156198

RP11-57H14.3	1,51	-1,84	1,994689	-0,92274	0,356145	NA
AC005077.7	0,52	-3,38	3,662454	-0,92266	0,356185	NA
FER	337,86	0,52	0,559782	0,9226	0,356216	0,7157012
FAM222A	0,47	-3,38	3,662611	-0,92233	0,356357	NA
RP11-793H13.8	9,90	-1,69	1,83602	-0,92224	0,356403	0,7159804
HMGB2	1286,35	-0,40	0,433191	-0,92219	0,356432	0,7159804
POGK	454,08	0,55	0,598006	0,922002	0,356528	0,7160962
RNU7-45P	1,44	1,88	2,03551	0,921954	0,356552	NA
STBD1	1,73	3,44	3,7268	0,921935	0,356563	NA
SPAG7	966,27	0,35	0,375366	0,921758	0,356655	0,7162745
HPSE2	0,84	-3,12	3,386208	-0,92137	0,356855	NA
KCP	32,57	0,80	0,864266	0,921363	0,356861	0,7166104
RP11-685N10.1	1,76	3,43	3,726728	0,921125	0,356985	NA
U52112.12	10,12	0,86	0,935989	0,921117	0,356989	0,716791
RN7SL297P	0,81	2,30	2,502085	0,921094	0,357002	NA
CTC-30107.4	1,55	-1,43	1,547342	-0,92097	0,357067	NA
AC105396.3	0,96	2,59	2,809737	0,920697	0,357209	NA
RP1-111C20.5	1,74	3,43	3,726794	0,920485	0,357319	NA
COG7	77,71	0,72	0,778112	0,920363	0,357383	0,7174275
C7orf65	2,33	1,25	1,356085	0,920361	0,357384	NA
SLC30A10	5,67	-1,52	1,651799	-0,92033	0,357401	0,7174275
LY6E	1429,23	-0,50	0,548416	-0,92029	0,357422	0,7174275
RNU1-67P	3,16	-1,64	1,781803	-0,92005	0,357546	NA
NXNL2	165,68	-0,76	0,831484	-0,91997	0,357588	0,7176842
AC016894.1	2,47	2,15	2,336128	0,919917	0,357616	NA
RP11-219E7.1	16,50	1,52	1,649994	0,919868	0,357642	0,7177142
ATG4A	120,81	0,85	0,925812	0,919775	0,35769	0,7177335
GTF2H2C	129,84	0,62	0,678069	0,919698	0,357731	0,7177377
ZNF552	89,21	-0,83	0,897301	-0,91956	0,357803	0,7178051
ATP5G1	625,87	0,29	0,314854	0,919388	0,357893	0,7178515
S100A10	6792,09	0,20	0,213853	0,91932	0,357928	0,7178515
MDP1	192,77	0,53	0,572991	0,919294	0,357942	0,7178515
RN7SL526P	5,06	-0,96	1,04838	-0,91919	0,357998	0,7178861
PEX12	0,64	-3,01	3,275567	-0,91916	0,358013	NA
RP11-356J5.4	1,30	3,01	3,276002	0,91901	0,358091	NA
GSS	329,62	0,49	0,531153	0,918878	0,35816	0,7179232
RP11-398E10.1	20,69	0,68	0,737574	0,91883	0,358184	0,7179232
AC002543.2	28,87	1,08	1,177493	0,918798	0,358201	0,7179232
TBC1D7	558,35	0,55	0,593562	0,91879	0,358205	0,7179232
HSPB1	93,67	-0,31	0,334561	-0,91878	0,358209	0,7179232
RP11-266C7.3	1,38	-1,20	1,306826	-0,91875	0,358228	NA
RN7SL416P	0,73	-2,65	2,881544	-0,91868	0,358261	NA
RRAGC	385,27	0,47	0,510872	0,918534	0,358339	0,7181064
RP11-288E14.2	0,53	-1,16	1,26814	-0,91851	0,35835	NA
CCL22	16,83	-0,71	0,774453	-0,91837	0,358423	0,7181963
ZNF638	910,86	0,30	0,331891	0,918295	0,358464	0,7182024
RP11-286N22.14	3,83	-2,10	2,284713	-0,91819	0,358518	0,7182317
AP000240.4	8,07	1,47	1,600213	0,918118	0,358557	0,7182333
CTD-2619J13.23	1,72	3,42	3,726877	0,918018	0,358609	NA
RP11-144A16.3	1,54	-1,00	1,087556	-0,91802	0,358611	NA

RP11-521C20.4	46,69	1,00	1,085336	0,917857	0,358694	0,7183782
RP11-533E19.5	16,19	0,93	1,018168	0,917833	0,358706	0,7183782
GRIP2	0,63	-3,09	3,368708	-0,9177	0,358777	NA
TSPYL4	142,76	0,54	0,587714	0,917238	0,359018	0,7188394
XX-FW83563B9.5	49,38	-0,85	0,930811	-0,91718	0,359048	0,7188394
CTD-2015H6.3	7,17	1,11	1,205238	0,917157	0,35906	0,7188394
AC003005.2	3,38	-1,29	1,401451	-0,91714	0,359067	NA
FOXRED2	53,62	0,71	0,779251	0,917041	0,359121	0,7188394
FBXO8	92,12	-1,02	1,113088	-0,91702	0,35913	0,7188394
RP1-90L6.3	1,86	2,33	2,538317	0,916867	0,359212	NA
WWP2	346,42	-0,48	0,519089	-0,91675	0,359271	0,7190449
RP11-170N11.1	6,80	1,14	1,238939	0,916552	0,359378	0,7191802
RP11-106D4.2	6,22	0,77	0,842926	0,916416	0,359449	0,7192458
RP5-884M6.1	28,18	-1,09	1,191633	-0,91632	0,359498	0,7192659
RP11-487I9.2	61,88	0,78	0,849457	0,916233	0,359545	0,7192827
RP11-180P8.3	0,37	-3,36	3,669433	-0,91609	0,359619	NA
AC009133.17	84,74	-0,61	0,661174	-0,91608	0,359624	0,7193137
BCYRN1	12,37	-0,57	0,62495	-0,91592	0,35971	0,7193137
PRKCB	2252,52	-0,44	0,483654	-0,91591	0,359714	0,7193137
CTD-2235C13.1	3,26	-2,39	2,608634	-0,91585	0,359747	NA
FHL2	17,51	-0,92	1,008953	-0,91581	0,359766	0,7193137
RP11-4B16.3	0,67	-3,35	3,658073	-0,91581	0,359767	NA
RP3-465N24.7	24,87	0,63	0,685095	0,915799	0,359773	0,7193137
RP11-392A14.8	2,19	1,82	1,992065	0,915644	0,359854	NA
AGAP4	196,38	0,65	0,709849	0,915595	0,359879	0,7193137
NCRNA00167	14,45	-1,42	1,552235	-0,91559	0,359882	0,7193137
C19orf59	110,06	-1,27	1,390829	-0,91552	0,359916	0,7193137
ANKRD34A	1,01	2,60	2,842674	0,915477	0,359941	NA
ARHGAP9	1472,24	-0,29	0,311488	-0,9154	0,35998	0,7193137
RP11-128A6.2	1,10	1,49	1,631407	0,915387	0,359988	NA
C1QTNF12	14,78	-1,94	2,120944	-0,91536	0,360002	0,7193137
RAPSN	10,19	-1,62	1,767056	-0,91533	0,360019	0,7193137
RP11-1151B14.3	19,66	-0,91	0,994135	-0,91517	0,360104	0,7193137
AP000295.7	160,18	0,51	0,558904	0,91495	0,360218	0,7193137
CDK5R1	5,53	-1,52	1,656746	-0,91494	0,360225	0,7193137
OR10G3	50,22	-0,48	0,51975	-0,91486	0,360267	0,7193137
RP1-138B7.4	1,71	3,41	3,726886	0,914794	0,3603	NA
GSTP1	9424,65	0,16	0,170027	0,914736	0,36033	0,7193137
AHSA1	378,73	0,48	0,523281	0,914703	0,360348	0,7193137
URM1	202,82	0,44	0,480621	0,914593	0,360406	0,7193137
ADAM9	262,53	-0,51	0,560503	-0,91458	0,360412	0,7193137
ANKRD29	0,50	1,43	1,564909	0,914577	0,360414	NA
FLII	1327,93	0,36	0,398997	0,914541	0,360433	0,7193137
SLITRK4	85,80	-0,95	1,03919	-0,9144	0,360507	0,7193137
MFSD10	340,17	0,62	0,677866	0,914345	0,360536	0,7193137
TOR1A	440,66	-0,47	0,515478	-0,91431	0,360556	0,7193137
RP11-172F10.1	4,30	-0,97	1,062664	-0,91423	0,360595	0,7193137
RP11-288I21.1	14,48	-1,16	1,267739	-0,91416	0,360632	0,7193137
ABHD6	71,43	0,73	0,798238	0,914144	0,360641	0,7193137
SDE2	222,66	0,60	0,658139	0,914142	0,360642	0,7193137

TMEM130	16,48	-0,67	0,73243	-0,91414	0,360643	0,7193137
MIR6877	0,53	-3,35	3,663466	-0,91392	0,360758	NA
TARBP1	524,35	-0,54	0,595379	-0,91392	0,36076	0,7194706
RP11-349A22.5	970,12	-0,25	0,271299	-0,91378	0,360834	0,7195414
RP11-544L8_B.4	0,88	1,83	2,003021	0,913561	0,360948	NA
IGF1R	60,71	-0,98	1,077074	-0,91349	0,360984	0,719763
PSMB5	502,60	-0,56	0,617802	-0,91338	0,361041	0,7197988
RP11-447M12.2	1,31	2,41	2,643972	0,913279	0,361096	NA
GORASP1	263,17	0,61	0,671656	0,913218	0,361128	0,7198954
CTC-265F19.3	1,26	2,34	2,560046	0,913093	0,361193	NA
MT-TW	1,22	-1,17	1,276706	-0,91301	0,361239	NA
RP3-508I15.22	3,62	1,19	1,302828	0,912975	0,361256	NA
RP11-352M15.2	190,18	0,62	0,683764	0,912818	0,361338	0,7201129
ACVR1C	3,42	2,61	2,860239	0,912797	0,361349	NA
CD2	436,94	-0,41	0,453553	-0,91274	0,361377	0,7201129
CBLB	147,21	0,62	0,679758	0,912664	0,361419	0,7201129
RP11-1090M7.1	13,58	0,73	0,800069	0,912634	0,361435	0,7201129
CTD-3203P2.2	57,02	0,87	0,952542	0,912532	0,361489	0,7201129
CSRP2	114,95	-0,86	0,944585	-0,91239	0,361564	0,7201129
LINC00338	33,79	-0,59	0,645612	-0,91238	0,361567	0,7201129
INTS4P1	13,23	-1,20	1,3185	-0,91232	0,361602	0,7201129
PJA2	1004,00	0,38	0,417355	0,912279	0,361622	0,7201129
ENTPD6	597,38	0,55	0,597574	0,91225	0,361637	0,7201129
RERGL	1,64	3,40	3,727667	0,912166	0,361681	NA
RP3-466P17.1	4,93	2,23	2,444138	0,912088	0,361722	0,7201129
OR9Q2	1,84	-2,07	2,265871	-0,91209	0,361724	NA
RP11-703C10.1	0,70	-2,35	2,574581	-0,91208	0,361726	NA
RP11-151I11.3	0,41	-2,99	3,28384	-0,91201	0,361763	NA
HMGA2	13,54	0,87	0,949799	0,912001	0,361768	0,7201129
SAMD4A	155,38	-0,78	0,857275	-0,91199	0,361774	0,7201129
RP11-328G15.2	4,81	1,02	1,123613	0,911981	0,361779	0,7201129
AC012593.1	8,16	-0,94	1,027063	-0,91177	0,361888	0,7202522
RP11-235E17.3	1,64	-1,22	1,342606	-0,91175	0,3619	NA
DAPK1	435,56	-0,66	0,718974	-0,91167	0,361943	0,7202858
LENG1	141,54	-0,65	0,714691	-0,91145	0,362061	0,7204317
RP11-631N16.4	6,27	-1,47	1,615026	-0,91138	0,362094	0,7204317
RP11-725G5.3	0,37	-3,34	3,669636	-0,91122	0,362179	NA
AC012309.5	4,09	-1,94	2,124576	-0,91116	0,36221	0,7205851
RLIM	676,28	0,50	0,545414	0,911038	0,362276	0,7205931
RP11-54D18.1	1,10	1,51	1,652918	0,910928	0,362333	NA
RP11-18M11.2	5,38	1,72	1,885339	0,910889	0,362354	0,7205931
RP11-445O16.3	14,79	-0,83	0,91003	-0,9108	0,3624	0,7205931
RP11-557H15.3	1,28	2,68	2,937422	0,910751	0,362427	NA
RP11-732A21.2	7,08	-1,02	1,124776	-0,91062	0,362497	0,7205931
RP11-583F2.1	16,51	0,95	1,039412	0,910559	0,362528	0,7205931
VENTXP4	7,92	0,75	0,822409	0,910538	0,362539	0,7205931
RP13-507I23.1	17,21	-0,79	0,873101	-0,91049	0,362566	0,7205931
CTC-304I17.5	8,58	-2,56	2,814108	-0,91045	0,362583	0,7205931
RP11-100G15.6	0,63	-2,05	2,252454	-0,91028	0,362673	NA
RP11-486M3.2	1,70	3,39	3,72696	0,910282	0,362674	NA

NUCKS1	583,06	0,30	0,327295	0,910181	0,362727	0,7205931
RP11-807H22.7	11,14	-1,33	1,456265	-0,91012	0,362758	0,7205931
SLAIN1	8,80	-1,27	1,391227	-0,9101	0,362769	0,7205931
RP11-563J2.3	5,55	0,96	1,057636	0,910074	0,362784	0,7205931
KANK2	18,68	-0,77	0,845151	-0,91003	0,362806	0,7205931
GS1-124K5.12	301,79	-0,38	0,419941	-0,90997	0,36284	0,7205931
NTAN1	156,54	-0,75	0,825522	-0,90996	0,362843	0,7205931
CLSTN3	8,43	-0,98	1,07407	-0,90989	0,362879	0,7205931
ZCCHC9	191,34	0,73	0,807539	0,909799	0,362929	0,7205931
TRIM3	57,45	-1,13	1,243303	-0,90973	0,362965	0,7205931
RP11-493L12.4	3,19	-2,01	2,214604	-0,90957	0,363047	NA
AC069277.2	7,52	-0,94	1,033686	-0,90956	0,363054	0,7205931
DKK3	0,40	-2,99	3,291702	-0,90947	0,363103	NA
CD28	15,27	-0,77	0,842891	-0,90946	0,363107	0,7205931
NLE1	146,70	0,99	1,088811	0,909446	0,363115	0,7205931
PTBP1	1036,25	-0,24	0,261559	-0,90942	0,363126	0,7205931
CTC-425O23.2	1,01	-1,94	2,133685	-0,9094	0,363137	NA
RP11-695J4.2	1,20	2,21	2,428603	0,909385	0,363147	NA
RP11-350G24.2	0,78	1,63	1,793164	0,909354	0,363163	NA
C11orf57	128,17	0,56	0,613576	0,909346	0,363168	0,7205931
PRKCE	182,40	-0,46	0,505578	-0,90919	0,363252	0,7205931
NBR1	486,06	-0,49	0,542643	-0,90912	0,363284	0,7205931
RP11-391M1.3	62,65	-0,78	0,85438	-0,90911	0,363292	0,7205931
CDKAL1	150,70	-0,53	0,581595	-0,9091	0,363296	0,7205931
EVI2B	2333,09	0,21	0,228612	0,909065	0,363316	0,7205931
FDX1	317,51	0,46	0,501793	0,909025	0,363337	0,7205931
NR5A1	1,73	3,39	3,72775	0,908818	0,363446	NA
RP11-10J21.6	1,69	3,39	3,726987	0,908807	0,363452	NA
KDM4D	2,21	3,09	3,399855	0,908798	0,363457	NA
NT5DC2	236,30	0,74	0,813477	0,90866	0,363529	0,7208696
ANKS4B	9,94	0,61	0,67253	0,908614	0,363554	0,7208696
CPNE9	2,85	2,13	2,347281	0,908554	0,363586	NA
GPR35	294,89	0,81	0,895673	0,908533	0,363597	0,7208778
TPTE2P6	9,45	1,49	1,637286	0,908341	0,363698	0,7210024
GPER1	40,79	-1,48	1,634312	-0,90818	0,363782	0,7210714
RP3-340N1.2	18,77	1,11	1,222787	0,908128	0,363811	0,7210714
CCSER2	341,23	-0,47	0,5212	-0,90783	0,363966	0,7211866
RP11-693J15.5	14,88	-0,65	0,715418	-0,90779	0,363988	0,7211866
RBMS2	174,73	0,66	0,732398	0,907744	0,364013	0,7211866
RN7SL718P	17,42	0,78	0,857562	0,90768	0,364047	0,7211866
WASHC4	902,20	-0,33	0,368584	-0,90765	0,364063	0,7211866
MEA1	644,69	0,41	0,454977	0,907399	0,364196	0,7213153
RFX1	87,55	-0,68	0,752532	-0,90738	0,364205	0,7213153
SETD1A	161,48	-0,68	0,749946	-0,90728	0,364261	0,7213483
SULT1A3	826,87	-0,38	0,414491	-0,90717	0,364316	0,7213651
ELFN1	1,95	1,76	1,936716	0,907121	0,364343	NA
TMEM167A	1046,58	0,38	0,419243	0,907044	0,364383	0,7213651
RP5-890E16.2	11,46	-0,98	1,083199	-0,90701	0,364399	0,7213651
OR8B8	6,42	-0,77	0,845181	-0,90697	0,364424	0,7213651
CEP95	299,98	0,60	0,664529	0,906825	0,364499	0,7214361

SSR4	2523,95	-0,21	0,232124	-0,90675	0,364538	0,7214361
AC074008.4	1,33	1,19	1,308622	0,906605	0,364616	NA
MGST1	344,18	-0,65	0,716807	-0,90656	0,364638	0,7215588
RN7SKP190	1,67	3,38	3,727085	0,906347	0,364752	NA
RP11-324P9.1	1,59	-1,57	1,726956	-0,90632	0,364766	NA
FAM161B	117,82	0,80	0,886376	0,905936	0,36497	0,7221211
ZNF518A	551,34	-0,45	0,492119	-0,90588	0,365	0,7221211
KB-1572G7.2	40,26	-1,29	1,424667	-0,90574	0,365075	0,7221925
SF3B1	4079,58	-0,32	0,349724	-0,90566	0,365116	0,7221961
SIX4	2,20	0,98	1,082388	0,905361	0,365274	NA
CARD14	6,29	-0,69	0,759997	-0,9053	0,365304	0,7224924
AC097721.2	19,81	-1,19	1,310543	-0,90522	0,365346	0,7224987
ZNF550	33,26	1,08	1,196736	0,905097	0,365414	0,7225554
CTD-2525I3.5	0,78	2,27	2,506092	0,905092	0,365417	NA
ELF2	498,67	-0,35	0,384135	-0,90499	0,36547	0,7225897
STPG2	1,21	2,98	3,29059	0,904857	0,365541	NA
CD99	2221,05	-0,23	0,253674	-0,90473	0,365611	0,722737
MAP4	695,79	-0,46	0,504494	-0,90463	0,36566	0,722737
PKMYT1	13,85	1,28	1,416764	0,904616	0,365669	0,722737
RP4-601P9.1	2,74	1,25	1,379961	0,904503	0,365729	NA
NEFM	2,50	3,37	3,724907	0,904471	0,365746	NA
TMEM106A	259,55	-0,64	0,704916	-0,90445	0,365758	0,722737
AC016995.3	2,28	-1,39	1,534421	-0,90443	0,365765	NA
BRD1	164,26	-0,63	0,697751	-0,9044	0,365782	0,722737
ZNF333	436,73	-0,32	0,354008	-0,90439	0,36579	0,722737
CFAP36	110,14	0,63	0,694883	0,904253	0,365861	0,722737
EPHX2	8,29	1,05	1,166308	0,904209	0,365885	0,722737
RP11-24M17.4	11,99	1,23	1,365251	0,904191	0,365894	0,722737
RP11-561B11.2	10,80	-2,77	3,06305	-0,90399	0,365999	0,7228672
RP11-326K13.3	11,75	-0,76	0,841549	-0,90374	0,366134	0,7230583
RPL10P15	1,45	1,00	1,108417	0,903551	0,366234	NA
SLC22A5	112,73	0,97	1,069779	0,903501	0,36626	0,72323
RP11-44F14.8	2,06	1,75	1,940868	0,903377	0,366326	NA
OR10V3P	2,39	-0,91	1,006863	-0,90337	0,366329	NA
RP4-781K5.6	1,16	-1,52	1,684109	-0,90327	0,366381	NA
CHD4	1097,01	0,17	0,182719	0,903244	0,366397	0,723358
BAD	272,72	-0,49	0,545559	-0,90323	0,366403	0,723358
CTD-2576D5.1	12,91	-0,98	1,080446	-0,90286	0,3666	0,7236037
METTL6	102,70	0,67	0,746374	0,902851	0,366605	0,7236037
RP11-693N9.2	27,55	-1,04	1,149871	-0,9027	0,366683	0,7236293
RP11-730K11.1	4,72	-1,23	1,360447	-0,90268	0,366696	0,7236293
ABHD12B	12,09	-1,07	1,180777	-0,90259	0,366743	0,7236368
CTC-559E9.4	1,81	-1,11	1,230907	-0,90251	0,366788	NA
GSTZ1	244,78	0,83	0,924029	0,902409	0,36684	0,7236368
PGBD5	9,18	-0,55	0,605228	-0,90238	0,366856	0,7236368
GAB2	313,63	0,65	0,718995	0,90232	0,366887	0,7236368
RP11-143A12.3	6,75	1,23	1,366252	0,902306	0,366894	0,7236368
AC010096.1	1,28	-0,94	1,039071	-0,90214	0,366981	NA
AC026202.3	25,33	1,22	1,353985	0,902049	0,367031	0,7237278
MOV10L1	1,07	1,34	1,480483	0,902023	0,367045	NA

RP5-1142A6.9	9,18	-1,20	1,326905	-0,90202	0,367047	0,7237278
APEX1	1303,22	0,27	0,294211	0,901856	0,367134	0,7237278
ADRB3	5,66	-0,64	0,712645	-0,90181	0,367157	0,7237278
MAP2K2	610,56	-0,34	0,377677	-0,90181	0,367158	0,7237278
RP11-219B4.3	4,25	2,11	2,336953	0,901745	0,367192	0,7237278
TEX13C	0,66	-3,30	3,66174	-0,90168	0,367225	NA
PDE1A	7,09	1,16	1,283763	0,901647	0,367245	0,7237278
PTCD1	115,38	-0,63	0,698149	-0,90163	0,367252	0,7237278
HMGB1L1	0,63	-1,10	1,214989	-0,90141	0,367369	NA
CTB-92J24.2	3,96	-1,09	1,212433	-0,9014	0,367378	0,7237623
VEZT	229,02	0,55	0,606831	0,901392	0,36738	0,7237623
PRNP	625,48	0,41	0,450348	0,901381	0,367386	0,7237623
RP11-196G18.24	1,21	2,30	2,554426	0,901236	0,367463	NA
PSMB1	3365,04	0,20	0,220798	0,901174	0,367496	0,7238515
EMC1	337,96	-0,56	0,619684	-0,90114	0,367513	0,7238515
UCHL3	378,42	0,36	0,395683	0,901076	0,367548	0,7238515
CTD-2125J1.1	1,08	2,11	2,344427	0,901043	0,367566	NA
PPA2	851,19	0,36	0,401754	0,900801	0,367694	0,7240635
VSIG10	51,19	0,62	0,687751	0,900717	0,367739	0,7240744
RP11-473M20.7	42,20	-0,76	0,84077	-0,90032	0,367949	0,7242974
PROSC	588,66	0,57	0,63778	0,900265	0,367979	0,7242974
RP11-275B7.1	1,65	3,36	3,727146	0,900221	0,368003	NA
RP5-1142A6.10	7,55	-1,42	1,579746	-0,90021	0,368009	0,7242974
C19orf76	38,67	1,63	1,805793	0,900106	0,368064	0,7242974
TRAPPC6A	474,64	0,42	0,466781	0,900093	0,368071	0,7242974
TAS2R19	1,52	2,62	2,90789	0,899993	0,368124	NA
KB-1742H10.3	24,23	-1,09	1,21592	-0,89991	0,36817	0,7242974
TMPRSS5	1,71	3,35	3,726828	0,899888	0,36818	NA
RNF14	349,42	-0,88	0,97257	-0,89987	0,368191	0,7242974
TMEM126A	160,86	0,57	0,634363	0,899719	0,36827	0,7242974
MUCL1	0,53	-3,30	3,66472	-0,8997	0,368281	NA
SLC26A6	163,13	-0,69	0,770322	-0,89963	0,36832	0,7242974
AP003419.11	93,74	-0,91	1,0126	-0,89958	0,368343	0,7242974
ADGRG1	23,19	-0,74	0,827141	-0,89958	0,368344	0,7242974
SMDT1	731,68	0,26	0,291704	0,899572	0,368348	0,7242974
ARFGAP3	475,46	-0,35	0,393453	-0,89955	0,368358	0,7242974
RP11-507K2.3	1,70	-1,20	1,329681	-0,89942	0,368428	NA
CTC-554D6.1	1,65	3,35	3,72715	0,899344	0,368469	NA
CENPE	31,07	1,06	1,180399	0,899276	0,368505	0,7243517
RP11-886P16.6	2,01	1,06	1,182195	0,899275	0,368506	NA
PRR27	1,60	-0,79	0,881669	-0,89927	0,368511	NA
RP1-111D6.3	4,04	-1,07	1,191773	-0,89923	0,368531	0,7243517
ZNF18	36,28	-0,91	1,00726	-0,89922	0,368537	0,7243517
RP11-172H24.4	25,69	0,63	0,69641	0,899209	0,368541	0,7243517
ST20-MTHFS	2,68	-1,77	1,974236	-0,89906	0,36862	NA
RP1-56J10.8	13,82	0,47	0,518739	0,89903	0,368636	0,7244156
FAM126A	657,36	0,65	0,718574	0,89894	0,368685	0,7244156
PEX6	109,70	0,65	0,718894	0,898929	0,368691	0,7244156
KB-1208A12.3	30,55	0,77	0,856378	0,898802	0,368758	0,7244716
NUP62	701,17	-0,35	0,384702	-0,89872	0,3688	0,7244779

DDX60	315,78	-0,76	0,847608	-0,89851	0,368916	0,724628
PRRC2B	438,81	0,52	0,575539	0,898231	0,369062	0,7248227
RP11-2A4.1	0,92	2,52	2,805088	0,898086	0,369139	NA
RP11-597D13.2	0,35	-3,30	3,671316	-0,89807	0,36915	NA
EP300	1226,59	-0,47	0,518402	-0,89801	0,369181	0,7248227
PEX19	169,05	0,63	0,701009	0,897973	0,3692	0,7248227
PMF1-BGLAP	23,70	1,00	1,116148	0,897967	0,369203	0,7248227
IFNGR2	787,41	-0,40	0,446914	-0,89795	0,36921	0,7248227
BRIX1	202,91	-0,72	0,79958	-0,89787	0,369254	0,7248336
RP11-575M22.1	0,87	1,80	2,000473	0,897796	0,369294	NA
TCP1	774,11	0,39	0,439053	0,897735	0,369327	0,7249
SURF6	167,84	0,67	0,743571	0,897447	0,36948	0,7251246
ZNF511	370,44	0,57	0,637277	0,89734	0,369537	0,7251603
AL157902.3	1,66	3,34	3,72712	0,897327	0,369544	NA
MIR708	1,63	3,34	3,727225	0,897223	0,3696	NA
CTC-429L19.3	0,73	1,52	1,695649	0,896996	0,369721	NA
RP11-17A1.3	11,61	0,92	1,02111	0,896584	0,369941	0,7258751
NHLH1	1,64	3,34	3,727223	0,896475	0,369999	NA
AC129778.2	28,36	1,19	1,323985	0,896402	0,370038	0,7258757
NOP10	455,13	-0,34	0,38104	-0,89634	0,370072	0,7258757
RP11-254F19.3	2,36	-0,99	1,110025	-0,89628	0,370104	NA
CTB-129P6.4	1,49	-2,75	3,073609	-0,89625	0,37012	NA
HIP1	667,70	0,44	0,487588	0,896225	0,370133	0,7258757
HSD17B4	432,43	-0,55	0,617395	-0,89617	0,37016	0,7258757
UTS2B	69,77	-0,94	1,04805	-0,89615	0,370172	0,7258757
INGX	11,95	-1,12	1,248053	-0,89615	0,370175	0,7258757
LCLAT1	345,15	-0,34	0,379047	-0,89599	0,370259	0,7259002
SRGAP2	900,85	0,31	0,351218	0,895976	0,370266	0,7259002
RP1-33E13.1	2,67	3,34	3,724877	0,895821	0,370349	NA
ZNF429	78,06	-0,80	0,888113	-0,89575	0,370387	0,7260026
BAHCC1	31,12	-1,17	1,303987	-0,89573	0,370396	0,7260026
SS18	444,74	-0,47	0,523018	-0,89564	0,370443	0,7260051
PPP5D1	157,34	-0,46	0,518377	-0,89558	0,370475	0,7260051
LRFN3	2,25	-1,38	1,542248	-0,89542	0,370563	NA
RN7SL378P	1,43	-1,66	1,853132	-0,89538	0,370584	NA
RIC8A	286,18	0,73	0,820076	0,895353	0,370598	0,7261695
RP11-126O22.4	1,62	3,34	3,727214	0,89534	0,370606	NA
RP3-337H4.9	0,77	2,22	2,483069	0,89531	0,370621	NA
SAMD4B	253,70	-0,42	0,467726	-0,89508	0,370745	0,7263241
RP11-180M15.6	27,14	-0,86	0,955923	-0,89505	0,37076	0,7263241
ARSK	19,83	1,12	1,254933	0,894872	0,370856	0,7263241
SCRN1	605,16	-0,52	0,583565	-0,89483	0,370879	0,7263241
RWDD3	105,24	-0,62	0,696999	-0,89473	0,370932	0,7263241
ANKDD1A	38,03	-0,88	0,988599	-0,89457	0,371017	0,7263241
PCF11	759,15	-0,41	0,461592	-0,89456	0,371023	0,7263241
SEC13	986,99	0,30	0,331482	0,894516	0,371046	0,7263241
PRR4	3,58	2,36	2,634464	0,894472	0,371069	NA
MUC12	13,33	-1,84	2,052291	-0,89444	0,371086	0,7263241
TMEM154	661,95	0,48	0,536903	0,894376	0,371121	0,7263241
FUOM	268,05	0,45	0,504573	0,894367	0,371126	0,7263241

RTN4	2465,76	-0,21	0,231026	-0,89433	0,371146	0,7263241
C22orf42	0,38	-2,43	2,71264	-0,89432	0,371151	NA
SIGLEC1	1533,86	-0,90	1,001201	-0,89413	0,371253	0,7264128
TMEM237	47,64	1,40	1,568131	0,894099	0,371269	0,7264128
AC010492.2	1,25	2,96	3,313682	0,894075	0,371282	NA
RN7SL464P	0,34	-2,14	2,397243	-0,89401	0,371319	NA
ACVRL1	72,53	-1,05	1,17312	-0,89397	0,371337	0,7264685
APOL2	289,20	-0,52	0,585816	-0,89387	0,371392	0,7264995
FBF1	14,28	1,63	1,821034	0,89356	0,371557	0,7264995
ASL	405,66	-0,50	0,55958	-0,89352	0,371579	0,7264995
LEMD2	176,44	0,88	0,988876	0,893496	0,371591	0,7264995
RP11-303E16.7	6,37	-1,13	1,269772	-0,89349	0,371593	0,7264995
DESI2	210,75	-0,57	0,638381	-0,89339	0,37165	0,7264995
PNLDC1	1,64	2,24	2,50368	0,893356	0,371667	NA
SNORD36C	0,70	2,15	2,403383	0,893309	0,371692	NA
ZNF506	133,46	-0,57	0,633262	-0,89322	0,371739	0,7264995
GSTA4	21,93	-1,21	1,350045	-0,8932	0,371751	0,7264995
CREG1	666,48	-0,46	0,509471	-0,89318	0,371762	0,7264995
C17orf97	5,38	-1,76	1,968706	-0,89311	0,371798	0,7264995
LSM10	746,76	-0,54	0,605411	-0,89309	0,371811	0,7264995
RP11-133K1.9	31,69	-0,66	0,740548	-0,89307	0,371821	0,7264995
AC005578.3	2,18	1,54	1,728308	0,892669	0,372035	NA
NANOS3	0,35	-3,28	3,673459	-0,89259	0,372079	NA
ALKBH6	130,88	-0,72	0,80363	-0,89258	0,37208	0,7269296
AGAP6	313,02	-0,69	0,777553	-0,89218	0,372296	0,7271888
CTD-2561B21.5	5,65	1,06	1,191219	0,892072	0,372355	0,7271888
DNAH2	24,30	-0,59	0,661991	-0,89205	0,372365	0,7271888
ARL10	106,09	-0,73	0,813843	-0,89204	0,372369	0,7271888
CTC-490G23.2	2,27	-1,91	2,142343	-0,8919	0,372447	NA
NSMCE4A	288,62	0,71	0,791146	0,891878	0,372458	0,7272186
ZMAT2	279,06	-0,42	0,468543	-0,89187	0,372463	0,7272186
ZNF480	291,05	0,42	0,468947	0,891722	0,372542	0,7272975
PDE10A	8,16	-1,32	1,479811	-0,89141	0,372709	0,7275469
NRDC	1506,48	-0,28	0,310692	-0,89126	0,372788	0,7276242
HSPB11	112,23	0,60	0,675518	0,891086	0,372883	0,7276692
RBM27	323,77	0,57	0,642192	0,891075	0,372889	0,7276692
RP11-456H18.2	0,93	2,49	2,798599	0,891049	0,372903	NA
RP11-318K15.2	50,81	-0,67	0,748004	-0,89097	0,372945	0,7277032
EIF3K	3043,76	0,18	0,200501	0,890707	0,373086	0,7278411
SLC20A2	198,61	-0,62	0,700792	-0,89063	0,373129	0,7278411
C11orf49	226,67	-0,43	0,477465	-0,89062	0,373134	0,7278411
KRT8P12	43,04	-1,46	1,634386	-0,89045	0,373224	0,7278411
PPP1R15B	1004,03	-0,37	0,410856	-0,89044	0,37323	0,7278411
C16orf13	517,86	0,33	0,365663	0,890401	0,373251	0,7278411
ADAT2	286,91	0,57	0,644809	0,890198	0,373359	0,7279098
OR10AC1P	1,71	-1,36	1,523768	-0,8901	0,373413	NA
RP11-51J9.6	0,75	2,21	2,482454	0,890065	0,373431	NA
PQLC3	926,93	-0,45	0,509729	-0,89004	0,373442	0,7279098
AC145676.2	0,58	-3,01	3,379146	-0,89001	0,373459	NA
CNDP2	1389,17	0,29	0,322951	0,889992	0,37347	0,7279098

COPB2	1075,61	0,46	0,513805	0,889907	0,373516	0,7279098
BNC1	1,62	3,32	3,727348	0,889827	0,373559	NA
APELA	12,73	-0,70	0,791812	-0,88981	0,37357	0,7279098
SDHAP3	0,94	2,53	2,840027	0,889794	0,373577	NA
EHF	2,35	-2,01	2,254874	-0,88973	0,373611	NA
HTR2A	5,50	-0,97	1,087362	-0,88972	0,373615	0,7279098
RP11-118B23.7	10,67	1,38	1,547455	0,889705	0,373625	0,7279098
ZNF274	175,16	-0,76	0,856545	-0,88963	0,373666	0,7279098
ABHD3	171,03	0,81	0,914356	0,889617	0,373672	0,7279098
KIAA0895L	60,68	-0,76	0,85491	-0,88961	0,373677	0,7279098
HNRNPA3	1721,30	0,24	0,273355	0,889298	0,373843	0,7280528
RP13-444H2.1	28,64	-0,90	1,010727	-0,88928	0,373855	0,7280528
C17orf58	32,57	-1,29	1,451139	-0,88925	0,37387	0,7280528
RP11-342D14.1	6,11	-0,91	1,028972	-0,88918	0,373907	0,7280528
C6orf203	105,35	0,51	0,575939	0,889056	0,373973	0,728105
CTA-360L10.1	34,48	0,75	0,84753	0,888949	0,374031	0,7281408
RP11-1246C19.1	4,07	0,89	1,006116	0,888874	0,374071	0,7281428
RN7SL583P	1,61	3,31	3,727332	0,888809	0,374106	NA
LAG3	3,70	-2,10	2,360967	-0,8888	0,374108	NA
FOXD2	1,20	-1,98	2,225616	-0,88871	0,374158	NA
TMEM57	137,98	-0,65	0,735413	-0,88857	0,374236	0,7282364
PTK2B	665,38	0,35	0,396692	0,888557	0,374241	0,7282364
HNRNPH1	8170,08	0,20	0,227873	0,888521	0,37426	0,7282364
GBF1	252,87	0,45	0,502893	0,888475	0,374285	0,7282364
ATCAY	15,48	-0,75	0,845769	-0,88839	0,374333	0,7282364
EPHA1	13,70	0,71	0,800949	0,888348	0,374354	0,7282364
AZU1	3,61	-1,79	2,016272	-0,88832	0,374371	NA
RNU7-181P	6,14	1,06	1,196345	0,888168	0,37445	0,7282882
HADHA	2337,15	0,27	0,30113	0,888147	0,374461	0,7282882
RP11-78A19.3	366,97	0,49	0,553401	0,88798	0,374551	0,7282882
C17orf100	24,71	-1,41	1,585728	-0,88769	0,374705	0,7282882
DSE	813,28	-0,43	0,483275	-0,88767	0,374719	0,7282882
AP3S1	654,23	0,48	0,542628	0,887635	0,374737	0,7282882
RP11-550I24.2	14,95	-0,98	1,107111	-0,88756	0,374779	0,7282882
RPS4X	12350,00	0,19	0,208926	0,88753	0,374794	0,7282882
GPR108	424,46	0,40	0,451218	0,887481	0,37482	0,7282882
RP11-321G3.1	21,38	1,02	1,154842	0,887471	0,374825	0,7282882
RP11-354P11.4	15,21	-0,70	0,792346	-0,88743	0,374849	0,7282882
MAZ	449,83	-0,39	0,444659	-0,88741	0,374858	0,7282882
CTA-221G9.12	9,77	-0,73	0,818806	-0,88735	0,374889	0,7282882
AC004980.7	64,83	-0,89	1,000461	-0,88728	0,374929	0,7282884
NOS1	62,10	-0,40	0,449846	-0,88716	0,374995	0,7283414
ARID1B	917,68	0,29	0,32702	0,886919	0,375123	0,7283868
PIK3CD	940,58	-0,34	0,378493	-0,88688	0,375144	0,7283868
RPL29	7279,45	-0,17	0,193527	-0,88674	0,375218	0,7283868
DHX36	677,61	-0,44	0,496219	-0,88674	0,37522	0,7283868
MYC	15,89	-0,99	1,112653	-0,88665	0,37527	0,7283868
RP11-1415C14.4	5,56	1,95	2,193922	0,886643	0,375271	0,7283868
AC012358.4	7,85	-2,31	2,608415	-0,88655	0,375319	0,7283868
PTAR1	556,40	0,63	0,712262	0,886531	0,375332	0,7283868

RP11-85A1.3	29,58	1,62	1,832497	0,886378	0,375414	0,7284709
RNU6-917P	1,20	-2,72	3,067633	-0,88636	0,375425	NA
AC017006.3	3,33	0,95	1,071403	0,886282	0,375466	NA
RP11-388M20.6	5,04	-1,80	2,036671	-0,88602	0,375608	0,7287711
TMEM121	1,24	2,95	3,331096	0,885981	0,375628	NA
RP11-354E11.2	5,71	0,83	0,935191	0,885842	0,375703	0,7287731
TPM2	25,63	-1,01	1,142377	-0,88582	0,375714	0,7287731
RP11-197N18.2	2,88	1,57	1,768329	0,88582	0,375715	NA
AICDA	15,47	-0,46	0,514976	-0,8858	0,375727	0,7287731
CTD-2311B13.1	3,56	-3,21	3,622685	-0,88574	0,375759	NA
RP11-145E17.3	1,78	1,35	1,52286	0,885535	0,375868	NA
TTC9C	128,22	-0,84	0,951229	-0,88534	0,375974	0,7291765
AC068831.6	22,81	-0,55	0,621402	-0,88525	0,376023	0,7291954
OS9	873,04	0,32	0,356876	0,885147	0,376077	0,7292251
DPH1	129,30	0,78	0,876992	0,885073	0,376117	0,7292271
TCAIM	184,74	0,58	0,65079	0,884947	0,376185	0,7292832
AC073046.25	1,58	3,30	3,727448	0,884804	0,376262	NA
WDR18	308,54	-0,45	0,503506	-0,88464	0,376349	0,7294332
DOC2B	11,93	-0,81	0,910085	-0,88462	0,376362	0,7294332
WIPI2	555,71	-0,38	0,426149	-0,88451	0,376422	0,7294332
AQP9	6,57	-1,43	1,618259	-0,88444	0,376456	0,7294332
RUFY4	72,16	1,26	1,420099	0,88444	0,376459	0,7294332
RP11-462D18.2	0,41	-3,24	3,668233	-0,88441	0,376474	NA
RP11-90J19.1	92,52	-0,73	0,825869	-0,88425	0,376562	0,7294747
EFCAB5	63,55	-0,66	0,743263	-0,88421	0,376581	0,7294747
RP4-583P15.16	1,58	3,30	3,727466	0,884209	0,376583	NA
RP11-325K4.3	9,48	1,42	1,60192	0,884182	0,376598	0,7294747
CENPN	81,59	0,83	0,94167	0,884056	0,376666	0,7295025
RMDN1	388,90	0,58	0,660902	0,883902	0,376749	0,7295025
G3BP1	907,86	-0,42	0,473292	-0,88385	0,376775	0,7295025
RP11-525K10.3	0,69	-1,45	1,640616	-0,88384	0,376785	NA
C11orf45	10,72	2,20	2,494328	0,883802	0,376803	0,7295025
RP11-864I4.3	7,65	-0,92	1,046146	-0,88375	0,376829	0,7295025
RP11-215N21.1	10,86	0,80	0,910442	0,88372	0,376848	0,7295025
AC064847.3	0,48	-2,97	3,362812	-0,88367	0,376873	NA
RP4-681N20.5	0,60	1,92	2,167503	0,883556	0,376936	NA
RP11-89C3.4	1,58	3,29	3,727522	0,883507	0,376962	NA
RIMBP3C	2,00	3,01	3,40972	0,883462	0,376987	NA
RP11-181K12.2	0,63	-2,24	2,535041	-0,88334	0,377054	NA
AC002310.7	11,15	1,11	1,251924	0,883268	0,377092	0,7298989
RP11-518D3.1	19,23	1,02	1,15404	0,883086	0,37719	0,7300126
RP11-622L21.1	0,47	-3,24	3,665802	-0,88303	0,377219	NA
ARHGAP11B	16,56	1,42	1,609765	0,882947	0,377265	0,7300821
AC005822.1	0,74	2,22	2,519657	0,88284	0,377323	NA
TRIM31	4,10	1,32	1,496463	0,882592	0,377457	0,7303781
RP11-510H23.1	24,93	-0,99	1,120282	-0,88249	0,377512	0,7304082
RP4-684O24.5	1,58	3,29	3,727484	0,88245	0,377534	NA
TBXAS1	1138,22	-0,41	0,460603	-0,88233	0,377599	0,7304227
MRPS34	591,10	-0,32	0,363088	-0,88232	0,377602	0,7304227
CTD-2095E4.5	1,68	2,13	2,414798	0,882317	0,377605	NA

SPG11	884,95	-0,35	0,3913	-0,88226	0,377637	0,7304227
RP11-437L7.2	36,49	-0,53	0,606235	-0,88205	0,377749	0,7305632
CTD-2199O4.7	1,48	2,60	2,943341	0,881995	0,37778	NA
CTC-499J9.1	5,09	1,79	2,028314	0,881781	0,377895	0,7307578
CTD-2192J16.15	25,28	-0,44	0,496066	-0,88172	0,377928	0,7307578
CTC-518B2.12	0,90	2,49	2,828446	0,881607	0,37799	NA
RP11-68I3.5	5,05	-2,18	2,469555	-0,88152	0,378038	0,730872
RP11-10B2.3	1,65	-0,92	1,04807	-0,88148	0,378058	NA
RPL10	22407,16	0,13	0,148302	0,881446	0,378077	0,730872
RP11-47A8.5	6,84	-1,85	2,103668	-0,88139	0,378105	0,730872
CTD-3099C6.9	35,49	0,73	0,833085	0,881256	0,378179	0,7309394
KCNH7	2,38	3,28	3,725167	0,881162	0,37823	NA
FCHO1	269,16	0,37	0,420895	0,881024	0,378305	0,730959
RP11-399K21.12	116,58	0,58	0,65805	0,881005	0,378315	0,730959
RP11-304M2.3	2,83	-2,82	3,197105	-0,88098	0,378329	NA
TLL2	12,51	-0,86	0,977218	-0,88093	0,378356	0,730959
C1orf54	83,13	0,49	0,554457	0,880901	0,378371	0,730959
DDX59	175,32	0,59	0,671641	0,88084	0,378404	0,730959
RP11-382B18.1	395,37	-0,31	0,352612	-0,8808	0,378425	0,730959
RPL7A	8570,27	0,15	0,169019	0,880629	0,378519	0,7310638
EFCAB1	1,57	3,28	3,727882	0,880572	0,378549	NA
IL2RA	7,42	0,76	0,861018	0,880556	0,378558	0,7310649
AC016292.1	1,86	-1,79	2,029653	-0,88043	0,378625	NA
DDX46	745,77	0,23	0,256769	0,880417	0,378634	0,7311342
HELLS	54,52	-0,81	0,915285	-0,8802	0,37875	0,7312106
RP4-717I23.3	364,14	0,44	0,502822	0,880142	0,378783	0,7312106
MIR602	1,56	3,28	3,727532	0,880118	0,378795	NA
PTGIR	134,46	-0,79	0,897098	-0,8801	0,378807	0,7312106
RP11-165F24.2	1,55	3,28	3,727598	0,88001	0,378854	NA
AASDHPPT	283,13	0,56	0,639237	0,879996	0,378861	0,7312106
FCRL3	26,29	-1,21	1,370741	-0,87996	0,378883	0,7312106
QRSL1	193,69	-0,63	0,721492	-0,87991	0,378909	0,7312106
ADAM15	366,77	-0,33	0,372378	-0,87983	0,378953	0,7312144
AC073046.4	20,45	-1,70	1,932942	-0,87973	0,379007	0,7312144
GABPB1-AS1	739,13	0,53	0,604365	0,879687	0,379029	0,7312144
AD001527.7	8,93	-0,72	0,816968	-0,87959	0,379081	0,7312399
CTC-499B15.5	94,97	-0,68	0,770161	-0,87948	0,379142	0,7312808
RP11-157D23.1	1,56	3,28	3,727546	0,879332	0,379221	NA
CTB-134H23.3	8,42	0,98	1,112925	0,879306	0,379236	0,7313856
CCDC73	14,81	-1,46	1,656294	-0,87919	0,379297	0,731393
RP11-246E14.1	0,43	-3,23	3,669251	-0,87917	0,37931	NA
NSUN2	430,00	0,60	0,685854	0,879154	0,379318	0,731393
PERP	4,48	-2,25	2,560482	-0,87906	0,379369	0,7314155
ZSCAN4	2,77	-0,96	1,088014	-0,87888	0,379464	NA
RP11-255L13.1	1,21	1,09	1,240313	0,878813	0,379503	NA
RP11-3G20.2	2,37	1,51	1,722878	0,878801	0,379509	NA
FRG1B	12,01	1,28	1,457088	0,878638	0,379597	0,7316578
ZFYVE16	646,57	0,51	0,577572	0,878624	0,379605	0,7316578
RP11-21L23.2	4,68	-0,74	0,841271	-0,87856	0,379641	0,7316578
PPP3CA	873,36	-0,25	0,288574	-0,87854	0,379652	0,7316578

WNT7B	1,37	-1,37	1,558646	-0,87837	0,379741	NA
BAIAP2-AS1	156,27	0,56	0,635131	0,878305	0,379778	0,7317728
TLK2	352,52	0,44	0,505206	0,878181	0,379846	0,7317728
GPATCH1	68,56	-0,84	0,958252	-0,87817	0,379853	0,7317728
ANKRD39	97,33	0,81	0,918562	0,877909	0,379993	0,7317728
NAB2	136,54	1,05	1,199886	0,877829	0,380037	0,7317728
RAB34	622,27	-0,42	0,483732	-0,87776	0,380073	0,7317728
ZNF117	122,88	0,54	0,619127	0,877756	0,380076	0,7317728
PDE4A	418,52	-0,53	0,601803	-0,87768	0,380116	0,7317728
ANKFY1	576,09	-0,52	0,587709	-0,87767	0,380122	0,7317728
RP11-395I6.3	17,39	-1,69	1,928458	-0,87766	0,380126	0,7317728
RP11-1020A11.2	58,73	0,73	0,831367	0,87763	0,380144	0,7317728
AC093106.7	2,23	1,01	1,14593	0,877597	0,380163	NA
RP5-872K7.7	1,58	3,27	3,727889	0,877448	0,380243	NA
CTC-378H22.1	28,16	-1,39	1,58712	-0,87741	0,380266	0,7317856
TRBV9	11,09	-3,17	3,611761	-0,8774	0,380268	0,7317856
RP1-155D22.1	0,40	-3,22	3,669315	-0,87735	0,380298	NA
RP11-25K21.1	6,73	1,10	1,256291	0,877252	0,38035	0,7317856
VPS51	648,13	-0,40	0,460191	-0,87707	0,380448	0,7317856
ZNF597	43,82	1,36	1,545583	0,877048	0,380461	0,7317856
ZNF784	31,82	-1,04	1,180445	-0,87703	0,380469	0,7317856
UCA1	47,21	-0,71	0,811394	-0,87702	0,380476	0,7317856
CTD-2270P14.2	53,43	-0,90	1,022892	-0,87701	0,380481	0,7317856
CASQ1	2,43	-1,59	1,812965	-0,877	0,380488	NA
HMHA1	1468,77	-0,34	0,392045	-0,87697	0,380505	0,7317856
CTB-47B11.3	42,12	0,31	0,354343	0,876674	0,380664	0,732015
RP11-54G14.1	17,64	-0,83	0,94927	-0,87645	0,380784	0,7321718
RP11-692N5.2	1,02	-1,84	2,095016	-0,87645	0,380785	NA
AP005530.1	0,62	-1,43	1,628195	-0,87642	0,380804	NA
VWA3A	2,26	-2,25	2,572716	-0,87625	0,380893	NA
TAF9	612,68	0,52	0,589193	0,87624	0,380899	0,7323097
RP11-147I3.1	40,67	0,80	0,908663	0,876175	0,380935	0,7323097
RP11-262A12.1	0,33	-3,22	3,672906	-0,87616	0,380945	NA
CASC2	1,59	-2,25	2,571959	-0,87604	0,381009	NA
MID1IP1	41,27	-0,54	0,612611	-0,87596	0,381054	0,7324621
HIST1H2AL	12,76	-1,49	1,696109	-0,87578	0,381147	0,7325137
AC005307.1	2,85	1,40	1,60038	0,875763	0,381159	NA
OSBPL9	356,83	0,51	0,579352	0,875763	0,381159	0,7325137
LL22NC03-N64E9.1	1,54	3,26	3,727601	0,875751	0,381165	NA
RP11-111L24.3	0,40	-3,21	3,669418	-0,87549	0,381309	NA
PPP2R5B	35,82	0,99	1,131429	0,875461	0,381323	0,7327069
AC011737.2	3,58	1,33	1,518361	0,875424	0,381343	NA
TRPV3	13,05	-0,56	0,637712	-0,87537	0,381371	0,7327069
CTD-2228K2.5	96,43	-1,03	1,180863	-0,87536	0,381378	0,7327069
C3orf49	3,23	-1,02	1,165137	-0,87532	0,381402	NA
RN7SL578P	0,75	2,17	2,476285	0,875313	0,381404	NA
RP11-686D22.10	0,40	-3,21	3,669481	-0,8753	0,381412	NA
AK4	52,18	-1,33	1,515823	-0,87516	0,381488	0,7327825
IDO2	7,16	-0,72	0,818741	-0,87512	0,381508	0,7327825
RN7SL18P	7,06	-1,00	1,137345	-0,87507	0,381535	0,7327825

ACVR1B	56,13	-0,84	0,961671	-0,87479	0,381686	0,7328395
BCS1L	190,73	0,74	0,851602	0,874742	0,381714	0,7328395
TRAF6	135,89	0,96	1,099382	0,874735	0,381718	0,7328395
ZNF335	316,29	-0,36	0,413672	-0,87468	0,381747	0,7328395
PPP4C	824,87	-0,30	0,339785	-0,87461	0,381788	0,7328395
SLC12A5	2,23	-1,64	1,878021	-0,87452	0,381835	NA
MBD4	380,36	0,41	0,463343	0,874513	0,381839	0,7328395
RP11-736K20.4	28,29	-0,50	0,574605	-0,87447	0,38186	0,7328395
PCDH11Y	5,23	-0,83	0,943482	-0,87444	0,38188	0,7328395
CTD-2353F22.1	11,08	-1,61	1,835992	-0,8743	0,381957	0,7329122
PLA2G2C	24,12	-1,29	1,474485	-0,8742	0,382011	0,7329388
RP11-354M20.3	1,98	-2,46	2,8132	-0,87419	0,382013	NA
NCOA1	782,04	-0,51	0,588784	-0,87411	0,38206	0,7329574
RN7SL840P	3,08	1,11	1,272079	0,874081	0,382074	NA
CMBL	9,01	0,61	0,703033	0,873998	0,38212	0,7329966
ZNF816	3,59	-0,89	1,020409	-0,87396	0,382138	NA
CLRN1OS	1,98	-0,85	0,971411	-0,87387	0,38219	NA
XRRA1	200,97	-0,56	0,646487	-0,87384	0,382207	0,7330507
RP11-65M17.3	13,58	-2,09	2,397584	-0,87379	0,382234	0,7330507
SRP68	343,72	-0,60	0,681496	-0,87364	0,382313	0,7330507
RP11-665C16.4	1,90	2,34	2,678957	0,873611	0,38233	NA
RP11-38J22.1	1,54	3,26	3,72765	0,87348	0,382402	NA
SFT2D3	70,39	-2,47	2,823063	-0,87343	0,382427	0,7330507
NFIA	65,61	-0,93	1,059115	-0,87338	0,382455	0,7330507
TICAM1	61,67	-0,89	1,016741	-0,87335	0,382473	0,7330507
DPP3	186,91	-0,74	0,850771	-0,87322	0,382544	0,7330507
AC016736.2	3,23	1,37	1,565835	0,873204	0,382552	NA
SLC27A4	80,16	-0,90	1,03595	-0,87316	0,382577	0,7330507
ACP1	539,31	0,46	0,531418	0,873154	0,382579	0,7330507
ANGPTL3	1,06	2,77	3,16793	0,873149	0,382582	NA
LA16c-385E7.1	14,10	-0,72	0,82478	-0,87305	0,382637	0,7330507
CBFB	366,32	0,46	0,530082	0,872967	0,382681	0,7330507
BEND4	4,98	3,24	3,708096	0,87294	0,382696	0,7330507
RHBDL2	9,70	-0,58	0,660066	-0,87291	0,382711	0,7330507
RNU7-49P	0,57	-1,71	1,959785	-0,87291	0,382712	NA
RP1-7G5.6	4,14	-1,11	1,272842	-0,8729	0,382716	0,7330507
TRAF2	76,52	-0,64	0,737907	-0,87286	0,382739	0,7330507
ATG4C	356,11	-0,71	0,816197	-0,87273	0,382812	0,7330575
OVCA2	461,89	-0,62	0,710484	-0,87256	0,382904	0,7330575
NLK	145,27	0,96	1,0981	0,872511	0,38293	0,7330575
NIFK	288,48	-0,51	0,582939	-0,87251	0,382933	0,7330575
OR7E59P	0,83	-1,37	1,570688	-0,87241	0,382985	NA
RP11-648O15.1	2,07	-1,29	1,474991	-0,87236	0,383013	NA
DCTN1	312,88	-0,40	0,456284	-0,87231	0,38304	0,7330575
ZNF736	97,16	0,63	0,725265	0,872175	0,383113	0,7330575
SERINC5	703,96	-0,36	0,413855	-0,8721	0,383155	0,7330575
AC003102.3	40,95	-0,49	0,559314	-0,87208	0,383167	0,7330575
KIF22	273,42	-0,33	0,38034	-0,87207	0,383169	0,7330575
PRPSAP1	249,40	0,63	0,71701	0,872065	0,383173	0,7330575
RP11-267A15.3	1,16	-3,05	3,495275	-0,87206	0,383174	NA

LINC00506	266,82	0,35	0,399257	0,871989	0,383214	0,7330575
EGOT	4,04	1,64	1,878125	0,87198	0,383219	0,7330575
BBS1	53,21	-0,82	0,945512	-0,87192	0,383255	0,7330575
RP11-587P21.3	1,12	2,79	3,20268	0,871858	0,383286	NA
RP11-83A16.1	0,40	-2,93	3,355496	-0,87176	0,383342	NA
RP11-462G12.1	4,72	1,95	2,235253	0,871337	0,38357	0,7335858
CTD-2349P21.7	1,37	-1,42	1,626375	-0,8713	0,383588	NA
DARS2	91,80	-1,03	1,183203	-0,87124	0,383623	0,7336121
CABYR	7,01	-1,00	1,14246	-0,87116	0,383667	0,73362
FSCN2	0,64	-2,91	3,346198	-0,87103	0,383735	NA
RP11-348P10.1	0,92	-3,18	3,656696	-0,87089	0,383815	NA
RP11-981G7.1	34,89	0,96	1,097987	0,870512	0,384021	0,7341306
TLN2	16,12	1,63	1,867013	0,870393	0,384086	0,7341306
RP11-107E5.3	737,96	-0,43	0,493553	-0,87035	0,384111	0,7341306
E2F6	89,73	0,95	1,096542	0,870338	0,384116	0,7341306
DOK6	6,98	-1,01	1,155425	-0,87031	0,384131	0,7341306
USP17L22	0,33	-3,20	3,673852	-0,87029	0,384143	NA
AL109761.5	0,48	-2,92	3,355291	-0,87019	0,384195	NA
AC003989.3	4,37	2,23	2,565446	0,870162	0,384212	0,7342097
RP11-64C1.1	0,85	-2,68	3,079043	-0,87	0,384299	NA
GBA2	264,81	0,59	0,678004	0,869951	0,384327	0,7343453
SUPT4H1	733,81	-0,34	0,39338	-0,86989	0,384362	0,7343453
IGLC2	60,45	-0,90	1,030814	-0,86957	0,384535	0,7345392
LIPC	14,18	0,94	1,07911	0,869557	0,384542	0,7345392
HDAC1	478,78	-0,47	0,536676	-0,86938	0,384641	0,7346512
PTPRF	2,51	-1,08	1,245818	-0,86933	0,384667	NA
SYNGR1	375,94	-0,51	0,584623	-0,8693	0,384685	0,73466
HDGF	426,62	-0,29	0,331368	-0,86922	0,384728	0,7346674
C5orf45	437,22	0,48	0,550477	0,869017	0,384838	0,7347792
KPTN	56,95	1,17	1,342702	0,868966	0,384866	0,7347792
RP11-343J3.2	1,38	-1,26	1,447529	-0,86885	0,384928	NA
JADE1	367,85	0,58	0,668088	0,868779	0,384968	0,7348643
RP11-20I23.6	25,42	-0,58	0,662451	-0,86874	0,384989	0,7348643
RP11-28G8.1	29,99	0,95	1,089989	0,868605	0,385063	0,7349307
DYNC2H1	42,76	1,09	1,258685	0,86818	0,385296	0,7352988
WDR43	785,90	-0,41	0,469026	-0,868	0,385394	0,7354116
RP1-140C12.2	4,43	-0,80	0,918467	-0,86783	0,385487	0,7354852
SIKE1	275,18	0,69	0,800698	0,867785	0,385512	0,7354852
RP11-351M8.1	0,70	2,08	2,395814	0,867697	0,38556	NA
TFB1M	70,64	0,82	0,941087	0,867566	0,385632	0,7356385
RP11-135J2.2	17,74	1,34	1,548375	0,867482	0,385678	0,735651
RP11-704M14.1	0,34	-3,18	3,667778	-0,86728	0,385788	NA
RP11-497K21.1	5,19	-0,92	1,057738	-0,86722	0,385821	0,735849
RP11-762H8.1	1,52	3,23	3,727704	0,867215	0,385824	NA
CD53	4472,67	0,24	0,279666	0,867083	0,385897	0,7359091
HCG27	3,02	1,61	1,8621	0,866988	0,385949	NA
AC008268.3	133,90	-0,45	0,524396	-0,86692	0,385985	0,7359091
RP11-452H21.2	8,11	1,03	1,185763	0,866893	0,386001	0,7359091
RBAK	165,18	0,71	0,818567	0,866874	0,386011	0,7359091
PP2D1	1,17	2,86	3,294723	0,866607	0,386157	NA

MTF2	733,39	0,34	0,393124	0,866563	0,386182	0,736159
CEACAM22P	8,22	-0,72	0,833316	-0,86647	0,386235	0,7361846
RN7SL162P	1,03	2,00	2,313813	0,86644	0,386249	NA
SRCAP	114,97	0,59	0,678977	0,866378	0,386283	0,7362006
AC079922.3	1,90	-1,65	1,904982	-0,86627	0,386345	NA
PNCK	4,71	1,28	1,475194	0,866265	0,386345	0,7362433
SMCO1	1,06	-2,32	2,67871	-0,86614	0,386414	NA
STK26	157,56	-0,52	0,599834	-0,86603	0,386475	0,736417
RP11-674J14.3	2,42	2,69	3,105489	0,866017	0,386481	NA
METAP2	502,25	-0,32	0,364624	-0,86593	0,38653	0,7364465
RP11-454H19.2	1,01	2,01	2,318466	0,865909	0,38654	NA
RN7SL386P	0,90	2,45	2,83157	0,865862	0,386566	NA
UBR5	894,73	-0,36	0,411102	-0,86581	0,386597	0,7364956
AP000347.4	1,92	2,36	2,728237	0,865631	0,386693	NA
ADAM3A	9,61	-1,07	1,236567	-0,86562	0,386696	0,7364956
E4F1	219,04	-0,63	0,723109	-0,86559	0,386714	0,7364956
TSHR	141,49	-0,57	0,656376	-0,86559	0,386715	0,7364956
RP5-1074L1.4	1,25	1,72	1,986955	0,865522	0,386753	NA
RP11-473O4.1	1,99	2,39	2,759288	0,865313	0,386867	NA
SLC35B3	149,01	-1,02	1,183668	-0,86529	0,386879	0,7367325
RP11-544A12.5	1,19	1,63	1,880477	0,86516	0,386951	NA
SP3	725,98	0,43	0,496326	0,865147	0,386958	0,7368089
SCARNA10	2,47	-2,04	2,359824	-0,86506	0,387005	NA
SAR1B	577,28	-0,47	0,542751	-0,86505	0,387012	0,7368356
RMI2	1,73	2,64	3,046653	0,864955	0,387063	NA
RP11-532F12.7	10,19	-0,67	0,771628	-0,86481	0,387146	0,7369923
EEF1D	4669,49	-0,18	0,213694	-0,86475	0,387173	0,7369923
RN7SL186P	0,90	2,45	2,831637	0,864743	0,38718	NA
NFE2L3	206,88	0,54	0,619124	0,864492	0,387317	0,737191
RP11-471L13.3	1,85	2,94	3,407402	0,864288	0,38743	NA
RP11-96O20.1	11,30	-0,74	0,861669	-0,86428	0,387432	0,7372614
PIK3C2B	66,64	-0,91	1,056068	-0,86428	0,387434	0,7372614
DMRT1	2,97	1,09	1,261723	0,86424	0,387456	NA
SIRT4	1,45	3,22	3,728307	0,864232	0,38746	NA
RABEP1	533,54	-0,42	0,487487	-0,86415	0,387508	0,7373277
MAP3K15	18,20	0,80	0,922417	0,863954	0,387613	0,7374525
RP11-897M7.3	28,09	-0,75	0,866233	-0,86374	0,387733	0,7376048
ARHGEF15	1,02	-1,27	1,475562	-0,86373	0,387734	NA
RP11-543N17.2	0,98	-2,62	3,036358	-0,8636	0,387806	NA
AC005253.2	5,62	-0,99	1,143085	-0,86347	0,38788	0,7376107
RP1-68D18.4	87,72	-0,65	0,757369	-0,86326	0,387996	0,7376107
ZPBP2	18,37	-1,26	1,459083	-0,86325	0,387999	0,7376107
PCM1	1283,99	0,33	0,382202	0,863245	0,388003	0,7376107
FBXO41	182,96	0,75	0,871857	0,863244	0,388003	0,7376107
SULT1C2	20,54	0,78	0,906741	0,863201	0,388027	0,7376107
PRDM11	19,67	1,03	1,191182	0,863197	0,388029	0,7376107
AC063976.7	9,65	-0,76	0,878021	-0,86311	0,388075	0,7376107
CH17-264B6.4	1,51	3,22	3,727843	0,863058	0,388105	NA
PIGH	121,08	0,54	0,630458	0,862972	0,388153	0,7376107
LINC00470	5,30	0,99	1,151769	0,86296	0,388159	0,7376107

PDE8A	168,19	0,55	0,636605	0,862937	0,388172	0,7376107
DDB2	325,55	-0,53	0,613626	-0,86276	0,388272	0,7377078
RP11-809017.1	51,91	0,85	0,987024	0,862699	0,388303	0,7377078
TMEM17	1,90	0,91	1,056025	0,862591	0,388363	NA
SLC38A11	1,29	2,53	2,927952	0,862544	0,388388	NA
AC010894.5	1,49	3,22	3,727839	0,862462	0,388433	NA
NKX3-1	43,34	-1,00	1,164692	-0,86233	0,388507	0,7380206
RNU6-315P	1,50	3,21	3,727943	0,862204	0,388575	NA
RP11-297N6.4	7,48	1,04	1,200995	0,862161	0,388599	0,7381058
FAM193A	340,56	-0,47	0,543579	-0,86205	0,38866	0,7381058
IRS2	389,10	-0,61	0,705394	-0,86198	0,388697	0,7381058
THTPA	44,13	-2,00	2,317392	-0,86182	0,388784	0,7381058
RP11-107N7.1	4,61	1,13	1,309941	0,861761	0,388819	0,7381058
IL18BP	158,37	0,57	0,661459	0,861716	0,388844	0,7381058
NPW	1,49	3,21	3,728074	0,86166	0,388874	NA
ATP6AP1	1937,43	0,22	0,260379	0,861507	0,388959	0,7381058
RP11-516C1.1	0,87	2,43	2,819493	0,861468	0,38898	NA
CWF19L2	149,85	-0,64	0,748112	-0,86135	0,389045	0,7381058
ZNF879	6,33	-1,11	1,283191	-0,86131	0,389069	0,7381058
AP000487.5	23,41	0,53	0,615849	0,861233	0,38911	0,7381058
HUNK	25,54	-0,54	0,629448	-0,86123	0,38911	0,7381058
PARG	146,13	0,62	0,718654	0,861221	0,389116	0,7381058
SLC4A2	201,95	-0,41	0,473736	-0,86119	0,389131	0,7381058
GAGE1	20,36	-1,02	1,183451	-0,86119	0,389136	0,7381058
LCOR	1146,28	0,40	0,462658	0,861119	0,389172	0,7381058
RP3-467L1.6	3,16	2,20	2,551909	0,861081	0,389193	NA
RP11-627K11.7	19,85	1,40	1,630022	0,861021	0,389226	0,7381058
UFD1L	727,87	0,39	0,454625	0,861007	0,389234	0,7381058
PNISR	2089,05	-0,14	0,156841	-0,86094	0,389274	0,7381058
ARRDC3-AS1	46,67	0,61	0,711327	0,860877	0,389306	0,7381058
COL27A1	11,59	0,64	0,73967	0,86077	0,389365	0,7381207
WDR54	219,28	-0,70	0,810123	-0,86072	0,389393	0,7381207
RP4-635A23.2	1,69	0,88	1,025818	0,860711	0,389397	NA
RP11-229O3.1	1,10	1,52	1,768771	0,860685	0,389412	NA
RP4-594A5.1	0,68	2,07	2,410288	0,860664	0,389423	NA
GPATCH2	235,13	0,57	0,662756	0,860562	0,38948	0,7382008
RN7SL140P	1,12	2,79	3,245815	0,86051	0,389508	NA
PGM3	97,15	0,87	1,007211	0,860498	0,389514	0,7382008
SLC25A51	62,65	-0,80	0,929794	-0,86041	0,389564	0,7382199
RP11-996F15.6	1,49	3,21	3,727869	0,860405	0,389566	NA
PIP5K1A	86,74	0,38	0,447469	0,860227	0,389664	0,7383148
CTD-2175A23.1	2,47	2,02	2,34806	0,860172	0,389694	NA
COX10-AS1	151,65	0,37	0,435576	0,86009	0,389739	0,7383148
RPL18	9681,55	-0,16	0,188774	-0,86005	0,389759	0,7383148
RNU5A-8P	1,48	3,21	3,727919	0,860034	0,38977	NA
RP11-127I20.8	27,50	1,14	1,328158	0,860029	0,389773	0,7383148
RP11-411K7.4	3,63	-0,90	1,048019	-0,85973	0,389937	NA
FN3KRP	117,34	1,09	1,265165	0,859714	0,389947	0,7383988
RP11-436I9.6	0,32	-3,16	3,674768	-0,85951	0,390061	NA
SETD9	90,83	1,09	1,27294	0,859492	0,390069	0,7383988

VPS18	119,18	0,71	0,826215	0,859471	0,390081	0,7383988
ASH1L	1075,09	-0,36	0,41651	-0,85945	0,390094	0,7383988
RP11-24B13.2	7,25	-0,89	1,032573	-0,85942	0,390108	0,7383988
TM7SF3	406,32	-0,55	0,639274	-0,8594	0,390117	0,7383988
RCE1	124,55	0,91	1,060982	0,859346	0,39015	0,7383988
BMF	328,73	-0,41	0,479439	-0,85922	0,390217	0,7383988
GEMIN8	187,59	0,96	1,114023	0,859212	0,390224	0,7383988
CTD-2636A23.2	34,40	-0,83	0,963968	-0,85914	0,390266	0,7383988
RP11-444I9.2	6,86	-1,76	2,044445	-0,85909	0,390294	0,7383988
CYP4A11	25,85	-1,21	1,411589	-0,85908	0,390294	0,7383988
RGS14	557,85	0,37	0,431762	0,858761	0,390472	0,7386613
RP11-582J16.5	24,65	1,45	1,693025	0,858679	0,390518	0,7386726
CTA-796E4.4	1,47	3,20	3,727921	0,858654	0,390531	NA
TTL10	1,24	1,52	1,772415	0,858524	0,390603	NA
RP11-757O6.2	0,83	-2,86	3,329646	-0,85834	0,390706	NA
MT2A	402,46	-0,57	0,667558	-0,85834	0,390706	0,7389167
OPRD1	50,70	-0,46	0,539543	-0,85827	0,390743	0,7389167
HDLBP	907,89	-0,32	0,368819	-0,8582	0,390781	0,7389167
TRIM60	7,31	-0,82	0,959248	-0,85816	0,390806	0,7389167
AC096669.1	2,83	1,34	1,565705	0,85801	0,390887	NA
IGFLR1	1939,89	0,23	0,267725	0,857842	0,39098	0,7390743
RABL2B	149,16	0,57	0,661038	0,857797	0,391004	0,7390743
ZNHIT3	579,51	-0,52	0,60669	-0,85777	0,391021	0,7390743
SPP2	12,97	0,71	0,828086	0,857716	0,391049	0,7390743
RP11-1D12.1	3,39	1,53	1,788253	0,857713	0,391051	NA
HIST1H2AC	68,94	-1,18	1,378274	-0,85758	0,391122	0,7390743
RP11-641A6.2	4,88	1,29	1,499367	0,857457	0,391192	0,7390743
RAB31	3680,37	-0,26	0,307063	-0,85742	0,391215	0,7390743
AC012065.6	0,32	-3,15	3,674864	-0,85732	0,391269	NA
MTSS1	284,63	-0,68	0,795653	-0,85731	0,391274	0,7390743
RP5-1077I2.3	0,32	-3,15	3,674939	-0,85729	0,391287	NA
RELT	726,53	0,37	0,431828	0,857208	0,39133	0,7390743
ACP5	14,86	1,40	1,637613	0,857091	0,391395	0,7390743
AC004593.3	13,54	1,27	1,485208	0,857088	0,391396	0,7390743
CH507-9B2.9	143,66	0,69	0,806817	0,857024	0,391432	0,7390743
ZNF615	25,11	0,69	0,807331	0,857024	0,391432	0,7390743
AL355093.2	7,89	-2,41	2,814247	-0,857	0,391445	0,7390743
AP001630.5	2,76	2,13	2,485835	0,8566	0,391666	NA
CTD-2342N23.3	3,79	2,95	3,448479	0,856585	0,391674	0,7394314
LPXN	1588,50	0,29	0,33417	0,856373	0,391791	0,7395777
RP1-100J12.1	5,85	1,46	1,701913	0,856204	0,391885	0,7396796
AC024592.12	44,98	0,62	0,728157	0,855975	0,392012	0,7398434
SETX	1840,89	-0,35	0,406258	-0,85588	0,392062	0,7398632
AC079005.2	1,47	3,19	3,727964	0,855858	0,392076	NA
RP11-626G3.1	18,80	-0,56	0,651063	-0,85576	0,392132	0,7399214
FAM60A	510,62	0,41	0,477054	0,855573	0,392234	0,7400377
ATP8A1	169,58	0,61	0,709839	0,855243	0,392417	0,7401708
RP11-283G6.4	1,08	2,75	3,219916	0,855165	0,39246	NA
CTA-992D9.8	41,63	-0,56	0,649232	-0,85508	0,392506	0,7401708
METTL12	54,65	-0,53	0,625629	-0,85505	0,392522	0,7401708

RP11-863P13.4	64,06	1,19	1,391912	0,855047	0,392525	0,7401708
RP5-1181K21.4	5,12	-0,69	0,806431	-0,85505	0,392526	0,7401708
RP11-298P3.4	0,83	2,38	2,787214	0,85503	0,392535	NA
RP11-1096D5.1	38,65	-0,85	0,996214	-0,85499	0,392556	0,7401708
RP11-259K5.2	22,88	0,70	0,821264	0,854943	0,392583	0,7401708
FAM219B	240,65	-0,45	0,531572	-0,85476	0,392684	0,7402119
RP4-549L20.2	4,17	-1,44	1,684173	-0,8547	0,392719	0,7402119
IGHA1	44,25	-0,61	0,708874	-0,85469	0,392724	0,7402119
SHC1	301,60	-0,50	0,581971	-0,85439	0,392891	0,7404321
COX11	157,03	-0,57	0,666533	-0,85433	0,392921	0,7404321
AC068831.18	165,52	0,58	0,673179	0,854165	0,393014	0,7404692
ZNF384	25,72	1,02	1,189256	0,854154	0,39302	0,7404692
GHC-857G6.7	1,27	-1,12	1,315869	-0,85411	0,393042	NA
RP11-504I13.2	27,26	1,20	1,407435	0,853985	0,393113	0,7405131
IL3	1,05	-2,30	2,694951	-0,85398	0,393117	NA
GOLGA6B	0,33	-3,13	3,668986	-0,85397	0,393123	NA
RP11-536O18.2	2,48	-0,89	1,037478	-0,85391	0,393156	NA
C5orf66	89,44	-0,71	0,832476	-0,8539	0,393158	0,7405131
KCNH5	9,95	-1,00	1,166422	-0,8539	0,393163	0,7405131
C8orf58	58,46	-1,44	1,68275	-0,85381	0,393211	0,7405288
OLMALINC	774,51	-0,37	0,435239	-0,85373	0,393257	0,7405416
LINC01451	0,31	-3,14	3,684305	-0,85358	0,393338	NA
EFHD2	1226,41	-0,26	0,302588	-0,85357	0,393343	0,7406286
RP11-6L6.4	1,48	3,18	3,727965	0,853402	0,393437	NA
RFX8	1,34	3,18	3,728769	0,853298	0,393494	NA
CUL4B	397,05	0,56	0,654889	0,853134	0,393585	0,7409606
PEF1	532,51	0,70	0,822787	0,853108	0,393599	0,7409606
KIAA1715	336,38	-0,69	0,805618	-0,85298	0,393673	0,7410238
AC092798.3	13,53	-1,70	1,997609	-0,85285	0,393743	0,7410812
AF131216.6	85,44	0,86	1,009337	0,852744	0,393801	0,7411157
KIF24	1,10	2,79	3,266645	0,85263	0,393865	NA
CACNB2	45,52	-0,88	1,036774	-0,8526	0,39388	0,7411899
RP11-41O4.1	6,90	-1,15	1,34387	-0,85217	0,394117	0,7415141
KRT7	1,55	3,17	3,715117	0,852164	0,394123	NA
ZNF81	124,43	-0,90	1,053388	-0,8521	0,394157	0,7415141
PLA2G7	93,22	0,89	1,039713	0,852075	0,394172	0,7415141
SLC35A4	559,74	0,46	0,538736	0,851867	0,394288	0,7416569
RP11-430M15.1	0,32	-2,81	3,293476	-0,85171	0,394377	NA
COL20A1	4,31	-1,53	1,794214	-0,85164	0,394414	0,7417474
LINC00327	6,38	1,74	2,044449	0,851497	0,394493	0,7417474
NDUFA9	880,98	-0,40	0,474854	-0,85147	0,39451	0,7417474
NDUFA2	615,89	-0,24	0,285167	-0,85146	0,394516	0,7417474
ALG8	193,33	-0,51	0,601441	-0,85142	0,394535	0,7417474
NPIPP1	48,69	0,65	0,757737	0,851292	0,394607	0,7417548
CLOCK	186,22	0,70	0,825323	0,85127	0,394619	0,7417548
AC097468.7	0,63	-1,90	2,227955	-0,85121	0,394654	NA
RP11-212F11.1	1,07	2,74	3,215099	0,851196	0,39466	NA
ZNF148	378,73	-0,50	0,588631	-0,85117	0,394677	0,7417894
RP11-392M9.2	1,45	3,17	3,728062	0,851065	0,394733	NA
RP11-701H24.5	5,55	-2,56	3,006376	-0,85096	0,39479	0,7419261

LRRN4CL	2,66	-1,01	1,189364	-0,85094	0,3948	NA
MRPS5	635,95	-0,34	0,398335	-0,85069	0,394939	0,7421318
BHMT	8,44	1,17	1,376072	0,850477	0,39506	0,7422615
AL109763.2	9,31	-1,43	1,679638	-0,85039	0,395107	0,7422615
RNU6-151P	1,44	3,17	3,728088	0,850269	0,395176	NA
MAK16	111,11	0,81	0,952296	0,850255	0,395183	0,7422615
AC004156.3	44,09	-0,51	0,605282	-0,85023	0,395196	0,7422615
GPR75	1,87	-1,79	2,103052	-0,85022	0,395203	NA
NLRP2	28,85	-0,50	0,59385	-0,85014	0,395249	0,7422615
RP11-667K14.4	29,06	-1,13	1,325194	-0,85011	0,395262	0,7422615
SAP30	125,16	-0,61	0,714832	-0,85004	0,395304	0,7422615
ERI1	86,98	0,81	0,953301	0,849996	0,395328	0,7422615
RP11-354K1.2	1,01	-1,15	1,354016	-0,84967	0,395507	NA
TTC21A	95,29	-0,65	0,767867	-0,84964	0,395527	0,7424744
ZNF30	5,26	2,52	2,966858	0,849477	0,395616	0,7424744
SPHK1	46,73	-0,99	1,168167	-0,84947	0,395618	0,7424744
CPNE2	104,45	0,80	0,941036	0,849421	0,395647	0,7424744
RP4-740C4.7	12,27	-1,24	1,456313	-0,84939	0,395666	0,7424744
TLR1	319,63	0,61	0,716051	0,849356	0,395683	0,7424744
AC005351.1	1,46	3,17	3,72811	0,849319	0,395704	NA
RN7SL127P	14,18	-0,92	1,078654	-0,84919	0,395774	0,7424744
RP5-838N20.6	1,08	2,75	3,235873	0,849193	0,395774	NA
U47924.32	1,41	-1,72	2,030682	-0,84901	0,395873	NA
AC002553.4	1,84	2,92	3,444933	0,848877	0,39595	NA
CTD-3110H11.1	18,58	-1,23	1,447832	-0,84888	0,39595	0,7424744
LMOD2	1,13	2,19	2,583501	0,84882	0,395982	NA
RP11-229P13.22	3,59	-0,89	1,044152	-0,84876	0,396017	NA
RP11-106J23.1	0,70	-2,53	2,984668	-0,84868	0,39606	NA
TMEM239	1,30	-1,22	1,432231	-0,84863	0,396088	NA
CORO7	911,60	-0,35	0,41208	-0,84861	0,396098	0,7424744
RP11-854K16.1	3,43	1,49	1,753442	0,848593	0,396108	NA
ARSB	442,51	0,53	0,62925	0,848545	0,396134	0,7424744
GGA3	391,09	-0,40	0,468575	-0,84852	0,396149	0,7424744
TMEM25	5,32	-0,83	0,978611	-0,84823	0,396312	0,7424744
ZNF528	51,34	-0,64	0,757308	-0,84819	0,396334	0,7424744
URAD	1,12	2,79	3,290912	0,848183	0,396336	NA
RP11-1197K16.2	0,88	1,73	2,037119	0,848179	0,396338	NA
PDCD4	698,66	0,29	0,342971	0,847983	0,396448	0,7424744
RNF181	636,53	-0,24	0,281897	-0,84791	0,396486	0,7424744
CEP131	48,44	-1,02	1,199766	-0,84788	0,396505	0,7424744
BTG3	136,94	-0,80	0,946279	-0,84784	0,396526	0,7424744
MFSD8	244,61	0,56	0,664123	0,847837	0,396529	0,7424744
ERBB2	49,12	-0,64	0,750097	-0,84783	0,396532	0,7424744
CTD-2006C1.2	166,88	-0,60	0,70584	-0,84769	0,396608	0,7424744
FCRLB	1,37	2,51	2,964348	0,847673	0,39662	NA
RP11-96B5.3	5,22	0,63	0,742315	0,847649	0,396633	0,7424744
MYCNOS	18,63	-0,66	0,777365	-0,84752	0,396706	0,7424744
RNU4-47P	1,41	2,53	2,984225	0,847486	0,396724	NA
GTF3C2	331,99	-0,46	0,537483	-0,84736	0,396794	0,7424744
TMEM132B	11,60	0,93	1,093245	0,847355	0,396797	0,7424744

CROCCP2	206,11	-0,58	0,680087	-0,84722	0,396872	0,7424744
PSG4	9,64	-2,16	2,549605	-0,8472	0,396884	0,7424744
CTD-2022B6.1	2,25	1,51	1,783317	0,847185	0,396892	NA
ZFP42	20,32	-0,48	0,56451	-0,84716	0,396905	0,7424744
RP11-792D21.2	6,52	0,93	1,099817	0,847158	0,396907	0,7424744
RP11-1H15.2	6,80	-1,35	1,599071	-0,84711	0,396933	0,7424744
ADCY4	64,77	-0,96	1,136786	-0,84705	0,396968	0,7424744
TTC12	14,66	1,42	1,671117	0,846966	0,397014	0,7424744
CCNJL	61,46	-0,68	0,801297	-0,84696	0,397019	0,7424744
NAPG	324,46	0,32	0,381099	0,846926	0,397036	0,7424744
RP11-799B12.2	0,31	-2,38	2,806119	-0,8469	0,397053	NA
SMPD1	185,51	-0,75	0,882765	-0,84685	0,397078	0,7424744
CTB-102L5.7	12,02	0,60	0,704849	0,84682	0,397095	0,7424744
RP11-345K9.2	12,82	-0,64	0,752543	-0,84681	0,397102	0,7424744
RP11-298J23.10	41,83	0,86	1,013911	0,846783	0,397116	0,7424744
RAB1A	1282,95	0,35	0,414978	0,84675	0,397135	0,7424744
GOLM1	17,49	-1,04	1,223049	-0,84672	0,397149	0,7424744
C8orf17	4,82	-0,81	0,96244	-0,84666	0,397187	0,7424744
CPT1B	249,10	0,60	0,708564	0,846638	0,397197	0,7424744
MTF1	229,16	-0,50	0,59402	-0,84664	0,397198	0,7424744
ZNF569	42,51	0,86	1,015837	0,846604	0,397216	0,7424744
PTRH2	167,31	-0,64	0,754232	-0,84657	0,397233	0,7424744
ZNF44	218,02	-0,46	0,548998	-0,84654	0,397252	0,7424744
RP11-91I20.3	31,73	-0,59	0,691425	-0,8465	0,397277	0,7424744
RP11-686D22.8	43,37	1,48	1,744916	0,846339	0,397364	0,7425626
RP11-43F13.3	62,42	-0,57	0,67721	-0,84609	0,3975	0,7427433
IGFBP2	3,06	-0,99	1,176095	-0,84599	0,39756	NA
RP11-694I15.7	1,44	3,15	3,728188	0,845986	0,397561	NA
C18orf32	604,76	-0,38	0,445504	-0,84593	0,397589	0,7428344
RP11-552M11.2	0,31	-3,11	3,675669	-0,84575	0,397692	NA
CKAP2	183,62	-0,55	0,644947	-0,84566	0,397745	0,7428817
POLR2J4	28,84	1,09	1,286324	0,845612	0,397769	0,7428817
RP11-468E2.9	1,00	2,15	2,537881	0,845605	0,397773	NA
NPHP1	14,57	0,65	0,763638	0,845603	0,397774	0,7428817
PAPOLA	1926,38	0,30	0,359573	0,845547	0,397806	0,7428817
UNC13B	6,69	-1,50	1,778513	-0,84552	0,397821	0,7428817
AMDHD1	4,18	-1,34	1,588046	-0,8454	0,397888	0,7428817
AC079988.3	6,36	-1,16	1,366733	-0,84539	0,397894	0,7428817
LLOXNC01-237H1.2	1,15	2,79	3,303949	0,845325	0,39793	NA
RP11-450K4.1	4,34	-1,89	2,2364	-0,84514	0,398032	0,7429913
PELI2	449,26	-0,45	0,537212	-0,84514	0,398032	0,7429913
C1GALT1	503,85	0,53	0,629136	0,845052	0,398082	0,743009
CTD-2017C7.2	11,08	1,26	1,490758	0,844745	0,398253	0,7431098
MDC1	134,04	-1,17	1,384359	-0,84471	0,398275	0,7431098
OPN3	254,53	0,77	0,915351	0,844656	0,398303	0,7431098
CTD-3035D6.2	0,88	-1,59	1,888253	-0,84462	0,398324	NA
C6orf141	71,24	0,40	0,472648	0,844566	0,398353	0,7431098
ARHGAP27	708,10	0,32	0,381891	0,844544	0,398366	0,7431098
AF129408.14	3,88	-1,33	1,574688	-0,84449	0,398398	0,7431098
STARD9	121,17	-0,54	0,635826	-0,84438	0,398455	0,7431098

RP11-916L7.1	6,32	-0,89	1,056322	-0,84438	0,398455	0,7431098
CTD-2547L24.3	18,66	-0,95	1,124897	-0,84427	0,39852	0,7431565
IDE	313,99	-0,52	0,621175	-0,84402	0,398659	0,7432509
CBX1	115,83	-0,58	0,684402	-0,84399	0,398677	0,7432509
FASTKD2	395,27	-0,55	0,65434	-0,84394	0,398702	0,7432509
MS4A7	1075,90	-0,41	0,488335	-0,84389	0,398731	0,7432509
RP11-1017G21.4	1,07	2,72	3,225852	0,843864	0,398745	NA
RNF139	661,24	0,41	0,4816	0,843792	0,398786	0,7432791
MKRN9P	1,66	1,16	1,372737	0,843763	0,398802	NA
RP5-832C2.5	98,26	-0,66	0,788001	-0,84369	0,398843	0,7433112
CTD-2147F2.2	1,10	1,50	1,782612	0,843611	0,398887	NA
CYP4F8	35,00	-0,43	0,50541	-0,84355	0,398921	0,7433162
RP11-195E11.2	3,22	1,12	1,332291	0,84346	0,398971	NA
LGALS9	1435,67	0,26	0,303081	0,843455	0,398974	0,7433162
MBD2	539,31	-0,48	0,571867	-0,84345	0,398975	0,7433162
ZNF561	109,07	0,71	0,840781	0,84337	0,399021	0,7433162
C14orf37	28,62	-0,77	0,909621	-0,84333	0,399046	0,7433162
RP11-417B4.4	5,57	2,07	2,454154	0,843113	0,399165	0,7434645
TNS2	2,79	-0,89	1,055367	-0,84305	0,399198	NA
RNF219-AS1	2,88	-2,31	2,736476	-0,843	0,39923	NA
RNU6-628P	0,81	2,34	2,777565	0,842936	0,399264	NA
SORT1	496,95	-0,31	0,365352	-0,8429	0,399282	0,7435988
EIF2AK2	1366,89	0,52	0,619895	0,842832	0,399323	0,7435988
TMEM116	91,61	-0,62	0,740573	-0,84277	0,399357	0,7435988
CYFIP1	465,74	0,40	0,480042	0,842672	0,399412	0,7436264
MAPKAPK5	279,05	0,61	0,72919	0,842487	0,399515	0,7436533
RNY1P12	1,35	1,82	2,158951	0,842407	0,39956	NA
CTD-2647L4.5	12,52	0,91	1,084701	0,842375	0,399578	0,7436533
BAP1	453,19	-0,30	0,353413	-0,84234	0,399598	0,7436533
NFS1	121,19	0,66	0,780365	0,842257	0,399644	0,7436533
THSD7B	4,33	2,72	3,232966	0,842217	0,399666	0,7436533
SMCR5	14,09	0,74	0,881331	0,842157	0,3997	0,7436533
HPCAL1	340,66	0,49	0,583874	0,842146	0,399706	0,7436533
RP11-338C15.5	1,18	2,25	2,675502	0,841972	0,399803	NA
FPGS	506,53	0,40	0,478611	0,841971	0,399804	0,7437613
ATP5J2P6	1,43	3,14	3,728173	0,841902	0,399843	NA
RN7SL420P	0,82	2,36	2,807577	0,841879	0,399856	NA
PTPN20	16,65	-1,62	1,918846	-0,84182	0,39989	0,7438468
CTB-180A7.6	1,43	3,14	3,728257	0,841773	0,399915	NA
SPRY3	20,71	-1,05	1,248375	-0,84172	0,399943	0,7438706
AP000692.10	1,56	2,07	2,455373	0,841503	0,400066	NA
SLC30A5	224,26	0,50	0,590813	0,841371	0,40014	0,7441625
UTP14A	183,11	-0,71	0,848674	-0,8412	0,400236	0,7441817
RN7SL385P	1,06	2,72	3,233217	0,841176	0,400249	NA
SOCS1	13,22	-1,80	2,13419	-0,84112	0,400281	0,7441817
TRPC1	0,48	-2,07	2,464726	-0,84108	0,400305	NA
KIAA1429	400,12	0,49	0,587092	0,841059	0,400315	0,7441817
RP11-20B24.2	5,61	-0,88	1,050911	-0,84105	0,400319	0,7441817
RP11-484O2.1	130,98	-0,34	0,408719	-0,841	0,40035	0,7441817
RP11-716H6.1	1,70	1,28	1,519785	0,840994	0,400351	NA

RP11-51B13.2	192,42	0,46	0,545142	0,840925	0,40039	0,7441817
RP1-310O13.7	1,49	-0,88	1,050143	-0,8409	0,400406	NA
CD84	360,53	0,51	0,607481	0,840787	0,400467	0,7442234
RP11-95M15.1	10,32	1,24	1,474615	0,840742	0,400493	0,7442234
MSI2	257,92	-0,64	0,759403	-0,84039	0,40069	0,7443662
RP11-5G9.5	1,38	-1,64	1,954657	-0,84038	0,400696	NA
GRIPAP1	477,73	-0,39	0,460032	-0,84037	0,400702	0,7443662
AC002480.6	33,25	0,37	0,443804	0,840335	0,40072	0,7443662
TMEM191B	9,50	-1,40	1,666456	-0,84032	0,400729	0,7443662
RFC3	41,51	0,91	1,084433	0,840222	0,400784	0,7443929
RP11-963H4.3	0,31	-3,09	3,672668	-0,84012	0,400842	NA
IRAK4	559,70	0,53	0,634615	0,840031	0,400891	0,744467
BCORP1	5,52	-0,96	1,147713	-0,84	0,400911	0,744467
KB-1254G8.1	2,24	-2,38	2,828813	-0,83992	0,400956	NA
AP000962.1	8,80	0,98	1,165454	0,839869	0,400982	0,744467
GFI1B	15,49	0,51	0,609266	0,839865	0,400984	0,744467
FRG1EP	0,83	-2,25	2,678552	-0,83979	0,401028	NA
RP11-173M11.6	1,39	2,47	2,94115	0,839775	0,401034	NA
RP11-667K14.13	3,91	-2,46	2,924506	-0,83977	0,401038	0,7444931
CTD-2353F22.2	0,48	-2,40	2,854261	-0,83955	0,401162	NA
OR13G1	0,31	-3,08	3,671015	-0,83945	0,401218	NA
MTA2	112,30	-0,41	0,483347	-0,83932	0,401291	0,7448882
TTC38	102,11	-0,73	0,865931	-0,83914	0,401389	0,7449782
ABCA4	0,79	-2,57	3,068577	-0,83914	0,401392	NA
CHFR	487,22	0,32	0,385605	0,839075	0,401427	0,7449782
PCDHA9	6,87	0,82	0,977678	0,839018	0,401459	0,7449782
RASSF7	115,38	0,78	0,932837	0,838862	0,401547	0,7450656
EGR4	1,40	3,13	3,728343	0,838702	0,401637	NA
RP11-415F23.4	4,09	1,72	2,055888	0,838655	0,401663	0,7452073
RNF212B	2,25	-2,02	2,408632	-0,83857	0,401712	NA
RIOX2	144,33	-0,62	0,7396	-0,83848	0,401758	0,74531
STX1A	1,44	3,13	3,728754	0,838419	0,401795	NA
RP11-308D13.2	3,57	1,13	1,350619	0,838292	0,401867	NA
RN7SL555P	1,03	-1,61	1,917223	-0,83829	0,401871	NA
RP11-443B20.1	1,86	2,30	2,747874	0,83821	0,401913	NA
LHFPL3-AS2	3,86	-0,95	1,137447	-0,83817	0,401935	0,7455314
RABGGTA	356,49	0,37	0,438357	0,838125	0,40196	0,7455314
BARX2	4,04	-0,94	1,126062	-0,83806	0,401998	0,7455314
RP11-512M8.3	1,73	2,80	3,343257	0,837974	0,402045	NA
RP11-211N8.2	1,24	2,72	3,251297	0,837973	0,402046	NA
SUGT1	605,63	0,43	0,514582	0,837908	0,402082	0,745606
RP11-705C15.3	50,84	-0,85	1,018718	-0,83783	0,402128	0,745606
CCDC43	205,83	0,54	0,642043	0,837773	0,402158	0,745606
RN7SL333P	1,70	2,79	3,334634	0,837667	0,402218	NA
TSSC1	355,21	0,62	0,736555	0,837666	0,402218	0,7456425
C9orf114	173,23	-0,69	0,825796	-0,83752	0,402299	0,7457185
AC010984.3	0,86	2,39	2,852424	0,837173	0,402495	NA
MIR5190	1,71	2,79	3,338665	0,837091	0,402542	NA
SCEL	6,44	-2,78	3,323959	-0,83696	0,402616	0,7461825
TAF3	183,93	-0,45	0,542013	-0,83693	0,40263	0,7461825

SLC1A6	57,43	-0,47	0,564343	-0,83684	0,402682	0,7461952
MPP5	161,60	-0,77	0,92212	-0,83678	0,402717	0,7461952
TRIB2	184,52	-0,75	0,893777	-0,83642	0,402918	0,7464362
C11orf84	4,34	1,01	1,201924	0,836405	0,402927	0,7464362
HOXB2	31,84	1,07	1,277815	0,836204	0,40304	0,7465713
ODF3	1,28	2,45	2,929838	0,83615	0,403071	NA
SPOCK1	5,46	-1,88	2,243392	-0,83606	0,403122	0,7465963
CEBPD	1035,14	-0,29	0,345138	-0,83598	0,403164	0,7465963
MTG1	391,97	-0,54	0,641948	-0,83597	0,403174	0,7465963
NBL1	1,41	3,12	3,7292	0,835773	0,403283	NA
SPAAR	4,52	1,11	1,331642	0,83577	0,403284	0,7466799
KLHL6	200,26	-0,40	0,475673	-0,8357	0,403324	0,7466799
XPA	264,99	0,40	0,47869	0,835672	0,40334	0,7466799
RXFP2	0,30	-3,07	3,678143	-0,8355	0,403435	NA
CLCN2	30,13	0,66	0,786872	0,835472	0,403452	0,7467814
MMP7	34,16	-0,71	0,855639	-0,83543	0,403475	0,7467814
RP11-104J23.1	0,37	-3,08	3,687676	-0,8354	0,403493	NA
HES6	1,12	2,75	3,293441	0,83512	0,40365	NA
OSMR	34,37	-0,81	0,973611	-0,83484	0,403806	0,7470395
AGBL1	6,66	-0,85	1,012861	-0,83484	0,40381	0,7470395
CTD-2020K17.3	1,94	1,56	1,873823	0,834809	0,403825	NA
APC2	3,16	-0,99	1,185166	-0,83478	0,40384	NA
ETV2	1,18	-1,69	2,025856	-0,83476	0,403855	NA
TCF12	350,10	0,49	0,590351	0,83475	0,403858	0,7470395
DUS3L	281,00	0,52	0,620912	0,834738	0,403865	0,7470395
GRSF1	1006,71	-0,32	0,383403	-0,83468	0,403896	0,7470395
COLEC12	53,23	-0,59	0,701872	-0,83468	0,4039	0,7470395
ZNF566	65,60	0,66	0,790179	0,834642	0,403919	0,7470395
RP11-738E22.1	1,39	3,11	3,7284	0,834536	0,403979	NA
RP11-706P11.2	3,56	2,15	2,57344	0,834502	0,403998	NA
ZC3H8	140,53	-0,63	0,758132	-0,8345	0,403999	0,7470395
EFEMP2	27,74	-1,34	1,602485	-0,83449	0,404006	0,7470395
FADS2	50,96	0,82	0,987757	0,834471	0,404016	0,7470395
CYP4F3LP	6,75	-1,78	2,136829	-0,8343	0,404112	0,7470937
GS1-122H1.2	9,06	0,75	0,89784	0,834273	0,404127	0,7470937
RP11-338N10.2	3,40	1,03	1,237865	0,834256	0,404137	NA
UBQLN2	228,08	0,57	0,679887	0,834205	0,404165	0,7470937
PLEKHA2	504,66	0,29	0,353016	0,834125	0,404211	0,7471028
VN2R19P	2,13	3,11	3,725748	0,833968	0,404299	NA
HIGD2A	1716,70	-0,21	0,253197	-0,83383	0,404378	0,7472893
SLF2	419,20	0,47	0,569417	0,833803	0,404392	0,7472893
CH507-210P18.4	1,39	3,11	3,728391	0,833734	0,404431	NA
RP11-317G6.1	0,83	2,35	2,816924	0,833544	0,404538	NA
RP11-520M5.5	54,53	-0,98	1,176314	-0,8335	0,404562	0,7475012
RP11-739B23.1	5,56	0,83	0,99779	0,833457	0,404587	0,7475012
RNA5SP378	0,77	2,26	2,717334	0,833205	0,404729	NA
AC093690.1	20,96	-0,96	1,146367	-0,83311	0,40478	0,7476699
CH17-264B6.1	9,18	-1,25	1,501565	-0,83298	0,404855	0,7476699
ZNF185	33,48	-1,28	1,534759	-0,83296	0,404868	0,7476699
RP11-493K19.3	105,06	0,68	0,819616	0,832922	0,404889	0,7476699

RN7SL444P	2,29	-1,09	1,314124	-0,83287	0,404919	NA
RP4-614O4.5	225,08	-0,42	0,507864	-0,83286	0,404924	0,7476699
ELAC1	75,17	-1,05	1,260145	-0,83284	0,404937	0,7476699
NSA2	460,54	-0,30	0,363986	-0,8328	0,404959	0,7476699
RP11-34P13.18	22,83	0,49	0,593865	0,832535	0,405107	0,7478318
PRDM6	30,26	-1,34	1,603727	-0,8325	0,405127	0,7478318
CEP78	226,24	-0,49	0,585125	-0,83241	0,405176	0,7478331
CTA-221G9.11	7,62	-0,76	0,914098	-0,83236	0,405209	0,7478331
CCDC85B	341,91	-0,38	0,455239	-0,83211	0,405347	0,7479102
SOGA1	141,48	0,69	0,834291	0,832091	0,405358	0,7479102
RP11-599B13.10	1,38	3,10	3,728458	0,83207	0,405369	NA
PRELID3A	9,00	0,77	0,928755	0,832067	0,405371	0,7479102
RFPL3S	2,04	-2,13	2,561227	-0,83191	0,405461	NA
RP11-452J21.2	1,38	3,10	3,728449	0,831866	0,405485	NA
SLC9A3R1	356,42	-0,53	0,63758	-0,83183	0,405505	0,7480731
INO80E	43,71	-0,73	0,873057	-0,83177	0,40554	0,7480731
RP3-398D13.3	29,78	-0,77	0,9269	-0,83169	0,405586	0,7480847
RP11-337A23.3	1,02	2,66	3,201434	0,831592	0,405639	NA
RPL24P2	0,91	-0,98	1,176648	-0,83153	0,405673	NA
DPPA4	16,88	-0,45	0,546825	-0,83141	0,40574	0,7481917
RP11-158K1.3	33,41	-0,44	0,5349	-0,83128	0,405815	0,7481917
ADRA1A	3,57	-0,72	0,871	-0,83124	0,405838	NA
RP11-76I7.1	10,48	-0,67	0,810799	-0,83118	0,405871	0,7481917
LIMS1	1052,10	0,37	0,440289	0,831162	0,405882	0,7481917
RP11-479H16.1	14,64	-1,40	1,681083	-0,83116	0,405883	0,7481917
TMED10	1627,43	0,27	0,329976	0,831104	0,405915	0,7481917
RP11-508N22.2	18,45	0,76	0,908587	0,831043	0,405949	0,7481917
RP11-218E20.3	34,74	-0,57	0,680263	-0,83101	0,405966	0,7481917
RFPL4AL1	1,02	-1,79	2,150522	-0,83089	0,406035	NA
CTD-2283N19.1	5,61	0,90	1,086383	0,830851	0,406058	0,7482675
WDR78	76,90	-0,86	1,03318	-0,8308	0,406087	0,7482675
NAT10	247,76	0,40	0,482438	0,830727	0,406128	0,7482679
RP11-809N8.4	6,19	1,03	1,245319	0,830614	0,406191	0,748311
RP11-542G1.3	1,60	2,05	2,467492	0,830547	0,40623	NA
ZDHHC13	184,87	0,90	1,079461	0,830313	0,406362	0,748435
SLC12A2	311,41	-0,64	0,776747	-0,83022	0,406415	0,748435
YWHAE	2992,08	0,17	0,205317	0,830206	0,406422	0,748435
EMC2	113,54	0,66	0,79456	0,83016	0,406448	0,748435
KDM1A	475,25	0,55	0,657966	0,830139	0,40646	0,748435
RP11-378A13.2	2,22	-1,48	1,783188	-0,83014	0,406462	NA
IFIT3	723,18	-0,74	0,893724	-0,82988	0,406609	0,7486345
DGCR11	12,78	-1,03	1,24146	-0,82964	0,406741	0,7488051
MBLAC1	1,38	-1,42	1,716074	-0,8295	0,406824	NA
AC104777.2	0,47	-2,78	3,348881	-0,82939	0,406885	NA
CAT	1122,82	0,32	0,38145	0,82933	0,406918	0,7489829
PTPN7	302,95	-0,38	0,460866	-0,82931	0,406932	0,7489829
RP11-1250I15.2	1,38	3,09	3,728508	0,8293	0,406935	NA
AC124944.2	13,14	-1,14	1,370881	-0,82925	0,406966	0,7489829
VPS50	217,14	-0,59	0,717204	-0,82919	0,406999	0,7489829
AQP6	0,85	-1,14	1,370077	-0,82914	0,407027	NA

RP11-649E7.5	162,56	-1,07	1,295831	-0,82906	0,40707	0,7489938
ZNF232	4,41	-1,44	1,738099	-0,82903	0,407086	0,7489938
SNORA77	0,53	1,74	2,093869	0,828988	0,407111	NA
CTD-3195I5.3	2,79	-0,86	1,042429	-0,82896	0,407127	NA
ITGAE	396,87	-0,34	0,416008	-0,8289	0,407161	0,7490593
RP11-356M20.1	88,02	0,84	1,015745	0,828367	0,407463	0,7495397
RP11-697H9.3	5,52	0,90	1,088458	0,827673	0,407856	0,7499367
LMNB1	139,84	0,79	0,958858	0,827651	0,407868	0,7499367
COPS3	722,83	0,33	0,403085	0,827627	0,407882	0,7499367
FBXO11	700,28	0,37	0,443493	0,827588	0,407904	0,7499367
RALGPS1	45,48	-0,84	1,017262	-0,82757	0,407917	0,7499367
ADH1B	3,84	-0,96	1,156203	-0,82756	0,40792	0,7499367
AC002398.13	0,84	1,67	2,016342	0,827446	0,407984	NA
RP11-126O22.8	1,38	3,08	3,728552	0,827153	0,40815	NA
RP11-164H13.1	9,15	-0,70	0,849709	-0,82708	0,408192	0,7502972
TIPRL	420,93	0,51	0,622027	0,826986	0,408245	0,7502972
PDPK2P	44,29	-0,69	0,839019	-0,82696	0,40826	0,7502972
RP11-766F14.2	0,46	-2,34	2,825997	-0,82696	0,408262	NA
RP11-20I23.8	64,27	-0,85	1,026899	-0,82693	0,408278	0,7502972
KLRC4-KLRK1	24,49	-2,66	3,214796	-0,82686	0,408319	0,7502984
TPT1	11478,31	-0,14	0,164071	-0,82669	0,408414	0,7503984
RN7SL795P	0,57	-3,03	3,667238	-0,82664	0,40844	NA
AC010761.10	6,36	0,84	1,015915	0,826581	0,408475	0,7504153
RP3-399L15.3	58,42	0,89	1,072255	0,82653	0,408503	0,7504153
CTD-2537I9.13	4,83	-0,89	1,072726	-0,82645	0,408547	0,7504188
RNA5SP494	21,60	1,20	1,446251	0,826385	0,408586	0,7504188
SNORD59A	1,36	3,08	3,72859	0,826349	0,408606	NA
RP11-423G4.8	0,50	-2,34	2,832415	-0,82634	0,408611	NA
BUD31	1005,70	-0,27	0,330862	-0,82619	0,408696	0,750547
TRPC2	83,09	-1,30	1,578776	-0,82609	0,408752	0,7505752
RN7SL811P	0,93	-1,61	1,946664	-0,82602	0,408793	NA
ZNF460	111,47	0,98	1,182428	0,825881	0,408871	0,7506797
RBM42	115,69	0,51	0,615616	0,825788	0,408924	0,7506797
FAM3B	30,21	1,24	1,497118	0,825778	0,40893	0,7506797
FAM215A	1,07	2,74	3,317876	0,825756	0,408942	NA
RN7SL809P	2,27	2,07	2,50149	0,82565	0,409003	NA
EPB41L2	307,99	-0,37	0,446531	-0,82558	0,409043	0,7507904
TMEM51	49,67	-1,09	1,317063	-0,82553	0,409071	0,7507904
CTD-2012I17.1	2,09	3,08	3,725911	0,825441	0,409121	NA
RP11-522B15.4	6,72	-1,18	1,430764	-0,82529	0,409206	0,7509639
ALDH3B1	364,56	-0,43	0,517525	-0,82509	0,409318	0,7510364
VIL1	23,00	-1,21	1,469862	-0,82507	0,409331	0,7510364
SNTB2	119,31	-0,71	0,866321	-0,82501	0,409366	0,7510364
RP11-467I20.6	1,21	-1,11	1,348909	-0,82471	0,409534	NA
RHBDD2	559,82	-0,45	0,542423	-0,82459	0,409605	0,7513522
TMEM191A	56,96	-0,58	0,699264	-0,82456	0,409619	0,7513522
FAM129C	75,46	-0,39	0,47475	-0,82424	0,409801	0,7515216
RP11-544A12.4	47,66	0,47	0,572156	0,824219	0,409815	0,7515216
WDR7	411,68	-0,51	0,620992	-0,82419	0,409833	0,7515216
BAG1	650,43	0,30	0,363653	0,824102	0,409882	0,7515374

RP11-1070N10.3	0,42	-2,78	3,372294	-0,82396	0,409961	NA
RP11-231G3.1	0,97	-1,46	1,774738	-0,82396	0,409962	NA
RP11-893F2.18	0,79	-3,01	3,659185	-0,82394	0,409973	NA
ADAMTSL5	4,10	0,87	1,052842	0,823723	0,410097	0,751711
RP11-483K5.3	6,14	-1,88	2,276572	-0,82368	0,410122	0,751711
CTD-2313I10.1	4,37	-0,89	1,086603	-0,82366	0,410134	0,751711
ISOC2	258,26	-0,69	0,83987	-0,82365	0,410138	0,751711
RP11-367F23.2	0,47	-2,35	2,84882	-0,82349	0,410232	NA
SNX7	15,36	2,67	3,247224	0,82345	0,410252	0,7518455
PROC	2,30	-1,31	1,587925	-0,82335	0,410308	NA
OR2A14	1,01	2,64	3,209638	0,82332	0,410326	NA
ITPR3	1,13	-1,41	1,711525	-0,82327	0,410353	NA
DDX27	635,66	-0,35	0,427953	-0,82318	0,410407	0,7520564
RP11-470E16.1	0,81	2,31	2,803481	0,822957	0,410532	NA
GPR63	27,85	-0,63	0,771486	-0,82293	0,410546	0,7522366
SPDYE16	19,58	-0,69	0,841159	-0,82275	0,41065	0,7522952
STRIP1	250,90	-0,68	0,824011	-0,82273	0,410659	0,7522952
RP11-553A10.1	0,92	1,87	2,269682	0,822551	0,410763	NA
AP5S1	70,69	0,73	0,888758	0,822422	0,410837	0,7523828
RP11-697N18.2	1,34	3,06	3,722356	0,822358	0,410873	NA
SFXN3	236,53	0,34	0,41244	0,822355	0,410875	0,7523828
CTA-747E2.10	0,53	-1,81	2,198127	-0,82232	0,410896	NA
ENO3	28,69	-0,68	0,82138	-0,82231	0,410899	0,7523828
RN7SL255P	6,05	1,42	1,725918	0,822295	0,410909	0,7523828
SH3GL1P3	1,69	2,77	3,369331	0,822252	0,410934	NA
LRRC43	0,77	1,86	2,257204	0,822224	0,410949	NA
NUDCD3	484,16	0,61	0,741991	0,822099	0,41102	0,7523828
RP11-492D6.3	7,46	-0,61	0,741471	-0,82209	0,411025	0,7523828
CA5B	368,22	0,60	0,727404	0,822072	0,411036	0,7523828
RP11-338K17.5	1,31	-1,07	1,297593	-0,82199	0,411084	NA
TM2D2	171,23	-0,68	0,824324	-0,82188	0,411147	0,7523828
SCAPER	388,21	-0,53	0,644561	-0,82178	0,411202	0,7523828
CTD-2035E11.4	1,34	2,46	2,988996	0,821756	0,411216	NA
CSF2RB	383,99	0,53	0,646275	0,821726	0,411233	0,7523828
FADS6	18,46	-0,70	0,850445	-0,8217	0,411249	0,7523828
AC027612.3	17,79	-0,87	1,055047	-0,82169	0,411253	0,7523828
CD37	1927,74	0,23	0,278604	0,821658	0,411271	0,7523828
FAU	5441,41	-0,18	0,216235	-0,82166	0,411273	0,7523828
ABC14-1080714F14.1	1,26	-1,81	2,200073	-0,82148	0,411375	NA
LMX1B	4,39	0,64	0,780882	0,821422	0,411406	0,7524676
KDM6A	479,26	-0,39	0,47739	-0,82131	0,411467	0,7524676
RP11-89K10.2	1,34	3,06	3,728712	0,82114	0,411567	NA
CTB-360I.2	0,50	-1,79	2,183145	-0,82111	0,411581	NA
CYB5RL	77,96	-0,39	0,473522	-0,82103	0,411628	0,7524676
ALDH7A1	134,40	-0,61	0,747628	-0,82096	0,411666	0,7524676
RP11-552D8.1	0,62	-2,13	2,592664	-0,82095	0,411677	NA
GAS2L1	70,18	-0,72	0,872413	-0,82093	0,411685	0,7524676
NR3C1	1342,54	-0,35	0,427187	-0,82091	0,411697	0,7524676
RP11-536C10.6	2,64	1,37	1,668221	0,820874	0,411718	NA
RP11-820I16.3	25,08	-0,48	0,579384	-0,82079	0,411768	0,7524676

TULP2	32,03	-1,19	1,454396	-0,82073	0,411801	0,7524676
ZNF77	29,96	0,91	1,105338	0,820723	0,411804	0,7524676
AP000240.5	13,17	-0,92	1,122534	-0,82072	0,411808	0,7524676
CTD-2561B21.11	1,06	2,68	3,26597	0,820635	0,411854	NA
MYLPF	9,60	0,79	0,96671	0,820546	0,411905	0,7524676
RP11-141B14.1	6,88	1,06	1,296996	0,82052	0,41192	0,7524676
SP140L	317,26	0,39	0,475387	0,820507	0,411927	0,7524676
PYCR2	104,56	0,50	0,60724	0,820497	0,411933	0,7524676
RP11-49K24.6	16,28	1,02	1,242984	0,820478	0,411944	0,7524676
FIGNL2	1,34	-2,06	2,508307	-0,82044	0,411963	NA
WDR66	122,78	-0,32	0,386272	-0,82044	0,411966	0,7524676
CMB9-94B1.2	1,34	3,06	3,728747	0,820245	0,412076	NA
RP11-126H7.3	8,43	-0,56	0,678554	-0,82015	0,41213	0,7524963
MPND	109,90	-0,60	0,736833	-0,82014	0,412136	0,7524963
UBE3C	503,17	0,49	0,601003	0,820136	0,412139	0,7524963
RAP2A	470,40	0,48	0,585435	0,820088	0,412166	0,7524963
ROBO3	138,31	-0,64	0,776953	-0,82006	0,412184	0,7524963
RN7SL138P	14,09	-0,99	1,21347	-0,81987	0,412291	0,7524988
RN7SL608P	8,70	-1,15	1,403289	-0,81986	0,412294	0,7524988
PCDH11X	27,13	0,36	0,443345	0,819782	0,41234	0,7524988
AC005754.8	9,05	-0,51	0,622871	-0,81977	0,412347	0,7524988
RP11-654D12.3	2,69	-1,43	1,750147	-0,8197	0,412385	NA
RP11-415C15.1	0,60	-2,09	2,554832	-0,81956	0,412468	NA
AC016629.8	76,74	-0,47	0,576732	-0,81956	0,41247	0,7526481
CTD-2521M24.13	3,03	-0,83	1,016092	-0,8195	0,412499	NA
RP1-30M3.5	20,95	1,33	1,621295	0,819461	0,412524	0,7526727
RP11-502I4.3	1,22	-1,11	1,352431	-0,8193	0,412614	NA
REPS2	216,92	-0,57	0,692963	-0,81926	0,412636	0,752803
ERGIC1	255,35	0,58	0,707865	0,819146	0,412703	0,7528082
TAL1	7,68	0,97	1,179408	0,819118	0,412719	0,7528082
RP11-175P8.1	23,28	0,99	1,210001	0,81896	0,412809	0,7528441
RP11-352B15.1	16,12	-1,71	2,092043	-0,81893	0,412826	0,7528441
TGIF2P1	1,33	3,05	3,728767	0,818794	0,412904	NA
ZSCAN9	136,89	0,77	0,934749	0,818794	0,412904	0,7528441
RP11-146F11.5	5,25	-0,88	1,075133	-0,81878	0,412909	0,7528441
TIMP1	3329,30	-0,18	0,221759	-0,81864	0,412992	0,7528441
RP11-360N9.3	30,44	0,73	0,895217	0,818633	0,412996	0,7528441
RP11-661O13.1	2,03	1,72	2,106711	0,818597	0,413016	NA
RP1-253P7.4	22,19	0,48	0,588642	0,818587	0,413022	0,7528441
ZNF433	70,52	-0,86	1,049511	-0,81847	0,41309	0,7528931
CTD-2369P2.5	1,29	2,38	2,909577	0,818437	0,413108	NA
AZGP1	2,09	-0,99	1,20727	-0,81836	0,413151	NA
CD34	5,39	-0,75	0,910879	-0,81827	0,413203	0,7529784
DNMBP	68,53	0,99	1,206974	0,818233	0,413224	0,7529784
RP11-403C10.2	1,43	3,05	3,728033	0,818204	0,413241	NA
CARS2	584,55	0,37	0,448331	0,818174	0,413258	0,7529784
RP4-663N10.1	1,11	-1,51	1,850118	-0,81803	0,41334	NA
RP11-382E15.1	0,90	-0,98	1,202435	-0,81796	0,413378	NA
SHH	5,36	-0,44	0,542702	-0,81794	0,413392	0,7530219
FOXP2	1456,66	0,35	0,422026	0,817899	0,413415	0,7530219

XYLT1	655,72	-0,76	0,927316	-0,81789	0,413421	0,7530219
SEC14L4	11,63	0,89	1,089202	0,817832	0,413453	0,7530219
AC092431.3	8,80	-1,22	1,486175	-0,81778	0,413484	0,7530219
RP11-264L1.4	1,34	3,05	3,728731	0,817767	0,41349	NA
CTC-498J12.1	0,98	2,62	3,204494	0,817735	0,413509	NA
ABCA3	7,40	-1,32	1,615011	-0,8177	0,41353	0,7530309
RP11-757F18.5	0,35	-3,00	3,674864	-0,81758	0,413598	NA
TEX261	299,91	-0,41	0,504153	-0,81752	0,413634	0,7530946
MVB12B	274,94	-0,85	1,040655	-0,8175	0,413645	0,7530946
RP11-20B24.6	2,72	-0,93	1,13264	-0,81742	0,413687	NA
RAB29	421,19	0,43	0,527258	0,817326	0,413742	0,753141
RRP1	188,59	-0,48	0,587858	-0,81731	0,413752	0,753141
RP11-436K8.1	45,03	-0,72	0,875301	-0,81714	0,413847	0,7531853
RP11-392E22.6	15,14	-0,92	1,129241	-0,81712	0,413857	0,7531853
RNU7-75P	0,52	-1,44	1,766612	-0,81696	0,413953	NA
TGOLN2	2304,35	-0,19	0,231636	-0,81691	0,413981	0,753283
UPP2	4,10	2,08	2,551202	0,816855	0,414011	0,753283
HNRNPUL1	619,16	0,33	0,406765	0,816818	0,414032	0,753283
ABTB2	3,74	1,55	1,902729	0,816729	0,414083	NA
KBTBD3	28,54	-1,05	1,291404	-0,81665	0,414129	0,7533378
PRSS57	0,29	-3,00	3,67863	-0,81662	0,414143	NA
SLC35A2	105,75	0,74	0,909794	0,816623	0,414144	0,7533378
RIT1	422,89	0,43	0,530991	0,816553	0,414184	0,7533378
RRH	0,29	-3,00	3,679052	-0,8164	0,414273	NA
WLS	0,54	-2,69	3,296918	-0,81632	0,414316	NA
RP1-102G20.4	2,01	3,04	3,726076	0,816291	0,414334	NA
SERPINI1	1,34	2,40	2,946172	0,816173	0,414401	NA
PPP4R1	487,18	-0,41	0,497993	-0,81606	0,414463	0,753717
BOD1L1	1329,43	0,35	0,432274	0,815912	0,41455	0,753717
RBM20	4,36	-0,76	0,92679	-0,81588	0,414566	0,753717
OR2T33	10,03	-0,86	1,059458	-0,81585	0,414584	0,753717
RP11-195B17.1	2,02	2,44	2,987289	0,815765	0,414634	NA
CTA-217C2.1	84,33	-0,82	1,005181	-0,81575	0,414642	0,753717
TRMT10B	118,75	-0,54	0,656413	-0,81571	0,414668	0,753717
DDX55	149,17	0,60	0,734782	0,815693	0,414676	0,753717
RN7SL322P	4,25	1,32	1,620196	0,815621	0,414717	0,7537179
DLGAP5	0,79	-1,21	1,488559	-0,81558	0,414738	NA
RP11-479G22.8	3,62	2,13	2,614738	0,815555	0,414755	NA
SALRNA1	9,54	-0,66	0,806601	-0,81549	0,414793	0,7537785
CTA-984G1.5	2,27	-0,86	1,049267	-0,81544	0,414821	NA
USP35	18,16	-1,62	1,985001	-0,81542	0,414831	0,7537785
CTD-2192J16.26	1,86	1,28	1,571484	0,815101	0,415015	NA
CORO2A	40,02	-0,70	0,863896	-0,81492	0,415119	0,7542273
RP11-168J18.4	1,13	-2,24	2,74401	-0,81491	0,415122	NA
BMS1P4	41,93	-1,14	1,402669	-0,81484	0,415166	0,7542399
CELA2A	4,73	-0,85	1,043846	-0,8147	0,415243	0,7542645
MIR4298	0,64	1,98	2,425299	0,814692	0,415248	NA
MARCH9	87,30	-0,64	0,786745	-0,81465	0,415272	0,7542645
LARS2	31,00	0,91	1,1131	0,814571	0,415318	0,7542645
SSBP4	369,94	-0,44	0,534952	-0,81448	0,41537	0,7542645

PDK1	261,32	0,73	0,901937	0,814458	0,415383	0,7542645
RP11-20L24.1	0,72	-2,98	3,661995	-0,81442	0,415407	NA
RNU6-430P	21,98	1,19	1,456687	0,8143	0,415473	0,7543554
AC005276.1	2,13	-1,06	1,307053	-0,81426	0,415498	NA
PUSL1	106,14	1,00	1,227362	0,81418	0,415542	0,7544068
DCAF10	342,18	-0,54	0,661914	-0,81398	0,415659	0,7545448
CTD-2313F11.3	0,81	-1,16	1,420796	-0,81395	0,415675	NA
NUDT14	215,99	0,49	0,606445	0,813856	0,415727	0,754596
TMEM219	2386,94	-0,19	0,231357	-0,81369	0,415821	0,7545981
CTD-2292M16.8	15,32	-0,75	0,917432	-0,81365	0,415845	0,7545981
C20orf144	15,88	-1,06	1,302011	-0,81363	0,415858	0,7545981
RF00212	1,32	3,03	3,728897	0,813612	0,415867	NA
MICAL2	651,87	0,41	0,502765	0,813549	0,415904	0,7545981
GINS3	52,76	0,75	0,92473	0,8135	0,415931	0,7545981
CLDN7	0,79	2,28	2,798658	0,813488	0,415938	NA
ZRANB3	118,41	-0,89	1,095495	-0,81329	0,416053	0,7547372
GPR81	31,70	-0,49	0,600685	-0,81322	0,416089	0,7547372
AC004383.4	1,61	2,17	2,665852	0,813193	0,416108	NA
RP11-124O11.1	1,33	3,03	3,728861	0,813135	0,416141	NA
FAM188B	10,04	0,87	1,071365	0,81303	0,416201	0,7548659
RP11-552F3.13	0,45	-2,73	3,355238	-0,81289	0,416281	NA
RP5-855D21.2	0,36	-2,99	3,675255	-0,81269	0,416394	NA
RN7SL690P	1,98	-1,02	1,258306	-0,81267	0,416409	NA
ACOX3	47,25	-0,94	1,153419	-0,81244	0,416542	0,7551791
RP3-410C9.1	98,22	-0,60	0,744221	-0,81233	0,416601	0,7551791
RP11-490K7.4	41,56	-0,85	1,046886	-0,81221	0,416671	0,7551791
RP11-103C3.1	49,74	-0,57	0,703547	-0,81216	0,416699	0,7551791
FNTB	151,06	-1,06	1,299954	-0,81206	0,416756	0,7551791
MRI1	50,38	0,61	0,753723	0,812041	0,416768	0,7551791
SEPT3	7,86	1,18	1,452089	0,811919	0,416838	0,7551791
PLA2G2D	8,38	-0,66	0,809901	-0,81187	0,416867	0,7551791
CTD-2060L22.1	0,76	2,25	2,776007	0,811762	0,416928	NA
RNU5B-1	7,01	-0,89	1,094441	-0,81174	0,416943	0,7551791
SPEG	25,79	-1,22	1,500229	-0,81172	0,41695	0,7551791
AC008063.5	5,51	-0,84	1,039858	-0,81169	0,41697	0,7551791
RP11-188C12.3	14,11	0,56	0,692309	0,811591	0,417026	0,7551791
RN7SL388P	8,99	0,72	0,88798	0,811544	0,417053	0,7551791
CHD2	1386,68	-0,21	0,257775	-0,81154	0,417055	0,7551791
RN7SL290P	0,79	2,28	2,807846	0,8115	0,417079	NA
LMO4	197,69	0,44	0,545452	0,811479	0,417091	0,7551791
RP13-580F15.2	7,25	1,31	1,616103	0,811476	0,417093	0,7551791
CTD-2154I11.2	12,85	0,81	0,992481	0,811433	0,417117	0,7551791
AK8	1,44	-2,22	2,734012	-0,81138	0,417149	NA
AC012354.6	0,46	-1,75	2,161277	-0,81124	0,417226	NA
RP11-54O7.17	1,31	3,03	3,728929	0,811238	0,417229	NA
RP11-38M8.1	6,33	1,38	1,702482	0,811223	0,417237	0,7551791
FAM13B	415,30	-0,47	0,57855	-0,81121	0,417246	0,7551791
SNHG6	249,42	-0,32	0,398862	-0,8112	0,417252	0,7551791
RP11-48G14.2	5,81	1,95	2,403563	0,811183	0,41726	0,7551791
GRK5	48,83	0,82	1,006811	0,81117	0,417268	0,7551791

RP11-712C19.2	22,82	-0,44	0,540551	-0,8111	0,417307	0,7551791
TAOK2	75,37	-0,87	1,068646	-0,81093	0,417406	0,7552323
RP13-20L14.4	6,70	0,86	1,055443	0,81091	0,417418	0,7552323
RP11-498C9.4	0,62	-2,76	3,400989	-0,81089	0,417426	NA
RN7SL381P	1,31	2,40	2,964336	0,81084	0,417458	NA
KLK2	8,94	-0,83	1,02042	-0,81073	0,41752	0,7553443
OR2AP1	1,25	1,14	1,407343	0,810702	0,417537	NA
RP11-576N17.5	0,77	-1,38	1,69975	-0,81057	0,417611	NA
LGALS3BP	252,37	-0,73	0,906507	-0,81054	0,417631	0,7553443
ACTG2	7,66	1,12	1,383032	0,81052	0,417641	0,7553443
CNOT1	674,49	-0,24	0,292716	-0,81052	0,417642	0,7553443
AC096582.7	14,24	-0,83	1,028063	-0,8104	0,417708	0,7553907
AC004063.1	1,86	-1,12	1,383864	-0,81028	0,417778	NA
SNHG9	73,96	-0,41	0,511461	-0,81009	0,417886	0,7556393
ABHD1	20,81	1,01	1,249192	0,809809	0,41805	0,7558616
RP1-130G2.1	0,28	-2,98	3,67951	-0,8097	0,418113	NA
RP11-181E10.3	30,73	0,68	0,839215	0,809694	0,418116	0,755908
RP11-977G19.5	34,81	-0,40	0,488125	-0,80952	0,418217	0,7560164
RP11-67C2.2	1,31	3,02	3,728897	0,809475	0,418242	NA
RP11-507C10.5	5,26	1,27	1,567065	0,809379	0,418297	0,7560881
RP3-486I3.5	0,64	-2,38	2,938123	-0,80928	0,418356	NA
RNU6-118P	22,36	0,79	0,978304	0,809213	0,418393	0,7561874
MPHOSPH6	266,48	0,53	0,659577	0,809109	0,418452	0,756222
CDK2	23,05	0,90	1,111447	0,809014	0,418507	0,756248
RP11-18B3.2	0,34	-2,97	3,675653	-0,80899	0,418519	NA
CH507-254M2.2	1,48	-2,03	2,515215	-0,80891	0,418567	NA
MPC1	515,45	0,29	0,362625	0,808688	0,418695	0,7565129
AL133493.2	148,90	-0,54	0,673417	-0,80854	0,418777	0,7565891
RP11-10C24.1	1,31	3,01	3,728913	0,808285	0,418927	NA
RP11-542M13.6	14,62	-0,97	1,195693	-0,80828	0,418931	0,7565916
RN7SL693P	1,26	-1,12	1,384678	-0,80823	0,418956	NA
RP11-670P16.3	31,04	-0,60	0,743783	-0,80819	0,418979	0,7565916
AC098817.1	1,32	3,01	3,729	0,808162	0,418997	NA
AC009505.2	9,56	-1,28	1,581331	-0,80809	0,41904	0,7565916
LETMD1	415,87	0,48	0,588256	0,808072	0,419049	0,7565916
TRIM25	1150,72	-0,31	0,383452	-0,80798	0,419101	0,7565916
bP-2189O9.2	6,17	1,23	1,519592	0,807872	0,419164	0,7565916
MIR22HG	239,58	0,53	0,658795	0,807861	0,419171	0,7565916
SDR16C6P	4,94	-0,76	0,93591	-0,80786	0,419172	0,7565916
AC092652.1	43,69	-0,87	1,082636	-0,80784	0,419183	0,7565916
SF3A3	639,50	0,34	0,418098	0,807835	0,419185	0,7565916
FXR1	492,68	0,41	0,50186	0,807653	0,41929	0,7566605
SRRM1	1340,96	0,21	0,26241	0,807589	0,419327	0,7566605
AP000704.5	7,27	-0,98	1,21711	-0,80756	0,419346	0,7566605
CYP27B1	1,16	1,89	2,344215	0,807483	0,419388	NA
AC069282.4	0,51	1,68	2,086568	0,807462	0,4194	NA
EZH2	246,44	-0,50	0,624035	-0,80744	0,419412	0,7567066
RNY3	1,71	-0,92	1,140125	-0,80722	0,419542	NA
FAM198A	0,80	2,27	2,806689	0,807193	0,419556	NA
EMG1	519,11	-0,47	0,579455	-0,80717	0,419567	0,7567763

DENND4B	1038,43	0,31	0,38864	0,807153	0,419579	0,7567763
CCDC169	168,88	-0,55	0,679013	-0,80711	0,419604	0,7567763
AC064853.3	6,75	-0,55	0,683197	-0,80709	0,419613	0,7567763
BST2	2234,91	-0,21	0,259138	-0,80702	0,419658	0,7567796
AC006042.6	1,31	3,01	3,728961	0,807009	0,419661	NA
ADAMTSL2	0,50	-1,27	1,57815	-0,80699	0,419671	NA
MUSTN1	22,48	1,23	1,5262	0,806948	0,419696	0,7567796
MCTS1	382,36	-0,34	0,425378	-0,80668	0,419849	0,7569529
RP11-805J14.5	6,78	1,31	1,628912	0,806629	0,41988	0,7569529
TDRD7	189,35	-0,61	0,756717	-0,8065	0,419953	0,7569529
MCM5	327,97	0,43	0,538385	0,806499	0,419955	0,7569529
CTC-338M12.4	20,09	1,42	1,757257	0,806356	0,420038	0,7569911
TFPI	308,17	-0,38	0,466143	-0,8063	0,42007	0,7569911
SRPK2	521,09	-0,42	0,52645	-0,8062	0,42013	0,7569911
CLEC11A	70,57	-0,68	0,846705	-0,80603	0,420226	0,7569911
P2RY1	51,61	0,56	0,69561	0,80601	0,420237	0,7569911
AC093495.4	72,01	-0,82	1,015375	-0,806	0,420245	0,7569911
ERAL1	256,47	0,57	0,711274	0,805866	0,42032	0,7569911
CTA-292E10.6	22,73	-0,87	1,076856	-0,80586	0,420326	0,7569911
TRIM17	1,99	3,00	3,726547	0,805844	0,420333	NA
TBCC	284,23	0,66	0,813759	0,805827	0,420343	0,7569911
GADD45G	0,49	-2,73	3,386595	-0,8057	0,420418	NA
AC003973.3	7,09	1,26	1,560592	0,80549	0,420537	0,7572223
AC015969.3	16,75	0,67	0,829136	0,805431	0,420571	0,7572223
SUZ12	363,97	-0,35	0,438496	-0,80517	0,420723	0,7572223
RSPH1	1,19	-1,25	1,557031	-0,80515	0,420731	NA
SCLY	110,84	-0,53	0,658028	-0,80506	0,420784	0,7572223
RRP15	251,62	0,65	0,805126	0,804996	0,420822	0,7572223
IRAK3	1175,06	-0,43	0,529529	-0,80498	0,42083	0,7572223
CDH18	7,24	0,92	1,138678	0,80496	0,420843	0,7572223
RP11-284P20.4	0,31	-2,67	3,315383	-0,80486	0,420899	NA
IRF7	506,32	-0,40	0,500893	-0,80483	0,420918	0,7572223
RFK	307,54	0,64	0,791568	0,804805	0,420932	0,7572223
CCDC138	32,64	-0,75	0,928512	-0,80473	0,420977	0,7572223
DEK	1736,63	-0,19	0,238661	-0,80471	0,420987	0,7572223
CXCR3	5,34	0,93	1,149544	0,804678	0,421005	0,7572223
DEPTOR	229,33	0,80	0,989757	0,80467	0,42101	0,7572223
CDK2AP1	464,10	0,38	0,468678	0,804617	0,421041	0,7572223
RP11-844P9.3	1,30	3,00	3,728089	0,804577	0,421064	NA
CTD-2576D5.4	1,28	3,00	3,729064	0,804566	0,42107	NA
UBE2C	1,91	1,40	1,734789	0,804276	0,421237	NA
MARK4	45,92	-0,53	0,659837	-0,80413	0,42132	0,7576158
RP11-626K17.3	9,19	-0,86	1,065784	-0,80386	0,421478	0,7576158
SRL	1,21	-1,26	1,567593	-0,80385	0,421486	NA
COPZ1	1343,95	0,29	0,366289	0,803814	0,421504	0,7576158
RORB	6,80	0,81	1,009957	0,803804	0,42151	0,7576158
RP11-758P17.3	11,18	-1,30	1,615355	-0,80371	0,421565	0,7576158
SLC19A1	173,70	-0,73	0,908538	-0,80369	0,421578	0,7576158
PHB	1023,38	0,40	0,502486	0,803665	0,421591	0,7576158
UQCRC2	1228,70	-0,31	0,38575	-0,8036	0,421626	0,7576158

PAX5	22,69	0,58	0,722661	0,803603	0,421626	0,7576158
PGA3	2,01	-1,25	1,55024	-0,80355	0,421657	NA
TMEM179B	1385,53	0,31	0,380661	0,803487	0,421693	0,7576635
TNFRSF21	223,29	0,76	0,946409	0,803346	0,421775	0,7577298
CD160	12,45	-0,55	0,679716	-0,80328	0,421812	0,7577298
RP5-1057B20.3	3,44	-0,61	0,760085	-0,80322	0,421849	NA
NCRNA00113	17,03	-1,07	1,330411	-0,80316	0,421883	0,7577852
SMTNL1	1,28	2,99	3,729101	0,803064	0,421938	NA
RP11-818C3.1	0,28	-2,96	3,681091	-0,80301	0,421969	NA
CH17-189H20.1	227,07	-0,44	0,553287	-0,80296	0,421999	0,7578506
KDEL1	477,90	-0,26	0,318376	-0,80292	0,422024	0,7578506
PARGP1	29,14	-0,71	0,889429	-0,80288	0,422047	0,7578506
RPS3AP5	13,12	0,31	0,386498	0,802813	0,422083	0,7578506
ASAH2	1,40	2,69	3,351536	0,802669	0,422166	NA
RP11-108M9.6	7,05	-1,28	1,600062	-0,80254	0,422238	0,758057
RP11-268G13.1	5,29	1,01	1,25407	0,802462	0,422286	0,7580584
RP11-885B4.4	0,59	-1,60	1,990748	-0,80238	0,422334	NA
C1D	249,61	-0,32	0,395253	-0,80225	0,422409	0,7580584
C11orf71	104,78	-0,76	0,943775	-0,80224	0,422417	0,7580584
UPP1	779,20	-0,41	0,509033	-0,8022	0,422435	0,7580584
HPS3	468,92	-0,48	0,598114	-0,80208	0,422506	0,7580584
TTC4	180,05	-0,81	1,01122	-0,80207	0,422511	0,7580584
RP11-727F15.12	7,59	-1,76	2,191725	-0,80205	0,422524	0,7580584
ABC7-481722F1.2	0,34	-2,95	3,675638	-0,80201	0,422545	NA
RP11-196G11.6	26,78	0,51	0,640323	0,801944	0,422586	0,758095
MT1G	1,30	2,42	3,016789	0,801868	0,422629	NA
NOL9	312,45	-0,63	0,788289	-0,80173	0,422711	0,7582043
MRPL43	455,84	-0,38	0,469403	-0,8017	0,422728	0,7582043
PTTG1	102,31	0,69	0,863967	0,801483	0,422852	0,7583349
CUTA	844,22	-0,24	0,301358	-0,80143	0,422882	0,7583349
RP11-326F20.5	1,06	2,08	2,600884	0,801279	0,42297	NA
PHB2	1182,91	0,20	0,248566	0,801249	0,422988	0,7584312
RP11-494M8.4	4,57	1,03	1,290817	0,801137	0,423052	0,7584312
UVSSA	388,05	-0,31	0,389741	-0,80113	0,423058	0,7584312
RP11-26J3.4	0,99	2,62	3,268157	0,800861	0,423212	NA
PTGER2	161,39	-0,82	1,024815	-0,80084	0,423222	0,7586519
CTD-2008P7.9	3,03	-1,38	1,729417	-0,80062	0,423353	NA
ITGB4	0,63	1,71	2,139056	0,800554	0,42339	NA
C8orf51	10,95	0,59	0,731051	0,80044	0,423456	0,7589974
RNU6-593P	1,27	2,98	3,729162	0,800331	0,423519	NA
RP11-87E22.2	18,46	0,38	0,475163	0,800248	0,423567	0,759124
FMR1	310,84	0,41	0,508728	0,800144	0,423627	0,759159
MIR8066	1,28	2,98	3,729165	0,800116	0,423644	NA
ZNF653	1,31	2,98	3,729449	0,799963	0,423732	NA
FBXO25	440,89	0,59	0,734229	0,799963	0,423732	0,7592736
RP11-64K7.1	0,44	-1,40	1,756112	-0,7999	0,423768	NA
C17orf67	9,65	1,18	1,479332	0,799828	0,42381	0,7593403
RP11-885B4.1	1,29	2,98	3,72899	0,799782	0,423837	NA
CTSV	53,45	-0,72	0,896194	-0,79971	0,423881	0,7593936
ZFP69	18,52	1,42	1,777353	0,799592	0,423947	0,759439

RP13-16H11.6	0,28	-2,94	3,680353	-0,79956	0,423968	NA
TNFAIP8	779,37	0,38	0,474007	0,799363	0,42408	0,7596042
AP002954.3	6,76	-0,79	0,983122	-0,79923	0,424159	0,7596475
EFR3A	575,26	-0,33	0,408906	-0,79918	0,424186	0,7596475
AC073842.19	0,72	-1,48	1,851913	-0,79907	0,42425	NA
RP11-75C10.6	7,07	-1,12	1,397181	-0,79905	0,424262	0,7596534
IL21R	26,16	-0,44	0,546481	-0,79898	0,424302	0,7596534
DCAF13	631,43	-0,62	0,776115	-0,79889	0,424356	0,7596534
FBXW5	874,53	-0,39	0,487009	-0,79882	0,424394	0,7596534
NOM1	256,28	-0,69	0,861896	-0,79875	0,424433	0,7596534
RP11-949J7.8	1,42	2,98	3,730039	0,798753	0,424434	NA
IRF8	1350,85	0,34	0,425831	0,798752	0,424434	0,7596534
RP11-475J5.4	1,26	2,98	3,729158	0,79867	0,424482	NA
PTENP1-AS	1,60	-1,27	1,593125	-0,79851	0,424573	NA
GLRX5	110,94	-0,53	0,661523	-0,7984	0,424639	0,7598745
AC007192.4	0,94	2,54	3,182305	0,798384	0,424647	NA
RP11-9L18.3	30,40	-0,65	0,809827	-0,79833	0,424676	0,7598745
IFT22	54,35	-0,54	0,68169	-0,79833	0,42468	0,7598745
C6orf229	3,11	1,90	2,386739	0,79809	0,424818	NA
MRPL2	192,57	0,38	0,478185	0,798058	0,424837	0,7600738
CTD-2313N18.5	20,79	-0,85	1,066112	-0,798	0,424873	0,7600738
RNA5SP20	1,27	2,98	3,729227	0,797933	0,42491	NA
AC008694.2	1,13	1,08	1,348794	0,797922	0,424916	NA
AP001053.11	179,59	-0,59	0,744495	-0,79779	0,42499	0,7601695
LBX2	0,53	-1,76	2,208391	-0,79774	0,425022	NA
CYP17A1	4,12	-0,72	0,902134	-0,79772	0,425035	0,7601695
MFAP1	119,84	-0,84	1,05545	-0,79767	0,425063	0,7601695
CTD-2319I12.4	1,92	2,97	3,726359	0,79762	0,425091	NA
RP1-266L20.9	14,48	0,51	0,635384	0,797571	0,42512	0,7601695
ZNF189	114,40	1,06	1,329908	0,797551	0,425131	0,7601695
C12orf77	11,34	-0,50	0,621449	-0,7974	0,42522	0,7602226
RP11-620J15.3	29,01	-0,81	1,012194	-0,79735	0,425248	0,7602226
CTA-398F10.1	86,67	-0,33	0,417267	-0,79726	0,425297	0,7602226
C5orf55	28,80	1,32	1,653512	0,79713	0,425376	0,7602226
H1FO	163,27	-0,67	0,840537	-0,79712	0,42538	0,7602226
RP11-445N18.2	8,76	1,01	1,269146	0,797078	0,425406	0,7602226
COG8	56,94	-0,68	0,853101	-0,79695	0,425481	0,7602834
AC068831.10	39,64	-0,58	0,731407	-0,79679	0,425572	0,7603734
CTD-2083E4.5	0,34	-2,27	2,849352	-0,79679	0,425574	NA
RP1-234P15.4	19,03	-1,70	2,12792	-0,79671	0,425622	0,7603899
GPR61	1,49	2,67	3,355173	0,796618	0,425673	NA
RP11-55K13.1	12,46	-0,65	0,815198	-0,7966	0,425683	0,7604258
AC069513.4	0,93	-1,69	2,125084	-0,7966	0,425685	NA
SIRPG	1,12	-1,34	1,686604	-0,79656	0,425709	NA
RP11-197O15.1	35,06	-0,87	1,087886	-0,79652	0,425733	0,7604413
COMTD1	104,05	-0,80	1,010748	-0,79639	0,425804	0,7604961
AC104113.3	0,27	-2,93	3,681209	-0,79631	0,425853	NA
ITPR2	790,77	-0,47	0,588025	-0,79628	0,425872	0,7605436
TKTL1	1,24	2,97	3,730083	0,796234	0,425896	NA
HAUS8	118,10	-0,76	0,9518	-0,79618	0,425926	0,7605676

LINC-ROR	16,39	0,54	0,677768	0,796103	0,425972	0,7605766
CTD-2147F2.1	2,13	-0,85	1,064243	-0,79599	0,426038	NA
RP4-675G8.3	1,19	-1,56	1,96436	-0,79587	0,426109	NA
LINC00896	1,28	2,97	3,729028	0,795801	0,426148	NA
SLC39A10	235,85	0,41	0,512271	0,795762	0,42617	0,7608189
CCNI2	51,48	-1,27	1,599214	-0,79573	0,426189	0,7608189
TMEM225B	1,78	-1,22	1,529058	-0,79568	0,426217	NA
RP11-1348G14.4	25,03	-0,49	0,612125	-0,79561	0,426259	0,7608189
RP11-644F5.10	97,03	0,48	0,607997	0,795589	0,426271	0,7608189
LL09NC01-139C3.1	1,52	2,63	3,309301	0,795398	0,426382	NA
SLC25A36	793,12	0,35	0,444924	0,795357	0,426406	0,7609395
SART1	121,52	-0,55	0,688427	-0,79529	0,426444	0,7609395
RP11-310J24.3	4,44	1,40	1,757252	0,795259	0,426463	0,7609395
EIF4ENIF1	256,99	-0,50	0,633018	-0,79509	0,426562	0,7609395
ATP2A3	113,99	-0,58	0,728899	-0,79502	0,426605	0,7609395
JMJD6	540,23	0,43	0,535994	0,794988	0,426621	0,7609395
ALKBH3	201,77	-0,67	0,837179	-0,79498	0,426625	0,7609395
AC005363.9	2,00	-1,17	1,477524	-0,7949	0,426672	NA
ZNF317	158,79	-0,56	0,702456	-0,79487	0,426688	0,7609779
CPB1	3,13	-1,41	1,779986	-0,79478	0,426744	NA
RAB32	856,31	0,35	0,43678	0,794744	0,426762	0,7610385
AC007241.4	2,24	1,23	1,546123	0,794721	0,426776	NA
DGKQ	185,80	-0,77	0,971587	-0,79466	0,426811	0,7610517
AC084193.1	1,27	2,96	3,72932	0,794602	0,426845	NA
DAB2	250,57	0,56	0,705944	0,794572	0,426862	0,7610709
RP11-295P9.12	0,81	-1,04	1,307609	-0,79454	0,426881	NA
RP11-1089B7.1	0,49	-1,39	1,752329	-0,79452	0,426892	NA
AC008937.3	1,25	2,96	3,728839	0,794451	0,426933	NA
CTD-2531D15.4	1,25	2,96	3,729311	0,794391	0,426968	NA
CTD-2311B13.7	128,86	-0,71	0,895366	-0,79437	0,426983	0,7611801
RP11-61J19.5	47,27	-0,89	1,11889	-0,79433	0,427005	0,7611801
CHRNE	21,74	-1,40	1,767729	-0,79406	0,427161	0,7613113
RP11-463O12.5	282,09	-0,49	0,615406	-0,79404	0,42717	0,7613113
KLHDC3	393,98	0,55	0,687034	0,793896	0,427256	0,7613113
RP11-124N19.3	0,72	-1,63	2,057106	-0,79388	0,427267	NA
RP11-248J18.2	0,79	2,26	2,845747	0,793873	0,427269	NA
HMG2	3489,75	0,19	0,243372	0,793805	0,427309	0,7613113
RP11-175K6.1	8,36	-0,74	0,928311	-0,7937	0,427368	0,7613113
RP5-886K2.3	14,24	-1,36	1,716615	-0,79368	0,427379	0,7613113
PRSS16	11,76	1,15	1,444911	0,79366	0,427393	0,7613113
NUP210	1193,58	0,27	0,341084	0,793638	0,427406	0,7613113
RP11-727M10.1	1,24	2,96	3,729312	0,793629	0,427412	NA
MRPS7	719,94	0,33	0,419468	0,793564	0,427449	0,7613147
MIRLET7BHG	32,18	-0,91	1,142265	-0,79334	0,427577	0,76147
RP11-610P16.1	1,25	2,96	3,72931	0,793263	0,427625	NA
PRDM4	202,95	0,69	0,865506	0,793248	0,427633	0,7614964
CES2	206,54	0,54	0,682705	0,793168	0,42768	0,7615066
RP11-681L8.1	1,66	1,31	1,650163	0,793104	0,427717	NA
AC023347.1	1,31	-1,07	1,350505	-0,7931	0,427717	NA
ZNF827	4,46	-1,36	1,72061	-0,79292	0,427824	0,7616902

RP11-802023.3	32,27	-1,41	1,783647	-0,79255	0,428039	0,7619622
TBC1D8	252,75	-0,45	0,568806	-0,79252	0,428059	0,7619622
FLOT2	1819,20	0,17	0,213458	0,792351	0,428156	0,7620033
GREM1	95,04	-0,48	0,602059	-0,79226	0,428207	0,7620033
AC011747.3	1,24	2,95	3,729328	0,792253	0,428213	NA
RP11-548H18.2	10,84	-0,95	1,195488	-0,79224	0,428222	0,7620033
RP11-417L19.2	22,31	0,50	0,628321	0,792198	0,428245	0,7620033
MIR8078	0,41	-2,27	2,871348	-0,79216	0,428265	NA
RP11-415I12.3	2,36	1,12	1,411903	0,79211	0,428296	NA
RP1-281H8.3	0,21	-2,21	2,791056	-0,79211	0,428298	NA
EBPL	150,16	-0,61	0,775882	-0,79204	0,42834	0,762098
INTS14	191,23	-0,72	0,913927	-0,79196	0,428384	0,7621047
AC025750.5	0,44	-1,39	1,755762	-0,79173	0,428521	NA
RP5-898I4.1	11,40	-0,61	0,76612	-0,79168	0,428547	0,7622228
CTD-2036P10.5	1,25	2,95	3,729322	0,791583	0,428604	NA
AC061992.2	18,84	-1,60	2,019813	-0,79153	0,428635	0,7622228
CTD-2651B20.5	4,11	0,91	1,155292	0,791506	0,428649	0,7622228
HCRTR1	1,21	2,28	2,880079	0,79144	0,428687	NA
RP5-881P19.7	15,34	0,79	0,992557	0,791399	0,428711	0,7622228
RP11-293P20.4	8,87	-1,84	2,326618	-0,79131	0,428763	0,7622228
CRB2	3,83	1,53	1,934955	0,791236	0,428806	0,7622228
SARS2	86,78	0,71	0,892887	0,791234	0,428807	0,7622228
SLC25A32	179,52	0,65	0,825472	0,791214	0,428819	0,7622228
CBY1	26,01	0,91	1,151657	0,791183	0,428837	0,7622228
TMX1	647,58	-0,36	0,455545	-0,79114	0,42886	0,7622228
JMJD4	69,02	-0,97	1,2244	-0,79106	0,428906	0,7622313
RP11-434C1.3	1,90	2,95	3,726412	0,791052	0,428914	NA
RP11-157H10.4	1,06	-1,56	1,974372	-0,79093	0,428985	NA
POU5F2	121,96	0,46	0,576181	0,790912	0,428996	0,7623173
ERN1	179,13	0,58	0,733615	0,79084	0,429038	0,7623191
TRIM14	419,69	-0,41	0,514605	-0,79077	0,429081	0,7623231
RP11-4L24.3	33,21	-0,90	1,139897	-0,7906	0,429176	0,7623553
SYNE4	7,80	0,93	1,170527	0,790594	0,429181	0,7623553
FAM66D	0,74	-2,72	3,443154	-0,79054	0,429212	NA
AC106900.6	0,88	-2,76	3,497249	-0,79052	0,429226	NA
SET	3854,26	0,18	0,222531	0,790481	0,429247	0,7624
CTD-3216D2.5	5,95	-0,86	1,088839	-0,79039	0,429301	0,7624238
RASL10B	9,63	-0,65	0,826614	-0,79014	0,429446	0,7624996
KCTD13	46,14	-0,69	0,871585	-0,79008	0,429479	0,7624996
RP11-780O17.1	16,15	-0,91	1,152975	-0,79008	0,429482	0,7624996
KIAA1967	175,65	0,63	0,800369	0,790034	0,429508	0,7624996
RP11-803B1.8	23,00	0,85	1,080039	0,789892	0,429591	0,7625744
FCN3	0,27	-2,91	3,682283	-0,78986	0,42961	NA
TSPYL3	35,60	0,63	0,792339	0,789776	0,429659	0,7626215
RP11-114H20.1	1,26	2,32	2,936115	0,789743	0,429678	NA
RP11-363G10.2	1,26	2,32	2,936115	0,789743	0,429678	NA
NCRNA00111	1,23	2,95	3,729469	0,789727	0,429687	NA
KIAA0355	183,25	-0,57	0,723307	-0,78953	0,4298	0,7627369
AP001412.1	7,94	2,08	2,632539	0,789524	0,429806	0,7627369
SNORA68B	1,24	-1,58	2,004346	-0,78939	0,429883	NA

RP11-46H11.12	1,23	2,94	3,729401	0,78912	0,430042	NA
DTX3L	727,11	-0,33	0,420076	-0,78905	0,430081	0,7630943
ACAA2	652,36	-0,53	0,671004	-0,78902	0,4301	0,7630943
CHD5	0,36	-1,48	1,880775	-0,789	0,430113	NA
XCR1	6,68	-1,13	1,4322	-0,78895	0,430141	0,7630943
AP001464.4	1,24	2,31	2,922643	0,788934	0,430151	NA
CDK5RAP1	487,80	-0,41	0,513601	-0,78883	0,430214	0,7630943
RP4-617C6.1	49,11	-0,61	0,776844	-0,7888	0,430227	0,7630943
RP11-598P12.1	0,57	-2,69	3,412124	-0,78879	0,430237	NA
RP11-473O4.5	0,64	-2,67	3,383072	-0,78875	0,43026	NA
CTD-2293H3.1	8,40	0,90	1,142333	0,788731	0,430269	0,7630943
RP11-301G19.1	1,24	2,94	3,729444	0,78871	0,430281	NA
RPL32P3	75,12	-0,54	0,690199	-0,78864	0,430321	0,7630943
DR1	816,28	-0,44	0,556384	-0,78862	0,430335	0,7630943
SSX6	1,27	2,94	3,72917	0,788552	0,430374	NA
RP11-77I22.3	6,59	1,20	1,524597	0,788515	0,430395	0,7631282
RP11-195C7.1	1,46	1,94	2,464009	0,788268	0,43054	NA
RP4-605O3.4	19,71	-0,59	0,753414	-0,78827	0,43054	0,7631868
TCOF1	926,03	0,39	0,494425	0,788257	0,430546	0,7631868
CTD-3022L24.1	4,75	-1,17	1,489132	-0,78825	0,430551	0,7631868
SDHAF1	244,61	0,57	0,723807	0,788101	0,430637	0,7632604
OR10H5	62,68	-0,23	0,295227	-0,7879	0,430757	0,7632604
ZNF257	9,44	0,98	1,242753	0,787882	0,430766	0,7632604
CPN2	17,23	-0,59	0,750532	-0,78781	0,430807	0,7632604
RP11-758M2.1	23,92	-0,61	0,773551	-0,78773	0,430852	0,7632604
TMEM232	58,74	-0,93	1,184305	-0,78766	0,430898	0,7632604
RP11-777B9.4	4,22	-0,95	1,210521	-0,7876	0,430933	0,7632604
RNU2-59P	5,49	-1,29	1,634673	-0,78759	0,430939	0,7632604
GRIN2C	1,75	-1,83	2,318154	-0,78758	0,430942	NA
KIAA0930	1008,78	0,29	0,37239	0,787484	0,430998	0,7632604
STX2	167,36	-0,58	0,732129	-0,78741	0,43104	0,7632604
LRRC37BP1	221,05	-0,50	0,631644	-0,78741	0,431044	0,7632604
PI4KA	509,81	0,43	0,548469	0,787333	0,431087	0,7632637
GS1-166A23.2	3,06	1,86	2,361531	0,787155	0,431191	NA
COL14A1	5,75	-1,32	1,673421	-0,78704	0,431261	0,7632745
TP53AIP1	1,11	-1,43	1,821114	-0,78704	0,431261	NA
STK19	285,02	-0,52	0,658799	-0,78701	0,431275	0,7632745
AC002115.7	9,70	-0,83	1,058069	-0,78701	0,431277	0,7632745
RECQL4	6,13	-1,76	2,236335	-0,78698	0,431294	0,7632745
CTA-243E7.3	10,54	-0,56	0,710649	-0,78697	0,431298	0,7632745
SNORD53B	0,34	-2,64	3,355767	-0,78686	0,431361	NA
UBE2J2	552,27	-0,47	0,6009	-0,78681	0,431391	0,7633454
DHX40	244,99	-0,58	0,735409	-0,78676	0,43142	0,7633454
RP11-927P21.2	10,87	-0,87	1,108873	-0,7866	0,431518	0,7634454
CTD-2140G10.2	1,71	2,14	2,725125	0,786498	0,431576	NA
RP11-575I8.1	0,54	-2,62	3,333357	-0,78647	0,431593	NA
CTD-3131K8.3	0,50	-1,55	1,966104	-0,78621	0,431747	NA
RP11-514P8.10	111,38	-0,47	0,594265	-0,78619	0,431754	0,7637626
ARPC5L	268,94	0,47	0,592369	0,786074	0,431824	0,7637626
GRXCR1	0,66	-2,66	3,386189	-0,78604	0,431842	NA

AC003075.4	61,20	-0,96	1,223789	-0,78604	0,431845	0,7637626
RP11-117F22.2	0,31	-1,90	2,421338	-0,78602	0,431853	NA
RP11-65G9.1	22,76	-1,25	1,586425	-0,78597	0,431883	0,7637626
RP11-252C15.1	8,81	-1,74	2,218209	-0,78594	0,431903	0,7637626
RP11-190A12.9	25,09	1,53	1,950264	0,785767	0,432004	0,7638699
AC007969.5	5,73	-0,47	0,599312	-0,78557	0,432119	0,7639569
RP11-35G9.3	145,82	-0,66	0,843796	-0,78554	0,432136	0,7639569
ZNF114	8,94	-0,83	1,057059	-0,78543	0,432202	0,7640015
PLXNC1	871,81	0,28	0,360402	0,785263	0,432299	0,7641008
TOR1B	168,56	0,69	0,878613	0,785113	0,432388	0,7641846
AC008753.4	1,23	2,93	3,729489	0,784951	0,432482	NA
RP3-468K18.6	1,22	2,93	3,729527	0,784948	0,432484	NA
RP11-506O24.2	2,08	-1,55	1,975945	-0,78491	0,432506	NA
MME	14,81	-1,26	1,611461	-0,7848	0,432572	0,7642919
AC083899.1	4,98	-0,59	0,752918	-0,78477	0,432591	0,7642919
CTD-2117L12.1	21,09	0,61	0,782848	0,784747	0,432602	0,7642919
RP11-401O9.3	43,32	0,36	0,457001	0,784729	0,432613	0,7642919
RNU6-225P	1,00	-1,16	1,483498	-0,78469	0,432637	NA
RP11-357N13.2	2,67	2,04	2,599914	0,784634	0,432668	NA
RP11-787I22.3	0,27	-2,89	3,682541	-0,78462	0,432676	NA
ATG13	392,53	-0,30	0,378323	-0,78461	0,432683	0,7643428
RP11-454P7.1	1,23	2,93	3,729509	0,784539	0,432724	NA
RP1-232P20.1	1,31	2,93	3,72895	0,784529	0,43273	NA
SKINT1L	2,18	1,34	1,708863	0,784522	0,432734	NA
LEPROT	696,07	-0,42	0,537377	-0,78449	0,432752	0,764393
CTC-293G12.1	0,72	2,14	2,73294	0,784462	0,432769	NA
CCDC9	136,80	-0,48	0,609729	-0,78427	0,43288	0,7644225
CTD-2267D19.1	1,63	2,10	2,684247	0,784191	0,432928	NA
LINC00216	51,12	-0,83	1,064366	-0,78414	0,432958	0,7644225
RP4-771M4.3	3,48	-0,94	1,20408	-0,78414	0,43296	NA
CD300LF	565,17	-0,47	0,603913	-0,78409	0,432989	0,7644225
PDXP	209,32	0,75	0,952027	0,784068	0,433	0,7644225
PLCB2	2064,33	-0,19	0,240513	-0,78406	0,433007	0,7644225
CTD-3185P2.1	28,47	-1,49	1,899359	-0,78404	0,433015	0,7644225
RP11-373D17.1	1,15	-1,83	2,329675	-0,78399	0,433047	NA
XXbac-BPG308K3.5	1,56	-0,90	1,14469	-0,7839	0,433098	NA
RP11-380I10.1	0,48	-1,24	1,576954	-0,7837	0,433216	NA
RP11-461O7.1	25,86	-0,53	0,671191	-0,78365	0,433247	0,7647589
USP46	131,31	0,56	0,708774	0,7833	0,433451	0,7648775
AC006262.6	16,61	0,54	0,68593	0,783235	0,433489	0,7648775
CTB-46B19.2	33,79	-0,57	0,733079	-0,78322	0,433499	0,7648775
RP4-536B24.3	5,87	0,95	1,210776	0,78321	0,433504	0,7648775
CYP2A6	0,86	-2,72	3,476842	-0,78321	0,433505	NA
MIR3137	1,20	2,91	3,712431	0,78318	0,433521	NA
KIF2A	189,78	0,35	0,45014	0,783066	0,433588	0,7648775
UBXN6	408,06	-0,43	0,549725	-0,78294	0,43366	0,7648775
RP11-95P2.1	12,95	-0,89	1,132788	-0,78293	0,43367	0,7648775
RP11-229P13.2	15,20	0,49	0,627343	0,782903	0,433684	0,7648775
ABHD11	99,67	0,72	0,925855	0,782903	0,433684	0,7648775
RN7SL419P	0,54	-1,73	2,203629	-0,7829	0,433685	NA

CX3CR1	624,91	-0,55	0,696924	-0,78276	0,433767	0,764886
MICAL3	75,27	-0,74	0,949153	-0,78275	0,433775	0,764886
RP11-1017G21.6	2,82	-0,97	1,239832	-0,78272	0,43379	NA
BRCC3	380,79	0,48	0,611577	0,782685	0,433812	0,764886
RP11-363E7.4	1,95	1,68	2,148294	0,782631	0,433844	NA
DRG1	281,67	0,50	0,643745	0,782492	0,433925	0,7650128
CTD-2309M13.1	5,42	0,46	0,587657	0,782332	0,434019	0,7651062
AC007326.10	3,11	1,35	1,727837	0,782331	0,43402	NA
MIER1	530,11	0,27	0,345861	0,782235	0,434077	0,7651344
CACNG3	0,75	2,19	2,799213	0,78218	0,434109	NA
PKHD1	26,95	-0,70	0,89501	-0,78199	0,434222	0,7652481
NDUFB2	831,18	-0,16	0,207682	-0,78199	0,434223	0,7652481
CCDC144C	106,17	0,51	0,655852	0,781691	0,434396	0,7654765
RP3-522J7.7	17,24	-0,49	0,620565	-0,78162	0,434435	0,7654765
RP11-300D11.2	0,26	-2,88	3,682176	-0,78151	0,4345	NA
RP1-40E16.12	23,30	-1,62	2,069451	-0,78148	0,43452	0,7655202
RP11-59H7.4	8,09	0,88	1,124002	0,781442	0,434542	0,7655202
RP11-594N15.2	0,92	2,26	2,887736	0,781343	0,434601	NA
KCNA1	0,60	1,89	2,420732	0,78134	0,434603	NA
CTD-2659N19.10	0,52	-2,24	2,871435	-0,78129	0,434629	NA
GMPPB	211,79	0,60	0,764009	0,781238	0,434663	0,7656255
SSRP1	752,20	-0,38	0,480684	-0,78116	0,434707	0,7656255
RP1-303A1.2	0,81	-2,40	3,066553	-0,78115	0,434714	NA
ZNF100	149,56	-0,46	0,593404	-0,78113	0,434725	0,7656255
RPL31P49	0,49	-1,36	1,747435	-0,78108	0,434755	NA
MINOS1-NBL1	1,22	2,91	3,729598	0,781058	0,434768	NA
RFTN2	9,33	-0,51	0,648756	-0,78085	0,434894	0,7657563
UBE2K	563,35	0,40	0,505894	0,780815	0,434911	0,7657563
NUDC	784,19	0,33	0,421857	0,780795	0,434923	0,7657563
RP11-538I12.3	0,82	-2,08	2,664915	-0,78075	0,434949	NA
RP11-115J23.1	27,06	-0,81	1,040551	-0,78066	0,435005	0,7658276
DSN1	110,21	0,66	0,844613	0,780347	0,435186	0,7660746
ABCA10	5,18	-1,87	2,396108	-0,7802	0,435274	0,7661564
NPIP8	0,51	1,60	2,050557	0,780066	0,435352	NA
RP11-14N7.2	2,81	-1,03	1,320316	-0,78002	0,435379	NA
PHOX2B	0,27	-2,87	3,676368	-0,77992	0,435436	NA
HSPA1A	205,04	-0,55	0,699741	-0,77991	0,435447	0,7663876
OR2H4P	1,20	2,91	3,729799	0,779889	0,435457	NA
AUTS2	126,87	0,66	0,844176	0,779743	0,435542	0,7664836
RP5-837J1.4	0,33	-2,58	3,313194	-0,77959	0,435635	NA
RWDD2B	82,00	0,49	0,633396	0,7794	0,435744	0,7666257
ZNF212	94,38	0,77	0,987088	0,779304	0,435801	0,7666257
AC073052.1	4,24	1,39	1,78416	0,77929	0,435809	0,7666257
CD70	1,18	2,32	2,978154	0,779216	0,435852	NA
GALT	231,05	0,63	0,807275	0,779201	0,435861	0,7666257
RNF216	578,10	0,42	0,539486	0,779134	0,435901	0,7666257
DNAJC28	3,27	0,81	1,044446	0,779122	0,435908	NA
ATP6V0A1	753,83	-0,34	0,440054	-0,77904	0,435956	0,7666257
SLC45A4	58,17	-1,01	1,296392	-0,77902	0,435968	0,7666257
RP11-214J9.1	0,26	-2,87	3,683031	-0,77902	0,435969	NA

RP11-347H15.5	0,41	-2,59	3,330568	-0,77894	0,436012	NA
RP11-267M23.3	16,37	-0,58	0,750215	-0,77894	0,436016	0,7666257
AKR1B15	25,67	-0,58	0,739343	-0,77894	0,436017	0,7666257
ARMCX3	162,65	0,64	0,822104	0,778906	0,436035	0,7666257
ASTL	29,69	1,27	1,628923	0,778833	0,436078	0,7666291
IDH3G	921,46	0,36	0,457255	0,77872	0,436145	0,7666429
STMN3	28,75	1,18	1,519691	0,778627	0,436199	0,7666429
CTD-2368P22.1	47,63	-0,50	0,638578	-0,77861	0,43621	0,7666429
RN7SL743P	2,05	-1,03	1,328865	-0,77852	0,436263	NA
SULF2	1424,47	0,28	0,363923	0,778437	0,436311	0,7666944
SENP1	95,04	-0,64	0,820085	-0,77842	0,436321	0,7666944
SNORA36A	1,25	-1,41	1,814819	-0,7783	0,436392	NA
LINC00624	34,42	-1,14	1,464281	-0,7782	0,43645	0,7667856
RPS10-NUDT3	257,21	-1,08	1,394033	-0,77815	0,436478	0,7667856
RP11-299H22.5	49,19	-0,72	0,924908	-0,77808	0,436522	0,7667856
CCDC82	443,08	-0,47	0,598935	-0,77796	0,436593	0,7667856
VPS37C	96,77	-0,52	0,666009	-0,77791	0,436619	0,7667856
RASA4B	278,67	-0,34	0,441333	-0,77791	0,436621	0,7667856
ARL4D	1,20	2,90	3,729685	0,777877	0,436642	NA
ARHGAP44	9,88	-0,78	1,008761	-0,77779	0,43669	0,7668188
CTD-3051L14.15	12,01	-0,95	1,21742	-0,77769	0,43675	0,7668188
GPSM1	4,48	2,06	2,644853	0,777658	0,436771	0,7668188
WNK2	1,73	-1,02	1,317429	-0,7776	0,436805	NA
RP4-791M13.3	3,66	1,35	1,734129	0,777599	0,436806	NA
AC018462.3	6,17	2,07	2,667982	0,777579	0,436817	0,7668188
RAP1A	965,88	0,24	0,314508	0,777531	0,436846	0,7668188
PGLYRP4	1,20	2,90	3,729859	0,777353	0,436951	NA
CTD-2061E19.6	1,10	-1,23	1,586396	-0,77733	0,436963	NA
CTD-3092A11.1	62,99	-0,67	0,856396	-0,77724	0,437019	0,767051
AC000120.7	27,37	-0,77	0,988878	-0,77705	0,437132	0,7671263
SFXN4	155,41	-0,64	0,819223	-0,77702	0,437144	0,7671263
RP11-7M10.2	0,56	1,83	2,351393	0,776939	0,437195	NA
RP11-358M11.2	43,66	-0,72	0,930853	-0,77694	0,437197	0,7671364
AL022344.5	55,11	-0,51	0,662043	-0,77687	0,437234	0,7671364
FHL1	15,86	-1,18	1,515051	-0,7768	0,437274	0,7671364
NOVA2	7,28	0,97	1,25122	0,776611	0,437388	0,7672153
CTC-428G20.1	1,19	2,90	3,729703	0,77659	0,437401	NA
CHST13	49,65	-1,07	1,373729	-0,77659	0,437401	0,7672153
SKP1	2721,44	0,20	0,262951	0,776413	0,437505	0,7673253
IGKV1-17	0,82	-1,48	1,900884	-0,7764	0,437513	NA
RPH3AL	32,72	-0,77	0,992001	-0,77601	0,43774	0,767659
RP4-703E10.1	6,24	-1,48	1,907593	-0,77595	0,437778	0,767659
RP11-236F9.4	1,21	2,89	3,729691	0,775946	0,437781	NA
RPE	313,64	-0,60	0,775248	-0,77584	0,437845	0,7677031
CORO1A	3583,07	0,23	0,291724	0,775662	0,437949	0,7678136
MUC20	43,74	-0,76	0,983306	-0,77558	0,437996	0,7678233
RN7SL198P	2,40	1,33	1,717479	0,775506	0,438041	NA
RN7SL12P	1,43	1,47	1,891979	0,775475	0,438059	NA
TP53I3	175,21	0,71	0,915747	0,775397	0,438105	0,7678824
CANX	2551,55	0,22	0,280794	0,775386	0,438112	0,7678824

PTMS	11,18	0,70	0,899615	0,775194	0,438225	0,7680082
RP11-199O14.1	2,00	-1,00	1,287961	-0,77508	0,438294	NA
RP3-324O17.8	1,53	1,59	2,056647	0,775059	0,438305	NA
CTC-499B15.6	6,97	-0,85	1,103095	-0,77496	0,438365	0,7681725
RP11-398A8.2	1,18	2,89	3,729769	0,774876	0,438413	NA
AC002055.4	97,43	0,62	0,794138	0,774867	0,438418	0,7681725
RP11-287D1.3	0,71	2,15	2,781008	0,774733	0,438497	NA
SLC18B1	294,05	0,53	0,681477	0,7747	0,438517	0,7681725
ANKRD20A4	35,78	1,21	1,563422	0,774654	0,438544	0,7681725
C14orf28	21,03	1,12	1,444205	0,774616	0,438566	0,7681725
TNFRSF10A	118,74	0,79	1,016648	0,774557	0,438602	0,7681725
RP11-330H6.5	0,75	1,47	1,903416	0,774538	0,438613	NA
SMIM18	11,68	1,29	1,665362	0,774417	0,438684	0,7681725
AP000230.1	28,41	-0,53	0,682117	-0,77441	0,438689	0,7681725
ST3GAL2	164,47	-0,55	0,712465	-0,77433	0,438737	0,7681725
RP11-370I10.11	8,54	1,23	1,592836	0,774308	0,438749	0,7681725
CHRNA10	6,16	1,47	1,894394	0,774267	0,438773	0,7681725
RP4-635A23.6	159,04	-0,70	0,898	-0,77399	0,438937	0,7682676
RP11-428O18.3	0,92	2,51	3,241462	0,773979	0,438943	NA
XXbac-B461K10.4	41,20	-1,37	1,772268	-0,77391	0,438982	0,7682676
CTD-2081K17.1	2,48	-2,07	2,677969	-0,77389	0,438997	NA
ADGB	52,77	1,01	1,302964	0,773866	0,43901	0,7682676
RP11-574K11.8	13,76	-1,77	2,291254	-0,77386	0,439014	0,7682676
RNF207	8,95	0,64	0,821456	0,773826	0,439034	0,7682676
ITPR1	673,90	0,48	0,614376	0,773572	0,439184	0,7683734
CTD-2528L19.6	1,98	1,48	1,914067	0,773538	0,439204	NA
GLI4	53,36	0,70	0,906845	0,773529	0,439209	0,7683734
NECAB2	1,21	2,89	3,730402	0,773467	0,439246	NA
MS4A10	8,25	-0,58	0,754646	-0,77339	0,439292	0,7683734
LINC00568	3,41	0,80	1,031003	0,773385	0,439295	NA
ZNRF1	40,03	-1,03	1,332092	-0,77337	0,439304	0,7683734
SLC17A5	182,95	-0,71	0,918507	-0,7733	0,439347	0,7683734
NDNF	0,22	-2,13	2,755533	-0,77328	0,439356	NA
RP11-414B7.1	14,90	-1,44	1,863984	-0,77326	0,43937	0,7683734
GK5	203,21	-0,41	0,529611	-0,77324	0,439383	0,7683734
ARMCX1	78,58	-0,99	1,284078	-0,77312	0,43945	0,7684185
AKNAD1	0,95	-1,19	1,544489	-0,77305	0,439494	NA
NCLN	180,05	-0,39	0,502073	-0,77297	0,439537	0,7684987
CTB-55B8.1	0,44	1,41	1,826167	0,772747	0,439672	NA
COX15	325,80	0,55	0,717403	0,772689	0,439706	0,7686543
RP11-478G16.1	4,68	-0,94	1,221583	-0,77268	0,439709	0,7686543
RN7SL842P	5,25	-0,79	1,021251	-0,77252	0,439807	0,7687136
PLD1	64,85	-0,65	0,844838	-0,77249	0,439826	0,7687136
SPACA5	1,19	2,88	3,729752	0,772487	0,439826	NA
MIR573	1,19	2,88	3,729794	0,772396	0,43988	NA
RP11-80B9.1	0,92	2,48	3,207524	0,772367	0,439897	NA
UGGT1	608,46	-0,55	0,714033	-0,77235	0,439904	0,768765
IDI2	1,19	2,88	3,729822	0,772314	0,439928	NA
RP11-701H24.2	1,88	1,76	2,284424	0,77231	0,439931	NA
CTD-2007L18.5	0,44	-2,84	3,670887	-0,7723	0,439935	NA

CBX8	2,25	1,92	2,483114	0,772284	0,439946	NA
RGN	0,82	-1,20	1,557301	-0,77225	0,439968	NA
PSMA6	2652,94	0,22	0,284426	0,772245	0,439969	0,768765
IZUMO1	19,01	-0,60	0,772171	-0,77219	0,440001	0,768765
RP11-255H23.2	0,89	1,82	2,355063	0,772187	0,440004	NA
NPSR1-AS1	20,67	-0,49	0,638484	-0,7721	0,440058	0,768765
MAOB	14,07	1,42	1,842218	0,772034	0,440094	0,768765
USP22	1004,34	0,27	0,345235	0,772019	0,440103	0,768765
CCDC39	6,07	-1,41	1,823664	-0,77195	0,440146	0,7687674
ATP5EP2	0,77	-1,80	2,335052	-0,77194	0,440147	NA
RP11-218C14.5	1,19	2,88	3,729827	0,771935	0,440153	NA
CTD-2666L21.1	0,30	-2,53	3,277639	-0,77177	0,440253	NA
IQGAP3	4,27	-1,21	1,562453	-0,77172	0,44028	0,7688585
GSTM3	19,39	-0,63	0,812416	-0,77172	0,440281	0,7688585
RN7SL556P	1,24	-1,18	1,527508	-0,77156	0,440377	NA
RP4-657D16.3	54,98	1,14	1,476019	0,771527	0,440395	0,7689855
AC000095.10	1,22	2,30	2,978759	0,771456	0,440437	NA
SEMA6B	19,46	0,51	0,661595	0,77141	0,440464	0,7690348
EIF4E2	777,68	0,32	0,419169	0,771306	0,440526	0,7690701
RP11-34F20.4	1,26	2,33	3,016921	0,771045	0,44068	NA
NIM1K	16,72	-0,63	0,822639	-0,77103	0,440689	0,7692827
TAS1R3	1,04	-2,38	3,088812	-0,77101	0,440703	NA
RN7SL570P	1,47	1,34	1,740059	0,771002	0,440706	NA
CTD-2643K12.1	0,82	1,03	1,340641	0,770948	0,440738	NA
FAM107B	338,66	-0,39	0,509273	-0,77091	0,440759	0,7693325
LENG9	31,03	-1,19	1,548858	-0,77075	0,440858	0,7694331
C1QTNF2	2,47	-0,63	0,816265	-0,77066	0,44091	NA
RP11-91J3.1	0,26	-2,84	3,684153	-0,77059	0,440947	NA
RP11-134E15.2	1,18	2,23	2,890068	0,770569	0,440963	NA
GNAS-AS1	5,65	-0,68	0,881703	-0,77047	0,441024	0,7696509
FSTL4	0,67	1,57	2,043107	0,770179	0,441194	NA
LAMP3	13,05	0,69	0,892783	0,770163	0,441203	0,7698075
AC074289.1	80,34	-0,72	0,934363	-0,77016	0,441206	0,7698075
CDC42EP4	34,78	0,95	1,232886	0,770105	0,441238	0,7698075
RP11-11H9.1	1,19	2,87	3,729719	0,77002	0,441288	NA
RP4-621B10.8	2,62	-0,97	1,265047	-0,76976	0,441444	NA
RP11-69J7.1	1,18	2,87	3,729876	0,769663	0,4415	NA
LINC00299	45,21	-1,12	1,457226	-0,76962	0,441524	0,7701726
MIR5690	21,61	-1,27	1,644075	-0,76961	0,44153	0,7701726
HELZ	1131,85	-0,41	0,531827	-0,76939	0,441661	0,7702939
WDR24	41,19	-0,98	1,28009	-0,76936	0,441682	0,7702939
ZNF221	1,64	0,97	1,258121	0,769331	0,441697	NA
CHMP5	708,54	-0,50	0,653245	-0,76924	0,441751	0,770342
FAM160A1	60,17	-1,06	1,380949	-0,76912	0,441824	0,7703458
SLC25A20	291,20	0,69	0,900251	0,769096	0,441836	0,7703458
NOTCH1	140,17	0,57	0,744763	0,768916	0,441943	0,7704578
CEACAM5	0,91	-1,01	1,309353	-0,76885	0,441982	NA
RP11-384G23.1	16,85	-1,03	1,333442	-0,76885	0,441983	0,7704578
RP11-539L10.5	2,64	-0,94	1,227486	-0,76874	0,442047	NA
C5orf28	29,73	0,62	0,810832	0,768617	0,442121	0,7706008

RP4-669P10.18	42,88	0,44	0,574453	0,768517	0,44218	0,7706008
RPS3AP39	0,58	-1,04	1,355559	-0,7685	0,442188	NA
TMEM50A	1113,67	-0,36	0,462728	-0,7685	0,442189	0,7706008
EYA1	38,89	-0,40	0,519054	-0,76838	0,442263	0,7706567
RP11-527B17.2	0,89	2,46	3,208469	0,768203	0,442366	NA
TIMD4	1,14	2,87	3,730393	0,768099	0,442428	NA
LRTM1	18,19	-0,48	0,626016	-0,76809	0,442435	0,7708844
RP11-139H15.6	0,70	2,13	2,776104	0,768075	0,442443	NA
ATR	402,80	-0,51	0,668318	-0,76799	0,442494	0,7709151
AP002381.2	1,64	2,13	2,776251	0,767885	0,442555	NA
RPS9	9967,23	0,16	0,207529	0,767803	0,442604	0,7710265
AC074286.1	97,39	-0,64	0,82756	-0,76773	0,442649	0,7710265
RP11-817O13.9	0,26	-2,83	3,684154	-0,76773	0,442651	NA
RTEL1-TNFRSF6B	1,17	2,86	3,729947	0,767708	0,442661	NA
C22orf39	242,70	0,51	0,662039	0,767672	0,442682	0,7710265
AC017060.1	23,34	-0,58	0,749881	-0,76736	0,442865	0,7712724
OSR1	0,42	-2,58	3,362157	-0,76735	0,442872	NA
ALG9	99,62	-0,51	0,670174	-0,76726	0,442927	0,7713011
RP11-367J11.3	8,51	-0,50	0,647609	-0,76714	0,443001	0,7713011
FAM110D	18,49	0,65	0,849136	0,767127	0,443006	0,7713011
RP11-474P2.6	0,76	-1,58	2,060854	-0,76695	0,443112	NA
DOCK10	1029,80	0,37	0,479445	0,766939	0,443118	0,7713848
ZNF826P	25,91	-0,67	0,875892	-0,76678	0,443213	0,7713848
RP11-322E11.2	148,62	-0,41	0,530033	-0,76671	0,443253	0,7713848
RP11-81K2.1	0,55	1,80	2,35003	0,766565	0,44334	NA
RP11-59O6.3	12,78	1,32	1,722271	0,76654	0,443355	0,7713848
RP11-84A14.4	6,68	-0,76	0,993108	-0,76653	0,443363	0,7713848
YARS	593,16	-0,25	0,330468	-0,76648	0,443392	0,7713848
LINC00668	23,51	-0,64	0,832708	-0,76642	0,443426	0,7713848
NMNAT3	565,84	0,37	0,488238	0,766335	0,443477	0,7713848
PRC1	70,06	-0,67	0,879363	-0,76632	0,443483	0,7713848
RN7SL623P	4,11	-1,12	1,462	-0,76624	0,443536	0,7713848
RP11-181D18.2	4,00	-0,72	0,94304	-0,76619	0,443564	0,7713848
RP11-736K20.1	1,18	2,86	3,72997	0,766168	0,443576	NA
RP1-315G1.3	0,61	-2,25	2,938227	-0,76615	0,443588	NA
CHMP1B2P	33,01	0,90	1,176107	0,766133	0,443597	0,7713848
DTNBP1	205,44	-0,55	0,723673	-0,76611	0,443609	0,7713848
RP11-335I12.4	18,01	-1,79	2,331054	-0,76607	0,443634	0,7713848
RP5-894A10.5	1,24	2,86	3,72963	0,766052	0,443645	NA
UBTFL6	22,90	-2,76	3,60896	-0,76597	0,443697	0,7714208
RNU6-960P	1,17	2,86	3,72997	0,765853	0,443764	NA
ETV7	21,12	-1,21	1,576814	-0,76581	0,44379	0,7714816
SAMD1	80,99	-0,54	0,706174	-0,76577	0,443814	0,7714816
RP5-836N17.4	21,59	-1,96	2,555852	-0,76546	0,443998	0,7716822
CTD-2561B21.8	30,94	-0,60	0,789889	-0,76539	0,444042	0,7716822
UBE2F-SCLY	4,35	1,80	2,352463	0,765365	0,444054	0,7716822
PNLIP	0,26	-2,83	3,693504	-0,7653	0,444092	NA
MYL5	81,61	0,74	0,972873	0,76517	0,444171	0,7718123
WDR83OS	1891,97	-0,15	0,195314	-0,76494	0,444307	0,7719721
CTD-3014M21.4	252,21	0,24	0,317348	0,764864	0,444353	0,7719721

RP11-732A19.8	1,15	2,84	3,708065	0,764845	0,444364	NA
CTD-2517M22.16	0,91	2,47	3,229394	0,764836	0,444369	NA
RP11-480I12.3	1,77	2,85	3,726831	0,764771	0,444408	NA
SARNP	525,58	-0,30	0,397393	-0,76477	0,444409	0,7719721
CTD-2510F5.6	18,46	-1,25	1,632098	-0,76474	0,444429	0,7719721
LINC01080	0,69	2,11	2,761063	0,764578	0,444523	NA
ADAM29	11,86	-0,53	0,692162	-0,76454	0,444544	0,7719786
RP3-348I23.2	1,18	2,85	3,729964	0,764478	0,444582	NA
RP11-1024P17.1	11,40	-1,12	1,462861	-0,76447	0,44459	0,7719786
C6orf47	35,87	1,11	1,447969	0,764435	0,444608	0,7719786
AC001226.2	2,52	0,63	0,824339	0,764428	0,444612	NA
AC015922.5	1,16	2,85	3,730146	0,76442	0,444617	NA
CTD-2525I3.3	10,52	1,44	1,882594	0,764394	0,444633	0,7719786
AC007191.4	13,15	-0,67	0,881312	-0,76432	0,444677	0,7719786
RGPD5	541,60	0,31	0,403088	0,764312	0,444681	0,7719786
RP11-295B17.6	0,88	2,45	3,211065	0,764188	0,444755	NA
GAB3	689,17	0,43	0,567806	0,764181	0,444759	0,7719887
PCDHGA6	18,39	-0,50	0,651072	-0,76416	0,44477	0,7719887
AC006039.4	62,28	-0,49	0,635372	-0,76405	0,444839	0,7720364
ERICH3	0,62	-1,94	2,536436	-0,76388	0,444941	NA
KIF1A	6,30	1,74	2,274409	0,763855	0,444954	0,772163
ADAMTS9	20,98	-1,00	1,308045	-0,76371	0,445043	0,7722175
LMF1	64,35	-0,91	1,189268	-0,76361	0,445099	0,7722175
HABP4	27,83	-1,00	1,315676	-0,76359	0,445109	0,7722175
CTD-2010I16.2	1,21	-1,53	2,009269	-0,76345	0,445193	NA
GLIPR1L1	0,90	2,47	3,229552	0,763317	0,445274	NA
RP11-477I4.4	1,53	-1,75	2,295403	-0,76327	0,445302	NA
ZNF217	571,22	0,47	0,616083	0,763146	0,445376	0,7726088
CTD-2232E5.2	0,35	-1,89	2,472641	-0,76314	0,445382	NA
RP11-479F13.1	1,16	2,84	3,716219	0,763104	0,445401	NA
SLC46A2	62,78	1,18	1,551386	0,762925	0,445508	0,77265
DNAH3	28,54	-0,87	1,143394	-0,76291	0,445515	0,77265
ECT2L	19,03	-0,83	1,088926	-0,7629	0,445525	0,77265
RP11-467C18.1	1,17	2,85	3,730111	0,76289	0,445529	NA
FOXB1	1,14	-1,59	2,080693	-0,76289	0,445529	NA
KLHL10	1,16	2,85	3,730235	0,76278	0,445595	NA
RP11-189E14.4	10,41	0,70	0,921762	0,762666	0,445662	0,7728165
RP11-324H7.1	1,26	-0,86	1,122933	-0,76242	0,44581	NA
RPL35AP32	37,98	-1,14	1,490977	-0,76223	0,44592	0,7731283
RP11-727F15.9	34,92	-0,64	0,840697	-0,76223	0,445925	0,7731283
RP4-777O23.2	0,85	2,41	3,167419	0,762146	0,445973	NA
SEPT7L	17,59	-1,25	1,643435	-0,76202	0,446048	0,773214
RP11-241F15.3	14,02	-1,87	2,460543	-0,762	0,446058	0,773214
RP11-204M4.1	1,15	2,84	3,730128	0,761829	0,446162	NA
RP11-168P6.1	91,24	-0,58	0,766716	-0,76168	0,446251	0,7734152
RP11-572C21.1	5,08	0,71	0,93456	0,76167	0,446257	0,7734152
RP11-265D19.6	1,16	2,84	3,730094	0,761392	0,446423	NA
CNKSR3	75,03	-0,42	0,554082	-0,76133	0,446458	0,773654
FARSA	286,80	-0,59	0,77238	-0,7613	0,446478	0,773654
RP11-466P24.6	0,55	1,78	2,342902	0,76111	0,446591	NA

FLCN	136,70	-0,48	0,626845	-0,76107	0,446615	0,7736757
WDPCP	234,86	-0,32	0,419906	-0,76106	0,446619	0,7736757
SRGAP2B	841,28	-0,30	0,399275	-0,76097	0,446678	0,7736757
RP11-467J12.4	8,38	-0,52	0,678904	-0,76092	0,446705	0,7736757
GDPD4	1,21	2,84	3,729539	0,760914	0,446708	NA
RN7SL431P	1,85	-1,49	1,963199	-0,76089	0,446723	NA
RP11-49K4.1	1,38	-1,25	1,637082	-0,76085	0,446745	NA
RP11-331F4.4	0,43	-1,49	1,959994	-0,76069	0,446844	NA
MRAS	164,47	-0,60	0,79488	-0,76065	0,446869	0,7736757
CDK5	285,31	0,63	0,830049	0,76058	0,446908	0,7736757
LAMTOR5	707,54	-0,31	0,408829	-0,76052	0,446942	0,7736757
CTA-223H9.9	4,71	-1,56	2,053864	-0,76051	0,446949	0,7736757
CTD-2095E4.4	48,33	0,75	0,987429	0,760475	0,44697	0,7736757
CSRP2BP	86,05	-0,84	1,104569	-0,76046	0,446982	0,7736757
CLK4	406,37	-0,51	0,66832	-0,76045	0,446983	0,7736757
RP11-638I2.8	0,85	2,41	3,168129	0,760359	0,44704	NA
SLC2A4	5,96	-0,60	0,789436	-0,7603	0,447074	0,7736757
ADCK3	351,91	0,57	0,751624	0,760263	0,447097	0,7736757
CTD-2313N18.2	2,21	-1,09	1,439052	-0,76021	0,447127	NA
C1orf56	970,62	-0,44	0,582795	-0,7602	0,447135	0,7736757
MSANTD2	66,73	-0,73	0,955424	-0,76016	0,447159	0,7736757
SCO2	1337,28	-0,75	0,986294	-0,76012	0,447181	0,7736757
RP11-133K1.6	9,01	0,70	0,915781	0,760096	0,447197	0,7736757
ACAP2	1560,86	-0,28	0,362139	-0,75973	0,447417	0,7739841
XXyac-YX65C7_A.2	0,56	-2,59	3,406893	-0,75949	0,447561	NA
HOXB3	17,77	-0,95	1,251563	-0,75948	0,447567	0,7741713
DUSP10	91,33	0,75	0,981947	0,759315	0,447664	0,7742668
CTD-2340D6.2	1,15	2,83	3,730138	0,759306	0,44767	NA
OR7D4	16,55	-0,62	0,822447	-0,75904	0,447827	0,7744768
RP11-347C12.11	1,16	2,83	3,730147	0,758883	0,447922	NA
SLAIN2	367,04	-0,50	0,659379	-0,75885	0,447944	0,7744861
NEUROG2	1,47	2,56	3,37772	0,758807	0,447968	NA
CTB-75G16.1	25,45	-2,74	3,608725	-0,75877	0,447987	0,7744861
IRF2BP1	36,03	0,77	1,017988	0,758705	0,448029	0,7744861
BLZF1	202,75	-0,56	0,744147	-0,75853	0,448137	0,7744861
FAM156A	449,02	0,45	0,5952	0,758514	0,448143	0,7744861
RRAGB	129,27	-0,78	1,022635	-0,75844	0,448188	0,7744861
RP1-80B9.2	234,20	-0,46	0,61158	-0,7584	0,448214	0,7744861
RP11-715N9.2	1,16	2,83	3,730086	0,758338	0,448248	NA
EARS2	39,45	0,65	0,859654	0,758332	0,448252	0,7744861
RP11-864N7.4	5,75	-0,75	0,990837	-0,75832	0,448259	0,7744861
RP11-52A20.2	5,48	1,30	1,717732	0,75829	0,448277	0,7744861
CXorf40A	328,31	0,55	0,719107	0,758268	0,44829	0,7744861
RN7SL596P	1,65	-0,93	1,225549	-0,75808	0,448402	NA
SEPT12	0,81	-1,02	1,348068	-0,75801	0,448443	NA
PSME2	3045,31	-0,20	0,26347	-0,75782	0,448562	0,7748275
MIGA1	179,11	0,53	0,70416	0,757799	0,448571	0,7748275
RP11-386G11.8	1,02	-1,35	1,779913	-0,75774	0,448604	NA
GALNT11	215,50	0,47	0,616519	0,757661	0,448654	0,7748981
CTD-2256P15.1	1,15	2,83	3,730167	0,75765	0,448661	NA

CTC-512J14.5	1,14	2,83	3,730153	0,757624	0,448676	NA
PPP2CA	1430,62	0,33	0,437535	0,7575	0,44875	0,7748981
RP11-739L10.1	17,08	1,15	1,514827	0,757479	0,448763	0,7748981
EME2	210,28	-0,51	0,671747	-0,75745	0,448779	0,7748981
RP11-592N21.1	2,55	0,63	0,832396	0,757429	0,448793	NA
RP11-347C12.8	1,13	2,81	3,710673	0,757377	0,448824	NA
PNRC1	1336,88	-0,20	0,25808	-0,75725	0,448902	0,7749333
RP11-133L14.2	1,13	2,82	3,730202	0,757212	0,448923	NA
ERCC1	730,03	0,35	0,461778	0,75711	0,448984	0,7749333
RALGAPA1	356,17	-0,51	0,671017	-0,75708	0,449002	0,7749333
ARRDC4	253,99	-0,53	0,697173	-0,75687	0,44913	0,7749333
RN7SL670P	8,18	0,82	1,080884	0,756829	0,449152	0,7749333
CYLD	1385,12	0,29	0,381343	0,756797	0,449172	0,7749333
EPB41L4A-AS1	369,81	0,35	0,465567	0,756789	0,449176	0,7749333
CTC-459M5.2	20,63	-1,55	2,05104	-0,75673	0,449214	0,7749333
LINC01138	60,32	-0,54	0,718267	-0,75669	0,449233	0,7749333
FAM96B	617,14	0,22	0,295954	0,756602	0,449288	0,7749333
ABCC1	369,95	-0,46	0,603933	-0,75657	0,44931	0,7749333
NINJ1	828,03	0,51	0,678562	0,756471	0,449367	0,7749333
NBN	592,98	0,40	0,522898	0,756448	0,449381	0,7749333
CXorf31	0,70	2,10	2,772134	0,756405	0,449407	NA
C5orf60	9,68	0,79	1,040701	0,756322	0,449456	0,7749333
POGLUT1	427,48	0,39	0,510942	0,756299	0,44947	0,7749333
RNA5SP450	18,28	-0,80	1,059151	-0,7563	0,449471	0,7749333
GP6	12,69	0,81	1,065738	0,756237	0,449507	0,7749333
EVC2	1,87	2,31	3,050419	0,756077	0,449603	NA
GLT8D1	130,64	0,64	0,843055	0,755976	0,449664	0,775035
TDRD5	1,14	2,82	3,730452	0,755857	0,449735	NA
FAM117B	256,92	0,43	0,574085	0,755816	0,44976	0,775035
AC004980.9	12,30	-0,84	1,117018	-0,7558	0,449769	0,775035
RP11-155D18.13	9,39	-0,43	0,570468	-0,75579	0,449775	0,775035
RP11-21K12.3	0,52	1,58	2,084366	0,755771	0,449786	NA
CTD-2210P24.1	0,67	-1,38	1,828875	-0,75571	0,449823	NA
RP11-314A20.2	0,85	2,40	3,175624	0,755535	0,449928	NA
SKA1	29,82	-0,48	0,634283	-0,75542	0,449998	0,775035
AC009120.11	32,75	-0,45	0,596712	-0,7554	0,45001	0,775035
RP11-498C9.15	34,32	-0,57	0,753131	-0,75539	0,450014	0,775035
ASCC1	322,95	0,35	0,468948	0,755326	0,450053	0,775035
ANP32E	764,51	-0,24	0,313626	-0,75521	0,450123	0,775035
C7orf73	837,46	0,23	0,298038	0,755196	0,450131	0,775035
RP11-732A19.9	1,13	2,82	3,730247	0,755021	0,450237	NA
RP11-385E5.5	7,28	-0,72	0,947551	-0,75484	0,450347	0,775035
CTC-479C5.10	58,88	-1,28	1,700108	-0,75482	0,450355	0,775035
CTD-2006C1.13	14,50	-0,88	1,159984	-0,75481	0,450361	0,775035
RP11-617F23.1	141,61	0,46	0,608066	0,754787	0,450377	0,775035
RP11-473I1.9	377,48	-1,61	2,128551	-0,75476	0,450395	0,775035
RP11-521O16.2	17,71	0,51	0,674868	0,754732	0,45041	0,775035
ZFAND4	56,99	0,89	1,180429	0,754629	0,450472	0,775035
IPO13	239,94	-0,71	0,942987	-0,75453	0,450528	0,775035
LATS1	366,83	-0,53	0,697171	-0,75453	0,450528	0,775035

RP11-709D24.5	14,02	-0,45	0,590678	-0,75451	0,450543	0,775035
ASPG	0,66	-1,75	2,324536	-0,75445	0,450576	NA
GALNT5	26,88	0,92	1,218689	0,754416	0,450599	0,775035
RP11-422P24.12	9,10	-0,45	0,594926	-0,7544	0,450608	0,775035
PHLDA3	2,03	-0,86	1,140003	-0,75436	0,450634	NA
RP11-64P12.2	83,99	-0,77	1,026753	-0,75436	0,450636	0,775035
RP11-372E1.4	5,11	-0,60	0,790117	-0,75435	0,450637	0,775035
CR1L	1,14	2,81	3,730493	0,754295	0,450672	NA
RP11-792A8.2	22,60	-0,77	1,020579	-0,75426	0,450692	0,775035
SPDYE8P	7,08	-1,23	1,62858	-0,75423	0,450709	0,775035
PSD	28,61	-0,53	0,700795	-0,75419	0,450733	0,775035
ZNF320	33,72	0,65	0,865714	0,754184	0,450739	0,775035
SERBP1	2200,08	-0,20	0,271237	-0,75412	0,450774	0,775035
TMEM221	3,49	-0,82	1,091431	-0,75399	0,450853	NA
RP3-323M4.2	0,25	-2,78	3,685922	-0,75386	0,450931	NA
MOGS	78,67	-0,61	0,80339	-0,75378	0,45098	0,7752593
CTD-2383I20.1	21,63	-0,70	0,929193	-0,75377	0,450988	0,7752593
RHBDF2	276,89	-0,31	0,408484	-0,75367	0,451045	0,7752865
RP11-110G21.2	19,88	0,81	1,070703	0,753582	0,4511	0,7753057
C4BPA	0,89	1,73	2,291231	0,753507	0,451145	NA
IGKV2-30	0,71	1,47	1,955688	0,753498	0,45115	NA
OR6Y1	76,03	-0,56	0,740044	-0,75348	0,451159	0,7753057
RNU6-1010P	1,13	2,81	3,730307	0,753429	0,451192	NA
CTD-2119F7.2	25,28	0,28	0,370134	0,753382	0,451221	0,7753057
LRRCC1	124,21	0,65	0,868965	0,753377	0,451223	0,7753057
RP11-378I13.1	0,38	-1,85	2,45344	-0,75322	0,451315	NA
DCAF4	78,09	0,65	0,867235	0,753078	0,451403	0,7753455
MROH2A	4,13	2,40	3,185318	0,753077	0,451403	0,7753455
RP11-40C6.3	8,60	1,03	1,368935	0,753006	0,451446	0,7753455
RPN1	1533,75	-0,24	0,317925	-0,75293	0,451493	0,7753455
BANCR	6,44	1,36	1,801376	0,752907	0,451506	0,7753455
MTHFD2L	173,99	-0,40	0,532698	-0,75289	0,451516	0,7753455
REEP5	2150,18	0,28	0,368601	0,752853	0,451538	0,7753455
CHAMP1	71,39	-0,51	0,676074	-0,75262	0,451681	0,7754963
MICB	45,26	0,65	0,861687	0,752568	0,451709	0,7754963
GLP1R	1,13	2,17	2,881588	0,752394	0,451814	NA
RPL10P1	1,08	0,99	1,313789	0,752371	0,451828	NA
C4orf19	93,94	-0,63	0,838647	-0,7522	0,451933	0,7758087
SERPINB11	1,38	1,18	1,573201	0,752161	0,451954	NA
RP11-16E23.5	0,85	2,39	3,177982	0,752035	0,45203	NA
RP11-118H17.1	0,69	2,07	2,758239	0,752017	0,452041	NA
STAG3L3	218,51	-0,35	0,470873	-0,75184	0,452145	0,7761007
RP11-317F20.3	12,94	-1,18	1,565232	-0,75166	0,452255	0,7761861
RPS16P5	1,78	2,27	3,016128	0,751625	0,452277	NA
RP4-728D4.2	53,90	-1,10	1,461937	-0,75158	0,452304	0,7761861
RP11-15B24.5	24,04	-0,79	1,054957	-0,75155	0,45232	0,7761861
RP11-108P20.3	1,13	2,80	3,730358	0,751541	0,452327	NA
ITGB3	0,23	-2,06	2,74639	-0,75153	0,452336	NA
ZNF669	74,74	-0,80	1,063484	-0,75137	0,452431	0,7762456
SCRN3	111,57	-0,71	0,949245	-0,75133	0,452456	0,7762456

RP1-20B21.4	70,13	-0,30	0,393844	-0,75123	0,452512	0,7762456
NCALD	102,90	0,62	0,82305	0,751218	0,452521	0,7762456
ASB1	115,52	0,79	1,045641	0,75105	0,452623	0,7763423
RP11-73B2.6	1,13	2,78	3,699897	0,750987	0,452661	NA
AC005752.10	1,92	0,75	0,996006	0,750961	0,452676	NA
RP11-703G6.1	104,53	-0,26	0,343825	-0,75096	0,452676	0,7763423
AC007349.5	3,71	2,07	2,755433	0,750948	0,452684	NA
CTD-2014B16.4	0,66	-1,06	1,416907	-0,75093	0,452695	NA
BRDT	6,68	1,08	1,436709	0,750917	0,452703	0,7763423
MICAL1	1219,21	-0,19	0,249767	-0,75077	0,452792	0,7764228
RP11-345M22.3	0,70	1,50	1,998128	0,750741	0,452808	NA
FXR2	97,87	-0,69	0,918344	-0,75062	0,452879	0,7765012
ACTR10	297,91	0,50	0,661157	0,75018	0,453147	0,7768884
RP13-516M14.8	68,83	-0,63	0,840048	-0,74987	0,453331	0,7771334
AC007192.6	57,02	-0,52	0,689429	-0,74977	0,453395	0,777171
RNU6-387P	1,10	2,78	3,70791	0,749747	0,453407	NA
RAD51C	173,92	0,47	0,625745	0,749349	0,453647	0,7774947
PRRC2A	287,42	0,20	0,266203	0,749261	0,4537	0,7774947
RP11-400F19.12	2,44	1,77	2,360708	0,749243	0,453711	NA
SCAF1	53,55	0,66	0,879183	0,749236	0,453715	0,7774947
RP11-767N6.7	0,84	1,69	2,26109	0,749114	0,453788	NA
AC012307.3	73,38	0,53	0,702895	0,749102	0,453795	0,7774947
TMC2	89,16	-0,47	0,623829	-0,74908	0,45381	0,7774947
ZNF267	325,39	0,47	0,621401	0,749038	0,453835	0,7774947
NFYC	561,17	0,42	0,563067	0,748713	0,45403	0,7777578
RP11-96D1.9	0,68	-2,74	3,661632	-0,74857	0,454113	NA
RPL13A	24187,16	-0,10	0,139957	-0,74841	0,454213	0,7779989
PITPNA	517,19	-0,41	0,55025	-0,74826	0,454302	0,7780804
RPL13AP3	0,88	-1,07	1,427538	-0,74823	0,454322	NA
PDCD10	357,93	-0,41	0,55058	-0,74809	0,454408	0,77815
KLK10	3,51	-0,66	0,886991	-0,74806	0,454425	NA
CKS1B	151,95	-0,67	0,897722	-0,74806	0,454426	0,77815
CTD-3118D7.1	1,30	-1,28	1,713028	-0,74798	0,454474	NA
RN7SL688P	0,39	-2,52	3,370514	-0,74796	0,454484	NA
AC008592.8	4,40	-0,80	1,06457	-0,74795	0,454488	0,7781845
AC005522.7	1,41	2,51	3,351721	0,74767	0,454659	NA
KCTD16	0,37	-1,60	2,145594	-0,74763	0,454686	NA
RPUSD3	210,25	0,47	0,634362	0,747492	0,454767	0,7784058
TADA3	542,85	0,38	0,506499	0,747454	0,45479	0,7784058
CTB-31020.6	1,12	2,79	3,730356	0,747452	0,454791	NA
PCGF6	30,79	0,74	0,987045	0,747446	0,454795	0,7784058
RSG1	0,54	1,75	2,340703	0,74742	0,45481	NA
UBE2E3	251,71	-0,45	0,596217	-0,74737	0,454839	0,7784058
RN7SL346P	1,68	1,70	2,277047	0,747294	0,454886	NA
STAP2	11,83	0,61	0,822775	0,747213	0,454935	0,7784058
CTDSPL2	233,63	-0,36	0,485795	-0,74714	0,454979	0,7784058
RP11-85K15.2	0,93	-1,32	1,768051	-0,7471	0,455002	NA
UTP3	128,35	0,54	0,72935	0,747003	0,455062	0,7784058
CYLC2	4,56	-1,35	1,811363	-0,74698	0,455073	0,7784058
HUWE1	598,35	0,35	0,475093	0,746926	0,455108	0,7784058

PTGS1	518,26	-0,47	0,631055	-0,74689	0,455133	0,7784058
GZF1	415,79	-0,56	0,750721	-0,74682	0,45517	0,7784058
HCN1	9,46	-0,39	0,528557	-0,74682	0,45517	0,7784058
POR	633,17	-0,33	0,443713	-0,74681	0,455176	0,7784058
RBM17	510,97	0,30	0,404438	0,746752	0,455213	0,7784058
APOF	9,64	0,82	1,092706	0,746699	0,455245	0,7784058
LUZP6	6,61	1,06	1,421852	0,746591	0,45531	0,7784462
CTD-2324F15.2	9,75	0,76	1,013024	0,746371	0,455443	0,7784721
AC004448.5	6,60	0,66	0,88162	0,746305	0,455483	0,7784721
RP11-796I2.2	75,02	-0,59	0,785609	-0,74624	0,45552	0,7784721
RP4-706G24.1	7,56	-1,27	1,697263	-0,74624	0,455523	0,7784721
MKL2	116,73	0,57	0,770254	0,746168	0,455566	0,7784721
AC013463.2	11,06	-0,91	1,216042	-0,74615	0,455577	0,7784721
FUT3	3,18	1,26	1,68282	0,746103	0,455605	NA
ST6GALNAC3	8,21	1,51	2,020743	0,745991	0,455673	0,7785653
POFUT1	113,86	-0,63	0,847542	-0,74585	0,45576	0,778642
AC005740.5	1,02	1,44	1,935999	0,745757	0,455814	NA
OR6M1	0,54	1,77	2,376306	0,745658	0,455874	NA
RN7SL733P	1,88	-1,43	1,921553	-0,74558	0,455924	NA
SAP25	41,31	-0,55	0,738424	-0,74554	0,455943	0,7788843
ZSCAN5A	33,49	0,79	1,054248	0,74544	0,456005	0,7789187
L29074.1	5,34	0,43	0,574444	0,745307	0,456086	0,7789563
SNIP1	228,43	-0,53	0,707862	-0,7451	0,45621	0,7789563
GTF3C3	172,81	-0,40	0,530437	-0,74508	0,456224	0,7789563
CCDC59	325,44	0,30	0,397461	0,745071	0,456229	0,7789563
RP11-293G6.1	41,32	-0,75	1,008545	-0,74506	0,456237	0,7789563
AC122129.3	1,11	2,77	3,723475	0,74488	0,456344	NA
ACOD1	0,84	-2,60	3,48739	-0,74483	0,456372	NA
ACAP1	522,77	0,31	0,414045	0,744731	0,456434	0,7792217
C7orf50	770,15	0,31	0,418274	0,74454	0,45655	0,7792649
CTC-451P13.1	4,76	0,50	0,669738	0,744525	0,456559	0,7792649
RP11-73M18.6	0,76	1,57	2,108616	0,744485	0,456583	NA
B3GNT2	180,25	0,77	1,037667	0,744374	0,45665	0,7792649
RP11-158C6.4	86,02	-0,43	0,576574	-0,74436	0,456659	0,7792649
MLXIPL	8,77	-0,55	0,742621	-0,74434	0,456669	0,7792649
CACNB1	17,81	-1,18	1,579657	-0,74422	0,456743	0,7793058
GABRG1	1,12	2,78	3,730539	0,744206	0,456752	NA
ACTR3C	18,14	0,72	0,964897	0,744085	0,456825	0,7793058
PSMG3	362,54	0,49	0,656848	0,74406	0,45684	0,7793058
METTL23	299,35	-0,51	0,692065	-0,74398	0,456891	0,7793058
CRTAM	40,06	-0,79	1,055789	-0,74396	0,456902	0,7793058
RNU6-12P	0,82	2,35	3,159838	0,743936	0,456915	NA
RNU6-13P	0,82	2,35	3,159838	0,743936	0,456915	NA
RNU6-32P	0,82	2,35	3,159838	0,743936	0,456915	NA
RP11-748C4.1	37,96	0,76	1,022065	0,743885	0,456946	0,7793085
RP11-756P10.3	0,54	1,77	2,373913	0,743824	0,456983	NA
BBS5	4,65	-0,99	1,326651	-0,74381	0,456992	0,7793158
RP11-428J1.5	3,44	-1,37	1,848672	-0,74376	0,457025	NA
HAS2	1,44	-0,89	1,200853	-0,74373	0,45704	NA
TM9SF1	227,65	-0,51	0,6911	-0,74329	0,457304	0,7797759

ZNF91	188,38	0,40	0,538325	0,743188	0,457368	0,779814
CAMK1G	0,35	-2,74	3,681268	-0,74307	0,45744	NA
CCDC189	56,44	-1,09	1,473303	-0,74301	0,457473	0,7798831
RP11-197K6.1	22,95	0,85	1,148938	0,742982	0,457492	0,7798831
RP11-423P10.2	262,52	-0,32	0,430071	-0,74289	0,457549	0,7799086
RP11-242D8.3	1,14	1,61	2,163649	0,742812	0,457595	NA
RP11-39K24.8	3,43	1,29	1,741141	0,742613	0,457716	NA
RP11-2K6.1	0,64	1,34	1,800803	0,742569	0,457743	NA
AC068491.1	227,37	-0,35	0,465149	-0,74257	0,457743	0,7801036
ZNF891	119,13	-0,35	0,468129	-0,74256	0,457747	0,7801036
AC073869.17	0,24	-2,74	3,687366	-0,7425	0,457786	NA
G6PC	9,55	-0,81	1,08717	-0,74228	0,45792	0,7803258
C9orf40	1,13	-1,50	2,021413	-0,74219	0,457973	NA
LA16c-349E10.1	14,34	-0,90	1,215138	-0,74211	0,458019	0,7804231
CAAP1	116,46	0,52	0,702332	0,741921	0,458135	0,7805495
SNRPA	320,08	0,28	0,377267	0,741846	0,458181	0,7805563
RP5-890O3.9	0,61	-1,95	2,62572	-0,74178	0,458221	NA
RP1-128O3.4	1,11	1,51	2,039939	0,741751	0,458238	NA
CTB-151G24.1	8,07	1,07	1,446078	0,741646	0,458302	0,780649
RN7SL371P	2,56	-0,84	1,12776	-0,74162	0,458318	NA
ZNF503	67,53	0,45	0,60903	0,741617	0,458319	0,780649
ELMOD1	2,19	-0,74	0,997094	-0,74158	0,458344	NA
SHF	29,93	1,00	1,353488	0,741493	0,458395	0,780706
AP005019.4	0,87	2,40	3,23706	0,74144	0,458427	NA
RP11-101C21.1	31,97	-0,91	1,230592	-0,74141	0,458447	0,7807245
MRPS18A	627,16	-0,50	0,676408	-0,74118	0,458583	0,7808446
IL12RB1	115,24	-0,47	0,627576	-0,74115	0,458602	0,7808446
RN7SL789P	1,25	1,19	1,601106	0,741034	0,458673	NA
RP11-789C17.1	0,96	-2,61	3,525626	-0,74099	0,458699	NA
RMRP	3,21	-0,87	1,178718	-0,74094	0,458728	NA
RP4-545K15.5	0,29	-2,73	3,683014	-0,74084	0,458788	NA
GBAP1	39,14	-1,42	1,91813	-0,74084	0,458792	0,7810693
CTD-2298J14.2	17,08	-0,81	1,100202	-0,74075	0,458848	0,7810693
RP11-559M23.1	4,37	2,29	3,093712	0,740726	0,45886	0,7810693
RP11-676J12.7	3,16	1,05	1,417025	0,740699	0,458876	NA
SRPK3	4,78	-0,91	1,228692	-0,74063	0,458919	0,7810981
CTB-12A17.3	5,27	-1,08	1,459576	-0,74054	0,45897	0,7811145
RP11-71G12.1	3,98	0,77	1,042847	0,740278	0,459131	0,7813169
VRK3	422,25	-0,44	0,59378	-0,74019	0,459183	0,7813342
DNAI1	1,07	2,76	3,731304	0,739917	0,45935	NA
AC018633.4	24,58	-0,63	0,857687	-0,73989	0,459368	0,7814633
ADGRE4P	25,48	1,41	1,908223	0,739728	0,459465	0,7814633
GTF3A	1466,43	-0,25	0,3369	-0,7397	0,45948	0,7814633
ANKRD26	201,01	0,52	0,701301	0,739664	0,459504	0,7814633
UFL1	418,49	0,35	0,472128	0,739661	0,459505	0,7814633
RP11-722C17.1	2,52	0,52	0,704742	0,739614	0,459534	NA
DDX39A	994,88	0,22	0,29757	0,739592	0,459547	0,7814633
ASXL2	504,85	0,42	0,572166	0,739546	0,459576	0,7814633
KIAA0556	92,81	0,66	0,886018	0,739513	0,459595	0,7814633
MAVS	334,09	0,33	0,445201	0,739386	0,459673	0,7815232

ZNF527	27,09	-0,57	0,765199	-0,73932	0,459715	0,7815246
HCG4P5	0,69	1,48	2,00906	0,739139	0,459822	NA
CHEK2	111,96	-0,51	0,686836	-0,73897	0,459924	0,7818072
SMNDC1	377,64	0,47	0,631085	0,738701	0,460089	0,7820162
AP000240.6	12,30	-1,31	1,772307	-0,73855	0,460182	0,782103
RP11-182E7.1	4,49	-0,96	1,301133	-0,73847	0,460232	0,7821164
ALAD	156,46	0,59	0,795448	0,738285	0,460341	0,7822313
C10orf31	136,50	0,50	0,681864	0,738121	0,460441	0,7823288
PXDN	1,59	1,57	2,132986	0,73807	0,460472	NA
SEMA4G	0,53	-2,71	3,672564	-0,738	0,460512	NA
AC073333.8	0,69	2,06	2,794736	0,737946	0,460548	NA
RN7SL49P	1,79	1,13	1,525217	0,737892	0,46058	NA
ABC13-47488600E17.1	0,78	-1,39	1,883932	-0,73777	0,460657	NA
HNF4A	7,76	-0,46	0,620372	-0,73775	0,460668	0,7825605
RP11-142A23.1	16,98	0,99	1,344195	0,737616	0,460748	0,7825605
SLC41A3	58,67	0,54	0,73061	0,737586	0,460766	0,7825605
RP11-23F23.1	0,58	1,79	2,429532	0,737578	0,460771	NA
EHMT1	512,30	0,41	0,561549	0,737523	0,460804	0,7825605
CTD-3022G6.1	5,11	1,60	2,173208	0,737497	0,46082	0,7825605
PSMC6	615,83	-0,31	0,425256	-0,73748	0,46083	0,7825605
PFN2	16,49	-1,01	1,368636	-0,73736	0,460906	0,7825909
MIR5095	0,95	1,28	1,740757	0,737349	0,46091	NA
ELP5	308,59	-0,69	0,934418	-0,73731	0,460932	0,7825909
FBXO43	3,46	0,75	1,021294	0,737312	0,460932	NA
SRSF1	910,12	-0,32	0,439409	-0,73711	0,461057	0,7827005
RP11-31L22.3	0,24	-2,72	3,688073	-0,73709	0,461066	NA
RRBP1	366,64	0,40	0,541808	0,737069	0,46108	0,7827005
RP11-244H3.4	47,39	-1,07	1,449101	-0,737	0,461125	0,7827043
RP11-1299A16.3	10,02	-1,36	1,846978	-0,73692	0,461171	0,7827121
ZSCAN22	17,79	-0,79	1,07759	-0,73663	0,461347	0,7829399
RP1-206D15.6	3,18	1,91	2,59103	0,736503	0,461425	NA
TPRA1	328,46	0,46	0,62034	0,736469	0,461445	0,7829448
CTD-2540L5.3	1,07	2,75	3,730741	0,736454	0,461454	NA
RP11-364B6.2	0,55	1,79	2,435958	0,736422	0,461474	NA
RBAKDN	1,08	2,75	3,730721	0,736415	0,461478	NA
XXbac-BPG296P20.14	9,19	-1,08	1,460834	-0,73639	0,461496	0,7829448
CTC-444N24.7	14,43	0,93	1,257599	0,736362	0,46151	0,7829448
RP11-295D4.1	10,66	-0,80	1,08901	-0,73635	0,461519	0,7829448
RP11-629E24.2	4,29	2,06	2,799623	0,736104	0,461668	0,7830274
MYO9B	1254,06	-0,30	0,402149	-0,73607	0,461686	0,7830274
RP11-588H7.1	6,66	0,67	0,905774	0,736061	0,461694	0,7830274
RP11-402J7.2	0,26	-2,06	2,801137	-0,73598	0,461745	NA
GDF5OS	7,05	-0,79	1,070782	-0,73591	0,461784	0,783109
RP13-297E16.4	14,60	0,84	1,142548	0,735805	0,461849	0,7831418
SF3B2	1492,39	-0,17	0,231022	-0,73571	0,461906	0,7831418
RP11-799P8.1	0,69	-2,56	3,473578	-0,73564	0,461953	NA
RP11-454P7.3	1,09	2,74	3,730781	0,735612	0,461967	NA
SSX5	6,11	1,04	1,413232	0,735558	0,462	0,7831418
LRRC20	8,91	1,58	2,149657	0,735537	0,462013	0,7831418
NXF1	1713,87	-0,23	0,316254	-0,73554	0,462014	0,7831418

HIST1H2AB	1,07	2,74	3,730762	0,735513	0,462027	NA
TAP1	1120,81	-0,24	0,321359	-0,73546	0,462056	0,7831429
PARP1	750,86	0,28	0,387214	0,735312	0,462149	0,7831735
MPDU1	427,39	0,44	0,604883	0,735277	0,462171	0,7831735
AP000265.1	2,85	0,74	1,00826	0,735197	0,46222	NA
LDLR	316,95	-0,30	0,41298	-0,73517	0,462236	0,7831735
DFFB	85,52	0,58	0,785973	0,735159	0,462243	0,7831735
CH507-236L23.3	2,72	-1,52	2,070325	-0,73513	0,462259	NA
CH507-338C24.3	2,72	-1,52	2,070325	-0,73513	0,462259	NA
CH507-39O4.3	2,72	-1,52	2,070325	-0,73513	0,462259	NA
CTC-448F2.7	118,36	-0,47	0,637238	-0,73503	0,462321	0,7832351
RP11-108P2.1	0,65	2,00	2,714647	0,73494	0,462376	NA
AC097500.2	7,16	-1,18	1,603465	-0,73488	0,462412	0,7832544
RP11-124B7.1	9,28	-0,48	0,655066	-0,73486	0,462424	0,7832544
RP11-168J18.6	0,52	1,72	2,340858	0,734796	0,462464	NA
RP11-144G6.12	96,34	-0,76	1,03264	-0,73479	0,462467	0,7832544
RBP5	4,58	-1,98	2,70121	-0,73473	0,462501	0,7832544
DGCR8	149,56	0,49	0,668193	0,734537	0,462621	0,7833298
RPS6KA5	559,31	0,50	0,676689	0,734413	0,462697	0,7833298
RAP1GAP2	176,35	0,60	0,811169	0,734402	0,462704	0,7833298
ATG101	341,96	-0,47	0,645573	-0,73434	0,462739	0,7833298
SHCBP1L	0,76	-1,40	1,900009	-0,73434	0,462744	NA
CAMTA2	175,28	-0,59	0,809863	-0,73432	0,462756	0,7833298
CH17-118O6.6	0,86	-1,95	2,652888	-0,73423	0,462811	NA
RP11-204C23.1	0,68	-0,97	1,321892	-0,73394	0,462987	NA
RBM7	388,31	-0,51	0,692172	-0,73387	0,463026	0,7836492
RP11-1376P16.1	14,48	0,55	0,747549	0,733836	0,463049	0,7836492
RP11-235G24.1	1,06	2,74	3,730914	0,73382	0,463058	NA
SEC22B	721,14	-0,32	0,43091	-0,73374	0,463106	0,7836492
ZNF703	119,64	-0,50	0,685633	-0,73354	0,463227	0,7836492
RP11-75L1.2	49,86	-1,06	1,449705	-0,73353	0,463235	0,7836492
RP11-179A10.2	1,31	-0,64	0,878999	-0,73353	0,463236	NA
AC138430.4	9,93	-0,67	0,91887	-0,73353	0,463237	0,7836492
CFAP74	23,38	-0,38	0,518636	-0,73352	0,46324	0,7836492
AC002066.1	0,63	2,01	2,735358	0,733507	0,463249	NA
PTCD3	635,43	0,43	0,580937	0,733439	0,463291	0,7836646
ANAPC13	506,90	0,43	0,588173	0,733222	0,463423	0,7838169
IGSF6	3244,25	-0,16	0,213084	-0,73314	0,463476	0,7838352
RP11-67A1.2	2,20	-1,09	1,486527	-0,73307	0,463514	NA
CTA-293F17.1	1,06	2,72	3,71481	0,733022	0,463545	NA
RASAL2	69,91	-0,79	1,076108	-0,73297	0,463576	0,7839329
RP11-379B18.5	44,68	-0,47	0,63501	-0,73288	0,463629	0,783952
LAMB3	7,81	-1,51	2,059752	-0,73281	0,463671	0,783952
OTUD3	145,80	-0,75	1,017987	-0,73268	0,463756	0,7839878
NOTCH2	1895,22	-0,28	0,377453	-0,73259	0,463809	0,7839878
GHDC	81,38	0,47	0,643953	0,732411	0,463918	0,7839878
BMP7	4,07	0,92	1,260444	0,732406	0,463921	0,7839878
AC006262.5	7,27	-0,68	0,928085	-0,73237	0,463943	0,7839878
RP11-849F2.5	23,30	-1,23	1,680098	-0,73231	0,463979	0,7839878
B4GALNT2	172,81	-0,43	0,593467	-0,73223	0,464029	0,7839878

CTD-2245F17.3	56,13	0,83	1,139048	0,73218	0,464059	0,7839878
CLK1	2522,67	0,18	0,246992	0,732158	0,464072	0,7839878
ZIM3	1,25	-0,81	1,111723	-0,73206	0,464132	NA
TBC1D3H	1,11	2,12	2,901748	0,731957	0,464195	NA
RP11-61O11.1	3,34	-0,92	1,259817	-0,73188	0,464244	NA
POP7	197,27	0,57	0,777771	0,731851	0,464259	0,7842331
IFI44	1750,15	-0,52	0,713992	-0,73176	0,464314	0,7842343
WDR81	358,36	0,50	0,686453	0,731712	0,464344	0,7842343
SURF4	728,00	-0,32	0,436424	-0,73153	0,464456	0,7843518
RP11-506F3.1	0,79	2,30	3,144115	0,731416	0,464525	NA
DOCK11	847,78	0,29	0,39332	0,731397	0,464537	0,784417
SIRT3	131,38	0,80	1,089222	0,731293	0,4646	0,7844533
LINGO2	0,23	-2,70	3,689073	-0,73127	0,464614	NA
RP11-61K12.2	0,20	-2,04	2,784322	-0,73124	0,464635	NA
PREP	176,05	-0,56	0,77182	-0,73106	0,464743	0,7846113
RP11-383F6.1	8,61	0,83	1,132023	0,730993	0,464783	0,7846113
RP13-46G5.4	2,21	1,23	1,683682	0,730882	0,464851	NA
CNOT3	45,35	-0,54	0,740591	-0,73086	0,464863	0,7846113
ZNF75D	109,65	0,73	0,993659	0,730863	0,464863	0,7846113
MIR7851	1,89	-0,72	0,987556	-0,73076	0,464928	NA
RP3-323N1.2	100,54	0,88	1,199362	0,730692	0,464967	0,7847164
RP11-432J24.3	0,63	1,98	2,707138	0,730581	0,465035	NA
AC068718.1	0,61	1,24	1,700422	0,730493	0,465089	NA
TBXA2R	8,37	-0,57	0,774876	-0,73049	0,465092	0,7848402
RP5-1063M23.2	1,07	2,73	3,730904	0,730456	0,465112	NA
GBP2	622,94	-0,38	0,523451	-0,73041	0,465142	0,7848402
RP5-1103G7.10	4,55	-0,59	0,809994	-0,73036	0,465173	0,7848402
CLDN18	2,40	1,22	1,677262	0,73032	0,465195	NA
SLC35E1	546,50	-0,37	0,506305	-0,7303	0,465209	0,7848402
SNHG5	1082,59	0,24	0,322072	0,730211	0,465261	0,784857
MT1E	7,95	-1,23	1,684036	-0,73002	0,465379	0,7849615
LLOXNC01-116E7.2	0,86	-1,39	1,897472	-0,72995	0,465421	NA
GPN2	237,96	0,77	1,050444	0,729938	0,465428	0,7849615
RP1-155G6.4	3,36	0,90	1,236353	0,729917	0,465441	NA
FLNA	2622,71	-0,14	0,191022	-0,72987	0,465472	0,7849615
SEC24C	163,20	-0,70	0,952877	-0,72983	0,465492	0,7849615
KCNE3	270,52	-0,47	0,642867	-0,72966	0,465598	0,7849824
AC011380.8	4,30	-1,17	1,598097	-0,72959	0,465639	0,7849824
C14orf23	55,84	-0,68	0,928704	-0,72956	0,465659	0,7849824
RP11-641D5.1	5,27	-1,28	1,755503	-0,72954	0,465673	0,7849824
SUGCT	0,50	-2,50	3,425815	-0,72953	0,465676	NA
CYHR1	455,22	-0,38	0,517516	-0,72943	0,465739	0,7850225
HN1L	68,31	0,67	0,919226	0,729241	0,465855	0,7851203
RN7SL786P	0,91	-0,90	1,233835	-0,72923	0,465858	NA
ZC3HAV1L	7,44	0,57	0,784434	0,729103	0,465939	0,7851203
NHS	54,45	-0,86	1,181304	-0,72908	0,465954	0,7851203
RPP14	186,48	-0,44	0,60449	-0,72904	0,465975	0,7851203
AL121652.3	1,06	2,72	3,73093	0,729013	0,465994	NA
AFAP1	15,15	0,56	0,771024	0,728989	0,466008	0,7851203
RP11-342K6.2	2,64	-1,03	1,409396	-0,72878	0,466135	NA

RP11-5106.1	1,21	-0,72	0,994815	-0,72878	0,466139	NA
DBI	1532,44	0,19	0,262557	0,728758	0,46615	0,7852816
RP11-39201.4	1,07	2,72	3,730838	0,728757	0,46615	NA
YTHDF2	741,80	0,27	0,368521	0,728695	0,466188	0,7852816
RP11-326A13.3	1,06	2,71	3,722757	0,728661	0,466209	NA
CBWD2	582,98	-0,25	0,345479	-0,72814	0,466527	0,7857512
TGFBI	2008,03	0,20	0,277798	0,72808	0,466564	0,7857512
SLC36A4	158,97	-0,52	0,720378	-0,72803	0,466594	0,7857512
IGHV3-30	0,43	-1,57	2,159355	-0,72797	0,466631	NA
CTD-3116E22.8	0,64	1,99	2,731131	0,727971	0,466631	NA
GBGT1	65,02	-0,78	1,077231	-0,72793	0,466655	0,7857631
RP11-838N2.4	53,17	-0,54	0,741898	-0,72788	0,466685	0,7857631
NPR3	15,57	-0,79	1,081289	-0,72773	0,46678	0,7857919
TRPM4	101,10	-0,56	0,763835	-0,72772	0,466787	0,7857919
RP11-707P20.1	0,55	-1,88	2,581742	-0,72755	0,466889	NA
SERAC1	107,55	0,46	0,637186	0,727544	0,466893	0,7858988
CTD-2527I21.14	7,78	-0,61	0,841026	-0,72742	0,46697	0,7859582
EMC9	58,54	0,86	1,189336	0,727258	0,467068	0,7860519
CTA-747E2.11	7,63	-0,48	0,654813	-0,72712	0,467152	0,7861223
RP11-319G9.1	3,01	1,86	2,551425	0,727094	0,467168	NA
ZNF318	482,69	-0,58	0,804237	-0,72702	0,467213	0,7861533
MRFAP1	1492,19	0,29	0,392287	0,726913	0,467279	0,7861933
GPR19	3,10	2,11	2,904365	0,726845	0,467321	NA
MMP11	1,27	1,62	2,224654	0,726766	0,467369	NA
RP11-315A17.1	1,92	0,97	1,335394	0,726758	0,467374	NA
MIR1285-1	0,62	1,96	2,691016	0,726628	0,467454	NA
SMN2	303,23	0,33	0,452265	0,726543	0,467506	0,786504
FASLG	7,32	0,90	1,244144	0,726411	0,467587	0,7865694
DNM1P46	17,25	-0,63	0,866569	-0,72623	0,467696	0,7866806
PIGC	162,63	0,52	0,716516	0,726165	0,467738	0,7866806
RP11-571M6.17	0,77	-1,65	2,279054	-0,72603	0,46782	NA
RP11-557L19.1	9,69	1,14	1,571689	0,725983	0,467849	0,7866917
NUCB1	215,38	-0,41	0,562488	-0,72591	0,467892	0,7866917
HN1	655,63	-0,30	0,417225	-0,72588	0,467911	0,7866917
CTD-2320J21.1	1,07	2,71	3,730877	0,725845	0,467934	NA
AC136289.1	5,45	-0,60	0,829601	-0,72582	0,467947	0,7866917
KRT26	0,82	-1,51	2,07898	-0,72581	0,467955	NA
GIT2	1062,89	0,29	0,397337	0,725809	0,467956	0,7866917
RP5-945F2.2	1,05	2,71	3,730953	0,725787	0,46797	NA
RP3-466I7.1	0,77	-2,20	3,0363	-0,72568	0,468034	NA
NT5DC1	358,67	0,64	0,88288	0,725536	0,468124	0,786895
RP11-493G17.4	1,05	2,70	3,718959	0,725498	0,468147	NA
EBLN2	140,25	-0,72	0,995867	-0,72543	0,468187	0,786895
AC024560.3	112,85	-0,51	0,702953	-0,72541	0,468204	0,786895
RP11-138I1.3	9,20	-0,64	0,878246	-0,72532	0,468256	0,7869126
RP11-669M16.2	0,53	-1,09	1,501778	-0,72529	0,468276	NA
AC034228.4	1,04	2,71	3,731051	0,725159	0,468355	NA
MIR497HG	16,40	-0,76	1,048196	-0,7251	0,468392	0,7870701
CLDN23	0,87	1,81	2,491178	0,725021	0,468439	NA
BEGAIN	9,79	-1,15	1,588569	-0,725	0,468452	0,7870986

CTA-215D11.6	12,07	-0,56	0,778991	-0,7248	0,468575	0,7872355
RP11-1149O23.1	0,67	-0,96	1,319204	-0,72472	0,468627	NA
NME3	450,65	-0,38	0,528411	-0,72456	0,468722	0,7874109
RP1-137K2.2	1,07	2,70	3,730944	0,72447	0,468777	NA
BCO2	51,36	0,72	0,998841	0,724345	0,468854	0,7874531
GOLGA5	196,79	-0,55	0,755629	-0,72433	0,468864	0,7874531
CRIP1	119,93	-0,61	0,848629	-0,72431	0,468874	0,7874531
RP11-392P7.2	3,79	-0,48	0,658792	-0,72423	0,468925	0,7874666
CTD-3222D19.11	1,33	-1,43	1,974623	-0,72417	0,468963	NA
RP11-495K9.2	0,70	-2,65	3,662706	-0,72415	0,468974	NA
ALDH1L1	15,65	0,86	1,186323	0,723894	0,469131	0,7877183
MIR644A	16,05	1,36	1,875484	0,723797	0,469191	0,7877183
COIL	142,73	-0,42	0,582643	-0,72374	0,469225	0,7877183
AC011933.2	21,61	-0,73	1,005641	-0,72368	0,469263	0,7877183
UPK1A	2,08	-0,78	1,078801	-0,72363	0,469295	NA
ELMO1	964,56	0,29	0,402071	0,723495	0,469376	0,7877183
ARSG	172,45	-0,31	0,430429	-0,72347	0,469388	0,7877183
ZBTB34	87,00	-0,70	0,968376	-0,7234	0,469432	0,7877183
GAA	737,19	0,30	0,418872	0,723403	0,469432	0,7877183
CTB-50L17.14	15,11	0,69	0,958698	0,723357	0,46946	0,7877183
AC126365.4	3,70	0,63	0,864203	0,723349	0,469465	NA
RP11-57H12.5	0,47	-2,08	2,879394	-0,72327	0,469512	NA
RP11-207C11.2	0,51	-1,17	1,622916	-0,72327	0,469514	NA
FAM46A	907,17	0,40	0,552866	0,723231	0,469538	0,7877183
MLXIP	938,81	-0,27	0,375446	-0,72323	0,46954	0,7877183
RN7SL65P	1,06	2,70	3,731068	0,723129	0,469601	NA
RN7SL685P	0,75	-1,71	2,360517	-0,72306	0,469642	NA
ACOXL	13,32	0,54	0,744727	0,723048	0,469651	0,7878323
AP000560.3	40,15	-0,63	0,86759	-0,72282	0,469791	0,7879469
SAT1	18310,40	0,17	0,234429	0,722799	0,469804	0,7879469
RP11-814E24.3	1,05	2,70	3,731129	0,722378	0,470062	NA
CRNKL1	156,01	0,50	0,694035	0,722354	0,470077	0,7881266
RN7SL731P	5,11	-1,00	1,386247	-0,72214	0,470207	0,7881266
IGKJ1	0,70	1,45	2,012559	0,722069	0,470252	NA
PON3	4,22	1,60	2,219244	0,722015	0,470285	0,7881266
SMIM11A	22,02	-1,00	1,384872	-0,72201	0,470287	0,7881266
KHDRBS1	1132,07	-0,18	0,249929	-0,72192	0,470345	0,7881266
AP006621.8	0,84	-1,92	2,664399	-0,72189	0,470362	NA
RPL30	4662,13	-0,11	0,153415	-0,72181	0,470412	0,7881266
RQCD1	1103,85	0,33	0,458793	0,721797	0,470419	0,7881266
CLIC1	8766,97	0,14	0,188558	0,721752	0,470447	0,7881266
PGAP1	56,81	0,81	1,127095	0,721663	0,470502	0,7881266
PRDM5	60,18	-0,44	0,607185	-0,72166	0,470504	0,7881266
TMEM71	451,67	0,40	0,55494	0,721636	0,470518	0,7881266
PSMD6	664,24	0,44	0,603516	0,72159	0,470547	0,7881266
COPS7B	118,39	-0,52	0,72356	-0,72156	0,470564	0,7881266
CH507-254M2.4	0,65	1,99	2,75194	0,721434	0,470643	NA
ZNF689	78,62	-0,85	1,179648	-0,72132	0,470715	0,7881266
RP11-139E24.1	33,89	-0,58	0,807193	-0,72132	0,470716	0,7881266
AC073464.10	32,35	-0,89	1,227171	-0,72129	0,470733	0,7881266

GABRG3	5,32	-0,82	1,142441	-0,72127	0,470743	0,7881266
RP11-758H9.2	48,54	-0,93	1,289451	-0,72127	0,470745	0,7881266
CD58	601,20	-0,39	0,544772	-0,72126	0,470752	0,7881266
RP11-16P20.4	1,38	-0,86	1,190996	-0,72125	0,470754	NA
CTD-2296D1.5	10,88	-0,54	0,750422	-0,72108	0,470858	0,7881266
DDX11L2	1,41	1,92	2,655871	0,721067	0,470868	NA
SPN	263,97	-0,35	0,483179	-0,72106	0,470872	0,7881266
HSP90AA1	6424,07	0,16	0,217411	0,720999	0,47091	0,7881266
RP11-122C9.1	7,59	0,56	0,778716	0,720973	0,470926	0,7881266
TEN1-CDK3	20,21	-0,53	0,739652	-0,72096	0,470935	0,7881266
NDUFB10	1119,21	-0,16	0,227166	-0,7209	0,47097	0,7881266
TOGARAM2	77,77	0,37	0,520059	0,720722	0,471081	0,7882341
LRRC36	14,39	0,74	1,02024	0,720597	0,471158	0,7882341
RPF2	291,14	-0,58	0,808497	-0,72059	0,471161	0,7882341
LIPH	9,21	-0,94	1,301425	-0,72045	0,471246	0,7882459
RP1-292L20.3	0,80	2,29	3,181084	0,720452	0,471247	NA
GPS1	658,95	-0,24	0,338737	-0,72044	0,471253	0,7882459
RP11-475I24.3	1,04	2,69	3,731131	0,720138	0,47144	NA
EIF4G3	862,90	0,40	0,548658	0,720112	0,471456	0,7882609
CHCHD2	2859,53	0,18	0,245177	0,720063	0,471486	0,7882609
ZBTB32	0,76	-2,15	2,980069	-0,72003	0,471504	NA
CTC-329H14.4	44,93	-0,70	0,96526	-0,72002	0,471516	0,7882609
JMJD1C	2520,22	0,20	0,272106	0,719992	0,47153	0,7882609
RP11-123O10.1	9,25	1,10	1,52936	0,719986	0,471534	0,7882609
MAN1A2	643,50	0,38	0,527164	0,719974	0,471541	0,7882609
RELL1	104,98	0,58	0,80555	0,719909	0,471581	0,7882609
RP11-622O11.4	1,10	1,55	2,152264	0,719904	0,471584	NA
ZNF286B	32,71	-0,56	0,777458	-0,71988	0,471601	0,7882609
FAM180B	2,24	-0,89	1,239158	-0,7198	0,471645	NA
RP11-401L13.2	0,23	-2,66	3,690745	-0,71971	0,471703	NA
PCOLCE2	0,92	1,82	2,527781	0,719484	0,471842	NA
EXOSC7	428,44	-0,50	0,700734	-0,71944	0,471872	0,7886421
EIF3D	2229,57	0,25	0,348071	0,719341	0,471931	0,7886421
PRDM16	4,55	0,76	1,051298	0,71926	0,471981	0,7886421
ACO25918.2	0,44	1,50	2,079538	0,719236	0,471996	NA
COL10A1	1,83	1,47	2,043133	0,719235	0,471996	NA
ARHGEF3	169,44	0,52	0,728435	0,719231	0,471998	0,7886421
ICOS	1,60	-2,04	2,834866	-0,71912	0,472064	NA
RP11-199F11.2	1,32	-0,78	1,08612	-0,71912	0,472069	NA
RP11-479O17.9	1,04	2,68	3,731211	0,719115	0,47207	NA
ZSWIM8	265,84	0,32	0,45165	0,719091	0,472085	0,7887159
RP11-134L10.1	1,32	2,39	3,328555	0,718948	0,472173	NA
SULT1A4	406,65	-0,66	0,924325	-0,71894	0,472175	0,7887227
PAXB1P1	474,67	-0,38	0,534892	-0,71888	0,472216	0,7887227
ANKRD17	682,50	-0,34	0,467899	-0,71877	0,472285	0,7887227
SC5D	139,03	0,75	1,040975	0,71859	0,472393	0,7887227
RP11-162D16.2	23,38	-0,73	1,01882	-0,71852	0,472436	0,7887227
RP11-660M5.1	16,62	1,38	1,920929	0,718371	0,472529	0,7887227
LONRF1	196,53	0,53	0,744323	0,718369	0,47253	0,7887227
SASH3	866,29	0,36	0,507532	0,718359	0,472536	0,7887227

CTD-2049O4.1	2,21	-0,76	1,057503	-0,71831	0,472567	NA
ZNF540	11,42	-0,65	0,906178	-0,71828	0,472582	0,7887227
ZFP82	53,49	0,47	0,658491	0,718251	0,472603	0,7887227
ELAVL1	423,90	-0,30	0,419582	-0,71822	0,472623	0,7887227
EPRS	850,51	0,38	0,532042	0,718214	0,472625	0,7887227
ZNF202	37,93	-1,03	1,440997	-0,71819	0,47264	0,7887227
AC132008.1	1,04	2,68	3,731238	0,718061	0,472719	NA
RP11-218F10.3	15,39	0,83	1,150032	0,717996	0,47276	0,7888018
VMP1	1504,79	-0,24	0,32751	-0,71798	0,472772	0,7888018
GLRA2	0,93	-1,66	2,314175	-0,71785	0,472849	NA
PDE12	238,76	-0,44	0,609423	-0,71774	0,47292	0,7889455
RP11-390M11.1	3,93	-0,78	1,083264	-0,7177	0,472943	0,7889455
RN7SL91P	2,46	-1,06	1,483973	-0,71766	0,472967	NA
IGLV3-21	1,39	1,43	1,991483	0,71762	0,472992	NA
ALPI	0,23	-2,65	3,693478	-0,71757	0,473024	NA
HEMGN	15,83	0,58	0,811205	0,717567	0,473024	0,7890068
CTD-3032J10.4	1,64	-1,05	1,458432	-0,71752	0,473055	NA
CDC20	1,78	2,00	2,783715	0,717485	0,473075	NA
AKNA	1192,28	0,28	0,389359	0,717448	0,473098	0,7890068
GBP1	879,56	0,30	0,422264	0,717433	0,473107	0,7890068
SYNGAP1	1,20	1,11	1,545032	0,717323	0,473175	NA
GRID2IP	0,88	-2,53	3,52376	-0,71731	0,473182	NA
PHPT1	681,98	-0,21	0,293844	-0,71729	0,473197	0,789056
POU5F1P3	1,03	2,68	3,731249	0,717272	0,473206	NA
PRIMPOL	77,62	0,76	1,054168	0,717247	0,473222	0,789056
RP11-132M7.3	2,00	-1,19	1,653278	-0,71724	0,473224	NA
SMIM16	2,01	0,85	1,182839	0,717232	0,473231	NA
RP1-41C23.1	1,34	0,95	1,328956	0,717038	0,473351	NA
AC021224.1	0,69	-1,30	1,811578	-0,71704	0,473351	NA
COMMD6	497,02	-0,19	0,259778	-0,71701	0,473368	0,7891434
SIRPA	941,46	0,27	0,375171	0,716999	0,473375	0,7891434
RP11-231E4.5	4,47	1,56	2,172	0,716956	0,473401	0,7891434
HIST1H4F	1,25	2,35	3,281971	0,716948	0,473406	NA
RP11-550A5.2	26,56	0,72	1,011384	0,716801	0,473497	0,7892317
GCSAML-AS1	1,00	2,65	3,691196	0,7168	0,473497	NA
AC072062.1	175,32	-0,43	0,59827	-0,71671	0,473555	0,7892592
AC001226.7	0,31	-2,41	3,362481	-0,71665	0,473592	NA
RP11-467L19.6	1,03	2,67	3,731276	0,716625	0,473606	NA
CCNK	309,46	-0,37	0,519434	-0,71661	0,473614	0,7892851
AC137932.6	2,91	1,55	2,156861	0,7164	0,473744	NA
RP11-266I3.1	4,26	-0,66	0,924511	-0,7164	0,473746	0,7893455
SCNN1G	7,51	0,64	0,899583	0,716284	0,473816	0,7893455
XXbac-B135H6.15	31,59	-1,03	1,435979	-0,71625	0,473839	0,7893455
CCDC27	4,09	-0,63	0,88259	-0,71623	0,473852	0,7893455
PIP5KL1	7,15	0,69	0,960285	0,71621	0,473862	0,7893455
RP11-72M14.1	88,41	-0,75	1,043196	-0,71611	0,473926	0,7893822
U91328.21	6,67	1,01	1,405188	0,715994	0,473995	0,789389
IFI30	16819,90	0,14	0,192687	0,715945	0,474025	0,789389
SCML1	130,61	-0,52	0,732381	-0,71579	0,474124	0,789389
RP4-777D9.2	10,94	-0,73	1,021033	-0,71571	0,474171	0,789389

RP11-630A13.4	26,93	0,30	0,422865	0,715698	0,474178	0,789389
HSD17B8	71,28	0,97	1,354865	0,715682	0,474188	0,789389
RP11-157E16.1	1,03	-1,74	2,426851	-0,71563	0,47422	NA
RP11-221J22.2	15,01	-1,20	1,675904	-0,71562	0,474228	0,789389
FBRSL1	116,26	0,46	0,646038	0,715549	0,47427	0,789389
RP11-568J23.4	0,96	-1,16	1,615486	-0,71548	0,47431	NA
RNU4-2	9,52	-0,44	0,620088	-0,71545	0,474332	0,7894224
ELF3	69,31	0,69	0,966752	0,715318	0,474413	0,7894858
ZNF320S2	1,62	2,13	2,979309	0,71531	0,474417	NA
RP11-3P17.3	1,25	1,68	2,355727	0,715239	0,474462	NA
HCK	2239,04	0,18	0,257331	0,715114	0,474538	0,7896015
NDE1	194,40	-0,42	0,5849	-0,71507	0,474567	0,7896015
AC087430.1	15,12	0,71	0,98718	0,714905	0,474668	0,7896576
CDKN2B	2,73	2,45	3,423593	0,714869	0,47469	NA
C12orf79	56,65	-0,57	0,796667	-0,71485	0,474703	0,7896576
ZNF334	8,57	1,18	1,648817	0,714807	0,474728	0,7896576
TYRO3P	1,24	-1,96	2,737145	-0,71467	0,474816	NA
RP11-281P23.2	1,39	-1,81	2,526265	-0,71457	0,474874	NA
AAR2	335,44	0,53	0,744512	0,714361	0,475004	0,789964
KDM2B	554,69	0,37	0,52082	0,714354	0,475008	0,789964
RP11-278C7.3	2,66	-0,75	1,055458	-0,71435	0,475013	NA
ST3GAL1	352,40	-0,40	0,561905	-0,71426	0,475069	0,789964
KLRC1	7,95	-0,78	1,086136	-0,71423	0,475082	0,789964
RP1-168L15.5	33,38	0,54	0,751444	0,714051	0,475196	0,7900071
TNFSF13	1244,52	0,45	0,625845	0,714049	0,475197	0,7900071
RP4-669L17.4	40,31	-0,45	0,635684	-0,71394	0,475262	0,7900071
HLA-J	18,74	-0,42	0,594133	-0,7139	0,475289	0,7900071
PNMA1	80,91	-1,31	1,835235	-0,71381	0,475346	0,7900071
RP11-483I13.6	5,68	1,07	1,501256	0,71372	0,4754	0,7900071
RP11-182L21.5	97,76	0,61	0,85155	0,713578	0,475488	0,7900071
ZHX1-C8orf76	38,68	-1,16	1,63112	-0,71353	0,475519	0,7900071
RP11-1143G9.5	49,97	-0,54	0,761023	-0,71347	0,475555	0,7900071
AC007879.5	42,54	-0,53	0,749587	-0,71345	0,475569	0,7900071
ICE1	548,54	-0,41	0,581548	-0,71344	0,475575	0,7900071
RP11-290L1.3	0,99	2,63	3,684899	0,713377	0,475613	NA
RP1-297M16.2	0,77	1,60	2,243048	0,713298	0,475661	NA
RP11-297C4.1	2,53	-0,79	1,106108	-0,71328	0,475673	NA
BCL2A1	563,89	0,42	0,59461	0,713211	0,475715	0,7900474
GLCE	185,26	0,73	1,027108	0,713203	0,47572	0,7900474
C12orf61	19,77	-0,92	1,288291	-0,71318	0,475734	0,7900474
OR10H1	25,08	-0,49	0,692378	-0,71312	0,475769	0,7900474
ZNF625	14,15	0,71	0,994311	0,713016	0,475836	0,7900867
RP5-943J3.1	1,02	2,66	3,731392	0,712878	0,475921	NA
SLC16A6	98,18	-0,51	0,714969	-0,71284	0,475946	0,790112
FES	1646,75	0,27	0,382783	0,712806	0,475966	0,790112
MUTYH	55,64	0,63	0,882333	0,712786	0,475978	0,790112
AC012363.12	1,88	1,28	1,799888	0,712705	0,476028	NA
PNLIPRP3	1,03	2,66	3,731394	0,712667	0,476052	NA
RP11-884K10.7	18,59	0,94	1,316403	0,712582	0,476105	0,7901347
SLC22A18	223,13	-0,46	0,641295	-0,71254	0,476132	0,7901347

ZNF695	57,96	-0,97	1,359744	-0,71249	0,476161	0,7901347
CKAP2L	15,12	0,93	1,300276	0,71244	0,476192	0,7901347
PQLC2	151,59	0,60	0,845013	0,712329	0,476261	0,7901347
CTD-3128G10.6	3,24	-0,99	1,386335	-0,71226	0,476302	NA
RP11-337C18.10	0,81	-2,18	3,056125	-0,71222	0,476327	NA
PPP1R21	332,96	-0,46	0,651053	-0,71221	0,476338	0,7901347
RP11-485M7.1	1,02	2,04	2,871236	0,712204	0,476339	NA
RP11-347C12.3	42,16	0,64	0,896733	0,712182	0,476352	0,7901347
RP11-290F5.1	12,74	1,05	1,467844	0,712142	0,476377	0,7901347
RP11-567J20.2	4,39	-0,98	1,370858	-0,71211	0,476399	0,7901347
CH17-258A22.4	46,04	0,63	0,878296	0,711989	0,476472	0,7901347
MPST	511,92	0,35	0,496593	0,711985	0,476474	0,7901347
MRPS21	551,44	-0,26	0,360782	-0,71194	0,476502	0,7901347
NAT14	15,50	-1,41	1,983619	-0,71186	0,47655	0,7901442
PIGL	131,04	-0,69	0,974087	-0,71169	0,476655	0,7902486
RPS12P21	1,00	2,64	3,707714	0,71168	0,476663	NA
SENP2	234,29	-0,46	0,650428	-0,71145	0,476803	0,790423
RP11-394O4.3	1,36	-1,18	1,662553	-0,71135	0,476865	NA
NECTIN2	41,58	-0,70	0,982196	-0,71135	0,476867	0,7904584
SLC39A11	711,91	0,35	0,486742	0,711216	0,476951	0,7905271
OR4E2	3,25	-0,95	1,339382	-0,71117	0,47698	NA
RP11-304C12.5	2,23	1,80	2,534503	0,711078	0,477036	NA
BCLAF1	2701,64	0,12	0,174129	0,71106	0,477047	0,7905941
AC009120.6	127,87	0,65	0,917215	0,710939	0,477122	0,7905941
THYN1	335,55	-0,43	0,598246	-0,71084	0,477186	0,7905941
SDR42E2	15,09	-0,75	1,059574	-0,71083	0,477192	0,7905941
INTS3	328,08	-0,42	0,591835	-0,71081	0,477204	0,7905941
RP11-1057N3.2	1,54	2,65	3,728021	0,710802	0,477207	NA
RP11-492E3.2	5,07	-0,82	1,148631	-0,71071	0,477267	0,7906282
CTD-2319I12.2	30,45	-0,58	0,819065	-0,71063	0,477313	0,7906345
RP11-145P16.2	78,43	-0,33	0,468454	-0,71047	0,477411	0,790655
MLLT1	131,34	-0,59	0,833971	-0,71041	0,477448	0,790655
SIVA1	844,55	-0,28	0,388723	-0,71041	0,477453	0,790655
ZNF295-AS1	0,99	2,63	3,705564	0,710398	0,477457	NA
Z69666.2	4,88	0,71	0,994575	0,710283	0,477528	0,79071
CTD-3064M3.7	1,66	2,13	3,005352	0,710262	0,477541	NA
MNS1	3,51	-1,30	1,825595	-0,7102	0,477578	NA
CCDC64B	1,22	-1,30	1,82479	-0,71019	0,477588	NA
KLF7	342,44	0,68	0,953314	0,71018	0,477592	0,7907274
UAP1L1	154,36	0,70	0,980913	0,710129	0,477624	0,7907274
SCAMP5	4,40	-0,76	1,064538	-0,70986	0,477794	0,7908468
SLC25A12	63,93	0,75	1,051206	0,709836	0,477806	0,7908468
FBLN2	75,49	0,84	1,180031	0,709807	0,477824	0,7908468
CNNM1	0,55	1,06	1,490435	0,70979	0,477834	NA
MRPL50	98,85	-0,87	1,223696	-0,7097	0,477889	0,7908843
AC073133.1	1,18	1,00	1,41366	0,709648	0,477922	NA
ARHGAP35	246,13	0,58	0,810866	0,709599	0,477953	0,7909194
NR1I3	16,80	-0,40	0,565173	-0,70941	0,478071	0,7910445
ANKS1B	93,39	-0,41	0,579939	-0,70931	0,47813	0,791073
RP11-548H3.1	1,26	2,36	3,325945	0,709121	0,478249	NA

AC005154.7	11,14	-1,36	1,913064	-0,70908	0,478274	0,7912408
SPP1	2,31	-1,71	2,409848	-0,70904	0,478299	NA
HCAR2	242,65	-0,79	1,108476	-0,70901	0,47832	0,7912456
FCGR2A	1679,82	0,27	0,3789	0,708899	0,478387	0,7912864
CTD-2340E1.2	0,98	-1,03	1,451712	-0,70887	0,478403	NA
PLEKHA6	15,95	0,83	1,1676	0,708793	0,478453	0,7913249
ATMIN	417,87	0,59	0,838278	0,708647	0,478543	0,7913861
RP11-446N19.1	9,21	-0,75	1,052998	-0,7086	0,478575	0,7913861
RP11-75C10.9	0,61	1,95	2,746387	0,708566	0,478594	NA
CACNB4	66,78	0,35	0,498832	0,708324	0,478744	0,7914162
TRGC2	11,65	-1,80	2,543525	-0,70832	0,478749	0,7914162
SAP18	1304,68	0,18	0,251946	0,708296	0,478762	0,7914162
RP11-617F23.2	46,72	0,62	0,874229	0,708293	0,478763	0,7914162
CTD-2537I9.16	1,00	2,64	3,7315	0,708218	0,47881	NA
TMEM186	16,69	0,74	1,043389	0,708185	0,47883	0,791457
RP11-433M22.1	1,27	-1,46	2,058226	-0,70816	0,478847	NA
GYS1	291,96	0,49	0,686896	0,708026	0,478929	0,7915495
WDR33	700,17	0,48	0,682482	0,707956	0,478973	0,7915514
GNGT1	0,53	-2,03	2,866143	-0,70784	0,479046	NA
MAGEC1	0,23	-2,61	3,682167	-0,70779	0,479074	NA
RP11-454F8.4	5,35	-0,73	1,028358	-0,7077	0,47913	0,7916795
LDLRAP1	100,48	0,72	1,020172	0,707694	0,479135	0,7916795
RNVU1-2	0,30	-2,61	3,687179	-0,70759	0,479201	NA
RP5-1165K10.2	0,59	1,88	2,663587	0,707495	0,479259	NA
C2orf15	9,89	-0,61	0,858854	-0,70742	0,479307	0,7916904
AC000068.5	37,67	-0,92	1,293917	-0,7074	0,479315	0,7916904
RP11-542C10.1	0,72	-1,19	1,681019	-0,70736	0,479342	NA
AC073263.4	1,72	2,16	3,060556	0,707265	0,479402	NA
CPT2	161,87	0,44	0,621024	0,707237	0,479419	0,7916904
TIMM9	207,68	0,46	0,64991	0,707187	0,479451	0,7916904
ZNF821	11,88	-0,94	1,323059	-0,70703	0,479546	0,7916904
RP11-91K8.1	6,66	-0,96	1,360532	-0,70702	0,479553	0,7916904
C2CD2L	227,85	0,35	0,501179	0,706857	0,479655	0,7916904
FCHSD1	117,11	0,46	0,65656	0,706855	0,479656	0,7916904
RP11-723D22.3	5,70	0,51	0,718356	0,706842	0,479665	0,7916904
CNOT6	407,41	0,42	0,600005	0,706816	0,479681	0,7916904
LMAN1	324,95	0,53	0,748269	0,706779	0,479704	0,7916904
SH2D3A	47,37	-0,36	0,509981	-0,70672	0,47974	0,7916904
RP11-2H8.4	95,23	-0,69	0,970471	-0,70667	0,47977	0,7916904
AC009499.1	2,59	0,84	1,182374	0,706642	0,479789	NA
RP11-206L10.11	205,25	0,78	1,106972	0,706558	0,479841	0,7916904
RP11-134P9.1	21,39	0,81	1,147963	0,706496	0,47988	0,7916904
NMI	707,39	0,29	0,415872	0,706471	0,479896	0,7916904
OR4K8P	1,01	2,64	3,731552	0,706393	0,479944	NA
SLC44A1	451,98	0,42	0,597641	0,706369	0,479958	0,7916904
MEIS3	5,12	0,88	1,245171	0,706361	0,479964	0,7916904
RBM4B	98,47	-0,62	0,880039	-0,70635	0,47997	0,7916904
TOM1	440,02	-0,32	0,458303	-0,70631	0,479993	0,7916904
AC004987.7	29,66	-0,77	1,094442	-0,70616	0,48009	0,7917799
SERINC1	906,27	-0,30	0,427201	-0,70604	0,480164	0,7918326

RP11-1055B8.2	2,03	1,58	2,234575	0,706032	0,480168	NA
CTD-2196E14.9	29,65	-0,56	0,791994	-0,70581	0,480305	0,7919251
THAP11	177,72	0,60	0,85648	0,705811	0,480305	0,7919251
NPAP1P2	0,79	-1,21	1,714896	-0,70568	0,480386	NA
RPS26P8	1,01	2,05	2,905831	0,705609	0,480431	NA
TBC1D10C	254,67	0,47	0,67264	0,705602	0,480436	0,7919402
DRC3	41,99	0,60	0,850494	0,705542	0,480473	0,7919402
AC005616.2	6,05	-0,75	1,056292	-0,70552	0,480484	0,7919402
TMEM14EP	37,01	0,83	1,179665	0,705523	0,480485	0,7919402
SAMD5	8,13	-0,43	0,610706	-0,70534	0,480596	0,7919915
ATP9A	4,50	-0,90	1,271253	-0,70533	0,480605	0,7919915
ZNF767	174,43	-0,68	0,967489	-0,70521	0,480679	0,7919915
CCDC12	874,34	-0,22	0,311547	-0,7052	0,480686	0,7919915
INTS13	86,13	-0,72	1,019849	-0,70511	0,480739	0,7920084
RP11-259K5.3	14,25	0,94	1,327021	0,705045	0,480782	0,7920092
GREM2	2,90	1,04	1,471012	0,704884	0,480882	NA
RP5-1068E13.3	96,21	0,41	0,584164	0,704704	0,480994	0,7922272
BACE1	20,66	0,82	1,162413	0,704696	0,481	0,7922272
USP17L6P	0,22	-2,60	3,692435	-0,70469	0,481003	NA
RN7SL356P	0,65	-1,44	2,044643	-0,70468	0,481012	NA
KCNH8	1,05	2,09	2,966788	0,70453	0,481103	NA
CRABP2	0,59	1,87	2,649138	0,704467	0,481142	NA
RP5-849H19.2	0,72	-2,48	3,521827	-0,70437	0,481203	NA
CCDC74A	1,21	1,24	1,753756	0,704335	0,481224	NA
CYCS	1327,33	0,27	0,384687	0,704322	0,481232	0,7924977
CPLX4	1,73	-0,92	1,300182	-0,70426	0,481272	NA
CATSPERD	4,43	-1,64	2,326772	-0,70423	0,481291	0,7924977
GOLGA8T	1,02	2,63	3,732093	0,704217	0,481298	NA
RP11-91P24.5	10,73	-0,84	1,187995	-0,70419	0,481313	0,7924977
ACADL	1,52	-1,17	1,65506	-0,70415	0,481338	NA
FBN3	5,17	-1,81	2,572705	-0,70415	0,481342	0,7924977
NANOS1	4,02	0,60	0,855725	0,704066	0,481391	0,7924977
KLK7	2,31	0,71	1,013006	0,704046	0,481404	NA
RP1-74B13.2	10,79	-0,56	0,793704	-0,70402	0,481422	0,7924977
IFITM3	3718,93	-0,40	0,571866	-0,70392	0,481484	0,7924977
AC018647.3	2,22	-1,13	1,612157	-0,7039	0,481498	NA
POLDIP2	340,15	0,46	0,654454	0,703777	0,481572	0,7924977
RP11-314B1.1	18,04	-0,98	1,394762	-0,70376	0,481582	0,7924977
RP11-3B12.1	106,42	-0,50	0,717042	-0,70375	0,48159	0,7924977
RP11-90D4.5	2,01	-1,10	1,560322	-0,70373	0,481599	NA
MIR4477A	0,75	2,23	3,16619	0,703627	0,481665	NA
TLE2	2,29	0,98	1,392865	0,703531	0,481725	NA
RP11-632K5.5	5,22	-0,71	1,006347	-0,70343	0,481787	0,7926849
CDC123	579,84	0,43	0,608404	0,703383	0,481817	0,7926849
GIMAP5	77,92	-1,15	1,630937	-0,70323	0,481915	0,7926849
XX-CR54.1	13,47	0,98	1,386902	0,703198	0,481932	0,7926849
RIOX1	37,20	0,72	1,029453	0,703188	0,481939	0,7926849
SRSF9	686,26	0,32	0,457971	0,703155	0,481959	0,7926849
AMT	90,22	-0,65	0,9183	-0,70298	0,482071	0,7927988
RP11-723P16.2	0,99	2,62	3,731678	0,702951	0,482086	NA

CSF1	0,50	1,64	2,334409	0,702902	0,482117	NA
CYTH4	784,33	-0,31	0,444932	-0,70286	0,482146	0,7928518
SIGLEC14	283,25	0,33	0,475305	0,702655	0,482271	0,7929263
GTF2A2	719,12	0,29	0,406344	0,702646	0,482276	0,7929263
CTB-27N1.1	0,51	-2,57	3,664641	-0,70258	0,482316	NA
RP11-392P7.1	0,43	1,45	2,070083	0,70258	0,482317	NA
RP11-231D20.1	0,98	1,37	1,949437	0,702541	0,482342	NA
ZNF385B	2,65	1,94	2,760677	0,702509	0,482362	NA
RP11-608O21.1	1,01	1,41	2,013653	0,702492	0,482372	NA
QSOX2	66,34	0,72	1,020642	0,70236	0,482454	0,7931489
AC114730.7	0,53	-1,77	2,517577	-0,70234	0,482464	NA
IL17RD	6,93	-0,61	0,872465	-0,70219	0,482559	0,7931978
RP11-356D23.3	24,33	-1,00	1,424029	-0,70212	0,482607	0,7931978
RP4-723E3.1	49,53	-0,73	1,033498	-0,70211	0,482612	0,7931978
MAGIX	27,75	0,74	1,056284	0,701943	0,482715	0,7932966
JAKMIP2-AS1	0,54	1,66	2,360987	0,701672	0,482884	NA
LINC01374	0,98	2,61	3,719092	0,701627	0,482912	NA
RPL3P2	0,82	0,94	1,344804	0,701624	0,482914	NA
ZBED6CL	0,87	1,80	2,572077	0,701511	0,482984	NA
RF00015	2,18	-1,21	1,725493	-0,7015	0,482991	NA
CCNL2	1023,72	-0,26	0,367358	-0,70149	0,482998	0,7936882
DHRS4	367,62	0,39	0,551993	0,701424	0,483039	0,7936882
RP11-334E6.10	1,53	-1,00	1,430473	-0,70132	0,483102	NA
TM4SF19	1,42	-0,80	1,147039	-0,70129	0,483123	NA
RP11-27K13.3	1,03	2,62	3,731173	0,701192	0,483183	NA
CTB-66B24.1	0,86	-1,88	2,683668	-0,70116	0,483206	NA
L1TD1	2,48	1,16	1,652815	0,701123	0,483226	NA
TSKU	39,64	-0,73	1,042606	-0,7011	0,483237	0,7938973
GPR21	5,64	1,00	1,419674	0,701083	0,483251	0,7938973
C7orf25	1,21	2,05	2,928185	0,700961	0,483327	NA
RP11-126L15.4	0,22	-2,59	3,692805	-0,70071	0,483484	NA
MTRF1	85,42	0,60	0,860564	0,700534	0,483594	0,7943693
MPP7	414,18	-0,38	0,541294	-0,70049	0,483624	0,7943693
AC104820.2	132,82	0,63	0,892623	0,700399	0,483678	0,7943884
RP11-574E24.3	2,41	-1,69	2,41792	-0,70034	0,483714	NA
AC092159.2	18,23	-0,58	0,832764	-0,70016	0,48383	0,7945672
RP11-30M20.2	0,23	-2,34	3,336397	-0,70014	0,48384	NA
RP11-545I5.3	279,60	-0,29	0,412512	-0,70004	0,483905	0,7945853
ALG5	299,66	0,55	0,79071	0,699948	0,48396	0,7945853
MIR4481	0,96	2,58	3,692735	0,699943	0,483963	NA
RP11-367G18.2	1,28	-0,91	1,293544	-0,69988	0,484002	NA
RP11-879F14.3	0,97	2,61	3,731823	0,69984	0,484027	NA
RP1-138O17.1	27,28	-0,59	0,842526	-0,69982	0,484038	0,7945853
BTRC	123,14	0,59	0,838203	0,699799	0,484053	0,7945853
RP11-184M15.2	6,09	0,86	1,231028	0,699797	0,484054	0,7945853
RBPMS	14,99	0,96	1,370433	0,699709	0,484109	0,7946051
ATP8B1	88,33	0,43	0,608768	0,699526	0,484223	0,7947223
PUDP	242,41	0,63	0,903362	0,699434	0,484281	0,7947466
RP11-798K23.1	0,99	2,61	3,731803	0,699386	0,484311	NA
SOD1	1206,45	-0,21	0,306191	-0,69931	0,484358	0,7948039

UBQLNL	0,55	-2,57	3,674897	-0,6993	0,484365	NA
RP11-415F23.3	0,78	2,24	3,202527	0,699266	0,484386	NA
RP11-486O13.4	0,75	2,21	3,156136	0,699178	0,484441	NA
SCN4B	5,36	1,67	2,392582	0,699122	0,484476	0,7949264
TTC37	506,38	-0,31	0,444373	-0,69896	0,484577	0,7950217
STAR	2,70	-0,81	1,165061	-0,69887	0,484632	NA
TEAD3	1,72	-1,62	2,318626	-0,69876	0,484702	NA
COPS7A	270,90	0,44	0,625868	0,698629	0,484784	0,7952801
LCN15	21,42	-0,72	1,025063	-0,69857	0,48482	0,7952801
PTCSC3	66,63	-0,45	0,639847	-0,69847	0,484886	0,7953192
PIGG	305,03	-0,36	0,511885	-0,69832	0,484974	0,7953369
Z95114.8	2,44	1,16	1,662418	0,698275	0,485005	NA
RP11-393I2.2	0,98	2,61	3,731767	0,69827	0,485008	NA
ODZ4	262,40	0,77	1,099389	0,698208	0,485047	0,7953369
RPL12	3785,29	-0,14	0,198753	-0,69813	0,485093	0,7953369
SH3GLB2	79,50	0,38	0,549339	0,698132	0,485095	0,7953369
METTL4	94,09	-0,76	1,081571	-0,69811	0,485111	0,7953369
OR4P4	10,90	0,66	0,945173	0,697927	0,485223	0,7954398
ITCH	490,23	0,45	0,64777	0,697869	0,485259	0,7954398
RNVU1-4	59,99	-0,54	0,77928	-0,69779	0,485309	0,7954522
RP11-60H5.1	1,00	-1,69	2,424081	-0,69763	0,48541	NA
HCG4P11	0,41	1,42	2,031097	0,697624	0,485413	NA
PREB	288,39	-0,64	0,916577	-0,69749	0,485495	0,7956166
BOC	8,56	-0,82	1,182483	-0,69749	0,485495	0,7956166
RP11-360K13.1	0,35	-1,99	2,849231	-0,69748	0,485503	NA
RP11-1113N2.2	0,73	-2,45	3,516939	-0,69731	0,485606	NA
SLC51B	2,00	2,42	3,469931	0,697308	0,48561	NA
ANK3	30,35	-0,53	0,757279	-0,6972	0,485678	0,7957154
AC010642.1	0,97	2,60	3,731836	0,697167	0,485698	NA
NKIRAS2	660,20	0,36	0,521296	0,697112	0,485733	0,7957154
MIR511	0,94	2,56	3,67271	0,697084	0,48575	NA
C1orf122	83,16	-0,60	0,856973	-0,69701	0,485799	0,7957154
AC007349.7	1,47	2,60	3,728249	0,696995	0,485806	NA
RP11-596C23.2	99,37	0,67	0,954877	0,696987	0,485811	0,7957154
LLNLR-222A1.1	84,90	0,52	0,747418	0,696986	0,485812	0,7957154
AC195454.1	12,39	-1,22	1,752298	-0,69694	0,485839	0,7957154
MRPL46	142,40	-0,69	0,990125	-0,69692	0,485855	0,7957154
RP11-946P6.6	2,65	2,14	3,067943	0,696772	0,485945	NA
PRAMEF18	0,50	-2,02	2,905449	-0,69672	0,48598	NA
MTRNR2L10	1,48	-1,25	1,792457	-0,69671	0,485982	NA
RP11-461C13.1	1,50	-1,94	2,790077	-0,69661	0,486045	NA
AC010733.8	9,12	1,73	2,486602	0,696491	0,486121	0,7960817
RP11-148B6.2	0,61	-1,59	2,28027	-0,69633	0,48622	NA
ICMT	198,36	0,49	0,700589	0,69622	0,486291	0,79629
RP11-493E3.3	17,47	-0,41	0,595634	-0,69603	0,486411	0,796416
RP11-154C3.1	0,44	1,40	2,010793	0,695985	0,486438	NA
RP11-540O11.4	1,04	2,02	2,903304	0,695982	0,48644	NA
DSTYK	421,95	-0,30	0,425436	-0,69595	0,486459	0,7964246
RP11-629N8.3	1,21	1,66	2,386999	0,695942	0,486465	NA
DNM1P34	1,23	2,30	3,298138	0,695879	0,486505	NA

RP11-115D19.2	0,98	2,60	3,731832	0,695842	0,486528	NA
RN7SL775P	3,13	-0,73	1,052526	-0,69579	0,486558	NA
RN7SL60P	2,26	-0,62	0,890236	-0,69571	0,486612	NA
CTD-2342J14.6	10,31	-0,70	1,010514	-0,69566	0,486644	0,7966365
RP11-227G15.2	2,35	1,47	2,113007	0,695625	0,486663	NA
FBXO44	44,22	-0,53	0,759094	-0,69559	0,486687	0,7966365
CUEDC2	758,59	-0,34	0,494522	-0,69554	0,486717	0,7966365
RP13-614K11.1	3,06	0,92	1,321675	0,695513	0,486734	NA
ASS1	1,90	1,40	2,015641	0,695455	0,486771	NA
RP11-227D13.4	0,75	2,22	3,186905	0,69545	0,486773	NA
RNU6-911P	0,63	-2,55	3,664769	-0,6954	0,486803	NA
RP11-166P13.3	4,08	0,90	1,29329	0,695386	0,486814	0,7967246
ESPL1	14,49	0,72	1,031078	0,695199	0,48693	0,7968459
RP11-498P14.3	0,99	-1,49	2,142633	-0,69492	0,487106	NA
GPR55	13,32	-1,88	2,699005	-0,69485	0,487151	0,796996
ZNF182	48,12	-0,83	1,198216	-0,69483	0,487159	0,796996
C15orf62	2,36	2,17	3,125157	0,694766	0,487202	NA
RP11-245J9.9	155,29	0,49	0,70803	0,694753	0,48721	0,796996
AC015849.19	10,22	0,63	0,903299	0,694731	0,487224	0,796996
GLRX	1719,13	0,22	0,323428	0,694711	0,487236	0,796996
FRMPD3	2,15	-1,01	1,458436	-0,69471	0,487238	NA
OR2M2	0,27	-2,56	3,690499	-0,69452	0,487355	NA
RF00416	2,26	2,59	3,725619	0,694356	0,487459	NA
COL1A2-AS1	0,76	1,54	2,215483	0,694346	0,487465	NA
RIOK3	532,37	0,27	0,384229	0,694269	0,487513	0,797379
AL121656.4	0,97	2,59	3,732641	0,694083	0,48763	NA
TMEM78	20,81	-0,45	0,655492	-0,69399	0,487688	0,7975399
AKR1B1	671,40	0,40	0,577963	0,693921	0,487732	0,7975399
UBE2Q2	340,66	0,34	0,484162	0,693907	0,48774	0,7975399
RNU7-84P	0,96	2,59	3,731962	0,693779	0,487821	NA
SEPHS2	375,19	-0,45	0,654423	-0,69364	0,48791	0,7975953
TEX21P	4,61	0,74	1,072466	0,693623	0,487919	0,7975953
AAMP	602,25	0,32	0,459361	0,693593	0,487938	0,7975953
MEGF11	3,27	-1,59	2,29442	-0,69359	0,487942	NA
RP11-184D12.1	1,51	-0,79	1,137671	-0,69358	0,487944	NA
TBC1D24	42,05	-0,60	0,859497	-0,69358	0,487946	0,7975953
MAMLD1	1,69	2,33	3,36739	0,693376	0,488073	NA
UBR7	124,17	-0,68	0,975567	-0,69335	0,488093	0,7975979
IGFL4	55,11	0,58	0,840236	0,693314	0,488113	0,7975979
TAF4B	63,89	-0,62	0,900682	-0,69321	0,488177	0,7975979
RP3-510O8.4	0,41	1,43	2,065806	0,693087	0,488255	NA
RNU6-1153P	3,04	1,30	1,881584	0,69308	0,488259	NA
PRPF4	236,57	0,45	0,651104	0,693045	0,488281	0,7975979
ANKRD30BP	0,21	-2,56	3,694521	-0,69302	0,488296	NA
TREML3P	0,99	2,58	3,72458	0,693006	0,488305	NA
RP11-452L6.6	13,08	-0,58	0,839904	-0,69298	0,488321	0,7975979
CTA-246H3.11	0,25	-1,95	2,81575	-0,6929	0,488372	NA
TRAFD1	316,24	-0,51	0,739717	-0,69285	0,488407	0,7975979
RP11-63P12.6	77,69	-0,78	1,121251	-0,69282	0,48842	0,7975979
MPC2	482,05	0,44	0,639502	0,692782	0,488446	0,7975979

JUN	1011,82	-0,30	0,437247	-0,69276	0,488462	0,7975979
LRP1	652,85	-0,35	0,50279	-0,69269	0,488504	0,7975979
AGRN	6,57	-0,57	0,823142	-0,69261	0,488556	0,7975979
FAM102B	592,34	0,29	0,424252	0,692586	0,48857	0,7975979
DAPK3	3,23	1,79	2,583186	0,69253	0,488605	NA
TOM1L2	93,89	-0,71	1,023517	-0,69246	0,488646	0,7975979
RP11-218M22.2	3,87	1,08	1,565162	0,69245	0,488655	0,7975979
CH507-39O4.1	0,73	2,18	3,155206	0,692356	0,488714	NA
RHOC	1119,14	0,21	0,299126	0,692303	0,488747	0,7975979
SUGP2	852,07	-0,22	0,321363	-0,69227	0,488766	0,7975979
PTBP2	231,33	-0,51	0,733267	-0,69226	0,488771	0,7975979
TMED9	514,12	0,38	0,541788	0,692226	0,488795	0,7975979
ANKHD1-EIF4EBP3	309,93	-0,65	0,94042	-0,69217	0,488832	0,7975979
MAPK10	357,49	-0,33	0,476658	-0,69211	0,48887	0,7975979
NDUFAF2	105,69	-0,44	0,629707	-0,69211	0,488871	0,7975979
RAC3	0,97	2,58	3,73189	0,692058	0,488901	NA
RP11-253I19.3	1,48	-1,17	1,694916	-0,69202	0,488926	NA
KIAA0586	134,00	0,41	0,596655	0,692015	0,488928	0,7975979
C7orf55	91,57	-0,40	0,578442	-0,69196	0,48896	0,7975979
RP11-56P2.2	2,26	1,78	2,576432	0,691898	0,489001	NA
KDM4C	467,84	0,40	0,581993	0,691849	0,489032	0,7975979
CAMTA1	147,47	-0,24	0,344895	-0,6918	0,48906	0,7975979
RP11-123K19.1	6,57	0,81	1,170906	0,691672	0,489143	0,7975979
HIPK1	756,58	0,29	0,418453	0,691633	0,489168	0,7975979
RP11-68I3.4	0,98	-1,53	2,211053	-0,69155	0,489223	NA
BRAT1	397,99	-0,41	0,5926	-0,69152	0,489236	0,7975979
CTD-2595P9.2	19,73	0,60	0,864307	0,691432	0,489294	0,7975979
BRICD5	57,10	-0,88	1,266172	-0,69142	0,489299	0,7975979
RLF	402,51	-0,44	0,640437	-0,6914	0,489314	0,7975979
RPS3AP26	11,06	0,29	0,423883	0,691392	0,489319	0,7975979
HYDIN	32,40	-0,75	1,080309	-0,69131	0,489368	0,7976076
RP11-429H9.4	0,21	-2,56	3,699364	-0,69123	0,489421	NA
SNHG12	188,40	-0,42	0,601906	-0,6912	0,489438	0,7976269
TLE3	982,55	-0,31	0,448673	-0,69116	0,489466	0,7976269
RP4-737E23.6	1,22	2,31	3,336728	0,691086	0,489511	NA
IGKV3-15	2,18	-0,98	1,416379	-0,69104	0,489539	NA
MIR3908	1,90	-1,02	1,477576	-0,69103	0,489549	NA
C8orf77	6,79	0,78	1,134029	0,690954	0,489595	0,7976741
KCNQ1	230,43	0,38	0,552875	0,690938	0,489605	0,7976741
RP11-321E8.5	0,96	2,58	3,73203	0,690887	0,489637	NA
RAPGEFL1	24,61	0,77	1,10859	0,690857	0,489655	0,7976741
POMK	34,47	-0,76	1,106923	-0,69084	0,489666	0,7976741
TEFM	59,90	0,62	0,900764	0,690632	0,489797	0,7978013
KCNMB1	178,00	-0,40	0,575159	-0,69056	0,489842	0,7978013
RP11-191G24.1	0,93	2,56	3,704963	0,690544	0,489852	NA
EMX2	13,94	-0,57	0,826142	-0,69045	0,489913	0,7978013
TXN	789,59	-0,14	0,203151	-0,69044	0,489916	0,7978013
RP11-6O2.3	2,33	-0,59	0,856389	-0,6904	0,489943	NA
RPL7L1	661,56	-0,34	0,489251	-0,69036	0,48997	0,7978193
HCG4B	0,75	1,54	2,235942	0,690309	0,49	NA

RP11-17H4.2	0,96	2,56	3,712673	0,69024	0,490044	NA
RP3-404F18.2	1,31	-1,22	1,767987	-0,69019	0,490073	NA
ANKRD65	1,43	1,90	2,746377	0,690191	0,490074	NA
RP11-468N14.1	0,21	-2,55	3,694792	-0,69015	0,4901	NA
CTD-2196E14.3	6,27	-1,15	1,668142	-0,69011	0,490126	0,7980047
FAM149A	3,02	1,08	1,563664	0,690007	0,49019	NA
RN7SL711P	4,01	-0,81	1,169158	-0,68995	0,490226	0,798023
PPEF2	29,63	0,82	1,194695	0,689895	0,49026	0,798023
RP11-1105G2.3	50,32	-0,83	1,202977	-0,68989	0,490266	0,798023
RP11-84C13.2	0,21	-2,55	3,694835	-0,6897	0,490383	NA
RP11-685B13.2	0,96	2,57	3,731984	0,689625	0,49043	NA
RP11-191L17.1	39,70	-0,74	1,074338	-0,68954	0,490486	0,7982449
RP11-6F2.6	23,88	-1,06	1,530418	-0,68953	0,490488	0,7982449
AC100748.2	3,08	1,61	2,333723	0,689297	0,490637	NA
MUC5B	0,99	2,57	3,732335	0,689249	0,490667	NA
RP4-773N10.4	3,21	-1,33	1,936289	-0,68924	0,490674	NA
SNORA14A	0,74	2,18	3,157702	0,689178	0,490711	NA
BCL2	186,13	-0,47	0,678449	-0,68916	0,490725	0,798523
XRN2	1364,52	0,19	0,276824	0,689124	0,490745	0,798523
SLC6A13	0,33	-2,54	3,693293	-0,68901	0,490818	NA
RP11-397E7.6	20,50	0,63	0,91461	0,688921	0,490873	0,7986613
CH17-437K3.1	2,01	-1,11	1,611218	-0,68889	0,490891	NA
NCOA4	2143,67	0,25	0,357347	0,688829	0,490931	0,7986856
MESDC2	388,47	0,35	0,512355	0,688716	0,491002	0,7987318
AC005682.5	0,92	2,57	3,732754	0,688635	0,491053	NA
CTD-3057O21.1	0,95	2,57	3,732093	0,688628	0,491058	NA
TRDN	0,71	-1,65	2,398634	-0,68847	0,491154	NA
RP11-404O13.4	6,96	1,69	2,452727	0,688341	0,491238	0,7989867
IGLC1	7,88	0,57	0,821939	0,688288	0,491272	0,7989867
THBS4	45,53	-0,98	1,419076	-0,68826	0,491288	0,7989867
SLC2A9	142,86	-0,58	0,838035	-0,68817	0,491345	0,7989909
CHEK1	41,82	0,56	0,817426	0,688111	0,491383	0,7989909
CGRRF1	81,30	-0,98	1,420239	-0,68805	0,491419	0,7989909
IGKV3D-20	2,59	-1,49	2,161865	-0,68802	0,491441	NA
IGHG1	12,51	-0,61	0,893613	-0,68782	0,491569	0,7991485
RP11-69C17.3	0,76	-1,00	1,45261	-0,6878	0,491581	NA
AC109631.1	1,48	2,56	3,7283	0,687771	0,491597	NA
PCK1	6,22	0,70	1,012068	0,687673	0,491659	0,7991485
PID1	1244,06	-0,29	0,422695	-0,68761	0,491697	0,7991485
GFM1	323,87	-0,41	0,592137	-0,68757	0,491723	0,7991485
FAM168A	441,49	-0,34	0,493221	-0,68756	0,491731	0,7991485
RN7SKP246	0,75	-2,06	2,992077	-0,6875	0,491767	NA
RP1-79C4.1	25,66	-0,80	1,163453	-0,68749	0,491774	0,7991485
RP11-208G20.1	0,49	1,62	2,356945	0,687221	0,491944	NA
DDX49	444,47	-0,41	0,598758	-0,68715	0,491987	0,7994246
C1orf210	2,55	-0,97	1,408411	-0,68715	0,491988	NA
ZNF668	39,77	0,93	1,348869	0,687063	0,492043	0,7994466
RP11-299J3.6	0,94	2,55	3,710427	0,687021	0,492069	NA
SPINK4	0,73	2,18	3,17027	0,68686	0,492171	NA
TROAP	17,71	0,68	0,989276	0,686775	0,492224	0,7996182

RP11-417N10.4	4,53	-1,45	2,112077	-0,68676	0,492235	0,7996182
KB-1410C5.3	24,96	-0,36	0,524245	-0,68668	0,492283	0,7996264
RP6-24A23.7	2,08	-0,84	1,224413	-0,68659	0,492341	NA
DOCK8	2462,02	0,21	0,307576	0,686491	0,492404	0,7997312
DUSP16	77,89	0,74	1,079014	0,686444	0,492433	0,7997312
ZNF853	0,45	-2,36	3,437124	-0,68638	0,492473	NA
CTB-50L17.8	34,44	-0,38	0,546682	-0,68631	0,492516	0,7997966
VNN3	60,29	-0,57	0,837372	-0,68621	0,49258	0,7998299
SMC2	146,60	0,53	0,772148	0,686097	0,492652	0,7998414
RP11-342C20.3	12,21	-0,50	0,72509	-0,68606	0,492673	0,7998414
CCDC88C	301,06	0,43	0,629778	0,685964	0,492736	0,7998736
DUSP12	271,42	-0,36	0,523193	-0,68584	0,492815	0,7999329
RP11-525G13.2	0,94	2,56	3,732362	0,685807	0,492835	NA
DPY19L1	185,49	-0,72	1,046155	-0,68573	0,492885	0,7999766
RN7SL19P	1,17	-2,14	3,120065	-0,68562	0,49295	NA
RP11-12M9.4	0,52	1,03	1,497622	0,685613	0,492957	NA
DUSP14	0,72	2,16	3,157265	0,685607	0,492961	NA
RP11-345P4.10	3,16	1,94	2,828413	0,685584	0,492976	NA
MTHFS	139,34	-0,60	0,872369	-0,68553	0,493008	0,8001067
RP11-463I20.1	52,48	0,87	1,266532	0,685424	0,493077	0,8001474
CARNS1	2,66	0,91	1,333674	0,685269	0,493174	NA
MAP3K9	8,21	-0,49	0,715706	-0,68524	0,493192	0,8002655
SNAPC5	223,38	0,53	0,774069	0,685147	0,493251	0,8002914
LRRC23	40,80	-0,73	1,070706	-0,68499	0,493349	0,80033
C3orf58	620,43	0,28	0,404807	0,684914	0,493398	0,80033
MTA3	74,26	-0,72	1,048683	-0,6849	0,493404	0,80033
RP11-75I2.3	0,21	-2,53	3,695486	-0,6848	0,493471	NA
PKM	2525,71	0,11	0,15467	0,684778	0,493484	0,8003895
CTD-3065B20.1	0,67	-1,58	2,303032	-0,68458	0,493608	NA
RP11-140H17.2	0,94	2,55	3,719918	0,684552	0,493626	NA
RP11-278C7.1	2,84	1,23	1,799748	0,684344	0,493758	NA
DGKA	285,31	-0,24	0,348725	-0,68425	0,49382	0,8008647
MIR3198-1	1,65	0,78	1,133351	0,683947	0,494009	NA
AC010524.4	1,41	-1,30	1,906596	-0,68393	0,49402	NA
AP000692.9	37,06	-0,53	0,778357	-0,68383	0,494083	0,8010174
PPP2R3C	587,72	-0,22	0,318471	-0,68383	0,494084	0,8010174
RAC2	1933,89	0,22	0,328101	0,683793	0,494106	0,8010174
RP11-264B14.2	9,97	-0,36	0,524188	-0,68374	0,494139	0,8010174
TTPA	7,66	-0,89	1,304645	-0,68371	0,494157	0,8010174
RP11-365P13.4	82,90	0,49	0,71287	0,683661	0,494189	0,8010174
RP11-758M4.4	9,93	0,50	0,732567	0,683619	0,494215	0,8010174
LL22NC03-27C5.1	2,08	0,82	1,193026	0,683463	0,494314	NA
SLC9A1	67,92	0,77	1,125093	0,683274	0,494434	0,8013015
RP11-98J23.1	17,26	0,76	1,110311	0,683186	0,494489	0,8013218
ZNF233	27,28	-0,70	1,020008	-0,68307	0,494563	0,801372
GABRR2	0,85	2,55	3,733279	0,683021	0,494593	NA
RP11-386M24.4	0,73	2,19	3,203454	0,682772	0,494751	NA
PRRG2	6,55	1,44	2,115939	0,682707	0,494792	0,8015265
RP11-293K19.1	1,43	2,55	3,728472	0,682703	0,494795	NA
CTD-2270L9.2	10,71	0,57	0,828691	0,682628	0,494842	0,8015265

CTB-3601.4	0,53	-0,95	1,392689	-0,68256	0,494884	NA
CALCRL	107,83	0,43	0,635566	0,68241	0,49498	0,8015265
WASF1	0,93	1,71	2,500135	0,682369	0,495006	NA
RP11-156K13.3	3,18	1,96	2,867642	0,682308	0,495044	NA
DNMT1	602,34	0,23	0,329928	0,682295	0,495053	0,8015265
CCDC86	69,50	0,87	1,27662	0,682282	0,495061	0,8015265
DNAJC2	446,43	0,33	0,487228	0,682242	0,495086	0,8015265
RP11-773D16.1	504,36	-0,35	0,509481	-0,68221	0,495107	0,8015265
TRAF3	228,08	-0,60	0,879733	-0,6822	0,49511	0,8015265
MIR933	1,19	-2,17	3,181367	-0,68213	0,495155	NA
FER1L4	16,13	-0,40	0,587346	-0,68212	0,495166	0,8015265
KRT10	120,04	0,29	0,423629	0,682082	0,495187	0,8015265
BRD2	1021,89	-0,20	0,29806	-0,68207	0,495192	0,8015265
MLH3	164,09	-0,66	0,973127	-0,68203	0,495219	0,8015265
RASSF1	1070,61	0,23	0,33373	0,682032	0,495219	0,8015265
RP11-131K5.2	69,78	0,43	0,62532	0,6819	0,495302	0,8015913
MIR27A	2,14	-1,35	1,978547	-0,6819	0,495304	NA
HIST1H4D	0,93	2,53	3,707633	0,681725	0,495413	NA
C3orf27	3,08	0,98	1,438338	0,681651	0,495459	NA
ZXDC	276,93	-0,51	0,742586	-0,68153	0,495535	0,8017641
RP11-514O12.4	6,23	-1,25	1,837342	-0,68153	0,495536	0,8017641
RP11-69L16.4	0,98	1,95	2,862417	0,681514	0,495546	NA
CTSS	8482,46	-0,16	0,233861	-0,68149	0,495559	0,8017641
BIVM	64,93	-0,69	1,014138	-0,68146	0,495581	0,8017641
KIAA0753	78,85	0,66	0,966327	0,681321	0,495668	0,8018351
RN7SL426P	1,53	1,33	1,953649	0,68123	0,495726	NA
RP11-676J15.1	0,97	1,96	2,871973	0,681219	0,495733	NA
AC013399.3	1,44	-1,29	1,899527	-0,68116	0,495772	NA
TMSB15B	19,67	0,85	1,248896	0,680967	0,495892	0,8020989
MCEE	57,76	-0,57	0,834768	-0,68093	0,495917	0,8020989
CLPS	0,93	2,54	3,732374	0,680879	0,495948	NA
CCDC60	1,28	0,91	1,337268	0,680859	0,495961	NA
ZNF354C	19,94	1,16	1,708639	0,680815	0,495989	0,8021442
RP11-49K24.8	2,20	-1,98	2,904962	-0,68075	0,496029	NA
ABCC2	10,51	1,07	1,56889	0,680629	0,496106	0,8022648
CMTM5	0,77	-2,50	3,670054	-0,68044	0,496224	NA
RP11-211N11.5	0,94	2,54	3,732338	0,680427	0,496234	NA
RP11-883A18.3	21,26	-0,55	0,803787	-0,68042	0,496239	0,8023022
ZNF141	100,86	0,49	0,717006	0,680385	0,496261	0,8023022
ERCC6L	11,37	0,92	1,358648	0,680348	0,496284	0,8023022
RP11-661A12.4	0,91	2,51	3,68776	0,680314	0,496306	NA
RP11-295K2.3	0,93	2,54	3,732371	0,68023	0,496359	NA
APOH	0,62	1,90	2,787288	0,680224	0,496363	NA
CTD-3088G3.8	24,48	0,49	0,721037	0,680216	0,496368	0,8023022
NOS1AP	0,66	-1,72	2,524089	-0,68021	0,496372	NA
SNHG16	533,10	-0,35	0,517971	-0,6802	0,496375	0,8023022
NEK2	6,90	-0,45	0,66398	-0,68018	0,496388	0,8023022
AP001172.2	0,56	1,83	2,696377	0,679987	0,496513	NA
VN1R2	2,41	-0,80	1,173439	-0,67998	0,496516	NA
MKNK2	735,02	-0,28	0,415198	-0,67991	0,49656	0,8024372

SIGLEC15	13,61	0,50	0,739394	0,67989	0,496574	0,8024372
RP11-214C8.2	31,39	-0,35	0,512866	-0,67984	0,496609	0,8024372
PIGX	128,02	0,56	0,817559	0,679779	0,496644	0,8024372
RP11-20I23.5	30,78	-0,69	1,009863	-0,6797	0,496696	0,8024513
RP11-561I11.3	0,54	1,59	2,343099	0,679672	0,496712	NA
RP11-650L12.1	0,51	-1,52	2,243412	-0,67963	0,496742	NA
RP11-77P19.1	1,93	2,36	3,471414	0,679581	0,49677	NA
RP5-1092A3.4	42,38	0,48	0,700152	0,679553	0,496787	0,8025291
ZSWIM4	53,27	-0,65	0,953568	-0,67932	0,496933	0,8026949
RP11-460E7.8	1,60	-1,72	2,537799	-0,67932	0,496933	NA
SCFD2	226,45	0,63	0,925787	0,679057	0,497102	0,802741
RANBP1	542,27	0,29	0,420113	0,679038	0,497114	0,802741
NOTCH2NL	1558,86	-0,26	0,387296	-0,67894	0,497179	0,802741
RGL1	274,89	0,62	0,919675	0,678924	0,497186	0,802741
SUN2	335,45	0,39	0,577633	0,678852	0,497232	0,802741
RP11-254A24.2	7,82	-1,16	1,702742	-0,67885	0,497235	0,802741
LRRC75B	33,64	-1,51	2,229506	-0,6788	0,497264	0,802741
AC009965.2	2,92	-0,96	1,41608	-0,67876	0,497288	NA
RP1-45I4.2	1,19	2,26	3,324872	0,678696	0,497331	NA
PIGQ	131,49	0,57	0,833487	0,678664	0,497351	0,8028064
AC079325.6	204,16	0,66	0,971828	0,678601	0,49739	0,8028064
RPL7P47	1,03	0,80	1,173317	0,678516	0,497445	NA
AC012456.3	0,40	-1,69	2,485228	-0,67845	0,497484	NA
RP11-114M11.2	2,15	-1,34	1,967981	-0,67842	0,497504	NA
AC004158.2	63,61	0,53	0,774057	0,678379	0,497531	0,8029065
RBMS3	30,04	0,68	1,006485	0,678367	0,497539	0,8029065
RP11-553A21.3	5,75	-0,68	0,996255	-0,67829	0,497589	0,8029175
RNA5SP479	0,93	2,53	3,732412	0,678229	0,497627	NA
RP11-347C12.12	0,44	-1,96	2,89373	-0,67806	0,497735	NA
PIWIL1	1,01	-1,16	1,705725	-0,67805	0,497741	NA
RP5-994D16.12	24,41	-0,95	1,401906	-0,67799	0,497779	0,8031541
LRRC9	0,96	2,50	3,688174	0,677978	0,497786	NA
C17orf53	0,77	-1,81	2,662726	-0,67798	0,497787	NA
HCCS	301,76	-0,50	0,743933	-0,67787	0,497852	0,8032033
RP11-714M23.2	1,94	1,01	1,494834	0,677718	0,497951	NA
PYGO2	105,45	0,61	0,907351	0,677682	0,497973	0,8032598
RP11-678G15.1	56,91	0,70	1,027346	0,677682	0,497974	0,8032598
ADAMTS19	0,59	-2,49	3,667645	-0,67767	0,497982	NA
RP11-277P12.9	0,81	-1,32	1,940851	-0,67765	0,497995	NA
ELP6	171,97	0,48	0,704512	0,677518	0,498078	0,8033067
ACACA	139,25	-0,51	0,753093	-0,6775	0,498089	0,8033067
TSKS	1,05	2,24	3,313532	0,677472	0,498107	NA
RP11-242F24.2	6,08	0,53	0,780144	0,677321	0,498202	0,8033925
SALL4	28,87	0,69	1,022268	0,67728	0,498229	0,8033925
RN7SL797P	2,77	-0,91	1,351722	-0,6768	0,498531	NA
AF064858.10	0,93	2,53	3,73246	0,676514	0,498714	NA
PTPRM	35,54	0,51	0,760615	0,676466	0,498745	0,8041549
CTD-2555A7.2	1,98	1,57	2,314521	0,676362	0,498811	NA
LDHAL6A	18,08	-0,63	0,926494	-0,67619	0,498923	0,804357
RP5-1042K10.10	24,67	-0,72	1,057911	-0,67604	0,499015	0,804357

RSRC1	385,25	-0,35	0,523662	-0,67597	0,499058	0,804357
RP11-133M8.3	0,87	1,73	2,565396	0,675948	0,499073	NA
AC137934.1	35,47	0,66	0,97211	0,675939	0,499079	0,804357
XXbac-BPG170G13.33	29,88	0,65	0,962135	0,675865	0,499126	0,804357
RP11-329B9.1	7,98	-0,59	0,880167	-0,67586	0,499129	0,804357
BX255923.3	2,49	1,45	2,14427	0,675714	0,499223	NA
CYP24A1	0,22	-2,25	3,324976	-0,67556	0,499319	NA
bP-21264C1.2	28,46	-0,65	0,967451	-0,67543	0,499401	0,8047256
AKAP7	36,08	0,53	0,791081	0,675168	0,499569	0,8047727
C8orf44	44,81	0,66	0,973663	0,675147	0,499583	0,8047727
TCTEX1D2	25,56	0,68	1,00994	0,675059	0,499638	0,8047727
RP11-8003.1	0,94	-1,83	2,713903	-0,67504	0,499653	NA
N4BP2	412,62	0,32	0,476536	0,675034	0,499654	0,8047727
FAM90A1	3,28	-1,13	1,678899	-0,6749	0,499739	NA
SCARNA22	11,29	-0,44	0,649187	-0,67489	0,499745	0,8047727
MCAM	34,40	-0,52	0,77363	-0,67484	0,499777	0,8047727
EXOSC2	190,41	0,40	0,585796	0,674779	0,499816	0,8047727
CMC2	485,25	0,34	0,502744	0,67469	0,499873	0,8047727
RP11-848P1.2	30,53	-0,50	0,740195	-0,67467	0,499883	0,8047727
SOHLH2	12,69	-1,29	1,90947	-0,67463	0,49991	0,8047727
ACAA1	1465,00	0,21	0,304737	0,674534	0,499972	0,8047727
AGBL5	50,25	-0,83	1,228268	-0,67452	0,499979	0,8047727
MIR193BHG	52,29	-0,35	0,520443	-0,6745	0,499993	0,8047727
RP11-93121.3	0,64	-1,78	2,643961	-0,67448	0,500006	NA
FGD5P1	1,99	-0,74	1,091307	-0,67445	0,500024	NA
UXS1	130,44	-0,55	0,820645	-0,67419	0,50019	0,8048417
DENND5B	102,23	0,63	0,930499	0,674177	0,500199	0,8048417
SFTA2	0,32	-2,48	3,683322	-0,67404	0,500289	NA
FUT7	6,52	-1,76	2,613818	-0,67403	0,500294	0,8048417
TANC2	68,47	-0,54	0,795585	-0,674	0,500312	0,8048417
AP000640.2	32,09	-0,52	0,76423	-0,674	0,500314	0,8048417
ZNF749	40,39	-0,92	1,372453	-0,67396	0,500337	0,8048417
FBL	494,24	-0,25	0,375588	-0,67396	0,500339	0,8048417
RP11-111J6.2	0,99	1,96	2,915756	0,673913	0,500367	NA
RP11-390F4.10	0,92	2,51	3,73255	0,67376	0,500464	NA
AC018804.6	1,17	2,23	3,303355	0,673727	0,500485	NA
SLC45A3	0,25	-1,90	2,814509	-0,67368	0,500517	NA
RP11-1280N14.4	1,42	2,51	3,728542	0,673623	0,500551	NA
RP11-203F10.6	1,30	-0,63	0,937121	-0,67356	0,500592	NA
STK3	277,71	-0,41	0,609337	-0,67342	0,500677	0,8051559
FAM196A	5,56	1,41	2,088652	0,673389	0,5007	0,8051559
MBP	1109,10	0,22	0,333161	0,673384	0,500703	0,8051559
LDAH	131,42	-0,73	1,084338	-0,67335	0,500724	0,8051559
WWTR1	17,83	-0,66	0,974528	-0,67331	0,50075	0,8051559
MIR4256	1,40	2,51	3,728582	0,673104	0,500881	NA
RP11-33B1.1	123,66	-0,53	0,786357	-0,67294	0,500984	0,8054121
FGFRL1	10,61	-0,71	1,057216	-0,67292	0,500996	0,8054121
FGF11	11,30	0,64	0,95148	0,672579	0,501215	0,8055418
NUDT9	171,52	-0,40	0,595324	-0,67241	0,50132	0,8055418
RPS2P45	10,35	-0,56	0,828422	-0,67237	0,501347	0,8055418

NUDCD1	120,72	0,59	0,87637	0,672296	0,501395	0,8055418
RAB2B	155,29	0,53	0,792499	0,672287	0,501401	0,8055418
RP3-467K16.2	1,28	0,69	1,024055	0,67225	0,501425	NA
DLAT	148,20	-0,56	0,839293	-0,67222	0,501443	0,8055418
RP11-63A11.2	4,66	0,97	1,447107	0,672197	0,501458	0,8055418
RP11-378A12.1	8,34	-1,06	1,576148	-0,67216	0,501481	0,8055418
SDC4	34,20	0,80	1,183971	0,672153	0,501486	0,8055418
RP11-299H21.1	5,92	-1,32	1,966437	-0,67211	0,501515	0,8055418
MRPS18B	490,93	0,36	0,541052	0,672048	0,501553	0,8055418
C2orf80	2,77	-0,75	1,110371	-0,67198	0,501596	NA
MRFAP1L1	376,88	-0,44	0,658591	-0,67196	0,50161	0,8055634
RP11-769O8.3	6,47	0,53	0,7951	0,671879	0,501661	0,8055751
TLR6	432,27	0,54	0,811357	0,671713	0,501766	0,8056251
LRRC2	30,72	-0,46	0,681648	-0,67169	0,501778	0,8056251
MAB21L2	2,25	1,48	2,205358	0,671624	0,501823	NA
RIBC2	3,10	1,33	1,98409	0,671452	0,501932	NA
PDHX	134,17	-0,52	0,777676	-0,67143	0,501948	0,8058285
TREM1	593,65	-0,29	0,424844	-0,67135	0,501996	0,8058352
SF3B5	1278,52	-0,19	0,280674	-0,67124	0,502066	0,805878
RP11-386D6.2	0,27	-2,27	3,379771	-0,67112	0,502142	NA
PAICS	259,14	0,51	0,763485	0,671059	0,502183	0,8059372
CEP170P1	8,94	-0,83	1,238816	-0,67105	0,502189	0,8059372
CLEC2B	718,45	0,20	0,292325	0,670955	0,502249	0,8059412
SLC4A4	35,18	-2,25	3,346977	-0,67091	0,502278	0,8059412
RP11-1029F8.1	0,91	2,50	3,732635	0,670774	0,502365	NA
RP11-503N18.5	17,57	0,60	0,892217	0,670563	0,502499	0,8060296
C1orf131	122,84	0,39	0,578295	0,670552	0,502506	0,8060296
TMEM263	65,75	-0,68	1,013167	-0,67051	0,502536	0,8060296
RP11-525K18.2	0,91	2,50	3,732691	0,670492	0,502544	NA
ACO73218.2	4,38	-0,86	1,275801	-0,67046	0,502565	0,8060296
RP11-5407.2	5,30	0,64	0,960962	0,670388	0,502611	0,8060296
RP11-830F9.5	0,94	-2,03	3,032922	-0,67038	0,502613	NA
SNORD94	1,13	2,19	3,271808	0,670369	0,502623	NA
CFAP20	242,14	-0,66	0,978567	-0,67033	0,502645	0,8060296
FZD4	19,03	-0,51	0,754606	-0,67022	0,50272	0,8060296
PCNX1	572,68	0,29	0,436273	0,670166	0,502752	0,8060296
CCNYL2	18,77	-0,88	1,310413	-0,67016	0,502754	0,8060296
RP11-248E9.6	0,61	-2,00	2,988253	-0,67015	0,502764	NA
BTN3A2	469,65	-0,42	0,62353	-0,67014	0,502767	0,8060296
RP11-356J5.12	47,13	-0,53	0,795166	-0,67003	0,50284	0,806078
RN7SKP80	0,90	2,49	3,712253	0,669849	0,502954	NA
RP11-632K21.6	0,20	-2,48	3,697308	-0,66984	0,50296	NA
SPRN	7,53	-1,65	2,466778	-0,66983	0,502968	0,8061632
MEGF6	1,55	1,70	2,541246	0,669827	0,502968	NA
FUT11	138,88	-0,46	0,691976	-0,66973	0,503028	0,8061632
SHMT2	423,31	0,31	0,462923	0,669699	0,50305	0,8061632
ATP1A4	11,95	0,49	0,727638	0,669672	0,503067	0,8061632
RNU6-805P	4,14	-2,42	3,618651	-0,66946	0,503205	0,8063148
FCGR1C	3,57	-1,20	1,796463	-0,66938	0,50325	NA
RP11-575L16.1	0,95	1,94	2,898921	0,669383	0,503251	NA

FAM174B	45,28	-0,62	0,931665	-0,66928	0,503318	0,8064266
RP11-501J20.2	22,40	1,27	1,895892	0,669106	0,503428	0,8064764
RP11-417O11.5	0,51	0,94	1,409158	0,669052	0,503462	NA
RP11-568A7.4	22,61	0,80	1,200823	0,66905	0,503463	0,8064764
CTD-3162L10.1	12,55	-1,28	1,908272	-0,66892	0,503544	0,8064764
SEZ6L	330,92	-0,61	0,91527	-0,6689	0,503562	0,8064764
AGPS	371,47	-0,37	0,554239	-0,66889	0,503566	0,8064764
RPL10P14	0,58	1,85	2,76874	0,668801	0,503623	NA
CHRN2	0,55	-2,45	3,668132	-0,6684	0,503876	NA
CES1P1	1,71	0,85	1,271413	0,668349	0,503911	NA
RP3-486I3.4	6,73	0,47	0,702688	0,668323	0,503928	0,8069868
CTC-342M10.2	14,65	1,29	1,931841	0,668191	0,504011	0,8070439
FAM230B	5,07	-1,69	2,528671	-0,66807	0,504087	0,8070439
FKBP8	60,25	-0,38	0,573976	-0,66803	0,504111	0,8070439
TMEM164	421,01	-0,35	0,523307	-0,668	0,504137	0,8070439
VILL	62,21	0,87	1,306784	0,667695	0,504328	0,8072672
KIAA1143	292,61	0,37	0,554802	0,667588	0,504397	0,8072672
RAB4B	604,43	0,28	0,424532	0,667573	0,504406	0,8072672
C15orf54	0,95	1,90	2,849822	0,667483	0,504463	NA
RPS10	3966,59	-0,16	0,246184	-0,66731	0,504573	0,8073994
RP11-219A15.5	4,82	0,66	0,987287	0,667209	0,504639	0,8073994
SRSF11	2495,12	0,19	0,291361	0,667189	0,504652	0,8073994
CCDC94	219,80	-0,50	0,751398	-0,66717	0,504663	0,8073994
OVOS	7,93	-0,76	1,134229	-0,66697	0,504793	0,8074773
SLX1A-SULT1A3	125,37	0,34	0,50412	0,666921	0,504823	0,8074773
RP11-709A23.2	1,02	-1,82	2,735928	-0,66691	0,504831	NA
SLC37A2	126,76	-0,60	0,896602	-0,66689	0,504845	0,8074773
PCDHA5	4,62	-0,69	1,034	-0,66682	0,504885	0,8074773
RP11-102C24.1	0,90	2,49	3,732771	0,666802	0,504898	NA
ZMYM5	303,39	0,56	0,840272	0,666742	0,504937	0,8074911
RP11-203B7.2	1,37	2,49	3,728704	0,666704	0,504961	NA
DHRS7	721,39	0,33	0,497196	0,66659	0,505034	0,8075767
RNU6-341P	0,90	2,49	3,732782	0,666585	0,505037	NA
RP11-145D11.2	0,98	1,95	2,929741	0,6665	0,505092	NA
C16orf87	182,21	-0,44	0,664493	-0,66637	0,505177	0,8077363
AC007787.2	0,92	2,49	3,732792	0,666296	0,505222	NA
RP11-566H8.3	1,38	2,48	3,72874	0,666201	0,505283	NA
RP11-341D18.3	10,81	0,89	1,332046	0,666166	0,505305	0,8078259
MAB21L3	11,75	0,56	0,841966	0,666059	0,505374	0,8078259
CITED4	11,01	0,89	1,330144	0,66594	0,505449	0,8078259
AC010240.1	11,69	-1,14	1,713792	-0,66594	0,505451	0,8078259
RNASEH2B	846,96	0,22	0,335382	0,665896	0,505477	0,8078259
CRX	14,74	0,45	0,669866	0,665871	0,505494	0,8078259
UGT8	4,65	-1,01	1,523188	-0,66579	0,505543	0,8078355
KCNE5	2,80	1,53	2,291322	0,665726	0,505586	NA
DTX1	0,44	-2,45	3,683905	-0,66563	0,505646	NA
GLMP	199,58	-0,51	0,765204	-0,66561	0,505659	0,8078852
AP2A1	243,80	0,37	0,561126	0,665609	0,505661	0,8078852
RP11-10L7.1	0,95	1,93	2,899373	0,665522	0,505717	NA
PATE2	6,14	0,76	1,144897	0,665244	0,505894	0,8081079

IER5	1019,87	0,23	0,350814	0,665221	0,505909	0,8081079
SS18L1	145,53	0,50	0,750213	0,665158	0,50595	0,8081079
INPP5K	479,36	-0,34	0,506358	-0,66512	0,505974	0,8081079
RP11-129B22.1	1,01	-0,91	1,368127	-0,66507	0,506005	NA
PDXDC2P	81,22	-0,46	0,689099	-0,66489	0,506121	0,8082725
LYRM1	110,35	-0,51	0,7733	-0,66479	0,506184	0,8083035
RP11-517H2.7	0,64	1,32	1,981105	0,664762	0,506203	NA
COL23A1	0,23	-1,85	2,788786	-0,66459	0,506312	NA
RP11-637N19.1	13,42	-0,63	0,946897	-0,66447	0,506389	0,8085622
RP11-305K5.1	1,57	1,52	2,289994	0,664412	0,506427	NA
GTF2IRD2P	11,67	1,30	1,952582	0,664366	0,506456	0,8085998
PHLPP2	132,07	0,39	0,590385	0,664059	0,506652	0,8088441
ADIRF	0,90	2,48	3,732823	0,664	0,50669	NA
RP11-735G4.1	1,36	1,25	1,875439	0,663999	0,506691	NA
CYP2F1	1,33	1,09	1,644318	0,66394	0,506728	NA
RP11-171I2.2	0,95	1,93	2,900594	0,663812	0,50681	NA
RP11-514P8.2	0,88	2,46	3,70515	0,663785	0,506828	NA
TMEM9	241,53	0,63	0,94795	0,663749	0,506851	0,8090388
ISY1	580,41	0,36	0,535984	0,663609	0,506941	0,8090388
ANTXR2	860,01	-0,31	0,470928	-0,66359	0,506954	0,8090388
HSPA8	5594,24	0,21	0,311195	0,663511	0,507003	0,8090388
RN7SL70P	8,94	0,78	1,17332	0,663421	0,507061	0,8090388
ALDH4A1	61,04	-0,91	1,368776	-0,66341	0,507068	0,8090388
CUL5	760,94	0,33	0,499506	0,663363	0,507098	0,8090388
CREBL2	332,15	0,41	0,624354	0,663318	0,507127	0,8090388
ATG2A	219,87	-0,43	0,646516	-0,66326	0,507166	0,8090388
UGT2B7	0,69	-1,09	1,650348	-0,66315	0,507234	NA
RP11-749I16.3	5,96	0,63	0,953001	0,663038	0,507306	0,8091753
RP11-91H12.3	0,90	2,47	3,732718	0,662924	0,507379	NA
HSH2D	441,47	-0,34	0,51366	-0,66281	0,507454	0,8091753
IRX2	0,20	-2,45	3,6981	-0,66279	0,507465	NA
CCDC77	59,79	-0,36	0,539046	-0,66276	0,507484	0,8091753
RP11-151A6.4	1,69	1,64	2,474966	0,662741	0,507496	NA
RPGRIP1L	39,42	-0,56	0,842999	-0,66267	0,507545	0,8091753
ZDHHC2	243,38	0,33	0,504276	0,662651	0,507554	0,8091753
RP11-325N19.3	14,12	-0,64	0,969694	-0,66262	0,507572	0,8091753
EVI2A	1261,38	-0,28	0,424889	-0,66261	0,507582	0,8091753
APBA3	137,78	-0,65	0,984786	-0,66258	0,507599	0,8091753
ANKRD49	46,05	0,34	0,520408	0,662367	0,507736	0,8092546
RN7SL544P	1,40	0,99	1,494243	0,66224	0,507817	NA
RN7SL763P	1,40	0,99	1,494243	0,66224	0,507817	NA
ABHD13	360,51	0,52	0,786156	0,662239	0,507818	0,8092546
RP11-468E2.2	2,13	1,98	2,995744	0,662188	0,507851	NA
RP4-604G5.1	0,90	2,47	3,7329	0,662119	0,507895	NA
LIX1L	252,54	-0,36	0,548828	-0,66201	0,507964	0,8092546
SLC12A9	325,85	-0,39	0,593121	-0,66193	0,508013	0,8092546
MTX2	159,39	-0,66	0,999721	-0,66193	0,508018	0,8092546
RP11-276H1.1	3,36	-1,63	2,468333	-0,66192	0,508021	NA
OTUD6B	159,74	0,56	0,849484	0,661851	0,508067	0,8092546
TRMT11	116,24	-0,67	1,019026	-0,66181	0,508091	0,8092546

WDR11	550,12	-0,37	0,559278	-0,66174	0,508139	0,8092546
GYPB	7,58	1,45	2,19477	0,661653	0,508194	0,8092546
EIF4E	764,93	0,25	0,380855	0,661642	0,508201	0,8092546
RP11-2E17.2	6,56	0,52	0,780305	0,661595	0,508231	0,8092546
FBN1	6,15	0,91	1,375727	0,661589	0,508234	0,8092546
PPAN	22,89	-0,69	1,044612	-0,66158	0,50824	0,8092546
EIF2B4	501,55	-0,37	0,555795	-0,66155	0,508258	0,8092546
RP11-477L16.2	0,90	2,47	3,732919	0,661469	0,508312	NA
NAAA	771,42	0,26	0,387453	0,661426	0,508339	0,8093078
USP50	1,13	2,22	3,351738	0,661409	0,50835	NA
FH	452,83	0,48	0,73116	0,661307	0,508416	0,8093078
RAB33B	83,31	-0,58	0,875845	-0,66126	0,508445	0,8093078
RP1-125I3.2	20,58	-1,01	1,532245	-0,66116	0,508508	0,8093078
CTD-2192J16.17	17,54	-0,85	1,28642	-0,66116	0,508509	0,8093078
GATM-AS1	9,17	0,57	0,867216	0,661062	0,508572	0,8093395
GOLPH3	510,59	-0,36	0,545954	-0,66084	0,508717	0,8095
KLC2	19,48	-1,10	1,662756	-0,66042	0,508984	0,8097353
CNIH1	705,57	-0,39	0,595003	-0,66036	0,509025	0,8097353
RP11-320N21.1	4,70	-2,39	3,617013	-0,66034	0,509037	0,8097353
AC017035.2	6,46	1,05	1,586211	0,660335	0,509039	0,8097353
DYNC1H1	2061,59	-0,20	0,298184	-0,66025	0,509096	0,8097573
RCC1	22,96	-0,86	1,306277	-0,66013	0,509173	0,8098102
RP11-515B12.1	1,06	1,44	2,183067	0,660053	0,50922	NA
CTA-481E9.3	0,84	1,68	2,550793	0,660008	0,509249	NA
ALKBH2	58,26	-0,66	1,005879	-0,65992	0,509308	0,8098935
ZNF157	4,80	-0,64	0,962606	-0,65991	0,509312	0,8098935
RNF25	67,78	-1,04	1,571621	-0,65953	0,509558	0,8101868
ARNTL	245,36	-0,35	0,533981	-0,65949	0,509584	0,8101868
CTD-3020H12.4	1,75	0,74	1,128092	0,65948	0,509588	NA
INSL3	10,38	-1,27	1,927712	-0,65942	0,509627	0,8101868
AC135966.1	0,66	2,05	3,105708	0,659318	0,509691	NA
AC025335.1	17,70	-0,60	0,917594	-0,65919	0,509772	0,8103479
SULT6B1	1,66	2,46	3,728232	0,659186	0,509776	NA
AC104695.3	3,72	0,76	1,149984	0,659108	0,509827	NA
RP11-349N19.2	0,78	0,99	1,507628	0,659077	0,509847	NA
NEURL1B	0,61	2,09	3,164333	0,65907	0,509851	NA
CAB39L	31,71	1,11	1,683483	0,658984	0,509906	0,8104809
SYTL4	20,24	-0,51	0,771993	-0,65893	0,509943	0,8104809
AL133243.3	0,87	2,45	3,713658	0,658653	0,510118	NA
ZNF337	103,60	0,97	1,469742	0,658614	0,510143	0,8107303
RP11-31K23.2	0,55	-1,07	1,622772	-0,65849	0,510222	NA
RN7SL300P	1,82	-1,13	1,709727	-0,65833	0,510329	NA
APOL1	81,34	-0,57	0,864264	-0,65823	0,510389	0,8109933
ESD	1024,29	0,29	0,439053	0,658206	0,510406	0,8109933
CTD-2568A17.8	1,11	2,17	3,300041	0,658176	0,510425	NA
MORF4L1	1669,49	0,14	0,213332	0,658153	0,51044	0,8109933
S100A5	1,20	2,16	3,289337	0,658089	0,510481	NA
MIR744	3,39	2,27	3,455993	0,657844	0,510638	NA
RP4-669K10.3	0,55	-2,27	3,451452	-0,65771	0,510727	NA
TRAPPC12	346,02	-0,27	0,41082	-0,65769	0,510734	0,8113046

RIPPLY3	7,45	-0,50	0,765056	-0,65767	0,510751	0,8113046
TMEM123	2356,51	0,25	0,375803	0,657645	0,510767	0,8113046
RP11-66B24.4	3,75	0,91	1,38981	0,657613	0,510787	NA
RP11-265P11.2	2,30	-2,17	3,306112	-0,65737	0,510943	NA
PREX1	1255,61	0,22	0,334871	0,657285	0,510998	0,8113725
PCNX3	223,45	0,52	0,788978	0,657283	0,510999	0,8113725
RP11-817O13.8	1,03	1,38	2,09453	0,657277	0,511003	NA
ZNF66	24,93	-0,43	0,65442	-0,65726	0,511016	0,8113725
LSM8	474,51	0,22	0,341137	0,657195	0,511056	0,8113725
AC073343.13	14,19	0,69	1,054097	0,657174	0,511069	0,8113725
PIF1	11,11	0,71	1,082753	0,657141	0,51109	0,8113725
POU5F1P5	0,19	-2,43	3,699859	-0,65707	0,511135	NA
FGFR1	14,08	-0,63	0,954784	-0,65705	0,511152	0,8113725
HOXB-AS1	10,29	0,94	1,430069	0,657035	0,511158	0,8113725
RP11-456N14.2	0,96	-1,82	2,768988	-0,65699	0,51119	NA
MAPK12	5,25	-0,62	0,937471	-0,65692	0,511234	0,8114188
LGALS8	979,90	-0,29	0,436786	-0,65683	0,511291	0,8114188
GDE1	361,99	-0,40	0,601737	-0,65679	0,511318	0,8114188
CTD-2034I4.2	0,66	2,06	3,129367	0,656705	0,51137	NA
CTD-2054N24.2	6,96	-0,57	0,871878	-0,65669	0,511379	0,8114456
CTD-2331H12.7	1,23	-1,64	2,490463	-0,65657	0,511459	NA
RP11-178C3.3	0,61	-2,30	3,498028	-0,65653	0,511484	NA
QRICH2	0,29	-2,20	3,347061	-0,65646	0,511528	NA
RP11-586K2.1	2,62	-0,58	0,882335	-0,65615	0,51173	NA
ARID3B	145,21	-0,50	0,763924	-0,65613	0,511741	0,8118731
PCGF2	0,23	-2,42	3,689997	-0,65613	0,511743	NA
RP11-179G8.2	2,92	-0,98	1,493874	-0,65611	0,51175	NA
RP11-230F18.5	4,01	-0,63	0,959519	-0,65609	0,511769	0,8118731
KRT73	0,90	2,45	3,733364	0,656037	0,5118	NA
RP11-379K17.9	0,27	-2,42	3,694418	-0,65603	0,511805	NA
RP11-17P16.1	12,00	0,43	0,65678	0,655947	0,511858	0,8118731
RP11-546J1.1	13,12	0,96	1,459544	0,655946	0,511859	0,8118731
TMEM65	229,99	0,31	0,470992	0,655935	0,511866	0,8118731
REXO2	101,76	0,45	0,684935	0,655792	0,511958	0,8118932
GSAP	690,21	0,35	0,539224	0,655779	0,511966	0,8118932
WNK3	2,62	-0,66	1,013677	-0,65574	0,51199	NA
RP11-169L17.3	20,77	0,53	0,813582	0,65564	0,512056	0,8119664
RN7SL96P	2,70	0,65	0,985651	0,655421	0,512197	NA
BTBD11	111,74	0,62	0,948849	0,655366	0,512232	0,8121743
PRR22	2,37	1,80	2,745877	0,655341	0,512249	NA
RP11-334C17.5	114,66	-0,55	0,842504	-0,6553	0,512274	0,8121743
CDK8	125,62	-0,70	1,067609	-0,65522	0,512329	0,8121917
DDX1	441,76	-0,43	0,659564	-0,655	0,512465	0,8123374
WHAMM	264,36	0,40	0,609802	0,654883	0,512543	0,8123687
PRDM7	31,50	-0,61	0,927363	-0,65483	0,51258	0,8123687
ZNF563	30,60	0,67	1,021245	0,654761	0,512621	0,8123687
SCN5A	6,76	1,36	2,082854	0,654703	0,512659	0,8123687
RP11-435F17.1	0,79	0,96	1,473538	0,654642	0,512698	NA
PEX1	174,66	0,50	0,759893	0,654556	0,512753	0,812449
SCARNA12	0,69	-1,72	2,628744	-0,65449	0,512799	NA

RP11-428G5.5	0,19	-2,42	3,700203	-0,65443	0,512837	NA
UCHL1	0,60	-1,09	1,659244	-0,65437	0,512871	NA
PIK3AP1	947,47	0,29	0,438972	0,654323	0,512904	0,8125914
IGKV1-39	2,34	-1,41	2,154353	-0,65431	0,512911	NA
RP11-409K20.6	0,88	2,44	3,73307	0,654308	0,512913	NA
ST3GAL4-AS1	50,66	-0,52	0,79825	-0,65428	0,512931	0,8125914
ANKRD20A19P	27,61	-0,50	0,771156	-0,65421	0,512975	0,8125919
CHMP2A	1432,63	-0,18	0,279369	-0,65411	0,513039	0,8126242
RP11-600F24.2	0,82	-1,40	2,134846	-0,65403	0,513094	NA
AC087501.1	5,66	1,12	1,706663	0,653968	0,513133	0,812704
TCF24	0,89	1,24	1,89355	0,653902	0,513175	NA
RP11-717H13.1	6,53	0,64	0,979462	0,653729	0,513287	0,8128627
GDPD5	99,13	-0,60	0,916911	-0,65363	0,513353	0,8128627
RN7SL376P	3,90	0,55	0,842054	0,653609	0,513364	0,8128627
RP4-712E4.4	113,58	-0,41	0,622779	-0,65352	0,51342	0,8128827
RP11-23E10.3	3,95	-0,61	0,930735	-0,65344	0,513473	0,8128968
GPR1	5,85	-0,60	0,922644	-0,65329	0,513571	0,8129587
INTS4	226,81	-0,45	0,692178	-0,65323	0,513609	0,8129587
LRP8	113,81	0,51	0,776573	0,653176	0,513643	0,8129587
LRBA	363,46	0,41	0,626045	0,652987	0,513765	0,8129935
RP11-380M21.3	0,19	-2,42	3,699081	-0,65297	0,513778	NA
AC010091.1	0,20	-2,41	3,698068	-0,65296	0,51378	NA
RP11-1275H24.1	4,04	-0,45	0,692185	-0,65295	0,513786	0,8129935
PATE4	10,12	0,56	0,854451	0,652931	0,513801	0,8129935
DERL1	680,69	-0,45	0,692549	-0,65285	0,51385	0,8129935
ZNF71	45,08	-0,52	0,7931	-0,6528	0,513884	0,8129935
RP11-329J18.2	0,53	1,74	2,664502	0,652792	0,51389	NA
RP11-264L1.1	9,05	-0,67	1,027101	-0,65272	0,513939	0,8130125
CNTNAP3	14,72	-0,42	0,647121	-0,65256	0,514042	0,8130621
FAM207A	45,42	-0,61	0,928354	-0,65253	0,514061	0,8130621
LRRK2	808,92	-0,22	0,343271	-0,65246	0,514102	0,8130621
RP11-477B16.3	0,19	-2,41	3,700805	-0,65224	0,514248	NA
OR52J3	0,19	-2,41	3,700639	-0,65223	0,514252	NA
RP11-324L3.1	0,71	1,49	2,28957	0,652099	0,514338	NA
CTSW	185,43	-0,53	0,813344	-0,6521	0,51434	0,8133233
SPATA33	50,27	-0,55	0,836676	-0,65207	0,514354	0,8133233
ATP2C2	2,88	1,22	1,876768	0,652073	0,514354	NA
PHF11	489,22	-0,32	0,484041	-0,65197	0,514419	0,8133567
RP11-609L23.1	10,71	-0,95	1,462957	-0,65189	0,514469	0,8133666
ZNF572	0,86	2,43	3,733262	0,651825	0,514514	NA
RP1-224A6.3	3,46	1,82	2,788252	0,651704	0,514592	NA
LINC00340	31,74	-0,41	0,625754	-0,65164	0,514635	0,8134372
RP11-883G14.4	30,10	-0,72	1,097615	-0,65161	0,514652	0,8134372
MAPKAPK2	276,18	-0,31	0,469528	-0,65153	0,514707	0,8134372
GNGT2	108,92	-0,53	0,809938	-0,65152	0,514708	0,8134372
AGTPBP1	907,73	0,24	0,367235	0,651487	0,514732	0,8134372
NKAIN3	0,90	2,43	3,732581	0,651339	0,514828	NA
STAP1	81,23	-1,09	1,671961	-0,65133	0,514836	0,8135319
FAM210B	183,22	-0,58	0,889721	-0,65121	0,514908	0,8135429
PLAGL2	144,03	0,62	0,947749	0,651161	0,514943	0,8135429

AC007285.6	0,51	-2,24	3,433064	-0,65109	0,514986	NA
HJURP	7,44	0,80	1,224981	0,651051	0,515013	0,8135429
ZNF300	3,98	1,11	1,710384	0,651044	0,515018	0,8135429
RP11-1008C21.2	32,47	-0,72	1,103228	-0,65091	0,515105	0,8136111
MAOA	0,26	-2,19	3,364317	-0,65083	0,515155	NA
LINC00596	6,89	-0,87	1,332825	-0,65053	0,515351	0,8138593
USP25	528,00	0,32	0,499627	0,650477	0,515384	0,8138593
GPR107	401,70	-0,56	0,868208	-0,65021	0,515558	0,8138593
TADA2A	109,15	0,41	0,633693	0,650177	0,515578	0,8138593
NAA15	544,19	-0,35	0,544771	-0,65016	0,515586	0,8138593
ARRDC5	54,71	0,74	1,133063	0,650136	0,515604	0,8138593
RP11-691H4.4	27,78	-0,71	1,096156	-0,65012	0,515616	0,8138593
IGHV3OR16-15	0,87	2,40	3,697654	0,650087	0,515636	NA
KEAP1	127,51	-0,52	0,793143	-0,65004	0,515667	0,8138593
RP3-442L6.4	47,81	-0,44	0,671311	-0,65004	0,515669	0,8138593
RP11-64C12.2	0,86	2,43	3,733297	0,650027	0,515675	NA
VASN	9,48	0,94	1,45233	0,649989	0,515699	0,8138593
ZNF619	31,00	-0,61	0,936755	-0,64991	0,515752	0,813873
SLC6A12	14,40	0,78	1,199974	0,649768	0,515842	0,8138809
LSS	37,70	-0,60	0,924102	-0,64971	0,515877	0,8138809
ADGRF1	68,23	-0,38	0,580661	-0,64964	0,515928	0,8138809
COX5A	1509,76	0,17	0,257207	0,649422	0,516066	0,8138809
EIF2AK1	758,40	0,21	0,328662	0,649404	0,516077	0,8138809
RNY3P14	1,29	-0,71	1,088262	-0,64936	0,516104	NA
TRIM24	260,74	0,44	0,676304	0,649353	0,51611	0,8138809
LAMA2	6,42	-1,47	2,258596	-0,64929	0,516154	0,8138809
AC007308.7	1,78	-1,24	1,913149	-0,64928	0,516156	NA
ARID4B	1286,14	-0,24	0,371897	-0,64923	0,516191	0,8138809
C1orf141	6,78	0,91	1,397744	0,649108	0,516268	0,8138809
CAPN2	2773,35	-0,17	0,255954	-0,6491	0,516276	0,8138809
PSMD7	1318,62	-0,28	0,42483	-0,64909	0,516278	0,8138809
RP11-87H9.4	39,09	0,69	1,06536	0,649088	0,516282	0,8138809
TNFRSF6B	31,63	1,11	1,710028	0,648925	0,516387	0,8139038
HSPE1	382,36	-0,16	0,250825	-0,6489	0,516404	0,8139038
TNFSF14	75,01	-0,84	1,294757	-0,64886	0,516428	0,8139038
KB-1047C11.2	0,66	1,45	2,231294	0,648763	0,516492	NA
SNX20	912,70	0,31	0,474739	0,6487	0,516532	0,8139999
GLOD4	355,66	0,38	0,593316	0,648258	0,516818	0,8143812
ZBTB14	138,05	0,60	0,931705	0,647841	0,517088	0,8147376
C17orf107	60,02	0,69	1,058926	0,647596	0,517246	0,8149182
SNORA22	0,86	2,42	3,733389	0,647588	0,517252	NA
RP11-720L2.4	1,77	-1,13	1,737495	-0,64753	0,51729	NA
TMEM110-MUSTN1	56,28	-0,84	1,298086	-0,6475	0,51731	0,8149489
FAM111A	973,35	-0,30	0,464822	-0,64738	0,517387	0,8150013
CDCA5	0,57	-1,43	2,206907	-0,64731	0,517431	NA
USP48	698,50	0,33	0,504682	0,647293	0,517442	0,81502
AC017116.8	35,40	0,48	0,735332	0,647224	0,517487	0,8150211
RP4-612B18.1	1,10	-0,69	1,060432	-0,647	0,517634	NA
EFR3B	20,97	-0,45	0,688784	-0,64689	0,517701	0,815165
RP11-90L9.4	9,44	-0,59	0,916768	-0,64685	0,51773	0,815165

GTPBP10	213,64	-0,56	0,86829	-0,64682	0,51775	0,815165
TNPO3	202,47	-0,43	0,664836	-0,64667	0,517843	0,815165
RP11-126O1.4	39,45	0,59	0,905547	0,646661	0,517851	0,815165
HSD17B7	142,14	-0,42	0,65093	-0,64658	0,517905	0,815165
FLVCR1	317,46	-0,53	0,812182	-0,64657	0,517907	0,815165
GNB1	1474,66	0,20	0,307508	0,646541	0,517929	0,815165
RP11-341D18.2	0,50	-1,92	2,974283	-0,64647	0,517975	NA
RP11-48B3.3	25,92	-0,36	0,556933	-0,64632	0,518075	0,8153265
RP11-93G5.1	124,96	0,38	0,594107	0,646162	0,518175	0,8153303
RP11-383M4.6	32,29	-0,41	0,634301	-0,64607	0,518234	0,8153303
MED24	201,33	-0,31	0,48422	-0,64603	0,518262	0,8153303
SLX1B	264,91	-0,39	0,607171	-0,64593	0,518328	0,8153303
RP11-165D7.5	0,85	2,41	3,733458	0,645883	0,518355	NA
RP11-1217F2.15	0,19	-2,39	3,701326	-0,64586	0,518368	NA
AC006014.6	24,05	0,76	1,171157	0,645858	0,518371	0,8153303
RP11-422J8.1	28,09	1,04	1,605018	0,645845	0,51838	0,8153303
RP11-30L3.2	12,32	1,07	1,663512	0,645838	0,518384	0,8153303
RP5-862P8.1	1,24	1,70	2,629359	0,645829	0,51839	NA
SULT1A2	1,85	0,78	1,202728	0,645722	0,51846	NA
RP11-1H15.1	0,85	2,41	3,733454	0,64572	0,518461	NA
IL27RA	250,38	0,31	0,485516	0,645694	0,518477	0,8154076
BMP6	0,92	1,86	2,875593	0,645611	0,518531	NA
DMTN	0,51	-1,62	2,507165	-0,6456	0,518536	NA
DYNC1I1	2,45	0,91	1,411599	0,645575	0,518555	NA
TIMM10B	298,59	-0,50	0,777993	-0,64549	0,518611	0,8154928
RP11-14C22.4	15,66	-1,27	1,971484	-0,64548	0,518619	0,8154928
RP11-420K14.6	2,43	1,21	1,881703	0,645464	0,518627	NA
RP11-363K21.1	80,39	0,72	1,115423	0,645335	0,51871	0,8155088
AC010731.3	0,19	-2,39	3,701406	-0,64523	0,51878	NA
RP11-112L6.3	3,74	1,01	1,560739	0,645204	0,518795	NA
ADCY2	61,73	-0,47	0,735391	-0,64515	0,51883	0,8155088
OR2F1	16,53	0,66	1,019075	0,64511	0,518856	0,8155088
SMIM7	603,82	0,20	0,317278	0,645021	0,518913	0,8155088
DAPP1	1251,50	0,24	0,368074	0,644897	0,518994	0,8155088
ANXA4	713,49	0,35	0,545242	0,644873	0,51901	0,8155088
STK35	115,57	0,54	0,831112	0,644777	0,519072	0,8155088
RP11-390E23.6	64,47	-0,84	1,310396	-0,64477	0,519077	0,8155088
RP11-396C23.2	0,46	-1,87	2,908	-0,64477	0,519078	NA
DDI2	311,09	-0,34	0,526444	-0,64469	0,51913	0,8155088
RP11-257I14.1	5,33	-0,71	1,098527	-0,64467	0,51914	0,8155088
PDE4D	153,64	-0,59	0,911303	-0,64463	0,519167	0,8155088
EEF1AKMT1	75,15	-0,86	1,336285	-0,64458	0,519196	0,8155088
COPS6	788,64	-0,28	0,438116	-0,64457	0,519206	0,8155088
RP11-715F3.2	4,83	0,97	1,508995	0,644513	0,519243	0,8155088
RP11-74E22.5	0,86	-1,96	3,041687	-0,64438	0,519332	NA
VN1R84P	0,19	-2,38	3,701654	-0,64427	0,519399	NA
RP1-76C18.1	14,52	-0,40	0,627877	-0,64426	0,519406	0,8156291
HMG20A	210,83	0,62	0,955933	0,644259	0,519407	0,8156291
RP5-1039K5.17	4,96	0,64	0,998749	0,643977	0,51959	0,8156533
PMS1	125,58	0,51	0,795245	0,643942	0,519613	0,8156533

RP1-111C20.4	258,42	0,32	0,489548	0,643853	0,519671	0,8156533
TMEM18	190,82	-0,35	0,548458	-0,64383	0,519685	0,8156533
WRN	173,04	-0,39	0,603433	-0,64381	0,5197	0,8156533
LYAR	213,16	-0,49	0,754485	-0,64381	0,519702	0,8156533
NDST1	182,04	-0,67	1,033193	-0,64373	0,519748	0,8156533
SNORA11F	6,21	1,32	2,054707	0,643695	0,519773	0,8156533
XXbac-BPG254F23.7	1,62	1,15	1,779097	0,643671	0,519789	NA
LAMC3	5,34	0,94	1,460788	0,64357	0,519854	0,8157045
RP11-710M11.1	0,86	2,40	3,733475	0,643442	0,519937	NA
GFRA2	54,88	0,69	1,070103	0,643401	0,519964	0,8157045
CTA-384D8.28	1066,82	-0,75	1,165116	-0,64338	0,519978	0,8157045
RP11-391L3.1	0,81	1,61	2,502361	0,643366	0,519986	NA
ATP6V1E1	599,92	0,27	0,426285	0,643335	0,520007	0,8157045
TCEAL8	266,54	-0,45	0,699906	-0,64329	0,520033	0,8157045
RP11-309M7.1	1,30	-1,02	1,589507	-0,64303	0,520202	NA
KB-1183D5.13	6,36	0,96	1,496948	0,643026	0,520207	0,8157045
RBMS2P1	0,86	2,40	3,733534	0,642961	0,520249	NA
CALCOCO2	837,37	0,33	0,507075	0,642908	0,520284	0,8157045
RP11-257K9.2	0,90	1,85	2,883918	0,642908	0,520284	NA
AC109326.1	72,16	-0,45	0,70115	-0,64285	0,520321	0,8157045
RP11-184F3.1	0,70	0,87	1,355858	0,642832	0,520333	NA
C7orf13	0,79	-1,59	2,466243	-0,64279	0,520361	NA
RP1-101K10.6	41,99	-0,93	1,453996	-0,64277	0,520372	0,8157045
RP11-711K1.7	12,32	-1,35	2,107384	-0,64276	0,520378	0,8157045
RP5-965G21.3	20,04	-0,52	0,807498	-0,64275	0,520385	0,8157045
TSC22D3	5799,72	-0,19	0,294252	-0,64275	0,520385	0,8157045
SNORD6	0,83	2,38	3,699029	0,642627	0,520466	NA
MOB1A	2270,75	0,20	0,308295	0,642574	0,5205	0,8157045
COPRS	118,00	-0,67	1,039219	-0,64256	0,520507	0,8157045
MED7	77,60	0,62	0,963413	0,642545	0,520519	0,8157045
HOTAIRM1	219,79	-0,26	0,407541	-0,64254	0,52052	0,8157045
RP11-297C4.2	2,73	-0,96	1,497715	-0,64251	0,52054	NA
ZNF271P	115,73	0,46	0,718761	0,642408	0,520608	0,8157045
GGCT	236,32	0,47	0,732318	0,642381	0,520626	0,8157045
RP11-47I22.4	0,85	2,40	3,733578	0,642364	0,520637	NA
RP11-414K1.3	4,90	0,81	1,262897	0,642361	0,520639	0,8157045
SLC16A9	0,85	-1,39	2,160605	-0,6423	0,520678	NA
RP11-717F1.1	0,84	2,40	3,733554	0,642214	0,520734	NA
AC092835.2	0,76	1,58	2,466617	0,642194	0,520747	NA
RP11-16C1.1	0,84	2,40	3,733606	0,641937	0,520914	NA
IMPDH1	735,53	-0,30	0,462558	-0,64188	0,520949	0,8161218
RP11-282A11.3	0,85	2,40	3,733519	0,641833	0,520982	NA
AC142528.1	1,09	2,11	3,283708	0,641822	0,520989	NA
NCAN	0,19	-2,37	3,691347	-0,6418	0,521004	NA
MCOLN3	91,98	-0,37	0,5752	-0,64169	0,521074	0,8162485
AC007383.5	1,23	1,67	2,600406	0,641359	0,52129	NA
RP11-165D6.1	0,84	2,39	3,733642	0,641292	0,521333	NA
OR2AG2	6,47	-0,52	0,809987	-0,64127	0,521349	0,8162711
USP18	112,69	0,95	1,482198	0,641247	0,521362	0,8162711
GABARAPL2	1167,01	0,25	0,397024	0,641245	0,521364	0,8162711

RCVRN	10,25	-0,90	1,396213	-0,64123	0,521375	0,8162711
RP13-753N3.1	10,57	-0,86	1,343436	-0,64123	0,521376	0,8162711
NLGN3	6,71	-0,87	1,359649	-0,6412	0,521393	0,8162711
RP11-770G2.2	4,54	-1,79	2,790776	-0,6412	0,521396	0,8162711
RP11-181L23.10	0,85	2,39	3,733612	0,641039	0,521497	NA
IGHE	1,60	-1,12	1,747761	-0,64093	0,521568	NA
SLC16A1	126,32	-0,56	0,866847	-0,6409	0,521585	0,8164988
MARVELD2	14,39	-0,48	0,754508	-0,64079	0,521659	0,8165459
GPATCH11	208,40	0,38	0,593025	0,640539	0,521822	0,8167051
E2F4	513,74	-0,24	0,378124	-0,64038	0,521928	0,8167051
SNORD43	1,30	-1,79	2,799862	-0,64034	0,521952	NA
RNU4-62P	9,76	-0,72	1,132015	-0,64031	0,521968	0,8167051
SLC25A37	958,33	0,31	0,478198	0,640251	0,52201	0,8167051
BTBD8	21,33	-0,96	1,497862	-0,64023	0,522022	0,8167051
GABRG2	62,07	-0,35	0,550932	-0,64023	0,522024	0,8167051
CRTC2	265,45	-0,32	0,500344	-0,64015	0,522074	0,816714
RP11-1007O24.2	10,02	-0,56	0,868874	-0,64001	0,522167	0,816714
PICALM	1333,27	-0,21	0,329772	-0,63999	0,522177	0,816714
NUDT15	56,38	-0,55	0,859194	-0,63994	0,522212	0,816714
PLVAP	1,11	-1,58	2,464487	-0,63989	0,522243	NA
RNU6ATAC39P	15,13	-0,90	1,404257	-0,63987	0,52226	0,816714
RP11-622O11.2	55,60	-0,96	1,498724	-0,63981	0,522293	0,816714
RP11-759A9.1	0,54	1,70	2,651069	0,639711	0,522361	NA
RP4-705D16.3	8,21	0,59	0,914546	0,639704	0,522365	0,8167582
RP11-10L12.4	0,49	-2,35	3,676931	-0,63966	0,522393	NA
HIST3H2A	123,81	-0,82	1,285114	-0,63958	0,522443	0,8168114
TRIM39-RPP21	0,83	2,37	3,699166	0,639576	0,522448	NA
CTA-212A2.2	54,50	-0,30	0,468821	-0,63948	0,522512	0,8168223
IGLV2-8	1,13	1,49	2,333102	0,639469	0,522518	NA
CTD-2371O3.3	22,40	-0,94	1,465168	-0,63944	0,522538	0,8168223
RP11-477N3.1	0,83	2,39	3,733713	0,639392	0,522568	NA
HIRIP3	66,48	-0,89	1,39502	-0,63927	0,522649	0,8169212
RF01225	1,92	1,94	3,033844	0,639197	0,522695	NA
GAS5	935,21	-0,16	0,248324	-0,6392	0,522696	0,8169212
WAC	1819,08	0,18	0,289154	0,639124	0,522742	0,8169212
RP11-624L4.1	182,18	-0,35	0,543993	-0,63907	0,522777	0,8169212
RP11-831F12.2	1,95	-0,92	1,437652	-0,63905	0,522794	NA
RP11-271K11.5	5,79	-1,42	2,216988	-0,63895	0,522858	0,8169787
SARS	652,47	0,33	0,511766	0,638852	0,522919	0,8169937
RP11-415K20.2	6,62	-1,29	2,015923	-0,6388	0,522955	0,8169937
CLDN19	1,16	0,85	1,334512	0,638644	0,523055	NA
RP11-4B14.3	18,63	-0,63	0,981994	-0,63859	0,52309	0,8171153
SPAG4	6,28	0,95	1,489288	0,638479	0,523162	0,8171153
ZFAND3	124,46	-0,45	0,701427	-0,63847	0,523165	0,8171153
RP11-122G18.12	44,16	-0,58	0,901727	-0,63828	0,523291	0,8172448
TELO2	71,40	-0,65	1,021408	-0,63812	0,523396	0,8173055
POLG	379,83	0,30	0,469988	0,638059	0,523435	0,8173055
RP11-788M5.4	3,63	-0,83	1,293497	-0,63803	0,523454	NA
RP11-501M7.2	4,21	1,55	2,436821	0,638018	0,523462	0,8173055
ZNF876P	6,38	0,48	0,75713	0,637889	0,523546	0,8173673

AC012360.4	0,85	2,38	3,733654	0,637789	0,523611	NA
FAM69B	0,83	2,36	3,694353	0,637714	0,52366	NA
MS4A3	0,85	2,38	3,733644	0,637651	0,523701	NA
AC008697.1	41,48	-1,17	1,832029	-0,63761	0,523729	0,8175848
RP11-689J19.2	0,84	2,38	3,733708	0,637582	0,523746	NA
UBP1	427,95	0,28	0,440669	0,637384	0,523875	0,8176751
EMC10	301,04	-0,37	0,577923	-0,63728	0,523942	0,8176751
RP11-50D9.3	2,34	0,84	1,322283	0,637264	0,523953	NA
MIR1273G	1,97	1,01	1,58286	0,637261	0,523955	NA
HIST1H1A	0,83	2,38	3,733705	0,637184	0,524005	NA
RP11-429P3.8	28,77	-0,39	0,618396	-0,63711	0,524052	0,8176751
RP13-968A2.1	57,91	-0,32	0,502163	-0,63711	0,524055	0,8176751
CWC27	273,05	0,39	0,607255	0,637065	0,524083	0,8176751
RP11-231E6.1	24,98	-0,54	0,849605	-0,63705	0,524091	0,8176751
CTA-407F11.7	25,82	-0,79	1,237732	-0,63705	0,524094	0,8176751
RP11-565F19.2	41,24	-0,81	1,277454	-0,63679	0,524259	0,8177937
C1R	8,33	-0,65	1,020719	-0,63673	0,5243	0,8177937
LCMT2	38,07	-0,44	0,692434	-0,63673	0,524302	0,8177937
RP11-392P7.6	11,79	-1,41	2,217632	-0,63652	0,524439	0,8178887
NAT6	61,07	-0,69	1,077685	-0,6365	0,524451	0,8178887
RP11-223P11.3	1,67	1,60	2,515363	0,63645	0,524483	NA
RP11-472I20.4	3,23	-0,62	0,981495	-0,63643	0,524494	NA
RN7SL502P	0,74	1,56	2,457395	0,636426	0,524499	NA
NAA60	228,88	0,33	0,514802	0,636387	0,524524	0,817908
MIOS	364,00	-0,49	0,762682	-0,63635	0,524551	0,817908
FASN	55,72	-0,62	0,969096	-0,63626	0,524609	0,81793
SNORA1B	0,99	-1,71	2,685865	-0,63621	0,524637	NA
RP11-375I20.6	0,87	1,81	2,83833	0,636174	0,524663	NA
RP11-708B6.2	0,85	2,38	3,734101	0,636092	0,524717	NA
AC011406.2	0,84	2,37	3,733729	0,636069	0,524731	NA
RP11-266L9.5	5,07	-1,28	2,006567	-0,63595	0,524808	0,8181717
MON1B	458,52	-0,41	0,650781	-0,63572	0,524958	0,8181861
RF00334	0,83	2,37	3,733771	0,635683	0,524983	NA
RP11-651P23.6	0,84	2,37	3,733781	0,635667	0,524993	NA
CIAO1	737,14	0,38	0,596992	0,635564	0,52506	0,8181861
RP11-507B12.2	13,48	0,59	0,929539	0,635535	0,52508	0,8181861
FAM151A	0,84	2,37	3,733804	0,63545	0,525135	NA
KRAS	616,91	0,34	0,53036	0,635428	0,525149	0,8181861
GBP4	483,98	0,31	0,483091	0,635416	0,525157	0,8181861
RAI14	3,94	-0,64	1,002089	-0,63535	0,525202	0,8181861
TMEM183A	627,69	-0,29	0,462349	-0,63529	0,525241	0,8181861
ISCA1	190,32	0,41	0,646015	0,635221	0,525285	0,8181861
SLC25A14	90,63	0,82	1,290754	0,635212	0,52529	0,8181861
RP11-341A22.2	10,32	0,55	0,863074	0,63509	0,52537	0,8181861
RP11-326I11.3	18,77	-0,62	0,981089	-0,63497	0,525447	0,8181861
C9orf131	4,69	-1,90	2,994144	-0,63495	0,52546	0,8181861
CTA-204B4.2	25,48	0,41	0,645173	0,634914	0,525484	0,8181861
RP4-749H3.1	4,37	0,81	1,278183	0,634823	0,525544	0,8181861
AC012668.1	1,83	0,80	1,268009	0,634725	0,525608	NA
PTS	275,25	-0,37	0,583277	-0,63462	0,525678	0,8181861

RP11-7F17.8	42,24	-0,49	0,777682	-0,6346	0,525691	0,8181861
SUDS3	207,03	0,36	0,565645	0,634496	0,525757	0,8181861
RP5-1017O19.1	43,18	1,34	2,113796	0,634465	0,525778	0,8181861
RAB13	193,77	0,45	0,712346	0,634438	0,525795	0,8181861
RP11-83B20.3	21,43	1,07	1,693279	0,634404	0,525817	0,8181861
AP3D1	748,97	0,28	0,440765	0,634344	0,525856	0,8181861
RP4-547C10.1	3,96	0,62	0,97955	0,634221	0,525936	0,8181861
KMT5C	10,32	-0,74	1,164214	-0,63419	0,525954	0,8181861
DSC1	0,22	-1,80	2,833415	-0,63418	0,525966	NA
RP11-735B13.2	11,74	0,47	0,733639	0,634174	0,525968	0,8181861
RP11-792A8.3	34,77	-1,10	1,735709	-0,63416	0,525977	0,8181861
RP11-492I21.1	2,52	1,08	1,706111	0,634128	0,525997	NA
RP11-219E7.3	0,72	1,99	3,134996	0,634125	0,526	NA
PTOV1	312,28	-0,32	0,499525	-0,6341	0,526017	0,8181861
STYK1	12,11	-1,71	2,696273	-0,63407	0,526034	0,8181861
CTD-2530H12.1	0,92	1,82	2,87006	0,633998	0,526082	NA
MECP2	376,01	-0,44	0,691132	-0,63399	0,526089	0,8181861
RP11-147G7.3	32,69	0,68	1,074744	0,633981	0,526093	0,8181861
ZNF101	149,58	-0,44	0,690856	-0,63386	0,52617	0,818224
PSENE1	442,92	0,22	0,344859	0,633809	0,526205	0,818224
RP11-415F23.2	1,04	2,06	3,253348	0,63372	0,526264	NA
RP11-90C4.1	186,35	-0,48	0,762679	-0,63359	0,526349	0,8182607
PI4KAP2	128,18	-0,56	0,881902	-0,6335	0,526407	0,8182607
TLR2	1613,25	-0,26	0,416875	-0,63348	0,526423	0,8182607
KIAA1958	172,41	0,64	1,010036	0,633402	0,526471	0,8182607
GFPT2	0,18	-2,34	3,698686	-0,63339	0,526478	NA
ITGA4	1994,98	-0,20	0,320961	-0,63339	0,526482	0,8182607
CTC-435M10.3	172,76	-0,66	1,038259	-0,63337	0,526493	0,8182607
RNU6-531P	0,81	-2,22	3,504263	-0,63334	0,52651	NA
RP11-161M6.4	12,54	-0,79	1,245247	-0,6332	0,526605	0,818366
CTB-55O6.10	7,90	-1,50	2,37032	-0,63309	0,526676	0,8184081
MAP2K4	202,20	0,49	0,778849	0,632848	0,526833	0,8185518
RP11-236P2.2	16,30	0,75	1,179913	0,632777	0,526879	0,8185518
RP11-323P17.1	13,26	-0,65	1,032368	-0,63275	0,5269	0,8185518
LINC00612	0,45	-2,16	3,4199	-0,63269	0,526937	NA
ASRGL1	126,10	-0,45	0,707867	-0,63267	0,52695	0,8185551
RNU2-45P	0,72	-1,32	2,090582	-0,63267	0,526952	NA
RP11-110I1.12	2,68	-1,04	1,651795	-0,63259	0,527003	NA
RP11-108O10.4	0,49	-1,41	2,230677	-0,63258	0,527005	NA
FAM217A	1,69	2,36	3,733902	0,632574	0,527012	NA
RN7SL752P	7,45	0,78	1,232225	0,632564	0,527018	0,8185551
OR5A2	109,61	-0,40	0,627885	-0,63254	0,527034	0,8185551
HIST1H2BI	0,83	2,36	3,733871	0,632385	0,527135	NA
SULT1E1	1,56	1,21	1,919966	0,632301	0,52719	NA
NLRP3	1571,15	0,28	0,445359	0,632219	0,527243	0,818759
RP11-278J6.1	0,85	1,77	2,796614	0,632212	0,527248	NA
CNOT4	229,69	-0,31	0,49823	-0,6322	0,527253	0,818759
RP11-142L1.1	1,57	1,54	2,436841	0,632141	0,527295	NA
BATF3	347,84	-0,29	0,464235	-0,6321	0,527322	0,8187885
RP11-1070N10.4	0,88	2,03	3,212555	0,631944	0,527424	NA

RNU1-134P	3,43	-0,85	1,3464	-0,63185	0,527483	NA
ALG3	425,54	0,40	0,634949	0,63179	0,527524	0,8187885
RP11-436D10.3	0,87	1,80	2,845545	0,631739	0,527557	NA
RP11-24J23.2	98,68	0,36	0,57607	0,631705	0,52758	0,8187885
RP11-523L20.2	7,68	-0,69	1,087343	-0,63165	0,527618	0,8187885
SREK1IP1	212,63	-0,29	0,452043	-0,63163	0,52763	0,8187885
WRAP53	97,62	-0,81	1,275435	-0,63161	0,52764	0,8187885
DGCR14	115,26	-0,70	1,103146	-0,63156	0,527674	0,8187885
AC006547.13	68,62	-0,51	0,800526	-0,63156	0,527675	0,8187885
RAB5B	274,40	0,34	0,535439	0,631536	0,52769	0,8187885
RP11-374A4.1	0,72	-1,65	2,615753	-0,63153	0,527697	NA
PDHA1	546,28	-0,30	0,475053	-0,63149	0,527719	0,8187885
SEC24A	206,71	-0,53	0,832156	-0,63143	0,527757	0,8187885
RP11-615I2.6	57,03	-0,33	0,527698	-0,63121	0,527903	0,818849
MEPCE	441,96	-0,29	0,465133	-0,63118	0,527923	0,818849
SLC15A3	945,71	-0,21	0,335187	-0,63117	0,527928	0,818849
SERHL	0,29	-2,14	3,391093	-0,63117	0,527931	NA
RP4-809F4.1	0,82	2,36	3,733915	0,631142	0,527947	NA
RP11-165N19.2	0,43	1,44	2,280602	0,631073	0,527993	NA
SIGIRR	439,20	-0,30	0,483055	-0,63099	0,528049	0,81889
RP11-113K21.6	27,52	0,39	0,611272	0,630986	0,52805	0,81889
RP13-228J13.8	0,83	2,36	3,733948	0,630971	0,528059	NA
CTD-2270L9.3	19,34	-0,40	0,639977	-0,63087	0,528124	0,81889
RP1-18D14.3	88,89	-0,43	0,675718	-0,63085	0,528136	0,81889
GAPT	882,31	0,38	0,606269	0,630796	0,528174	0,81889
FRMD5	0,59	1,49	2,361836	0,630769	0,528192	NA
RP11-561O23.8	0,81	2,32	3,682606	0,630702	0,528235	NA
SIRPD	6,79	0,93	1,479843	0,630685	0,528246	0,8188908
OXTR	33,43	0,76	1,210303	0,63066	0,528263	0,8188908
GCC2	562,23	0,29	0,45992	0,630542	0,52834	0,8189427
MUC19	9,93	-0,69	1,089394	-0,63041	0,528424	0,8190045
RP11-719J20.1	0,82	2,35	3,734041	0,630395	0,528436	NA
RPL21P122	1,24	-1,04	1,642715	-0,63036	0,528458	NA
RP11-636O21.1	1,20	-1,02	1,62396	-0,62997	0,528715	NA
KIAA0319	3,08	-0,83	1,320144	-0,62987	0,528781	NA
FRRS1L	95,76	-0,35	0,562585	-0,62983	0,528808	0,8194655
CTC-774J1.2	14,41	0,66	1,048986	0,629762	0,52885	0,8194655
ZNF25	79,25	0,57	0,899101	0,629733	0,52887	0,8194655
ARHGAP10	202,86	0,38	0,61046	0,629601	0,528956	0,8194655
DNAJB4	73,26	0,66	1,053737	0,629517	0,529011	0,8194655
RP11-152P17.2	1,78	0,88	1,396734	0,6295	0,529022	NA
AC113617.1	31,12	-0,77	1,218853	-0,62949	0,529029	0,8194655
KIAA0368	626,69	0,33	0,525384	0,629437	0,529063	0,8194655
ZNF585B	33,67	0,59	0,944125	0,62942	0,529074	0,8194655
RP11-181F12.1	1,15	1,09	1,732659	0,629395	0,52909	NA
CTD-2192J16.20	8,68	-1,20	1,911053	-0,62935	0,529122	0,8194717
C6orf132	21,38	0,47	0,747227	0,629247	0,529187	0,8195048
GALNT12	2,73	1,25	1,992433	0,629242	0,529191	NA
MIR4705	0,83	2,35	3,734055	0,629026	0,529332	NA
RP11-440L14.4	8,49	-1,27	2,013031	-0,62899	0,529355	0,8196304

ANKIB1	492,66	-0,38	0,60885	-0,62899	0,529357	0,8196304
KDM5B	215,81	0,42	0,668858	0,628836	0,529456	0,8197027
ARRDC2	1035,75	0,25	0,397882	0,628766	0,529502	0,8197027
RP11-555K2.3	3,67	2,32	3,68371	0,628756	0,529509	NA
NDUFA6	590,46	0,25	0,397239	0,628616	0,529601	0,8197027
RP4-617A9.4	9,42	-1,15	1,832928	-0,62859	0,529618	0,8197027
RP5-931K24.3	72,33	-0,61	0,965899	-0,62857	0,529631	0,8197027
RP11-262H14.4	18,90	-0,79	1,257817	-0,62851	0,529668	0,8197027
SEPT2	1686,40	0,23	0,36123	0,628408	0,529736	0,8197411
AC105760.2	15,37	-0,68	1,07826	-0,62824	0,529849	0,8197483
VN1R82P	0,79	2,31	3,679416	0,628155	0,529902	NA
XRCC3	10,94	-0,90	1,438938	-0,62815	0,529905	0,8197483
CTD-2540B15.13	2,80	-1,02	1,615998	-0,62811	0,52993	NA
RNA5SP123	0,80	2,32	3,695744	0,62811	0,529932	NA
CRIP2	52,75	0,92	1,458564	0,628091	0,529944	0,8197483
CENPC	278,48	0,27	0,427405	0,628062	0,529963	0,8197483
RN7SL766P	0,43	-1,10	1,743822	-0,62803	0,529983	NA
RN7SL181P	6,78	-0,91	1,448201	-0,62801	0,53	0,8197483
RP11-203B9.4	40,04	0,43	0,67981	0,627994	0,530008	0,8197483
AC011742.4	0,82	2,34	3,734052	0,627955	0,530033	NA
RP11-102G14.1	3,76	0,61	0,964369	0,627928	0,530051	0,8197483
RN7SL726P	2,91	-0,45	0,714728	-0,62787	0,530088	NA
CTC-359D24.3	10,44	1,08	1,722804	0,627863	0,530094	0,8197483
DLX6	2,97	0,56	0,894156	0,627839	0,530109	NA
HSD17B10	1281,36	-0,23	0,362334	-0,62776	0,530158	0,8197797
NELFA	101,72	-0,37	0,591779	-0,62765	0,530231	0,8198241
RP11-486A14.1	2,07	-0,90	1,426237	-0,62765	0,530236	NA
FKBP1C	1,47	0,59	0,937484	0,627398	0,530399	NA
RP11-103H7.1	0,50	1,68	2,680785	0,627396	0,5304	NA
RP11-24M17.5	0,83	2,34	3,734466	0,627358	0,530425	NA
RP11-504P24.2	46,07	0,34	0,53778	0,627289	0,53047	0,8201257
DSG4	0,80	-2,30	3,659626	-0,62716	0,530553	NA
SLC39A7	24,14	-0,89	1,424236	-0,6271	0,530591	0,820245
RN7SL74P	0,80	2,32	3,698264	0,627001	0,530658	NA
TXNRD2	359,22	-0,41	0,646195	-0,62693	0,530707	0,8203556
TDP2	151,74	0,58	0,918067	0,626559	0,530948	0,8206604
KATNAL2	34,15	-0,56	0,899136	-0,62642	0,531041	0,8207262
RP3-342P20.2	0,31	-2,10	3,352248	-0,62638	0,531065	NA
PWP1	638,04	0,28	0,453948	0,626341	0,531091	0,8207262
RP11-396K3.1	339,63	0,66	1,057711	0,62629	0,531125	0,8207262
RP11-35G9.5	46,10	-0,51	0,808562	-0,62623	0,531167	0,8207262
RP11-14I17.3	2,49	-1,10	1,762861	-0,62608	0,531261	NA
CTD-2651B20.4	3,21	1,04	1,657526	0,62595	0,531348	NA
RN7SL144P	0,63	1,96	3,139221	0,625908	0,531375	NA
GTF2IRD2	96,37	-0,35	0,559157	-0,62584	0,531421	0,8209873
RP11-629O1.2	26,08	-0,89	1,415969	-0,62578	0,531461	0,8209873
CCDC51	51,49	0,75	1,193962	0,625766	0,531468	0,8209873
APH1B	98,69	0,65	1,042596	0,625619	0,531565	0,8210516
ARFGEF1	887,01	0,33	0,535351	0,625504	0,53164	0,8210516
LINC00528	110,23	0,54	0,861754	0,625501	0,531642	0,8210516

DRAXIN	24,05	-0,35	0,558894	-0,62529	0,531781	0,821109
REEP3	286,74	0,40	0,644793	0,625227	0,531822	0,821109
RP11-463J7.2	3,72	-1,33	2,12194	-0,62514	0,531882	NA
B3GNT7	185,39	0,57	0,908749	0,625134	0,531883	0,821109
PHKG2	776,76	-0,29	0,456483	-0,625	0,531969	0,821109
COMMD10	334,40	0,51	0,818656	0,624993	0,531975	0,821109
C9orf66	135,25	-0,50	0,805652	-0,62498	0,531985	0,821109
QARS	1387,29	0,19	0,29687	0,624973	0,531989	0,821109
RNU6-142P	0,82	2,33	3,734165	0,624933	0,532015	NA
NPIPA1	188,45	0,31	0,489399	0,624801	0,532102	0,8211832
CH507-9B2.8	0,81	2,33	3,734223	0,624743	0,53214	NA
PLPP6	8,09	1,07	1,719266	0,624706	0,532164	0,8211832
ADAMTS1	4,70	-0,68	1,087025	-0,6247	0,532169	0,8211832
FAM120B	280,31	0,42	0,666361	0,624604	0,532231	0,8212109
RP11-270M14.1	4,84	-0,59	0,950289	-0,62453	0,53228	0,8212186
RP11-196I2.1	3,71	-1,13	1,815611	-0,62428	0,532445	NA
VAX1	0,62	1,94	3,110796	0,624277	0,532446	NA
S1PR4	332,41	0,45	0,728195	0,624171	0,532515	0,8213944
RP11-12A20.6	4,11	0,74	1,183467	0,624124	0,532546	0,8213944
ZNF33A	549,54	0,29	0,469907	0,624103	0,53256	0,8213944
ZNF771	3,28	-0,74	1,184813	-0,62409	0,532567	NA
RP11-981P6.1	99,16	0,46	0,73124	0,623992	0,532633	0,8213944
RNH1	2801,03	0,16	0,249209	0,623952	0,532659	0,8213944
RP1-65J11.5	14,42	-0,44	0,707196	-0,62395	0,532659	0,8213944
RP11-275F13.3	0,40	-1,57	2,520112	-0,62384	0,532732	NA
RP11-624J12.1	7,67	-1,01	1,623515	-0,62371	0,532818	0,8214624
C1QTNF4	6,63	-1,71	2,749019	-0,62367	0,532843	0,8214624
XXbac-BPGBPG55C20.4	0,31	-2,11	3,377216	-0,62365	0,532856	NA
TOGARAM1	167,56	0,37	0,590774	0,623637	0,532866	0,8214624
C12orf42	22,90	-1,40	2,248518	-0,6236	0,532892	0,8214624
PDCD5	269,45	-0,29	0,462923	-0,62351	0,532949	0,8214624
RP5-1068H6.6	1,04	2,03	3,26339	0,623509	0,53295	NA
C1orf200	6,44	-1,61	2,585056	-0,62348	0,532968	0,8214624
C1QTNF1	20,63	-0,73	1,175001	-0,62327	0,533107	0,8215798
RP5-1009E24.8	1,04	1,44	2,307735	0,623242	0,533126	NA
PMS2	41,57	0,61	0,978976	0,623171	0,533172	0,8215798
FUT4	63,10	-0,49	0,791734	-0,62316	0,533177	0,8215798
RP11-272L13.4	1,25	2,32	3,729683	0,62306	0,533245	NA
RP11-69C17.1	4,67	0,88	1,405088	0,622924	0,533334	0,8216967
GOLGA8N	113,10	-0,35	0,560713	-0,62289	0,533358	0,8216967
LINC00582	63,58	0,44	0,712633	0,622847	0,533385	0,8216967
RN7SL509P	0,91	-0,92	1,483608	-0,62272	0,533466	NA
LAPTM5	10719,06	-0,12	0,198977	-0,6226	0,533548	0,8218799
RP11-263K4.5	5,51	0,52	0,833971	0,622457	0,533641	0,8219225
RP11-529G21.2	1,89	-1,15	1,840638	-0,62245	0,533648	NA
NDUFS3	967,43	-0,20	0,323432	-0,62237	0,5337	0,8219225
XXyac-YX155B6.7	0,65	1,97	3,165071	0,622337	0,53372	NA
AMFR	416,86	-0,31	0,505233	-0,62232	0,533732	0,8219225
CTC-575N7.1	0,79	-2,28	3,67093	-0,62221	0,533801	NA
AL353662.3	4,06	0,66	1,065168	0,622198	0,533812	0,8219225

VMA21	492,34	-0,27	0,436502	-0,62217	0,533831	0,8219225
AC138517.6	5,12	0,68	1,096532	0,622074	0,533893	0,8219225
RP11-1035H13.3	26,45	-1,25	2,013244	-0,62196	0,533966	0,8219225
ACTA2	44,15	0,56	0,904794	0,621935	0,533985	0,8219225
AC005307.5	0,69	-0,89	1,427008	-0,62188	0,53402	NA
RALA	485,85	0,30	0,474534	0,621863	0,534032	0,8219225
CTD-2315E11.1	24,11	0,32	0,510421	0,621834	0,534051	0,8219225
C9orf16	332,73	-0,23	0,375365	-0,62182	0,534062	0,8219225
RP11-597D13.10	1,66	-1,63	2,620483	-0,62173	0,534117	NA
AC124914.3	0,79	2,29	3,690986	0,621666	0,534162	NA
PITPNM3	11,90	0,69	1,116288	0,621621	0,534191	0,8220534
RP11-689C9.1	1,41	-1,32	2,117075	-0,62151	0,534267	NA
RP11-764K9.1	32,58	0,75	1,20031	0,621504	0,534268	0,8221035
TTYH2	147,08	0,50	0,811938	0,621338	0,534377	0,8221679
AC002398.11	1,46	2,32	3,729016	0,621315	0,534393	NA
ADAM7	14,15	-1,98	3,192595	-0,62125	0,534438	0,8221679
SOCS5	51,61	0,62	0,992261	0,621185	0,534478	0,8221679
PLAC4	26,45	0,77	1,245939	0,621172	0,534486	0,8221679
MTMR14	1259,88	0,26	0,425544	0,621101	0,534533	0,8221716
HERC2P3	41,12	-0,52	0,845416	-0,62088	0,534681	0,8222267
WDR20	127,49	0,41	0,664769	0,620825	0,534715	0,8222267
SLC7A6OS	222,19	0,64	1,030446	0,620809	0,534726	0,8222267
TCF7	47,82	-0,67	1,075435	-0,62078	0,534746	0,8222267
IGKV1-9	0,80	-1,07	1,718681	-0,62076	0,534758	NA
RP11-90D4.3	18,60	1,00	1,608228	0,620596	0,534865	0,8223028
MEGF8	35,68	0,52	0,832047	0,620537	0,534904	0,8223028
RP11-50D16.4	8,40	0,80	1,282843	0,620501	0,534928	0,8223028
RP11-5N19.3	0,79	2,31	3,727598	0,620424	0,534979	NA
DDX60L	920,11	-0,31	0,500671	-0,62026	0,53509	0,8224314
RN7SL364P	4,46	-1,05	1,69747	-0,62024	0,5351	0,8224314
TRIM34	396,37	-0,40	0,639542	-0,62002	0,535246	0,8225884
GLB1L	28,92	0,46	0,736077	0,619844	0,535361	0,8226966
RP11-589M4.3	1,49	-1,19	1,917116	-0,61966	0,535481	NA
LINC00689	3,48	-0,66	1,058632	-0,61965	0,535488	NA
SLC4A5	37,64	-0,73	1,17919	-0,61963	0,535501	0,8228094
FAT3	6,29	0,53	0,85624	0,619598	0,535523	0,8228094
PRCC	221,61	0,43	0,697087	0,619445	0,535623	0,822896
RN7SL251P	0,18	-2,29	3,705299	-0,61929	0,535723	NA
RP11-286E11.1	19,87	-1,02	1,65324	-0,61928	0,535732	0,8229945
NBPF25P	27,53	-0,35	0,572195	-0,61902	0,535901	0,8231874
TMEM175	205,62	0,39	0,632445	0,618896	0,535985	0,8231953
AP001625.4	0,37	-2,28	3,682521	-0,61886	0,536009	NA
MED6	330,85	-0,33	0,54065	-0,61883	0,536027	0,8231953
RP11-357C3.3	101,99	0,71	1,143883	0,618813	0,536039	0,8231953
RP1-225E12.3	0,80	2,31	3,734512	0,61862	0,536167	NA
RNU6-613P	0,60	1,91	3,092378	0,618609	0,536174	NA
PPFIBP2	113,53	-0,48	0,769759	-0,61859	0,53619	0,8233584
ATAT1	39,74	0,87	1,407242	0,618401	0,536311	0,8234549
AC092415.1	16,55	-0,68	1,105925	-0,6183	0,536378	0,8234549
SCRG1	94,47	0,53	0,86273	0,618221	0,53643	0,8234549

KCTD12	1981,33	-0,21	0,332784	-0,61822	0,536431	0,8234549
YARS2	182,13	-0,56	0,906025	-0,61815	0,536474	0,8234549
OR8D4	4,73	0,63	1,015362	0,618085	0,53652	0,823457
AL022345.7	0,79	2,31	3,734446	0,617907	0,536636	NA
TBC1D15	347,81	0,35	0,571276	0,617873	0,536659	0,8235438
RN7SL357P	0,80	-0,99	1,597942	-0,61782	0,536693	NA
CTD-2354A18.1	4,08	1,27	2,06028	0,617804	0,536704	0,8235438
AC009506.2	6,23	1,52	2,461514	0,617797	0,536709	0,8235438
RP1-131F15.3	0,68	1,35	2,180851	0,617604	0,536836	NA
LRFN4	12,22	-0,89	1,43516	-0,61747	0,536922	0,8236551
REBNP	15,54	0,52	0,846855	0,61732	0,537024	0,8236551
RP11-354E23.4	6,34	-1,02	1,656733	-0,61732	0,537026	0,8236551
AC007040.6	0,52	-1,82	2,953331	-0,61729	0,537045	NA
RP11-272L13.1	56,41	0,76	1,234632	0,617285	0,537047	0,8236551
CH17-302M23.1	3,94	0,59	0,950251	0,617279	0,537051	0,8236551
AC004053.1	4,87	0,47	0,753381	0,617278	0,537051	0,8236551
RP11-575L7.4	17,55	0,49	0,798615	0,617217	0,537091	0,8236551
AC008592.3	4,54	1,32	2,140243	0,616836	0,537343	0,8239734
FLNC	1,68	-1,58	2,556027	-0,61676	0,537395	NA
MAN2B1	867,05	-0,27	0,441362	-0,61667	0,537449	0,8240683
CADM2	0,53	-1,20	1,941003	-0,61649	0,53757	NA
ABCC3	60,32	-0,53	0,862581	-0,61644	0,537605	0,8242395
CYP3A7-CYP3A51P	0,77	2,26	3,665172	0,616344	0,537668	NA
RAC1	2395,77	-0,17	0,273594	-0,61632	0,53768	0,824281
DHX30	454,40	0,28	0,452159	0,616249	0,53773	0,824281
PFDN6	28,81	0,48	0,774221	0,616156	0,537791	0,824281
AC115115.3	0,77	2,26	3,674597	0,616155	0,537792	NA
RP11-133K1.12	100,65	0,53	0,865713	0,616129	0,53781	0,824281
CTD-2619J13.19	34,67	0,27	0,440215	0,616014	0,537886	0,8243295
OAZ3	29,77	-0,69	1,126372	-0,61592	0,537948	0,8243576
RP11-410L14.2	8,93	0,54	0,876451	0,615762	0,538052	0,8243718
RP11-348P10.2	2,65	1,30	2,117473	0,615699	0,538093	NA
FCER2	5,15	0,97	1,583236	0,615671	0,538112	0,8243718
CCDC174	168,47	0,43	0,701736	0,61565	0,538126	0,8243718
RP11-568J23.2	7,19	0,68	1,111347	0,615636	0,538135	0,8243718
ADGRG7	6,58	1,71	2,778698	0,615517	0,538213	0,8244243
RP11-762H8.4	2,86	-1,20	1,954935	-0,61545	0,538259	NA
CCL15	0,52	1,05	1,700192	0,615397	0,538292	NA
XPO7	358,40	0,45	0,732596	0,615351	0,538323	0,8245183
SGPL1	418,74	0,44	0,720662	0,61529	0,538363	0,8245183
AC106873.4	1,01	2,00	3,25081	0,615269	0,538377	NA
MREG	0,56	-1,07	1,735721	-0,61522	0,538409	NA
CTD-2145A24.5	4,52	1,73	2,807536	0,615178	0,538437	0,8245191
RP11-29A19.2	1,73	-0,64	1,039114	-0,61512	0,538476	NA
RBBP7	679,47	0,33	0,53543	0,615107	0,538484	0,8245191
PTPN23	167,10	-0,59	0,966166	-0,61509	0,538497	0,8245191
RP11-461L13.5	0,79	2,30	3,73454	0,615041	0,538527	NA
AC011139.1	7,21	-0,26	0,425888	-0,61496	0,538584	0,8245843
CECR1	2655,03	0,17	0,283468	0,614867	0,538642	0,8245896
RP11-204M4.4	8,74	-1,12	1,817964	-0,61482	0,538676	0,8245896

NSG1	11,16	0,74	1,208323	0,614701	0,538752	0,8246384
AC064834.1	1,77	-0,85	1,38013	-0,61463	0,538799	NA
PCDHB9	2,51	0,68	1,098238	0,614624	0,538803	NA
RP1-72A23.3	1,22	0,70	1,140177	0,614597	0,538821	NA
SLC26A1	0,87	2,29	3,734871	0,614473	0,538903	NA
RP11-134G8.6	44,26	0,54	0,875371	0,61423	0,539064	0,8249795
SLC5A6	132,61	0,52	0,848627	0,61422	0,53907	0,8249795
SEC61A1	1034,95	-0,19	0,301609	-0,61416	0,539108	0,8249795
RP11-9M16.2	0,61	1,92	3,12775	0,61415	0,539116	NA
AC006129.4	19,12	0,90	1,469716	0,613887	0,53929	0,8251908
RP11-123J14.2	0,79	2,29	3,734589	0,613827	0,539329	NA
RP3-402G11.28	0,78	2,26	3,674932	0,613767	0,539369	NA
ZNF709	3,41	1,14	1,86206	0,613732	0,539392	NA
RP11-81K13.1	0,87	1,75	2,851499	0,613717	0,539402	NA
DLG4	7,58	-0,77	1,26069	-0,61372	0,539403	0,8252961
RP11-496B10.7	2,69	-1,14	1,857528	-0,61347	0,539567	NA
AC104134.2	6,84	-1,27	2,076235	-0,61343	0,539594	0,8254962
RP11-49I11.1	0,77	2,26	3,68149	0,613341	0,539651	NA
HLA-E	7396,13	-0,12	0,190305	-0,61332	0,539663	0,8254962
RP11-448A19.1	55,38	-0,36	0,587383	-0,61332	0,539667	0,8254962
RP11-85O21.5	1,10	-1,34	2,186767	-0,6133	0,539676	NA
RP11-285G1.15	0,41	-1,15	1,87429	-0,61325	0,539713	NA
INTS7	207,36	-0,56	0,918281	-0,6131	0,539812	0,8256493
RNU1-87P	0,78	2,26	3,688719	0,613063	0,539834	NA
RP11-468E2.5	7,39	0,95	1,554643	0,612951	0,539908	0,8257217
MTIF2	278,77	0,25	0,413306	0,612892	0,539948	0,8257217
RP5-875O13.7	14,54	-1,95	3,181261	-0,61277	0,540028	0,8257429
FAM76B	238,10	-0,34	0,557455	-0,61274	0,54005	0,8257429
TRIM62	71,79	-0,85	1,388961	-0,6125	0,540204	0,8258899
AP000475.2	5,94	0,79	1,282556	0,612457	0,540235	0,8258899
CTA-276O3.4	0,35	1,23	2,00186	0,612358	0,540301	NA
CTD-2314B22.2	0,59	1,90	3,098111	0,61235	0,540306	NA
MCF2	5,51	1,59	2,594173	0,612321	0,540325	0,8259597
RP11-122K13.7	0,76	2,25	3,680869	0,612174	0,540423	NA
ZSWIM5	0,81	2,28	3,734235	0,611744	0,540707	NA
RP5-1166F10.1	0,70	-2,24	3,664025	-0,61171	0,540733	NA
TRPC4AP	727,49	0,27	0,434678	0,611702	0,540735	0,8264368
RP11-1072A3.3	9,12	0,97	1,580864	0,611687	0,540745	0,8264368
RP11-642A1.1	43,98	-0,58	0,942717	-0,61165	0,540771	0,8264368
KIF1BP	57,16	0,58	0,95467	0,611551	0,540835	0,8264664
RP11-478P10.1	71,33	-0,52	0,842883	-0,61148	0,540882	0,8264707
MED25	98,25	-0,38	0,629417	-0,61135	0,540969	0,8265146
PLAT	14,05	0,92	1,501767	0,611277	0,541016	0,8265146
RP11-356C4.3	5,79	0,46	0,756249	0,611197	0,541069	0,8265146
SCARNA13	0,79	2,28	3,734566	0,611165	0,541091	NA
CTA-286B10.7	4,27	-0,81	1,320386	-0,61113	0,541111	0,8265146
RP11-158L12.6	16,85	-0,33	0,544477	-0,6111	0,541133	0,8265146
RNU1-103P	2,39	1,88	3,076883	0,610991	0,541206	NA
FAM117A	62,60	-0,60	0,981513	-0,61097	0,541217	0,8265748
SLA	970,52	-0,30	0,485748	-0,61088	0,541277	0,8265763

RP11-322E11.5	2,29	-0,65	1,066473	-0,61075	0,541366	NA
RP4-742C19.13	5,37	-0,54	0,885282	-0,61061	0,541461	0,8265763
SQLE	170,51	0,46	0,761416	0,610604	0,541462	0,8265763
CDH12P1	5,43	-1,02	1,669969	-0,61053	0,54151	0,8265763
CDH12P3	5,43	-1,02	1,669969	-0,61053	0,54151	0,8265763
RNU4-86P	5,79	-0,47	0,768645	-0,61053	0,541512	0,8265763
RP11-142C4.6	6,08	-1,47	2,408419	-0,61048	0,541541	0,8265763
DCTD	418,43	0,44	0,72879	0,610356	0,541626	0,8265763
SPIDR	598,35	-0,31	0,503832	-0,61032	0,54165	0,8265763
RP1-256G22.2	0,17	-2,26	3,707498	-0,61022	0,541715	NA
RPA1	408,16	0,38	0,630329	0,610216	0,541719	0,8265763
MSANTD1	7,95	-0,45	0,741112	-0,61017	0,541748	0,8265763
RP11-463D19.2	5,23	-1,72	2,818489	-0,61013	0,541775	0,8265763
MT1X	87,67	-0,46	0,753518	-0,6101	0,541795	0,8265763
AC073264.6	3,89	-1,40	2,292131	-0,60999	0,541871	0,8266099
DAXX	174,58	0,48	0,785583	0,609933	0,541906	0,8266099
LINC00997	1,05	-1,04	1,710878	-0,60974	0,542036	NA
SLC4A1	6,46	0,55	0,905157	0,609694	0,542065	0,8267843
MCM10	1,30	0,74	1,219945	0,609592	0,542132	NA
UTP20	198,75	-0,42	0,685576	-0,60954	0,542169	0,8268759
RP11-1149M10.2	5,45	0,74	1,214749	0,609342	0,542298	0,8270042
RP11-126O22.1	1,20	2,27	3,730016	0,609315	0,542316	NA
RP11-434H14.1	113,38	-0,36	0,59032	-0,60907	0,542479	0,8272125
RP11-74E22.8	1,27	0,64	1,052101	0,609016	0,542514	NA
RN7SL510P	1,08	-1,11	1,823768	-0,60897	0,542544	NA
CDH26	3,19	0,98	1,610829	0,608853	0,542622	NA
MAP3K4	437,40	0,38	0,628612	0,608741	0,542696	0,8273489
POLQ	28,50	-0,67	1,099624	-0,60874	0,542697	0,8273489
RF00191	0,77	2,24	3,684078	0,608703	0,542722	NA
ARHGAP30	1551,25	-0,20	0,322456	-0,60868	0,542736	0,8273489
DPCD	133,11	0,54	0,891174	0,608606	0,542786	0,8273489
CTA-963H5.5	22,11	-0,96	1,572894	-0,6086	0,542791	0,8273489
CASP10	258,49	0,35	0,576906	0,608482	0,542868	0,8273985
RPS15AP24	0,78	2,27	3,734775	0,608459	0,542883	NA
RP11-311P8.2	0,74	2,21	3,630954	0,608399	0,542923	NA
ZNF843	5,82	-0,45	0,739543	-0,60839	0,542929	0,8274249
FUNDC1	107,36	0,71	1,164023	0,608148	0,543089	0,8274829
C12orf40	0,32	-2,06	3,381177	-0,60815	0,543091	NA
WDR6	367,78	0,42	0,683037	0,608126	0,543104	0,8274829
RPGR	179,15	0,46	0,760221	0,608106	0,543117	0,8274829
RP11-547D24.1	7,99	-0,58	0,948445	-0,60803	0,543167	0,8274829
RP11-134P9.3	5,17	1,04	1,717771	0,607996	0,54319	0,8274829
NWD1	12,28	-0,43	0,71513	-0,60784	0,543296	0,8275208
MIR7-3HG	6,50	-0,59	0,972207	-0,60782	0,543304	0,8275208
DGCR12	0,75	2,22	3,654491	0,607818	0,543308	NA
AL022341.3	1,31	1,79	2,938418	0,607772	0,543339	NA
FOSB	14443,27	0,15	0,240284	0,607758	0,543348	0,8275208
RP11-292D4.3	0,79	2,27	3,73482	0,607633	0,543431	NA
EIF3J	283,19	0,33	0,537297	0,607621	0,543439	0,8275915
MRPS27	403,09	0,44	0,727117	0,607487	0,543528	0,8276585

FERMT3	1064,12	-0,17	0,287345	-0,60735	0,543617	0,827727
SMARCC1	919,22	-0,25	0,406759	-0,60721	0,543709	0,8277501
AUP1	901,04	0,22	0,36676	0,607195	0,543721	0,8277501
CH17-80A12.1	4,10	0,63	1,040891	0,607074	0,543802	0,8277981
NEMF	1211,53	0,26	0,426242	0,607014	0,543842	0,8277981
RP11-20B24.7	0,73	1,54	2,530397	0,606904	0,543914	NA
RP11-520P18.1	0,78	2,27	3,734805	0,606805	0,54398	NA
GRAPL	0,75	2,23	3,674133	0,606796	0,543986	NA
ZC3HC1	124,65	0,53	0,881574	0,606764	0,544008	0,8279832
RP11-981G7.2	0,79	2,27	3,734891	0,606755	0,544013	NA
RP11-527H14.4	1,96	1,67	2,758602	0,606711	0,544042	NA
B3GALT1	25,72	0,39	0,638563	0,606648	0,544084	0,8280317
AP000350.6	0,77	2,24	3,692899	0,606608	0,544111	NA
RP11-677O4.2	0,54	1,05	1,735316	0,606423	0,544234	NA
RP11-46D6.1	1,42	-1,06	1,755519	-0,6064	0,544252	NA
AC073934.6	1,16	2,26	3,730271	0,606191	0,544388	NA
MCCC1	292,21	-0,46	0,766407	-0,60614	0,544425	0,8283343
CDH11	2,41	1,19	1,966981	0,606111	0,544441	NA
SCGB3A1	17,75	0,72	1,186892	0,605996	0,544517	0,8283343
RP11-379H18.1	86,15	-0,44	0,722612	-0,60598	0,544526	0,8283343
GPR141	76,22	-0,61	1,006538	-0,60597	0,544537	0,8283343
ID3	146,32	-0,43	0,71309	-0,60594	0,544552	0,8283343
RBM19	274,05	-0,38	0,620391	-0,60589	0,544585	0,8283343
ITGB1	960,38	0,20	0,327881	0,605819	0,544635	0,8283343
RP5-1021I20.5	49,49	0,35	0,570639	0,60581	0,544641	0,8283343
RP11-1018N14.2	9,02	0,43	0,710962	0,605745	0,544684	0,8283343
DNAH14	13,96	-0,62	1,022798	-0,60555	0,544814	0,8284645
UGT2B4	1,10	-0,87	1,441305	-0,60545	0,544878	NA
AC093642.3	98,32	-0,42	0,693242	-0,6053	0,54498	0,8286487
RP11-380L11.4	2,98	0,89	1,466133	0,605079	0,545127	NA
AL162151.1	6,53	-1,01	1,66735	-0,60508	0,545129	0,8288082
RP3-340N1.5	0,77	2,26	3,734941	0,604848	0,54528	NA
PAN2	217,71	-0,57	0,94721	-0,60481	0,545305	0,8289554
GM2A	398,46	-0,23	0,38467	-0,6048	0,545315	0,8289554
SEC14L3	2,24	0,93	1,532486	0,604529	0,545492	NA
RP11-91P17.1	5,09	0,84	1,381596	0,604482	0,545523	0,829168
UBE2D1	552,00	0,36	0,595098	0,604451	0,545544	0,829168
POMGNT2	65,19	1,15	1,894768	0,604346	0,545614	0,8291891
RP11-151N17.1	3,75	-0,92	1,528453	-0,6043	0,545644	NA
CTD-3222D19.12	11,51	0,40	0,663824	0,604296	0,545647	0,8291891
ZNF124	312,92	0,43	0,708021	0,604153	0,545742	0,8292652
RP11-223E19.1	0,66	-1,00	1,660057	-0,60406	0,545806	NA
RP5-998N21.7	4,75	1,40	2,319996	0,604023	0,545829	0,8293295
DLX6-AS1	46,32	-0,63	1,044673	-0,60378	0,545989	0,8295059
RP5-837O21.5	2,59	-0,72	1,195866	-0,60355	0,546142	NA
RNU6-234P	0,78	2,25	3,735018	0,603542	0,546148	NA
CLSPN	41,00	-0,66	1,088444	-0,60347	0,546196	0,829752
SLC38A10	446,06	-0,27	0,443279	-0,6034	0,546245	0,8297595
RP11-315H15.1	0,85	-1,15	1,910403	-0,60332	0,546297	NA
RP11-21M24.2	10,20	0,70	1,159732	0,603256	0,546339	0,8297599

MTERF4	165,53	0,39	0,6487	0,603255	0,546339	0,8297599
RP11-890B15.2	9,27	0,46	0,762165	0,603194	0,546379	0,8297599
AMER3	2,83	-1,00	1,658046	-0,60288	0,546589	NA
CTD-2116N20.1	3,97	-1,37	2,272053	-0,6027	0,546705	0,8300226
FCHSD2	554,11	0,33	0,55208	0,602657	0,546737	0,8300226
RP11-439C15.6	0,58	1,84	3,057196	0,602639	0,546749	NA
RN7SL483P	1,95	-0,86	1,428253	-0,60257	0,546797	NA
RP11-298I3.5	87,70	0,69	1,144364	0,602558	0,546803	0,8300226
DUX4L19	6,11	-1,33	2,21496	-0,60254	0,546817	0,8300226
CTC-504A5.1	0,78	2,25	3,734864	0,60247	0,546861	NA
KCTD7	62,31	0,47	0,776771	0,602267	0,546997	0,8300226
CTC-558O19.1	0,76	2,25	3,735028	0,602253	0,547006	NA
RP4-734P14.4	0,77	2,25	3,734961	0,602205	0,547038	NA
RP11-674E16.5	4,47	-0,83	1,374335	-0,60216	0,54707	0,8300226
SGMS1	154,56	-0,46	0,758241	-0,60213	0,547087	0,8300226
RCAN3	235,66	0,41	0,688404	0,602083	0,547119	0,8300226
RP11-651L5.3	27,23	-0,46	0,758971	-0,60207	0,547126	0,8300226
RP4-534N18.4	17,55	-0,43	0,720356	-0,60203	0,547152	0,8300226
STX18	230,74	-0,43	0,720804	-0,60203	0,547153	0,8300226
DRAM2	842,07	-0,31	0,513421	-0,60199	0,547179	0,8300226
CDAN1	36,21	-0,57	0,944017	-0,60199	0,54718	0,8300226
IL17RE	12,45	-0,60	0,99807	-0,60198	0,547187	0,8300226
AC108004.3	0,17	-2,23	3,699291	-0,60192	0,547227	NA
MIR548X2	1,97	2,02	3,351568	0,601919	0,547228	NA
RNU6-1190P	0,76	2,25	3,735154	0,601893	0,547246	NA
PSKH1	50,13	-0,75	1,243098	-0,60189	0,547249	0,8300226
CTD-2588E21.1	0,39	-1,72	2,850616	-0,60187	0,547258	NA
AC090505.4	8,34	0,74	1,228654	0,601678	0,547388	0,8300226
TTC32	140,75	0,58	0,957086	0,601644	0,547411	0,8300226
TM7SF2	45,54	0,86	1,436611	0,601637	0,547416	0,8300226
LA16c-4G1.3	12,91	-0,44	0,738157	-0,60157	0,547461	0,8300226
PARN	255,85	0,30	0,493739	0,601476	0,547523	0,8300226
ING1	234,20	-0,48	0,791432	-0,60146	0,547534	0,8300226
ENOPH1	253,99	0,42	0,706624	0,601449	0,547541	0,8300226
RPL8	11878,71	0,11	0,176901	0,601393	0,547578	0,8300226
AP000609.2	1,40	0,94	1,555581	0,601317	0,547629	NA
POLE3	450,30	-0,34	0,568656	-0,60128	0,547653	0,8300328
NDUFV1	1452,14	-0,20	0,338159	-0,60125	0,547674	0,8300328
RN7SL332P	0,57	-1,40	2,325033	-0,60114	0,54775	NA
PENK	0,79	2,24	3,73471	0,601096	0,547776	NA
RP11-231E19.1	31,18	0,71	1,184434	0,600976	0,547856	0,8301753
XPOT	305,71	0,38	0,639446	0,600973	0,547858	0,8301753
NRL	0,44	-2,03	3,372721	-0,60094	0,547882	NA
RP11-452D21.1	0,74	2,21	3,672326	0,600913	0,547898	NA
RN7SL118P	20,03	-1,12	1,861	-0,60085	0,547938	0,8302297
RP11-196G4.2	0,96	-0,71	1,189181	-0,6008	0,547973	NA
SGIP1	6,81	-0,87	1,44309	-0,60077	0,547992	0,8302437
RP5-862P8.2	158,92	0,66	1,101269	0,60068	0,548053	0,8302684
FAM25G	0,72	2,17	3,62098	0,600613	0,548098	NA
RN7SL398P	13,55	0,56	0,930436	0,600458	0,548201	0,8304247

RP11-746B8.1	1,01	1,41	2,356642	0,600415	0,54823	NA
RP11-316M21.6	0,88	-0,77	1,281445	-0,60037	0,548262	NA
RP11-285E9.5	4,54	-1,27	2,113869	-0,60013	0,548418	0,8306729
CTD-2201E18.3	275,52	-0,32	0,539643	-0,60002	0,548494	0,8306729
RP11-746L20.1	0,73	2,20	3,663243	0,599996	0,548509	NA
MIR320B2	0,75	2,24	3,735102	0,599974	0,548523	NA
AC114776.3	33,12	-0,40	0,668271	-0,59991	0,548564	0,8306729
RP11-20G6.1	0,77	2,24	3,735097	0,599864	0,548597	NA
FAAH2	0,88	1,93	3,216667	0,59982	0,548626	NA
RP11-274B21.12	0,58	1,85	3,087838	0,599781	0,548652	NA
RP11-380O24.1	13,52	-0,98	1,639791	-0,59976	0,548668	0,8306729
CLCN6	266,72	0,37	0,619416	0,599743	0,548678	0,8306729
IDH3A	559,78	0,28	0,464711	0,599708	0,548701	0,8306729
TMEM181	234,58	-0,31	0,518005	-0,59965	0,548737	0,8306729
MYH14	10,47	0,68	1,133065	0,599595	0,548776	0,8306729
DMBT1P1	11,21	-0,81	1,352681	-0,59954	0,548811	0,8306729
RP11-96D1.8	54,93	0,62	1,039246	0,599543	0,548811	0,8306729
XRCC2	146,75	-0,38	0,633172	-0,59947	0,548862	0,8306822
SPCS1	1093,74	-0,22	0,373638	-0,5992	0,54904	0,830835
RP3-335N17.2	54,55	-0,57	0,958433	-0,59917	0,549059	0,830835
PIK3R5	502,29	0,34	0,569518	0,599102	0,549105	0,830835
RN7SL33P	2,02	-0,86	1,442043	-0,59906	0,549133	NA
RP11-178L8.3	23,20	-0,33	0,558682	-0,59901	0,549166	0,830835
CTNNBIP1	231,48	-0,42	0,701797	-0,59898	0,549186	0,830835
ERICH6B	1,00	1,76	2,932294	0,598947	0,549208	NA
RP11-290F20.1	1,06	1,42	2,371816	0,598805	0,549303	NA
RP11-656E20.5	0,90	-1,17	1,945974	-0,59868	0,549384	NA
RP11-686D22.7	67,60	-0,95	1,593415	-0,59861	0,549436	0,8310411
TMEM132A	31,45	-0,44	0,728934	-0,59854	0,549477	0,8310411
CLDN10	7,28	-1,30	2,171871	-0,59854	0,549481	0,8310411
SLC25A15	18,05	-2,16	3,609644	-0,59851	0,549501	0,8310411
RP11-53O19.2	1,14	-1,19	1,987187	-0,59811	0,549765	NA
NISCH	615,82	-0,24	0,394041	-0,59806	0,549802	0,8314292
RP11-275F13.1	2,05	0,88	1,475128	0,597924	0,549891	NA
AC010547.9	0,75	2,23	3,735179	0,597798	0,549975	NA
ERICD	0,75	2,23	3,735201	0,597549	0,550141	NA
PDF	25,65	1,02	1,700118	0,597514	0,550164	0,8316251
GALM	152,00	0,42	0,696437	0,597474	0,550191	0,8316251
HBP1	616,25	0,29	0,481386	0,597439	0,550214	0,8316251
RBBP8	114,02	-0,42	0,698602	-0,59744	0,550216	0,8316251
TBCB	1406,25	0,15	0,250576	0,597417	0,550229	0,8316251
RP11-739P6.1	1,13	-0,88	1,468944	-0,5974	0,550237	NA
CEP162	151,11	-0,54	0,897361	-0,5974	0,550238	0,8316251
AC012507.3	32,59	-0,86	1,435293	-0,59739	0,550245	0,8316251
RP11-310A13.1	1,52	2,00	3,343231	0,597358	0,550269	NA
CTD-2173L22.4	1,07	1,44	2,41161	0,597283	0,550318	NA
MLIP	1,84	-0,92	1,544915	-0,59728	0,550321	NA
CLPTM1L	431,22	0,35	0,583013	0,597178	0,550388	0,8317738
MIR425	0,72	2,17	3,628325	0,597149	0,550408	NA
CHD9	827,45	0,25	0,420135	0,597112	0,550433	0,8317738

CTC-457E21.3	0,66	1,08	1,811665	0,597101	0,55044	NA
SGK2	1,06	2,23	3,731602	0,59708	0,550454	NA
CCDC26	183,28	0,28	0,464383	0,596953	0,550539	0,8317902
RP11-53B2.3	134,05	-0,49	0,821784	-0,5969	0,550576	0,8317902
AC011551.3	3,76	-0,77	1,297604	-0,59689	0,550578	0,8317902
RN7SL459P	1,75	1,61	2,698887	0,596742	0,55068	NA
RP11-326K13.5	1,27	1,74	2,923421	0,596687	0,550716	NA
RP11-1023L17.1	207,64	-0,38	0,629176	-0,5962	0,55104	0,8323579
GJA1	4,60	-0,75	1,254691	-0,5962	0,551043	0,8323579
RNA5P319	0,77	2,23	3,735345	0,596182	0,551054	NA
RP11-110I1.13	9,52	-1,25	2,092337	-0,59608	0,551125	0,832414
KLHL4	1,33	-1,34	2,243878	-0,59602	0,551163	NA
MIR4727	0,75	2,23	3,73526	0,595844	0,551279	NA
NHSL2	317,49	-0,38	0,64186	-0,59573	0,551358	0,8326529
ASB18	37,60	0,54	0,898953	0,595705	0,551372	0,8326529
RP13-158L7.1	5,27	-0,72	1,211265	-0,59554	0,551483	0,8327189
DZIP3	107,81	0,65	1,085109	0,595456	0,551539	0,8327189
EPS15	662,07	0,29	0,489113	0,595382	0,551588	0,8327189
DNAJB5-AS1	13,18	-0,84	1,411986	-0,59537	0,551595	0,8327189
RGS10	887,34	0,18	0,296564	0,595142	0,551749	0,832834
RP11-723O4.9	1,49	2,00	3,356038	0,595136	0,551752	NA
TSNAX	483,89	0,26	0,442621	0,595103	0,551774	0,832834
RP11-453E17.1	44,59	-0,51	0,8632	-0,595	0,551842	0,832834
RP1-267L14.3	5,06	0,74	1,245824	0,59499	0,55185	0,832834
GINM1	274,52	0,38	0,641356	0,594913	0,551902	0,832844
ARL6IP6	168,19	0,53	0,896091	0,594806	0,551973	0,8328577
POTEA	0,74	2,22	3,735257	0,594772	0,551996	NA
RP11-660M18.2	5,69	-0,42	0,708363	-0,59477	0,552	0,8328577
WI2-87327B8.2	0,48	-2,19	3,681821	-0,5945	0,552177	NA
RNU1-106P	9,28	-1,25	2,102108	-0,5945	0,552178	0,8328636
AC046143.5	59,00	-0,72	1,21037	-0,59447	0,5522	0,8328636
UQCRH	1065,11	-0,13	0,22443	-0,59441	0,552235	0,8328636
RN7SL282P	2,20	0,88	1,48318	0,594372	0,552263	NA
SLFNL1	0,81	-2,09	3,519737	-0,59431	0,552305	NA
AC006538.1	19,74	0,67	1,131052	0,594308	0,552306	0,8328636
GPR37L1	11,06	-0,47	0,79124	-0,59427	0,55233	0,8328636
RP11-71L14.4	13,86	0,33	0,562675	0,594234	0,552355	0,8328636
ECM2	3,07	1,54	2,58761	0,594225	0,552362	NA
RP11-81H14.1	3,39	0,71	1,189428	0,594083	0,552456	NA
ALG6	194,89	-0,55	0,924488	-0,59399	0,552518	0,8328636
ATF2	286,56	-0,38	0,634093	-0,59388	0,552594	0,8328636
PRKAR2A	671,89	-0,24	0,395886	-0,59387	0,552599	0,8328636
MYH10	118,88	0,66	1,116799	0,593825	0,552629	0,8328636
RP3-428L16.2	4,56	1,22	2,049539	0,593822	0,552631	0,8328636
PAK4	43,55	-0,53	0,897472	-0,59382	0,552631	0,8328636
RP11-90B9.3	4,77	-0,95	1,600073	-0,5938	0,552646	0,8328636
RP11-545D19.1	0,74	2,20	3,699858	0,593778	0,55266	NA
ZNF398	70,69	0,74	1,253235	0,593714	0,552703	0,8328636
ZDHC16	125,05	0,66	1,114463	0,593707	0,552708	0,8328636
MXI1	115,42	-0,48	0,811117	-0,59369	0,552721	0,8328636

RN7SL110P	0,58	-0,97	1,639395	-0,59354	0,552818	NA
PRR19	16,83	-0,51	0,858526	-0,59344	0,552887	0,8330189
SACM1L	333,62	0,37	0,627331	0,593369	0,552935	0,8330189
AC006486.10	9,63	-0,49	0,834133	-0,59333	0,552963	0,8330189
RP11-10017.3	0,59	1,86	3,127026	0,593249	0,553015	NA
SLC31A2	934,98	0,29	0,488429	0,593202	0,553046	0,8330189
CEP104	177,38	0,43	0,725202	0,5932	0,553048	0,8330189
NPIPA2	2,34	1,07	1,803218	0,593161	0,553073	NA
GATAD2A	329,60	-0,36	0,60385	-0,59312	0,5531	0,8330311
CTD-2195M18.1	2,33	-0,77	1,297794	-0,59303	0,553158	NA
RPS7P1	1,24	0,69	1,163161	0,593029	0,553161	NA
ARMCX5	33,98	0,71	1,19084	0,593024	0,553165	0,8330607
FGF5	5,47	0,48	0,801907	0,592817	0,553303	0,8331945
TUBB4B	1290,20	0,26	0,431467	0,592639	0,553422	0,8331945
LYSMD3	85,28	0,50	0,850916	0,592627	0,553431	0,8331945
RP11-31F15.2	35,15	0,47	0,785071	0,592624	0,553433	0,8331945
RP13-991F5.4	0,79	1,67	2,822713	0,59247	0,553536	NA
PCMTD1	564,29	0,29	0,49387	0,59228	0,553663	0,8333763
FBXL5	1125,66	-0,18	0,301983	-0,59226	0,553678	0,8333763
RP11-416H1.2	6,28	0,40	0,681748	0,592178	0,553732	0,8333763
NSMF	322,45	0,28	0,478997	0,592151	0,553749	0,8333763
RP11-324O2.3	50,57	0,61	1,029482	0,592109	0,553778	0,8333763
PSMA8	1,28	-1,88	3,180734	-0,59208	0,5538	NA
RP11-631M6.1	0,94	-0,98	1,647078	-0,59207	0,553804	NA
RNU6-422P	0,16	-2,20	3,710727	-0,59196	0,553876	NA
ABCE1	492,42	-0,30	0,508332	-0,59187	0,553937	0,8335489
TMEM198B	132,79	0,36	0,600726	0,591798	0,553986	0,8335552
RP11-169D4.1	66,07	-0,41	0,688643	-0,59167	0,554068	0,8336116
OXSRI	624,31	0,36	0,604346	0,591509	0,554179	0,833711
TSPAN13	5,09	0,65	1,102251	0,591364	0,554277	0,8337904
SH3BP5	355,43	0,34	0,577314	0,59121	0,55438	0,8338457
AC011525.4	0,76	2,21	3,735456	0,591189	0,554394	NA
OR2A9P	24,00	-0,75	1,275271	-0,59117	0,554403	0,8338457
RP11-148B6.1	15,99	-0,62	1,057594	-0,59088	0,554603	0,834079
SMC1A	1113,86	-0,30	0,50898	-0,59065	0,554756	0,8341229
RP11-206L10.17	5,07	-0,77	1,299075	-0,59064	0,554761	0,8341229
SNRPC	1140,84	0,17	0,292417	0,590632	0,554767	0,8341229
MYEF2	124,27	-0,22	0,367062	-0,59056	0,554815	0,8341274
SOX2	1,02	-1,42	2,40493	-0,59055	0,554819	NA
MIR760	0,74	2,21	3,735456	0,590471	0,554875	NA
C6orf223	2,21	1,34	2,276718	0,590406	0,554919	NA
SNAP23	593,29	-0,26	0,442614	-0,5904	0,554919	0,8342172
AC008850.3	1,07	-1,30	2,208882	-0,59034	0,554965	NA
RNU6-204P	0,73	2,17	3,68424	0,590217	0,555045	NA
RARRES2P4	0,74	2,20	3,735511	0,590181	0,555069	NA
TRIM66	107,59	0,52	0,889288	0,59018	0,55507	0,8343766
RP11-329B9.3	2,08	2,05	3,466254	0,590165	0,55508	NA
RP5-1029F21.3	0,56	1,80	3,058807	0,589977	0,555206	NA
CTD-2076M15.1	11,32	-0,59	1,00138	-0,58997	0,555212	0,8344521
RP11-180M15.4	0,79	1,66	2,810761	0,589951	0,555223	NA

RP11-33A14.1	7,76	-0,95	1,614059	-0,58993	0,555237	0,8344521
RP1-71L16.2	27,21	-0,55	0,926324	-0,5899	0,555255	0,8344521
RP11-547C5.2	2,35	-0,95	1,614274	-0,58969	0,555399	NA
ACSS2	260,39	0,25	0,417653	0,589651	0,555424	0,8346345
CACNA1F	8,00	-0,64	1,084529	-0,58959	0,555466	0,8346345
OR10AF1P	0,17	-2,19	3,712423	-0,58952	0,555514	NA
FAM72C	8,94	-1,42	2,416076	-0,58951	0,555519	0,834646
SNAP25-AS1	1,47	-0,86	1,461787	-0,5895	0,555525	NA
FGF18	0,70	1,48	2,509534	0,589247	0,555696	NA
GABARAPL1	494,67	-0,34	0,57945	-0,58924	0,555702	0,8346965
PABPC1L	95,13	-0,53	0,89304	-0,5892	0,555728	0,8346965
PPRC1	279,67	-0,43	0,725316	-0,5892	0,55573	0,8346965
NUMB	836,90	-0,19	0,315784	-0,58919	0,555732	0,8346965
CTD-2619J13.3	0,74	2,20	3,735434	0,589124	0,555778	NA
RP11-322M19.4	1,54	1,43	2,421459	0,589038	0,555835	NA
RP11-318A15.7	0,72	2,15	3,64603	0,588905	0,555925	NA
CCDC40	15,22	0,56	0,943161	0,588822	0,555981	0,8350036
RP11-245J9.6	4,71	1,09	1,857721	0,58866	0,556089	0,835099
CTR9	484,13	-0,37	0,631046	-0,58859	0,556138	0,8351046
RP11-548O1.3	0,16	-2,18	3,707748	-0,58858	0,556145	NA
RNU6ATAC9P	0,73	2,20	3,735545	0,588382	0,556276	NA
RP11-405M12.2	17,80	-0,43	0,729077	-0,58828	0,556341	0,8353423
ZNF165	15,80	0,91	1,550858	0,588146	0,556435	0,8354151
TOLLIP	371,41	0,39	0,658788	0,58803	0,556512	0,8354641
CTD-2319I12.10	1,46	-1,04	1,765254	-0,58802	0,556516	NA
GFRAL	0,63	-1,20	2,043999	-0,58801	0,556525	NA
TGFB2-OT1	0,74	2,18	3,69994	0,587967	0,556555	NA
ATXN3	539,80	0,29	0,497084	0,587888	0,556607	0,8355397
RP11-379B18.6	0,73	-2,07	3,514644	-0,58766	0,556763	NA
RPS12P31	0,74	2,19	3,735514	0,587519	0,556855	NA
RP11-17A4.1	0,69	1,46	2,486446	0,587443	0,556906	NA
RP11-1136G11.6	0,65	0,76	1,295121	0,587422	0,55692	NA
TRAF7	235,67	0,40	0,674197	0,587316	0,556991	0,8360487
APOC1P1	3,80	-0,51	0,865089	-0,58722	0,557053	0,8360743
RP11-141C7.3	0,73	2,19	3,735589	0,587206	0,557065	NA
VAV2	76,10	-0,60	1,018396	-0,58711	0,557131	0,8360998
RP11-45A17.3	6,30	-0,98	1,66738	-0,58704	0,557178	0,8360998
DENND3	975,96	0,29	0,495949	0,586959	0,557231	0,8360998
RP4-583P15.10	4,30	-1,45	2,471591	-0,58693	0,55725	0,8360998
AP1M2	12,05	-0,63	1,074917	-0,58676	0,557366	0,8361359
HIST1H3J	0,68	-2,15	3,668891	-0,58676	0,557368	NA
AC013267.2	234,13	-0,67	1,139125	-0,58672	0,557389	0,8361359
MAF	34,62	-0,63	1,065691	-0,58669	0,557409	0,8361359
RP11-30L15.4	0,67	1,41	2,4018	0,586531	0,557519	NA
EHD4	230,20	0,32	0,53904	0,5865	0,55754	0,8361571
AC012370.3	5,76	-0,49	0,836512	-0,58649	0,557545	0,8361571
EXOC2	203,50	-0,37	0,622536	-0,58647	0,557558	0,8361571
RP11-159H20.1	0,85	-0,93	1,578898	-0,58637	0,557627	NA
GRB2	3876,26	0,11	0,19596	0,586337	0,557649	0,8362259
PF4V1	0,16	-2,18	3,710716	-0,58628	0,557687	NA

CTC-73602.1	1,71	1,33	2,2728	0,586211	0,557734	NA
SOBP	1,28	1,42	2,416424	0,586168	0,557762	NA
EPPIN	48,79	-0,52	0,892877	-0,58611	0,557805	0,8363924
SNORD42A	1,30	-0,61	1,049375	-0,58595	0,55791	NA
OR2T6	5,40	-1,63	2,787152	-0,58578	0,558025	0,8365545
MAP3K20-AS1	15,54	0,76	1,300243	0,58574	0,558051	0,8365545
PRR23C	4,47	-0,70	1,188185	-0,58569	0,558087	0,8365545
FTCDNL1	64,98	-0,62	1,066228	-0,58568	0,558093	0,8365545
MIR54802	0,72	-1,34	2,284988	-0,58567	0,558096	NA
RP11-340I6.13	13,77	0,53	0,902407	0,585539	0,558185	0,8366256
ZNF670-ZNF695	41,13	-0,40	0,683968	-0,58542	0,558268	0,8366822
RP11-689P11.2	0,67	-0,83	1,414767	-0,58531	0,558338	NA
AP000337.3	2,36	1,19	2,040649	0,585301	0,558346	NA
ERCC6L2	271,24	-0,50	0,85463	-0,58518	0,558426	0,8368251
DNAAF2	115,53	-0,53	0,91364	-0,58514	0,558453	0,8368251
PRAMEF1	1,10	1,39	2,383871	0,585114	0,558471	NA
RP11-357H14.16	0,56	-0,82	1,394732	-0,58478	0,558697	NA
RP11-504P24.3	105,15	0,44	0,756571	0,584764	0,558706	0,8371372
CSK	1569,69	0,15	0,258296	0,584687	0,558758	0,8371473
RP5-1182A14.8	0,58	-0,82	1,395906	-0,58448	0,558896	NA
RP11-340L3.1	19,08	-0,44	0,744541	-0,58447	0,558906	0,837301
AC008440.5	0,36	1,33	2,275038	0,584382	0,558963	NA
RP11-119D9.1	113,32	-0,52	0,88572	-0,58434	0,558992	0,8373633
RP11-589N15.1	0,72	2,18	3,735708	0,584311	0,559011	NA
AC010129.1	0,40	1,31	2,247521	0,584189	0,559093	NA
ZNF208	8,07	0,79	1,344205	0,584133	0,559131	0,8374022
BABAM1	417,86	-0,28	0,473481	-0,58411	0,559148	0,8374022
CFLAR	2125,12	0,23	0,395105	0,584062	0,559179	0,8374022
TMEM60	128,03	-0,64	1,099382	-0,58403	0,559198	0,8374022
NAA20	594,78	0,30	0,518527	0,583868	0,559309	0,8375004
RP5-1073F15.1	1,23	1,68	2,883517	0,583767	0,559377	NA
CTD-2311M21.2	101,17	-0,43	0,737623	-0,58374	0,559396	0,8375442
RP11-212I21.5	0,73	2,18	3,735736	0,583675	0,559439	NA
SLC7A11	28,22	0,58	1,000594	0,583625	0,559473	0,8375442
AC016747.2	534,68	0,31	0,530447	0,583624	0,559473	0,8375442
MGRN1	176,06	-0,34	0,584214	-0,58348	0,559569	0,8376206
EYS	55,83	-0,50	0,859104	-0,58336	0,559652	0,8376771
NUBP2	369,63	0,40	0,680655	0,583175	0,559775	0,8377571
RP11-193H5.8	0,37	1,32	2,265396	0,583159	0,559786	NA
RP11-124N2.1	0,57	1,81	3,106913	0,583106	0,559822	NA
AREL1	318,39	0,34	0,575135	0,583094	0,55983	0,8377571
ZNF281	225,97	-0,44	0,746191	-0,58308	0,559841	0,8377571
WFDC8	0,67	-0,98	1,689336	-0,583	0,559894	NA
C14orf156	228,30	-0,18	0,301904	-0,58296	0,55992	0,8378085
RP13-317D12.3	5,52	0,60	1,037183	0,582891	0,559967	0,8378112
AC053545.3	1,72	2,17	3,727298	0,582845	0,559998	NA
TIMM10	299,29	-0,25	0,42516	-0,58271	0,560086	0,8378966
RP11-404H14.1	4,39	-0,79	1,355088	-0,58267	0,560114	0,8378966
BTD	69,44	0,59	1,009741	0,58252	0,560217	0,8379829
RNA5P527	0,59	1,85	3,167926	0,582471	0,56025	NA

UQCFS1	2090,81	0,19	0,33109	0,582372	0,560316	0,8380532
LMLN	91,56	-0,58	0,999406	-0,58232	0,560354	0,8380532
RP11-113J24.4	0,56	1,79	3,077008	0,582307	0,56036	NA
NCK2	62,50	0,56	0,967487	0,582122	0,560485	0,8381817
RP1-93H18.7	0,74	2,17	3,735774	0,582068	0,560521	NA
EVI5L	12,39	-0,61	1,046174	-0,58188	0,560647	0,8383203
RP11-262H14.3	27,37	-1,47	2,534095	-0,58177	0,560724	0,8383203
RP11-307A17.2	37,24	-0,35	0,598985	-0,58172	0,560753	0,8383203
RP11-966I7.3	1,95	-0,61	1,042745	-0,58172	0,560757	NA
APOA2	6,41	-0,55	0,94412	-0,58172	0,560758	0,8383203
RP11-218M11.1	1,50	1,99	3,416786	0,581601	0,560836	NA
RP11-97O12.5	37,52	-0,64	1,100326	-0,58157	0,560858	0,8384031
AC005301.9	45,57	0,50	0,861154	0,581473	0,560921	0,8384304
ARL17A	206,05	-0,24	0,404315	-0,58133	0,561018	0,8384678
RHOT2	551,79	-0,23	0,402525	-0,5813	0,561037	0,8384678
PHYH	57,98	0,51	0,881037	0,581126	0,561156	0,8385205
ZDHC21	94,09	-0,55	0,941779	-0,58102	0,561224	0,8385205
RP11-775J23.1	0,70	2,13	3,660456	0,581016	0,56123	NA
AP000437.3	47,74	0,50	0,864151	0,581008	0,561235	0,8385205
RP11-346A3.2	1,17	-0,98	1,682071	-0,58096	0,561267	NA
PRSS55	1,50	0,90	1,550232	0,580952	0,561273	NA
TIPIN	19,87	0,71	1,220959	0,580943	0,561279	0,8385205
ZNF131	312,18	-0,28	0,490511	-0,58089	0,561314	0,8385205
ZMYM2	730,75	0,29	0,502902	0,580803	0,561373	0,8385205
RNVU1-3	15,44	-0,70	1,201945	-0,58077	0,561393	0,8385205
RP11-457P14.4	2,67	-0,71	1,218363	-0,58072	0,561427	NA
RP11-403P17.5	0,72	2,17	3,73596	0,580717	0,561431	NA
PER2	179,99	0,39	0,668485	0,580684	0,561454	0,8385205
SNCAIP	4,13	-0,73	1,25913	-0,58065	0,561477	0,8385205
RP11-468E2.12	0,27	-1,24	2,139957	-0,58061	0,561505	NA
RP11-36C20.1	1,09	-0,64	1,107884	-0,58054	0,56155	NA
MIR4477B	0,69	2,11	3,637411	0,580502	0,561576	NA
RP11-115H13.1	6,99	-0,47	0,809622	-0,58049	0,561585	0,8386053
STRA6	4,34	-0,55	0,953104	-0,58039	0,561651	0,8386053
PLCL2	357,75	-0,38	0,662871	-0,58036	0,56167	0,8386053
SNTB1	184,94	-0,57	0,982423	-0,58022	0,561765	0,8386811
AC010138.3	0,84	1,10	1,902057	0,580107	0,561842	NA
METTL7B	3,36	1,47	2,528612	0,580103	0,561845	NA
NID2	15,08	-1,40	2,41913	-0,58009	0,561852	0,8387439
RP11-69H7.3	1,31	-1,15	1,983304	-0,58008	0,561863	NA
PTTG2	0,55	1,81	3,114979	0,580033	0,561893	NA
ADCY9	85,87	-0,57	0,983861	-0,58002	0,561903	0,8387521
PERM1	0,95	-1,60	2,754041	-0,57999	0,561919	NA
RP11-158I13.2	5,51	-1,97	3,404602	-0,57994	0,561952	0,8387575
CBL	916,01	0,25	0,43508	0,579835	0,562026	0,8388006
RP11-709D24.8	0,27	-2,14	3,699735	-0,57963	0,562165	NA
RP11-1038A11.2	15,95	-0,66	1,131618	-0,57962	0,562168	0,8389452
ZNF705C	1,12	2,16	3,730842	0,579448	0,562287	NA
RP5-1085F17.4	7,02	1,50	2,585178	0,579439	0,562293	0,8390653
AC106873.2	1,13	2,16	3,730763	0,579341	0,562359	NA

RPL23AP84	0,72	2,16	3,735873	0,579311	0,562379	NA
TUBD1	39,27	-0,49	0,838165	-0,5793	0,562383	0,8391326
KDELC1	1,97	1,52	2,626968	0,579296	0,56239	NA
MRPS26	317,36	0,44	0,752066	0,579198	0,562456	0,839173
PDHA1P1	0,16	-2,15	3,713938	-0,57917	0,562475	NA
ENGASE	203,73	-0,34	0,593921	-0,57909	0,562529	0,8392154
RP11-705O3.1	20,18	-0,48	0,834798	-0,57886	0,562683	0,8393342
EBP	952,00	-0,24	0,406906	-0,57884	0,562699	0,8393342
RP11-562A8.3	0,16	-2,15	3,713906	-0,57872	0,562779	NA
RP11-401M16.7	16,86	-0,52	0,903731	-0,57866	0,562821	0,8394334
RP11-50D9.4	0,72	2,16	3,735931	0,57865	0,562825	NA
FILIP1L	204,24	0,62	1,073166	0,578587	0,562868	0,8394334
CAPRIN2	133,03	-0,53	0,908328	-0,57854	0,562901	0,8394334
AC111200.2	9,92	-0,36	0,629235	-0,57845	0,562962	0,8394574
ZC3H3	75,93	0,49	0,851182	0,578291	0,563068	0,8395166
RP11-754I20.3	0,71	2,16	3,735942	0,578286	0,563071	NA
RP11-403I13.8	66,65	-0,49	0,844282	-0,57819	0,563134	0,8395166
CH507-396I9.3	0,70	2,13	3,685887	0,578135	0,563173	NA
MAP3K11	659,21	-0,24	0,418509	-0,57812	0,563183	0,8395166
ATOH8	2,65	2,14	3,696734	0,578093	0,563201	NA
AC034193.5	6,26	-0,54	0,928566	-0,578	0,563262	0,8395166
DNMT3L	0,71	2,11	3,651272	0,577893	0,563337	NA
LPO	12,55	0,46	0,790227	0,577883	0,563343	0,8395166
RP11-342K2.1	41,37	0,51	0,881471	0,577726	0,563449	0,8395166
ASNA1	174,02	0,35	0,610836	0,577717	0,563455	0,8395166
HNRNPU	5214,41	-0,12	0,199608	-0,5777	0,563467	0,8395166
RPL39L	21,34	-0,70	1,214218	-0,57767	0,563487	0,8395166
RNU6-94P	4,15	-0,85	1,472594	-0,57766	0,563495	0,8395166
WDTC1	92,49	-0,31	0,538245	-0,57765	0,563498	0,8395166
VGLL3	91,28	-0,32	0,562378	-0,57756	0,563561	0,8395426
CTB-78F1.1	1,66	0,93	1,604542	0,577525	0,563585	NA
CMTM1	0,43	1,29	2,24135	0,577461	0,563628	NA
DBR1	126,89	-0,61	1,050925	-0,57745	0,563633	0,8395461
RP11-419I17.2	3,14	-0,78	1,352212	-0,57743	0,563646	NA
RP11-553L6.5	3,04	-2,09	3,622747	-0,57743	0,56365	NA
RPS2P5	279,75	0,25	0,425209	0,577424	0,563653	0,8395461
RP1-273N12.4	0,51	-1,03	1,783229	-0,57716	0,563829	NA
VIPAS39	154,59	-0,58	1,001184	-0,57716	0,563829	0,8397086
VPS29	1495,65	0,18	0,31929	0,57711	0,563865	0,8397086
ADA	188,01	-0,49	0,842447	-0,57706	0,563898	0,8397086
UBE2V2	403,81	0,37	0,64429	0,576989	0,563947	0,839714
RNA5SP219	2,55	1,43	2,480899	0,57697	0,56396	NA
ZC3H6	190,03	0,37	0,649978	0,576901	0,564006	0,839736
RP11-131M11.2	0,90	1,87	3,244838	0,57688	0,56402	NA
C1GALT1C1	222,79	-0,63	1,08426	-0,57678	0,564085	0,8397861
RP11-91P24.6	2,88	-1,15	1,991448	-0,57677	0,564094	NA
NEUROG3	0,71	2,12	3,671847	0,576745	0,564112	NA
VHL	238,80	-0,30	0,524429	-0,57664	0,564182	0,8398378
RPTN	0,16	-2,14	3,714215	-0,57656	0,564238	NA
ECM1	2,81	1,49	2,583432	0,576522	0,564262	NA

RP11-216L13.19	8,74	0,58	1,012597	0,576411	0,564337	0,8398378
RP11-294O2.2	19,05	0,36	0,621348	0,576406	0,56434	0,8398378
SNORA15B-1	0,70	2,15	3,736153	0,576406	0,564341	NA
SNORA15B-2	0,70	2,15	3,736153	0,576406	0,564341	NA
SNX4	460,30	-0,45	0,77508	-0,57641	0,564341	0,8398378
MFSD2A	114,95	-0,54	0,942126	-0,5764	0,564346	0,8398378
MVB12A	143,95	-0,39	0,674376	-0,57632	0,564398	0,8398481
ODF3L1	1,62	-1,66	2,876999	-0,57612	0,564531	NA
GLUD1	818,42	-0,27	0,468546	-0,57609	0,564557	0,8400173
SCARA5	0,54	1,12	1,951848	0,576041	0,564587	NA
RP11-452I5.2	0,55	1,77	3,071021	0,576024	0,564599	NA
RP11-79H23.3	5,85	0,82	1,421636	0,575948	0,564651	0,84009
CTA-305I2.1	27,72	0,71	1,229336	0,575853	0,564715	0,8401183
GUCY1A2	0,58	1,00	1,73338	0,575821	0,564736	NA
SOX5	11,97	0,58	0,999705	0,575559	0,564913	0,8403463
CTD-3065B20.3	4,88	1,38	2,394817	0,575437	0,564996	0,8404022
RP11-472K22.2	27,62	0,35	0,604177	0,57518	0,56517	0,840529
RP4-640H8.2	7,13	0,47	0,809958	0,575177	0,565172	0,840529
OR6C6	0,89	-0,64	1,119757	-0,57505	0,565255	NA
GGACT	8,98	-1,22	2,12536	-0,57503	0,565269	0,8405484
TIMM23B	241,66	0,44	0,760083	0,574985	0,565302	0,8405484
NUBPL	185,38	0,31	0,54757	0,57492	0,565345	0,8405484
BRSK1	0,14	-1,92	3,333496	-0,57488	0,565376	NA
BCL2L13	313,57	-0,34	0,593568	-0,57487	0,565378	0,8405484
RTCA	151,82	-0,44	0,773539	-0,57471	0,565487	0,8405484
TPCN1	582,31	0,26	0,45906	0,574705	0,565491	0,8405484
SLFN13	90,03	0,47	0,810245	0,57469	0,565501	0,8405484
CTD-2013N17.4	0,71	-0,90	1,571171	-0,57459	0,565566	NA
MIR4530	0,66	1,39	2,417142	0,574574	0,565579	NA
SPC25	7,94	0,73	1,275424	0,574476	0,565646	0,8406951
LSM11	34,50	0,45	0,780097	0,574411	0,56569	0,8406951
PEX11A	17,78	-0,63	1,099554	-0,57398	0,565982	0,840891
B4GALT2	11,97	-1,68	2,919587	-0,57383	0,566086	0,840891
RP5-836N10.1	60,99	0,38	0,656648	0,573815	0,566093	0,840891
SLC41A2	163,13	0,53	0,928835	0,573807	0,566098	0,840891
RP11-131L12.4	30,31	0,71	1,244663	0,573793	0,566108	0,840891
KIF1B	376,40	0,34	0,597596	0,573754	0,566134	0,840891
RP4-756H11.5	12,39	-0,75	1,315342	-0,57375	0,566138	0,840891
GAPVD1	639,91	0,28	0,491032	0,57363	0,566218	0,8409084
RPS3AP49	1,82	-0,47	0,813335	-0,5736	0,566238	NA
RP11-112L6.5	63,37	0,30	0,521083	0,573597	0,56624	0,8409084
CNTRL	934,52	-0,24	0,420607	-0,57346	0,566333	0,8409783
CCDC117	220,05	0,41	0,722348	0,57308	0,566591	0,8411729
AP000688.14	12,42	1,08	1,886531	0,573072	0,566596	0,8411729
LACE1	92,50	0,60	1,043981	0,572972	0,566664	0,8411729
MRE11A	352,72	-0,28	0,49038	-0,57289	0,566721	0,8411729
ADD3-AS1	102,16	0,61	1,056516	0,572737	0,566823	0,8411729
IGLV3-10	2,77	-1,01	1,759202	-0,57267	0,566868	NA
RPS23	5044,32	-0,11	0,184627	-0,57261	0,566906	0,8411729
RP11-380G5.2	15,11	0,74	1,300799	0,572609	0,566909	0,8411729

AC002472.11	12,04	-0,60	1,051131	-0,57261	0,566911	0,8411729
SIAH1	207,66	-0,45	0,794315	-0,57258	0,566931	0,8411729
MESP2	0,59	1,38	2,415558	0,572552	0,566948	NA
RP5-1086K13.1	74,97	-0,93	1,626044	-0,57252	0,566971	0,8411729
LINC00692	0,37	1,29	2,260369	0,572482	0,566995	NA
AC064834.3	1,98	1,27	2,221807	0,572475	0,567	NA
AC097467.2	8,16	-0,68	1,193324	-0,57245	0,567018	0,8411729
RP11-118E18.1	0,70	2,14	3,736189	0,572431	0,56703	NA
AC064852.4	6,86	1,34	2,334337	0,572425	0,567034	0,8411729
CDC23	77,08	-0,43	0,757146	-0,57238	0,567066	0,8411729
RP11-85B7.4	0,71	2,14	3,736139	0,572319	0,567106	NA
RP5-858L17.1	5,37	1,06	1,846692	0,572305	0,567115	0,8411729
C11orf63	91,66	-0,49	0,856522	-0,57225	0,567151	0,8411729
AC022431.3	7,36	-0,49	0,861383	-0,57218	0,567201	0,8411729
POMT2	64,53	0,47	0,814164	0,572132	0,567232	0,8411729
GEMIN2	61,47	0,42	0,735583	0,571981	0,567335	0,8412577
AC007679.1	0,68	0,83	1,459329	0,571689	0,567532	NA
RPL7P41	2,09	-0,66	1,151905	-0,57128	0,567809	NA
OR6K1P	4,52	0,64	1,12654	0,571256	0,567826	0,8417928
OXT	1,43	1,93	3,384951	0,571144	0,567902	NA
KLF9	620,12	0,27	0,472124	0,571131	0,567911	0,8417928
TNFAIP8L3	7,54	0,48	0,847681	0,571128	0,567913	0,8417928
CTC-450M9.1	0,67	1,41	2,471257	0,571104	0,567929	NA
RP11-438N16.1	48,69	-0,38	0,659086	-0,57107	0,567951	0,8417928
ZNF280C	59,86	-0,66	1,154612	-0,57106	0,567962	0,8417928
TRIM2	66,08	0,74	1,304273	0,571048	0,567967	0,8417928
RP11-585K6.1	0,54	1,76	3,080389	0,570964	0,568024	NA
UNK	62,22	0,66	1,153031	0,570927	0,568049	0,8418479
RP11-445O3.1	0,81	1,65	2,888781	0,570877	0,568083	NA
RNU6V	0,70	2,13	3,736233	0,570877	0,568083	NA
FAM220A	98,88	-0,78	1,373942	-0,57086	0,568095	0,8418479
RNF4	450,40	0,30	0,532322	0,570711	0,568196	0,841904
COQ2	147,93	0,49	0,862598	0,570671	0,568223	0,841904
APOD	2,23	0,93	1,631057	0,570567	0,568293	NA
RP11-56H2.2	0,16	-2,12	3,715257	-0,57056	0,568296	NA
GOSR2	358,78	0,41	0,718137	0,570376	0,568423	0,8421333
AC125238.3	0,67	2,06	3,620312	0,57024	0,568515	NA
ZNF772	13,62	-0,62	1,090656	-0,57022	0,568529	0,8421364
NOC2L	205,87	-0,29	0,510932	-0,57021	0,568536	0,8421364
CTD-2311B13.5	0,16	-2,12	3,715319	-0,57016	0,568573	NA
SETD2	1479,32	-0,20	0,350953	-0,57009	0,568618	0,8421364
IRGM	3,86	0,70	1,233476	0,57007	0,56863	0,8421364
PRSS23	120,04	0,29	0,50932	0,570039	0,568651	0,8421364
SLC8A1	1194,84	-0,22	0,3937	-0,56995	0,568713	0,842161
TDRD9	13,84	-0,78	1,365206	-0,56978	0,568824	0,8422573
ZYX	2076,45	0,16	0,276469	0,569528	0,568998	0,8423787
TICAM2	159,48	-0,61	1,074509	-0,5694	0,569083	0,8423787
RP11-245C17.2	6,55	-0,59	1,041197	-0,56939	0,569094	0,8423787
RHOBTB1	77,43	-1,55	2,714456	-0,56936	0,56911	0,8423787
ZYG11A	12,67	-0,44	0,7658	-0,56933	0,569132	0,8423787

HIST1H1E	287,25	0,31	0,546191	0,569242	0,569192	0,8424003
KRT23	0,20	-2,11	3,701952	-0,56919	0,569229	NA
CCDC125	290,72	0,29	0,50388	0,569089	0,569296	0,8424603
AC000059.1	49,11	0,66	1,153913	0,569049	0,569323	0,8424603
RP11-43P5.1	2,60	0,66	1,167206	0,568971	0,569376	NA
CTD-2270P14.5	3,04	-0,66	1,162612	-0,56891	0,569418	NA
LOC440461	3,84	-1,44	2,525454	-0,56885	0,56946	0,8425967
CTD-2199O4.1	2,65	-0,72	1,261434	-0,56879	0,569501	NA
PGRMC2	136,64	-0,49	0,856656	-0,56861	0,569624	0,8427717
TYRP1	0,16	-2,11	3,711676	-0,56855	0,56966	NA
SLC37A3	71,95	-0,46	0,803617	-0,56839	0,569767	0,8429169
RP13-635I23.4	1,47	-1,46	2,56412	-0,56833	0,569808	NA
KCNJ12	1,36	1,21	2,134028	0,568299	0,569832	NA
RP11-568N6.1	9,59	-0,59	1,038034	-0,56827	0,56985	0,8429718
PSG1	2,44	-0,98	1,727711	-0,56821	0,569891	NA
OGG1	138,53	-0,60	1,05194	-0,56815	0,569935	0,8430301
RP1-224A6.9	1,08	-1,79	3,159239	-0,56811	0,56996	NA
OOEP	0,53	1,74	3,064258	0,568095	0,56997	NA
RP11-861A13.3	0,79	1,62	2,84399	0,56802	0,570022	NA
RNU7-28P	0,77	1,61	2,831251	0,567955	0,570066	NA
HCLS1	3418,41	0,12	0,20846	0,567947	0,570071	0,8431646
CTC-505O3.3	3,95	-0,76	1,3309	-0,56782	0,570154	0,8432205
RP13-923O23.7	52,20	-0,35	0,619086	-0,56742	0,570426	0,8434443
AP000347.2	170,59	-0,42	0,744013	-0,56742	0,570427	0,8434443
ST13	897,65	0,27	0,47104	0,567335	0,570487	0,8434443
RP11-459F6.3	0,70	2,12	3,736417	0,567324	0,570494	NA
RP11-284P20.2	12,24	-0,38	0,663821	-0,56727	0,570528	0,8434443
RHEBP1	6,28	1,29	2,27149	0,567258	0,570539	0,8434443
GGCX	329,73	-0,26	0,450383	-0,5672	0,570577	0,8434443
RP3-339A18.6	2,78	-0,64	1,119722	-0,56714	0,570617	NA
ILF2	1622,07	0,19	0,329622	0,56713	0,570626	0,8434488
RP11-66N24.4	157,13	-0,44	0,780785	-0,56706	0,570674	0,8434536
RP11-505C13.1	1,80	-1,25	2,20418	-0,56697	0,570734	NA
HAS2AS	0,31	1,00	1,766294	0,566861	0,570809	NA
AC112255.1	0,47	0,88	1,553848	0,566852	0,570814	NA
ZNF805	51,94	0,83	1,468116	0,566797	0,570852	0,8435831
C17orf51	12,87	0,75	1,32017	0,566796	0,570853	0,8435831
RP11-126O22.10	0,71	2,12	3,736344	0,566728	0,570899	NA
GUCY2F	0,67	2,06	3,640145	0,56653	0,571034	NA
AC073551.1	1,25	1,69	2,974964	0,566481	0,571067	NA
LIMS3	11,37	0,65	1,142118	0,566446	0,57109	0,8438122
RP5-998N21.4	0,68	2,08	3,671344	0,566401	0,571121	NA
AC007318.5	1,61	0,70	1,232086	0,566399	0,571123	NA
CD180	547,57	-0,38	0,672334	-0,56638	0,571136	0,8438122
MON1A	154,62	0,58	1,022391	0,566368	0,571144	0,8438122
DPY19L3	134,09	0,37	0,661126	0,566185	0,571268	0,8439287
COQ10A	26,11	0,39	0,684967	0,566111	0,571318	0,8439364
RN7SL190P	2,13	0,56	0,986855	0,565994	0,571398	NA
RN7SL147P	4,04	-0,63	1,116041	-0,56594	0,571436	0,8439388
AC007950.2	3,03	0,96	1,694923	0,565865	0,571485	NA

IFIT1	481,77	-0,73	1,289038	-0,56581	0,57152	0,8439388
ARRDC3	783,92	0,33	0,581284	0,565802	0,571529	0,8439388
PRR5	6,50	-0,52	0,926374	-0,56576	0,57156	0,8439388
ZNF675	181,95	0,45	0,788575	0,565694	0,571602	0,8439388
RPL15P20	0,64	0,74	1,307886	0,565692	0,571603	NA
LANCL1	184,88	-0,60	1,066199	-0,56565	0,571632	0,8439388
RP11-671J11.5	172,78	-0,31	0,549865	-0,56562	0,571651	0,8439388
NLRP11	8,25	-0,57	1,005446	-0,56557	0,571683	0,8439388
NDUFS7	1475,53	0,17	0,296522	0,565444	0,571772	0,8439436
IGLL5	3,95	-0,64	1,13763	-0,56536	0,571831	0,8439436
BEX3	18,99	1,01	1,777946	0,565264	0,571895	0,8439436
RP11-113C12.1	0,50	-1,27	2,244062	-0,56522	0,571921	NA
EXOSC4	208,93	0,51	0,902447	0,565196	0,571941	0,8439436
MED12L	46,62	-0,59	1,036222	-0,56519	0,571945	0,8439436
RP11-461G12.3	1,23	-1,44	2,545519	-0,56507	0,572025	NA
RP11-261E12.2	0,54	1,76	3,116047	0,564948	0,572109	NA
ZNF354B	40,15	0,40	0,709449	0,564947	0,57211	0,8439436
RP11-455P21.3	1,68	-1,22	2,158071	-0,56495	0,57211	NA
SLC30A4	84,91	-0,40	0,704179	-0,56494	0,572113	0,8439436
RP11-274G22.1	24,12	0,49	0,859335	0,56489	0,572148	0,8439436
SMPD4	177,00	0,40	0,700051	0,564886	0,572151	0,8439436
RNU6-415P	5,20	1,43	2,538021	0,564865	0,572165	0,8439436
SURF2	154,03	0,41	0,732977	0,564822	0,572195	0,8439436
AC018809.6	2,39	0,67	1,193056	0,56481	0,572203	NA
AP000479.1	0,24	-1,90	3,370254	-0,56477	0,572228	NA
BSCL2	322,94	-0,28	0,50437	-0,56477	0,57223	0,8439436
RP1-2705.3	3,60	-0,72	1,278991	-0,56466	0,572307	NA
AC009950.2	102,49	-0,46	0,809253	-0,56463	0,572323	0,8439824
MPZ	1,57	1,68	2,98129	0,564607	0,572341	NA
NSFP1	6,52	1,77	3,133881	0,564598	0,572348	0,8439824
GJD4	3,18	0,69	1,224704	0,564593	0,572351	NA
AF003626.1	0,54	1,75	3,099909	0,564535	0,57239	NA
MIR4469	0,67	-2,07	3,667705	-0,56451	0,572409	NA
RP11-57P19.1	4,15	0,53	0,945743	0,564329	0,57253	0,8440167
RP1-187B23.1	10,62	0,67	1,195183	0,564327	0,572532	0,8440167
AIRN	0,67	-1,30	2,309637	-0,56424	0,572592	NA
RF01241	4,25	0,61	1,077171	0,564197	0,57262	0,8440167
NAA16	164,91	-0,43	0,759217	-0,56417	0,572636	0,8440167
RP11-1103G16.1	14,59	-0,46	0,80978	-0,56417	0,572639	0,8440167
OPRL1	41,18	0,51	0,896166	0,564163	0,572643	0,8440167
NOP56	477,09	-0,28	0,493329	-0,56404	0,572725	0,8440711
RP11-378E13.4	1,10	-1,12	1,9869	-0,56388	0,572832	NA
ADAMTS6	0,35	-1,43	2,54375	-0,56377	0,572909	NA
PPM1K	527,38	0,43	0,75656	0,563712	0,57295	0,8442483
RP3-473L9.3	0,84	-1,24	2,191117	-0,56371	0,572951	NA
ITM2B	3610,25	0,19	0,339586	0,563663	0,572983	0,8442483
C2CD3	145,95	-0,29	0,522106	-0,56361	0,573022	0,8442483
TBC1D22B	56,05	0,66	1,175496	0,563599	0,573027	0,8442483
FNDC9	0,99	2,10	3,732108	0,563397	0,573164	NA
ITFG2	206,66	-0,47	0,839495	-0,56333	0,573212	0,8443906

RP11-277P12.20	18,05	-0,64	1,130913	-0,56332	0,573217	0,8443906
FOXO1	0,65	2,03	3,609256	0,56329	0,573237	NA
RN7SL657P	2,37	-0,69	1,23145	-0,56326	0,573259	NA
TGFB3	9,59	-1,02	1,815932	-0,56326	0,57326	0,8443906
PRPF18	245,42	0,46	0,822089	0,56309	0,573374	0,8444917
CTD-2542C24.2	0,93	-0,83	1,474718	-0,56302	0,573421	NA
RP5-973M2.2	0,71	2,10	3,73656	0,562943	0,573474	NA
OR7A17	8,04	-0,51	0,907943	-0,56282	0,57356	0,844625
FAM9B	20,73	0,47	0,826903	0,562815	0,573561	0,844625
MIR99AHG	95,95	0,42	0,737631	0,562692	0,573645	0,844625
RP11-1016B18.1	4,17	-0,44	0,781012	-0,56267	0,573661	0,844625
DPP9	210,92	0,24	0,430931	0,562624	0,573691	0,844625
CTD-2017D11.2	52,88	0,58	1,037245	0,562555	0,573738	0,8446269
AIFM3	104,00	0,61	1,089091	0,562303	0,573909	0,8447731
CTD-2562J17.6	502,12	0,30	0,534399	0,562276	0,573928	0,8447731
SPATA1	28,71	0,52	0,919276	0,562148	0,574015	0,8448349
HIST1H2AK	0,75	1,56	2,783866	0,56202	0,574102	NA
DNAJC12	1,29	-1,08	1,929652	-0,562	0,574115	NA
GABRB3	37,43	-0,42	0,739266	-0,56197	0,57414	0,844889
RP11-391L3.4	24,25	0,67	1,195569	0,561928	0,574165	0,844889
VIP	0,15	-2,09	3,716604	-0,56188	0,574199	NA
CENPW	37,81	0,67	1,197146	0,561832	0,57423	0,844889
BAZ2B	1715,07	-0,16	0,278621	-0,56183	0,574234	0,844889
KCNT2	3,56	2,06	3,665015	0,561717	0,574309	NA
AC026150.5	38,36	0,31	0,560815	0,561675	0,574337	0,8449742
HOOK3	1093,07	0,25	0,439381	0,561464	0,574481	0,8451148
CIC	93,49	0,39	0,694999	0,561384	0,574536	0,8451148
FUT8	43,95	-0,49	0,880466	-0,56129	0,574597	0,8451148
CTBP2	834,59	-0,36	0,6449	-0,56122	0,574648	0,8451148
RP11-640M9.1	87,11	-0,32	0,5698	-0,5612	0,574664	0,8451148
RP11-244B22.10	31,27	-0,68	1,206908	-0,56114	0,574705	0,8451148
RP11-973H7.5	1,28	1,23	2,185306	0,561128	0,57471	NA
FAM175A	193,09	0,35	0,628973	0,561026	0,57478	0,8451578
XXyac-YR38GF2.1	2,48	-0,83	1,478126	-0,56096	0,574824	NA
OTULIN	419,19	0,33	0,594555	0,560958	0,574826	0,8451592
SH2D4A	3,48	0,65	1,150716	0,560871	0,574885	NA
RP11-299P2.1	0,15	-2,08	3,716571	-0,56073	0,574984	NA
CST7	412,30	0,34	0,605477	0,560665	0,575026	0,8453858
RN7SL800P	1,07	2,09	3,731336	0,560398	0,575208	NA
UBE3B	269,19	0,37	0,665492	0,560373	0,575225	0,8455701
KPNA3	380,98	0,33	0,583458	0,560348	0,575242	0,8455701
IDSP1	10,20	-0,92	1,633699	-0,56012	0,575395	0,8457274
CGB2	3,61	1,74	3,10739	0,560117	0,575399	NA
RP11-115H15.1	0,67	2,05	3,66059	0,560101	0,575411	NA
ANAPC4	342,15	0,31	0,552031	0,559968	0,575501	0,845817
AC026191.1	0,70	2,09	3,736636	0,559892	0,575553	NA
SLC39A3	242,30	-0,35	0,622496	-0,55978	0,575627	0,8459322
RP13-638C3.4	3,99	2,05	3,665368	0,55972	0,57567	0,8459322
HIST1H2BJ	0,60	-1,27	2,264068	-0,55969	0,575694	NA
RP11-849N15.3	0,68	2,04	3,65098	0,559595	0,575756	NA

GAPDHP44	0,40	-1,10	1,968739	-0,55957	0,575771	NA
CD163	1657,10	-0,24	0,423894	-0,55957	0,575776	0,8460202
RBM41	145,14	-0,37	0,665846	-0,55948	0,575834	0,8460276
TEPP	1,83	-0,76	1,350927	-0,5594	0,57589	NA
CENPI	27,33	-0,36	0,640526	-0,55937	0,575907	0,8460276
NECAP1	619,08	0,27	0,489493	0,559279	0,575971	0,8460276
PITRM1	401,26	-0,30	0,528775	-0,55924	0,575995	0,8460276
RPRD1A	262,60	-0,38	0,683256	-0,55923	0,576008	0,8460276
ZSCAN12	31,07	-0,58	1,036404	-0,55909	0,576104	0,8461009
MAP1S	51,62	-0,34	0,60309	-0,55901	0,576156	0,8461107
FZD1	159,80	0,46	0,824384	0,558853	0,576262	0,8461733
RP4-633I8.3	1,14	-1,76	3,143693	-0,55873	0,576346	NA
RP11-783K16.5	1,03	2,08	3,731569	0,558682	0,576379	NA
RP11-298J20.3	12,75	-0,30	0,545235	-0,55867	0,57639	0,8461733
CEP152	207,37	0,36	0,648246	0,55865	0,5764	0,8461733
RAB9A	118,33	-0,56	1,008673	-0,55859	0,576439	0,8461733
RP11-373J16.2	0,15	-2,08	3,718573	-0,55857	0,576453	NA
RP11-83B20.1	8,00	-0,45	0,80783	-0,55857	0,576457	0,8461733
RP1-224A6.6	10,81	-0,49	0,879931	-0,55852	0,576491	0,8461733
NDUFAF7	139,75	-0,45	0,802077	-0,55848	0,576517	0,8461733
CTC-523E23.4	1,66	1,42	2,539516	0,558238	0,576682	NA
DHFRL1	27,35	-0,50	0,903595	-0,55812	0,57676	0,8464123
NRP2	12,25	0,61	1,099109	0,55798	0,576858	0,8464123
RP11-205M5.3	319,39	0,66	1,181995	0,557974	0,576862	0,8464123
DCC	2,50	1,08	1,928888	0,557921	0,576898	NA
HIST1H1C	174,26	0,30	0,536384	0,557862	0,576939	0,8464123
PATL1	175,89	-0,41	0,727801	-0,55785	0,576949	0,8464123
RP11-159D12.5	16,96	-0,68	1,227768	-0,55776	0,577008	0,8464123
AP000679.2	6,38	-0,70	1,263023	-0,55776	0,577011	0,8464123
RP11-332H14.1	1,25	-1,55	2,78617	-0,55773	0,577026	NA
ASPHD2	289,50	0,43	0,762634	0,557708	0,577043	0,8464123
GAS5-AS1	0,86	1,79	3,203863	0,557689	0,577057	NA
RP11-254B13.4	13,35	0,72	1,298593	0,557636	0,577093	0,8464178
RNF122	14,64	-0,43	0,764756	-0,55756	0,577144	0,8464263
KB-1608C10.2	3,28	-0,62	1,104763	-0,55748	0,577198	NA
POLM	171,71	-0,39	0,693026	-0,55743	0,577232	0,8464893
CTD-3222D19.9	1,43	1,88	3,374207	0,557388	0,577262	NA
YJEFN3	37,01	-1,06	1,903717	-0,55714	0,57743	0,846713
SNORA2B	0,41	-1,08	1,931987	-0,55711	0,577451	NA
RP11-267I18.1	0,70	2,08	3,736921	0,557016	0,577517	NA
RPL26P35	0,68	2,05	3,680965	0,556984	0,577539	NA
Z83001.1	16,23	0,62	1,111454	0,556883	0,577607	0,8469058
RP11-516J2.1	1,46	-0,88	1,573446	-0,55674	0,577704	NA
ANKS1A	169,44	-0,45	0,810123	-0,55671	0,577727	0,8470145
SSB	860,06	0,17	0,308051	0,556619	0,577788	0,847037
PRKAR2B	244,67	-0,34	0,616194	-0,55644	0,57791	0,8471316
MAPK8IP1	8,86	1,09	1,956833	0,556391	0,577944	0,8471316
RP5-894A10.6	1,56	2,07	3,727918	0,556377	0,577953	NA
OR7A19P	0,56	-1,00	1,800154	-0,55633	0,577985	NA
FOXL2NB	31,85	-0,39	0,698551	-0,55626	0,578032	0,8471341

MIR7976	0,86	1,78	3,205404	0,556201	0,578073	NA
IL11RA	103,58	-0,51	0,916262	-0,55614	0,578117	0,8471341
CTB-25B13.12	12,77	-0,51	0,922976	-0,55613	0,578125	0,8471341
RP11-566K11.6	57,31	0,61	1,091655	0,556122	0,578127	0,8471341
FTCD	0,39	-2,07	3,719025	-0,55592	0,578267	NA
P2RX7	838,31	-0,33	0,591568	-0,55591	0,578274	0,847206
RP11-274J7.3	0,69	2,08	3,736861	0,555828	0,578328	NA
IFI35	677,05	0,30	0,541848	0,555792	0,578353	0,847206
RP13-582O9.5	27,83	-0,62	1,118478	-0,55579	0,578356	0,847206
TSGA10IP	0,96	-2,01	3,621665	-0,55576	0,578377	NA
ZNF343	15,85	-0,83	1,498131	-0,55573	0,578395	0,847206
AC090616.2	5,15	0,94	1,697313	0,55566	0,578443	0,847206
BCKDHB	102,18	0,47	0,838127	0,555643	0,578455	0,847206
CTD-2562J15.6	25,47	-0,53	0,961154	-0,55553	0,57853	0,847206
CTD-2265O21.8	3,91	-1,04	1,871547	-0,55552	0,578541	0,847206
RN7SL168P	1,14	1,59	2,870442	0,555511	0,578545	NA
CCKBR	0,15	-2,06	3,717643	-0,55545	0,578585	NA
SLC5A2	8,63	-0,76	1,370915	-0,55531	0,578684	0,8472572
DERL3	1,93	0,54	0,968365	0,555252	0,578722	NA
C10orf40	14,20	0,40	0,717534	0,555234	0,578734	0,8472572
ESYT1	1080,07	0,35	0,625926	0,555202	0,578757	0,8472572
NTPCR	230,16	0,44	0,784479	0,5552	0,578758	0,8472572
PEX11B	134,90	-0,49	0,876159	-0,555	0,578896	0,8473926
RP1-34L19.1	3,14	0,57	1,035944	0,554923	0,578947	NA
ZBTB9	3,77	1,52	2,744072	0,55486	0,57899	0,8474637
ABCG2	0,63	-1,58	2,845197	-0,55481	0,579026	NA
SSC4D	0,63	1,75	3,150831	0,554665	0,579124	NA
RP11-252I14.1	0,30	-1,59	2,873439	-0,55458	0,579183	NA
ZNF791	366,98	0,27	0,486881	0,554569	0,57919	0,8476521
HIBCH	160,05	-0,34	0,621181	-0,55454	0,57921	0,8476521
KLHL31	0,96	1,56	2,810655	0,554446	0,579273	NA
CDCA7L	100,72	0,59	1,069746	0,554441	0,579277	0,8476838
FSHR	0,48	-1,71	3,07696	-0,55434	0,579346	NA
RP13-991F5.2	8,41	0,45	0,81907	0,5543	0,579374	0,8477249
MED13L	1134,06	0,30	0,550019	0,554267	0,579396	0,8477249
RP11-420L9.2	0,67	2,07	3,736957	0,554164	0,579467	NA
MRPS31	183,68	-0,35	0,633856	-0,554	0,579579	0,8478668
RP11-549K20.1	45,56	-0,46	0,82632	-0,55392	0,579631	0,8478668
CYB561D2	497,12	-0,30	0,545804	-0,55386	0,579674	0,8478668
TMEM79	40,47	-0,99	1,779325	-0,55384	0,579689	0,8478668
RN7SL764P	0,52	1,71	3,094871	0,553779	0,57973	NA
SLC9B1	15,03	0,44	0,794308	0,553763	0,579741	0,8478668
CD36	2979,11	-0,27	0,481923	-0,55371	0,579774	0,8478668
RP11-885N19.7	8,81	-0,93	1,674487	-0,55363	0,579831	0,8478668
KHK	15,47	-0,97	1,759436	-0,55344	0,57996	0,8478668
TTC41P	16,06	1,08	1,95908	0,553404	0,579987	0,8478668
SASH1	22,99	-1,12	2,019663	-0,55335	0,580026	0,8478668
FANCA	40,95	-0,61	1,104183	-0,55324	0,580097	0,8478668
MPG	444,05	0,25	0,451117	0,553111	0,580187	0,8478668
RP11-113K21.4	0,69	2,07	3,736823	0,553078	0,58021	NA

RP11-554J4.1	22,89	-0,83	1,507856	-0,55308	0,580211	0,8478668
RP11-413N10.3	12,11	-0,36	0,654822	-0,55305	0,580231	0,8478668
RP11-498C9.13	0,50	-2,04	3,681918	-0,55304	0,580239	NA
AKR1D1	8,52	0,60	1,088891	0,553033	0,580241	0,8478668
USP36	420,22	-0,25	0,450291	-0,55299	0,580267	0,8478668
RP1-224A6.4	158,45	0,37	0,673261	0,552988	0,580272	0,8478668
FCRL2	17,52	-0,39	0,697898	-0,55287	0,580355	0,8478668
MZF1	102,39	-0,44	0,794331	-0,55281	0,580396	0,8478668
MCRS1	443,45	-0,30	0,542525	-0,55279	0,580405	0,8478668
PTPRZ1	14,71	-0,62	1,123264	-0,5527	0,58047	0,8478873
SLC22A4	166,71	-0,69	1,254713	-0,55262	0,580521	0,8478873
RP11-798M19.3	0,34	-1,38	2,495274	-0,5526	0,580539	NA
CTD-2562J17.7	7,84	0,57	1,029445	0,552491	0,580612	0,8478873
MIR6797	1,70	1,45	2,631016	0,552476	0,580622	NA
ITFG1	319,63	-0,34	0,624486	-0,55237	0,580694	0,8478873
TRHDE	36,45	-0,84	1,517602	-0,55235	0,580706	0,8478873
ZNF142	89,77	0,60	1,094689	0,552312	0,580734	0,8478873
RP11-540B6.3	0,65	2,01	3,648183	0,552302	0,580742	NA
AC008753.6	11,25	-0,58	1,057068	-0,55227	0,580762	0,8478873
GALNT4	151,87	0,58	1,056138	0,552241	0,580783	0,8478873
RP3-395M20.9	5,45	2,01	3,648824	0,552174	0,580829	0,8478874
C1orf213	0,96	1,72	3,124691	0,552035	0,580925	NA
RP11-78J21.3	7,56	1,12	2,029517	0,552028	0,580929	0,8479673
GTPBP6	316,59	-0,30	0,540806	-0,55194	0,580987	0,8479852
ERRFI1	0,54	1,70	3,08307	0,551905	0,581014	NA
TTLL12	104,01	-0,55	0,990018	-0,55178	0,581101	0,8480841
CTC-303L1.1	0,64	2,00	3,615741	0,551774	0,581103	NA
RP11-178L8.7	1,03	2,06	3,731665	0,551774	0,581103	NA
CITF22-1A6.3	38,76	0,59	1,065	0,551701	0,581153	0,8480943
FOXF1	0,68	2,06	3,737044	0,551617	0,58121	NA
SOX12	13,71	-0,59	1,076491	-0,55158	0,581234	0,8481299
CTC-493P15.2	0,67	2,04	3,699524	0,551555	0,581254	NA
RN7SKP224	8,42	0,47	0,852572	0,551532	0,581269	0,8481299
ALPP	1,31	-0,94	1,696803	-0,55152	0,581277	NA
RF00108	0,68	2,06	3,736789	0,551399	0,58136	NA
RP11-404F10.6	0,66	2,06	3,737073	0,551327	0,58141	NA
ETNK1	834,00	-0,30	0,537606	-0,55124	0,581467	0,8483528
RNU6-208P	0,15	-2,05	3,718812	-0,5512	0,581496	NA
TBC1D26	2,30	1,91	3,462749	0,551162	0,581523	NA
CTD-2302E22.6	4,49	-1,09	1,981491	-0,55114	0,581536	0,8483862
XXbac-BPG55C20.7	72,05	0,54	0,981714	0,550988	0,581642	0,8484745
LRRC42	64,62	0,78	1,421751	0,550809	0,581765	0,8484759
RP11-702H23.6	23,75	-0,72	1,306398	-0,55081	0,581765	0,8484759
AP000304.12	1,48	-1,38	2,512479	-0,55079	0,581775	NA
AGGF1	259,40	0,38	0,68239	0,550787	0,581779	0,8484759
TEKT4	0,59	1,17	2,119282	0,550781	0,581784	NA
CTD-2284O10.1	1,58	0,56	1,014571	0,550777	0,581787	NA
AC010879.1	0,47	-1,24	2,250198	-0,55063	0,581885	NA
STXBP1	26,84	-0,51	0,919484	-0,55062	0,581895	0,8485778
RP11-254N18.1	0,43	1,48	2,681827	0,550474	0,581994	NA

RARG	103,19	0,53	0,97101	0,550451	0,58201	0,8486797
MYRF	2,92	1,70	3,088409	0,550327	0,582095	NA
RN7SL635P	0,89	1,78	3,235195	0,550219	0,582169	NA
RP11-546M4.3	1,05	2,05	3,731608	0,550118	0,582239	NA
CTB-88F18.5	9,65	0,49	0,890508	0,550104	0,582248	0,8488976
RP4-614C10.2	25,42	-0,83	1,513144	-0,5501	0,582251	0,8488976
AC093509.2	0,15	-2,05	3,719222	-0,54996	0,582347	NA
WNT5B	0,70	-1,39	2,526632	-0,54985	0,58242	NA
LRR1	78,23	0,49	0,897142	0,54975	0,582491	0,8491621
LINC00482	9,33	-0,60	1,097954	-0,5497	0,582524	0,8491621
FAM183B	0,53	1,72	3,127301	0,549572	0,582613	NA
ARHGAP25	273,29	-0,32	0,588479	-0,54957	0,582615	0,849228
CH507-3904.2	0,67	2,05	3,737214	0,549495	0,582666	NA
CTD-2206N4.4	21,45	0,49	0,892146	0,549393	0,582736	0,8493377
AC098824.5	1,32	1,81	3,294316	0,549214	0,582858	NA
RP11-744K17.8	1,36	-1,56	2,839257	-0,5492	0,582869	NA
RP11-434P11.1	15,88	-0,44	0,793008	-0,54916	0,582893	0,8494661
RP5-1090P18.1	23,50	0,52	0,951018	0,549119	0,582924	0,8494661
ZNRF2	118,41	0,37	0,669361	0,549065	0,582961	0,8494661
ACTRT1	0,68	2,05	3,737143	0,548945	0,583043	NA
RP11-410E4.1	0,44	1,42	2,592656	0,548921	0,58306	NA
MRPS33	188,88	-0,30	0,541733	-0,54883	0,58312	0,8496312
RNU4-25P	0,66	2,05	3,737189	0,548798	0,583144	NA
HIST1H2BD	74,45	0,68	1,236493	0,54873	0,583191	0,8496545
INPP5F	236,40	0,38	0,683665	0,548677	0,583227	0,8496545
AC007016.3	1,02	2,05	3,731807	0,548621	0,583265	NA
RNU1-59P	0,56	1,73	3,149526	0,548252	0,583519	NA
RP4-756H11.2	0,74	-0,78	1,427549	-0,54825	0,58352	NA
RP11-476H16.1	6,61	-0,70	1,269016	-0,54825	0,583521	0,8500161
CXorf36	47,66	-0,57	1,037059	-0,54817	0,583575	0,8500279
CH17-262A2.1	0,86	1,80	3,288483	0,548068	0,583645	NA
RP11-68D16.2	0,68	2,05	3,737226	0,548064	0,583648	NA
INTS2	105,86	0,33	0,595837	0,547997	0,583694	0,8500887
MIR601	10,36	1,16	2,110619	0,547977	0,583708	0,8500887
RP11-267M23.4	3,17	-0,63	1,152575	-0,54782	0,583818	NA
POU5F1B	5,15	-0,54	0,982192	-0,5478	0,583826	0,850109
TRIT1	309,44	0,45	0,816069	0,547763	0,583855	0,850109
RP11-185C18.4	4,47	-1,14	2,086781	-0,54776	0,583859	0,850109
PHRF1	190,40	-0,44	0,795747	-0,54758	0,583979	0,8502168
RP3-443C4.2	0,39	-2,02	3,686928	-0,54755	0,583998	NA
RNU1-94P	0,67	2,05	3,73722	0,547532	0,584013	NA
MIR1539	0,64	2,01	3,664304	0,547511	0,584028	NA
RP3-325F22.5	15,28	-0,35	0,637536	-0,54744	0,584079	0,850267
INSL6	115,94	0,36	0,655604	0,547399	0,584104	0,850267
LPCAT2	547,94	0,29	0,538885	0,54717	0,584262	0,8504296
RP11-191A15.4	0,53	-2,01	3,676019	-0,54689	0,584457	NA
DUSP7	293,07	-0,42	0,759586	-0,5468	0,584516	0,8507246
RP11-108K14.12	1,18	1,59	2,902971	0,54671	0,584578	NA
MCUR1	222,46	-0,34	0,628576	-0,54667	0,584603	0,8507246
MTATP6P2	1,00	-0,70	1,286181	-0,54664	0,584625	NA

AC129492.6	0,64	2,00	3,653764	0,546591	0,58466	NA
NUDT21	529,12	0,29	0,536205	0,546516	0,584711	0,8507246
RP11-140I24.1	126,12	-0,29	0,521733	-0,54651	0,584714	0,8507246
KBTBD6	29,40	0,49	0,890836	0,546511	0,584715	0,8507246
AC010971.1	1,48	1,08	1,984558	0,546471	0,584742	NA
AJ006998.2	32,29	-0,52	0,951456	-0,54645	0,584755	0,8507246
KCNMB3L	1,46	2,04	3,728903	0,5462	0,584928	NA
RP11-351J23.1	0,67	2,04	3,73728	0,546191	0,584935	NA
VEPH1	1,54	-1,42	2,605158	-0,54618	0,584943	NA
SNHG7	69,82	-0,35	0,633166	-0,54613	0,584978	0,8507246
USP10	802,03	0,24	0,444492	0,546123	0,584981	0,8507246
LNPEP	977,59	0,25	0,4569	0,546071	0,585017	0,8507246
TAF1L	2,15	-0,95	1,733175	-0,54603	0,585048	NA
AC008060.7	0,56	1,69	3,100803	0,546014	0,585056	NA
SBF1	97,24	0,41	0,746807	0,545999	0,585066	0,8507246
CTD-2620I22.3	3,78	0,47	0,862231	0,54599	0,585073	0,8507246
SHOX	12,59	-0,33	0,602137	-0,54597	0,585088	0,8507246
RP11-438E5.1	9,88	0,69	1,256224	0,545927	0,585116	0,8507246
MSRB2	59,70	-0,38	0,696087	-0,5459	0,585137	0,8507246
SPATA5	61,65	0,37	0,672555	0,545783	0,585215	0,8507246
RP11-338I21.1	12,67	-0,49	0,892202	-0,54578	0,585218	0,8507246
CCL4L2	221,19	-0,67	1,2251	-0,54574	0,585242	0,8507246
RP11-328P23.4	0,52	-1,11	2,030574	-0,54569	0,585279	NA
MAP1A	0,85	-0,77	1,417868	-0,54554	0,585382	NA
RP11-573J24.1	2,05	-1,45	2,652092	-0,54548	0,585426	NA
LILRA4	19,55	0,50	0,915956	0,545382	0,585491	0,8508925
DRICH1	0,22	-2,02	3,705645	-0,54533	0,58553	NA
SEC23B	480,53	0,26	0,485812	0,545313	0,585538	0,8508925
ANKRD54	135,84	-0,33	0,599418	-0,54531	0,58554	0,8508925
RP11-308D16.2	23,44	-0,50	0,911175	-0,54527	0,585569	0,8508925
LNX2	62,79	-0,56	1,019035	-0,5452	0,585616	0,8508925
RP11-76N11.2	0,81	-2,00	3,66136	-0,54506	0,58571	NA
CTC-518P12.6	13,93	-0,87	1,593084	-0,54506	0,585712	0,8508925
KRBA2	9,20	0,59	1,081265	0,545028	0,585734	0,8508925
NCRNA00168	0,67	2,04	3,737302	0,544995	0,585757	NA
RP4-718J7.4	0,64	2,00	3,66688	0,54497	0,585774	NA
RP11-436I9.2	17,11	0,83	1,524181	0,544955	0,585784	0,8508925
RP11-1060J15.5	0,13	-1,83	3,360661	-0,54491	0,585814	NA
RN7SL784P	6,80	-0,64	1,179816	-0,54489	0,585831	0,8508925
AC144652.1	57,12	0,63	1,162701	0,544873	0,585841	0,8508925
RP11-542M13.1	1,04	2,03	3,731754	0,544872	0,585841	NA
RP11-40H20.4	1,17	-1,09	2,006172	-0,54469	0,585968	NA
CCDC58	68,87	-0,41	0,746758	-0,54464	0,586004	0,8508925
RGP1	80,67	-0,48	0,873115	-0,54462	0,586017	0,8508925
SNORD3E	0,50	1,69	3,106111	0,544509	0,586091	NA
MFSD7	9,43	-0,62	1,140619	-0,54449	0,586107	0,8508925
TRIM32	2,40	2,01	3,694788	0,544472	0,586116	NA
AP000240.9	12,71	-0,74	1,360297	-0,54447	0,586118	0,8508925
AP005901.1	15,22	-0,62	1,140887	-0,54447	0,586119	0,8508925
GATSL3	29,21	-0,59	1,082166	-0,54442	0,586153	0,8508925

PIPOX	15,51	0,54	0,999345	0,544381	0,586179	0,8508925
ZNF445	437,93	0,39	0,723301	0,544322	0,58622	0,8508925
MSI1	2,11	0,61	1,125504	0,54425	0,58627	NA
RP11-556N4.1	32,22	0,49	0,899368	0,54423	0,586283	0,8508925
AC016712.1	6,58	-0,36	0,661803	-0,54414	0,586346	0,8508925
ULK4P2	16,34	0,66	1,20888	0,544137	0,586347	0,8508925
SNX30	1062,45	-0,24	0,437598	-0,54411	0,586363	0,8508925
RP11-522L3.1	2,04	-1,29	2,365812	-0,54406	0,586403	NA
RP3-470L22.1	2,03	-1,80	3,299717	-0,54402	0,586424	NA
AC002059.10	1,57	1,62	2,979602	0,544019	0,586429	NA
RP11-344P13.6	0,64	1,98	3,648852	0,543982	0,586454	NA
SPAG6	17,92	-1,96	3,609743	-0,54396	0,586467	0,8509771
CH507-338C24.1	29,21	0,61	1,118883	0,543713	0,586639	0,851021
ACKR2	15,22	0,35	0,652311	0,543713	0,586639	0,851021
SRPK1	346,80	-0,39	0,718173	-0,5436	0,586717	0,851021
RP11-54B9.2	0,68	-0,77	1,415959	-0,54358	0,586728	NA
UBE2I	655,97	0,19	0,343586	0,543509	0,586779	0,851021
RP11-484D18.2	0,55	1,69	3,100689	0,54349	0,586793	NA
SETMAR	48,39	-0,43	0,789222	-0,54347	0,586807	0,851021
CXorf18	1,33	1,22	2,253969	0,543427	0,586836	NA
LRRC59	358,26	0,34	0,617139	0,543408	0,586849	0,851021
DTX2	202,32	-0,41	0,745819	-0,54341	0,58685	0,851021
MIR3155A	0,66	2,03	3,737401	0,543366	0,586878	NA
RNY4P3	0,25	-1,83	3,370268	-0,54335	0,586892	NA
SNX21	20,61	-0,50	0,922087	-0,54334	0,586895	0,851021
NBPF20	227,16	0,30	0,543113	0,543285	0,586934	0,851021
RP11-343H5.4	10,79	0,81	1,487708	0,543183	0,587004	0,851021
SVBP	169,35	0,30	0,56154	0,543117	0,587049	0,851021
PRR7	15,76	-0,99	1,820675	-0,54311	0,587057	0,851021
HNRPA1P3	2,16	0,64	1,183238	0,543063	0,587087	NA
RAD23A	674,22	0,17	0,306957	0,543054	0,587092	0,851021
RP11-438P9.2	0,67	2,03	3,737381	0,543054	0,587093	NA
AC007952.5	5,46	-0,59	1,083477	-0,54289	0,587204	0,8510796
HIST2H4B	195,67	-0,47	0,87266	-0,54286	0,587224	0,8510796
CECR4	0,64	2,03	3,738321	0,542776	0,587284	NA
TMPRSS7	1,82	0,87	1,593858	0,542743	0,587307	NA
AC010907.3	5,57	0,27	0,499542	0,542668	0,587358	0,851097
PUS3	69,77	-0,63	1,167604	-0,54265	0,587367	0,851097
FCGR2C	496,56	0,32	0,59229	0,54261	0,587398	0,851097
FERMT2	3,88	-0,58	1,07345	-0,54258	0,587419	0,851097
RP4-639J15.3	5,40	0,47	0,870526	0,542436	0,587518	0,8511655
RP11-278A23.1	0,73	1,52	2,794576	0,542261	0,587639	NA
IP6K2	446,92	0,24	0,435775	0,542172	0,5877	0,8511655
KANK1	18,87	0,37	0,676364	0,542167	0,587703	0,8511655
ZNF524	249,86	-0,38	0,693136	-0,54216	0,587709	0,8511655
GOLGA2B	101,03	0,45	0,838886	0,542145	0,587719	0,8511655
DCXR	1012,58	-0,20	0,369003	-0,54211	0,587741	0,8511655
CLEC4F	87,52	-1,57	2,899891	-0,54201	0,587814	0,8512046
OR14L1P	23,53	0,75	1,390707	0,541915	0,587877	0,8512231
BORCS5	299,26	-0,47	0,872122	-0,54186	0,587918	0,8512231

OR4F13P	0,77	-1,06	1,951446	-0,54178	0,58797	NA
ZNF440	71,64	0,32	0,592275	0,541779	0,587971	0,8512334
AOX3P	8,76	-1,86	3,433122	-0,54166	0,588052	0,8512522
ATP6V1H	322,80	-0,31	0,581311	-0,54158	0,58811	0,8512522
SSH2	1009,13	-0,29	0,538844	-0,54154	0,588138	0,8512522
TWF2	1170,54	-0,15	0,277319	-0,54149	0,588167	0,8512522
RP11-357K6.1	1,46	-1,77	3,274427	-0,54149	0,588168	NA
HCFC1R1	108,29	0,22	0,410111	0,541361	0,588259	0,8512895
PGS1	260,93	0,25	0,46452	0,541181	0,588383	0,8512895
SPSB3	431,10	-0,26	0,487255	-0,54117	0,588391	0,8512895
CTD-2542L18.1	16,80	0,28	0,519646	0,541115	0,588428	0,8512895
YY1	1319,23	0,21	0,381063	0,541004	0,588505	0,8512895
RP11-115D7.3	0,67	2,02	3,737374	0,540966	0,588531	NA
RP11-295G20.2	16,18	0,59	1,083338	0,540962	0,588534	0,8512895
CYP4F3	26,56	0,59	1,081927	0,54093	0,588556	0,8512895
RP11-10J18.3	0,66	2,02	3,737499	0,540887	0,588585	NA
WI2-80269A6.1	0,62	1,95	3,605926	0,540832	0,588624	NA
AP000936.4	0,50	1,65	3,047839	0,540826	0,588628	NA
TNFRSF13C	14,56	0,50	0,925689	0,540816	0,588634	0,8512895
RP11-217E22.2	48,17	-0,33	0,616651	-0,54079	0,588652	0,8512895
DRC1	0,67	2,02	3,736758	0,540747	0,588682	NA
SUPV3L1	177,66	0,38	0,698202	0,540688	0,588723	0,8512895
TWISTNB	370,51	0,32	0,582874	0,540686	0,588724	0,8512895
ZNF280B	9,86	-0,30	0,545817	-0,54066	0,588742	0,8512895
RP11-506M12.1	3,35	0,57	1,047903	0,540652	0,588748	NA
UFM1	494,12	-0,27	0,49199	-0,54047	0,588873	0,8513778
RP11-930P14.1	4,67	-0,54	0,994583	-0,54043	0,5889	0,8513778
RP11-295P9.3	110,78	0,39	0,726602	0,540372	0,58894	0,8513778
XXYL1	163,29	-0,50	0,927514	-0,54018	0,589073	0,8515043
IL6	1,02	2,02	3,732016	0,540152	0,589093	NA
GLB1L3	77,25	-0,28	0,509689	-0,54005	0,58916	0,8515162
DNAL1	146,71	0,48	0,897366	0,540004	0,589194	0,8515162
AKAP8	600,50	0,23	0,429196	0,539968	0,589219	0,8515162
CTC-358I24.1	57,71	-0,60	1,117085	-0,53989	0,58927	0,8515232
COX14	319,40	0,22	0,408529	0,539755	0,589366	0,8515468
LA16c-313D11.12	7,31	-0,36	0,675358	-0,53974	0,589377	0,8515468
RP11-64D24.2	1,00	2,01	3,732011	0,53973	0,589383	NA
AP000662.4	69,74	0,50	0,922255	0,539653	0,589436	0,8515657
PQBP1	647,86	0,15	0,285705	0,539574	0,589491	0,8515787
UBE2H	392,36	-0,43	0,798059	-0,5394	0,589609	0,8516833
NDUFB5	1088,20	0,18	0,334801	0,539322	0,589665	0,8516975
RN7SL148P	5,39	-0,86	1,599116	-0,53919	0,589756	0,8517027
RP4-535B20.4	38,04	0,61	1,138688	0,539184	0,58976	0,8517027
TUBBP5	0,76	1,97	3,650114	0,539058	0,589847	NA
TMED4	836,67	0,23	0,425995	0,538991	0,589893	0,8518287
FAM153C	16,58	-0,64	1,196686	-0,53883	0,590006	0,851833
TBC1D32	119,81	0,24	0,438412	0,538754	0,590057	0,851833
HADHB	1262,27	0,22	0,402971	0,538753	0,590058	0,851833
HDAC7	233,55	-0,43	0,804954	-0,53872	0,590079	0,851833
MIR3146	0,87	1,77	3,284145	0,538704	0,590091	NA

KCNJ18	0,15	-2,00	3,721903	-0,53859	0,590172	NA
AP1S1	64,72	-0,58	1,069206	-0,53853	0,590211	0,8518935
CTC-251D13.1	34,87	0,50	0,925704	0,538528	0,590213	0,8518935
RP11-308B16.2	1,40	0,99	1,831209	0,538453	0,590264	NA
EXOC6B	78,47	-0,63	1,174292	-0,53838	0,590314	0,8519094
RP11-58C22.2	6,55	-0,54	1,006092	-0,53838	0,590316	0,8519094
TMEM220	39,42	-0,47	0,880237	-0,53831	0,590361	0,8519094
RNU6-126P	1,00	2,01	3,73204	0,538279	0,590384	NA
RP11-401I19.2	0,45	-1,58	2,932776	-0,53828	0,590384	NA
MYL10	3,20	0,92	1,709605	0,538278	0,590385	NA
GMNN	91,63	0,66	1,232083	0,538222	0,590424	0,8519277
FAM129A	663,15	0,21	0,386489	0,538103	0,590506	0,8519277
RP11-22B23.3	11,04	1,06	1,96602	0,538095	0,590511	0,8519277
AC073387.2	0,66	2,01	3,737567	0,538077	0,590524	NA
TPM1	165,46	-0,39	0,715972	-0,53801	0,590568	0,8519431
RP11-81A22.5	0,14	-2,00	3,723427	-0,53791	0,59064	NA
CXCL1	0,63	1,96	3,637242	0,537869	0,590667	NA
RP11-309N24.1	10,17	0,45	0,841491	0,537739	0,590757	0,8521508
RP11-342M3.5	3,22	-0,83	1,548535	-0,53746	0,590949	NA
RN7SL625P	0,90	1,23	2,282483	0,537298	0,591062	NA
RP11-229A12.4	0,64	1,98	3,687708	0,537221	0,591115	NA
RP11-32B5.7	0,14	-2,00	3,722053	-0,53716	0,59116	NA
NUP107	274,05	0,44	0,821141	0,53704	0,59124	0,8525795
HLA-W	0,45	-1,18	2,205585	-0,53699	0,591271	NA
AC009413.2	0,48	0,92	1,708089	0,536963	0,591293	NA
C20orf100	1,00	1,56	2,907601	0,536961	0,591295	NA
NLRP10	0,20	-1,99	3,714342	-0,53689	0,591341	NA
GCFC2	196,68	0,48	0,894874	0,536865	0,591361	0,8525795
HIVEP3	184,59	0,41	0,757588	0,536807	0,591401	0,8525795
RP5-966M1.7	0,86	1,76	3,284377	0,536748	0,591442	NA
EPB41L1	2,04	-1,60	2,983495	-0,53674	0,591446	NA
JMJD1C-AS1	0,63	1,95	3,626796	0,536671	0,591495	NA
INAFM2	133,56	0,41	0,765847	0,536631	0,591523	0,8525795
IGF2	0,70	-0,75	1,390968	-0,53662	0,591529	NA
SLC38A5	42,17	-1,09	2,030348	-0,53662	0,591532	0,8525795
TBL1XR1	1374,50	0,24	0,453769	0,536556	0,591574	0,8525795
VPS37B	168,78	-0,41	0,76661	-0,53654	0,591586	0,8525795
RP1-62O9.3	32,66	0,41	0,763132	0,536511	0,591606	0,8525795
RP11-298E9.6	1,87	-0,60	1,12515	-0,53642	0,591667	NA
ARF6	1290,86	0,15	0,273751	0,536382	0,591694	0,8525795
RNASE4	148,26	0,62	1,164375	0,536325	0,591734	0,8525795
WASH3P	185,29	0,25	0,466904	0,536307	0,591746	0,8525795
XXbac-B33L19.6	2,68	-1,46	2,723061	-0,53631	0,591747	NA
RP11-398J10.1	8,45	-0,53	0,986698	-0,53624	0,591793	0,8525795
VN1R83P	0,49	1,65	3,080396	0,536213	0,591811	NA
ARGFXP2	24,33	-0,59	1,09218	-0,53619	0,591826	0,8525795
RASL11B	0,50	1,65	3,083502	0,536163	0,591846	NA
D2HGDH	22,99	0,53	0,98113	0,536161	0,591848	0,8525795
RN7SL610P	4,36	-0,61	1,1406	-0,53615	0,591855	0,8525795
RP11-301G19.2	0,14	-2,00	3,72238	-0,53611	0,591882	NA

CREBBP	994,99	-0,33	0,609143	-0,53609	0,591893	0,8525795
ZNF10	102,48	0,65	1,205972	0,536037	0,591933	0,8525795
KLRK1	133,85	-0,55	1,028072	-0,53602	0,591944	0,8525795
SRXN1	63,10	0,62	1,152733	0,535965	0,591983	0,8525795
VNN1	86,30	-0,63	1,183529	-0,53595	0,591995	0,8525795
RN7SL47P	7,70	-0,48	0,887244	-0,53592	0,592017	0,8525795
LIX1	12,13	0,53	0,988705	0,535814	0,592087	0,8526009
RP11-692N5.1	0,64	2,00	3,737726	0,535797	0,592099	NA
RICTOR	695,23	0,27	0,497651	0,535582	0,592247	0,8526009
COX16	436,34	-0,19	0,355159	-0,53557	0,592255	0,8526009
FAM186B	0,60	1,40	2,616459	0,535539	0,592277	NA
RP11-182J1.3	6,55	0,87	1,62714	0,535429	0,592353	0,8526009
RP11-417F21.2	1,63	0,86	1,597927	0,535408	0,592368	NA
RP11-166B2.1	14,50	0,43	0,81092	0,535355	0,592405	0,8526009
SNORA58	0,61	1,94	3,617007	0,535257	0,592472	NA
RP4-598P13.1	39,30	0,24	0,448964	0,535152	0,592544	0,8526009
CCDC120	4,36	-0,46	0,851039	-0,53515	0,592545	0,8526009
OR7G2	10,94	-0,43	0,798911	-0,53508	0,592593	0,8526009
RP11-323F5.2	47,41	-0,72	1,351096	-0,53499	0,592655	0,8526009
RP11-365P13.3	15,84	0,68	1,272021	0,534981	0,592663	0,8526009
MED17	380,38	-0,26	0,481152	-0,53494	0,592689	0,8526009
VRK2	391,24	0,35	0,660796	0,534871	0,592739	0,8526009
RNF111	224,58	-0,35	0,650557	-0,53484	0,592764	0,8526009
RP11-302F12.10	0,78	-0,77	1,43596	-0,53481	0,592778	NA
PNO1	207,81	0,34	0,63757	0,534721	0,592843	0,8526009
POLD4	659,79	-0,14	0,260637	-0,53468	0,592873	0,8526009
CTA-85E5.10	4,69	-1,06	1,986517	-0,53462	0,592916	0,8526009
C6orf1	453,30	0,23	0,42591	0,534595	0,59293	0,8526009
ABCB10	149,35	-0,37	0,693142	-0,5345	0,592994	0,8526009
SFI1	153,42	-0,27	0,513247	-0,53444	0,593039	0,8526009
GPR180	63,11	0,69	1,294666	0,534323	0,593118	0,8526009
PAX1	8,90	1,23	2,305127	0,534254	0,593166	0,8526009
NR2C1	310,16	0,32	0,594177	0,534131	0,593251	0,8526009
TMEM214	118,70	0,42	0,783533	0,534104	0,59327	0,8526009
RP3-331H24.7	20,55	-1,00	1,866564	-0,53409	0,593282	0,8526009
COQ4	347,41	0,34	0,63266	0,534038	0,593315	0,8526009
AC018470.3	0,61	-0,76	1,42106	-0,53402	0,593329	NA
RP11-143E21.7	8,23	0,58	1,090807	0,534	0,593342	0,8526009
HMBS	285,77	-0,46	0,854615	-0,5339	0,593414	0,8526009
RNU6-413P	1,27	-1,95	3,64515	-0,53384	0,593452	NA
SULF1	8,18	-1,01	1,886695	-0,53381	0,593472	0,8526009
RP11-154H23.1	66,74	0,65	1,216846	0,533643	0,593589	0,8526009
IREB2	879,21	-0,22	0,40599	-0,53364	0,593593	0,8526009
APOL4	45,17	0,38	0,705958	0,533632	0,593596	0,8526009
CTD-3051D23.1	1,14	-1,11	2,083689	-0,53361	0,593612	NA
COG6	116,25	-0,46	0,862589	-0,53353	0,593666	0,8526009
ERP44	938,75	0,23	0,424175	0,533527	0,593668	0,8526009
RN7SL497P	0,65	1,99	3,737956	0,533519	0,593675	NA
RP11-180M15.7	52,16	0,58	1,085866	0,533466	0,593711	0,8526009
RP11-554D15.3	0,63	1,99	3,737915	0,533449	0,593723	NA

UNC45B	2,73	0,56	1,045728	0,533396	0,593759	NA
RP11-553L6.2	10,60	-0,76	1,425831	-0,53337	0,593774	0,8526009
CEACAMP10	15,44	-1,48	2,770124	-0,53325	0,59386	0,8526009
EIF5AP3	0,65	1,99	3,737881	0,533245	0,593864	NA
VAMP7	277,11	0,40	0,745312	0,533221	0,593881	0,8526009
ZNF576	54,05	-0,64	1,194941	-0,53321	0,593886	0,8526009
AC003665.1	26,60	0,72	1,350173	0,533204	0,593893	0,8526009
RP11-508P1.2	2,17	-1,14	2,129985	-0,53311	0,593956	NA
RP11-37N22.1	10,63	0,38	0,707299	0,533007	0,594029	0,8526009
USP44	6,11	-1,19	2,225462	-0,53297	0,594053	0,8526009
TMPRSS4	9,49	-0,51	0,953358	-0,53293	0,594083	0,8526009
TAMM41	258,14	0,48	0,893098	0,532905	0,5941	0,8526009
MOAP1	357,69	0,43	0,807514	0,532891	0,594109	0,8526009
RP11-168F9.2	9,34	-1,51	2,830297	-0,53286	0,594134	0,8526009
AGPAT2	266,59	-0,37	0,698522	-0,5328	0,594173	0,8526009
CPS1	4,71	-0,45	0,842517	-0,53278	0,594186	0,8526009
CTD-2547L16.3	3,93	-0,52	0,974617	-0,53248	0,594392	0,8528313
SIN3B	200,47	-0,28	0,516993	-0,53239	0,594456	0,8528577
RP11-165J3.6	1,56	1,30	2,443663	0,532269	0,59454	NA
DUS1L	270,41	0,23	0,440374	0,532224	0,594571	0,8529559
RP11-482M8.1	0,66	1,94	3,653722	0,532171	0,594608	NA
RP11-855A2.2	41,23	-0,58	1,088779	-0,53205	0,594688	0,8530592
SNHG14	142,37	-0,37	0,704646	-0,53193	0,594775	0,853117
RP11-98D18.17	1,83	1,08	2,022488	0,531928	0,594776	NA
RP11-477E3.2	0,64	1,99	3,737833	0,5319	0,594795	NA
RP11-76I14.1	3,71	0,59	1,117411	0,531645	0,594972	NA
RP11-359G22.2	1,31	-1,71	3,207349	-0,53159	0,595008	NA
RP11-57K17.1	6,42	1,00	1,885533	0,531589	0,59501	0,8533844
CH507-254M2.1	0,61	1,92	3,607309	0,531552	0,595037	NA
RP11-447D11.2	53,91	-0,60	1,120934	-0,53153	0,595053	0,8533844
CFAP54	70,41	-0,42	0,795251	-0,53146	0,595099	0,8533848
RP11-463O9.9	0,66	-1,43	2,684646	-0,53144	0,595113	NA
XXbac-BPGBPG55C20.2	61,42	-0,56	1,055323	-0,53136	0,595167	0,8534172
HSD11B1L	34,86	0,52	0,988268	0,531179	0,595295	0,8535338
SCAF4	374,99	0,36	0,670218	0,530944	0,595458	0,8537021
RNFT2	36,09	0,28	0,526188	0,530864	0,595513	0,8537153
RP5-908M14.9	10,50	-1,28	2,419443	-0,53069	0,595635	0,8537715
CEP57	246,70	0,31	0,592272	0,530675	0,595644	0,8537715
RP11-73M18.7	16,71	-0,76	1,440889	-0,53059	0,5957	0,8537733
RNU6-130P	2,19	-1,16	2,191237	-0,53055	0,595732	NA
RP11-168J19.2	1,23	0,70	1,325062	0,530525	0,595748	NA
AC008984.2	11,56	0,64	1,213534	0,530522	0,59575	0,8537733
HHLA3	2,82	-0,75	1,414964	-0,53049	0,595773	NA
RN7SL415P	0,22	-1,79	3,382209	-0,53048	0,595778	NA
TNPO1	539,44	-0,30	0,570428	-0,53047	0,595783	0,8537733
IGKV1-33	5,14	-0,48	0,904955	-0,53039	0,595841	0,8537911
IST1	1313,42	0,21	0,399447	0,530306	0,5959	0,8538099
AC097495.3	1,53	1,01	1,905495	0,530255	0,595935	NA
CHRNA3	1,24	1,30	2,455599	0,530188	0,595982	NA
RN7SL201P	0,55	1,13	2,131882	0,530114	0,596033	NA

PNPLA7	24,44	-0,99	1,872352	-0,5301	0,596045	0,8539123
DCUN1D3	72,35	0,35	0,660897	0,53007	0,596063	0,8539123
TGM7	0,65	1,98	3,738015	0,530036	0,596087	NA
AL163953.1	2,09	-0,52	0,974222	-0,52986	0,596212	NA
FMNL1	1142,22	0,13	0,252638	0,529564	0,596414	0,8543489
RN7SL566P	1,32	-0,67	1,270146	-0,52953	0,59644	NA
SYNPO	14,61	0,62	1,16767	0,529468	0,596481	0,8543786
AC007773.2	2,43	0,86	1,631395	0,529467	0,596481	NA
IRF6	0,72	1,51	2,859532	0,529381	0,596541	NA
RP11-26608.1	20,62	-0,56	1,053416	-0,52927	0,596619	0,8544678
PTPRA	363,59	-0,37	0,696141	-0,52925	0,596635	0,8544678
CRISP3	0,20	-1,96	3,703037	-0,52921	0,596662	NA
RP11-576E20.1	4,81	-1,12	2,112389	-0,52912	0,596725	0,8545317
RP11-661A12.7	1,00	0,76	1,436092	0,529083	0,596748	NA
AC004941.3	10,73	0,37	0,691868	0,529002	0,596804	0,8545785
SNORA74C-1	0,63	1,98	3,738061	0,528975	0,596823	NA
RP11-454E5.4	25,09	-0,34	0,642536	-0,52892	0,596862	0,8545958
RP1-67M12.2	0,65	1,98	3,738062	0,528801	0,596944	NA
FAM138B	0,60	1,92	3,632015	0,528772	0,596964	NA
AC013267.4	0,65	1,98	3,738072	0,528756	0,596974	NA
CBX3	769,93	0,21	0,400762	0,528609	0,597077	0,854772
RP11-34P13.13	74,92	-0,33	0,619006	-0,52861	0,597077	0,854772
AMPD1	0,31	-1,97	3,731032	-0,52849	0,597156	NA
STARD10	45,41	-0,35	0,661143	-0,52844	0,597192	0,8548294
CTD-2410N18.3	0,46	-1,82	3,452414	-0,52842	0,59721	NA
NICN1	45,68	-0,52	0,989852	-0,52837	0,597241	0,8548294
PSMD8	1230,10	-0,20	0,3708	-0,52828	0,597303	0,8548294
PUM3	343,78	-0,35	0,671057	-0,52827	0,597313	0,8548294
CITED2	90,68	0,40	0,762902	0,52822	0,597347	0,8548294
C17orf98	0,14	-1,97	3,723963	-0,52796	0,597527	NA
CTC-458G6.4	0,14	-1,97	3,723565	-0,52792	0,597554	NA
CHMP1A	310,76	-0,27	0,503734	-0,52787	0,597587	0,8550587
C1QC	0,96	-1,65	3,132972	-0,52787	0,597593	NA
A1BG-AS1	91,84	0,74	1,407658	0,527857	0,597599	0,8550587
TRAPPC2L	406,58	-0,25	0,472793	-0,52771	0,597702	0,8550754
CTB-13F3.1	4,70	0,54	1,031969	0,527666	0,597731	0,8550754
GS1-251I9.4	142,82	0,35	0,670433	0,527641	0,597749	0,8550754
RP5-1136A10.1	0,69	-1,60	3,038546	-0,52759	0,597781	NA
HSPA13	106,42	-0,47	0,892902	-0,52737	0,597938	0,8552812
AC006160.5	0,84	-1,16	2,197107	-0,52734	0,597958	NA
PWWP2B	159,11	0,51	0,960085	0,527284	0,597997	0,8552987
CH507-9B2.3	539,82	-0,22	0,4167	-0,52708	0,598138	0,8554213
MRPS36P4	0,63	1,97	3,738018	0,527068	0,598146	NA
RP3-471M13.2	1,01	1,97	3,732177	0,527067	0,598147	NA
RP11-644F5.11	0,50	1,62	3,064515	0,527063	0,59815	NA
DLEC1	40,06	0,64	1,209928	0,527028	0,598174	0,8554213
RP11-472N19.3	0,14	-1,96	3,723859	-0,52697	0,598211	NA
RFT1	238,82	0,51	0,966011	0,526876	0,59828	0,8555062
DYNC1I2	534,97	-0,27	0,504928	-0,52681	0,598328	0,8555094
RP11-381E24.1	1,53	1,47	2,793574	0,526726	0,598384	NA

AC005532.5	16,00	0,63	1,19833	0,526691	0,598408	0,8555582
FOXS1	0,64	1,97	3,738155	0,526682	0,598415	NA
IGKV2D-36	0,64	1,97	3,738155	0,526682	0,598415	NA
AC004744.3	0,60	1,91	3,628374	0,526557	0,598501	NA
CHIC1	5,56	0,88	1,668168	0,526545	0,59851	0,855635
RP5-1096D14.2	0,64	1,97	3,738126	0,526522	0,598526	NA
RP11-141M1.3	0,17	-1,77	3,354492	-0,52649	0,598551	NA
GS1-519E5.1	3,04	-0,48	0,910687	-0,52648	0,598553	NA
HCG11	140,19	0,36	0,687848	0,526482	0,598554	0,855635
CITF22-24E5.1	0,64	1,97	3,738174	0,526269	0,598701	NA
PDIA4	325,72	-0,32	0,60989	-0,52608	0,598831	0,8559653
C11orf74	67,87	0,65	1,233759	0,525915	0,598947	0,8560448
RP3-522D1.1	0,63	1,97	3,738002	0,525875	0,598975	NA
RP11-212I21.2	52,18	0,65	1,240956	0,52587	0,598978	0,8560448
SRP72	1102,78	0,19	0,357034	0,525689	0,599104	0,8561394
RP11-517H2.8	0,30	-1,77	3,369836	-0,52565	0,599132	NA
SLC37A1	167,72	-0,52	0,98831	-0,52564	0,599136	0,8561394
TRIM73	64,31	-0,44	0,839895	-0,52552	0,599222	0,8561962
RP11-122K13.8	0,63	1,96	3,738138	0,525487	0,599245	NA
TRAPPC3	296,32	0,32	0,603097	0,525417	0,599294	0,8562323
RNY1P15	0,63	1,96	3,738207	0,525354	0,599337	NA
SH3D21	2,35	1,33	2,537095	0,525345	0,599344	NA
RPAP1	140,73	0,45	0,861356	0,525229	0,599424	0,8563528
RNU1-85P	0,47	1,60	3,049552	0,525205	0,59944	NA
CTD-2215E18.3	0,14	-1,96	3,724187	-0,52516	0,599469	NA
SPANXN1	0,19	-1,95	3,716683	-0,5251	0,599513	NA
RP11-159D12.2	103,18	-0,60	1,13515	-0,52509	0,599523	0,8563709
RP11-408H1.3	101,07	0,33	0,633454	0,525078	0,599529	0,8563709
C2orf82	1,57	-1,25	2,387198	-0,52492	0,599635	NA
ZNF518B	154,53	0,41	0,778066	0,524896	0,599655	0,8564374
OAS2	1195,09	-0,33	0,630509	-0,52477	0,599746	0,8564374
CUL4A	497,51	-0,33	0,627703	-0,52476	0,59975	0,8564374
ZBTB43	556,65	-0,32	0,614023	-0,52473	0,599774	0,8564374
RP11-462G2.1	0,58	-1,08	2,055687	-0,52468	0,599804	NA
HOGA1	10,47	-0,56	1,073298	-0,52466	0,599818	0,8564374
RP11-138H8.6	3,91	-0,60	1,146145	-0,52461	0,599851	0,8564374
CTD-3220F14.3	21,01	-0,51	0,978221	-0,52436	0,60003	0,856599
RP11-179G5.4	1,15	1,54	2,943891	0,524325	0,600052	NA
CCDC25	229,12	-0,31	0,583663	-0,52428	0,600082	0,856599
RP11-41E15.1	2,12	-0,70	1,339146	-0,52425	0,600101	NA
ZNF225	116,44	-0,37	0,701557	-0,52422	0,600128	0,856599
TBPL1	133,97	0,44	0,845427	0,524187	0,600149	0,856599
MMP16	2,94	-1,33	2,541078	-0,52405	0,600245	NA
GNG4	11,73	-0,44	0,837495	-0,52403	0,600258	0,8566897
RP11-1129I3.1	0,62	1,96	3,738099	0,523894	0,600352	NA
CTB-13H5.1	9,79	0,23	0,430039	0,523837	0,600392	0,8568144
RF02114	0,62	1,96	3,738274	0,52383	0,600397	NA
RNU6-374P	0,64	1,96	3,738279	0,523793	0,600422	NA
RP11-67L14.1	32,21	-0,54	1,036063	-0,52368	0,600498	0,8568654
AP000708.1	80,92	-0,32	0,610369	-0,52365	0,60052	0,8568654

RP11-798G7.6	56,61	-0,54	1,039272	-0,52351	0,60062	0,8569427
MIR302C	0,64	1,96	3,738292	0,523468	0,600648	NA
CTD-2291D10.4	0,60	1,91	3,645534	0,523379	0,600711	NA
RP11-475J5.5	0,98	1,95	3,732373	0,523328	0,600746	NA
CTD-2630F21.1	2,12	-0,97	1,850754	-0,52329	0,600774	NA
MEX3D	0,31	-1,31	2,499127	-0,52325	0,600798	NA
SPTB	12,88	-0,53	1,014599	-0,52324	0,600811	0,857149
RN7SL107P	2,30	0,85	1,615471	0,52311	0,600897	NA
RN7SL413P	0,62	1,96	3,738316	0,522965	0,600998	NA
RP11-553N16.1	1,09	-0,74	1,411734	-0,52295	0,601008	NA
SIL1	394,65	0,31	0,590998	0,522786	0,601123	0,8574441
RP11-95M15.2	0,60	1,89	3,611787	0,522776	0,60113	NA
FAS	176,99	-0,39	0,742511	-0,52265	0,601216	0,8574441
UQCRB	839,40	-0,15	0,286571	-0,52256	0,601284	0,8574441
RP11-618K13.2	5,58	-1,05	2,014623	-0,52254	0,601292	0,8574441
LAMTOR3	489,53	0,31	0,592636	0,522533	0,601299	0,8574441
RP11-277B15.2	12,34	-0,80	1,534165	-0,52241	0,601387	0,8574441
EHD2	21,09	0,79	1,521706	0,522391	0,601398	0,8574441
PCDH10	3,88	-0,38	0,734863	-0,52234	0,601434	0,8574441
TXNDC9	190,98	0,50	0,965096	0,522305	0,601458	0,8574441
RP11-140L24.4	0,80	1,04	1,988153	0,522286	0,601471	NA
BISPR	163,16	0,38	0,72109	0,522276	0,601478	0,8574441
AC005197.2	0,98	0,81	1,542606	0,522088	0,601609	NA
RBM5-AS1	6,58	-0,52	0,993343	-0,52204	0,601643	0,8575971
RP11-613D13.8	0,65	1,29	2,471369	0,522034	0,601647	NA
RP11-488L18.8	0,47	-1,54	2,953682	-0,52203	0,601647	NA
RP11-410N8.3	0,63	1,95	3,738366	0,522019	0,601657	NA
RP11-497H17.1	4,07	1,49	2,863107	0,521989	0,601678	0,8575971
JMJD7-PLA2G4B	25,92	0,68	1,294991	0,521889	0,601748	0,857603
ZNF319	10,75	-0,57	1,100011	-0,52182	0,601793	0,857603
DTD2	130,12	0,45	0,86033	0,521785	0,60182	0,857603
RP11-738E22.3	0,49	-1,17	2,234084	-0,52174	0,601851	NA
RP11-301O19.1	9,26	-1,47	2,811264	-0,52169	0,601886	0,8576307
CDKN1B	350,90	0,27	0,523878	0,521573	0,601968	0,8576373
RP5-867C24.4	26,05	-0,63	1,21169	-0,52154	0,601994	0,8576373
CTD-2410N18.4	50,99	0,37	0,705194	0,521485	0,602029	0,8576373
MAK	15,68	0,59	1,137621	0,521376	0,602105	0,8576555
CDADC1	97,73	0,48	0,916106	0,521335	0,602134	0,8576555
RP11-18H21.3	0,59	1,89	3,622987	0,521295	0,602161	NA
PPM1N	66,61	-0,38	0,721578	-0,52124	0,602203	0,8576607
NT5C	283,04	-0,26	0,506788	-0,5212	0,602229	0,8576607
PNOC	0,51	-0,94	1,807137	-0,52101	0,60236	NA
C2orf76	59,31	0,46	0,885353	0,520983	0,602379	0,8577543
STMN4	11,67	-0,61	1,165463	-0,52095	0,602403	0,8577543
ATP6V1G2-DDX39B	91,62	1,87	3,580822	0,520904	0,602433	0,8577543
AC009228.1	0,85	1,67	3,204902	0,520873	0,602455	NA
RPS10P16	3,06	1,33	2,555585	0,520848	0,602473	NA
LINC00923	31,31	-0,51	0,986404	-0,52072	0,602561	0,8578706
CTC-303L1.2	0,59	1,88	3,609965	0,520697	0,602578	NA
AC018816.2	0,66	1,44	2,756688	0,520619	0,602632	NA

TMEM45A	351,08	-0,24	0,469144	-0,5206	0,602644	0,8579226
DAP3	993,77	-0,20	0,376426	-0,52053	0,602695	0,8579297
AC010733.5	19,23	0,60	1,144035	0,520394	0,602789	0,857936
RP11-16E23.4	187,61	0,43	0,821563	0,520364	0,60281	0,857936
SNORA36B	0,14	-1,94	3,725427	-0,52035	0,60282	NA
RP11-458D21.1	3,85	0,83	1,592499	0,520324	0,602838	0,857936
RNF31	215,06	-0,31	0,603575	-0,52012	0,602981	0,8580394
RP11-75A9.3	0,62	1,94	3,738468	0,520089	0,603001	NA
HPYR1	0,63	1,94	3,738437	0,520077	0,60301	NA
AC008132.10	0,40	-1,72	3,305337	-0,51998	0,603078	NA
SNAP47	110,88	0,59	1,140004	0,519964	0,603089	0,8580394
RP11-359J14.2	1,00	1,34	2,575302	0,51996	0,603092	NA
RP11-805L22.3	2,03	0,97	1,865566	0,519909	0,603127	NA
RP4-530I15.9	3,38	0,89	1,710708	0,5199	0,603133	NA
TERF2	156,74	0,40	0,766552	0,519881	0,603146	0,8580394
RN7SL740P	4,31	0,62	1,195366	0,519834	0,603179	0,8580394
TCHP	199,43	-0,36	0,688999	-0,51982	0,603187	0,8580394
RP11-968A15.8	1,36	0,78	1,49138	0,519747	0,60324	NA
MUS81	65,34	-0,43	0,823962	-0,51962	0,603325	0,8580394
CTD-3065B20.2	16,77	-1,24	2,381971	-0,51961	0,603338	0,8580394
PSAT1	18,94	-1,23	2,36211	-0,5196	0,603345	0,8580394
ARSF	1,80	-0,74	1,429353	-0,51958	0,603354	NA
TEKT4P2	23,17	0,70	1,341009	0,519573	0,603361	0,8580394
C11orf24	80,71	0,35	0,669933	0,519558	0,603372	0,8580394
RPL10AP6	0,92	0,69	1,334948	0,519546	0,60338	NA
RP11-330O11.2	6,41	-1,12	2,153783	-0,5194	0,603483	0,8581319
RP11-325E5.3	0,62	1,94	3,738491	0,519373	0,603501	NA
NFKB2	165,08	-0,30	0,585463	-0,5193	0,603548	0,8581595
RP5-968P14.2	1,71	1,31	2,518358	0,519241	0,603593	NA
CEP290	195,88	-0,32	0,615524	-0,51915	0,603654	0,8582443
VAMP1	71,65	-0,52	0,993545	-0,51907	0,603713	0,8582626
NCRNA00184	0,70	1,44	2,770722	0,518997	0,603763	NA
ECI1	224,98	-0,35	0,677856	-0,51898	0,603777	0,858267
CTA-254O6.1	3,70	0,74	1,430177	0,518954	0,603792	NA
FKBP10	0,86	1,11	2,142283	0,518922	0,603815	NA
RP11-331G2.6	17,11	-0,37	0,7043	-0,51889	0,60384	0,858267
ATP6V0B	6267,76	-0,11	0,214316	-0,51887	0,603855	0,858267
PPP6R2	327,95	-0,36	0,692692	-0,5187	0,60397	0,8583119
CTD-2192D1.1	56,73	-0,39	0,746781	-0,51869	0,603978	0,8583119
RP11-439A17.4	4,04	1,30	2,498854	0,518555	0,604071	0,8583215
RP11-103G8.2	25,90	-0,39	0,751829	-0,51855	0,604077	0,8583215
CRELD2	257,19	-0,44	0,844601	-0,51838	0,604192	0,8583671
RP11-1000B6.3	73,62	-0,32	0,616994	-0,51836	0,604205	0,8583671
WDR17	37,39	0,52	0,995	0,518301	0,604248	0,8583671
KLF15	2,31	-0,43	0,832402	-0,51816	0,604345	NA
RP11-760M1.3	18,79	-0,40	0,767229	-0,51806	0,604416	0,8585015
RP11-527D7.1	0,61	1,94	3,738635	0,518036	0,604433	NA
HSPA4	449,12	0,29	0,552839	0,518034	0,604435	0,8585015
PCDHGA11	0,81	1,91	3,679324	0,518031	0,604437	NA
RP1-241P17.3	0,49	0,89	1,725551	0,517957	0,604488	NA

RP11-791J7.2	7,04	0,48	0,924844	0,517894	0,604532	0,8585365
ST6GAL2	8,99	0,35	0,667979	0,517866	0,604552	0,8585365
PDRG1	149,99	0,59	1,133181	0,51779	0,604605	0,8585459
RN7SL561P	3,12	0,64	1,232764	0,517709	0,604661	NA
DOCK5	1720,41	0,18	0,352242	0,517629	0,604717	0,8585857
CABP4	36,99	-0,32	0,611862	-0,5176	0,604737	0,8585857
RP11-643G5.6	0,63	1,94	3,738544	0,517597	0,604739	NA
ISG20L2	239,48	0,30	0,576026	0,517552	0,604771	0,8585857
RP4-779E11.3	0,61	1,93	3,738582	0,517441	0,604849	NA
RP11-578F5.1	0,95	-0,60	1,164638	-0,5174	0,604876	NA
RP11-473P24.2	1,89	-0,54	1,04754	-0,51737	0,604896	NA
RP1-89D4.1	0,86	-0,71	1,368513	-0,5173	0,60495	NA
RP5-951N9.1	34,06	-1,21	2,341951	-0,51728	0,604961	0,8586609
FAM32A	905,85	-0,25	0,481148	-0,51728	0,604963	0,8586609
RNF41	519,10	-0,38	0,736512	-0,51727	0,604966	0,8586609
RP3-405J10.3	18,23	0,34	0,655422	0,517211	0,605009	0,8586609
RP5-981O7.2	0,62	1,93	3,738611	0,517125	0,605069	NA
RP11-477J21.7	51,15	-0,51	0,993925	-0,51704	0,605129	0,8587136
C17orf105	41,42	0,28	0,536643	0,516984	0,605167	0,8587136
SPATC1L	60,86	-0,63	1,222854	-0,51696	0,605184	0,8587136
RP11-362K14.7	0,61	1,93	3,738597	0,516932	0,605204	NA
SNORD92	0,63	1,93	3,738695	0,516901	0,605225	NA
AGFG2	5,82	-0,52	1,013288	-0,51684	0,60527	0,8587696
AC009299.3	0,64	1,37	2,655206	0,516785	0,605307	NA
DUX4L28	0,61	1,88	3,645438	0,516746	0,605334	NA
AC011524.2	0,62	1,88	3,644238	0,516716	0,605354	NA
RN7SL128P	3,43	-0,80	1,549072	-0,51669	0,605373	NA
RP11-982M15.7	7,69	-0,61	1,171657	-0,51668	0,605381	0,8588611
DPYD	1076,40	0,19	0,361754	0,516511	0,605498	0,8588887
C9orf142	576,67	0,21	0,410263	0,516417	0,605563	0,8588887
RP1-5O6.7	29,55	-1,14	2,200509	-0,51639	0,605584	0,8588887
LL22NC03-79E2.1	45,16	0,34	0,66711	0,516378	0,60559	0,8588887
CTD-2384B11.2	0,26	-1,73	3,347298	-0,51632	0,605634	NA
FCF1	126,39	-0,36	0,689714	-0,51626	0,605674	0,8588887
PPP1R2P1	0,61	1,93	3,738556	0,516241	0,605686	NA
OR2L5	0,98	1,33	2,5707	0,516212	0,605706	NA
REXO4	63,24	0,43	0,82512	0,516178	0,60573	0,8588887
KIR3DP1	0,61	1,93	3,73857	0,516174	0,605733	NA
RP11-540K16.1	13,21	-0,98	1,889953	-0,51616	0,605741	0,8588887
CTRL	37,84	-0,49	0,94215	-0,51607	0,605805	0,8588887
PGC	0,59	1,89	3,666527	0,516057	0,605814	NA
RPL19	11852,92	0,06	0,123626	0,516056	0,605815	0,8588887
CASR	45,66	-0,26	0,49704	-0,51588	0,605935	0,8589927
DNAJC8	1194,10	-0,17	0,33289	-0,51565	0,606102	0,8591636
RP11-535C21.3	1,42	1,92	3,728793	0,515627	0,606115	NA
TSR3	226,70	-0,41	0,803973	-0,51553	0,606184	0,8592147
RNU6-288P	0,22	-1,91	3,710708	-0,51549	0,60621	NA
AC004951.5	0,59	1,89	3,665762	0,515442	0,606244	NA
MSH5	52,39	0,35	0,670515	0,515391	0,60628	0,8592596
ZNF451	698,96	0,30	0,575947	0,515335	0,606319	0,8592596

RP11-190D6.1	0,39	-0,83	1,614418	-0,51528	0,606358	NA
CTB-189B5.3	1,59	-0,62	1,202008	-0,51528	0,606636	NA
RN7SL387P	3,11	-0,60	1,15892	-0,51527	0,606367	NA
PPP1CA	2628,83	0,15	0,293396	0,515257	0,606373	0,8592596
CLUH	85,17	-0,64	1,24689	-0,51521	0,606405	0,8592596
EEPD1	127,45	-0,53	1,026941	-0,51515	0,606447	0,8592596
TPRG1L	227,57	-0,34	0,669328	-0,51501	0,606547	0,8593362
RPL12P8	1,96	-0,45	0,867111	-0,51489	0,606628	NA
ZNF839	170,82	0,40	0,770558	0,514877	0,606639	0,8593872
AP003025.2	1,82	-0,54	1,054425	-0,51485	0,606659	NA
RP11-15L13.4	0,49	1,60	3,112708	0,514829	0,606672	NA
TIMM8A	93,68	0,55	1,073529	0,514809	0,606686	0,8593872
RP11-475N22.4	1,53	1,38	2,686057	0,514805	0,606689	NA
RP11-153M7.5	0,95	1,92	3,732849	0,514702	0,606761	NA
ACO1	131,02	0,54	1,052408	0,514614	0,606823	0,8593872
PRUNE	117,38	0,63	1,217823	0,514612	0,606824	0,8593872
ZNF213	56,64	0,48	0,927148	0,514564	0,606858	0,8593872
SLC11A2	280,65	-0,21	0,409358	-0,51456	0,60686	0,8593872
AC098820.4	0,57	1,84	3,584814	0,514527	0,606884	NA
TMED1	246,80	0,41	0,788799	0,514353	0,607005	0,8595277
TBC1D3P2	0,60	1,86	3,623437	0,514172	0,607132	NA
RP11-128N14.5	6,67	-0,73	1,41034	-0,51416	0,607139	0,8596363
RP11-179F17.5	4,35	-0,80	1,551645	-0,51411	0,607174	0,8596363
TPBG	0,23	-1,73	3,357688	-0,51405	0,60722	NA
RP1-20208.2	0,50	0,97	1,887168	0,513927	0,607303	NA
CTD-2325P2.3	1,45	1,92	3,72861	0,513914	0,607312	NA
MIR505	0,60	1,92	3,738754	0,513797	0,607394	NA
FOXN3	1133,90	-0,21	0,416403	-0,5138	0,607395	0,8598555
PRKCD	871,29	-0,17	0,324804	-0,5137	0,607462	0,8598555
RP11-105C19.1	1,15	-0,72	1,3995	-0,51367	0,607486	NA
PYCR1	12,26	0,65	1,258732	0,513631	0,60751	0,8598555
AC103563.4	0,60	1,88	3,65344	0,51361	0,607524	NA
GPHN	24,69	-0,40	0,774855	-0,51341	0,607665	0,8598555
PSORS1C3	0,62	1,92	3,738772	0,5134	0,607671	NA
AC092431.2	1,71	-0,80	1,56445	-0,51338	0,607687	NA
REEP4	385,20	0,29	0,562443	0,513354	0,607704	0,8598555
METRN	5,09	0,95	1,849823	0,513351	0,607706	0,8598555
FAM192A	715,80	-0,19	0,378066	-0,51335	0,607707	0,8598555
FAM171B	5,08	0,36	0,695454	0,513323	0,607725	0,8598555
RP11-98L5.2	5,56	-0,47	0,917967	-0,51329	0,607745	0,8598555
LURAP1	8,62	0,42	0,82563	0,513109	0,607875	0,859974
RP11-119H12.2	1,69	0,46	0,888313	0,51309	0,607888	NA
AGAP14P	2,42	-1,13	2,212203	-0,51306	0,607911	NA
RP3-395P12.2	7,96	-0,58	1,127727	-0,51298	0,607965	0,8600257
PAQR7	324,14	0,27	0,525962	0,512924	0,608004	0,8600257
OR1S2	0,60	1,88	3,670905	0,512924	0,608004	NA
SATB1	838,50	0,30	0,586177	0,512856	0,608052	0,8600281
RP11-214O1.2	3,74	1,33	2,588648	0,512827	0,608072	NA
RP11-122C21.1	1,59	-1,18	2,301134	-0,51268	0,608174	NA
PHYHD1	5,19	0,57	1,115009	0,512671	0,608181	0,8601107

OXSM	23,72	0,61	1,180388	0,512619	0,608218	0,8601107
PRKAB2	95,03	-0,43	0,836675	-0,51257	0,608249	0,8601107
RP11-383C5.3	7,35	-0,53	1,041733	-0,51249	0,608305	0,8601156
AC005324.6	1,57	-1,16	2,264232	-0,51247	0,608319	NA
RP5-1073O3.7	152,65	-0,44	0,852339	-0,51239	0,608376	0,8601156
ARF5	3571,29	0,14	0,278759	0,512371	0,608391	0,8601156
FBLN7	2,16	-0,56	1,090036	-0,5123	0,608438	NA
RP11-271K21.7	2,12	1,07	2,095135	0,512277	0,608457	NA
AL845154.2	0,43	-1,30	2,542938	-0,51218	0,608523	NA
OCM	0,19	-1,90	3,717976	-0,51205	0,608616	NA
PCYT1B	2,73	-0,42	0,829342	-0,51188	0,608734	NA
EIF3A	3011,10	0,14	0,269949	0,511838	0,608764	0,8605645
PPP2R5A	490,32	-0,29	0,558007	-0,51179	0,608801	0,8605645
SMYD4	174,99	-0,40	0,791236	-0,51165	0,608894	0,8605819
AC005235.1	31,26	0,42	0,828467	0,511635	0,608906	0,8605819
RP1-184J9.2	0,61	1,91	3,738732	0,511583	0,608943	NA
IL1A	4,04	1,35	2,646646	0,511567	0,608954	0,8605845
EEF1A2	8,53	-0,43	0,83144	-0,51144	0,609042	0,8606157
NSD2	333,43	-0,31	0,603343	-0,51136	0,609099	0,8606157
ANKRD20A3	63,97	-0,49	0,968001	-0,51134	0,609115	0,8606157
RP3-391O22.3	0,59	1,88	3,667955	0,511306	0,609137	NA
MIR23A	1,89	-1,01	1,968452	-0,51128	0,609153	NA
RP11-763B22.7	0,78	1,63	3,195246	0,511212	0,609202	NA
CD244	392,85	-0,32	0,617813	-0,51119	0,609219	0,8606236
RP11-666A8.1	0,47	1,58	3,082539	0,511175	0,609229	NA
KIAA1328	221,87	0,24	0,474105	0,511151	0,609245	0,8606236
PATZ1	102,99	-0,38	0,747245	-0,51113	0,60926	0,8606236
RP11-905K4.1	0,13	-1,91	3,730346	-0,51102	0,609339	NA
RP11-77K12.3	2,28	1,17	2,297918	0,510997	0,609353	NA
AC005786.7	50,42	-0,38	0,747824	-0,51098	0,609363	0,8607047
C21orf81	3,35	-0,83	1,62214	-0,51094	0,609394	NA
ADCY5	28,49	-1,84	3,608402	-0,51087	0,60944	0,8607169
RP1-92O14.3	0,60	1,91	3,738876	0,510849	0,609457	NA
CFAP69	261,91	-0,22	0,422062	-0,51084	0,609464	0,8607169
RP4-593M8.1	1,74	-1,08	2,116945	-0,5108	0,609492	NA
AURKC	0,64	1,91	3,737697	0,510762	0,609518	NA
ACYP1	38,12	0,72	1,400319	0,510748	0,609527	0,8607403
AC007879.2	3,93	1,87	3,66372	0,510638	0,609605	0,8607533
RP11-267J23.4	0,55	-0,78	1,522077	-0,51063	0,609608	NA
AURKAIP1	736,85	-0,18	0,355881	-0,51055	0,609665	0,8607533
EXTL3	308,17	0,32	0,636489	0,510486	0,609711	0,8607533
RP11-2C24.3	46,66	0,39	0,766932	0,510471	0,609721	0,8607533
RP3-337D23.3	2,83	-0,48	0,949491	-0,51035	0,609807	NA
MIR5188	0,60	1,91	3,738917	0,510242	0,609882	NA
IL9RP4	0,17	-1,71	3,356225	-0,51012	0,609968	NA
CTD-3116E22.4	21,96	-0,80	1,568383	-0,51009	0,60999	0,8609546
RP11-159F24.1	197,62	-0,24	0,474676	-0,51007	0,61	0,8609546
C1QA	97,99	-0,66	1,286029	-0,51007	0,610003	0,8609546
C12orf56	0,60	1,91	3,738885	0,509921	0,610107	NA
AP3B2	111,17	-0,23	0,444533	-0,5098	0,610192	0,861156

LINC01132	0,40	-1,57	3,07438	-0,50965	0,610293	NA
VPS26B	289,52	0,31	0,609569	0,509617	0,61032	0,8611567
IGHV1-24	0,62	-1,18	2,308485	-0,50957	0,610351	NA
TMEM119	15,83	-0,32	0,633828	-0,50957	0,610352	0,8611567
PCDHA10	18,96	-0,34	0,666307	-0,50947	0,610425	0,8611567
RPL12P11	0,92	1,90	3,732923	0,509302	0,61054	NA
SFN	1,50	-0,88	1,735873	-0,50929	0,610548	NA
HIPK2	393,23	0,30	0,595047	0,50923	0,610591	0,8611567
NUS1	479,07	-0,37	0,725122	-0,50922	0,610597	0,8611567
TMEM30A	624,83	0,25	0,497718	0,509201	0,610611	0,8611567
RP11-242F24.1	8,99	0,37	0,724629	0,5092	0,610612	0,8611567
LINC00273	47,67	0,63	1,239002	0,509163	0,610638	0,8611567
PLCG1	12,15	-0,83	1,633206	-0,50914	0,610652	0,8611567
RP11-863K10.7	27,68	0,50	0,989809	0,509138	0,610655	0,8611567
SIRT6	71,65	-0,54	1,067733	-0,509	0,610753	0,8612119
RP11-567C20.5	14,03	-0,49	0,954283	-0,50895	0,610787	0,8612119
CTA-292E10.8	0,36	1,34	2,63451	0,508911	0,610815	NA
FAM98A	89,24	-0,53	1,034096	-0,50868	0,610978	0,8613031
RP13-158L7.3	1,40	0,55	1,083714	0,508674	0,610981	NA
DUX4L26	0,67	-1,36	2,673964	-0,50866	0,610988	NA
POC5	66,87	-0,58	1,137644	-0,50864	0,611003	0,8613031
ZNF99	6,71	-0,27	0,538927	-0,50862	0,611022	0,8613031
CAB39	894,17	0,23	0,460618	0,508594	0,611037	0,8613031
LINC00637	1,12	0,94	1,851176	0,508501	0,611102	NA
PRMT8	0,50	-1,01	1,97891	-0,50825	0,611128	NA
LCMT1	198,73	0,38	0,740695	0,508225	0,611296	0,8616027
TOP3B	143,57	-0,45	0,888199	-0,5081	0,611381	0,8616571
GOLGA8F	2,87	-1,57	3,096759	-0,50797	0,611475	NA
SNRPE	573,53	-0,14	0,270303	-0,50794	0,611498	0,8617092
FAM3C	81,51	0,40	0,788252	0,507871	0,611544	0,8617092
ZNF556	33,43	-0,27	0,523635	-0,50785	0,611556	0,8617092
RP11-522D2.1	0,63	-1,87	3,682594	-0,50758	0,611751	NA
RP11-244F12.2	7,42	-0,56	1,109501	-0,50742	0,611861	0,8618595
STAG3L5P-PVRIG2P-PIL	66,61	0,44	0,864146	0,507387	0,611883	0,8618595
RP11-806H10.4	1,06	0,97	1,915957	0,507382	0,611887	NA
ACTA1	2,63	0,38	0,754898	0,507335	0,61192	NA
PPIP5K1	91,49	-0,50	0,989645	-0,50726	0,611971	0,8618595
RP4-784A16.5	10,02	-0,88	1,735096	-0,50725	0,611979	0,8618595
EBF2	0,58	-0,77	1,51401	-0,50722	0,612001	NA
AC007319.1	0,65	1,38	2,718368	0,507161	0,612042	NA
ARAP3	26,96	-0,79	1,566536	-0,50714	0,612056	0,8618595
TCP10L	0,92	-1,38	2,723485	-0,50707	0,612106	NA
MYO10	88,89	0,41	0,813279	0,507066	0,612109	0,8618595
MIR4802	0,93	1,89	3,732976	0,507052	0,612118	NA
CTC-428G20.4	0,17	-1,44	2,835547	-0,50698	0,612167	NA
RP11-138N21.1	8,00	0,73	1,438368	0,506952	0,612188	0,8618595
RP11-865A20.1	11,97	0,72	1,423702	0,506946	0,612192	0,8618595
MYLK4	14,34	-0,66	1,292222	-0,50694	0,6122	0,8618595
AP001347.6	29,93	-0,79	1,549647	-0,5069	0,612222	0,8618595
ATXN2	486,31	-0,24	0,473207	-0,50684	0,612269	0,8618595

RP11-395F4.1	3,79	0,91	1,787161	0,506815	0,612284	0,8618595
RP11-167P22.3	0,92	1,89	3,732976	0,506725	0,612348	NA
GLUD2	0,49	0,86	1,701111	0,506678	0,61238	NA
NUTM2E	0,43	-1,87	3,688138	-0,50668	0,612381	NA
PCED1B	34,35	0,57	1,11968	0,506606	0,612431	0,8618595
ANP32AP1	5,80	-0,95	1,877557	-0,50661	0,612432	0,8618595
CDKN2AIPNL	123,27	-0,39	0,767697	-0,50651	0,6125	0,8618595
INAFM1	76,94	-0,48	0,943586	-0,50633	0,612625	0,8618595
RP11-316K19.3	0,45	1,54	3,039748	0,506314	0,612637	NA
FAM213B	13,53	0,61	1,196067	0,506312	0,612637	0,8618595
SNORD69	0,75	-1,57	3,093907	-0,50631	0,612642	NA
ZNF710	114,11	0,28	0,560891	0,506277	0,612662	0,8618595
RP11-711D18.2	0,60	1,89	3,739134	0,506266	0,61267	NA
RP11-577H5.2	0,56	1,82	3,595898	0,506213	0,612707	NA
DNAJA2	506,08	0,27	0,532746	0,506202	0,612715	0,8618595
HLA-K	4,57	0,61	1,21171	0,506152	0,61275	0,8618595
SAMD9	595,44	-0,32	0,641156	-0,50615	0,612752	0,8618595
MRPS11	649,58	0,26	0,50526	0,506122	0,612771	0,8618595
PPHLN1	1209,22	-0,13	0,261139	-0,50609	0,612792	0,8618595
RP11-4O1.2	41,79	-0,45	0,888609	-0,50609	0,612793	0,8618595
RP11-385F5.2	0,94	1,89	3,732912	0,506083	0,612799	NA
TRIM22	1617,29	-0,21	0,42114	-0,50605	0,612821	0,8618595
RP11-313P13.5	0,92	1,89	3,733022	0,506023	0,61284	NA
RP11-777J24.1	1,83	0,58	1,145284	0,505856	0,612957	NA
RP11-973H7.3	17,97	-0,46	0,915754	-0,50584	0,612968	0,8619377
FHL3	246,04	-0,36	0,704012	-0,50584	0,612969	0,8619377
AC009487.6	0,57	1,82	3,605643	0,505801	0,612996	NA
AC104667.3	0,57	1,07	2,120783	0,505756	0,613028	NA
AP000275.65	6,83	-1,19	2,348238	-0,50565	0,613101	0,8620097
RSBN1L	385,45	0,33	0,644338	0,505634	0,613113	0,8620097
RNU6-1310P	0,61	1,89	3,739114	0,505607	0,613132	NA
WBP11P1	0,78	1,62	3,205682	0,505527	0,613189	NA
CTD-2213F21.3	0,60	1,89	3,739066	0,505492	0,613213	NA
CD33	1479,80	-0,13	0,251935	-0,5054	0,613279	0,8620982
KB-1042C11.5	4,77	-0,86	1,702734	-0,5054	0,613281	0,8620982
TIMP2	795,63	-0,16	0,320833	-0,50535	0,613315	0,8620982
RP11-5K16.2	0,93	-1,40	2,779192	-0,50532	0,613331	NA
RP11-688I9.5	44,31	-0,42	0,830565	-0,50528	0,613365	0,8621023
TMPRSS3	2,92	-0,61	1,198922	-0,50527	0,61337	NA
SLC25A21	11,41	-0,41	0,809588	-0,5051	0,613485	0,8621849
CMTM8	1,13	0,86	1,711749	0,505011	0,613551	NA
CTD-2006K23.2	0,95	1,30	2,576922	0,505003	0,613556	NA
ASZ1	11,30	-0,48	0,95877	-0,505	0,613558	0,8621849
ZPR1	561,70	0,29	0,56818	0,504901	0,613628	0,8621849
RBM25	2460,43	0,15	0,29771	0,504859	0,613658	0,8621849
LY86	2591,03	0,14	0,268025	0,504846	0,613667	0,8621849
ZFP28	14,03	0,87	1,719002	0,504783	0,613711	0,8621849
AC098831.4	0,98	1,43	2,841941	0,504746	0,613737	NA
ATP5L2	13,48	-0,57	1,120844	-0,50473	0,613748	0,8621849
EPC2	142,59	-0,47	0,934247	-0,50458	0,613851	0,8622173

CD5	42,82	0,66	1,315968	0,504566	0,613864	0,8622173
AC007292.6	6,08	0,54	1,073457	0,504457	0,61394	0,8622603
CACNA1S	0,57	1,84	3,657321	0,504418	0,613968	NA
RP11-511H9.3	5,82	-0,77	1,525182	-0,5043	0,614051	0,8622934
SLC39A13	80,28	-0,50	1,000318	-0,50429	0,614057	0,8622934
POM121	248,14	-0,34	0,680034	-0,50422	0,614106	0,8622981
GUF1	274,62	-0,34	0,665054	-0,504	0,614262	0,8624
BRE	460,04	0,26	0,513311	0,503885	0,614342	0,8624
PCDHGA5	7,48	-0,51	1,006156	-0,50383	0,614383	0,8624
MARCH2	153,18	-0,26	0,519647	-0,50381	0,614395	0,8624
CRLF1	10,88	-1,14	2,271908	-0,50379	0,614411	0,8624
DPYSL3	0,89	1,83	3,637552	0,503752	0,614436	NA
SPEN	1571,30	0,27	0,542162	0,503605	0,614539	0,862507
RP11-75A9.2	0,81	-0,54	1,071101	-0,5036	0,614544	NA
SNAI2	1,95	1,28	2,53907	0,503569	0,614564	NA
SP2	116,84	-0,40	0,787485	-0,50353	0,614588	0,862507
RP11-299G20.5	7,22	-0,66	1,30998	-0,50339	0,614691	0,862507
AKAP6	18,88	0,60	1,196358	0,503332	0,614731	0,862507
MED18	75,53	-0,52	1,040148	-0,50332	0,614741	0,862507
DENND1A	617,57	0,23	0,455889	0,503283	0,614765	0,862507
CYBRD1	217,40	-0,34	0,66654	-0,50317	0,614843	0,8625506
RP5-1092A11.5	0,71	-1,57	3,116697	-0,50314	0,614864	NA
RP11-239A17.1	0,61	1,88	3,739226	0,503033	0,614941	NA
EVI5	597,05	0,26	0,5232	0,502898	0,615036	0,8627162
RP11-12J10.3	4,08	0,93	1,851104	0,502853	0,615068	0,8627162
ZKSCAN5	145,16	0,45	0,888046	0,502743	0,615145	0,8627162
CEP295NL	9,42	0,94	1,8643	0,502741	0,615146	0,8627162
RP11-375H19.2	2,04	0,55	1,096452	0,502662	0,615202	NA
RP3-369A17.4	0,91	1,88	3,73197	0,502604	0,615243	NA
AP000766.2	1,22	1,67	3,324777	0,502589	0,615253	NA
CBX7	22,88	-0,49	0,969821	-0,50248	0,615332	0,8629114
PRICKLE2	101,82	0,36	0,709859	0,5024	0,615386	0,8629229
RNU6-454P	0,60	1,88	3,739215	0,502318	0,615444	NA
CTD-3080P12.3	2,95	0,68	1,350587	0,502253	0,61549	NA
RP11-609D21.3	294,12	-0,86	1,704543	-0,50218	0,615541	0,862949
SESN1	160,01	0,52	1,036684	0,50217	0,615548	0,862949
RP11-500M8.7	54,13	0,84	1,673493	0,502055	0,615629	0,862949
RP11-100L22.2	7,19	-0,59	1,178535	-0,50196	0,615699	0,862949
BNIP3	81,84	-0,49	0,978772	-0,50183	0,61579	0,862949
RP11-345J4.8	125,19	0,40	0,804708	0,501792	0,615814	0,862949
ZFP3	36,17	0,49	0,97235	0,501789	0,615816	0,862949
RP11-539L10.3	13,20	-0,44	0,882185	-0,50179	0,615817	0,862949
SMIM20	144,88	0,40	0,805973	0,50178	0,615822	0,862949
RP4-675C20.4	1,49	0,95	1,891026	0,501763	0,615834	NA
IMPA2	429,31	0,23	0,460509	0,501686	0,615889	0,8629769
RP11-158L12.4	8,72	0,58	1,156126	0,501494	0,616024	0,8631014
RP11-7N10.1	0,55	-1,04	2,065048	-0,50149	0,616029	NA
RP11-26L16.1	2,07	0,66	1,319191	0,501323	0,616144	NA
RP11-536P6.3	2,04	-0,77	1,542597	-0,50131	0,616151	NA
WRB	120,95	-0,61	1,226553	-0,50127	0,616181	0,8632565

OR14A2	0,13	-1,87	3,727295	-0,50122	0,616215	NA
RP11-613E4.1	0,60	1,87	3,739341	0,501034	0,616347	NA
RP11-104O19.2	0,73	0,86	1,726837	0,500901	0,616441	NA
DPPA3	0,98	-1,12	2,246085	-0,50082	0,616496	NA
RP11-379F4.6	2,15	-0,57	1,140194	-0,50082	0,616498	NA
LRRC69	45,00	-0,43	0,857227	-0,50082	0,616498	0,8635934
FAF2	330,11	-0,30	0,594167	-0,50079	0,616521	0,8635934
RP11-490N5.2	1,25	1,68	3,362562	0,500775	0,616529	NA
RP11-312B8.1	1,18	1,20	2,389437	0,500742	0,616553	NA
TMOD1	13,79	0,88	1,748906	0,500678	0,616598	0,8635934
CSTF2	104,84	-0,60	1,197963	-0,50064	0,616624	0,8635934
RP11-774O3.3	10,37	1,22	2,427893	0,500599	0,616654	0,8635934
MSRB1	950,42	-0,21	0,422555	-0,50053	0,616703	0,8635982
RP11-457D2.3	0,58	1,87	3,739481	0,500248	0,6169	NA
RP11-373E16.4	6,12	0,79	1,580762	0,500162	0,616961	0,8638368
INTS5	87,29	0,77	1,53049	0,500154	0,616967	0,8638368
CHD1	2120,88	0,21	0,419288	0,499909	0,617139	0,8639615
IPPK	71,07	-0,63	1,267094	-0,4999	0,617149	0,8639615
LINC-PINT	505,36	0,27	0,545694	0,499702	0,617285	0,8640111
RP11-400N13.2	38,14	0,46	0,911344	0,499655	0,617318	0,8640111
FZD5	7,59	0,64	1,285257	0,499648	0,617323	0,8640111
RP11-359K18.3	0,39	-1,71	3,422528	-0,49958	0,617373	NA
HS2ST1	146,95	-0,44	0,886338	-0,49943	0,617473	0,8640956
AP000279.69	49,15	0,46	0,921777	0,499287	0,617577	0,8640956
PXT1	3,69	1,27	2,543754	0,499206	0,617634	NA
ATAD2	144,38	0,32	0,640018	0,499116	0,617698	0,8640956
ANXA8	13,89	-0,87	1,752511	-0,49909	0,617719	0,8640956
NSDHL	91,71	-0,59	1,191234	-0,49909	0,617719	0,8640956
RP11-481J2.1	4,61	-0,63	1,268612	-0,49899	0,617788	0,8640956
CLCN5	625,10	0,40	0,800849	0,498964	0,617805	0,8640956
PNMA3	0,26	-1,44	2,880253	-0,49892	0,617836	NA
RP11-789C7.1	10,71	-0,75	1,496691	-0,49892	0,617838	0,8640956
RP11-158D2.2	75,69	-0,45	0,897818	-0,49885	0,617883	0,8640956
ACYP2	199,20	0,28	0,559775	0,498833	0,617897	0,8640956
RP11-846C15.2	1,81	0,95	1,90728	0,498793	0,617925	NA
C21orf33	102,36	0,51	1,029367	0,498779	0,617935	0,8640956
AC133109.1	1,97	0,88	1,758656	0,498684	0,618002	NA
MGAT4A	355,52	0,38	0,75426	0,498638	0,618035	0,8640956
C3orf66	12,79	-0,42	0,847285	-0,49857	0,618082	0,8640956
MIR3661	0,59	1,83	3,666858	0,498535	0,618107	NA
ZNF587B	23,29	0,43	0,85581	0,498512	0,618123	0,8640956
SIN3A	448,82	0,29	0,579937	0,498456	0,618163	0,8640956
TRDMT1	314,90	0,37	0,751309	0,498427	0,618183	0,8640956
PLEKHA1	359,60	-0,34	0,686609	-0,49837	0,618223	0,8640956
CDC42EP1	10,11	0,67	1,351648	0,498357	0,618232	0,8640956
CTC-510F12.3	11,98	0,35	0,709	0,498181	0,618357	0,8640956
TRAPPC13	191,03	-0,44	0,877029	-0,49816	0,618372	0,8640956
TYW3	377,84	-0,20	0,404915	-0,49815	0,618378	0,8640956
OR2V2	17,01	0,34	0,690739	0,498112	0,618405	0,8640956
AP001462.6	1,64	0,95	1,900689	0,498076	0,61843	NA

TGM5	4,61	-0,41	0,814406	-0,49793	0,618535	0,8642112
RP11-474N24.2	46,54	-0,73	1,473912	-0,4978	0,618623	0,8642169
EMILIN2	1740,32	-0,18	0,363592	-0,49776	0,618655	0,8642169
RP5-1139I1.2	6,84	0,65	1,311188	0,497725	0,618678	0,8642169
AC092484.1	0,26	-1,41	2,835573	-0,49771	0,618688	NA
CCDC92	107,63	-0,43	0,86658	-0,49758	0,618778	0,8642368
PET117	118,67	-0,48	0,956823	-0,49756	0,618791	0,8642368
AC004069.2	52,02	0,52	1,037062	0,497488	0,618845	0,8642368
FBXO28	180,90	-0,55	1,097757	-0,49735	0,618941	0,8642368
ADGRV1	111,77	0,40	0,794832	0,497336	0,618952	0,8642368
RP11-344N17.8	1,65	-1,05	2,111888	-0,49723	0,619028	NA
RP11-297C4.6	4,04	0,84	1,684033	0,497196	0,619051	0,8642368
DBET	9,70	-0,85	1,701046	-0,49718	0,619063	0,8642368
CTIF	46,62	0,60	1,198623	0,497177	0,619064	0,8642368
TNNC2	0,58	1,86	3,739527	0,497174	0,619066	NA
AF127577.13	37,42	0,51	1,021957	0,497051	0,619153	0,8642965
AC121253.1	86,85	0,17	0,336144	0,496739	0,619373	0,8645209
BBS10	23,28	-0,73	1,470164	-0,49669	0,619407	0,8645209
MIR5708	0,76	0,91	1,838002	0,496635	0,619447	NA
SPG7	882,45	-0,13	0,261189	-0,4966	0,619469	0,8645428
RP11-696D21.2	0,59	1,18	2,372053	0,496471	0,619562	NA
CTC-305D20.1	0,48	-0,98	1,976695	-0,49646	0,619568	NA
ATG9B	13,40	-0,81	1,622399	-0,49645	0,61958	0,8646101
EIF5A	1618,91	-0,20	0,394609	-0,49626	0,619711	0,8646101
AL109767.1	0,50	-1,83	3,694671	-0,49622	0,61974	NA
DCTN3	775,73	-0,18	0,362194	-0,49617	0,619775	0,8646101
CCDC167	102,17	-0,41	0,824347	-0,49617	0,619777	0,8646101
OR7E84P	0,46	-1,10	2,211734	-0,49612	0,619809	NA
TYRO3	78,10	0,28	0,564171	0,496075	0,619842	0,8646101
RP11-568G20.1	8,13	-0,32	0,64028	-0,49603	0,619874	0,8646101
CMB9-22P13.1	16,76	-0,47	0,94613	-0,49602	0,619879	0,8646101
RNU6-218P	0,58	1,85	3,739566	0,496019	0,619881	NA
RP11-487E13.1	163,80	0,20	0,40127	0,496008	0,619889	0,8646101
NDUFA8	345,73	0,34	0,686441	0,495886	0,619975	0,8646649
CTC-459F4.3	70,31	-0,49	0,995314	-0,49574	0,620078	0,8647435
AC010982.1	0,74	1,58	3,194387	0,495694	0,620111	NA
DAG1	28,54	-0,38	0,776191	-0,49559	0,620183	0,8648252
GEN1	215,76	0,47	0,941666	0,495488	0,620256	0,8648626
AC005326.2	0,71	-1,82	3,682987	-0,49548	0,620263	NA
SMC5	642,12	-0,27	0,543676	-0,49541	0,62031	0,8648737
RNA5SP389	0,57	1,85	3,739594	0,495361	0,620346	NA
ZNF728	0,29	-1,64	3,304772	-0,49516	0,620487	NA
ELMOD3	341,20	-0,36	0,729124	-0,49512	0,620514	0,8649875
EFHC1	359,52	-0,29	0,590231	-0,49499	0,620606	0,8649875
RP11-381K20.2	4,94	1,44	2,90419	0,494975	0,620618	0,8649875
RP11-380B4.3	10,00	0,43	0,871413	0,49482	0,620727	0,8649875
RP11-271C24.3	31,95	0,59	1,192645	0,494737	0,620786	0,8649875
FNDC7	0,81	1,61	3,250625	0,494722	0,620797	NA
ST14	461,76	0,27	0,551722	0,494713	0,620803	0,8649875
PFN1P6	0,58	1,85	3,739628	0,494703	0,620809	NA

YIPF2	200,81	-0,39	0,789117	-0,49464	0,620851	0,8649875
ENKUR	1,53	1,84	3,727785	0,494638	0,620856	NA
TATDN3	194,75	0,34	0,695272	0,494614	0,620873	0,8649875
FHDC1	11,85	0,31	0,628219	0,49453	0,620932	0,8649875
FARP1	79,74	0,24	0,483922	0,494526	0,620935	0,8649875
RAD52	149,87	-0,38	0,770984	-0,4945	0,62095	0,8649875
RECK	66,96	-0,47	0,955224	-0,4945	0,62095	0,8649875
COMMD2	439,29	0,32	0,654217	0,494304	0,621091	0,8651199
RP11-1140I5.1	1,60	-0,71	1,443572	-0,49421	0,621161	NA
RP11-1033H12.1	0,59	1,85	3,739546	0,494103	0,621233	NA
ZNF862	100,78	-0,48	0,966033	-0,49409	0,621242	0,8651424
CERS4	102,44	-0,63	1,277573	-0,49409	0,621244	0,8651424
P2RY2	46,65	-0,99	2,005294	-0,49405	0,62127	0,8651424
RP11-384J4.2	7,60	0,59	1,194429	0,494018	0,621294	0,8651424
LVRN	0,98	-1,81	3,654571	-0,49399	0,621311	NA
RP11-101P17.5	1,00	1,30	2,623654	0,493894	0,621381	NA
RP11-752G15.3	8,81	-0,51	1,028615	-0,49388	0,621389	0,8652103
FAH	203,58	0,35	0,713093	0,493763	0,621474	0,8652635
SAMM50	673,96	-0,23	0,465117	-0,49361	0,621583	0,8653509
AC004870.3	0,57	1,85	3,739938	0,493581	0,621602	NA
RP11-849F2.7	0,89	-0,78	1,571662	-0,49353	0,621635	NA
KAT8	378,83	0,23	0,466007	0,493431	0,621708	0,8653649
CTA-363E6.7	5,39	-0,96	1,937974	-0,49341	0,621721	0,8653649
TFIP11	264,22	0,32	0,652115	0,493397	0,621732	0,8653649
RNY3P2	0,24	-1,83	3,715077	-0,49334	0,621774	NA
RP11-277E18.2	0,59	1,84	3,739576	0,493331	0,621779	NA
RP11-120K19.4	0,88	1,84	3,733729	0,493272	0,62182	NA
FKBP1B	14,52	0,87	1,767407	0,49322	0,621857	0,865371
DUOX2	3,98	-0,46	0,92794	-0,49321	0,621865	0,865371
STX10	915,19	-0,14	0,288966	-0,49319	0,621876	0,865371
SRP68P3	0,90	1,84	3,733569	0,493149	0,621907	NA
MIR181A2HG	0,42	1,49	3,013544	0,49309	0,621949	NA
PLEKHG6	3,10	0,81	1,650713	0,493007	0,622008	NA
SYPL2	0,59	1,84	3,739685	0,492967	0,622036	NA
RP11-420L9.5	5,28	0,86	1,752475	0,492962	0,622039	0,8655331
RP11-364B14.2	0,59	1,84	3,739658	0,492929	0,622063	NA
RP11-645C24.2	461,40	0,27	0,540972	0,492873	0,622102	0,8655557
RPL3L	22,84	-0,35	0,707631	-0,49268	0,622237	0,8656782
AL449209.1	93,28	0,51	1,027404	0,492527	0,622347	0,8657204
RP11-459O1.1	0,77	1,60	3,240134	0,492505	0,622363	NA
ZNFX1	659,18	0,17	0,347222	0,49245	0,622401	0,8657204
SLC35E3	343,43	0,27	0,551386	0,492384	0,622448	0,8657204
DCAKD	98,18	0,32	0,644807	0,492338	0,62248	0,8657204
MGAT5B	2,59	1,13	2,29978	0,492299	0,622508	NA
RP11-37B2.1	75,56	-0,45	0,922188	-0,49216	0,622606	0,8657204
CASP1	3290,72	0,14	0,277281	0,492156	0,622609	0,8657204
PEX14	10,05	0,56	1,143084	0,492154	0,62261	0,8657204
CMTM6	2657,76	0,14	0,275144	0,492113	0,622639	0,8657204
LA16c-312E8.4	0,90	1,84	3,733428	0,492091	0,622655	NA
CTC-428H11.2	28,80	0,56	1,13191	0,492035	0,622695	0,8657329

RP11-282K24.1	2,33	0,39	0,79157	0,491975	0,622737	NA
ZNF774	42,11	-0,25	0,509214	-0,49165	0,622969	0,8660157
ZNF605	99,09	-0,45	0,921077	-0,49162	0,622991	0,8660157
RP11-290F24.3	0,55	1,78	3,610812	0,491591	0,623008	NA
DDN	0,23	-1,65	3,359189	-0,49152	0,623057	NA
CHODL	2,96	1,37	2,781817	0,491511	0,623065	NA
CERCAM	12,56	-0,54	1,097179	-0,49149	0,623077	0,8660704
AC116609.1	0,19	-1,66	3,37536	-0,49149	0,623078	NA
EFCAB8	1,79	1,66	3,385532	0,491411	0,623136	NA
ATP5B	6820,27	0,09	0,18196	0,491391	0,62315	0,8661067
RP11-618G20.2	22,42	-0,57	1,15507	-0,49116	0,623312	0,8662146
KAT2A	462,34	-0,24	0,487466	-0,49115	0,623321	0,8662146
RNU5E-1	10,16	-0,53	1,083224	-0,49107	0,623376	0,8662264
RP1-140J1.4	0,59	-0,66	1,348022	-0,49103	0,623403	NA
RP5-865N13.1	2,50	0,78	1,596888	0,491029	0,623406	NA
RNF43	4,80	-0,47	0,962599	-0,491	0,623424	0,8662281
RP11-112J1.1	0,56	-0,83	1,684515	-0,49097	0,623445	NA
RP11-462G8.3	0,26	-1,67	3,394128	-0,49097	0,62345	NA
GFPT1	257,28	0,26	0,52361	0,490858	0,623527	0,8662428
AGMAT	8,51	-0,33	0,663919	-0,49086	0,623527	0,8662428
RP11-758M4.1	15,73	-0,58	1,171871	-0,49069	0,623643	0,866339
NUB1	471,11	0,23	0,478599	0,490618	0,623696	0,8663485
MTRNR2L1	10,62	-0,39	0,795553	-0,49048	0,623797	0,8664239
OR2T11	0,38	-0,96	1,951221	-0,49045	0,623815	NA
RP11-707M1.1	0,57	1,83	3,739778	0,49044	0,623823	NA
AHCY	574,93	-0,30	0,617262	-0,4904	0,623852	0,8664357
RP11-257O5.2	0,30	-1,41	2,874698	-0,49021	0,623988	NA
HEG1	106,98	-0,58	1,185133	-0,4902	0,623992	0,8665651
SETD7	397,05	0,33	0,664966	0,489954	0,624167	0,8667133
RP11-36B6.2	200,13	-0,31	0,636625	-0,48992	0,624193	0,8667133
RP13-43E11.1	2,68	-0,86	1,762164	-0,48985	0,624237	NA
AC139099.4	0,55	1,79	3,649122	0,489613	0,624408	NA
FAM214B	350,36	0,18	0,37629	0,489534	0,624464	0,8667133
RP11-124N14.3	74,02	0,40	0,807699	0,489499	0,624488	0,8667133
PWWP2A	218,66	0,31	0,633159	0,489462	0,624514	0,8667133
RP11-808N1.1	1,18	1,15	2,348049	0,489438	0,624532	NA
HIST1H4C	326,62	-0,17	0,349184	-0,48943	0,624534	0,8667133
RP11-317N12.1	33,93	0,31	0,641626	0,48932	0,624615	0,8667133
CTD-3099C6.11	9,02	-0,50	1,022213	-0,4893	0,624627	0,8667133
PPIL1	111,93	-0,58	1,183801	-0,4893	0,624632	0,8667133
RP11-88N11.1	7,84	-0,57	1,162318	-0,48927	0,62465	0,8667133
AC100802.3	6,63	-0,73	1,490273	-0,48927	0,624652	0,8667133
RP13-516M14.10	29,57	-0,50	1,024707	-0,48926	0,624658	0,8667133
FSIP1	0,83	1,81	3,704252	0,489039	0,624814	NA
CYB5R1	271,53	0,40	0,817471	0,488642	0,625095	0,8672557
RUFY3	732,03	0,19	0,380548	0,488558	0,625155	0,8672738
FAM32B	0,57	1,83	3,739816	0,488532	0,625173	NA
NAF1	248,52	-0,40	0,819465	-0,48844	0,625238	0,8672837
RP11-500G22.5	9,71	-0,45	0,915402	-0,48842	0,625255	0,8672837
ZNF420	51,14	-0,52	1,055611	-0,48828	0,625351	0,867294

NAP1L6	4,39	0,60	1,233068	0,488274	0,625356	0,867294
MSX1	3,58	-0,55	1,126583	-0,4882	0,625405	NA
RP11-161H23.10	0,54	1,76	3,608815	0,488126	0,62546	NA
ASAP3	20,40	0,36	0,73746	0,488038	0,625523	0,8673857
RP11-595O22.1	4,17	0,53	1,083862	0,487985	0,625561	0,8673857
AC145110.1	35,94	-0,35	0,710126	-0,48798	0,625562	0,8673857
AGR3	0,59	1,82	3,739417	0,487924	0,625604	NA
RP11-558F24.4	9,64	0,47	0,960589	0,487812	0,625683	0,8674889
PGRMC1	328,73	0,28	0,568444	0,487598	0,625834	0,8676342
RP11-794A8.1	0,56	1,82	3,73993	0,487467	0,625928	NA
ACCSL	0,59	1,82	3,739894	0,487424	0,625958	NA
TPSB2	0,66	-1,14	2,346693	-0,48726	0,626073	NA
STK11IP	383,74	-0,22	0,45662	-0,48726	0,626074	0,8679015
RP11-91J3.3	0,89	1,82	3,733494	0,487235	0,626092	NA
NES	0,81	-1,76	3,613089	-0,48719	0,626126	NA
RP11-756J15.2	0,57	1,82	3,7399	0,487183	0,626129	NA
CTB-113I20.2	1,74	-0,62	1,270067	-0,48718	0,626134	NA
RP11-753H16.3	2,54	1,11	2,287542	0,487117	0,626176	NA
RNU6-958P	0,53	1,74	3,580016	0,487069	0,62621	NA
SEC11C	464,04	0,22	0,458285	0,48705	0,626223	0,8680433
IL10	0,60	1,75	3,593804	0,487047	0,626225	NA
CACNG1	0,58	1,82	3,739889	0,486836	0,626374	NA
SIGLEC17P	26,28	-0,82	1,692486	-0,48679	0,626404	0,86822
PDE6D	290,10	0,38	0,782409	0,486738	0,626444	0,86822
NEXN-AS1	3,60	-0,45	0,926775	-0,48671	0,626464	NA
WNT10B	0,71	-1,80	3,700095	-0,48669	0,626481	NA
RGS18	525,01	-0,21	0,42321	-0,48666	0,626496	0,8682281
RP11-274H24.1	0,79	-0,68	1,394385	-0,48662	0,626524	NA
RP11-162A12.3	0,57	1,82	3,73995	0,486475	0,62663	NA
NDUFB9	1100,54	-0,14	0,281788	-0,48647	0,626636	0,8682952
UGGT2	148,78	-0,34	0,699496	-0,48646	0,626638	0,8682952
TBC1D3G	0,76	1,56	3,212513	0,486168	0,626848	NA
PHLPP1	123,75	0,33	0,673832	0,486161	0,626853	0,8684869
NDUFAF4	176,58	0,40	0,830895	0,486134	0,626872	0,8684869
CTD-2616J11.10	0,87	1,14	2,33917	0,486023	0,626951	NA
CTB-1121.1	1,65	0,78	1,595544	0,486002	0,626966	NA
TMCO3	220,78	-0,30	0,615846	-0,48594	0,627009	0,8684869
CRLS1	289,15	-0,34	0,706089	-0,48592	0,627023	0,8684869
RP11-489E7.4	59,85	-0,36	0,732524	-0,4859	0,627037	0,8684869
RP4-564F22.2	405,48	-0,25	0,52434	-0,48587	0,627056	0,8684869
C10orf82	4,17	-0,47	0,975189	-0,4858	0,627112	0,8684949
GOLGA4	1027,47	-0,19	0,388913	-0,48573	0,627156	0,8684949
TP53TG5	0,38	-1,79	3,690689	-0,48558	0,627265	NA
MFSD13A	69,76	0,34	0,700619	0,485497	0,627324	0,8686631
RP11-54C4.3	0,65	1,34	2,767984	0,485478	0,627338	NA
GPRASP1	3,68	1,27	2,610189	0,485462	0,627349	NA
GRK6	433,91	-0,31	0,62993	-0,48536	0,627421	0,8687261
OR52E4	15,15	-0,47	0,961975	-0,4853	0,627463	0,8687261
RP11-267M23.1	8,56	-0,64	1,328235	-0,48518	0,627549	0,868781
EIF2S2P3	0,63	-0,83	1,703457	-0,48501	0,627666	NA

RN7SL20P	0,26	-1,80	3,716991	-0,48494	0,627722	NA
GNPTAB	608,49	-0,22	0,459488	-0,48491	0,627738	0,8688741
CTB-96E2.7	33,14	-0,78	1,612927	-0,48485	0,627785	0,8688741
NPIPB9	23,74	-0,55	1,140985	-0,48482	0,627807	0,8688741
TMEM2	308,61	-0,37	0,768604	-0,48479	0,627824	0,8688741
RGS9	40,28	0,40	0,832092	0,484756	0,62785	0,8688741
RP11-712P20.2	2,26	1,06	2,191594	0,48475	0,627854	NA
RP11-455F5.5	1,29	-1,54	3,169076	-0,48474	0,627864	NA
TSC22D4	152,09	-0,29	0,606502	-0,4844	0,628102	0,8691504
MRPS18C	285,70	0,23	0,478368	0,484343	0,628143	0,8691504
TTC24	0,35	-1,81	3,72765	-0,48432	0,628158	NA
RP11-322L20.1	3,57	0,51	1,056754	0,4843	0,628173	NA
RP3-401D24.1	0,57	1,81	3,739982	0,484247	0,62821	NA
RP1-28O10.1	0,88	1,81	3,733643	0,484238	0,628217	NA
RP11-835E18.2	283,15	-0,35	0,733035	-0,48423	0,628224	0,8691984
AC006116.15	1,34	-0,90	1,857563	-0,48418	0,62826	NA
ROCK1P1	135,08	0,52	1,070934	0,483885	0,628467	0,86947
ODF2L	262,95	-0,28	0,569984	-0,48368	0,628612	0,8695426
CHSY1	203,12	-0,33	0,674343	-0,48368	0,628613	0,8695426
CCR10	0,57	-1,12	2,323713	-0,48367	0,628624	NA
MSLN	2,09	1,21	2,493422	0,483647	0,628636	NA
RILP	100,90	-0,50	1,038206	-0,48352	0,62873	0,8695729
TBX19	87,52	-0,58	1,194314	-0,48347	0,628759	0,8695729
PSME1	4297,18	-0,10	0,214188	-0,48345	0,628775	0,8695729
RP11-676F20.4	1,92	0,74	1,530078	0,483351	0,628846	NA
RNU6-101P	0,79	-1,31	2,715782	-0,48312	0,629012	NA
RNF141	468,77	-0,30	0,621048	-0,48311	0,629015	0,8698398
RP11-513I7.2	0,57	1,81	3,740013	0,482957	0,629126	NA
ZNF263	265,30	0,36	0,751877	0,482923	0,62915	0,8699622
C9orf72	1168,21	0,15	0,308683	0,482856	0,629198	0,8699632
RP11-973F15.1	0,91	1,80	3,733572	0,4828	0,629238	NA
RP3-497J21.1	1,56	1,63	3,366172	0,482763	0,629264	NA
Z84723.1	0,47	1,47	3,046254	0,482641	0,629351	NA
AC017116.11	2,70	1,77	3,678365	0,482538	0,629424	NA
RC3H2	485,19	0,30	0,628334	0,482533	0,629427	0,8701863
RP11-2B6.3	0,52	-1,68	3,483912	-0,48249	0,629458	NA
MTMR2	90,64	0,68	1,406991	0,482465	0,629476	0,8701863
SLC39A5	6,36	-0,50	1,038257	-0,48243	0,629499	0,8701863
RP11-398A8.1	0,53	1,75	3,623774	0,482307	0,629588	NA
RHOJ	6,55	0,45	0,931124	0,482275	0,62961	0,8702748
SKIV2L	188,14	-0,41	0,845324	-0,48218	0,629678	0,8703043
CDKN1C	7,14	-0,82	1,6923	-0,48203	0,629786	0,8703535
RP11-380M21.2	0,98	-0,59	1,223977	-0,48199	0,629815	NA
RP11-417E7.2	0,68	1,35	2,792695	0,481936	0,629851	NA
RN7SL826P	0,93	0,71	1,46889	0,481921	0,629862	NA
L34079.4	0,59	-1,47	3,052478	-0,4819	0,629877	NA
PHLDA1	122,74	-0,48	1,001107	-0,48188	0,629888	0,8703535
SDCBP2	0,81	0,97	2,00402	0,48186	0,629905	NA
RF02188	0,55	1,80	3,74011	0,481848	0,629914	NA
SFXN2	156,16	-0,34	0,699778	-0,48184	0,629918	0,8703535

ZNF207	1755,81	0,18	0,368558	0,481841	0,629919	0,8703535
LRRC27	94,86	0,49	1,021564	0,4818	0,629948	0,8703535
RP11-434D12.1	5,33	-0,99	2,061847	-0,48165	0,630051	0,870375
RP11-264L1.2	25,84	0,42	0,871717	0,481642	0,63006	0,870375
RP11-31I22.3	0,48	-0,97	2,007866	-0,48161	0,630082	NA
ASNSD1	191,56	0,31	0,645672	0,481551	0,630125	0,870375
TMOD4	7,85	1,09	2,258955	0,481515	0,630151	0,870375
PSG11	0,49	-1,67	3,478243	-0,48148	0,630174	NA
AC008753.2	0,55	1,80	3,740144	0,481365	0,630257	NA
RP11-46O21.2	66,69	0,32	0,659779	0,481288	0,630311	0,8704836
GLE1	260,12	-0,40	0,823386	-0,48127	0,630323	0,8704836
AF130342.1	0,79	-1,73	3,603738	-0,48126	0,630334	NA
UBA52P8	0,52	1,72	3,571917	0,481079	0,63046	NA
XBP1	873,14	0,21	0,430945	0,481028	0,630497	0,8706481
RP11-473O4.4	17,31	0,43	0,88459	0,480922	0,630572	0,8706481
ERBB3	42,50	-0,42	0,882508	-0,48091	0,630582	0,8706481
RP5-1091E12.1	19,15	0,51	1,061318	0,480738	0,630703	0,870703
ANKRD36	413,64	-0,32	0,665223	-0,48072	0,630716	0,870703
SATL1	20,01	0,22	0,465509	0,480597	0,630803	0,8707062
WDR73	228,05	0,31	0,655491	0,48052	0,630858	0,8707062
ATP8B3	42,54	-0,35	0,734211	-0,48043	0,630918	0,8707062
RP11-350J20.4	0,61	-1,68	3,495481	-0,48043	0,630924	NA
DNAJB7	20,26	-0,43	0,89612	-0,48042	0,630926	0,8707062
INTS10	374,19	0,24	0,50142	0,480326	0,630996	0,8707062
EFCAB4B	117,56	-0,49	1,019233	-0,48029	0,631021	0,8707062
RP11-815J21.2	8,88	1,69	3,513701	0,480227	0,631066	0,8707062
RP11-338E21.2	5,78	0,63	1,309481	0,480059	0,631185	0,8707062
ZNF195	143,74	-0,37	0,772005	-0,48001	0,631222	0,8707062
ARL6	2,61	-0,94	1,966406	-0,4799	0,631299	NA
PPP2R2D	305,67	0,28	0,573536	0,479883	0,631311	0,8707062
CSPG4P10	0,55	1,75	3,644576	0,479874	0,631317	NA
RP11-210M15.3	3,08	-0,66	1,381944	-0,47987	0,631318	NA
RP11-443F4.1	13,66	0,43	0,89735	0,479776	0,631387	0,8707062
ACOT7	26,72	-0,56	1,159719	-0,47977	0,631393	0,8707062
RP11-448G15.3	39,95	-0,71	1,481085	-0,47973	0,63142	0,8707062
MDH1	1068,42	0,17	0,350508	0,479714	0,631431	0,8707062
SCOC	123,63	0,44	0,92093	0,479681	0,631455	0,8707062
PLPP5	184,85	-0,26	0,548462	-0,47966	0,631467	0,8707062
RP11-327F22.4	0,55	1,79	3,740119	0,47951	0,631576	NA
OR9K1P	12,81	-0,37	0,766837	-0,47949	0,631591	0,8708124
MFSD2B	3,51	-0,66	1,375693	-0,47939	0,631661	NA
RP11-360L9.7	0,48	1,71	3,572614	0,479325	0,631707	NA
MIR7845	6,06	0,75	1,564269	0,479303	0,631723	0,8709089
RN7SL125P	2,62	0,64	1,339724	0,47919	0,631804	NA
MORC2	130,26	0,52	1,094121	0,479186	0,631806	0,8709089
RP11-384C4.3	0,87	1,79	3,733943	0,479106	0,631863	NA
GOLGA6L1	1,62	-1,38	2,879528	-0,47889	0,632019	NA
FAM167A	5,65	0,55	1,157356	0,478885	0,632021	0,8709089
AC002303.5	3,10	0,49	1,023358	0,478852	0,632044	NA
HINT3	242,99	-0,36	0,742331	-0,47885	0,632045	0,8709089

PPP1R3F	4,53	0,64	1,34133	0,478825	0,632063	0,8709089
RP11-91P24.1	12,21	0,83	1,728409	0,478777	0,632097	0,8709089
PDE7A	527,79	-0,27	0,574378	-0,47877	0,632102	0,8709089
CHST9	7,63	-0,60	1,258747	-0,47875	0,632113	0,8709089
CSMD3	70,80	-0,44	0,91598	-0,47871	0,632145	0,8709089
RP1-66N13.3	2,11	0,96	2,005333	0,478692	0,632158	NA
CNTN1	8,32	-0,56	1,172009	-0,47866	0,632184	0,8709089
SPR	26,56	0,90	1,890711	0,478655	0,632184	0,8709089
C1orf186	2,85	-0,58	1,211508	-0,47858	0,632235	NA
MIR555	2,02	1,15	2,392815	0,478573	0,632243	NA
GMPS	425,88	-0,34	0,709728	-0,47854	0,632267	0,8709089
TBP	168,29	-0,35	0,728655	-0,47854	0,632269	0,8709089
TIMM21	125,67	0,42	0,887935	0,478439	0,632338	0,8709393
NANP	50,46	0,47	0,991181	0,478364	0,632391	0,870948
RP11-21B23.3	5,78	0,57	1,189485	0,478137	0,632552	0,8709946
SOCS7	76,95	-0,43	0,897203	-0,47801	0,632644	0,8709946
RN7SL248P	0,81	-0,95	1,995259	-0,47799	0,632657	NA
RN7SL453P	0,81	-0,95	1,995259	-0,47799	0,632657	NA
FUT9	6,58	-0,44	0,918824	-0,47798	0,632662	0,8709946
RP11-1055B8.4	12,82	-0,61	1,271611	-0,47797	0,632672	0,8709946
FDPS	657,14	0,20	0,426521	0,477934	0,632697	0,8709946
ALKBH8	116,83	0,61	1,270587	0,477922	0,632706	0,8709946
RP11-329J18.5	2,28	0,97	2,03172	0,477896	0,632724	NA
DLK2	1,32	0,99	2,070324	0,477744	0,632833	NA
TNFRSF11A	26,20	0,67	1,392917	0,477549	0,632971	0,871268
C8orf76	172,28	0,33	0,682661	0,477511	0,632998	0,871268
RP11-263K4.3	1,70	0,50	1,044242	0,477479	0,633021	NA
RP11-484M3.4	0,71	1,53	3,200534	0,477396	0,63308	NA
AC007126.1	71,53	-0,28	0,578468	-0,4774	0,63308	0,8713166
RNU6-540P	1,43	-1,74	3,640761	-0,47736	0,633104	NA
ZNF564	74,37	-0,38	0,788346	-0,47726	0,633174	0,8713482
RP13-735L24.1	1,63	0,78	1,631186	0,47724	0,633191	NA
PIP5K2B	231,69	0,44	0,927674	0,477232	0,633197	0,8713482
LMF2	158,50	-0,33	0,694838	-0,47716	0,633251	0,8713584
CACNG4	0,55	1,78	3,740317	0,477153	0,633253	NA
RP11-310I9.1	0,76	-1,30	2,721701	-0,47692	0,633421	NA
SEPSECS	186,32	0,45	0,94919	0,476884	0,633445	0,8714327
LIPT2	4,07	0,83	1,731913	0,476883	0,633445	0,8714327
CALCOCO1	189,69	-0,26	0,54288	-0,47688	0,633446	0,8714327
TMC6	677,39	-0,23	0,476416	-0,47678	0,633516	0,8714655
GIP	0,56	1,78	3,740258	0,476722	0,63356	NA
HERC2P9	143,51	0,32	0,668164	0,476658	0,633606	0,871524
RPL39P38	1,26	1,27	2,654957	0,476495	0,633722	NA
CACNA2D1	1,77	1,45	3,053514	0,476463	0,633745	NA
WI2-85898F10.2	0,58	-1,24	2,60513	-0,47629	0,633866	NA
RP11-397E7.3	45,37	0,45	0,941038	0,476259	0,63389	0,8716952
MAP3K5	484,15	-0,18	0,385445	-0,47612	0,633987	0,8716952
MYH7B	18,72	-0,41	0,860248	-0,47611	0,633997	0,8716952
WNK1	1166,88	-0,26	0,539668	-0,47604	0,634047	0,8716952
RP11-303E16.10	4,51	0,68	1,423596	0,475911	0,634138	0,8716952

AC098971.2	6,53	0,48	1,004303	0,475909	0,634139	0,8716952
ARPC4-TTLL3	58,24	0,44	0,927395	0,475903	0,634144	0,8716952
RP11-500G10.1	62,27	0,57	1,198082	0,475864	0,634171	0,8716952
TNNI1	2,96	0,86	1,806001	0,475833	0,634193	NA
RP11-142G1.3	20,68	-0,37	0,779173	-0,47577	0,634242	0,8716952
DCLK1	6,44	0,46	0,975607	0,475754	0,63425	0,8716952
MASTL	127,60	0,55	1,16615	0,475734	0,634264	0,8716952
RP1-60N8.1	0,29	-1,62	3,399589	-0,4757	0,634287	NA
C10orf76	287,02	0,35	0,733906	0,475654	0,634321	0,8716952
RXRB	328,65	-0,24	0,500263	-0,47563	0,634339	0,8716952
LOC283404	0,42	-1,64	3,439871	-0,47549	0,634438	NA
NPPA	0,52	1,73	3,639218	0,475373	0,634521	NA
CTD-2017D11.1	79,21	-0,35	0,728685	-0,47535	0,634537	0,8718954
RP11-245G13.2	3,62	-1,61	3,381885	-0,47528	0,634587	NA
CTC-429P9.5	5,78	0,61	1,29399	0,475264	0,634599	0,8718954
RP11-230G5.2	5,23	-1,01	2,13033	-0,47523	0,634626	0,8718954
RP11-151A6.3	0,76	0,90	1,88385	0,475152	0,634679	NA
SH3RF1	315,35	0,47	0,996467	0,475151	0,634679	0,8719048
P2RX2	0,62	1,78	3,740837	0,475085	0,634726	NA
UBE2B	1035,99	-0,15	0,306781	-0,47508	0,63473	0,8719105
RN7SL541P	2,13	-0,54	1,127685	-0,47493	0,634836	NA
RP11-286B14.2	3,70	0,73	1,542482	0,474926	0,63484	NA
TRIAP1	289,04	-0,43	0,913566	-0,47491	0,634849	0,8719943
CTD-2341D24.1	0,56	1,78	3,740328	0,474822	0,634914	NA
MPHOSPH9	205,75	-0,18	0,386449	-0,47468	0,635014	0,8719943
EIF3C	2283,18	0,13	0,271133	0,474675	0,635019	0,8719943
UXT	539,94	0,13	0,279472	0,474657	0,635031	0,8719943
RPSA	10415,27	0,10	0,214764	0,474614	0,635062	0,8719943
RP11-517O13.3	0,41	1,46	3,084767	0,47461	0,635065	NA
AC017104.2	40,56	0,45	0,957713	0,474599	0,635072	0,8719943
XXbac-BPG181M17.6	0,90	1,20	2,522	0,474505	0,63514	NA
HOXA1	0,41	1,42	2,998959	0,474442	0,635185	NA
PRSS21	0,36	1,24	2,605945	0,474251	0,635321	NA
PDE7B	86,23	0,36	0,763902	0,474145	0,635397	0,8722161
PEX10	48,67	-0,85	1,78942	-0,47414	0,635401	0,8722161
RP11-139E19.1	55,97	0,52	1,104325	0,474116	0,635417	0,8722161
AC022819.3	8,21	-0,30	0,62946	-0,47411	0,635422	0,8722161
AC006509.8	0,54	1,77	3,740465	0,474067	0,635452	NA
RP11-1109M24.13	2,56	-0,69	1,453599	-0,47388	0,635587	NA
REXO1L2P	0,56	1,70	3,580953	0,473736	0,635688	NA
RADIL	5,11	-0,55	1,152898	-0,47373	0,635692	0,8723626
KIF4A	0,59	1,14	2,415059	0,473703	0,635712	NA
ZNF687	52,87	0,43	0,917344	0,473679	0,635729	0,8723626
RP11-77K12.10	0,50	-1,20	2,532466	-0,47368	0,635731	NA
RP11-844P9.5	4,96	-0,43	0,913969	-0,47364	0,635755	0,8723626
PAPD4	458,29	0,22	0,456259	0,473608	0,63578	0,8723626
FPR3	295,20	-0,42	0,884637	-0,47357	0,635805	0,8723626
FAM175B	212,34	-0,42	0,895971	-0,47357	0,63581	0,8723626
RN7SL149P	3,23	0,58	1,216869	0,473472	0,635877	NA
RNF44	224,65	0,20	0,422697	0,473355	0,63596	0,872435

SENP3	16,47	-0,71	1,505914	-0,47322	0,636059	0,872435
RP11-562A8.5	3,50	0,87	1,83555	0,473213	0,636061	NA
AC092316.1	11,70	-0,59	1,236528	-0,47319	0,636079	0,872435
RP11-689P11.3	5,15	0,57	1,199816	0,473167	0,636094	0,872435
RP11-387D10.4	0,66	-1,71	3,605572	-0,47313	0,636122	NA
AP000281.1	1,13	-0,45	0,958875	-0,47311	0,636137	NA
CTD-2090I13.4	0,48	0,88	1,858697	0,473093	0,636147	NA
VCP	1655,37	-0,16	0,34529	-0,47308	0,636153	0,872435
FTHL20	0,86	0,58	1,234854	0,47308	0,636156	NA
RP11-862P13.1	1,48	0,98	2,069299	0,47308	0,636156	NA
RP11-147L13.13	25,61	0,58	1,216221	0,473038	0,636186	0,872435
DDX18P5	0,12	-1,77	3,734165	-0,47302	0,636201	NA
YOD1	245,47	-0,43	0,903246	-0,47296	0,636241	0,872435
RP11-435I10.4	48,67	-0,41	0,857984	-0,47294	0,636253	0,872435
PMS2L4	12,69	0,63	1,327667	0,4729	0,636284	0,872435
MSTO1	101,57	-0,39	0,816357	-0,47277	0,636375	0,8724351
RP4-671O14.5	35,81	-0,35	0,738527	-0,47275	0,636391	0,8724351
CH507-236L23.2	0,56	-1,41	2,986478	-0,47271	0,636419	NA
CH507-338C24.2	0,56	-1,41	2,986478	-0,47271	0,636419	NA
WSB2	382,68	0,24	0,500358	0,472699	0,636428	0,8724351
RP11-476C8.2	0,54	1,77	3,740478	0,472654	0,63646	NA
RP4-733M16.2	0,96	-0,92	1,948606	-0,47264	0,636471	NA
ZCCHC10	124,92	-0,30	0,633582	-0,47264	0,636472	0,8724351
PPP1R14BP3	0,55	1,71	3,611693	0,472524	0,636553	NA
MGAT1	1786,10	-0,15	0,312605	-0,47245	0,636604	0,8725501
LOXL3	86,08	-0,65	1,371682	-0,47239	0,63665	0,8725501
AC090627.1	5,05	-1,21	2,565176	-0,47223	0,636764	0,8726428
RP11-262H14.13	0,56	1,77	3,740532	0,471909	0,636991	NA
RP11-293A21.1	0,91	-1,48	3,141191	-0,47184	0,637042	NA
AC034220.3	20,83	0,47	0,987644	0,471785	0,63708	0,8728823
MFSD14B	412,86	0,27	0,570065	0,471774	0,637088	0,8728823
RP11-391L3.3	97,58	-0,41	0,859188	-0,47171	0,637133	0,8728823
TREML2	26,24	-0,63	1,325487	-0,47163	0,637188	0,8728823
ZC3H7A	500,93	-0,21	0,450705	-0,4716	0,637213	0,8728823
AC011753.5	6,09	-0,50	1,067573	-0,47155	0,637248	0,8728823
TPO	1,57	-0,68	1,437828	-0,47151	0,63728	NA
NBPF9	973,93	0,14	0,299631	0,471467	0,637307	0,8728823
RP11-690J15.1	3,75	1,20	2,54587	0,47145	0,637319	NA
RN7SL636P	1,42	-1,11	2,359965	-0,47142	0,637342	NA
RP11-250B2.6	0,53	1,76	3,740582	0,471339	0,637399	NA
ZFYVE9	0,12	-1,75	3,713607	-0,47129	0,637432	NA
ZNF329	52,85	0,25	0,528321	0,471168	0,637521	0,8728823
RP11-99A14.1	3,52	-0,45	0,94664	-0,47115	0,637535	NA
TRAM2	57,69	-0,46	0,972682	-0,4711	0,637567	0,8728823
FGD4	896,68	-0,20	0,414468	-0,47107	0,637591	0,8728823
RP1-265C24.8	17,93	0,90	1,913624	0,471057	0,6376	0,8728823
RP11-1084A12.1	0,51	1,68	3,575916	0,471055	0,637602	NA
RP11-492M23.2	0,47	-0,72	1,520112	-0,471	0,637638	NA
RNF138	512,93	0,19	0,396986	0,470999	0,637641	0,8728823
ST6GALNAC6	101,89	0,57	1,220395	0,470937	0,637686	0,8728823

AP000997.2	18,33	1,03	2,187762	0,470901	0,637712	0,8728823
TDGF1	6,70	-0,59	1,263122	-0,47085	0,637749	0,8728823
PNKD	253,92	0,22	0,466032	0,470804	0,63778	0,8728823
AP001187.9	48,42	0,31	0,649793	0,470799	0,637784	0,8728823
SLC25A24	247,12	-0,26	0,553952	-0,47074	0,637829	0,8728823
RP11-465I4.2	7,64	0,41	0,872799	0,470734	0,63783	0,8728823
RP1-37M3.8	0,53	1,76	3,740568	0,470654	0,637888	NA
RP4-778K6.2	0,41	1,43	3,033944	0,470602	0,637925	NA
RP11-717F1.2	18,59	0,66	1,408621	0,470533	0,637974	0,8729891
GEMIN6	122,40	0,37	0,791951	0,47043	0,638048	0,8729891
POLR2B	801,20	0,20	0,415104	0,470378	0,638085	0,8729891
OR56A4	10,79	0,39	0,834544	0,470316	0,638129	0,8729891
PBRM1	821,02	0,21	0,440102	0,470297	0,638143	0,8729891
CDC42BPG	0,86	-1,57	3,347681	-0,47024	0,638185	NA
SCIN	58,93	-0,35	0,750302	-0,47019	0,638216	0,8730248
KCND3	2,18	0,51	1,077009	0,470098	0,638285	NA
RN7SL607P	0,56	1,00	2,132244	0,470078	0,638299	NA
SLC27A1	261,57	0,26	0,55875	0,470077	0,6383	0,8730757
POU3F3	0,53	1,76	3,740629	0,470061	0,638311	NA
MIDN	294,10	-0,21	0,44995	-0,46973	0,638549	0,8732837
RP11-717K11.2	4,05	1,44	3,064752	0,469678	0,638585	0,8732837
GMDS	141,63	0,36	0,76451	0,469667	0,638593	0,8732837
CTA-481E9.2	0,71	1,49	3,173314	0,469502	0,638711	NA
CROCCP3	24,54	0,40	0,85616	0,469419	0,63877	0,8734614
CPSF4	160,27	-0,34	0,731335	-0,46913	0,63898	0,873597
RP11-62C7.2	0,33	-1,74	3,713009	-0,46911	0,638994	NA
CHMP7	242,29	-0,30	0,647892	-0,46909	0,639002	0,873597
PGBD2	115,62	-0,34	0,718112	-0,46907	0,639022	0,873597
RP11-182I10.3	65,96	-0,32	0,683225	-0,46896	0,639098	0,873597
SSUH2	1,01	-0,93	1,983364	-0,46896	0,639098	NA
CKAP5	487,04	-0,36	0,757835	-0,46894	0,639111	0,873597
AC006547.8	0,53	1,75	3,740626	0,468887	0,63915	NA
TULP3	48,94	-0,71	1,524532	-0,46886	0,639171	0,873597
RP11-80I3.1	0,65	1,28	2,728639	0,468848	0,639178	NA
SCNN1D	7,80	0,98	2,083265	0,468821	0,639198	0,873597
SMC1B	20,19	-0,89	1,889625	-0,46875	0,639249	0,8736027
RP3-407E4.4	1,75	1,74	3,714829	0,46866	0,639312	NA
AC104534.2	5,41	0,40	0,850712	0,468583	0,639368	0,873661
RP11-114B7.6	3,03	-0,60	1,288702	-0,46853	0,639405	NA
RP11-475A13.1	19,22	0,39	0,823877	0,468511	0,639419	0,873661
DNAJC3	1219,65	0,17	0,353109	0,468415	0,639488	0,873661
SLC19A3	56,48	-0,33	0,704882	-0,46839	0,639505	0,873661
TRABD	831,67	0,14	0,296649	0,468361	0,639526	0,873661
RP11-505P4.7	2,87	0,53	1,139138	0,468359	0,639528	NA
CEND1	0,41	-1,60	3,411192	-0,46792	0,639843	NA
OR4G1P	0,49	-1,18	2,518124	-0,46789	0,639863	NA
TMEM204	10,48	-0,91	1,939262	-0,46785	0,639895	0,8740732
SUGT1P3	24,68	-0,49	1,04052	-0,46781	0,639922	0,8740732
SNORD70	0,59	1,11	2,380112	0,467747	0,639966	NA
ANKRD10	1180,35	-0,17	0,359722	-0,46771	0,639989	0,874078

PLEKHN1	0,88	-1,09	2,330862	-0,46769	0,640005	NA
MPV17L	280,34	-0,15	0,330365	-0,46767	0,64002	0,874078
AC024592.9	1,90	-0,62	1,336084	-0,46767	0,640024	NA
CITF22-92A6.1	0,96	-0,70	1,494154	-0,46758	0,640087	NA
RP11-785H5.2	0,52	1,70	3,643188	0,467573	0,64009	NA
SLC25A44	381,05	-0,37	0,798277	-0,4673	0,640287	0,8743097
SMIM24	1,33	1,55	3,310966	0,467244	0,640325	NA
C6orf120	161,73	-0,44	0,938853	-0,46724	0,640326	0,8743097
MEF2D	249,01	0,27	0,582588	0,467237	0,64033	0,8743097
CTC-492K19.4	0,72	-1,43	3,067729	-0,46723	0,640335	NA
CDC42SE1	1576,34	0,16	0,339276	0,467137	0,640402	0,8743387
TFF2	2,00	0,76	1,623884	0,466925	0,640554	NA
RP11-627G23.1	1,48	-0,50	1,064368	-0,46692	0,640555	NA
GNA12	553,93	0,31	0,674667	0,466819	0,64063	0,8743387
RP11-127B20.3	32,53	-0,70	1,501613	-0,46681	0,640636	0,8743387
C14orf179	104,84	-0,42	0,892998	-0,46673	0,640694	0,8743387
SECTM1	66,83	0,43	0,925515	0,466726	0,640696	0,8743387
NAPB	37,94	0,41	0,872845	0,466722	0,640698	0,8743387
AC159540.2	18,91	-0,88	1,885037	-0,46669	0,640724	0,8743387
RP11-91P24.7	0,64	1,29	2,756689	0,466645	0,640754	NA
CTA-315H11.2	17,22	-0,26	0,565664	-0,46659	0,640796	0,8743387
AGFG1	838,65	-0,33	0,716836	-0,46649	0,640861	0,8743387
DCUN1D2	110,40	-0,45	0,968721	-0,46644	0,640902	0,8743387
RN7SKP290	1,52	1,10	2,366105	0,466371	0,64095	NA
RPL7AP34	0,55	1,13	2,420207	0,466332	0,640978	NA
AC005037.8	0,52	1,74	3,740749	0,466314	0,64099	NA
RP11-15K19.2	0,53	1,74	3,740761	0,466294	0,641005	NA
RP4-738P15.1	0,51	1,67	3,574038	0,466292	0,641007	NA
RP11-386G11.5	130,64	0,29	0,625819	0,466286	0,641011	0,8743387
RP5-1055C14.7	3,29	-0,82	1,749014	-0,46627	0,64102	NA
SLC18A1	5,16	0,75	1,609719	0,466257	0,641032	0,8743387
AF064858.8	26,92	-0,73	1,569362	-0,46625	0,641038	0,8743387
RP11-433C9.2	15,44	0,35	0,744797	0,466172	0,641093	0,8743387
IKBKAP	287,73	-0,41	0,876999	-0,46615	0,64111	0,8743387
INPP5D	1118,63	0,15	0,31903	0,466142	0,641114	0,8743387
RP11-829H16.5	0,39	1,41	3,017404	0,466116	0,641132	NA
LMO3	4,32	-0,49	1,041025	-0,46606	0,641171	0,8743387
AC007163.3	38,44	0,69	1,485018	0,466007	0,641211	0,8743387
RPL23A	8566,37	-0,08	0,179797	-0,46596	0,641244	0,8743387
OR52N5	1,90	0,90	1,935456	0,465952	0,64125	NA
RP11-2C24.7	1,86	1,01	2,158876	0,465783	0,641371	NA
KDM4A	142,07	-0,41	0,877183	-0,46575	0,641398	0,8744584
RP11-89K21.1	0,40	-0,75	1,614871	-0,46567	0,641448	NA
PFAS	70,04	0,29	0,618462	0,465664	0,641456	0,8744584
ZNF268	514,76	-0,46	0,992935	-0,46559	0,641508	0,8744584
OASL	285,29	0,44	0,936938	0,465559	0,641531	0,8744584
CCDC187	0,56	1,25	2,682045	0,465514	0,641563	NA
SLC25A26	357,00	-0,38	0,82296	-0,46551	0,641567	0,8744584
WDR87	1,45	-0,79	1,70134	-0,46546	0,641602	NA
SLC25A13	244,77	0,34	0,732079	0,465194	0,641793	0,8746546

RP11-402J6.1	0,92	1,18	2,536993	0,465133	0,641836	NA
HENMT1	126,30	-0,45	0,974679	-0,46512	0,641849	0,8746546
RP11-389G6.4	0,78	-0,90	1,931524	-0,46509	0,641864	NA
TTC30A	5,98	-0,92	1,970517	-0,46508	0,641871	0,8746546
AIM2	14,81	0,69	1,479503	0,465045	0,641899	0,8746546
CYP2T3P	0,53	1,74	3,740833	0,464989	0,641939	NA
ZNF512	248,90	-0,46	0,994388	-0,46492	0,641986	0,8746591
RINL	40,90	-0,29	0,627155	-0,46491	0,641996	0,8746591
RP1-315G1.4	2,79	0,64	1,372917	0,464504	0,642287	NA
THAP4	64,20	0,43	0,921277	0,464455	0,642322	0,8746893
RP11-20I23.7	10,25	-0,33	0,705667	-0,46444	0,642334	0,8746893
HYPK	92,98	0,30	0,654123	0,464414	0,642351	0,8746893
NEU1	537,86	0,21	0,45067	0,464384	0,642372	0,8746893
RP11-464F9.1	7,73	-0,86	1,848191	-0,46433	0,642414	0,8746893
RP11-737O24.1	0,51	1,67	3,599908	0,46431	0,642426	NA
C16orf46	1,63	1,37	2,954282	0,464289	0,642441	NA
RP11-305D15.6	20,89	-1,01	2,183542	-0,46428	0,64245	0,8746893
RP11-415C15.2	5,57	-0,50	1,075938	-0,46426	0,642459	0,8746893
PQLC1	330,39	-0,29	0,618925	-0,46426	0,642465	0,8746893
RNF19B	321,46	0,28	0,60626	0,464242	0,642474	0,8746893
AC104135.4	1,10	-1,14	2,450269	-0,46417	0,642524	NA
RP11-405M12.3	0,50	1,68	3,615138	0,464146	0,642543	NA
RN7SL237P	1,16	1,02	2,189901	0,464142	0,642546	NA
ANAPC16	790,97	0,22	0,4678	0,464136	0,64255	0,8746893
ETF1P1	0,54	1,74	3,740769	0,464061	0,642604	NA
XXbac-B33L19.4	5,38	-1,31	2,819336	-0,46404	0,64262	0,8746893
RP11-420K14.8	0,12	-1,73	3,738978	-0,46403	0,64263	NA
DDX47	396,64	0,32	0,682293	0,463959	0,642677	0,8746893
VSIG2	27,29	-0,50	1,084922	-0,46394	0,642694	0,8746893
INHBC	0,12	-1,73	3,736516	-0,46393	0,642698	NA
RP5-1112D6.8	41,74	0,32	0,680151	0,463902	0,642718	0,8746893
NCAPG2	26,74	0,55	1,176995	0,463894	0,642724	0,8746893
CPE	0,86	-1,46	3,14842	-0,46383	0,642767	NA
RNU6-928P	0,53	1,73	3,740855	0,463687	0,642872	NA
RP11-165H4.1	0,12	-1,73	3,736797	-0,46354	0,642976	NA
UBA2	500,06	0,25	0,545274	0,463523	0,642989	0,8749354
RP11-426C22.8	70,10	-0,65	1,410741	-0,46351	0,642999	0,8749354
RP11-597A11.2	0,12	-1,73	3,73679	-0,46347	0,643025	NA
ISLR2	4,06	0,42	0,910414	0,463394	0,643082	0,8749849
CTD-2189E23.1	0,51	1,67	3,611687	0,463374	0,643096	NA
ATP13A5	0,23	-1,13	2,435762	-0,46328	0,643167	NA
RNU6-1111P	0,50	1,68	3,628031	0,463246	0,643188	NA
TNFRSF19	7,93	0,91	1,969193	0,463108	0,643287	0,8751031
RP5-1092A3.5	3,08	-1,42	3,059003	-0,46307	0,643311	NA
USB1	396,68	-0,24	0,514057	-0,46301	0,643356	0,8751031
RP11-44M6.7	102,20	-0,47	1,017973	-0,46298	0,643377	0,8751031
C21orf74	10,30	-0,72	1,5485	-0,46296	0,64339	0,8751031
AC013402.2	38,51	-0,20	0,436503	-0,46294	0,643404	0,8751031
RP4-781K5.4	4,05	0,80	1,738058	0,462849	0,643473	0,8751321
RHBDD3	40,00	0,54	1,168045	0,462709	0,643573	0,8751368

RP11-468E2.4	247,55	-0,34	0,730158	-0,46261	0,643646	0,8751368
RP11-386I14.4	147,19	0,15	0,328191	0,462519	0,643709	0,8751368
RPS2P46	6,01	0,26	0,560151	0,462507	0,643718	0,8751368
AC009133.15	0,12	-1,73	3,735206	-0,46247	0,643744	NA
RP11-1086F11.1	17,67	0,45	0,971854	0,462403	0,643792	0,8751368
RP5-967N21.11	12,61	0,57	1,229133	0,462343	0,643836	0,8751368
TMIGD2	2,16	0,77	1,658688	0,462342	0,643836	NA
DUXAP7	3,58	0,53	1,140134	0,46234	0,643837	NA
AC004066.1	4,48	-0,26	0,55461	-0,46228	0,643877	0,8751368
RP11-703H8.7	1,30	0,75	1,62176	0,462268	0,643889	NA
AC006277.2	4,96	-1,09	2,365858	-0,46225	0,643904	0,8751368
DHRS4-AS1	141,23	-0,33	0,712989	-0,46219	0,643944	0,8751368
IP6K1	257,46	-0,39	0,852285	-0,46215	0,643971	0,8751368
FXD3	9,42	0,45	0,964413	0,462123	0,643993	0,8751368
GSDMC	1,31	-0,59	1,271123	-0,4619	0,644156	NA
THBS3	74,19	-0,50	1,088046	-0,46175	0,644258	0,8753983
LIPN	3,67	0,89	1,92674	0,461754	0,644258	NA
XXbac-BPG299F13.17	38,55	0,36	0,769291	0,461723	0,64428	0,8753983
RP11-523O18.5	44,45	-0,41	0,877897	-0,46154	0,644413	0,8755156
RP11-490D19.8	1,18	1,20	2,608128	0,461513	0,644431	NA
RP11-344N10.2	0,52	1,73	3,740883	0,461425	0,644493	NA
ASPRV1	0,65	1,30	2,818734	0,461422	0,644496	NA
SLC38A9	133,75	0,30	0,657147	0,461375	0,644529	0,8755765
KCNC4	166,28	-0,47	1,011768	-0,46129	0,644591	0,8755765
FBXL12	135,86	-0,40	0,866226	-0,46125	0,644621	0,8755765
RP11-6F2.4	29,07	0,51	1,097514	0,461212	0,644646	0,8755765
CYP7B1	0,53	1,67	3,616776	0,461204	0,644652	NA
NPHS1	1,97	0,92	2,004724	0,461181	0,644669	NA
OR10A3	6,62	0,42	0,915022	0,461038	0,644771	0,875661
SCN3B	39,30	0,37	0,810843	0,460989	0,644807	0,875661
RNA5SP371	0,53	1,11	2,402714	0,460809	0,644935	NA
NEDD1	178,99	-0,48	1,041652	-0,46076	0,644972	0,875661
VPS26A	380,14	-0,21	0,464935	-0,46075	0,644978	0,875661
STOML2	478,99	0,34	0,731689	0,46074	0,644985	0,875661
RP11-486B10.4	0,53	1,65	3,576822	0,460665	0,645039	NA
RP11-100L22.3	6,27	-0,68	1,465619	-0,46066	0,645043	0,875661
TMEM161A	59,42	0,46	1,002634	0,460639	0,645058	0,875661
CCDC130	326,11	-0,25	0,551165	-0,4606	0,645085	0,875661
CTC-510F12.2	1,56	-0,56	1,226002	-0,46039	0,645235	NA
RP11-84G21.1	0,72	-0,89	1,924995	-0,46036	0,645256	NA
RBM15	136,43	0,35	0,754197	0,460276	0,645318	0,8759133
MAP2	5,26	-1,45	3,150765	-0,46017	0,645396	0,8759547
RP4-620E11.4	0,48	1,64	3,557402	0,459941	0,645559	NA
RP11-643A5.2	1,37	0,67	1,453452	0,459927	0,645569	NA
H3F3A	4771,60	0,06	0,121887	0,459819	0,645646	0,8762309
CTB-96E2.3	0,43	-1,58	3,429901	-0,45978	0,645674	NA
HAS3	0,97	1,31	2,860349	0,459706	0,645727	NA
RP11-55K22.2	0,46	-1,16	2,531542	-0,45949	0,645883	NA
RP1-229K20.9	1,48	1,55	3,365553	0,459488	0,645884	NA
KCNN4	211,03	-0,36	0,782114	-0,45948	0,645889	0,8763133

TGFBR2	855,31	0,26	0,563467	0,459456	0,645907	0,8763133
AC010886.2	2,27	0,65	1,409159	0,459317	0,646007	NA
ENSA	444,55	-0,23	0,500156	-0,45931	0,646015	0,8763133
C1QTNF6	45,64	0,48	1,050766	0,459288	0,646027	0,8763133
RN7SL329P	13,01	-0,66	1,433925	-0,45926	0,646051	0,8763133
BMS1P2	65,65	0,33	0,723366	0,459225	0,646072	0,8763133
RN7SL863P	1,53	-0,82	1,78749	-0,4592	0,646089	NA
CA1	5,67	0,63	1,374463	0,459068	0,646185	0,8763133
CTD-2538C1.3	15,90	-0,82	1,777665	-0,45899	0,646245	0,8763133
RP4-644L1.2	0,11	-1,72	3,737491	-0,45894	0,646277	NA
YIPF7	0,63	1,43	3,110277	0,4589	0,646306	NA
RP11-481J8.3	18,39	-0,40	0,861283	-0,45889	0,646311	0,8763133
RP11-894J14.5	0,40	-1,00	2,174462	-0,45887	0,646326	NA
RP11-100N21.1	1,84	-0,39	0,839246	-0,45882	0,646361	NA
BACE1-AS	11,21	0,96	2,090704	0,458801	0,646377	0,8763133
RP11-307O13.1	1,13	1,53	3,342503	0,458771	0,646399	NA
RP11-395B7.2	1,41	-0,47	1,019116	-0,45873	0,646428	NA
RP1-249I4.2	0,11	-1,71	3,735475	-0,45868	0,646463	NA
PLEKHS1	1,31	-0,57	1,243826	-0,45866	0,646475	NA
ATG4D	106,87	-0,53	1,156135	-0,45865	0,646482	0,8763133
RP3-453C12.15	4,36	0,58	1,263018	0,458573	0,646541	0,8763133
XXbac-BPG249D20.9	2,12	-1,00	2,175371	-0,45842	0,646648	NA
RP11-355F16.1	5,15	-0,74	1,620621	-0,45837	0,646684	0,8763133
OR4E1	5,90	0,59	1,293605	0,458306	0,646733	0,8763133
RP11-572C15.5	6,48	-0,42	0,916107	-0,45829	0,646743	0,8763133
ZNF345	51,83	-0,50	1,086815	-0,45828	0,646748	0,8763133
MAP3K3	949,06	0,19	0,407629	0,458263	0,646763	0,8763133
TTC22	5,21	-0,39	0,86019	-0,45811	0,646876	0,8763133
RP11-327F22.1	66,54	-0,35	0,768571	-0,45809	0,64689	0,8763133
SDCCAG8	515,99	-0,20	0,432258	-0,45808	0,646893	0,8763133
MRPL12	598,31	0,16	0,347574	0,458016	0,646941	0,8763133
RP11-109G10.1	44,42	0,59	1,298545	0,458008	0,646947	0,8763133
RP11-557C18.3	0,69	1,48	3,227128	0,458005	0,646949	NA
ANKRD22	67,21	-0,46	1,003502	-0,458	0,646953	0,8763133
RP11-398K22.12	30,74	-0,28	0,605391	-0,45798	0,646964	0,8763133
CDKL1	41,07	-0,42	0,925706	-0,45797	0,646972	0,8763133
ANAPC15	473,50	0,15	0,337827	0,457921	0,647009	0,8763133
LATS2	201,36	0,34	0,747083	0,457902	0,647023	0,8763133
RP11-67H24.2	3,88	1,18	2,568122	0,457898	0,647026	0,8763133
RP1-86C11.7	1,91	-0,90	1,959624	-0,45784	0,64707	NA
RP11-168P8.2	0,49	1,64	3,580885	0,457831	0,647074	NA
BSG	632,05	-0,17	0,367426	-0,45774	0,647142	0,8763492
ATP6V1A	909,44	-0,17	0,376981	-0,45773	0,647147	0,8763492
TRIM21	113,77	0,40	0,873643	0,457463	0,647338	0,8765448
PPP1R9B	254,05	0,17	0,380276	0,457371	0,647404	0,8765708
RP1-168L15.6	3,53	-0,62	1,361326	-0,45736	0,647409	NA
RP11-631M21.7	0,59	1,71	3,74107	0,457322	0,647439	NA
PCDHGA8	38,50	-0,27	0,599663	-0,45727	0,647479	0,8766083
MKNK1-AS1	0,50	0,86	1,871904	0,457164	0,647553	NA
AKR7A2	735,41	-0,25	0,541547	-0,45713	0,647576	0,8766385

RP11-277P12.6	9,05	-1,65	3,612195	-0,45705	0,647634	0,8766385
ACER1	2,59	-0,70	1,523895	-0,45704	0,647639	NA
MBD5	358,62	0,29	0,635057	0,457039	0,647643	0,8766385
RP11-637C24.2	1,78	-1,11	2,437936	-0,45702	0,647654	NA
SNORA59B	0,43	1,40	3,073397	0,456997	0,647673	NA
RP11-119F19.5	3,44	-0,77	1,689599	-0,45697	0,647694	NA
C17orf101	273,42	0,31	0,672294	0,456855	0,647775	0,8766992
ADPRH	161,35	0,36	0,784314	0,456846	0,647782	0,8766992
RP11-733C7.2	23,14	-0,42	0,925504	-0,45671	0,647879	0,876766
CTD-2021A8.2	0,38	1,37	2,989437	0,456704	0,647884	NA
BTK	620,77	0,27	0,589105	0,456643	0,647927	0,876766
RP11-456P18.2	0,68	1,44	3,159377	0,45663	0,647937	NA
RP11-495P10.5	0,44	-1,68	3,688789	-0,45662	0,647942	NA
RP11-533K9.4	10,59	-1,65	3,611374	-0,45658	0,647973	0,876766
RP11-287D1.2	2,61	-0,62	1,361763	-0,45654	0,648001	NA
RP4-667H12.3	0,45	0,85	1,869114	0,45646	0,648059	NA
RP11-313A24.1	1,22	-1,66	3,647343	-0,45642	0,648085	NA
ZC3H11B	0,71	-0,72	1,584847	-0,45629	0,648179	NA
RNU6-481P	0,20	-1,70	3,722724	-0,45627	0,648193	NA
CTB-85P21.1	0,52	1,71	3,741172	0,456234	0,648222	NA
DIP2C	9,86	-1,12	2,455381	-0,45616	0,648277	0,8771133
RP11-276H19.2	2,61	-0,77	1,690871	-0,45614	0,648288	NA
RP11-505F3.4	0,94	-0,47	1,031954	-0,45611	0,64831	NA
RP11-642L11.1	1,33	-0,73	1,610087	-0,4561	0,64832	NA
RPL13P4	0,83	1,70	3,73466	0,456055	0,648351	NA
RP11-298A10.3	5,37	0,86	1,896063	0,455979	0,648405	0,8771741
DNAJB12	431,13	-0,17	0,381584	-0,45596	0,648416	0,8771741
PAM16	118,86	-0,26	0,568509	-0,45586	0,648493	0,8772144
RP11-73M7.9	2,91	0,68	1,502564	0,45557	0,648699	NA
TRIM64B	0,53	1,70	3,74117	0,455561	0,648706	NA
DIRC3	1,05	1,52	3,32804	0,455521	0,648735	NA
CTD-2317K6.1	0,51	1,70	3,741163	0,455502	0,648748	NA
DGKG	170,86	-0,45	0,992818	-0,45545	0,648788	0,8774871
RP11-19P22.8	36,60	-0,42	0,91223	-0,45545	0,648789	0,8774871
CTD-3065J16.6	0,58	-1,04	2,281539	-0,45534	0,648867	NA
EIF4G1	947,45	-0,17	0,370363	-0,45531	0,648887	0,8775558
NUDT5	650,14	-0,26	0,569966	-0,45524	0,648937	0,8775598
DNAH6	14,28	0,59	1,289491	0,455102	0,649036	0,8775701
RP11-25L19.1	16,15	-0,22	0,491925	-0,4551	0,649039	0,8775701
RP11-118B18.2	2,43	-0,59	1,302564	-0,45502	0,649095	NA
POFUT2	68,62	-0,48	1,050305	-0,45498	0,649124	0,8776217
RN7SKP287	0,51	1,70	3,741135	0,454929	0,64916	NA
RPL29P25	6,67	-0,55	1,214212	-0,45486	0,649212	0,8776666
RP1-261D10.2	3,51	1,07	2,344083	0,454832	0,64923	NA
CTC-471F3.5	1,82	1,12	2,460417	0,454813	0,649244	NA
MARCH1	1766,21	0,19	0,407575	0,454765	0,649278	0,8776666
IGHD	10,55	-0,90	1,978101	-0,45472	0,649314	0,8776666
RP11-225N10.3	1,29	-1,14	2,511859	-0,45468	0,649339	NA
AC023590.1	10,53	-0,50	1,101993	-0,45467	0,649346	0,8776666
RP11-543F8.2	2,30	-0,66	1,447194	-0,45444	0,649513	NA

MORN1	20,27	-0,49	1,072218	-0,45425	0,649646	0,8779814
RP4-694B14.8	0,11	-1,70	3,737836	-0,45425	0,649651	NA
HK1	740,46	-0,18	0,395481	-0,45419	0,649695	0,8779814
SF3A3P1	0,59	1,70	3,741203	0,454155	0,649717	NA
RP5-1041C10.3	5,14	0,48	1,053628	0,454142	0,649727	0,8779814
RP11-153K16.2	0,60	-0,69	1,527531	-0,45414	0,64973	NA
RN7SL78P	0,51	1,70	3,741189	0,454117	0,649745	NA
TAGAP	783,47	0,17	0,367008	0,454085	0,649768	0,8779814
RP11-57G22.3	14,95	-0,29	0,63596	-0,45393	0,649879	0,8780684
S1PR2	46,28	0,32	0,709978	0,453723	0,650028	0,878206
RP11-93P10.2	41,79	-0,55	1,21521	-0,45355	0,650155	0,8782561
ERO1A	581,03	-0,23	0,497082	-0,45352	0,650171	0,8782561
AC100830.4	1,47	1,52	3,350615	0,453453	0,650223	NA
RP11-216B9.9	21,28	0,30	0,668286	0,453417	0,650248	0,8782561
RP11-401E5.2	0,32	1,19	2,62468	0,453353	0,650294	NA
EDF1	1198,72	-0,10	0,222065	-0,4533	0,650332	0,8782561
RP11-94I2.4	0,81	1,69	3,735057	0,453237	0,650378	NA
CTD-2503I6.1	2,09	-0,82	1,81217	-0,45304	0,650523	NA
SLC46A1	106,52	-0,45	1,003739	-0,45302	0,650536	0,8782561
ARID5A	404,93	0,22	0,478273	0,453008	0,650543	0,8782561
AC130469.2	1,03	0,87	1,925276	0,452982	0,650561	NA
LSM3	372,85	-0,12	0,269661	-0,45286	0,65065	0,8782561
ATP1A1	1295,36	0,16	0,344775	0,452812	0,650684	0,8782561
PSMA1	2147,07	0,11	0,237938	0,452807	0,650688	0,8782561
GANC	561,14	-0,30	0,660419	-0,45274	0,650735	0,8782561
RP11-196G18.22	25,17	0,53	1,174301	0,452702	0,650763	0,8782561
RP11-138A9.1	222,88	0,31	0,674209	0,452466	0,650934	0,8782561
RP6-1107.2	0,91	-0,75	1,652473	-0,45246	0,650937	NA
RP4-580N22.1	9,98	-0,45	1,004232	-0,45246	0,650939	0,8782561
NMRAL1	257,18	0,25	0,555955	0,452446	0,650947	0,8782561
RNU1-122P	1,50	0,61	1,354392	0,452444	0,650949	NA
SNRPN	277,81	0,35	0,784098	0,45238	0,650995	0,8782561
C15orf38-AP3S2	111,25	0,66	1,469783	0,45238	0,650996	0,8782561
SYT2	5,05	0,35	0,775027	0,452363	0,651007	0,8782561
RP11-452K12.6	8,40	0,70	1,544058	0,45226	0,651081	0,8782561
ACSF3	385,99	0,30	0,662085	0,45223	0,651103	0,8782561
OVGP1	10,50	-0,72	1,595291	-0,45212	0,651181	0,8782561
RP11-47G4.2	5,95	-0,86	1,895245	-0,4521	0,6512	0,8782561
RP11-49I11.4	0,50	1,69	3,741394	0,452055	0,65123	NA
RP11-16B9.1	37,91	0,51	1,126589	0,45205	0,651233	0,8782561
AC092620.2	82,60	0,39	0,855081	0,452038	0,651242	0,8782561
RP11-387D10.2	4,87	0,51	1,11946	0,452036	0,651243	0,8782561
ING5	212,65	0,30	0,663436	0,452033	0,651245	0,8782561
AC074367.1	1,30	1,34	2,960579	0,45178	0,651427	NA
RN7SL279P	3,57	-0,60	1,325627	-0,45175	0,651446	NA
ARPC5	4068,54	-0,10	0,211203	-0,4517	0,651486	0,8783999
RARS	565,85	-0,20	0,450726	-0,45163	0,651536	0,8783999
RAB8A	736,91	0,20	0,447199	0,451621	0,651542	0,8783999
PNPO	134,84	0,32	0,705287	0,451551	0,651592	0,8783999
TNS4	20,05	-0,31	0,68221	-0,45152	0,651614	0,8783999

CARD6	68,16	-0,38	0,83576	-0,45147	0,651651	0,8783999
RP11-355N15.1	3,26	-0,37	0,822758	-0,45147	0,651652	NA
MN1	37,56	-0,89	1,973246	-0,45136	0,651728	0,8783999
PNPLA5	4,53	0,65	1,431498	0,451326	0,651755	0,8783999
SDF2	331,83	0,36	0,794746	0,451295	0,651777	0,8783999
RN7SL278P	2,53	-0,44	0,980743	-0,45119	0,651856	NA
RP11-550E22.4	1,67	-1,19	2,628404	-0,45113	0,651897	NA
RAB15	1,95	-0,68	1,505246	-0,45102	0,651978	NA
RP11-574K11.28	6,87	0,45	0,998739	0,450961	0,652018	0,8786608
CDS2	515,29	0,24	0,523076	0,450855	0,652094	0,8787002
RP11-504G3.1	69,35	0,55	1,216831	0,450729	0,652185	0,8787023
HDAC5	421,02	-0,26	0,569127	-0,45072	0,65219	0,8787023
DDX28	97,55	0,54	1,206919	0,450647	0,652244	0,87871
RP11-1250I15.1	3,56	0,72	1,599733	0,450618	0,652265	NA
IKBKG	187,39	-0,32	0,711674	-0,45058	0,65229	0,87871
RPL3P1	0,33	0,98	2,185618	0,45052	0,652336	NA
SGSM1	12,16	-0,27	0,604843	-0,4505	0,65235	0,8787266
SAMD7	0,43	-0,81	1,788321	-0,4504	0,652423	NA
RP11-1057B8.2	0,51	1,68	3,74135	0,450368	0,652445	NA
CSTF1	185,48	0,48	1,075178	0,450288	0,652503	0,8788691
AC005224.2	1,86	0,82	1,82188	0,450084	0,65265	NA
ECHS1	1191,84	-0,21	0,467076	-0,44994	0,652755	0,8789577
RP11-243E13.1	8,87	-0,30	0,674334	-0,44992	0,652766	0,8789577
RP11-347P5.1	313,94	0,20	0,443842	0,449905	0,652779	0,8789577
SLC22A11	13,67	0,61	1,354368	0,449865	0,652808	0,8789577
CTC-359M8.3	0,62	1,22	2,702423	0,44985	0,652818	NA
FAM90A24P	1,06	-0,99	2,207089	-0,44973	0,652903	NA
SMS	467,83	0,26	0,585167	0,449688	0,652936	0,8789577
FAM136A	345,75	-0,28	0,61477	-0,44968	0,652939	0,8789577
AC005498.3	0,52	1,68	3,74097	0,449681	0,65294	NA
NCOR2	329,77	-0,22	0,496536	-0,44966	0,652954	0,8789577
ECHDC1	566,13	0,19	0,414553	0,449627	0,65298	0,8789577
CEP164	183,85	0,27	0,590695	0,449607	0,652994	0,8789577
RP1-12G14.7	1,56	0,76	1,682532	0,449543	0,65304	NA
RP11-1124B17.1	0,33	-0,87	1,939543	-0,44952	0,653053	NA
RP11-774D14.1	1,67	-1,06	2,358327	-0,4495	0,653073	NA
CTD-2207O23.3	104,48	-1,22	2,704897	-0,44948	0,653084	0,8790152
RP11-281O15.8	1,14	-0,63	1,411045	-0,44938	0,653157	NA
SNHG11	81,86	0,43	0,95341	0,449371	0,653164	0,8790593
RP11-702F3.3	0,81	-0,87	1,946513	-0,44929	0,65322	NA
DGUOK	805,14	-0,14	0,303193	-0,44923	0,653265	0,8791036
COG1	68,75	-0,36	0,811957	-0,44919	0,653291	0,8791036
CTB-176F20.3	2,76	0,48	1,058212	0,449098	0,653361	NA
LONP1	289,12	0,32	0,713666	0,449068	0,653383	0,8791631
CTD-2545G14.2	0,47	1,61	3,594889	0,448809	0,653569	NA
RP11-468E2.11	93,60	-0,25	0,547859	-0,44878	0,65359	0,8792538
ZNF680	26,58	0,37	0,829964	0,448779	0,653591	0,8792538
RP11-359C24.1	12,56	-0,48	1,061012	-0,44878	0,653592	0,8792538
RN7SL306P	0,85	-1,08	2,405705	-0,44877	0,653596	NA
SLC34A2	31,41	0,37	0,832931	0,44864	0,653691	0,8793238

RP11-603K19.2	0,97	-0,62	1,373518	-0,44856	0,653748	NA
SIAH2	295,43	-0,33	0,741741	-0,44838	0,65388	0,8795145
TMEM261	155,36	-0,25	0,549063	-0,4483	0,65394	0,8795258
IFITM2	2795,84	-0,20	0,444082	-0,44823	0,653989	0,8795258
AC091178.1	0,70	-0,78	1,736834	-0,44816	0,654036	NA
GID4	54,79	0,39	0,87749	0,448149	0,654046	0,8795258
FAM78B	1,81	-0,67	1,49218	-0,44809	0,654089	NA
CDYL	214,63	0,22	0,500142	0,448031	0,65413	0,8795258
TNNT2	16,05	-0,42	0,929626	-0,448	0,654157	0,8795258
INPP1	119,74	-0,46	1,032873	-0,44793	0,654202	0,8795258
TLR7	268,25	-0,34	0,766487	-0,44787	0,654247	0,8795258
SLC9A3	0,11	-1,67	3,736384	-0,44784	0,654267	NA
MAN2B2	182,54	-0,27	0,593251	-0,44784	0,654267	0,8795258
RP11-507M3.1	14,40	0,47	1,044316	0,44767	0,654391	0,8796291
CTC-436P18.3	16,27	-0,38	0,856512	-0,44752	0,654502	0,8797144
DYNLRB1	412,59	-0,18	0,403663	-0,44744	0,654554	0,879721
COL4A3	2,65	-1,02	2,28443	-0,44729	0,654665	NA
RP5-1102E8.2	0,46	0,82	1,842113	0,447285	0,65467	NA
CASZ1	41,64	-0,58	1,301564	-0,44728	0,65467	0,8798134
AC005519.4	2,68	-0,65	1,443174	-0,44711	0,654793	NA
RP11-330C7.3	20,44	0,70	1,556993	0,447008	0,654869	0,8799357
RP11-182B22.2	4,62	1,58	3,528779	0,446994	0,654879	0,8799357
RP11-927P21.12	0,79	1,66	3,719226	0,446983	0,654888	NA
RP11-690G19.4	3,74	0,54	1,20752	0,44685	0,654983	NA
RN7SL692P	0,11	-1,67	3,738459	-0,44683	0,654999	NA
RP11-39E3.6	6,88	0,46	1,03666	0,446762	0,655047	0,8799357
NR1H2	732,90	0,13	0,299207	0,446752	0,655054	0,8799357
AF213884.2	11,45	0,61	1,375405	0,446708	0,655086	0,8799357
ACTN1	358,56	0,27	0,603364	0,446665	0,655117	0,8799357
RP13-20L14.6	14,78	-0,79	1,764588	-0,44666	0,655119	0,8799357
RP11-356I2.4	171,89	0,28	0,618967	0,446584	0,655175	0,8799357
RP13-270P17.3	51,13	-0,60	1,348202	-0,44657	0,655187	0,8799357
SLC22A13	0,51	1,67	3,740956	0,446568	0,655187	NA
RP11-443B7.2	0,50	1,67	3,741463	0,446538	0,655209	NA
BCL2L2-PABPN1	32,48	-0,78	1,745336	-0,4464	0,655309	0,8799618
RP11-513O17.2	6,55	-0,60	1,35108	-0,44637	0,655331	0,8799618
GBE1	161,77	0,35	0,779006	0,446345	0,655348	0,8799618
OSTCL	0,50	1,67	3,741239	0,446308	0,655375	NA
GTF2A1L	2,73	-1,48	3,325993	-0,4463	0,655382	NA
RP11-505K9.4	2,33	-0,80	1,785104	-0,44598	0,655612	NA
TCN1	0,20	-1,67	3,740698	-0,44593	0,655651	NA
IGFBP7	358,34	0,24	0,531315	0,445911	0,655661	0,8802083
FNBP4	953,23	0,15	0,342522	0,445833	0,655718	0,8802083
FCGRT	5019,66	0,09	0,20064	0,445829	0,655721	0,8802083
RP3-415N12.1	7,72	0,96	2,162299	0,445829	0,655721	0,8802083
TIGD7	3,36	-1,01	2,267765	-0,44581	0,655733	NA
HACE1	71,19	-0,33	0,733286	-0,4457	0,655817	0,8802222
ATP6V0E1	2300,54	0,12	0,270796	0,445684	0,655826	0,8802222
CH17-118O6.2	27,71	0,48	1,079668	0,445616	0,655875	0,880224
SNORA66	1,76	0,72	1,609451	0,445586	0,655897	NA

RP13-16H11.1	1,89	-0,96	2,155676	-0,44556	0,655914	NA
RP11-98D18.9	9,14	0,39	0,879264	0,445544	0,655926	0,8802301
RP11-620J15.1	0,28	-1,28	2,875242	-0,44543	0,656009	NA
RHAG	4,32	0,40	0,89184	0,44538	0,656045	0,8802305
RP11-307C12.13	12,57	-0,80	1,803398	-0,44535	0,656068	0,8802305
MAP1B	9,03	0,66	1,477817	0,445348	0,656069	0,8802305
RP11-654C22.2	1,58	-1,19	2,673204	-0,44507	0,656268	NA
ADAMTSL4-AS1	37,32	-0,27	0,614551	-0,44499	0,656329	0,8804233
TLCD1	6,20	0,41	0,930187	0,444953	0,656354	0,8804233
WSB1	2539,38	-0,16	0,358745	-0,44483	0,656446	0,8804233
UCKL1	267,98	0,31	0,685963	0,444822	0,656448	0,8804233
RP3-488M23.3	6,89	-1,16	2,616337	-0,44479	0,656469	0,8804233
ZNF276	432,72	-0,25	0,561799	-0,44469	0,656542	0,8804233
PLCD3	33,34	-0,25	0,558744	-0,44469	0,656544	0,8804233
INO80B-WBP1	0,51	1,66	3,741413	0,444616	0,656597	NA
ACAD9	79,33	0,38	0,848829	0,444521	0,656666	0,8805235
DLEU2	99,87	-0,33	0,749887	-0,44443	0,656733	0,8805497
RP11-393K10.1	0,49	1,66	3,741573	0,444369	0,656776	NA
CYSTM1	438,41	0,25	0,571488	0,444273	0,656845	0,8806185
RN7SL750P	1,92	0,82	1,856363	0,444255	0,656858	NA
SNX2	1608,11	0,13	0,303352	0,444199	0,656899	0,8806185
AP3M1	331,25	0,31	0,704289	0,444162	0,656926	0,8806185
CTC-463N11.3	0,80	1,66	3,735122	0,444138	0,656943	NA
NCS1	1,21	1,66	3,729274	0,444131	0,656948	NA
RPL34P21	0,11	-1,66	3,7387	-0,44401	0,657037	NA
IFLTD1	5,44	0,49	1,113152	0,443972	0,657062	0,8807383
RP11-34E5.4	0,99	-1,62	3,645414	-0,44376	0,657215	NA
FAM26E	2,22	-0,82	1,848473	-0,44375	0,657222	NA
SH3GL3	4,02	-0,78	1,763265	-0,44374	0,657231	0,8808403
LL22NC03-80A10.6	141,80	-0,34	0,759873	-0,44374	0,657233	0,8808403
RP11-361D15.1	55,43	0,49	1,109682	0,44367	0,657281	0,8808406
C1orf100	0,50	1,66	3,74194	0,443611	0,657324	NA
UBE2V1P1	1,67	1,32	2,970782	0,443544	0,657373	NA
RP11-397P13.7	1,27	-0,99	2,24029	-0,44352	0,657392	NA
SNORD15B	0,47	1,61	3,624431	0,443499	0,657405	NA
RP11-204M4.3	4,82	-0,47	1,070392	-0,44349	0,657408	0,8809473
AC005534.8	0,51	1,05	2,36658	0,443493	0,657409	NA
AC005954.4	2,62	0,49	1,098989	0,443447	0,657443	NA
AC010884.1	0,79	1,66	3,735214	0,443445	0,657444	NA
NR2F1	2,12	0,71	1,594287	0,443372	0,657496	NA
RP11-548K12.4	0,81	1,66	3,735011	0,443366	0,657501	NA
C21orf62-AS1	7,57	-0,42	0,943433	-0,44323	0,6576	0,8810684
ARHGEF2	286,76	-0,18	0,411627	-0,44322	0,657609	0,8810684
RP11-730N24.1	0,50	1,66	3,74162	0,443107	0,657688	NA
RP11-678K21.2	2,83	-0,54	1,226271	-0,44296	0,657794	NA
FRAT1	82,87	-0,29	0,649726	-0,44295	0,657801	0,8810684
SOS1	370,68	-0,27	0,620578	-0,44292	0,657823	0,8810684
CTD-2553L13.9	6,81	0,67	1,502882	0,442817	0,657898	0,8810684
RAB18	444,68	-0,28	0,6422	-0,44281	0,657904	0,8810684
RP11-304L19.11	16,89	0,27	0,620042	0,442794	0,657915	0,8810684

GNB1L	143,23	-0,57	1,289429	-0,44276	0,657936	0,8810684
ANKRD24	1,76	-1,30	2,940833	-0,44275	0,657948	NA
DAP	730,56	0,25	0,556108	0,442722	0,657967	0,8810684
LHFPL2	25,29	-0,42	0,954465	-0,44272	0,657972	0,8810684
RP11-474O21.5	0,59	-1,58	3,567642	-0,4426	0,658055	NA
RP11-655G22.1	2,38	-0,53	1,200049	-0,44257	0,658075	NA
FANCL	158,92	0,23	0,514773	0,442546	0,658094	0,8811685
CTD-2184C24.2	6,39	-0,63	1,426382	-0,44245	0,658163	0,8811978
CTD-2545H1.2	1,70	-0,56	1,263996	-0,44235	0,658236	NA
LGALSL	3,50	0,64	1,435806	0,442279	0,658287	NA
CTB-118N6.3	0,68	-1,20	2,707052	-0,4418	0,658631	NA
RPS27AP1	0,70	-0,76	1,719092	-0,44175	0,658671	NA
DHFRP1	0,49	1,65	3,741636	0,441683	0,658719	NA
RP11-439C15.4	0,26	0,97	2,202157	0,441636	0,658752	NA
NOXRED1	0,80	0,92	2,09237	0,441604	0,658775	NA
AC097662.2	0,92	-0,50	1,127172	-0,44146	0,658881	NA
RP11-531F16.4	8,30	-0,68	1,537245	-0,44139	0,65893	0,8821606
RP11-214K3.19	2,28	1,14	2,585196	0,441387	0,658933	NA
HNRNPD	1605,92	-0,09	0,203425	-0,44124	0,659042	0,8822482
SQSTM1	943,58	0,16	0,35335	0,440859	0,659315	0,8825045
UTP14C	133,63	0,35	0,80307	0,440803	0,659356	0,8825045
LL22NC03-23C6.13	0,87	1,03	2,337878	0,440706	0,659426	NA
RP11-1198D22.1	0,49	1,65	3,741682	0,440683	0,659442	NA
VSIR	3629,35	-0,11	0,246839	-0,44059	0,659507	0,8825045
C12orf48	48,85	-0,47	1,077824	-0,44058	0,659514	0,8825045
ZNF699	30,34	0,62	1,416085	0,440557	0,659534	0,8825045
LYSMD4	32,97	-0,62	1,405577	-0,44051	0,659569	0,8825045
CTD-2135J3.2	30,19	0,55	1,258851	0,440482	0,659588	0,8825045
AC009245.3	1,31	-0,52	1,184549	-0,44046	0,659606	NA
C15orf57	325,75	0,28	0,625311	0,440447	0,659613	0,8825045
DNAJC13	754,16	-0,26	0,582048	-0,44033	0,659698	0,8825536
TMEM44	14,71	-0,62	1,405882	-0,44023	0,659773	0,882582
CORO6	0,49	1,65	3,741355	0,440222	0,659776	NA
PRDM10	49,72	-0,54	1,222301	-0,44016	0,65982	0,882582
KCNAB2	639,91	-0,17	0,391949	-0,4401	0,659863	0,882582
RP11-798G7.3	232,82	-0,32	0,728513	-0,44004	0,659909	0,882582
RP11-783K16.13	0,48	1,59	3,619267	0,439984	0,659949	NA
SSNA1	410,24	-0,18	0,411303	-0,43981	0,660076	0,8827073
TESK1	165,24	-0,49	1,119214	-0,43978	0,660097	0,8827073
RP1-228H13.5	12,95	-0,79	1,802375	-0,43968	0,660167	0,8827373
RP1-121G13.3	0,79	1,63	3,699086	0,439533	0,660275	NA
RP11-697E2.7	0,49	1,64	3,741727	0,439502	0,660298	NA
JRKL	42,92	0,60	1,373662	0,439458	0,66033	0,8827518
ZNF408	14,69	-0,74	1,673785	-0,43936	0,660399	0,8827518
CLEC1A	26,38	-0,42	0,960428	-0,43934	0,660418	0,8827518
RP11-286E11.2	14,75	-0,41	0,927644	-0,43923	0,660493	0,8827518
PHIP	1490,22	-0,14	0,310118	-0,4392	0,660513	0,8827518
RP11-850A17.1	11,80	-0,48	1,088251	-0,4392	0,660518	0,8827518
AC019201.1	67,77	0,34	0,774233	0,439193	0,660522	0,8827518
RP11-295D4.4	4,34	0,43	0,987706	0,439144	0,660557	0,8827518

PABPN1	526,52	-0,19	0,428131	-0,43899	0,660666	0,8828334
HPN	3,48	0,58	1,31799	0,438992	0,660667	NA
CTB-138E5.1	0,50	1,64	3,741742	0,438946	0,660701	NA
SPESP1	3,64	1,53	3,487374	0,438829	0,660785	NA
RP11-23E10.2	0,90	1,12	2,555679	0,438638	0,660924	NA
PGM1	193,14	-0,42	0,9473	-0,43861	0,660946	0,8831437
MXRA8	0,49	1,64	3,741691	0,438423	0,66108	NA
NDUFAF3	541,07	-0,20	0,45048	-0,43828	0,661183	0,8833977
AC104534.3	0,49	1,64	3,741423	0,438106	0,661309	NA
NEAT1	12685,33	-0,11	0,253528	-0,43808	0,661326	0,8835246
APPBP2	254,60	-0,30	0,681405	-0,43794	0,661426	0,8835443
AP006222.1	297,24	-0,46	1,061312	-0,43792	0,661442	0,8835443
RP11-517C16.2	4,71	1,51	3,439274	0,437783	0,661543	0,8835443
XAF1	1638,21	-0,27	0,627379	-0,43762	0,66166	0,8835443
RP4-680D5.2	8,51	0,50	1,140409	0,437613	0,661667	0,8835443
LIPJ	1,20	1,45	3,308514	0,437597	0,661679	NA
KB-1995A5.5	13,61	-0,30	0,678943	-0,43756	0,661702	0,8835443
CTD-3075F15.1	8,61	-0,73	1,660539	-0,43755	0,661716	0,8835443
TCAM1P	5,94	-0,36	0,812908	-0,43754	0,66172	0,8835443
RP11-600P18.4	0,50	1,64	3,741854	0,437405	0,661817	NA
RAET1E	4,86	-0,51	1,164879	-0,4372	0,661967	0,8837441
HIRA	130,53	0,56	1,287654	0,437143	0,662008	0,8837441
ZFPM1	32,09	0,32	0,737565	0,437136	0,662012	0,8837441
PTPN4	142,38	-0,34	0,771971	-0,43703	0,66209	0,8837836
TTC7A	623,25	-0,19	0,436962	-0,43656	0,66243	0,8840867
POLR3C	383,09	-0,30	0,689394	-0,43653	0,662449	0,8840867
RP11-628J14.1	9,09	-0,19	0,430405	-0,43652	0,662462	0,8840867
TEX35	65,91	-0,34	0,780919	-0,43637	0,66257	0,8840867
RP11-438L19.1	0,49	1,63	3,741853	0,436357	0,662577	NA
RP11-556I13.2	1,00	-0,66	1,502986	-0,43634	0,662588	NA
C17orf63	124,76	-0,40	0,917875	-0,43631	0,662608	0,8840867
RN7SL408P	0,54	1,05	2,412672	0,436236	0,662665	NA
CTA-243E7.1	91,27	-0,23	0,529445	-0,43622	0,66268	0,8840867
AL773604.8	18,68	0,64	1,463549	0,43619	0,662699	0,8840867
CCDC144NL	29,50	-1,08	2,476318	-0,43614	0,662739	0,8840867
RN7SL100P	3,42	0,53	1,216109	0,436128	0,662744	NA
TAF6	53,25	-0,31	0,703793	-0,43596	0,662865	0,8840867
CTC-429P9.1	15,57	-0,37	0,859126	-0,43596	0,662867	0,8840867
ERBIN	1304,02	0,14	0,326741	0,435835	0,662956	0,8840867
FAM89B	300,70	-0,23	0,533179	-0,43574	0,663024	0,8840867
P4HTM	94,32	-0,42	0,955266	-0,43574	0,663029	0,8840867
HYMAI	3,68	-1,00	2,284215	-0,43568	0,663067	NA
CCDC18	202,48	-0,27	0,630821	-0,43568	0,663069	0,8840867
TMEM19	388,32	0,34	0,779899	0,435678	0,66307	0,8840867
MRPS2	241,07	0,28	0,634084	0,435638	0,663099	0,8840867
SLC52A2	124,12	-0,39	0,896338	-0,4356	0,663124	0,8840867
AC004702.2	2,04	-0,73	1,681424	-0,43545	0,663238	NA
KB-1615E4.1	0,45	1,56	3,585561	0,435412	0,663263	NA
MURC	0,63	0,63	1,449971	0,435393	0,663277	NA
NOP2	187,16	0,29	0,66224	0,435327	0,663325	0,8842773

RP11-713M6.2	0,66	1,36	3,126594	0,435297	0,663347	NA
TLE4	523,60	-0,23	0,533108	-0,43528	0,663362	0,8842773
ADAMTS13	1,46	1,29	2,974828	0,435219	0,663403	NA
PVRIG	6,48	-0,63	1,436796	-0,43507	0,663511	0,8844116
RP11-260N14.1	0,26	0,96	2,196955	0,434787	0,663717	NA
CEP170	790,74	0,16	0,367095	0,434752	0,663742	0,8846569
RP11-102M11.2	17,65	-0,46	1,069641	-0,43468	0,663792	0,8846602
RP11-932O9.10	0,56	1,03	2,377536	0,434636	0,663827	NA
LGALS3	2209,25	-0,14	0,323613	-0,43459	0,663863	0,8846907
TCTN1	87,06	-0,28	0,638774	-0,43452	0,663912	0,8846933
RN7SL850P	1,13	-0,68	1,571799	-0,4345	0,663927	NA
AC093724.1	1,85	0,95	2,188562	0,434456	0,663958	NA
PCDHGB8P	1,44	-0,41	0,947904	-0,43442	0,663981	NA
PPARG	2,60	-0,44	1,004396	-0,43441	0,663988	NA
RP5-827C21.6	0,97	-1,38	3,176137	-0,43437	0,664016	NA
ARX	1,08	-0,74	1,711682	-0,43436	0,664028	NA
RP11-989E6.10	95,87	-0,35	0,795175	-0,43435	0,664033	0,8847647
KPNA6	729,53	-0,22	0,515328	-0,43431	0,664061	0,8847647
CTD-2555O16.2	0,47	1,62	3,741875	0,434265	0,664096	NA
BCRP3	0,55	1,03	2,372745	0,434246	0,66411	NA
DDX4	15,48	-1,57	3,610076	-0,43416	0,66417	0,8848323
QRICH1	402,15	0,22	0,503938	0,434053	0,66425	0,8848323
C12orf66	117,78	-0,51	1,170947	-0,43405	0,664254	0,8848323
LLNLR-285B5.1	0,79	1,62	3,735578	0,433748	0,664471	NA
MZT2B	154,93	-0,22	0,516371	-0,43367	0,664528	0,8851337
DYRK3	4,19	1,05	2,425476	0,433581	0,664593	0,885156
C1orf143	0,86	1,10	2,545994	0,433487	0,664661	NA
RF02104	1,24	1,26	2,91153	0,433455	0,664684	NA
RN7SL713P	0,56	0,93	2,140068	0,433441	0,664695	NA
ATAD3A	63,47	-0,43	0,986159	-0,43343	0,664702	0,8852316
SCARNA7	0,83	1,10	2,529244	0,433382	0,664737	NA
STIL	54,25	-0,37	0,852954	-0,43337	0,664744	0,8852316
RP4-665J23.4	14,13	0,37	0,86077	0,43324	0,664841	0,8852962
RP11-554E23.4	0,18	-1,46	3,374121	-0,43321	0,664861	NA
KB-1572G7.1	89,85	0,33	0,761561	0,433061	0,66497	0,8853603
MYADM	1464,43	0,14	0,324558	0,432999	0,665016	0,8853603
SYT1	2,60	-0,98	2,270821	-0,43298	0,665029	NA
RUNX2	423,16	0,24	0,564952	0,432951	0,665051	0,8853603
IMMT	588,94	-0,16	0,367883	-0,43285	0,665126	0,8853603
AC002519.8	58,61	-0,36	0,830753	-0,43279	0,665169	0,8853603
TMEM185B	18,60	0,58	1,351099	0,432781	0,665174	0,8853603
DRD1	0,47	1,62	3,742015	0,432648	0,66527	NA
RP11-351M16.1	0,45	1,56	3,596507	0,432614	0,665295	NA
RP3-406A7.7	0,50	1,62	3,741998	0,432594	0,66531	NA
CTD-2260A17.2	1,71	0,89	2,053096	0,432509	0,665372	NA
DNAJB1	457,40	-0,28	0,63744	-0,43245	0,665411	0,8856126
RN7SL254P	1,50	-0,92	2,119371	-0,43218	0,665608	NA
CAGE1	21,99	0,54	1,251028	0,432139	0,66564	0,8857669
SLC30A3	11,46	-0,39	0,913024	-0,43213	0,665645	0,8857669
MOSPD2	284,59	-0,32	0,748898	-0,4321	0,66567	0,8857669

RP1-506.4	0,65	1,35	3,127987	0,432086	0,665679	NA
AC073610.5	0,57	-1,30	3,001361	-0,43208	0,665684	NA
RP11-1101K5.1	0,49	1,62	3,741994	0,431939	0,665786	NA
RP11-531A24.7	0,48	1,62	3,742003	0,431909	0,665808	NA
MED12	95,49	0,32	0,734446	0,431865	0,66584	0,8859092
ITGB2	4918,23	0,10	0,234	0,431719	0,665946	0,8859092
CHGB	8,03	-0,51	1,189751	-0,43159	0,666038	0,8859092
UNC5A	5,09	1,52	3,526288	0,431571	0,666053	0,8859092
XXbac-BPG308K3.6	12,23	0,50	1,165804	0,431539	0,666076	0,8859092
POLL	225,46	-0,33	0,762441	-0,43146	0,666134	0,8859092
TBC1D25	101,60	0,32	0,750408	0,431426	0,666159	0,8859092
HSD17B11	788,34	0,21	0,4843	0,431388	0,666186	0,8859092
CTC-244M17.1	4,77	-0,47	1,099396	-0,43136	0,666206	0,8859092
STOX2	0,70	0,87	2,01645	0,43108	0,66641	NA
SLC12A7	699,08	0,19	0,450879	0,430944	0,666509	0,8862491
CRB3	0,67	0,77	1,798482	0,430906	0,666537	NA
AP1S3	109,21	-0,32	0,75292	-0,43071	0,666676	0,8864084
AC006552.1	17,67	0,43	0,996234	0,430449	0,666869	0,8864906
RINT1	86,51	0,32	0,753489	0,430414	0,666895	0,8864906
CLDN15	56,04	0,45	1,044124	0,430413	0,666895	0,8864906
LA16c-366D3.1	1,37	-1,40	3,260366	-0,43036	0,666933	NA
FRK	391,19	-0,22	0,508924	-0,43032	0,666965	0,8864906
RP11-488L18.4	154,30	-0,31	0,72987	-0,4303	0,666976	0,8864906
AC007383.3	15,54	-0,65	1,506719	-0,43011	0,667119	0,8866167
MAGI2	75,59	0,29	0,677241	0,429981	0,66721	0,8866558
CPHL1	0,86	0,78	1,813392	0,429878	0,667284	NA
SYNC	8,01	-1,36	3,156462	-0,42985	0,667302	0,8866558
ADORA2A	8,90	-1,09	2,530517	-0,4298	0,66734	0,8866558
ELP2	767,46	0,23	0,539383	0,429744	0,667382	0,8866558
JDP2	337,66	0,32	0,737601	0,429737	0,667387	0,8866558
RP11-147K21.1	0,19	-1,45	3,381615	-0,42969	0,667425	NA
RP11-680F20.6	0,49	1,61	3,741964	0,429658	0,667444	NA
ATP7A	124,47	0,30	0,695931	0,429614	0,667476	0,8867119
WASH7P	1,97	0,87	2,019023	0,429595	0,66749	NA
RP11-1149O23.4	14,10	0,69	1,608086	0,429413	0,667623	0,8867207
RP11-21F16.1	70,43	0,42	0,972263	0,429397	0,667634	0,8867207
RP11-1078H9.5	7,08	0,53	1,232142	0,429392	0,667638	0,8867207
RP11-9E17.1	0,64	1,21	2,812055	0,429347	0,667671	NA
RP11-474D1.2	11,40	0,33	0,773186	0,429293	0,66771	0,8867207
HERC6	152,17	0,44	1,017512	0,429235	0,667752	0,8867207
RP11-12J10.4	0,84	1,08	2,525539	0,429231	0,667755	NA
ZFP90	129,39	-0,36	0,845589	-0,42914	0,667822	0,8867207
SPPL3	545,59	0,18	0,422508	0,429063	0,667877	0,8867207
ASPCR1	138,30	0,24	0,560111	0,429039	0,667895	0,8867207
RP4-583P15.11	9,19	0,44	1,028793	0,429008	0,667918	0,8867207
RP11-370F5.4	4,65	-0,62	1,434668	-0,42895	0,66796	0,8867207
NCSTN	586,38	-0,19	0,451715	-0,42881	0,66806	0,8867883
RP11-215H22.1	0,47	1,60	3,742169	0,428763	0,668096	NA
RP11-166O4.1	19,06	-0,43	0,995836	-0,42875	0,668106	0,8867883
RP4-814D15.1	0,93	-1,57	3,663637	-0,42868	0,668154	NA

CTD-2557P19.4	1,18	1,60	3,73061	0,428594	0,668219	NA
DNAJB5	81,82	0,46	1,082043	0,42854	0,668258	0,8868477
SNORD118	2,31	-0,60	1,409118	-0,42852	0,668272	NA
RNU2-32P	0,47	1,60	3,742178	0,428474	0,668306	NA
MOB4	441,87	0,20	0,470724	0,428382	0,668373	0,8868477
PLSCR4	0,90	-1,17	2,722076	-0,42837	0,668382	NA
RP1-273G13.3	3,34	-0,82	1,914422	-0,42834	0,668405	NA
ASAP2	13,96	-0,64	1,499381	-0,42829	0,66844	0,8868477
SH3TC2	20,98	-0,51	1,185114	-0,42828	0,668448	0,8868477
RP11-512M8.12	0,74	-0,90	2,110668	-0,42828	0,668448	NA
SRRT	347,86	-0,20	0,465659	-0,4282	0,668507	0,8868477
STAT3	877,73	0,13	0,301694	0,428142	0,668548	0,8868477
IARS	498,62	-0,30	0,702319	-0,42813	0,668556	0,8868477
RP11-750H9.7	9,10	0,33	0,764516	0,428113	0,668569	0,8868477
MRPS35	479,23	0,14	0,325432	0,428098	0,66858	0,8868477
RP11-438H8.8	0,57	1,60	3,742198	0,42807	0,6686	NA
AC079896.1	1,14	1,60	3,730901	0,42805	0,668615	NA
ZMYND19	56,06	-0,57	1,328076	-0,428	0,668652	0,8868564
CTB-94B10.2	2,07	0,87	2,038312	0,427984	0,668663	NA
RP11-115C21.2	30,52	0,30	0,706912	0,427949	0,668688	0,8868564
RP11-242C19.2	9,99	0,57	1,343075	0,427849	0,668761	0,8868564
PLN	14,22	-0,49	1,156241	-0,42774	0,668838	0,8868564
GRAMD4	156,46	0,25	0,594738	0,427689	0,668878	0,8868564
KLHL5	478,67	0,27	0,63185	0,427555	0,668975	0,8868564
RP1-296G17.3	4,19	0,27	0,627377	0,427502	0,669014	0,8868564
RP11-611E13.2	94,27	-0,32	0,741524	-0,42744	0,669056	0,8868564
RP11-128B16.5	0,47	1,53	3,582269	0,427442	0,669057	NA
RP3-475N16.1	76,62	0,23	0,544164	0,42737	0,66911	0,8868564
RP4-616B8.6	0,47	1,60	3,742243	0,427348	0,669126	NA
RP3-468B3.2	45,38	0,25	0,594445	0,427331	0,669138	0,8868564
HTN3	17,55	0,30	0,69673	0,427329	0,66914	0,8868564
AL049757.3	0,66	-0,54	1,273915	-0,42724	0,669203	NA
RP11-19N8.4	0,22	-1,04	2,43203	-0,42723	0,669213	NA
DACT3	40,12	-0,18	0,414962	-0,42722	0,669218	0,8868564
CTD-3220F14.2	1,72	0,89	2,085578	0,427177	0,66925	NA
AC017071.1	0,46	1,60	3,742216	0,427176	0,669251	NA
BOLA3	58,57	-0,32	0,745244	-0,42713	0,669287	0,8868564
RGS6	2,65	0,89	2,090968	0,427105	0,669303	NA
LIN7B	52,59	-0,48	1,116476	-0,42703	0,669357	0,8868564
NUMA1	829,80	-0,22	0,524531	-0,42693	0,669431	0,8868564
RP11-40F6.2	0,72	0,89	2,094753	0,426853	0,669487	NA
TIMP3	0,47	1,60	3,742247	0,426799	0,669526	NA
ZNF883	8,53	0,36	0,836383	0,426698	0,6696	0,8868564
NABP1	815,43	-0,24	0,564392	-0,42669	0,669606	0,8868564
SENP8	11,56	0,51	1,203594	0,426688	0,669607	0,8868564
NAXD	102,72	0,45	1,058913	0,426673	0,669617	0,8868564
BCAS4	86,64	0,29	0,684949	0,426627	0,669651	0,8868564
RP11-400N9.1	22,63	-0,40	0,93964	-0,42656	0,669697	0,8868564
PFN4	2,48	0,86	2,026911	0,426538	0,669716	NA
TRMT5	73,45	0,43	1,005965	0,426535	0,669718	0,8868564

RP11-452D2.2	5,99	-0,39	0,916349	-0,42653	0,669723	0,8868564
C1orf109	49,24	-0,39	0,916252	-0,4265	0,669743	0,8868564
CCDC61	8,32	-0,55	1,290315	-0,4264	0,669816	0,8868564
MIB1	175,23	0,38	0,890508	0,426387	0,669826	0,8868564
C7orf61	0,52	1,60	3,742125	0,426336	0,669863	NA
RP11-115E19.1	0,37	-0,96	2,250205	-0,42629	0,669898	NA
RASA1	337,33	0,21	0,501499	0,426197	0,669964	0,8869766
RNA5SP278	0,47	1,59	3,742248	0,426152	0,669997	NA
AC002044.4	1,73	0,74	1,744896	0,425898	0,670182	NA
NLRC3	26,48	-0,41	0,968787	-0,42576	0,670286	0,8872495
KLHL8	239,26	-0,24	0,552388	-0,42575	0,670293	0,8872495
PEG3	2,08	0,85	2,000617	0,425688	0,670335	NA
RP11-18A15.1	6,52	-0,43	1,007446	-0,42567	0,670349	0,8872495
CTB-131B5.2	48,31	0,25	0,586373	0,425653	0,670361	0,8872495
RP4-570O12.3	3,09	-0,41	0,958231	-0,42565	0,670365	NA
CYP1B1	23,17	0,74	1,74053	0,425583	0,670412	0,8872536
TNFRSF18	0,24	-1,20	2,821613	-0,42551	0,670467	NA
RN7SL274P	3,75	0,78	1,830699	0,425498	0,670474	NA
RP11-449K6.5	0,47	1,59	3,742296	0,425409	0,670539	NA
NUP153	274,80	-0,20	0,46809	-0,42539	0,670555	0,88738
RP11-321A17.3	0,47	1,59	3,742346	0,425382	0,670558	NA
RP11-345J4.5	471,98	-0,19	0,453333	-0,42523	0,670668	0,8874664
RP11-767C1.2	0,47	1,59	3,742218	0,425207	0,670686	NA
RBM10	378,37	0,18	0,414701	0,425163	0,670718	0,8874697
AC016629.3	0,71	1,59	3,741517	0,425122	0,670747	NA
RP11-767L7.2	0,47	1,59	3,742285	0,425096	0,670767	NA
PPP1R8	181,27	-0,25	0,578661	-0,42495	0,670873	0,8876118
RP11-203H2.1	15,53	-0,41	0,970298	-0,42473	0,671031	0,8876643
DMRTC1	0,60	-0,60	1,407445	-0,42468	0,67107	NA
CHD8	612,57	0,20	0,467141	0,424676	0,671073	0,8876643
AP002856.7	0,47	1,59	3,742325	0,424572	0,671149	NA
RP11-79D8.2	4,02	0,68	1,611964	0,424448	0,671239	0,8876643
RP11-159D12.8	85,94	-0,35	0,823146	-0,42441	0,671265	0,8876643
RP11-494G9.1	10,92	0,44	1,028956	0,424325	0,671329	0,8876643
INPP5A	43,38	0,51	1,20477	0,424315	0,671336	0,8876643
RP1-245G19.2	0,75	1,59	3,736091	0,424265	0,671373	NA
CLPTM1	131,44	-0,21	0,486103	-0,42422	0,671403	0,8876643
SHB	4,88	-1,30	3,06748	-0,42422	0,671404	0,8876643
PCCA	274,48	0,32	0,747935	0,424202	0,671419	0,8876643
RP11-269F21.1	10,38	-0,66	1,560221	-0,42419	0,671427	0,8876643
TSTA3	126,64	0,38	0,906221	0,424133	0,671469	0,8876643
AF001548.3	11,66	-0,31	0,725927	-0,42411	0,671485	0,8876643
RP11-950K24.2	0,47	1,59	3,742333	0,424051	0,671529	NA
AC018634.9	9,52	-1,15	2,705045	-0,42383	0,671687	0,8878675
TTC36	0,46	1,59	3,742404	0,423699	0,671785	NA
RP11-452H21.4	22,37	-0,39	0,916323	-0,42365	0,671818	0,887945
RP11-718D19.2	27,94	-0,24	0,560828	-0,42362	0,671841	0,887945
UNGP1	1,98	-0,37	0,86874	-0,42352	0,671918	NA
IAPP	1,31	0,72	1,69457	0,423481	0,671945	NA
RP5-1166F10.2	7,90	-0,56	1,32451	-0,42303	0,672271	0,8881389

RP11-368P15.3	46,27	-0,40	0,943348	-0,423	0,672297	0,8881389
LSM4	1267,50	0,11	0,268089	0,422986	0,672305	0,8881389
ING4	273,64	-0,32	0,760895	-0,42298	0,672309	0,8881389
RP11-68I3.11	7,86	-0,47	1,116561	-0,42295	0,672333	0,8881389
RP11-77H9.1	6,18	-0,44	1,032129	-0,42291	0,672361	0,8881389
ZCW PW1	148,65	-0,40	0,955021	-0,42288	0,672381	0,8881389
ALS2	117,31	-0,38	0,903631	-0,42288	0,672385	0,8881389
RN7SL761P	0,46	1,58	3,742427	0,422845	0,672408	NA
SRRD	126,42	0,43	1,020044	0,422822	0,672425	0,8881389
WASL	147,31	0,32	0,757242	0,422767	0,672465	0,8881389
AC024168.1	0,47	1,58	3,742419	0,422645	0,672555	NA
NDFIP1	625,67	0,15	0,358505	0,42257	0,672609	0,8882661
WIZ	72,33	-0,34	0,799323	-0,42247	0,672682	0,8882998
RP11-191A15.2	0,83	1,08	2,555108	0,422436	0,672707	NA
RP11-66N24.7	7,14	-0,30	0,701278	-0,4223	0,672806	0,8883853
LEP	1,79	-0,51	1,201593	-0,42229	0,672817	NA
CCL3L3	767,34	0,36	0,856438	0,422246	0,672845	0,8883853
CH17-340M24.3	30,79	-0,47	1,112104	-0,42214	0,672924	0,8883853
PCMTD2	499,94	0,26	0,60985	0,422081	0,672966	0,8883853
RP3-467K16.4	24,41	0,34	0,800209	0,422054	0,672986	0,8883853
RNA5SP294	0,45	1,58	3,742441	0,421858	0,673129	NA
CTA-941F9.10	165,62	-0,19	0,45808	-0,42159	0,673321	0,8887066
ABHD5	369,85	-0,30	0,713408	-0,42159	0,673325	0,8887066
RP11-455F5.4	5,66	0,48	1,142981	0,421514	0,673379	0,8887157
CTC-526N19.1	5,29	0,59	1,40522	0,421387	0,673472	0,8887753
AF121898.3	19,22	-0,42	0,996882	-0,42122	0,673592	0,8888172
WDYHV1	96,04	-0,49	1,17405	-0,42121	0,6736	0,8888172
SNORA38	0,46	1,58	3,742407	0,421167	0,673633	NA
RP5-1021I20.6	0,91	1,20	2,856675	0,421064	0,673708	NA
EIF4A1P12	0,35	1,29	3,06221	0,421036	0,673729	NA
SYK	2886,70	0,12	0,276564	0,420951	0,673791	0,8888914
PPP6R3	804,59	-0,17	0,407663	-0,42093	0,673805	0,8888914
RUNDC1	145,23	0,32	0,756317	0,420888	0,673837	0,8888914
RP11-874J12.1	20,47	-0,42	0,99199	-0,42087	0,673847	0,8888914
RP11-351I24.3	0,24	-1,57	3,721343	-0,4208	0,673903	NA
ZNF578	7,43	-0,37	0,868133	-0,42074	0,673941	0,8889078
PPP1R35	37,26	-0,36	0,846314	-0,42071	0,673969	0,8889078
BOLA2B	82,03	-0,23	0,557283	-0,42066	0,674003	0,8889078
FAM200A	17,90	-0,61	1,454793	-0,42037	0,674217	0,8890293
TMEM42	245,04	0,35	0,835132	0,420221	0,674324	0,8890293
RF00019	477,07	0,12	0,280853	0,420173	0,674359	0,8890293
C3orf17	389,37	-0,29	0,68129	-0,42017	0,67436	0,8890293
RP11-218L14.4	85,47	0,45	1,070321	0,420145	0,67438	0,8890293
NFIX	28,70	0,49	1,157964	0,420142	0,674382	0,8890293
PRLHR	2,48	0,60	1,430745	0,420056	0,674445	NA
HEXIM2	23,64	-0,64	1,514252	-0,42001	0,674478	0,8890653
PLS3	4,68	-0,60	1,438336	-0,41994	0,674529	0,8890653
ASH2L	222,58	0,26	0,627939	0,419903	0,674556	0,8890653
SMIM14	690,24	0,25	0,593453	0,419833	0,674607	0,8890653
DTYMK	116,44	0,29	0,680665	0,419778	0,674648	0,8890653

RSPO1	1,34	0,43	1,032654	0,419689	0,674713	NA
RP11-449H3.3	102,67	0,48	1,132194	0,419658	0,674736	0,889118
RP11-437J2.4	1,67	0,64	1,53274	0,419634	0,674753	NA
RP4-756G23.5	2,41	-0,51	1,217475	-0,41961	0,674768	NA
DRGX	0,15	-1,57	3,744946	-0,41948	0,674869	NA
RPS19BP1	609,56	-0,15	0,358115	-0,41942	0,674906	0,889277
RP11-122G18.9	0,54	1,50	3,576997	0,419382	0,674937	NA
RP11-362F19.1	5,63	-0,72	1,727022	-0,41935	0,674964	0,889277
RP11-674E16.4	3,34	0,65	1,538754	0,419337	0,67497	NA
RN7SL234P	6,32	-0,40	0,96221	-0,4193	0,675	0,889277
RP5-874C20.8	0,46	1,57	3,742506	0,418954	0,67525	NA
RP11-305A4.3	9,05	-0,41	0,969327	-0,4189	0,675286	0,889505
LAMP2	1108,89	0,15	0,348911	0,418803	0,67536	0,889505
RP11-548K12.1	1,35	0,73	1,753954	0,418799	0,675363	NA
CNIH3	31,95	0,38	0,914525	0,418741	0,675406	0,889505
LIPT1	18,36	-0,37	0,872802	-0,4187	0,675436	0,889505
NHLRC2	196,45	-0,29	0,694196	-0,41865	0,675469	0,889505
USF1	246,85	0,20	0,473302	0,418618	0,675496	0,889505
GS1-279B7.1	1,90	-0,76	1,806766	-0,41862	0,675497	NA
TTY15	70,64	0,51	1,22284	0,418601	0,675507	0,889505
RP11-381O6.1	0,69	-1,12	2,665315	-0,41853	0,675559	NA
CDC34	72,01	-0,37	0,887885	-0,41851	0,675574	0,8895292
RP1-298J18.3	5,91	-0,54	1,279185	-0,4184	0,675651	0,8895568
TRBJ2-3	0,69	-0,88	2,101422	-0,41838	0,675667	NA
RP11-727A23.1	0,51	1,49	3,555305	0,418375	0,675673	NA
NUDT2	190,99	-0,39	0,923547	-0,41822	0,675789	0,8895568
RP11-177G23.2	1,93	-0,59	1,417219	-0,41821	0,675792	NA
CHTF8	108,35	0,37	0,882235	0,41813	0,675852	0,8895568
RP11-403A21.2	1,01	1,39	3,327739	0,418109	0,675868	NA
BCORL1	46,22	0,52	1,242016	0,418101	0,675873	0,8895568
MGST2	566,70	0,17	0,408286	0,418084	0,675885	0,8895568
AC005606.15	11,90	-0,41	0,985645	-0,41799	0,675958	0,8895568
DNAJA3	137,64	0,28	0,676712	0,417982	0,67596	0,8895568
KCNJ16	8,68	0,52	1,236562	0,417959	0,675977	0,8895568
RP11-197P3.4	0,47	-0,86	2,057871	-0,41779	0,676103	NA
RP11-22C11.2	6,46	0,30	0,723721	0,417727	0,676147	0,8897175
RN7SL650P	2,60	0,87	2,07915	0,417663	0,676194	NA
BCAP29	398,96	-0,30	0,706602	-0,41749	0,676318	0,8898801
RP11-576D8.2	5,23	-0,42	1,01759	-0,41739	0,676395	0,8899133
RP3-323P24.3	0,45	1,56	3,742574	0,417312	0,67645	NA
RUFY1	265,88	0,22	0,52619	0,417275	0,676477	0,8899133
RP11-734K21.5	4,39	-0,44	1,047744	-0,41723	0,676513	0,8899133
HAUS1	161,13	-0,21	0,510432	-0,41715	0,676568	0,8899133
GHRLOS	14,05	0,60	1,449083	0,417131	0,676583	0,8899133
TECPR1	254,58	-0,27	0,647696	-0,41696	0,676706	0,8899836
C18orf21	126,24	-0,32	0,770449	-0,41693	0,676732	0,8899836
CTD-2026K11.6	1,79	-0,42	0,99643	-0,41681	0,676818	NA
OR10AE1P	2,68	-0,81	1,954962	-0,41678	0,676843	NA
AC100830.5	0,45	1,56	3,74258	0,416762	0,676853	NA
POM121B	1,51	-1,07	2,567643	-0,41676	0,676856	NA

SELPLG	1585,20	0,12	0,297831	0,416705	0,676894	0,8900772
RP11-386I8.5	24,44	0,21	0,494849	0,41666	0,676927	0,8900772
SERPINE1	17,89	-0,37	0,891493	-0,41663	0,676947	0,8900772
PCDHB14	2,58	0,55	1,322716	0,416588	0,67698	NA
FAM169A	0,47	1,56	3,741302	0,416439	0,677088	NA
RP11-817I4.1	0,88	-1,02	2,441229	-0,41632	0,677172	NA
KLHL28	221,12	0,36	0,870528	0,41628	0,677205	0,8901829
TOMM6	990,46	0,10	0,24102	0,416275	0,677209	0,8901829
PDGFRA	1,89	0,47	1,131538	0,416256	0,677223	NA
TMEM105	11,04	-0,46	1,116521	-0,41612	0,677323	0,8901829
RP11-512C24.3	3,10	-1,26	3,027854	-0,41612	0,677323	NA
RP11-818O24.2	0,63	1,31	3,146598	0,416065	0,677363	NA
RP11-512N4.2	1,00	1,37	3,284724	0,416051	0,677373	NA
RP11-228M15.3	4,96	-0,62	1,480699	-0,41599	0,677419	0,8901829
SSX9	0,45	1,56	3,742674	0,415984	0,677421	NA
RP11-5407.3	0,16	-1,55	3,735058	-0,41593	0,677464	NA
XXbac-BPG250I8.4	68,86	-0,38	0,90827	-0,41591	0,677474	0,8901829
GPR160	118,42	0,31	0,749633	0,4159	0,677483	0,8901829
PKNOX1	97,93	-0,26	0,624472	-0,41588	0,677499	0,8901829
CTGLF10P	5,39	0,48	1,14758	0,415865	0,677509	0,8901829
AC114812.8	5,42	0,53	1,262997	0,41582	0,677541	0,8901829
OSBP	538,73	0,31	0,738542	0,415764	0,677583	0,8901829
KBTBD12	2,94	-0,34	0,820778	-0,41569	0,677639	NA
KLHL24	576,36	-0,23	0,559553	-0,41568	0,677641	0,8901829
C4orf32	355,91	-0,15	0,363075	-0,41567	0,677648	0,8901829
PCDHB16	15,14	0,38	0,907902	0,415673	0,677649	0,8901829
ABCC5	266,03	-0,39	0,936699	-0,41561	0,677697	0,8901829
AF131215.1	0,14	-1,55	3,735767	-0,41554	0,677744	NA
AGPAT4	108,51	0,45	1,078443	0,415382	0,677862	0,8902955
RP11-756H6.1	4,25	-0,53	1,281518	-0,41536	0,677878	0,8902955
WNT6	0,44	1,49	3,577493	0,415337	0,677895	NA
C1orf50	142,73	0,44	1,048488	0,415284	0,677934	0,8903055
RP11-759F5.1	0,45	1,55	3,742686	0,415258	0,677953	NA
MRPL55	613,45	-0,14	0,339178	-0,41521	0,677986	0,890311
RP11-10C8.2	1,15	-0,92	2,223411	-0,41521	0,67799	NA
JPH3	0,26	-1,42	3,429725	-0,41518	0,678009	NA
RNU7-169P	0,45	1,55	3,742711	0,415128	0,678048	NA
RP11-300D11.3	0,45	1,55	3,742669	0,414973	0,678161	NA
SEC62	450,74	-0,17	0,406701	-0,41492	0,6782	0,8905246
AC079248.1	0,50	0,98	2,370872	0,414907	0,67821	NA
FAM64A	5,44	-0,43	1,031136	-0,41486	0,678244	0,8905246
RN7SL716P	1,88	-0,57	1,36865	-0,41483	0,678269	NA
RP11-95J11.1	0,73	1,53	3,689987	0,414824	0,678271	NA
AKAP5	22,84	0,37	0,888511	0,414777	0,678305	0,8905419
RP11-632K5.3	1,26	-0,52	1,243792	-0,41461	0,678427	NA
RP11-552F3.9	1,71	0,49	1,176637	0,414561	0,678464	NA
PNRC2	978,21	0,19	0,464707	0,414452	0,678543	0,8907885
PRPF31	370,93	-0,22	0,526261	-0,41437	0,678603	0,8907885
CFHR3	4,83	0,77	1,866535	0,414324	0,678637	0,8907885
IGLV6-57	0,67	0,73	1,761609	0,414268	0,678678	NA

RP11-263C24.1	21,98	0,45	1,079632	0,41425	0,678691	0,8907967
RP11-324E6.6	29,58	-0,39	0,950601	-0,41408	0,678818	0,8909004
RP11-401F24.4	2,63	0,41	0,992206	0,41407	0,678823	NA
RP11-106M3.1	0,69	-0,88	2,125731	-0,41406	0,678831	NA
RN7SKP95	3,75	-0,67	1,623608	-0,41402	0,678857	NA
RPL9P33	0,52	1,55	3,742734	0,413933	0,678923	NA
MIR648	0,15	-1,55	3,737968	-0,41392	0,67893	NA
CTA-113A6.1	62,42	0,33	0,80603	0,413719	0,67908	0,8911053
TNFAIP8L1	69,56	0,24	0,57069	0,413703	0,679092	0,8911053
RP11-354M1.2	0,78	-0,90	2,179626	-0,41369	0,679103	NA
ZNF500	68,51	0,33	0,796731	0,413668	0,679118	0,8911053
SPNS2	0,86	1,53	3,70953	0,41362	0,679153	NA
KCNC1	5,10	-0,56	1,363401	-0,41345	0,679278	0,8912087
SIPA1	769,49	-0,19	0,460422	-0,41343	0,679292	0,8912087
RP4-717I23.2	0,45	1,55	3,742779	0,413421	0,679298	NA
PRMT9	103,86	0,31	0,740292	0,413189	0,679468	0,8913771
RP11-706C16.8	5,53	0,31	0,75262	0,413099	0,679534	0,8914005
RP11-501O2.3	1,41	-1,19	2,880378	-0,41305	0,679571	NA
CH17-195P21.1	0,43	-1,41	3,403679	-0,41303	0,679581	NA
ZNF223	6,69	0,64	1,551768	0,41278	0,679768	0,8915215
AQP3	0,94	0,96	2,324311	0,412758	0,679784	NA
DBNL	1504,80	-0,16	0,377783	-0,41273	0,679801	0,8915215
PIAS4	83,47	-0,40	0,959932	-0,41265	0,679863	0,8915215
LRRC49	21,13	0,31	0,7431	0,412616	0,679888	0,8915215
AC000032.2	0,47	1,54	3,742812	0,412554	0,679934	NA
AP000487.4	5,55	0,45	1,098893	0,412533	0,679949	0,8915215
RNU6-1248P	0,45	1,54	3,742824	0,412499	0,679974	NA
RP11-401E9.3	0,49	1,00	2,421052	0,412464	0,679999	NA
ADAL	92,45	-0,40	0,979185	-0,41242	0,680033	0,8915215
TWINK	29,61	-0,69	1,671832	-0,41229	0,68013	0,8915215
RP13-476E20.1	0,71	1,53	3,721902	0,412145	0,680233	NA
RP4-647C14.3	25,08	0,44	1,057454	0,412082	0,680279	0,8915215
RP11-802E16.3	101,52	-0,22	0,541476	-0,41208	0,680283	0,8915215
TTC33	14,08	-0,42	1,015335	-0,41207	0,680285	0,8915215
R3HDM2	504,87	0,22	0,525418	0,412064	0,680293	0,8915215
AC000123.4	8,52	1,02	2,466308	0,412063	0,680293	0,8915215
MFN1	224,69	-0,26	0,638412	-0,41199	0,680344	0,8915215
RP13-210D15.10	0,14	-1,54	3,736107	-0,41194	0,680385	NA
LINC00595	7,11	0,66	1,59143	0,411897	0,680415	0,8915215
SLC35B2	198,92	0,35	0,852094	0,411862	0,680441	0,8915215
SMARCA4	532,99	-0,15	0,37134	-0,41186	0,680441	0,8915215
CTD-2251F13.1	53,57	-0,25	0,617798	-0,41186	0,680441	0,8915215
RP11-657O9.1	0,81	1,02	2,472036	0,411665	0,680585	NA
RP11-465B22.6	1,25	-0,54	1,322541	-0,41161	0,680627	NA
RP11-157L3.11	14,90	-0,36	0,881363	-0,41153	0,680684	0,8917101
HLA-DRB9	13,56	0,56	1,356688	0,411451	0,680742	0,8917101
RP11-609N14.1	28,67	-0,31	0,753481	-0,41132	0,680841	0,8917101
RP11-44K6.4	5,42	-0,37	0,910474	-0,41128	0,68087	0,8917101
RP11-346E8.1	0,64	1,30	3,160051	0,411263	0,680879	NA
RP3-400N23.6	0,44	1,54	3,742782	0,411254	0,680887	NA

RP11-295I5.4	0,45	1,54	3,74279	0,411223	0,680909	NA
RP11-411B10.7	18,37	0,25	0,611748	0,411221	0,68091	0,8917101
RP11-477B16.5	0,49	-0,74	1,808302	-0,41115	0,680962	NA
RFC1	397,50	-0,15	0,371074	-0,41113	0,680976	0,8917101
ZFYVE19	255,05	0,34	0,835594	0,411129	0,680978	0,8917101
MED30	281,89	-0,30	0,719352	-0,41111	0,680989	0,8917101
MYL12B	3767,62	0,10	0,248395	0,411077	0,681016	0,8917101
HCP5	214,87	-0,32	0,788299	-0,41099	0,68108	0,8917306
ACSM4	0,45	1,54	3,742601	0,41092	0,681132	NA
MUC15	4,00	-0,68	1,653032	-0,41091	0,681136	0,8917414
ACO66593.1	0,42	1,47	3,571795	0,410854	0,68118	NA
PRKAR1A	1370,12	0,10	0,239857	0,410746	0,681259	0,8917962
CTC-265F19.1	19,12	-0,27	0,655451	-0,41073	0,681274	0,8917962
RP11-664I21.6	0,45	1,54	3,742852	0,410712	0,681283	NA
RP11-213G21.1	0,60	-0,58	1,404713	-0,41067	0,681315	NA
RP1-80N2.3	3,67	0,34	0,838293	0,410588	0,681375	NA
HSP90B1	3897,34	-0,10	0,25028	-0,41057	0,681389	0,8918813
RCN1	224,26	-0,22	0,537383	-0,41051	0,681435	0,8918813
GLP2R	2,15	-1,23	3,005475	-0,41036	0,681543	NA
RMDN2	82,82	0,55	1,332321	0,410356	0,681545	0,8919628
LDLRAD1	6,60	0,54	1,314825	0,41029	0,681593	0,8919631
RN7SL565P	1,13	0,58	1,41626	0,410279	0,681601	NA
RN7SL722P	1,13	0,58	1,41626	0,410279	0,681601	NA
OR2A25	1,69	-0,65	1,582816	-0,41027	0,681609	NA
RP11-462L8.1	0,55	0,97	2,358826	0,410266	0,681611	NA
RP11-776B3.1	0,81	1,04	2,538105	0,410258	0,681617	NA
RP11-1250I15.3	20,18	-0,40	0,965638	-0,41022	0,681641	0,8919631
MIR6761	0,44	1,54	3,742906	0,410155	0,681692	NA
RPL23AP24	0,56	1,11	2,702409	0,410059	0,681762	NA
AP001626.1	26,11	-0,41	0,998656	-0,41003	0,681781	0,8920742
POMC	127,18	-0,36	0,886006	-0,40992	0,681867	0,8920742
RP11-408P14.1	28,20	-0,17	0,426928	-0,40988	0,681896	0,8920742
VWDE	0,91	1,35	3,293259	0,409854	0,681913	NA
TRIM28	657,28	0,12	0,30091	0,409792	0,681958	0,8920742
RFWD2	512,27	-0,21	0,518652	-0,40974	0,681996	0,8920742
ENAM	10,84	-0,51	1,255757	-0,40972	0,682014	0,8920742
YPEL4	0,76	1,53	3,736161	0,409672	0,682046	NA
SNX12	119,29	0,35	0,864574	0,409624	0,682082	0,8921005
RP11-1E4.1	4,13	0,52	1,279949	0,409321	0,682304	0,892329
CTA-282F2.3	2,27	0,80	1,961869	0,409314	0,682309	NA
CTD-2218G20.1	0,67	0,69	1,688009	0,409262	0,682348	NA
SNORA7A	0,53	0,98	2,394458	0,409251	0,682356	NA
KARSP3	0,63	-0,85	2,087592	-0,40924	0,682362	NA
CD3E	17,09	-0,72	1,770329	-0,4091	0,682468	0,8924219
CH17-353B19.1	23,10	0,44	1,080768	0,409093	0,682471	0,8924219
RP11-388M20.1	16,47	0,53	1,306323	0,40902	0,682525	0,8924292
ACO79753.4	2,94	-0,53	1,289283	-0,40893	0,682589	NA
FSD1	2,41	-0,50	1,221847	-0,40886	0,682643	NA
MIR3128	30,71	-0,43	1,041346	-0,40885	0,68265	0,8925008
ZFAND2A	269,88	0,18	0,447388	0,408815	0,682676	0,8925008

AC005037.4	0,98	1,32	3,22904	0,40878	0,682701	NA
RP3-461F17.3	88,39	-0,27	0,671069	-0,40872	0,682747	0,8925312
RP1-168P16.3	81,78	0,33	0,815922	0,4085	0,682907	0,8926542
TSR2	199,95	0,33	0,802919	0,408459	0,682937	0,8926542
RP11-819C21.1	83,33	-0,40	0,982621	-0,40833	0,68303	0,8927127
RN7SL321P	0,89	1,19	2,923588	0,408218	0,683114	NA
FARSB	291,16	0,27	0,65346	0,408164	0,683153	0,8927281
DNAJC1	219,67	-0,20	0,498372	-0,40812	0,683183	0,8927281
MORN4	8,36	-0,39	0,952606	-0,40812	0,683185	0,8927281
RP11-849H4.4	11,85	-0,40	0,972768	-0,40792	0,683332	0,8928423
SIGLEC5	85,78	0,35	0,852393	0,407841	0,68339	0,8928423
INSIG2	183,21	-0,40	0,982394	-0,40773	0,683473	0,8928423
WDR31	18,33	-0,27	0,666613	-0,40763	0,683546	0,8928423
RP11-545A16.4	9,56	0,54	1,329633	0,407583	0,68358	0,8928423
MICU1	232,68	0,18	0,451827	0,407551	0,683603	0,8928423
AIFM1	282,74	0,30	0,733724	0,407544	0,683609	0,8928423
RP11-672L10.4	0,45	1,52	3,743036	0,407386	0,683725	NA
RP11-610P19.2	15,45	-0,21	0,514087	-0,40728	0,683805	0,8929502
RHOH	36,81	0,35	0,858155	0,407269	0,683811	0,8929502
RASSF8	15,24	-0,32	0,792394	-0,40721	0,683854	0,8929502
RN7SL499P	0,86	1,06	2,599757	0,40718	0,683876	NA
MTHFSD	85,64	0,54	1,336543	0,40717	0,683883	0,8929502
RP11-90P13.1	3,17	0,87	2,139985	0,407069	0,683957	NA
CNTNAP3B	34,98	-0,50	1,216739	-0,40696	0,684035	0,8930851
RP3-388N13.2	0,42	0,76	1,857732	0,406909	0,684075	NA
MEG9	0,18	-1,52	3,74526	-0,40688	0,684093	NA
SLF1	137,34	0,30	0,748231	0,406872	0,684102	0,8931108
MIR4796	0,44	1,52	3,743074	0,406787	0,684165	NA
RN7SL4P	5,56	-0,95	2,329017	-0,40678	0,684169	0,8931352
CTC-246B18.10	4,51	0,39	0,955807	0,406698	0,68423	0,8931519
MYBPC2	13,43	-1,10	2,700452	-0,40658	0,684315	0,8932003
RP11-567M16.1	2,00	-0,53	1,291649	-0,40657	0,684326	NA
R3HDM1	287,84	-0,20	0,500403	-0,40627	0,684542	0,8933536
OFD1	346,55	0,25	0,613643	0,406233	0,684572	0,8933536
PLB1	357,69	0,34	0,837672	0,406226	0,684576	0,8933536
DNM1P38	0,44	1,52	3,7431	0,40601	0,684735	NA
RN7SL638P	0,99	-0,63	1,542939	-0,40574	0,684933	NA
RP11-677M14.7	59,67	-0,23	0,573659	-0,4057	0,684963	0,8937414
COQ6	88,80	0,32	0,786946	0,405691	0,68497	0,8937414
SFTPA2	0,10	-1,52	3,741478	-0,40568	0,684977	NA
RP11-407N17.5	49,41	-0,66	1,63647	-0,40558	0,685052	0,8937861
PAK1IP1	418,00	0,25	0,612275	0,405385	0,685194	0,8939093
OR6D1P	17,02	-0,29	0,709564	-0,40531	0,685251	0,893921
RP11-474L11.5	0,97	1,31	3,238828	0,405283	0,685269	NA
BLOC1S6	1409,85	0,10	0,25425	0,405191	0,685337	0,8939308
SV2B	10,27	0,37	0,915254	0,405144	0,685371	0,8939308
EYA3	450,06	0,29	0,719669	0,405037	0,68545	0,8939308
RP6-99M1.2	65,64	0,49	1,203011	0,405033	0,685453	0,8939308
RP11-216M21.1	17,44	0,65	1,614782	0,404944	0,685519	0,8939308
RP11-726G1.2	40,72	0,36	0,880031	0,404905	0,685547	0,8939308

SPECC1L-ADORA2A	2,50	-0,88	2,170964	-0,40486	0,685578	NA
CEP76	36,13	0,38	0,947282	0,404773	0,685644	0,8939947
RP11-20I23.3	0,43	1,52	3,743137	0,404755	0,685658	NA
RP11-697K23.3	2,66	-0,50	1,242936	-0,40472	0,685686	NA
GNMT	44,93	0,61	1,508946	0,404602	0,68577	0,8940961
RP11-1148L6.8	4,92	-0,91	2,242849	-0,40446	0,685874	0,8941461
SNORA80B	37,36	-0,54	1,345653	-0,40442	0,685904	0,8941461
RP11-10A14.4	0,69	-1,06	2,619382	-0,40437	0,685937	NA
RP11-35J6.1	1,98	-0,98	2,419145	-0,40436	0,685947	NA
MIR8086	6,26	-0,39	0,954781	-0,40424	0,68604	0,8942596
RP5-1022P6.5	3,69	0,64	1,586826	0,404169	0,686089	NA
RP11-313P22.1	0,81	-1,46	3,613939	-0,404	0,686215	NA
RP11-729I10.2	1,19	-0,64	1,579651	-0,40396	0,686239	NA
RP11-498C9.2	0,57	1,08	2,675934	0,403907	0,686281	NA
RP11-659P15.1	51,63	-0,34	0,837744	-0,40381	0,686354	0,8945794
SKAP2	1111,90	0,15	0,378698	0,403707	0,686428	0,8945794
RP11-436D23.1	10,37	-0,45	1,125007	-0,40369	0,68644	0,8945794
FKTN	74,48	-0,39	0,961096	-0,40364	0,686477	0,8945794
RP11-351O1.3	0,44	1,51	3,743152	0,403603	0,686505	NA
PMEL	1,06	-1,28	3,181802	-0,4036	0,686509	NA
CTC-445B21.1	0,86	-0,66	1,627056	-0,40341	0,686643	NA
RMDN3	131,34	0,38	0,944228	0,40325	0,686764	0,8947326
RP11-507K2.6	7,02	0,42	1,031914	0,403248	0,686766	0,8947326
ROBO1	13,86	0,40	0,991328	0,403229	0,68678	0,8947326
FAM122A	154,50	-0,49	1,205194	-0,40318	0,686814	0,8947326
CTD-2329K10.1	6,20	0,50	1,230947	0,403154	0,686835	0,8947326
SATB2	23,74	-0,54	1,331629	-0,40302	0,686936	0,8948014
RP11-346C20.4	0,94	1,17	2,910123	0,402904	0,687019	NA
AC008592.4	0,60	1,11	2,746452	0,402878	0,687038	NA
ZBED4	162,34	0,36	0,885821	0,402763	0,687122	0,8949447
C21orf91	230,27	-0,31	0,779511	-0,40274	0,687142	0,8949447
TAPT1	278,20	0,30	0,746797	0,402505	0,687313	0,8951038
PRKAG3	0,17	-1,51	3,746082	-0,40245	0,687356	NA
CTD-2154B17.4	1,16	1,06	2,639835	0,402413	0,68738	NA
DDX18P1	0,54	1,11	2,747484	0,402339	0,687434	NA
RP11-184A2.3	1,13	1,50	3,731416	0,402291	0,68747	NA
CTC-454M9.1	23,40	-0,65	1,610699	-0,40224	0,687508	0,8952959
PSMD13	1516,77	0,13	0,331234	0,402156	0,687569	0,8953125
RN7SL580P	0,37	1,01	2,509455	0,402029	0,687663	NA
NRAS	317,28	0,20	0,489102	0,402016	0,687672	0,8953535
FAM225A	26,62	-0,73	1,821967	-0,40198	0,687697	0,8953535
CTC-436K13.3	9,84	-0,46	1,15636	-0,40189	0,687768	0,895383
TGFB11	16,39	-0,24	0,596414	-0,40144	0,688098	0,8954809
HECTD3	180,04	-0,32	0,80001	-0,40142	0,688107	0,8954809
AP001258.4	19,95	0,42	1,042661	0,401406	0,688121	0,8954809
OLFML2B	0,44	1,50	3,742388	0,401344	0,688167	NA
RP5-848E13.5	0,43	1,50	3,743265	0,401317	0,688187	NA
RP5-1166H10.2	9,05	0,49	1,226669	0,401226	0,688254	0,8954809
TBL1X	819,21	-0,22	0,55944	-0,40111	0,688337	0,8954809
NAA10	468,57	-0,19	0,465652	-0,40109	0,688354	0,8954809

SLC26A11	42,41	0,39	0,961344	0,401059	0,688376	0,8954809
TCAF1	137,82	0,28	0,701819	0,401058	0,688377	0,8954809
PRMT2	1359,94	-0,18	0,441955	-0,40104	0,688388	0,8954809
GLUL	1181,14	0,20	0,503689	0,400993	0,688426	0,8954809
DOK5	0,24	-1,34	3,346339	-0,40096	0,688451	NA
CLN8	406,65	-0,23	0,565929	-0,40096	0,688451	0,8954809
SULT2A1	7,16	-0,30	0,740668	-0,40093	0,688469	0,8954809
PTMA	9093,99	0,07	0,162712	0,400885	0,688505	0,8954809
RP11-408H20.3	1,78	1,48	3,700518	0,400862	0,688522	NA
KLF8	144,87	-0,32	0,806004	-0,40081	0,688563	0,8954809
RNF126	198,98	-0,19	0,480603	-0,4008	0,688565	0,8954809
RP11-496D24.1	0,62	-0,53	1,331032	-0,40078	0,688579	NA
RP11-492A12.2	0,43	1,50	3,743254	0,400535	0,688763	NA
DPY19L2P2	30,16	-0,31	0,778442	-0,40043	0,688841	0,8957767
RP5-90108.3	0,43	1,50	3,74325	0,40036	0,688891	NA
RASGRP4	180,20	-0,19	0,475561	-0,40026	0,688966	0,8958179
RP5-1107A17.4	10,58	0,32	0,81203	0,400211	0,689001	0,8958179
HGH1	28,31	-0,52	1,303267	-0,40011	0,689078	0,8958179
COL12A1	0,46	1,03	2,574753	0,400096	0,689086	NA
SAR1A	1351,78	0,12	0,295956	0,400044	0,689124	0,8958179
YIF1A	549,50	0,14	0,350861	0,400034	0,689132	0,8958179
NUPR1	65,66	-0,24	0,604806	-0,39997	0,689176	0,8958179
C20orf203	0,80	1,49	3,730497	0,399934	0,689205	NA
MIR302D	0,48	1,42	3,545278	0,399815	0,689293	NA
AP001059.7	9,46	-0,39	0,969323	-0,39979	0,689309	0,8958179
RP11-5P18.1	0,41	1,44	3,603822	0,399762	0,689332	NA
PRKCG	4,91	-1,36	3,414461	-0,39975	0,68934	0,8958179
MSN	3196,41	0,10	0,244076	0,399747	0,689343	0,8958179
ARHGAP32	235,26	-0,41	1,036142	-0,39968	0,689389	0,8958179
KB-1460A1.3	0,93	-0,55	1,377482	-0,39968	0,689396	NA
IFITM1	2311,80	-0,34	0,862218	-0,39967	0,689402	0,8958179
KXD1	587,30	0,15	0,366843	0,399565	0,689477	0,8958531
GOPC	303,40	-0,24	0,591476	-0,39935	0,689633	0,8959938
CTD-2647L4.1	0,30	-1,49	3,726111	-0,39922	0,689735	NA
RNU7-103P	0,42	1,49	3,743351	0,39918	0,689761	NA
NBPF10	1687,35	0,12	0,296783	0,399175	0,689765	0,8960109
KRASP1	0,41	1,43	3,580032	0,399161	0,689775	NA
ANKRD44	2605,45	0,14	0,360477	0,399124	0,689802	0,8960109
KLHL3	52,92	0,50	1,262863	0,399095	0,689823	0,8960109
LA16c-380H5.1	18,21	0,27	0,668368	0,399073	0,689839	0,8960109
RP11-458K10.3	1,78	0,74	1,843832	0,399018	0,68988	NA
LPIN2	443,71	-0,25	0,618538	-0,3989	0,689967	0,8961141
RPL10AP2	0,61	0,60	1,503102	0,398846	0,690007	NA
RP11-284M14.1	0,43	1,49	3,743706	0,398838	0,690012	NA
RP3-395M20.12	2,04	0,69	1,735384	0,39855	0,690225	NA
GABRA5	0,36	-1,47	3,698361	-0,3985	0,690263	NA
RP11-687E1.2	1,01	-1,12	2,807283	-0,39848	0,690279	NA
RNU6-282P	0,43	1,49	3,743387	0,398413	0,690325	NA
RP11-216P6.2	0,43	1,49	3,743393	0,398261	0,690438	NA
CTSE	1,97	0,69	1,72549	0,398193	0,690488	NA

CTD-2349P21.12	2,78	-0,65	1,64007	-0,39818	0,690494	NA
ARNT2	10,16	-0,50	1,267963	-0,39816	0,690511	0,8967576
IFNLR1	0,82	-0,68	1,715905	-0,39787	0,690724	NA
BAIAP2L1	16,42	0,47	1,179298	0,397723	0,690834	0,8970982
WDR47	97,06	0,27	0,669818	0,397676	0,690869	0,8970982
ASIC4	7,95	0,23	0,57248	0,397609	0,690918	0,8970991
DPEP3	2,26	-0,88	2,212286	-0,39757	0,690949	NA
C15orf61	170,98	0,27	0,674258	0,397534	0,690974	0,8971082
RP11-290F5.2	3,99	-0,50	1,270217	-0,39742	0,691058	0,8971082
VTI1A	300,68	-0,20	0,510283	-0,39739	0,691076	0,8971082
RP11-4K3_A.5	0,31	-1,37	3,446107	-0,39736	0,691105	NA
RN7SL835P	2,29	0,49	1,236897	0,397332	0,691123	NA
ABO19441.29	0,77	-0,56	1,403204	-0,3973	0,691148	NA
RP11-9M16.3	0,42	1,49	3,743432	0,397264	0,691173	NA
RBM4	1001,26	-0,16	0,401255	-0,39723	0,6912	0,8971082
MYLK3	166,68	-0,22	0,555369	-0,39706	0,69132	0,8971082
MPP1	524,26	0,17	0,418128	0,396994	0,691372	0,8971082
CTC-463A16.1	6,19	-0,43	1,071562	-0,39695	0,691405	0,8971082
RP11-197N18.8	44,92	-0,32	0,805217	-0,39688	0,691452	0,8971082
ZNF184	103,19	-0,61	1,535427	-0,39688	0,691457	0,8971082
RP11-762I7.5	8,99	-0,82	2,074761	-0,39688	0,691458	0,8971082
SLA2	7,50	-0,29	0,742746	-0,39682	0,6915	0,8971082
AC011322.4	2,11	-0,44	1,109721	-0,39681	0,691508	NA
RP11-744N12.3	7,93	-0,44	1,104538	-0,39678	0,69153	0,8971082
RP11-384B12.3	0,41	1,41	3,556349	0,39671	0,691581	NA
RP11-534P6.1	24,42	0,31	0,769975	0,39666	0,691618	0,8971082
TP53	450,81	0,14	0,344238	0,39663	0,69164	0,8971082
PDXDC1	433,36	0,17	0,43306	0,396619	0,691648	0,8971082
B9D1	1,23	1,05	2,635224	0,396571	0,691684	NA
SOX13	25,80	0,24	0,611976	0,396525	0,691718	0,8971353
SSX4	0,72	1,47	3,702767	0,396513	0,691727	NA
UBIAD1	177,33	0,29	0,743879	0,396412	0,691801	0,8971811
OPLAH	1,38	-1,13	2,850407	-0,39625	0,691919	NA
RP11-155G14.5	0,71	1,47	3,700409	0,39617	0,69198	NA
RNU4-49P	0,42	1,48	3,743504	0,396081	0,692045	NA
CTC-425O23.5	40,03	-0,21	0,5384	-0,39601	0,692096	0,8975009
SPRY1	1,55	-0,77	1,935653	-0,39594	0,692152	NA
TYW1	140,97	-0,26	0,664043	-0,39575	0,692288	0,8976868
EID2B	22,69	0,37	0,927697	0,395668	0,69235	0,8977052
MIR1273D	1,72	-0,84	2,122888	-0,39564	0,692374	NA
DMRTC1B	0,57	-0,55	1,398876	-0,3956	0,692398	NA
CLEC4G	74,76	0,74	1,868374	0,395594	0,692405	0,8977134
RP11-442A13.1	0,42	0,65	1,655682	0,395556	0,692433	NA
IQCE	95,80	-0,32	0,820629	-0,39548	0,692485	0,8977557
AC007405.8	0,39	1,41	3,560909	0,39535	0,692585	NA
PNPLA3	2,60	0,49	1,231848	0,395277	0,692639	NA
RP11-532F12.5	3,88	0,66	1,662992	0,395262	0,69265	0,8978603
RNF20	426,58	0,28	0,711809	0,395235	0,692669	0,8978603
RP11-93B14.6	0,42	1,48	3,743527	0,395213	0,692686	NA
RP11-351M16.4	3,08	-0,69	1,739222	-0,39519	0,692705	NA

RP11-57H12.3	80,73	-0,16	0,412728	-0,39512	0,692756	0,8978603
CUL7	90,14	0,43	1,086682	0,395113	0,692759	0,8978603
RP11-141J13.5	0,86	-0,62	1,557238	-0,395	0,692841	NA
ZNF501	10,84	0,52	1,308621	0,394982	0,692856	0,8979231
C19orf18	0,29	-1,13	2,865347	-0,39492	0,692902	NA
RP11-90B9.2	0,47	0,94	2,383841	0,394674	0,693084	NA
DZANK1	40,48	0,36	0,903031	0,394634	0,693113	0,8981347
RP1-172I22.1	0,42	1,48	3,743544	0,394629	0,693116	NA
RNU6ATAC24P	4,65	0,87	2,195172	0,394571	0,693159	0,8981347
OR5B17	0,42	1,48	3,743522	0,394566	0,693163	NA
UBAC2	760,64	0,17	0,436828	0,394535	0,693186	0,8981347
RN7SKP187	0,40	1,41	3,574148	0,394456	0,693244	NA
TJP2	68,19	0,32	0,822518	0,394403	0,693283	0,8981347
LMAN2	1306,79	-0,16	0,412048	-0,39439	0,693295	0,8981347
RN7SL204P	11,70	-0,30	0,74891	-0,39436	0,693317	0,8981347
RP11-572P18.1	2453,52	-0,06	0,16053	-0,39417	0,693453	0,8981347
OAZ1	18049,82	-0,06	0,157603	-0,39416	0,693465	0,8981347
TMUB2	425,82	0,19	0,485675	0,394096	0,69351	0,8981347
SH3YL1	126,07	0,31	0,780999	0,394074	0,693526	0,8981347
KAT6A	527,91	0,24	0,602477	0,394011	0,693573	0,8981347
ABI3	706,57	-0,17	0,420776	-0,39387	0,693678	0,8981347
RP11-87G24.2	8,82	-0,35	0,887739	-0,39386	0,693684	0,8981347
NOMO1	196,08	-0,28	0,698461	-0,39385	0,693695	0,8981347
RP6-109B7.5	0,60	-1,45	3,680399	-0,39384	0,693698	NA
RP11-121A8.1	39,97	0,69	1,756497	0,393672	0,693823	0,8981777
DMPK	13,38	0,48	1,209829	0,393647	0,693842	0,8981777
RP11-563N4.1	3,99	0,47	1,185208	0,393546	0,693916	0,8981777
RP11-392A22.1	0,72	1,45	3,68724	0,393542	0,693919	NA
ACSL1	739,69	0,32	0,804619	0,393525	0,693932	0,8981777
NOP58	823,02	0,15	0,375585	0,393474	0,69397	0,8981777
RDH8	1,10	0,55	1,389803	0,393457	0,693982	NA
LINC01246	0,53	0,92	2,342599	0,393297	0,6941	NA
RN7SL435P	1,29	-0,68	1,724666	-0,39327	0,694116	NA
AC079767.4	0,42	1,47	3,743635	0,393261	0,694127	NA
RP11-26J3.1	3,74	0,38	0,963339	0,392899	0,694394	NA
MIR342	0,42	1,47	3,743595	0,392851	0,69443	NA
PYY2	0,42	1,47	3,743597	0,392806	0,694463	NA
FIG4	336,83	0,28	0,716712	0,392765	0,694493	0,8987259
RP11-30J20.1	1,31	-1,27	3,237	-0,39276	0,694496	NA
OTOGL	9,31	-0,92	2,344738	-0,39272	0,694525	0,8987259
SLC16A12	4,01	-0,44	1,1309	-0,39267	0,694566	0,8987259
RP11-43F13.1	19,03	-0,36	0,923125	-0,39259	0,694621	0,8987259
FEM1C	233,53	0,28	0,706909	0,392373	0,694783	0,8987259
CECR5	332,02	0,30	0,777182	0,392362	0,694791	0,8987259
STX12	433,83	-0,15	0,394725	-0,39235	0,694801	0,8987259
RP11-438P9.1	0,41	1,47	3,743612	0,392296	0,694839	NA
RP11-114H23.3	1,36	-0,53	1,340448	-0,39223	0,694891	NA
FREM3	0,09	-1,47	3,741838	-0,39221	0,6949	NA
AP001476.2	2,50	-0,44	1,119694	-0,39221	0,694906	NA
TPP2	659,54	0,17	0,437674	0,392205	0,694906	0,8987259

TNIP1	619,59	-0,14	0,363537	-0,39215	0,694949	0,8987259
CTB-79E8.3	0,72	-0,70	1,77287	-0,39215	0,69495	NA
MORC4	134,27	-0,19	0,477714	-0,39213	0,69496	0,8987259
IPO9	579,10	0,24	0,615409	0,392121	0,694969	0,8987259
CLCC1	146,59	-0,28	0,708423	-0,39212	0,694973	0,8987259
COL6A4P2	2,20	1,08	2,757672	0,392056	0,695017	NA
PPT2-EGFL8	3,04	-0,48	1,231281	-0,39202	0,69504	NA
RN7SL382P	19,68	-0,57	1,466286	-0,39197	0,69508	0,8988014
PGM5P4-AS1	4,21	-0,37	0,939578	-0,39187	0,695151	0,8988014
RP11-244N20.7	1,20	-1,26	3,21828	-0,39187	0,695154	NA
CARM1	73,91	-0,40	1,013882	-0,39181	0,695201	0,8988014
PKIA	0,52	-1,02	2,603367	-0,39179	0,695213	NA
AF042090.2	3,09	-0,47	1,189416	-0,39178	0,695219	NA
PLCE1	45,29	0,22	0,559564	0,391731	0,695257	0,8988014
OLIG1	0,32	-1,46	3,738175	-0,39172	0,695267	NA
RP5-1091N2.9	94,17	0,31	0,803848	0,39171	0,695273	0,8988014
KCTD2	156,86	-0,44	1,121209	-0,39146	0,69546	0,8988517
RGS13	45,63	0,46	1,16645	0,391407	0,695496	0,8988517
PALM2-AKAP2	0,43	1,46	3,743644	0,391328	0,695555	NA
HCG25	49,32	0,31	0,793701	0,39132	0,695561	0,8988517
AC062029.1	29,02	-0,64	1,624831	-0,39131	0,695568	0,8988517
OR10AH1P	18,76	-0,29	0,748802	-0,39128	0,695591	0,8988517
AC083822.1	0,42	1,46	3,743694	0,391277	0,695592	NA
CCR5	124,30	-0,37	0,952967	-0,39126	0,695602	0,8988517
ZHX2	58,26	-0,51	1,30297	-0,39116	0,695682	0,8988873
RNF144A	29,46	0,58	1,474619	0,391097	0,695726	0,8988873
AP000347.3	0,42	1,46	3,743748	0,391051	0,695759	NA
CH17-55D9.1	8,58	0,24	0,622048	0,390995	0,695801	0,8989223
RPL32P29	40,22	-0,33	0,843033	-0,39087	0,69589	0,8989355
C12orf57	156,48	-0,22	0,5521	-0,39085	0,695908	0,8989355
RP13-58209.7	0,42	1,46	3,743689	0,390835	0,695919	NA
RP11-319G9.4	0,42	1,46	3,743667	0,390785	0,695956	NA
PARP9	1060,89	-0,24	0,609259	-0,39074	0,695989	0,8989774
EIF5AP2	1,10	0,70	1,796268	0,3907	0,696019	NA
NAMPTL	37,81	0,36	0,930317	0,390642	0,696062	0,8990097
RP11-182J1.5	1,72	0,76	1,945523	0,390633	0,696069	NA
AMBP	0,15	-1,46	3,747779	-0,3906	0,696089	NA
RP11-65N13.6	0,28	0,85	2,166562	0,39051	0,69616	NA
RP11-245P10.8	0,73	0,85	2,185018	0,39044	0,696211	NA
OR2A20P	3,61	1,43	3,650916	0,390434	0,696216	NA
TRG-AS1	256,79	-0,28	0,72338	-0,39039	0,696249	0,899158
AC010525.4	1,65	-0,51	1,310613	-0,39034	0,696284	NA
RP11-566K19.6	0,79	1,06	2,71996	0,390228	0,696368	NA
NOL12	470,71	0,19	0,488021	0,390176	0,696407	0,899158
CRBN	695,45	-0,18	0,473822	-0,39015	0,696429	0,899158
NOL4L	152,78	0,35	0,89725	0,39012	0,696448	0,899158
CTD-2524L6.3	0,65	-0,92	2,348676	-0,39009	0,696472	NA
ESPN	0,72	-0,93	2,371564	-0,39007	0,696483	NA
NUDT4	341,32	-0,21	0,534748	-0,39005	0,6965	0,899158
EML3	158,89	0,26	0,667352	0,390024	0,696519	0,899158

RP11-680G24.6	1,58	1,18	3,032275	0,38995	0,696574	NA
MTX1	635,63	0,22	0,573615	0,38986	0,69664	0,899158
RP11-763E3.1	0,41	1,46	3,743801	0,389844	0,696652	NA
LAPTM4B	2,42	-0,44	1,1299	-0,38981	0,696674	NA
FBXL19-AS1	18,54	0,26	0,670843	0,389814	0,696674	0,899158
SNAPIN	265,85	0,25	0,642177	0,389798	0,696686	0,899158
C8orf31	19,39	-0,38	0,97387	-0,38978	0,6967	0,899158
RP5-1007M22.2	40,73	-0,40	1,035994	-0,38975	0,696722	0,899158
AFTPH	823,81	0,12	0,316104	0,389689	0,696767	0,899158
PLEKHM3	129,32	-0,26	0,677354	-0,38964	0,696805	0,899158
RP11-569G13.1	0,45	0,71	1,830899	0,389605	0,696829	NA
RP11-35015.2	0,42	1,39	3,55838	0,389511	0,696898	NA
RN7SL592P	5,22	0,29	0,754631	0,389291	0,697061	0,8994051
RP11-181C21.5	9,58	-0,74	1,90899	-0,38921	0,697124	0,8994051
TRAPPC9	209,35	0,28	0,723449	0,389128	0,697181	0,8994051
AFMID	271,92	0,23	0,596059	0,388987	0,697286	0,8994051
RN7SL317P	7,32	-0,38	0,983819	-0,38894	0,697321	0,8994051
RAB11FIP5	1,67	0,83	2,131911	0,388932	0,697326	NA
NFKBIL1	15,89	0,60	1,549066	0,3889	0,69735	0,8994051
AC008062.1	9,22	-0,64	1,635664	-0,38883	0,6974	0,8994051
TYK2	1094,04	0,11	0,273056	0,388798	0,697426	0,8994051
RP11-362K2.2	6,81	0,48	1,237624	0,38879	0,697432	0,8994051
KB-1991G8.1	0,21	-1,32	3,399782	-0,38874	0,697465	NA
TLK1	564,91	0,18	0,467339	0,3885	0,697646	0,8994591
RP11-474B16.1	3,24	0,72	1,85556	0,388492	0,697652	NA
CDK13	819,00	0,10	0,253794	0,388448	0,697685	0,8994591
AC016683.5	0,42	1,45	3,743833	0,388339	0,697765	NA
RP11-57A19.5	2,36	0,90	2,315212	0,388311	0,697786	NA
TSPAN32	500,28	0,18	0,468279	0,388292	0,6978	0,8994591
C10orf105	0,61	1,24	3,185161	0,388274	0,697813	NA
FTSJ3	122,17	0,27	0,687015	0,3882	0,697868	0,8994591
BCKDK	671,58	-0,18	0,472578	-0,38816	0,697895	0,8994591
RP11-10N23.2	4,47	0,45	1,160784	0,388158	0,697899	0,8994591
CTD-2527I21.11	1,85	0,52	1,333753	0,388155	0,697901	NA
ZNF197	132,62	-0,34	0,87607	-0,38813	0,697916	0,8994591
BCLAF1P2	0,39	-1,13	2,90206	-0,38811	0,697931	NA
RP11-588H23.3	65,63	-0,29	0,746123	-0,3881	0,697944	0,8994591
H2AFV	707,53	0,14	0,372038	0,388073	0,697962	0,8994591
MAPK1	798,08	0,19	0,488947	0,388041	0,697986	0,8994591
AP000648.5	69,91	0,46	1,188309	0,387989	0,698024	0,8994591
RP11-348A11.4	28,14	0,23	0,600394	0,387885	0,698101	0,8994591
TOR4A	53,73	0,29	0,752292	0,387839	0,698135	0,8994591
LA16c-316G12.2	14,56	0,30	0,775218	0,38776	0,698194	0,8994591
CTC-550B14.6	0,68	1,43	3,677034	0,38771	0,698231	NA
RP1-47M23.3	2,08	-0,96	2,470602	-0,3877	0,698236	NA
ASXL1	334,20	-0,21	0,532169	-0,38769	0,698245	0,8994591
EOGT	88,77	0,41	1,069334	0,387648	0,698276	0,8994591
FMO3	7,80	0,65	1,664984	0,387622	0,698295	0,8994591
RP11-514D23.1	0,58	-0,90	2,32778	-0,38753	0,698366	NA
IQCJ-SCHIP1	8,62	0,45	1,171112	0,387471	0,698407	0,8995398

RP11-356M20.2	0,39	1,37	3,54174	0,387436	0,698434	NA
HLF	2,30	0,80	2,052454	0,387426	0,698441	NA
SNUPN	152,78	0,28	0,729099	0,387407	0,698455	0,8995398
FAM8A1	125,25	-0,35	0,912967	-0,38734	0,698506	0,8995438
RP3-508I15.21	30,23	-0,53	1,369224	-0,38725	0,698568	0,8995565
GCLM	71,50	0,38	0,985203	0,387186	0,698618	0,8995565
RNU6-1239P	0,53	1,45	3,743831	0,387071	0,698703	NA
RNU6-1268P	0,53	1,45	3,743831	0,387071	0,698703	NA
RNU6-816P	0,53	1,45	3,743831	0,387071	0,698703	NA
EDC4	184,94	-0,35	0,891416	-0,38704	0,698724	0,8995565
RP11-110I1.6	14,40	-0,49	1,270823	-0,38702	0,698739	0,8995565
SOCS4	151,91	0,21	0,554321	0,386974	0,698776	0,8995565
RP4-550H1.7	0,41	1,45	3,743848	0,386948	0,698795	NA
RP11-420K14.7	0,41	0,65	1,674644	0,386944	0,698798	NA
CTD-3083F21.1	14,09	0,82	2,120686	0,386932	0,698806	0,8995565
RP11-551L14.4	47,77	-0,26	0,670849	-0,3868	0,698901	0,8995807
WDR76	16,15	-0,36	0,937001	-0,38678	0,698922	0,8995807
RP11-475A13.2	13,27	-0,44	1,142174	-0,38655	0,699086	0,8996695
EIF2S2	755,62	-0,15	0,390893	-0,38655	0,699087	0,8996695
RP1-37E16.13	0,41	1,36	3,524349	0,386545	0,699093	NA
CTB-91J4.1	0,94	-0,95	2,466579	-0,38653	0,699101	NA
RFC4	38,50	0,48	1,239549	0,386427	0,69918	0,8997269
RP11-483P21.2	3,91	0,41	1,053318	0,386301	0,699274	0,8997733
RP11-624J6.2	2,34	-0,40	1,037791	-0,3863	0,699278	NA
EFNA3	0,31	1,15	2,973966	0,386228	0,699328	NA
HTR7	85,40	0,43	1,125009	0,386183	0,699361	0,8997733
AC106801.1	3,67	0,50	1,283905	0,386177	0,699366	NA
TP53BP2	387,62	0,25	0,638286	0,386144	0,69939	0,8997733
CTD-2311B13.9	14,74	-0,21	0,552278	-0,38612	0,69941	0,8997733
ADGRA2	0,49	1,39	3,59729	0,386061	0,699452	NA
ABCD2	1,45	-1,01	2,612831	-0,386	0,699494	NA
BATF	116,45	-0,33	0,84478	-0,38599	0,699504	0,8997921
RP11-203I2.2	5,92	-0,66	1,718652	-0,38592	0,699557	0,8997921
TMEM98	10,92	-0,36	0,934246	-0,38589	0,69958	0,8997921
GDAP1L1	1,86	0,78	2,029498	0,385773	0,699664	NA
WASHC2C	651,69	-0,19	0,492304	-0,38577	0,699669	0,8997921
RP11-297D21.4	20,56	0,31	0,809757	0,385653	0,699753	0,8997921
A4GALT	6,32	0,36	0,92936	0,385635	0,699767	0,8997921
PRR13	2566,25	0,08	0,195269	0,385607	0,699788	0,8997921
CTC-222D7.1	0,41	1,44	3,743939	0,385569	0,699816	NA
RP11-805F19.3	15,35	0,41	1,062843	0,385542	0,699836	0,8997921
RP11-143M1.2	4,25	-0,36	0,937616	-0,38546	0,699893	0,8997921
HERC2	440,65	0,25	0,647699	0,385411	0,699933	0,8997921
RPS27L	347,62	-0,13	0,328468	-0,38538	0,699957	0,8997921
RP11-537P22.2	0,84	-0,94	2,450669	-0,38522	0,700076	NA
PHF20L1	839,21	-0,18	0,464237	-0,38514	0,700132	0,8999554
CTD-3137H5.1	0,38	1,35	3,515817	0,385122	0,700147	NA
RP5-1101C3.1	4,50	-1,02	2,650928	-0,38508	0,700181	0,8999569
CA11	14,61	-0,35	0,919486	-0,38479	0,700392	0,900165
RP11-495K9.3	0,41	1,44	3,743967	0,38477	0,700408	NA

AC073326.3	0,41	1,44	3,743978	0,384714	0,700449	NA
RP11-90P5.2	0,52	-1,35	3,503245	-0,38469	0,700466	NA
CTC-343N3.1	0,80	-1,06	2,753046	-0,38467	0,70048	NA
RP11-214K3.23	0,41	1,44	3,743917	0,384664	0,700487	NA
RP4-669P10.20	3,10	0,81	2,102066	0,384494	0,700612	NA
CYB5R2	33,99	-0,32	0,821051	-0,38432	0,700742	0,9004044
RP11-159L20.1	0,59	1,21	3,150741	0,3843	0,700756	NA
CTD-2515C13.2	1,86	0,84	2,173739	0,384236	0,700804	NA
AJ271736.8	0,41	1,44	3,744091	0,384208	0,700824	NA
CDC26	406,08	0,18	0,468198	0,384167	0,700855	0,9004044
MGST3	439,25	-0,13	0,329602	-0,38414	0,700872	0,9004044
RP11-399D6.2	53,96	-0,26	0,670248	-0,3841	0,700904	0,9004044
RP11-472B18.1	0,52	1,04	2,713534	0,384075	0,700923	NA
RP11-169E6.1	4,73	0,99	2,568345	0,384022	0,700962	0,9004044
JMJD8	396,28	0,23	0,592115	0,384009	0,700972	0,9004044
RNU6-920P	3,10	-0,75	1,957577	-0,38397	0,700997	NA
ZNF513	77,48	-0,54	1,418377	-0,3839	0,70105	0,9004044
ZNF273	42,01	-0,19	0,50156	-0,38382	0,701109	0,9004044
PSMB4	3559,17	0,10	0,269888	0,383803	0,701124	0,9004044
CTA-384D8.36	106,37	-0,25	0,661304	-0,38376	0,701156	0,9004044
C10orf11	388,95	0,19	0,49144	0,383715	0,70119	0,9004044
MIR548AP	0,37	1,36	3,535864	0,383689	0,701209	NA
SPATA31A7	9,07	0,38	0,979781	0,38368	0,701216	0,9004044
CCNB1IP1	304,08	-0,23	0,6021	-0,38355	0,701311	0,9004044
KCTD9	193,50	0,22	0,578256	0,383491	0,701356	0,9004044
RP11-73K9.2	0,37	1,35	3,51943	0,383487	0,701359	NA
RP11-124N3.2	2,49	-1,29	3,368823	-0,38347	0,701374	NA
IGSF9	22,97	-0,40	1,033695	-0,38343	0,701399	0,9004044
ABCA1	237,45	0,40	1,030257	0,383405	0,70142	0,9004044
MIP	1,44	-0,89	2,328678	-0,38333	0,701472	NA
CENPH	13,84	0,27	0,710013	0,383164	0,701598	0,9004044
EI24	395,19	0,18	0,470645	0,383157	0,701603	0,9004044
CTC-444N24.8	33,16	0,53	1,381611	0,38315	0,701609	0,9004044
TRIO	620,58	-0,16	0,428026	-0,38311	0,701636	0,9004044
C20orf196	67,13	0,37	0,976547	0,383105	0,701642	0,9004044
PPP1R12C	219,46	-0,22	0,578183	-0,38306	0,701676	0,9004044
RBFA	124,59	0,28	0,731455	0,383039	0,701691	0,9004044
AC022182.1	9,32	-0,50	1,293604	-0,38293	0,70177	0,9004295
NUDT7	17,95	0,61	1,587676	0,382882	0,701807	0,9004295
CARD17	2,38	0,93	2,431956	0,382661	0,701971	NA
RP11-230C9.4	0,45	1,43	3,74407	0,382493	0,702095	NA
PYM1	271,00	0,19	0,491557	0,382403	0,702162	0,9006915
HHLA1	18,65	-0,40	1,054681	-0,3824	0,702167	0,9006915
PPDPF	16,36	-0,26	0,670292	-0,38239	0,702171	0,9006915
YKT6	303,07	0,18	0,467109	0,382343	0,702207	0,9006915
TUBGCP6	301,39	0,23	0,603692	0,38228	0,702254	0,9006915
EPHA3	3,23	0,50	1,29615	0,382146	0,702353	NA
CGNL1	16,64	-0,50	1,303387	-0,3819	0,702532	0,9009359
AC005009.2	0,69	1,43	3,737617	0,381832	0,702586	NA
CD81	395,77	0,20	0,524581	0,381772	0,70263	0,9009359

TEX10	333,67	-0,23	0,591982	-0,38177	0,702633	0,9009359
PLCXD1	166,15	-0,26	0,693131	-0,38176	0,702638	0,9009359
AC093375.1	6,00	0,57	1,484531	0,381656	0,702717	0,9009748
CX3CL1	5,55	-0,36	0,944865	-0,38156	0,702785	0,9010005
RP11-165N19.4	0,40	1,43	3,744122	0,38152	0,702818	NA
CAPN7	281,21	0,22	0,56654	0,381324	0,702962	0,9010758
DUSP5	296,04	0,31	0,819288	0,381217	0,703042	0,9010758
AP001465.5	0,43	-1,42	3,714651	-0,3812	0,703054	NA
NUDT16L1	307,36	0,37	0,964699	0,381197	0,703057	0,9010758
AC017104.6	0,13	-1,43	3,745746	-0,38118	0,703067	NA
RP11-452C8.1	44,07	-0,24	0,634658	-0,38107	0,703148	0,9010758
DUSP23	1001,70	0,09	0,225555	0,381065	0,703155	0,9010758
HLA-V	47,16	-0,40	1,052549	-0,38106	0,703159	0,9010758
NRIP1	953,57	0,21	0,558026	0,380953	0,703238	0,9010758
ZEB2-AS1	97,16	-0,31	0,812083	-0,38094	0,703246	0,9010758
AC139452.2	0,41	-0,99	2,609301	-0,38086	0,70331	NA
CTD-2357A8.2	3,88	0,66	1,727432	0,380781	0,703366	0,9010758
KIAA1161	102,40	-0,25	0,656886	-0,38076	0,703383	0,9010758
NLRP1	1319,34	0,13	0,352209	0,380721	0,70341	0,9010758
RP11-24N18.1	16,01	-0,24	0,625717	-0,38069	0,703435	0,9010758
RP11-293M10.5	50,75	-0,38	1,007129	-0,38064	0,703474	0,9010758
LRRTM2	31,55	-0,36	0,937535	-0,38055	0,703534	0,9010906
USP53	126,25	-0,25	0,66103	-0,3804	0,703648	0,901175
IPMK	231,25	-0,21	0,545721	-0,38027	0,703747	0,9011846
TRIB3	33,28	-0,55	1,4554	-0,38023	0,703777	0,9011846
RP11-578F21.3	1,04	-1,23	3,227643	-0,38021	0,703788	NA
HBA2	14,34	-0,46	1,210509	-0,38008	0,703887	0,9011846
ABCD3	175,53	0,27	0,712213	0,380069	0,703894	0,9011846
ADGRE3	20,58	-0,61	1,617629	-0,38006	0,703898	0,9011846
RP11-659G9.3	1,06	0,54	1,423575	0,379994	0,70395	NA
RPL17P33	1,77	0,34	0,897131	0,379918	0,704006	NA
MEG8	5,50	-0,44	1,165703	-0,37991	0,704012	0,9012493
TM4SF1	0,40	1,42	3,744216	0,379852	0,704055	NA
SIGMAR1	244,05	-0,32	0,838084	-0,37979	0,704103	0,9012493
HSF1	201,56	0,21	0,556781	0,37976	0,704124	0,9012493
RP11-167N5.5	5,49	-0,36	0,947147	-0,37974	0,704142	0,9012493
AC002400.1	0,40	1,42	3,744167	0,379609	0,704236	NA
CTC-455F18.1	5,19	0,45	1,172969	0,379555	0,704276	0,9013584
RN7SL135P	1,78	1,15	3,042996	0,379356	0,704423	NA
BCAP31	1320,51	-0,11	0,283851	-0,37934	0,704438	0,9013592
AC098828.2	20,06	-0,27	0,705918	-0,37925	0,704504	0,9013592
PIWIL3	0,80	-0,55	1,451587	-0,3792	0,704538	NA
GSPT2	85,79	0,43	1,146721	0,379081	0,704628	0,9013592
NFXL1	90,23	-0,39	1,02599	-0,37907	0,704636	0,9013592
SRSF10	1190,63	0,15	0,384809	0,378992	0,704694	0,9013592
POLR2H	331,29	-0,21	0,541009	-0,37895	0,704723	0,9013592
RNY3P13	0,37	1,35	3,557641	0,378944	0,70473	NA
RP11-313D6.4	19,56	-0,25	0,665676	-0,37894	0,704733	0,9013592
RP11-587D21.1	0,42	1,42	3,744251	0,378938	0,704734	NA
ZNF19	35,33	-0,25	0,667735	-0,37893	0,70474	0,9013592

SCARF2	8,94	0,68	1,785832	0,378877	0,704779	0,9013592
FAM47E-STBD1	2,63	-0,38	1,004518	-0,37887	0,704783	NA
RP11-333A23.4	28,29	-0,28	0,745863	-0,37885	0,704796	0,9013592
KIF19	2,62	-0,56	1,470618	-0,37884	0,704804	NA
RP11-599B13.6	5,06	-0,86	2,258674	-0,37883	0,70481	0,9013592
P4HA2	50,30	-0,36	0,962925	-0,37877	0,704858	0,9013592
LLNLR-271C9.1	1,35	-1,24	3,26723	-0,37855	0,70502	NA
RP13-16H11.5	0,77	-1,38	3,643965	-0,37852	0,705045	NA
AC073641.2	0,50	-0,97	2,556956	-0,37852	0,705047	NA
NOVA1	24,50	-0,38	1,009503	-0,37846	0,705086	0,9015896
RP11-181K12.1	13,77	0,26	0,69498	0,378396	0,705136	0,9015914
AL691477.1	0,46	0,89	2,340628	0,378377	0,70515	NA
TPK1	430,73	0,21	0,558703	0,378269	0,70523	0,9016501
CGN	1,80	-0,69	1,832423	-0,37816	0,705313	NA
CTD-2619J13.8	9,31	0,56	1,470628	0,37811	0,705349	0,9017394
RP11-117F22.1	0,40	1,42	3,744225	0,378096	0,705359	NA
CASQ2	5,23	0,65	1,723562	0,377983	0,705443	0,9017983
DDX43	7,87	0,69	1,836824	0,377892	0,705511	0,9018229
TMED7	441,97	-0,19	0,492148	-0,37779	0,705589	0,9018235
CATSPER2P1	57,19	-0,26	0,690563	-0,37776	0,705611	0,9018235
WT1	0,40	1,34	3,549703	0,377665	0,70568	NA
PIK3C2A	481,64	0,21	0,550494	0,377643	0,705696	0,9018235
MON2	545,35	-0,16	0,434492	-0,37762	0,705714	0,9018235
NMNAT1	71,75	-0,24	0,629696	-0,37751	0,705793	0,9018235
RP11-65D17.1	13,55	0,48	1,268168	0,3775	0,705802	0,9018235
RP11-296E7.1	0,49	1,41	3,744273	0,377232	0,706001	NA
RP1-65P5.5	0,61	-1,40	3,7006	-0,37721	0,706018	NA
MIR186	1,20	-0,64	1,709949	-0,37703	0,706153	NA
CTD-2286N8.1	3,49	-0,72	1,921369	-0,37686	0,706279	NA
EIF1AD	267,45	-0,23	0,613473	-0,37659	0,706476	0,9026222
RP11-505P4.6	0,49	-0,76	2,01329	-0,37659	0,706482	NA
C20orf200	2,04	0,59	1,561964	0,376528	0,706524	NA
EFCAB9	0,40	1,41	3,74435	0,376514	0,706534	NA
LRRC40	121,81	0,34	0,89492	0,376353	0,706655	0,9027539
C6orf54	4,38	-0,41	1,089493	-0,3763	0,706693	0,9027539
AP001062.8	1,47	1,00	2,662637	0,376298	0,706696	NA
EPHB3	79,95	-0,46	1,229956	-0,37626	0,706725	0,9027539
BGLAP	2,66	-0,99	2,642704	-0,37622	0,706752	NA
TMEM248	555,51	-0,22	0,581278	-0,37614	0,706816	0,9027874
RP11-536K7.3	33,47	-0,29	0,778941	-0,37609	0,706848	0,9027874
SLC13A1	0,52	0,70	1,861229	0,376053	0,706877	NA
APLNR	0,14	-1,41	3,747609	-0,37597	0,706942	NA
ZRANB1	258,45	-0,27	0,72687	-0,37585	0,707027	0,902954
PDSS2	117,25	0,38	1,008835	0,37569	0,707147	0,9029974
B4GALT5	175,75	0,25	0,678173	0,375676	0,707158	0,9029974
FCRLA	13,10	-0,87	2,325627	-0,37547	0,707313	0,9030935
AP000705.7	16,37	-0,24	0,63741	-0,37544	0,70733	0,9030935
RP11-767L7.1	0,33	1,11	2,962706	0,37539	0,707371	NA
DOK4	0,39	1,34	3,566676	0,375303	0,707435	NA
OR2B11	65,80	-0,28	0,749015	-0,37528	0,70745	0,903185

EML4	404,46	-0,20	0,526213	-0,37505	0,707625	0,9032387
ZCCHC11	300,09	-0,26	0,686607	-0,375	0,707664	0,9032387
CCNT1	485,57	0,32	0,856378	0,374947	0,7077	0,9032387
ACOX1	299,66	0,28	0,743115	0,374915	0,707723	0,9032387
RP4-545L17.11	0,93	1,23	3,269271	0,37488	0,70775	NA
HARBI1	64,21	0,31	0,835412	0,374762	0,707837	0,9032387
ELL	153,16	0,40	1,065128	0,374698	0,707885	0,9032387
RP5-1022I14.1	31,38	0,31	0,817646	0,37467	0,707906	0,9032387
RP11-383J24.1	0,92	-0,82	2,1963	-0,37467	0,707907	NA
MAPKAPK3	737,86	0,17	0,461014	0,374624	0,70794	0,9032387
RP11-320N21.2	4,82	0,47	1,252648	0,374607	0,707953	0,9032387
TFPT	148,81	-0,19	0,514722	-0,37447	0,708053	0,9032387
RAD54L2	206,93	0,19	0,497487	0,374471	0,708054	0,9032387
CTB-102L5.8	5,34	-0,27	0,715134	-0,37439	0,708116	0,9032387
PRR14	133,33	-0,22	0,597705	-0,37437	0,708129	0,9032387
TSIX	1055,37	-0,18	0,482659	-0,37431	0,708172	0,9032387
ATXN1	507,42	-0,31	0,836757	-0,37414	0,7083	0,9032438
KCNG4	9,29	0,28	0,742091	0,374116	0,708318	0,9032438
CTC-369A16.2	7,44	-0,34	0,896516	-0,37406	0,70836	0,9032438
LZTR1	286,48	0,27	0,726593	0,374046	0,70837	0,9032438
SSX4B	0,68	1,38	3,688424	0,373975	0,708423	NA
CDC37L1	97,80	-0,32	0,865761	-0,37387	0,708504	0,903269
PCDHB1	28,73	-0,23	0,60994	-0,37386	0,708512	0,903269
PTRH1	129,95	-0,31	0,838917	-0,37382	0,708536	0,903269
RP11-102N12.2	1,49	0,98	2,612572	0,373787	0,708563	NA
AC068610.3	2,72	-0,82	2,200489	-0,37366	0,70866	NA
NSUN5P1	186,15	-0,23	0,613949	-0,37362	0,708688	0,9033824
MAFK	53,11	-0,29	0,765451	-0,37357	0,708722	0,9033824
RN7SL828P	3,58	-0,48	1,286012	-0,37349	0,708787	NA
RP11-351I21.11	0,54	-0,85	2,280256	-0,37344	0,70882	NA
GNL2	543,42	0,17	0,451887	0,3734	0,708851	0,9034848
RP11-123O1.1	0,68	0,83	2,234192	0,373295	0,708929	NA
CTD-2561B21.4	0,64	-1,33	3,569407	-0,37321	0,708996	NA
ZFAS1	628,11	-0,10	0,258711	-0,37316	0,709027	0,903521
APBB1	6,03	-0,71	1,903563	-0,37314	0,709048	0,903521
AC079305.11	1,29	-1,21	3,235953	-0,37309	0,709082	NA
AC011558.5	148,90	0,17	0,458863	0,373086	0,709084	0,903521
LINC01232	173,87	-0,24	0,651719	-0,37296	0,709175	0,903521
SCART1	31,74	-0,26	0,709596	-0,37294	0,709193	0,903521
ZNF621	412,76	0,22	0,586811	0,37289	0,70923	0,903521
RNU6-645P	45,10	-0,34	0,899676	-0,37288	0,709237	0,903521
BLACE	5,94	0,39	1,036067	0,37284	0,709268	0,903521
FBXO4	64,88	-0,40	1,063944	-0,3726	0,709446	0,9035449
IRX5	0,40	1,39	3,744144	0,372443	0,709563	NA
RTTN	386,61	-0,23	0,61907	-0,37241	0,70959	0,9035449
KIAA0391	241,29	-0,27	0,729385	-0,37241	0,70959	0,9035449
LIMD1-AS1	25,60	-0,51	1,361744	-0,37238	0,709611	0,9035449
PNN	1275,87	0,10	0,274741	0,372369	0,709618	0,9035449
PCDHB11	19,35	-0,24	0,641755	-0,37236	0,709625	0,9035449
AL133245.2	33,69	-0,35	0,937047	-0,37232	0,709653	0,9035449

SP110	1881,45	0,12	0,334906	0,372293	0,709675	0,9035449
RNA5SP216	1,07	0,62	1,652456	0,372211	0,709736	NA
PIR	24,07	-0,25	0,660509	-0,37209	0,709829	0,9036793
TMEM143	14,24	-0,43	1,159142	-0,37196	0,709919	0,9036997
PYGL	429,85	0,19	0,507425	0,371934	0,709942	0,9036997
CTC-425F1.2	1,12	1,09	2,936777	0,371745	0,710083	NA
ADGRG6	62,88	-0,53	1,433939	-0,37172	0,710099	0,9037352
RP11-697E22.1	8,76	0,67	1,812335	0,371664	0,710143	0,9037352
SEC14L1	509,35	-0,20	0,547493	-0,37166	0,710148	0,9037352
GRHL2	16,01	-0,78	2,090593	-0,37164	0,710164	0,9037352
SLC24A2	34,68	-0,18	0,485552	-0,37133	0,710393	0,9039643
AP000959.2	1,95	-1,09	2,948629	-0,37128	0,710428	NA
MRPL32	334,47	-0,26	0,702061	-0,37126	0,710446	0,9039695
CTB-31020.3	26,30	-0,31	0,828118	-0,37097	0,710658	0,9041706
TMEM127	612,77	0,19	0,509035	0,370915	0,710701	0,9041706
RP3-474I12.6	1,00	1,38	3,73239	0,370867	0,710737	NA
CWH43	0,55	1,16	3,123728	0,370864	0,710739	NA
RSL1D1	1752,13	-0,13	0,359699	-0,37084	0,710759	0,904182
RP11-379K17.12	51,23	0,63	1,703316	0,370575	0,710954	0,9043686
SLC43A2	544,98	-0,22	0,591218	-0,37044	0,711055	0,9044359
RP11-31L22.2	0,39	1,39	3,744638	0,370287	0,711168	NA
RN7SL174P	0,52	0,99	2,673124	0,370107	0,711303	NA
RP1-102G20.2	3,54	0,55	1,49598	0,369985	0,711394	NA
RP11-138C24.1	14,98	-0,70	1,889356	-0,36994	0,711429	0,904807
ISCA2	428,25	-0,22	0,596835	-0,36992	0,711444	0,904807
RP11-578O24.2	0,40	1,39	3,744657	0,369896	0,71146	NA
RP11-63A1.1	0,55	-1,11	2,996065	-0,36983	0,711507	NA
RF01877	0,37	1,30	3,515313	0,369805	0,711528	NA
ZEB1	61,28	-0,37	0,999368	-0,36979	0,711542	0,904807
WDR59	182,92	-0,21	0,559308	-0,36975	0,711569	0,904807
NSMCE2	136,28	-0,22	0,593616	-0,3697	0,711608	0,904807
RP4-657D16.6	10,54	0,50	1,345674	0,369656	0,711639	0,904807
C16orf72	1086,73	-0,15	0,403703	-0,36951	0,711749	0,9048229
RAB11FIP4	295,32	-0,28	0,757462	-0,3694	0,711831	0,9048229
NIPSNAP1	155,45	0,30	0,82038	0,369382	0,711843	0,9048229
CAMK1	356,72	-0,15	0,406554	-0,36938	0,711846	0,9048229
AC106870.2	1,42	0,59	1,608898	0,369189	0,711987	NA
RP11-21J18.1	0,83	0,81	2,192231	0,369126	0,712034	NA
COMT	1668,51	0,10	0,278243	0,369122	0,712037	0,905004
RP5-1004I9.1	1,04	0,85	2,30254	0,368988	0,712137	NA
GPRIN1	0,69	1,38	3,738287	0,368965	0,712154	NA
RLN2	0,12	-1,38	3,748196	-0,36888	0,712217	NA
RP11-306G20.1	16,25	0,34	0,917122	0,368839	0,712248	0,9051554
GNL1	259,62	0,35	0,936705	0,368831	0,712253	0,9051554
AC004854.4	8,58	-0,37	1,009439	-0,36869	0,712358	0,9052265
RP11-830F9.7	2,46	-0,88	2,394369	-0,3686	0,712427	NA
RP11-106E7.1	1,56	1,10	2,971394	0,36858	0,712441	NA
RP11-669I1.1	2,18	0,45	1,211921	0,36835	0,712612	NA
ZMYM6	469,99	0,13	0,362045	0,368297	0,712652	0,9053783
NPM3	82,67	0,47	1,286792	0,368255	0,712683	0,9053783

RP11-6D1.6	12,74	0,37	0,994647	0,368239	0,712695	0,9053783
RP11-3D4.3	6,30	0,41	1,104346	0,36815	0,712762	0,9053783
PLS1	5,85	-0,51	1,377005	-0,36813	0,712773	0,9053783
PTCHD3	4,61	-0,67	1,820487	-0,36811	0,71279	0,9053783
RP11-163M18.1	8,51	-0,38	1,026643	-0,36807	0,712818	0,9053783
RP5-899B16.1	11,76	0,36	0,988751	0,367904	0,712945	0,9054111
HSPA6	288,29	-0,22	0,602426	-0,36786	0,712978	0,9054111
LGALS2	1550,00	0,12	0,322829	0,367843	0,71299	0,9054111
RP4-752I6.1	3,53	-0,51	1,383529	-0,36779	0,71303	NA
RP11-266L9.1	3,82	-0,32	0,857216	-0,3677	0,713096	0,9054708
ZNF542	51,27	0,25	0,686648	0,36765	0,713134	0,9054708
RP11-666O2.2	9,77	-0,42	1,156302	-0,36744	0,71329	0,9056067
RP11-18C24.6	1,69	1,00	2,728308	0,367428	0,7133	NA
C6orf208	1,94	-0,46	1,248465	-0,3674	0,713321	NA
GRIN2D	0,94	1,20	3,267877	0,367347	0,71336	NA
TMEM74B	1,03	0,66	1,788671	0,367334	0,71337	NA
RP4-697P8.3	0,59	1,15	3,127731	0,367281	0,713409	NA
PPP1R27	1,15	0,69	1,866389	0,367245	0,713436	NA
RP11-284E20.1	11,15	-0,24	0,646732	-0,36697	0,713642	0,9059652
RP11-316A16.1	3,93	-0,39	1,072241	-0,36693	0,71367	0,9059652
EDN1	0,38	1,37	3,744699	0,36691	0,713686	NA
DYNLT3	94,95	0,27	0,741265	0,366798	0,71377	0,9060303
IGHV3-21	0,46	-1,08	2,947496	-0,36675	0,713807	NA
RANBP10	69,65	0,40	1,09311	0,366728	0,713822	0,9060348
PHC2	358,58	0,17	0,467564	0,366644	0,713885	0,906044
CNFN	5,63	0,56	1,53258	0,366588	0,713927	0,906044
RP11-1148L6.9	2,90	0,72	1,97003	0,366506	0,713987	NA
KLF16	45,79	-0,27	0,724924	-0,36645	0,714029	0,9060884
CTC-524C5.2	51,08	0,30	0,824187	0,36641	0,714059	0,9060884
CTD-2265O21.7	0,38	1,37	3,74467	0,366311	0,714133	NA
FAM86HP	1,26	1,07	2,92053	0,3663	0,714141	NA
FAM72B	21,03	0,49	1,347436	0,36624	0,714186	0,9061547
RP5-1056L3.1	0,38	1,37	3,744775	0,366239	0,714186	NA
RP11-556O5.6	1,25	-0,63	1,7109	-0,36624	0,714188	NA
SIAE	128,54	0,29	0,804511	0,36621	0,714209	0,9061547
AC013439.4	0,76	-0,88	2,39985	-0,36605	0,714325	NA
OTOA	30,40	-0,37	1,004041	-0,36605	0,714326	0,9061981
RP11-410D17.2	8,85	-0,65	1,775103	-0,36599	0,71437	0,9061981
RNY1P16	11,66	0,45	1,236526	0,365968	0,714389	0,9061981
RP4-662A9.2	0,97	-0,90	2,464194	-0,36593	0,714416	NA
RP11-253M7.1	3,42	-0,67	1,824649	-0,36566	0,714619	NA
AC027763.2	73,41	0,31	0,847851	0,365577	0,714681	0,9063676
RP11-752D24.2	1,65	-0,86	2,362971	-0,36557	0,714689	NA
C8orf37	4,34	-0,34	0,917773	-0,36556	0,71469	0,9063676
RNU6-877P	0,38	1,37	3,744765	0,365544	0,714705	NA
SLC22A9	6,72	0,33	0,893118	0,365514	0,714727	0,9063676
GSTK1	1912,12	-0,12	0,333076	-0,36547	0,714762	0,9063676
RP11-458F8.4	5,09	-0,62	1,708327	-0,36543	0,714789	0,9063676
TRMT2A	288,33	-0,26	0,711014	-0,36532	0,714869	0,9063676
TAF7L	0,70	1,34	3,668334	0,365287	0,714897	NA

GUCY2C	15,56	-0,78	2,13159	-0,36527	0,714912	0,9063676
RP11-810P8.1	25,16	-0,43	1,165762	-0,36527	0,714912	0,9063676
CTB-158D10.3	0,38	1,37	3,744774	0,365254	0,714922	NA
ELK1	67,36	0,35	0,967256	0,365068	0,715061	0,906477
PKD1L2	30,87	-0,22	0,601875	-0,36502	0,715096	0,906477
FHOD3	0,78	-1,34	3,668752	-0,36493	0,715163	NA
RP11-1A16.1	7,63	0,61	1,66442	0,364904	0,715183	0,9064774
COL1A1	2,97	0,44	1,214744	0,364892	0,715192	NA
OR1C1	6,52	-0,40	1,101367	-0,36482	0,715249	0,9064774
RP11-333J10.3	10,78	-0,43	1,180723	-0,36478	0,715278	0,9064774
TAF8	280,40	-0,22	0,596362	-0,36473	0,715314	0,9064774
RP11-78F17.1	15,07	-0,47	1,275289	-0,36469	0,71534	0,9064774
CCIN	0,36	1,31	3,585239	0,364554	0,715445	NA
TMEM210	3,90	-0,42	1,157726	-0,36454	0,715457	0,9065024
RP11-59D5__B.2	7,05	-0,41	1,127846	-0,36453	0,715463	0,9065024
OR2A1	6,62	0,50	1,380345	0,364472	0,715506	0,9065024
OLFM1	104,57	0,36	0,986803	0,364366	0,715584	0,906517
AC087163.2	0,67	1,35	3,713257	0,364328	0,715613	NA
RP11-196G11.2	13,15	0,35	0,950291	0,3643	0,715634	0,906517
TOP3A	280,10	0,26	0,721302	0,364218	0,715696	0,906517
TRAM1	1254,51	0,14	0,387145	0,364195	0,715712	0,906517
TNFSF13B	2104,53	0,09	0,257188	0,36409	0,715791	0,9065551
RP11-43N5.1	0,37	1,36	3,744822	0,364016	0,715846	NA
UBL4A	64,72	-0,40	1,105488	-0,36397	0,715879	0,9065845
EIF1B	388,52	-0,15	0,41608	-0,36393	0,715912	0,9065845
DACH2	1,84	-0,55	1,517135	-0,36384	0,715978	NA
RP11-451G4.2	1,83	-0,50	1,387734	-0,36383	0,715982	NA
MRPS12	716,07	-0,11	0,309456	-0,3638	0,716006	0,9066419
CTBP1-AS1	62,45	-0,28	0,770445	-0,36373	0,716059	0,9066477
BAIAP2L2	0,38	1,36	3,744278	0,363689	0,71609	NA
RNU7-110P	0,39	1,36	3,744836	0,36356	0,716187	NA
POLR3K	192,84	0,25	0,674745	0,363557	0,716189	0,9067497
AC099552.3	0,31	1,08	2,975656	0,363356	0,716339	NA
RP11-745A24.1	1,20	1,22	3,345173	0,363331	0,716358	NA
SLC25A45	149,59	-0,14	0,393735	-0,36331	0,716376	0,9069251
RN7SL203P	0,71	0,81	2,219288	0,363293	0,716386	NA
AP000240.7	0,64	-1,29	3,548214	-0,36326	0,716413	NA
RN7SL405P	39,84	0,15	0,410748	0,363107	0,716525	0,9070459
EPS15L2	19,64	-0,54	1,498364	-0,36305	0,716569	0,9070459
HIST1H4B	0,35	1,28	3,527912	0,362998	0,716606	NA
EPHA8	0,17	-1,36	3,747037	-0,36299	0,716615	NA
HBQ1	0,38	1,36	3,744881	0,362979	0,716621	NA
RP11-240E2.2	0,44	-0,73	2,003548	-0,36293	0,716659	NA
TECPR2	121,59	0,40	1,094512	0,362907	0,716675	0,9071181
RARA	204,39	0,22	0,593986	0,362756	0,716787	0,9071407
RP11-755B10.3	7,84	-0,26	0,706291	-0,36275	0,71679	0,9071407
JAKMIP3	1,13	-0,92	2,545915	-0,36273	0,71681	NA
GINS2	2,79	-0,43	1,198817	-0,36271	0,716819	NA
DSCR9	0,42	1,36	3,744039	0,362553	0,716939	NA
KCTD11	0,42	1,27	3,505906	0,362488	0,716987	NA

GPATCH2L	950,36	-0,19	0,517337	-0,36242	0,717039	0,907268
RP1-130E4.3	0,37	1,36	3,744876	0,36237	0,717076	NA
STK25	445,15	0,18	0,510199	0,362358	0,717084	0,907268
AC010468.1	3,50	-0,23	0,642782	-0,36233	0,717108	NA
OR56A1	79,34	-0,27	0,758764	-0,36231	0,717123	0,907268
CTD-2118P12.1	11,68	-0,32	0,880844	-0,36221	0,717195	0,907268
SFTA3	2,02	-0,50	1,38465	-0,36219	0,717214	NA
RBSN	325,73	0,30	0,832141	0,362159	0,717233	0,907268
ANGPT2	61,41	0,31	0,851931	0,362158	0,717234	0,907268
CLIP1	790,72	0,11	0,302454	0,362105	0,717274	0,907268
MGME1	86,44	0,33	0,914861	0,362096	0,717281	0,907268
CCRL2	31,02	-0,50	1,377961	-0,36171	0,717569	0,9074797
RP11-165M6.1	11,07	0,56	1,553017	0,361679	0,717592	0,9074797
RP11-121G22.3	19,78	0,31	0,870342	0,361676	0,717594	0,9074797
CTA-392C11.2	0,37	1,35	3,744955	0,361605	0,717647	NA
CD47	1674,56	0,14	0,401029	0,361495	0,717729	0,9075687
DYX1C1	5,97	-0,36	1,005387	-0,36143	0,717778	0,9075687
AL035209.2	78,78	-0,30	0,840083	-0,36139	0,717811	0,9075687
NALCN	14,22	-0,32	0,873717	-0,36132	0,717861	0,90757
GNAO1	1,78	0,66	1,8292	0,36125	0,717912	NA
KIAA1109	1079,44	-0,15	0,42652	-0,36123	0,717928	0,9075869
RNU6-90P	0,64	1,33	3,671321	0,361198	0,717951	NA
RP11-296A18.3	92,13	-0,21	0,571198	-0,36113	0,718	0,9075869
CHRA1	332,05	-0,19	0,527216	-0,3611	0,718026	0,9075869
CHRNA5	4,80	-0,36	1,003853	-0,36104	0,718069	0,9075869
C10orf91	1,33	1,22	3,368275	0,360987	0,718109	NA
RP11-169K17.2	0,37	1,35	3,744954	0,360948	0,718138	NA
KB-226F1.2	2,82	0,66	1,827905	0,360942	0,718142	NA
LRRC73	0,67	1,34	3,70397	0,360856	0,718207	NA
RP11-517I3.2	14,63	-0,34	0,943491	-0,36085	0,718213	0,9077071
RN7SL121P	4,25	-0,47	1,305156	-0,36063	0,718378	0,9078367
RP11-733O18.1	0,10	-1,35	3,748196	-0,3606	0,718397	NA
ATF4	4321,52	0,09	0,253841	0,36058	0,718413	0,9078367
ZNF426	205,70	0,20	0,558092	0,360459	0,718504	0,9078515
RP11-1334A24.5	7,29	-0,34	0,953807	-0,36043	0,718523	0,9078515
RP11-674C21.9	0,56	1,12	3,095526	0,360423	0,718531	NA
RP11-15E18.5	3,23	1,23	3,426048	0,360353	0,718583	NA
CARD19	615,92	0,13	0,353618	0,36029	0,71863	0,9079133
RP11-319G5.1	0,73	-0,64	1,78257	-0,36028	0,718636	NA
PURA	247,88	-0,25	0,683625	-0,36024	0,718669	0,9079133
RP11-368N21.5	2,75	-0,43	1,186875	-0,36005	0,718811	NA
SORBS2	6,52	-0,30	0,838513	-0,35994	0,718892	0,9080963
HYAL3	25,77	0,67	1,864739	0,359851	0,718959	0,9080963
GOLGA2	175,97	-0,22	0,613192	-0,35985	0,71896	0,9080963
PPP2CB	200,96	-0,19	0,530204	-0,35978	0,719014	0,9081023
AC005863.1	6,10	-0,33	0,909871	-0,35966	0,719099	0,9081482
IGHGP	1,17	0,98	2,720119	0,359582	0,71916	NA
CCDC36	8,34	-0,57	1,596067	-0,35953	0,719202	0,9081696
ZNF28	93,86	0,33	0,925161	0,35939	0,719303	0,9081696
ZNF606	19,88	0,35	0,968897	0,35938	0,719311	0,9081696

CEP19	23,22	0,29	0,796756	0,359347	0,719335	0,9081696
DIRC2	120,54	0,38	1,055624	0,359314	0,71936	0,9081696
RP3-414A15.2	1,62	0,73	2,024584	0,359193	0,71945	NA
ITPA	756,39	-0,12	0,334898	-0,35916	0,719475	0,9082067
AC007792.1	0,22	-0,87	2,436067	-0,35914	0,719488	NA
CNPY4	6,51	0,35	0,971485	0,359131	0,719497	0,9082067
RAD51D	149,88	-0,22	0,611944	-0,35894	0,719644	0,9082067
HNRNPL	735,13	-0,13	0,358032	-0,35891	0,719663	0,9082067
TXNL4A	512,09	-0,15	0,421993	-0,35888	0,719686	0,9082067
TMBIM1	611,44	-0,17	0,48556	-0,35883	0,719725	0,9082067
OR7E110P	0,37	1,34	3,745111	0,358771	0,719767	NA
AC066692.4	60,65	-0,75	2,094985	-0,35872	0,719805	0,9082067
CTD-2540F13.2	6,03	0,24	0,664674	0,358718	0,719806	0,9082067
RP11-10N23.4	4,12	-0,99	2,760212	-0,35869	0,719829	0,9082067
ZMYND12	0,40	1,34	3,744216	0,358526	0,71995	NA
MIR8485	5,06	0,42	1,16586	0,358442	0,720013	0,9083379
RP11-1212A22.4	118,66	0,18	0,501033	0,358363	0,720072	0,9083379
CLTA	1290,35	-0,14	0,390812	-0,35835	0,720079	0,9083379
C7orf71	0,15	-1,02	2,843846	-0,35828	0,720131	NA
CDK4	318,52	0,25	0,707892	0,358248	0,720158	0,9083592
RP11-611O2.5	34,49	-0,38	1,070815	-0,3582	0,720194	0,9083592
OR6C66P	6,32	0,69	1,932049	0,357964	0,72037	0,90852
SNURF	0,42	1,34	3,744653	0,357827	0,720473	NA
TBC1D16	26,12	0,50	1,390893	0,357716	0,720556	0,9085356
HLA-L	123,55	0,23	0,632584	0,357707	0,720563	0,9085356
CTC-360P9.4	14,12	-0,62	1,744338	-0,3577	0,720571	0,9085356
RP3-454G6.2	5,61	-0,46	1,281312	-0,35765	0,720609	0,9085356
PDK2	93,80	-0,42	1,166742	-0,35762	0,720627	0,9085356
RP11-680F20.4	3,13	-0,42	1,172776	-0,3575	0,720718	NA
RP11-90K6.1	0,73	-0,62	1,733493	-0,35744	0,720765	NA
RP4-590F24.2	7,24	0,41	1,15589	0,35731	0,72086	0,9087205
RP11-345J4.3	23,02	0,45	1,266307	0,357276	0,720886	0,9087205
MRPL40	355,53	0,25	0,712282	0,357224	0,720924	0,9087205
RP11-10A14.3	5,59	-0,41	1,1606	-0,35716	0,720969	0,9087205
RP11-104L21.3	1,23	-0,82	2,304316	-0,35705	0,721055	NA
TMEM184C	358,47	0,26	0,730298	0,356984	0,721104	0,9088291
LLNLF-176F2.1	0,34	1,26	3,542283	0,356932	0,721143	NA
ART3	5,28	-0,30	0,829446	-0,35691	0,721159	0,908837
RP11-203M5.2	1,38	-0,75	2,088785	-0,35681	0,721236	NA
DVL2	24,66	0,28	0,77369	0,356797	0,721244	0,9088817
KLHL13	0,16	-0,86	2,409532	-0,35676	0,721273	NA
AC004166.6	0,34	1,25	3,517307	0,356738	0,721288	NA
RP11-449H11.1	5,62	-0,44	1,239003	-0,35667	0,721339	0,9088817
KIAA1024	0,11	-1,34	3,748196	-0,35667	0,72134	NA
PPP2R2C	12,21	-0,32	0,887515	-0,35667	0,721341	0,9088817
RP11-89F3.2	0,39	1,24	3,481843	0,356632	0,721368	NA
ZNF799	15,10	0,48	1,350808	0,356538	0,721438	0,9088834
PCTP	230,62	0,28	0,799014	0,356535	0,72144	0,9088834
ZAR1L	1,20	-0,91	2,542606	-0,35652	0,721453	NA
MX1	2097,40	-0,21	0,599743	-0,3563	0,721614	0,9090416

RP11-26M5.2	0,37	1,33	3,745057	0,356126	0,721746	NA
U62631.5	3,40	-0,34	0,952838	-0,35607	0,72179	NA
RP11-454H13.6	0,28	1,05	2,955338	0,356019	0,721826	NA
LINC00346	67,25	-0,21	0,589606	-0,35599	0,721846	0,9092161
CTD-2037K23.2	82,86	-0,39	1,102201	-0,35595	0,72188	0,9092161
CLN3	790,18	0,10	0,292265	0,355921	0,7219	0,9092161
MIR27B	0,38	1,33	3,745153	0,355851	0,721952	NA
RP11-361A21.3	0,36	1,27	3,571352	0,355742	0,722033	NA
FTH1P15	11,99	0,16	0,443769	0,355658	0,722097	0,9093997
VPS53	392,33	-0,18	0,493644	-0,3556	0,722143	0,9093997
RP11-556H2.1	8,56	0,28	0,781318	0,355512	0,722206	0,9094173
RP11-632K21.7	0,37	1,33	3,745171	0,355436	0,722263	NA
RP11-370P15.2	0,11	-1,33	3,748196	-0,35536	0,722318	NA
RPL11	8154,34	-0,05	0,145881	-0,35536	0,722319	0,9094613
RP11-746M1.1	92,24	-0,12	0,346362	-0,35534	0,722339	0,9094613
RP11-429B14.1	3,42	0,46	1,303578	0,355286	0,722375	NA
CCDC192	0,70	-1,12	3,143299	-0,35519	0,722444	NA
OSBPL3	414,06	0,20	0,551696	0,35516	0,72247	0,9095176
PLBD2	301,26	0,21	0,595086	0,355145	0,722481	0,9095176
AC144450.2	39,33	-0,29	0,815022	-0,35496	0,722617	0,9096266
C16orf62	215,18	0,23	0,65216	0,354856	0,722698	0,9096666
RP11-206L10.9	92,67	-0,18	0,500754	-0,35479	0,722746	0,9096666
WFDC5	0,11	-1,33	3,748196	-0,35477	0,722759	NA
XXbac-BPG181M17.4	4,91	-0,72	2,037528	-0,35463	0,722864	0,9096952
RP11-52J3.2	70,03	0,43	1,199809	0,35463	0,722867	0,9096952
STK17A	210,65	-0,24	0,676044	-0,35443	0,723013	0,9098182
RPL41P2	0,78	-0,47	1,338221	-0,35443	0,723019	NA
RPL4	14061,62	0,06	0,16196	0,354203	0,723187	0,9098764
RALGAPB	314,83	0,20	0,552583	0,354188	0,723198	0,9098764
OR7E94P	18,43	0,28	0,794396	0,354177	0,723206	0,9098764
ZFP2	0,65	-0,73	2,074438	-0,35407	0,723289	NA
PART1	10,45	0,30	0,850992	0,354039	0,72331	0,9099207
ZNF469	65,66	0,37	1,045501	0,353999	0,723339	0,9099207
DNAJB11	662,27	0,22	0,607952	0,353911	0,723405	0,9099371
OR7E100P	0,36	1,33	3,745235	0,353867	0,723439	NA
TRGV3	0,18	-0,87	2,447644	-0,35386	0,723447	NA
AC018755.16	0,10	-1,33	3,748196	-0,3538	0,72349	NA
ATP5S	361,27	-0,22	0,626969	-0,35379	0,723496	0,9099371
CTD-2270L9.4	24,33	-0,54	1,513661	-0,35378	0,723503	0,9099371
OR5BB1P	0,11	-1,33	3,748196	-0,35371	0,723557	NA
DIS3	469,91	-0,18	0,518002	-0,3537	0,723564	0,9099371
METTL17	416,26	-0,20	0,573262	-0,35366	0,723597	0,9099371
RP11-509J21.2	1,42	-0,92	2,589629	-0,3536	0,723637	NA
GPR171	10,99	0,56	1,588404	0,353574	0,723658	0,909953
RP3-388N13.3	1,51	0,63	1,77801	0,353534	0,723688	NA
RP11-275H4.1	0,10	-1,33	3,748196	-0,35353	0,723692	NA
RP4-587D13.2	0,08	-1,33	3,748196	-0,35351	0,723708	NA
SAGE1	2,17	-1,19	3,377311	-0,35348	0,723725	NA
RNU6-181P	0,42	1,32	3,745258	0,353343	0,723831	NA
RP11-261N11.14	0,44	0,85	2,3918	0,353312	0,723855	NA

RP11-323F24.3	0,08	-1,32	3,748196	-0,35324	0,723912	NA
RN7SL344P	0,91	-0,71	2,024014	-0,35323	0,723917	NA
KIR3DL1	0,09	-1,32	3,748196	-0,35318	0,723956	NA
CEACAM8	2,92	-0,31	0,889574	-0,35313	0,723994	NA
CXCR5	68,23	0,49	1,386947	0,353124	0,723996	0,9101957
NCRNA00115	35,36	0,38	1,085779	0,353049	0,724051	0,9101957
RP11-790I12.2	0,11	-1,32	3,748196	-0,35303	0,724063	NA
EPHA4	24,63	-0,28	0,779306	-0,35298	0,724101	0,9101957
RP11-334J6.7	327,39	-0,29	0,818386	-0,35298	0,724105	0,9101957
RP11-316M24.1	48,29	-0,26	0,748635	-0,35293	0,724139	0,9101957
FAM178B	5,35	0,33	0,930147	0,352849	0,724202	0,9101957
TMC1	7,23	-0,40	1,140559	-0,35284	0,724211	0,9101957
HNRNPA0	486,72	-0,17	0,480608	-0,35279	0,724244	0,9101957
RP11-448G4.2	0,37	1,32	3,745313	0,352757	0,724271	NA
CLDN16	1,56	0,52	1,480434	0,352754	0,724273	NA
APOC4	0,44	0,72	2,028924	0,3527	0,724313	NA
DAZAP1	232,17	-0,16	0,449249	-0,3527	0,724316	0,9101957
RP5-1049N15.2	0,11	-1,32	3,748196	-0,35263	0,724367	NA
SLC10A1	5,33	-0,77	2,195792	-0,35262	0,72437	0,9101957
AC004009.2	0,15	-1,00	2,844029	-0,35261	0,724381	NA
RP11-15B17.1	0,11	-1,32	3,748196	-0,35256	0,724421	NA
SPTA1	0,07	-1,32	3,732635	-0,35253	0,724443	NA
EEF1A1P7	1,42	0,40	1,140143	0,352466	0,724489	NA
TCF21	14,33	0,27	0,754713	0,352457	0,724495	0,9101957
ZFAT	86,76	-0,35	0,991476	-0,35243	0,724513	0,9101957
NOCT	79,28	-0,26	0,743588	-0,35237	0,724561	0,9101957
MYBPH	0,08	-1,32	3,748196	-0,35235	0,724575	NA
AC012506.4	0,69	-0,56	1,588483	-0,35235	0,724578	NA
RP1-37N7.1	11,73	-0,44	1,247254	-0,35234	0,724583	0,9101957
SNRPB	1993,10	0,11	0,301238	0,352337	0,724585	0,9101957
RP11-422P24.9	0,34	1,25	3,550892	0,352319	0,724599	NA
RP11-1000B6.5	3,14	-0,64	1,830686	-0,35228	0,724626	NA
RP5-862P8.3	0,36	1,32	3,745302	0,352253	0,724649	NA
RP11-340A13.1	0,17	-1,32	3,746917	-0,35216	0,724715	NA
RP11-351N5.1	6,60	-0,34	0,975589	-0,35212	0,724752	0,9103135
PCCB	375,71	-0,22	0,630548	-0,35208	0,724777	0,9103135
RP11-56D16.8	0,11	-1,32	3,748196	-0,35202	0,72482	NA
ZNF219	12,56	-0,46	1,317573	-0,35201	0,72483	0,9103187
RNY4P6	0,36	1,32	3,745317	0,351993	0,724843	NA
SH3RF2	0,87	0,83	2,359943	0,351971	0,72486	NA
RP4-816N1.6	2,21	-0,83	2,36887	-0,35193	0,724889	NA
FLRT3	0,08	-1,31	3,73749	-0,35178	0,725001	NA
FAM209A	11,58	-0,76	2,163871	-0,35172	0,725045	0,9105276
RP11-119D9.5	0,11	-1,32	3,748196	-0,35171	0,725052	NA
RYKP1	0,97	1,31	3,733041	0,351665	0,72509	NA
RNU2-18P	0,46	0,95	2,706554	0,351561	0,725167	NA
ALKBH5	527,81	0,17	0,487753	0,351375	0,725307	0,9107947
DIRAS1	0,36	1,32	3,745316	0,35136	0,725318	NA
RP11-36D19.4	0,08	-1,32	3,748196	-0,35116	0,725468	NA
GRK7	3,72	-0,32	0,919347	-0,35109	0,725522	NA

AC007238.1	0,08	-1,32	3,748196	-0,35106	0,725545	NA
CTC-232P5.1	2,98	0,74	2,115741	0,351048	0,725552	NA
ZNF355P	0,08	-1,32	3,748196	-0,35101	0,72558	NA
BEST4	0,09	-1,32	3,748196	-0,35091	0,725657	NA
RP11-57407.1	0,08	-1,31	3,748196	-0,35081	0,725728	NA
RP3-395M20.8	18,85	-0,48	1,355682	-0,35076	0,725766	0,9111246
SLC39A9	259,75	-0,23	0,669302	-0,3507	0,725813	0,9111246
HMCE5	219,48	0,35	0,987306	0,350665	0,72584	0,9111246
RP11-77M5.1	13,02	0,52	1,484641	0,35066	0,725843	0,9111246
RP11-455J20.2	10,28	-0,27	0,781793	-0,35065	0,725853	0,9111246
LLNLR-245B6.1	69,73	0,23	0,647023	0,350633	0,725863	0,9111246
RPRM	0,14	-1,18	3,367604	-0,35059	0,725899	NA
RP11-466C23.5	0,08	-1,31	3,748196	-0,35047	0,725989	NA
ABCC10	116,04	-0,33	0,93555	-0,35044	0,726006	0,9112423
RP11-834C11.8	0,08	-1,31	3,748196	-0,35035	0,726074	NA
MAPK11	0,36	1,31	3,745221	0,350319	0,7261	NA
FEZ1	2,43	-0,38	1,088091	-0,35031	0,726107	NA
RP11-258F1.2	0,61	1,10	3,133471	0,350301	0,726113	NA
RP13-122B23.12	0,36	1,31	3,745364	0,350284	0,726125	NA
ZNF580	132,27	-0,19	0,549172	-0,35027	0,726133	0,911314
LYPLA2	358,01	-0,20	0,579976	-0,3502	0,726187	0,911314
HAUS7	152,02	-0,27	0,777122	-0,35012	0,726249	0,911314
C11orf72	32,15	0,28	0,793451	0,350065	0,72629	0,911314
RP11-697N18.1	0,11	-1,31	3,748196	-0,35003	0,726314	NA
CTB-134H23.2	1,59	-0,70	2,001476	-0,35003	0,726318	NA
USP6	31,32	0,33	0,955062	0,349997	0,726341	0,911314
AC020550.7	0,10	-1,31	3,748196	-0,34998	0,726351	NA
MALL	6,63	-0,26	0,734492	-0,34998	0,726357	0,911314
RNU4-87P	0,08	-1,31	3,748196	-0,34988	0,726427	NA
RP11-795J1.1	0,11	-1,31	3,748196	-0,34983	0,726463	NA
RP11-978P4.2	0,10	-1,31	3,748196	-0,34983	0,726468	NA
TAS2R43	0,36	1,31	3,745367	0,349826	0,726469	NA
PPP3CB	303,65	-0,23	0,654135	-0,34964	0,726606	0,9114222
RP11-705C15.5	6,02	-0,76	2,182327	-0,34962	0,726628	0,9114222
RP11-471M2.3	16,22	-0,48	1,364026	-0,34957	0,726658	0,9114222
RP11-701P16.4	0,38	1,31	3,745468	0,349472	0,726735	NA
RBMXL1	244,25	-0,27	0,758998	-0,34945	0,72675	0,9114222
CCNDBP1	870,88	0,20	0,560007	0,349376	0,726807	0,9114222
AC021188.4	0,10	-1,31	3,748196	-0,34931	0,726854	NA
RN7SKP3	0,35	1,24	3,543761	0,349272	0,726885	NA
PGF	3,78	0,39	1,111638	0,349271	0,726886	0,9114222
CCDC134	23,88	-0,61	1,743377	-0,34926	0,726891	0,9114222
AC009542.2	5,91	0,85	2,420081	0,349251	0,726901	0,9114222
MEF2A	1033,07	-0,11	0,30204	-0,34923	0,72692	0,9114222
ZNF341	62,84	-0,37	1,065711	-0,34921	0,726933	0,9114222
RP11-637O11.2	0,59	0,56	1,615884	0,349056	0,727048	NA
CFH	7,98	-0,81	2,328117	-0,34904	0,727057	0,9114326
VIPR1	235,84	-0,26	0,733567	-0,34899	0,727098	0,9114326
RP11-267N12.3	0,52	0,81	2,319219	0,348983	0,727102	NA
RN7SL734P	1,83	-0,51	1,466603	-0,34896	0,727119	NA

CCDC28B	105,67	-0,28	0,792381	-0,3489	0,727165	0,9114326
AC140725.4	0,12	-1,18	3,382424	-0,34887	0,727189	NA
CTD-2184D3.6	13,16	-0,42	1,19105	-0,34886	0,727193	0,9114326
ITIH1	2,45	0,64	1,837265	0,348845	0,727205	NA
RP11-179K3.2	3,16	0,29	0,820945	0,34883	0,727217	NA
TOP2B	876,32	0,13	0,366228	0,348808	0,727233	0,9114326
RP11-281A20.2	10,03	0,43	1,245302	0,348805	0,727236	0,9114326
MIR5000	0,36	1,31	3,745411	0,348787	0,727249	NA
CTD-2066L21.3	1,59	0,47	1,334953	0,348508	0,727459	NA
ZNF678	101,58	-0,37	1,049464	-0,34846	0,727494	0,9116956
RNU6-862P	0,36	1,31	3,745454	0,348452	0,727501	NA
RP11-761I4.4	3,09	0,73	2,086161	0,348403	0,727538	NA
VWA2	0,39	0,64	1,844603	0,348336	0,727588	NA
RP3-441A12.1	0,10	-1,31	3,748196	-0,34831	0,727608	NA
RP11-111A22.1	4,73	-0,37	1,058957	-0,34829	0,727623	0,9117185
RP1-102G20.3	52,62	-0,19	0,555935	-0,34828	0,727629	0,9117185
RPL23AP53	16,31	0,37	1,055107	0,34824	0,72766	0,9117185
CYP2C9	13,37	0,32	0,910288	0,348075	0,727784	0,9118127
PSMF1	809,90	0,18	0,52136	0,347959	0,727871	0,911827
RP11-756A22.7	26,99	0,48	1,382028	0,347929	0,727893	0,911827
PIN4	126,31	0,17	0,494486	0,347588	0,728149	0,911982
RN7SL89P	0,56	0,84	2,411876	0,347588	0,72815	NA
SCYL1	259,67	-0,20	0,565774	-0,34757	0,728163	0,911982
NT5C2	249,22	0,18	0,517139	0,347569	0,728164	0,911982
RP11-793J2.1	0,13	-1,17	3,37237	-0,34753	0,728195	NA
RALB	453,73	-0,17	0,477829	-0,34737	0,728316	0,9120446
NPIP15	35,09	0,37	1,063925	0,347314	0,728355	0,9120446
YIPF3	714,14	-0,15	0,424707	-0,34726	0,728395	0,9120446
ZDBF2	6,13	0,44	1,262635	0,347241	0,72841	0,9120446
RF00275	0,07	-1,30	3,748196	-0,34713	0,728493	NA
RP11-445O3.3	47,64	-0,31	0,882857	-0,34702	0,728575	0,9121895
AC005077.8	1,06	1,02	2,93288	0,346823	0,728725	NA
AC096775.2	0,10	-1,30	3,748196	-0,34681	0,728734	NA
HNRNPM	1213,51	0,11	0,326218	0,346769	0,728765	0,9123449
TMEM243	352,38	0,21	0,596096	0,346719	0,728802	0,9123449
MACF1	2145,19	0,13	0,363507	0,346642	0,72886	0,9123449
CTD-2288F12.1	1,09	-0,62	1,790219	-0,34661	0,728886	NA
MAP2K3	1229,49	-0,12	0,355439	-0,3466	0,728895	0,9123449
RP11-76P2.3	0,07	-1,30	3,747976	-0,34657	0,728918	NA
SMG5	358,81	0,27	0,771451	0,346464	0,728994	0,9123822
SPSB2	25,53	-0,47	1,358804	-0,34643	0,729023	0,9123822
KB-1125A3.10	0,10	-1,30	3,748196	-0,34639	0,729053	NA
RNU11-2P	0,55	1,09	3,1493	0,346356	0,729075	NA
TNIP2	154,59	-0,25	0,731317	-0,34631	0,729112	0,912409
ACOT8	195,76	0,31	0,901685	0,346266	0,729143	0,912409
AC022210.2	2,19	0,32	0,938556	0,346206	0,729188	NA
ZNF880	68,99	0,27	0,76596	0,346174	0,729212	0,9124241
CCDC79	5,77	-0,39	1,112723	-0,34612	0,729253	0,9124241
AC099850.1	1,96	-0,69	1,981986	-0,34611	0,729261	NA
RNF34	265,45	0,24	0,697315	0,345948	0,729382	0,9125245

LIMS4	0,32	0,85	2,469036	0,345938	0,729389	NA
REV3L	1043,05	-0,22	0,638092	-0,34584	0,729466	0,9125686
RP11-395I14.3	0,13	-1,17	3,378103	-0,34582	0,72948	NA
CCDC96	2,65	1,04	3,015204	0,345661	0,729598	NA
AC013791.10	1,12	-1,11	3,207006	-0,34565	0,729606	NA
AC104794.5	15,94	0,33	0,945342	0,345614	0,729633	0,9126682
SNORA70G	25,02	-0,43	1,247353	-0,3456	0,729644	0,9126682
RNU6-253P	0,35	1,29	3,74556	0,345492	0,729725	NA
TPRN	24,86	0,40	1,15538	0,345283	0,729882	0,9128334
FADS3	105,50	0,31	0,888942	0,345256	0,729902	0,9128334
ZNF75A	350,57	0,22	0,632559	0,345204	0,729941	0,9128334
SNRNP70	78,76	-0,26	0,749625	-0,34516	0,729972	0,9128334
CTD-2302E22.4	0,27	-1,01	2,917854	-0,34511	0,73001	NA
MB21D1	94,40	-0,25	0,718488	-0,34501	0,730086	0,9128407
FOXI3	0,93	0,55	1,600564	0,344986	0,730105	NA
RP11-567M16.3	0,35	1,29	3,745549	0,34498	0,730109	NA
ABCD1	105,66	-0,24	0,702222	-0,34489	0,730174	0,9128407
VPS16	438,16	-0,15	0,427071	-0,34489	0,730181	0,9128407
NBPF12	413,64	0,18	0,514255	0,344848	0,730209	0,9128407
RP11-628J14.2	0,07	-1,29	3,748196	-0,3448	0,730242	NA
ABI1	894,39	0,15	0,44753	0,344758	0,730276	0,9128407
CMTR2	138,27	-0,21	0,60802	-0,34474	0,730286	0,9128407
AC105053.3	23,91	-0,27	0,779653	-0,34458	0,730413	0,9128407
MOCS2	144,41	0,27	0,780179	0,344565	0,730422	0,9128407
RP1-29C18.9	71,60	0,25	0,734981	0,344538	0,730441	0,9128407
CES1	729,01	-0,13	0,382679	-0,34444	0,730513	0,9128407
GIPC2	0,73	0,87	2,529744	0,344393	0,730551	NA
STARD3NL	336,87	0,21	0,606956	0,344317	0,730608	0,9128407
SYN2	0,16	-0,98	2,839183	-0,34431	0,730611	NA
RP11-587H10.1	0,35	1,29	3,745604	0,344306	0,730616	NA
RNU6-235P	0,35	1,29	3,745605	0,344289	0,730629	NA
ABC7	396,86	0,23	0,673872	0,344283	0,730633	0,9128407
SNORA70B	0,33	1,21	3,514463	0,344282	0,730634	NA
SRRM4	10,43	-0,32	0,917249	-0,34428	0,730636	0,9128407
RP11-571E6.3	5,30	-0,52	1,498528	-0,34413	0,730746	0,9128407
CTD-2192J16.22	564,02	0,13	0,388025	0,344063	0,730799	0,9128407
EIF2S1	791,66	0,22	0,646405	0,343976	0,730864	0,9128407
AMN1	46,69	-0,26	0,759539	-0,34396	0,730875	0,9128407
ATP6V1C1	468,92	-0,23	0,676175	-0,3439	0,73092	0,9128407
RP11-681O4.1	0,92	-0,84	2,428774	-0,34389	0,730925	NA
RP11-85I17.2	18,30	-0,24	0,704879	-0,34385	0,73096	0,9128407
RP11-249M12.2	3,74	-0,43	1,236621	-0,34384	0,730965	NA
RP11-324C10.1	14,13	0,26	0,761772	0,343834	0,730971	0,9128407
RP1-137F1.3	0,15	-1,16	3,359404	-0,34382	0,730985	NA
AC098973.2	1,01	0,60	1,736573	0,343813	0,730987	NA
SYAP1	762,53	0,11	0,329808	0,343717	0,731059	0,9128407
RP11-413E1.2	0,72	0,84	2,441362	0,343627	0,731127	NA
MED14OS	25,94	0,40	1,154692	0,343603	0,731145	0,9128407
DKC1	484,98	-0,19	0,556499	-0,34354	0,731195	0,9128407
CD4	1883,93	0,13	0,372619	0,343507	0,731217	0,9128407

RP11-31L22.4	0,61	1,26	3,658434	0,343506	0,731218	NA
AC090937.2	534,29	-0,15	0,428427	-0,34344	0,731267	0,9128407
CTBP1-AS	1,32	0,65	1,878897	0,343407	0,731293	NA
RP11-284E5.1	197,95	0,16	0,451426	0,343394	0,731302	0,9128407
SF3B3	612,66	-0,16	0,461871	-0,34333	0,731349	0,9128407
RP11-276H1.3	9,51	-0,23	0,661906	-0,34328	0,731389	0,9128407
PLLP	157,18	0,27	0,799733	0,343262	0,731401	0,9128407
RP11-474B12.1	0,33	1,22	3,54269	0,343248	0,731412	NA
IL12A	0,54	1,07	3,110928	0,343248	0,731412	NA
AMPD2	2080,18	0,14	0,400199	0,34318	0,731463	0,9128567
RP11-680B3.2	7,12	-0,27	0,798865	-0,34311	0,731514	0,9128598
RP11-83B20.6	0,19	-0,84	2,446943	-0,34291	0,731667	NA
RP11-316O14.1	1,88	-0,91	2,668242	-0,34284	0,731718	NA
LRP2BP	15,38	0,28	0,815116	0,34283	0,731726	0,913063
AC004112.4	0,35	1,28	3,745456	0,342801	0,731748	NA
EXT2	202,82	0,29	0,85963	0,342702	0,731822	0,9131214
AC099548.6	0,69	-1,23	3,595507	-0,34248	0,731993	NA
RP11-320P7.1	1,62	-0,64	1,883186	-0,34246	0,732007	NA
RF00157	0,08	-1,28	3,748196	-0,3424	0,732051	NA
RP11-83J16.1	0,52	1,08	3,154616	0,342372	0,732071	NA
ZNF530	42,06	0,37	1,068264	0,342341	0,732094	0,9132456
RP11-369G6.3	4,30	-0,30	0,877562	-0,34232	0,732112	0,9132456
RAET1K	0,58	1,07	3,123833	0,34228	0,73214	NA
YEATS4	91,48	0,31	0,908021	0,342215	0,732189	0,9132456
AC009961.3	41,71	-0,27	0,783054	-0,34206	0,732307	0,9132456
CTD-2325M2.1	16,67	0,27	0,800897	0,34203	0,732328	0,9132456
RP11-556N21.1	1,97	-0,61	1,797716	-0,342	0,732349	NA
AMIGO2	7,00	-0,64	1,872998	-0,34197	0,732373	0,9132456
RCHY1	147,60	0,31	0,898881	0,341916	0,732414	0,9132456
RP11-285G1.9	0,07	-1,28	3,748196	-0,34174	0,732549	NA
RN7SL604P	1,72	-0,56	1,629146	-0,34174	0,73255	NA
RFLNB	132,71	-0,29	0,842635	-0,34164	0,732623	0,9132456
SCARNA17	5,15	-0,54	1,572141	-0,34158	0,732665	0,9132456
PRODH	13,04	0,40	1,163727	0,341558	0,732684	0,9132456
ACE	16,35	-0,36	1,061213	-0,3415	0,732724	0,9132456
NDUFAF5	278,99	-0,33	0,95801	-0,34143	0,732779	0,9132456
PNPLA8	772,27	-0,17	0,503075	-0,34138	0,732818	0,9132456
AMDHD2	16,21	0,48	1,406201	0,341366	0,732828	0,9132456
CTD-2583A14.10	4,47	0,87	2,536942	0,341328	0,732856	0,9132456
PLPP1	13,60	0,43	1,251425	0,341104	0,733026	0,9132456
OAS1	1082,57	0,21	0,626343	0,340941	0,733148	0,9132456
TMEM185A	78,70	-0,29	0,851626	-0,34092	0,733163	0,9132456
CDIPT	337,23	-0,28	0,812621	-0,34091	0,733169	0,9132456
PTGES2	161,99	0,32	0,94226	0,340773	0,733274	0,9132456
RP11-1018N14.1	8,10	0,24	0,696999	0,340736	0,733302	0,9132456
RP1-221C16.8	15,08	-0,30	0,883192	-0,34073	0,733306	0,9132456
NBDY	528,06	-0,16	0,456396	-0,34072	0,733315	0,9132456
FGF7	16,77	-0,81	2,367243	-0,3407	0,733329	0,9132456
IL31RA	5,81	-0,79	2,333394	-0,3406	0,733405	0,9132456
SNRNP27	277,27	-0,22	0,64979	-0,34045	0,733516	0,9132456

RF00622	0,54	-1,26	3,689725	-0,34044	0,733525	NA
RP5-1043L3.1	10,64	-0,32	0,941499	-0,34042	0,733541	0,9132456
CDH4	4,33	-0,48	1,424095	-0,3404	0,733552	0,9132456
CTC-268N12.2	0,75	0,95	2,80217	0,340343	0,733598	NA
LL22NC03-2H8.5	711,64	-0,21	0,612214	-0,34034	0,733601	0,9132456
AKTIP	25,23	0,34	0,998341	0,34033	0,733608	0,9132456
RNU1-91P	0,47	-1,26	3,696289	-0,34026	0,733658	NA
TRO	0,27	-1,27	3,745051	-0,34023	0,733683	NA
AC093826.2	5,14	0,63	1,837041	0,340228	0,733685	0,9132456
KRIT1	189,56	-0,17	0,510999	-0,3402	0,733702	0,9132456
AP1AR	118,01	-0,18	0,534863	-0,3402	0,733707	0,9132456
ZNF782	23,05	-0,33	0,982321	-0,34016	0,733735	0,9132456
LYPLAL1	178,41	-0,26	0,760302	-0,34014	0,733747	0,9132456
ERMARD	180,83	-0,30	0,892493	-0,34009	0,733792	0,9132456
CCDC66	146,89	0,23	0,673554	0,340043	0,733824	0,9132456
CACTIN	59,19	-0,28	0,835838	-0,33998	0,73387	0,9132456
QKI	2046,76	0,08	0,233812	0,339962	0,733885	0,9132456
NAGA	986,61	-0,17	0,503789	-0,33996	0,733885	0,9132456
RP11-674P19.2	1,57	-0,59	1,746559	-0,33984	0,73398	NA
CTSO	248,13	0,23	0,686896	0,339782	0,73402	0,9132976
WASHC5	248,74	-0,25	0,721701	-0,33978	0,734025	0,9132976
RF00090	1,04	-1,10	3,238846	-0,33936	0,734339	NA
OR2L2	15,30	-0,18	0,539864	-0,33932	0,73437	0,9136156
MIR6077	0,29	1,00	2,938421	0,339271	0,734406	NA
CTD-2651B20.3	10,69	-0,38	1,115658	-0,33925	0,734423	0,9136156
HSPA2	4,19	-0,32	0,940524	-0,33924	0,734428	0,9136156
CLCN7	248,21	-0,29	0,862559	-0,33908	0,734548	0,9137042
RP1-8B1.4	0,41	0,78	2,308975	0,339045	0,734576	NA
LRRC41	326,04	-0,16	0,470806	-0,33895	0,734649	0,9137677
RP11-179B2.2	2,28	-0,47	1,386095	-0,33894	0,734651	NA
CTD-2540L5.4	0,28	1,01	2,995006	0,338888	0,734694	NA
BBS12	1,04	1,10	3,246733	0,338844	0,734727	NA
TTLL11-IT1	0,54	1,27	3,745788	0,338728	0,734814	NA
SCGB3A2	22,72	-0,34	1,007891	-0,33862	0,734899	0,9139802
RP11-419C5.2	4,96	0,49	1,457953	0,33858	0,734926	0,9139802
GFAP	33,20	0,23	0,670603	0,338526	0,734967	0,9139802
RP11-584P21.2	14,77	-0,44	1,295629	-0,33843	0,735042	0,9139949
DHX57	261,42	0,17	0,492873	0,33838	0,735077	0,9139949
KAT6B	385,82	-0,19	0,573166	-0,33831	0,73513	0,9139995
HBM	0,08	-1,27	3,748196	-0,3383	0,735138	NA
INCENP	3,48	-0,52	1,536209	-0,3382	0,735213	NA
RP11-977G19.10	2,64	-0,83	2,459631	-0,33813	0,735264	NA
BHLHB9	3,71	0,28	0,841556	0,337984	0,735376	NA
C8orf49	27,46	-0,20	0,57741	-0,33797	0,735388	0,9142601
HOXB6	1,92	0,63	1,855214	0,337949	0,735402	NA
KRTCAP2	544,01	-0,09	0,261652	-0,33784	0,73548	0,9143132
KB-1980E6.3	0,68	-0,49	1,450749	-0,33767	0,735614	NA
RP11-463I20.4	3,47	0,49	1,447909	0,337539	0,73571	NA
HOXA-AS4	3,19	0,56	1,649428	0,337297	0,735893	NA
RP11-74C1.4	3,67	0,77	2,297043	0,337201	0,735966	NA

RP11-265B8.5	0,71	0,84	2,478487	0,336984	0,736129	NA
UBLCP1	289,98	0,18	0,545775	0,336947	0,736157	0,9149783
CYTOR	519,52	0,11	0,316074	0,33692	0,736177	0,9149783
RP11-368I7.6	15,70	-0,32	0,946462	-0,33689	0,736201	0,9149783
ABL2	310,34	0,23	0,684264	0,336874	0,736212	0,9149783
RNU6-466P	0,52	1,26	3,745861	0,336739	0,736314	NA
HIST1H2BB	0,36	1,26	3,745866	0,336549	0,736457	NA
NDOR1	18,33	-0,35	1,047983	-0,33654	0,736462	0,9152274
RP11-439A17.5	0,34	1,26	3,745919	0,33646	0,736524	NA
ARL6IP5	2382,92	-0,10	0,29483	-0,33631	0,736635	0,9152427
DCAF8	642,74	-0,14	0,420677	-0,3363	0,736645	0,9152427
AC116366.5	0,89	1,25	3,727323	0,336255	0,736678	NA
LRRC19	24,52	-0,33	0,981525	-0,33623	0,736698	0,9152427
RN7SKP181	10,57	-0,33	0,984377	-0,33617	0,736741	0,9152427
CTD-2374C24.1	0,84	-1,24	3,678133	-0,33607	0,736818	NA
PMM2	223,22	-0,20	0,594944	-0,33604	0,736843	0,9152427
RP11-390B4.3	21,55	0,73	2,16537	0,336036	0,736844	0,9152427
RP5-920G3.3	0,46	1,26	3,745925	0,336006	0,736866	NA
STIM1	321,64	-0,19	0,579637	-0,33601	0,736867	0,9152427
TM9SF2	1386,12	0,13	0,374054	0,335963	0,736899	0,9152427
RP11-314M24.1	2,52	0,59	1,762719	0,335953	0,736906	NA
RP13-204A15.3	0,49	1,26	3,745885	0,335941	0,736915	NA
AASS	9,64	0,65	1,925398	0,335928	0,736925	0,9152427
SPATA24	5,53	-0,81	2,404714	-0,33586	0,736975	0,9152427
C1orf220	22,77	-0,34	1,022532	-0,33581	0,737015	0,9152427
RP11-19C24.1	0,50	1,26	3,745924	0,335787	0,737032	NA
PSMA7	3912,04	0,07	0,217014	0,335658	0,737129	0,9152956
BORCS7-ASMT	5,79	-0,72	2,156613	-0,33562	0,737156	0,9152956
RP11-85L21.5	0,36	1,26	3,745894	0,335621	0,737157	NA
PCP2	0,20	-1,13	3,368638	-0,33555	0,737208	NA
ADCY7	564,21	-0,16	0,473548	-0,33553	0,737225	0,9153205
RP11-216N14.5	0,08	-1,26	3,748196	-0,33553	0,737226	NA
GNA15	187,66	0,22	0,660423	0,335092	0,737556	0,9156192
RP11-99H8.1	5,60	-0,28	0,827869	-0,33506	0,737582	0,9156192
ZNF718	40,42	0,41	1,237167	0,334947	0,737665	0,9156192
RFWD3	109,75	-0,25	0,734958	-0,33493	0,737675	0,9156192
RN7SL392P	2,12	0,54	1,608296	0,334853	0,737736	NA
MGAT2	55,15	0,70	2,078818	0,334843	0,737744	0,9156192
RP11-320L11.2	0,26	-1,14	3,416274	-0,33481	0,737772	NA
RP11-493E3.1	0,92	1,25	3,733513	0,334796	0,737779	NA
PSMB8	3240,73	-0,08	0,244833	-0,33479	0,737787	0,9156192
B3GALT4	80,21	-0,40	1,205002	-0,33475	0,737814	0,9156192
CACNA1E	3,70	-0,60	1,785051	-0,33469	0,737861	NA
RP11-492I2.1	0,52	-0,61	1,834133	-0,33467	0,737876	NA
ZNF431	208,95	0,19	0,560613	0,33464	0,737896	0,9156192
CYB5D2	34,33	0,31	0,915053	0,334624	0,737909	0,9156192
RP11-60E8.3	0,34	1,25	3,745985	0,334559	0,737958	NA
JAK3	1312,61	0,11	0,329216	0,334534	0,737976	0,9156291
PNMA6A	0,59	1,22	3,652786	0,334513	0,737993	NA
TMEM265	158,79	-0,34	1,02989	-0,33448	0,738015	0,9156291

NFRKB	253,95	-0,34	1,018232	-0,33435	0,738113	0,9156883
AC133785.1	0,65	0,60	1,805073	0,334114	0,738294	NA
AMD1	1090,86	0,18	0,529693	0,334094	0,738309	0,9156883
RP11-574K11.24	151,65	0,25	0,76185	0,334086	0,738315	0,9156883
TBC1D10A	139,93	0,25	0,74482	0,334079	0,73832	0,9156883
XXbac-B562F10.10	15,82	-0,91	2,723919	-0,33403	0,73836	0,9156883
RP11-822E23.8	2,34	0,83	2,492035	0,334014	0,738369	NA
PPME1	143,91	-0,29	0,86261	-0,334	0,73838	0,9156883
NOC4L	170,25	-0,21	0,614431	-0,3339	0,738457	0,9156883
GAN	139,84	0,22	0,669334	0,333872	0,738476	0,9156883
NAB1	225,27	-0,24	0,73221	-0,33375	0,738571	0,9156883
RP11-331G2.8	49,55	-0,32	0,969046	-0,33373	0,738582	0,9156883
AC147651.4	69,76	-0,44	1,314288	-0,3337	0,738604	0,9156883
CCL20	0,62	-0,71	2,122059	-0,33364	0,738652	NA
CTD-2540B15.9	1,00	0,85	2,549773	0,333603	0,73868	NA
RP11-134F2.7	0,33	1,25	3,745913	0,333565	0,738708	NA
SLAMF6	10,04	-0,34	1,005767	-0,33355	0,738722	0,915741
RNU7-10P	1,20	0,77	2,310979	0,333469	0,73878	NA
LCTL	5,54	-0,30	0,907321	-0,33339	0,738841	0,915741
METRNL	1309,99	0,15	0,442368	0,333353	0,738868	0,915741
IRF9	527,59	-0,13	0,394282	-0,33335	0,738871	0,915741
CTD-2021K4.1	385,99	0,19	0,556379	0,333297	0,73891	0,915741
MORN2	24,46	0,58	1,746781	0,333211	0,738975	0,915741
AC011816.3	0,34	1,25	3,745912	0,333204	0,73898	NA
SERTAD1	558,05	0,21	0,625056	0,33314	0,739028	0,915741
ESF1	244,16	0,23	0,690472	0,333124	0,739041	0,915741
RP5-1175C6.1	3,52	-0,49	1,482416	-0,33306	0,739092	NA
TNNI2	153,74	0,30	0,909865	0,333048	0,739098	0,9157513
AC010967.2	0,52	1,25	3,745973	0,333031	0,739111	NA
RP11-589O3.1	0,58	0,58	1,741742	0,333023	0,739117	NA
TNFSF12-TNFSF13	263,60	-0,73	2,194209	-0,33291	0,739203	0,9158202
RP11-7F17.3	1,95	-0,38	1,149416	-0,33287	0,73923	NA
RP11-414P19.1	0,59	1,23	3,685739	0,332717	0,739348	NA
TTC25	41,52	-0,48	1,433444	-0,33268	0,739375	0,915972
RP11-190C22.1	0,53	-0,61	1,826345	-0,33262	0,739418	NA
RP11-68E19.2	4,96	0,36	1,074426	0,332404	0,739584	0,916149
SPATA21	16,24	-0,39	1,18488	-0,33236	0,739616	0,916149
RP11-142G7.1	1,82	0,37	1,113214	0,332308	0,739656	NA
ERVW-1	475,16	-0,26	0,780371	-0,33222	0,739724	0,9162216
RP11-515O17.2	0,69	0,59	1,784852	0,33208	0,739829	NA
TEX14	56,08	-0,28	0,840029	-0,33204	0,739863	0,9162756
RP11-439K3.3	12,17	0,36	1,075144	0,332031	0,739866	0,9162756
FAM47E	102,89	-0,25	0,766962	-0,33192	0,739952	0,9163213
CTD-2085J24.3	3,02	0,60	1,797473	0,331852	0,740001	NA
RP11-345I18.4	0,33	1,24	3,746055	0,331835	0,740014	NA
RP11-558M24.1	0,34	1,24	3,746015	0,331696	0,740118	NA
RP11-475I24.8	0,46	1,24	3,746019	0,331653	0,740151	NA
TRPM6	8,26	0,26	0,794194	0,33164	0,740161	0,916438
RP11-638F5.2	12,16	-0,26	0,774233	-0,33162	0,740176	0,916438
EGR2	482,83	-0,25	0,759384	-0,3316	0,740194	0,916438

AMMECR1L	133,39	0,28	0,850627	0,331202	0,740492	0,9167457
RP11-230L22.4	0,41	-0,99	2,986943	-0,33108	0,740584	NA
CTB-92J24.3	5,94	-0,50	1,50999	-0,33101	0,740638	0,9168183
TMEM170B	591,97	0,15	0,443742	0,330994	0,740649	0,9168183
BBS9	53,83	-0,40	1,207068	-0,33092	0,740702	0,9168231
YIPF5	272,90	-0,23	0,688507	-0,33086	0,740753	0,916825
RP11-521I2.3	6,97	0,90	2,719907	0,33058	0,740962	0,9169787
TTLL3	413,31	-0,16	0,488476	-0,33056	0,740976	0,9169787
RP11-5C23.2	0,83	1,06	3,196843	0,330529	0,741	NA
RP11-422N19.3	3,78	0,78	2,371808	0,330446	0,741063	0,9170257
ANKRD36C	393,97	-0,20	0,610594	-0,3303	0,741175	0,9170263
COMMD8	461,16	0,20	0,617231	0,330279	0,741189	0,9170263
TRIQQ	108,93	-0,29	0,885155	-0,33025	0,741212	0,9170263
CTD-2525I3.6	5,18	0,36	1,089127	0,330148	0,741288	0,9170605
RRAS2	2,22	-0,58	1,757976	-0,33012	0,741312	NA
CTD-2522E6.4	0,33	1,24	3,746037	0,330026	0,74138	NA
RP11-44F14.2	57,42	0,19	0,561882	0,329976	0,741418	0,9171595
AC000078.5	0,33	1,24	3,746068	0,329944	0,741442	NA
AC010976.2	21,85	-0,22	0,675938	-0,32975	0,74159	0,9172197
TSEN34	488,99	-0,18	0,556789	-0,32974	0,741595	0,9172197
RP11-239H6.2	0,34	1,24	3,746087	0,329694	0,741631	NA
PPM1M	254,17	-0,24	0,740177	-0,32968	0,741643	0,9172197
GAS6-AS2	4,97	-0,36	1,096512	-0,32965	0,741664	0,9172197
SMCR2	2,75	1,21	3,658701	0,329616	0,74169	NA
OIT3	0,34	1,23	3,745812	0,329349	0,741892	NA
C15orf39	785,16	0,14	0,42986	0,329338	0,741901	0,9173742
HACD2	384,21	-0,19	0,580447	-0,32932	0,741917	0,9173742
SMIM2-AS1	7,67	-0,36	1,082939	-0,32922	0,741993	0,9173742
RP4-568F9.6	80,17	-0,23	0,7068	-0,32916	0,742038	0,9173742
P2RY6	368,76	-0,28	0,852795	-0,3291	0,742083	0,9173742
CMPK2	289,99	-0,32	0,978717	-0,32909	0,742084	0,9173742
SLC2A3	2081,95	-0,12	0,365605	-0,32896	0,742184	0,9173842
MARC1	108,89	0,38	1,158559	0,328936	0,742204	0,9173842
AC010980.2	18,43	-0,36	1,08433	-0,32889	0,742241	0,9173842
RP11-630D6.5	6,58	0,30	0,920593	0,32877	0,74233	0,9174337
MIR491	0,91	1,23	3,731816	0,328696	0,742385	NA
ANXA10	0,60	1,23	3,740115	0,328663	0,742411	NA
CCDC8	15,42	0,33	0,991049	0,328457	0,742566	0,9175805
CH17-268I9.2	8,31	0,25	0,762551	0,328443	0,742577	0,9175805
RSPH14	5,67	-0,73	2,221597	-0,32841	0,742605	0,9175805
OR7E117P	0,40	-0,99	3,019297	-0,32839	0,742617	NA
GAR1	47,01	-0,31	0,954949	-0,32835	0,742646	0,9175805
RP11-542C16.2	2,40	-0,51	1,538989	-0,32816	0,742794	NA
KIF15	5,64	0,65	1,969233	0,328135	0,74281	0,9175888
RP11-159D12.10	16,04	-0,27	0,814326	-0,32813	0,742816	0,9175888
PMVK	161,01	-0,27	0,823569	-0,32811	0,742831	0,9175888
SH3TC1	911,14	-0,15	0,451577	-0,32804	0,742885	0,9175888
ENTPD4	382,48	0,24	0,726467	0,328016	0,742899	0,9175888
AC090018.3	2,42	0,75	2,272335	0,327965	0,742938	NA
RP11-147N17.1	0,07	-1,23	3,748196	-0,32796	0,742943	NA

TMEM150C	3,54	0,41	1,237213	0,327956	0,742945	NA
RDH16	69,16	-0,14	0,427189	-0,32793	0,742966	0,9176101
CXorf25	0,34	1,23	3,745723	0,327757	0,743096	NA
STXBP3	555,44	0,18	0,535062	0,327732	0,743114	0,9176867
CRK	463,65	0,17	0,51641	0,327716	0,743126	0,9176867
RP1-142L7.9	0,33	1,23	3,746142	0,327582	0,743228	NA
C9orf37	86,73	-0,31	0,942038	-0,32754	0,743259	0,9177889
ACBD4	21,34	0,27	0,809589	0,32746	0,74332	0,9178043
TBC1D2	110,19	0,39	1,176583	0,327298	0,743443	0,9178942
GPR26	0,77	0,91	2,776031	0,327295	0,743445	NA
RP11-375N15.2	0,31	-1,22	3,717468	-0,32726	0,743475	NA
NTRK1	0,48	-0,85	2,60963	-0,32717	0,743536	NA
RP11-369K16.1	0,22	0,70	2,151514	0,326981	0,743682	NA
RP1-313L4.3	2,74	-0,54	1,650034	-0,32697	0,743688	NA
SIGLEC7	244,02	0,24	0,741462	0,326826	0,7438	0,9182217
SYNPR	34,67	-0,35	1,062246	-0,32682	0,743806	0,9182217
RP11-497H16.7	94,33	0,28	0,864079	0,326599	0,743972	0,918238
LAMTOR2	949,72	0,08	0,242956	0,326591	0,743978	0,918238
PMS2CL	90,98	-0,21	0,658153	-0,32655	0,744005	0,918238
CECR7	31,04	-0,31	0,951669	-0,32654	0,744017	0,918238
TSEN54	118,60	0,28	0,847832	0,326377	0,744139	0,9183274
RNU5F-6P	2,69	-0,75	2,287921	-0,32626	0,744229	NA
VPS28	1370,87	-0,09	0,268846	-0,32622	0,744261	0,9184167
RP11-206L10.4	12,11	-0,44	1,343748	-0,32613	0,744326	0,918429
MAPRE3	9,13	0,52	1,58202	0,326073	0,744369	0,918429
RP11-268G12.3	1,11	0,85	2,618032	0,325915	0,744488	NA
RP11-234K19.1	0,33	1,22	3,746196	0,325819	0,744561	NA
CTD-2010I22.2	5,66	-0,27	0,842781	-0,32574	0,744619	0,9186535
RP11-274A11.3	0,33	1,22	3,746216	0,325715	0,74464	NA
METTL21A	226,41	-0,23	0,694406	-0,32565	0,744691	0,9186535
NAGLU	197,82	-0,29	0,88247	-0,32548	0,744819	0,9186535
GTPBP1	315,32	0,21	0,639324	0,325421	0,744862	0,9186535
LMNB2	68,51	-0,35	1,083111	-0,32533	0,744929	0,9186535
SMARCE1	912,44	0,15	0,46084	0,325265	0,74498	0,9186535
AC093484.4	0,33	-1,21	3,72549	-0,32522	0,745012	NA
RP11-363N22.3	10,64	-0,27	0,820434	-0,32521	0,745026	0,9186535
TTI1	83,72	0,31	0,963654	0,325178	0,745046	0,9186535
ZP1	0,49	1,22	3,741942	0,325067	0,74513	NA
RP11-160H22.3	52,90	-0,42	1,282482	-0,32505	0,745139	0,9186535
HTRA2	83,04	0,36	1,107919	0,325033	0,745156	0,9186535
POU4F2	0,37	0,67	2,049513	0,324957	0,745214	NA
ID1	681,81	-0,20	0,611011	-0,32493	0,745236	0,9186535
MAP4K2	122,95	0,24	0,727404	0,324883	0,74527	0,9186535
MIR4518	0,32	1,22	3,74623	0,324822	0,745316	NA
OR6M2P	20,89	-0,60	1,84909	-0,32471	0,745403	0,9186535
FBXW7	617,87	-0,16	0,486795	-0,3247	0,745409	0,9186535
WRAP73	319,38	-0,28	0,858522	-0,32469	0,745415	0,9186535
UBE2R2	907,44	-0,12	0,381007	-0,32469	0,745417	0,9186535
RP11-1078H9.6	3,76	-0,37	1,133578	-0,32469	0,745419	NA
RP11-1102P22.2	125,71	-0,25	0,771801	-0,32449	0,745569	0,9186535

MIR5087	0,84	1,04	3,209844	0,324444	0,745602	NA
CTC-207P7.1	3,91	-0,54	1,662792	-0,32444	0,745603	0,9186535
TIMMDC1	487,16	0,18	0,540889	0,324346	0,745676	0,9186535
METTL5	259,49	-0,28	0,858243	-0,32434	0,745682	0,9186535
RANBP17	72,70	-0,23	0,724593	-0,32431	0,745704	0,9186535
RP11-520H14.6	1,10	-0,59	1,808954	-0,32429	0,745719	NA
RPS3AP47	2,58	-0,29	0,906143	-0,32428	0,745724	NA
CYP2W1	0,50	0,75	2,324582	0,324253	0,745747	NA
FBXL18	40,12	0,18	0,56321	0,324185	0,745798	0,9186535
BORCS7	608,45	-0,19	0,589495	-0,32417	0,745806	0,9186535
RP11-809F4.4	0,32	1,21	3,746249	0,324103	0,74586	NA
C16orf74	178,99	0,21	0,638664	0,32405	0,7459	0,9186535
RP11-59E19.4	2,36	0,62	1,928162	0,324034	0,745912	NA
EIF5B	563,09	-0,15	0,466933	-0,32401	0,745927	0,9186535
SLC22A2	7,01	0,59	1,809497	0,32398	0,745953	0,9186535
RP11-681N23.1	0,57	0,49	1,52174	0,323978	0,745955	NA
CLTB	392,78	0,17	0,516985	0,323967	0,745963	0,9186535
RP5-823G15.5	0,53	1,00	3,097265	0,323945	0,74598	NA
PSMC3IP	0,28	-1,09	3,372084	-0,32393	0,74599	NA
RDH13	116,42	-0,20	0,617978	-0,32389	0,74602	0,9186535
AC093590.1	5,49	-0,58	1,780972	-0,32382	0,746072	0,9186535
GOLGA8A	211,31	0,27	0,832896	0,323819	0,746075	0,9186535
RN7SL597P	6,49	-0,49	1,51522	-0,32374	0,746131	0,9186535
CADPS2	0,35	-0,82	2,523141	-0,32371	0,746154	NA
AC124997.1	0,79	-0,66	2,026452	-0,32368	0,746177	NA
MTBP	40,48	-0,26	0,789271	-0,32365	0,746206	0,9186535
RP11-1236K1.5	0,32	1,21	3,746202	0,323593	0,746246	NA
RP11-608B3.1	9,61	0,40	1,241202	0,323578	0,746257	0,9186535
TTC30B	12,54	0,55	1,695577	0,323533	0,746292	0,9186535
PLEKHO1	1576,89	-0,11	0,3371	-0,32348	0,746332	0,9186535
RRS1	45,71	0,32	0,99673	0,323438	0,746364	0,9186535
AC092171.4	19,76	-0,27	0,836795	-0,32342	0,746378	0,9186535
RP11-13P5.1	7,73	0,61	1,879336	0,323273	0,746489	0,9187287
RP11-178C10.2	33,24	-0,55	1,692992	-0,32297	0,746717	0,918745
SEL1L3	244,31	-0,23	0,705712	-0,32297	0,74672	0,918745
CDH17	6,67	0,29	0,912269	0,32293	0,746748	0,918745
RP11-642N14.1	3,78	0,69	2,125688	0,322917	0,746758	0,918745
RP3-355L5.2	0,45	0,88	2,715326	0,32283	0,746824	NA
RP1-37N7.3	2,65	0,62	1,913012	0,322824	0,746828	NA
NUP93	404,82	0,14	0,446296	0,322814	0,746836	0,918745
AHI1	115,18	0,23	0,71775	0,322809	0,74684	0,918745
RP11-329N15.3	34,99	0,29	0,903406	0,322776	0,746865	0,918745
MAGI1-IT1	12,48	0,31	0,951382	0,322734	0,746897	0,918745
SIGLEC20P	0,32	1,21	3,746277	0,322733	0,746897	NA
DEPDC7	20,35	0,56	1,73868	0,322629	0,746976	0,9187578
SCD	131,18	0,28	0,88335	0,322589	0,747006	0,9187578
RP11-117N2.2	0,91	1,20	3,734038	0,322552	0,747034	NA
AC123788.3	9,51	-0,27	0,843296	-0,32251	0,747063	0,918767
RP11-157H4.1	0,51	1,01	3,14352	0,322367	0,747175	NA
AC005537.2	60,99	0,40	1,240219	0,322286	0,747236	0,9188819

MRPL38	258,47	0,17	0,527818	0,322261	0,747255	0,9188819
CTD-2666L21.2	0,33	1,21	3,746246	0,322148	0,747341	NA
RP11-127B16.1	7,55	0,49	1,508113	0,322011	0,747444	0,9190538
SART3	294,88	-0,25	0,779472	-0,32195	0,747494	0,9190541
TRGV2	0,43	-1,10	3,410026	-0,32193	0,747507	NA
RP11-18B3.3	1,96	0,96	2,976769	0,321839	0,747575	NA
ARHGEF4	10,17	-0,19	0,59036	-0,32183	0,747584	0,9191044
AC010907.2	1,81	-0,76	2,348007	-0,32174	0,747652	NA
C18orf54	6,91	-0,60	1,853802	-0,32157	0,74778	0,9192844
PDAP1	233,44	-0,15	0,461673	-0,32141	0,7479	0,9193709
RP4-751H13.5	0,32	1,20	3,746309	0,321383	0,74792	NA
RNU2-68P	0,71	0,78	2,4337	0,321365	0,747934	NA
CHRNA	0,20	-0,69	2,155647	-0,32121	0,748055	NA
RP11-298O21.3	5,93	-0,84	2,620625	-0,32109	0,748143	0,919523
DPH5	120,89	-0,23	0,716421	-0,32108	0,74815	0,919523
RP11-428C6.2	7,29	-0,54	1,669879	-0,32099	0,748221	0,919523
RP1-93I3.1	19,99	0,32	0,99375	0,320985	0,748221	0,919523
RNU6-198P	2,23	1,08	3,367747	0,320888	0,748295	NA
HEXDC	327,63	0,18	0,560842	0,320863	0,748314	0,9195763
RP11-143K11.7	0,30	1,13	3,515756	0,320824	0,748343	NA
ITGB1BP1	647,56	0,14	0,425698	0,320618	0,7485	0,919664
RP11-526D8.7	5,57	-0,53	1,647173	-0,32061	0,748509	0,919664
RP5-971N18.3	30,69	-0,33	1,031989	-0,32057	0,748534	0,919664
WWP1	226,25	0,21	0,660897	0,320478	0,748606	0,9196916
RP11-425M5.7	0,59	1,17	3,640508	0,320409	0,748658	NA
BMP3	0,87	0,53	1,65692	0,320335	0,748715	NA
PACS2	450,00	-0,15	0,466575	-0,32022	0,748803	0,9198727
AL109761.3	0,21	-1,20	3,746276	-0,32022	0,748804	NA
TUBB	940,05	-0,14	0,433625	-0,32006	0,74892	0,9199007
TRIM41	124,54	-0,15	0,455374	-0,32006	0,748924	0,9199007
RN7SKP16	1,07	-0,90	2,809001	-0,32003	0,748947	NA
RN7SL622P	1,23	-0,45	1,395019	-0,31998	0,748981	NA
AP001258.5	0,32	1,20	3,74632	0,319968	0,748993	NA
IGLV3-25	1,19	0,75	2,346677	0,319959	0,749	NA
CTD-2574D22.3	50,82	-0,23	0,703842	-0,31989	0,749052	0,9199974
RP11-628M2.1	8,01	0,52	1,632	0,319633	0,749246	0,9200318
AGO3	487,22	-0,17	0,5451	-0,31963	0,749252	0,9200318
GIMAP2	368,73	0,22	0,677785	0,319617	0,749259	0,9200318
RP11-397A16.3	15,06	-0,62	1,930512	-0,31959	0,749278	0,9200318
CTC-512J14.4	0,76	-0,43	1,335738	-0,31952	0,749336	NA
RP11-296A18.5	5,91	0,41	1,298033	0,319471	0,749369	0,9200826
SMO	0,42	0,85	2,658688	0,319408	0,749417	NA
BCL10	424,32	0,13	0,409985	0,319293	0,749504	0,9201876
MIR6891	1,52	-0,43	1,356651	-0,31924	0,749542	NA
RP11-108K1.2	0,65	-1,14	3,570929	-0,31922	0,749561	NA
RP11-848G14.2	19,29	0,41	1,278852	0,319186	0,749586	0,9202271
RNU6-125P	2,53	0,72	2,243828	0,318983	0,74974	NA
RP11-444E17.6	11,90	-0,46	1,454197	-0,31896	0,74976	0,9203198
GLIPR2	1910,65	-0,06	0,201697	-0,31896	0,74976	0,9203198
FTH1P7	1,45	0,32	1,013149	0,31892	0,749787	NA

OR1I1	105,24	-0,16	0,508805	-0,31881	0,749874	0,9203983
RP5-951N9.2	1,18	0,50	1,557999	0,31879	0,749886	NA
P2RX6	0,68	0,70	2,197983	0,318666	0,74998	NA
ETS2	1166,23	-0,14	0,440447	-0,31866	0,749986	0,9204363
IVNS1ABP	2012,67	0,11	0,353263	0,318635	0,750003	0,9204363
C1QTNF3-AMACR	0,38	1,19	3,746408	0,318571	0,750052	NA
CTB-96E2.6	7,68	0,31	0,98418	0,318387	0,750191	0,920606
RP11-511P7.5	20,74	-0,45	1,41394	-0,31826	0,750289	0,9206653
RP11-384M15.3	3,61	-0,42	1,314807	-0,31818	0,75035	NA
MPP4	26,81	-0,34	1,071385	-0,31807	0,750433	0,9207052
SLTM	1198,90	-0,11	0,332638	-0,31806	0,750438	0,9207052
PLSCR3	165,47	0,19	0,592155	0,31798	0,7505	0,9207052
ZXDA	0,91	0,72	2,265747	0,317916	0,750548	NA
H6PD	177,57	0,23	0,72764	0,317903	0,750558	0,9207052
COMMD3	663,62	0,15	0,470745	0,317889	0,750569	0,9207052
RP11-286H15.1	3,72	0,33	1,051726	0,317885	0,750572	NA
E2F3	308,41	0,18	0,561685	0,317758	0,750668	0,9207663
RP11-274B21.1	14,69	0,45	1,429632	0,317541	0,750833	0,920908
PRICKLE1	10,48	-0,35	1,099069	-0,31743	0,750914	0,9209462
CTD-2313J17.5	17,91	-0,24	0,7546	-0,31735	0,750982	0,9209501
AC017035.1	0,84	-0,69	2,172724	-0,31732	0,751002	NA
DNAH7	36,48	-0,31	0,981904	-0,31728	0,751035	0,9209501
TBR1	4,73	-0,38	1,196682	-0,31723	0,751066	0,9209501
RP11-190C22.8	0,79	1,02	3,220058	0,31715	0,75113	NA
RP11-459J23.1	0,40	0,64	2,007184	0,317098	0,751169	NA
BANF1	1064,22	0,09	0,28361	0,317045	0,751209	0,9210654
IGLV2-23	0,54	-0,65	2,037106	-0,317	0,751244	NA
ALOX12	4,79	0,56	1,780808	0,316972	0,751265	0,9210733
RP11-701H24.6	3,12	0,59	1,845834	0,316958	0,751275	NA
CTD-2313F11.2	15,46	-0,48	1,514943	-0,31672	0,751457	0,9212477
RN7SL518P	0,31	1,19	3,746491	0,316652	0,751507	NA
RP11-253A20.1	6,61	0,84	2,641584	0,316651	0,751508	0,9212502
RP11-402K9.2	0,83	0,41	1,299607	0,316588	0,751556	NA
RPRD1B	307,80	0,22	0,685297	0,31644	0,751669	0,9213116
RNF24	686,06	-0,20	0,621225	-0,3164	0,751701	0,9213116
COPA	1094,04	0,16	0,513003	0,316365	0,751725	0,9213116
RP1-45C12.1	12,17	-0,74	2,33923	-0,31628	0,751787	0,9213116
CCNG2	153,44	0,26	0,822578	0,316259	0,751806	0,9213116
RP11-769N22.1	7,50	0,31	0,972352	0,316001	0,752002	0,9214313
NCRNA00093	17,74	-0,25	0,796582	-0,316	0,752003	0,9214313
RP1-257I20.14	11,76	0,63	1,996938	0,315917	0,752066	0,9214477
LXN	14,69	-0,35	1,117587	-0,31585	0,752116	0,9214481
RPN2	1879,59	0,10	0,318468	0,315747	0,752195	0,9214844
RP3-468O1.4	7,95	-0,35	1,117848	-0,3156	0,752305	0,9215584
ALOX15	1,33	-0,68	2,143652	-0,31558	0,752325	NA
CAPS	165,54	0,24	0,758373	0,31544	0,752428	0,9216482
LA16c-358B7.4	6,52	-0,24	0,747501	-0,31531	0,752528	0,9217111
TLR9	0,31	1,18	3,74648	0,315307	0,752529	NA
MAGEA4	0,32	1,11	3,505588	0,315244	0,752577	NA
RP11-395N21.2	2,90	0,49	1,553306	0,315215	0,752599	NA

IGLON5	14,64	0,37	1,166605	0,315095	0,752689	0,9218475
HES1	6,93	0,61	1,942622	0,3149	0,752838	0,9219667
HNF1A-AS1	21,27	0,18	0,568575	0,314837	0,752886	0,9219667
LANCL2	154,07	0,27	0,865516	0,314693	0,752995	0,9220396
KB-1592A4.15	2,40	0,66	2,097453	0,314647	0,75303	NA
TRIM35	62,99	0,36	1,155357	0,314576	0,753084	0,9220879
TAF1A	9,57	0,40	1,275554	0,314495	0,753145	0,9221022
RP1-206D15.5	0,90	1,17	3,734313	0,314303	0,753291	NA
RP11-276M12.1	1,40	-0,51	1,619801	-0,3143	0,753296	NA
GMCL1	185,17	0,21	0,657494	0,314228	0,753348	0,9222223
GNB5	203,91	0,25	0,790338	0,314197	0,753371	0,9222223
MLX	596,93	-0,18	0,574748	-0,3141	0,753441	0,9222223
HIST1H2AM	32,91	0,56	1,767239	0,314105	0,753441	0,9222223
PLCH2	0,88	0,65	2,074623	0,314098	0,753447	NA
AC018832.1	0,84	1,01	3,211617	0,314026	0,753501	NA
KCND1	0,49	0,97	3,096838	0,313923	0,753579	NA
RP11-12A16.2	0,49	0,98	3,111372	0,313818	0,753659	NA
RP11-325E5.1	1,23	0,76	2,416157	0,313812	0,753664	NA
AC012454.4	1,40	0,38	1,207197	0,313779	0,753689	NA
MIR5692C2	0,90	1,17	3,734301	0,313724	0,75373	NA
RP11-147L13.11	219,42	-0,22	0,708516	-0,31362	0,753812	0,9225818
ETNK2	10,35	0,48	1,517025	0,313587	0,753834	0,9225818
CTD-3179P9.2	0,16	-1,18	3,748196	-0,31357	0,753846	NA
HTATSF1P2	0,32	1,17	3,746577	0,313385	0,753989	NA
FASTKD3	24,44	0,35	1,106592	0,313364	0,754004	0,9226031
RHOB	609,26	-0,15	0,466604	-0,31331	0,754041	0,9226031
EFNB3	0,13	-1,17	3,748196	-0,31329	0,754059	NA
IGHV4-61	0,52	0,97	3,099215	0,313285	0,754064	NA
PRKCSH	134,19	-0,11	0,366616	-0,31325	0,754087	0,9226031
LDHD	0,11	-1,17	3,748196	-0,31321	0,754123	NA
CTD-2339L15.1	24,76	-0,24	0,758768	-0,31315	0,754168	0,9226031
RP11-426C22.7	10,33	-0,72	2,284296	-0,31313	0,754181	0,9226031
PHF1	121,65	-0,38	1,228608	-0,31312	0,754193	0,9226031
WIPF2	354,24	-0,18	0,577854	-0,3131	0,754202	0,9226031
RP4-701O16.5	5,93	-0,30	0,972788	-0,31298	0,754294	0,9226031
ARHGAP1	989,49	0,09	0,286387	0,312977	0,754298	0,9226031
RP11-50D9.1	2,26	-0,25	0,798596	-0,3126	0,754581	NA
TMEM107	354,52	-0,16	0,515636	-0,31258	0,754598	0,9228862
RP4-673D20.3	1,75	0,58	1,863223	0,312559	0,754616	NA
DDX24	546,59	-0,11	0,340625	-0,31254	0,754629	0,9228862
STX1B	2,87	-0,43	1,367283	-0,31248	0,754673	NA
MYL9	3,52	0,79	2,530912	0,312436	0,754709	NA
RP11-732A19.5	0,14	-1,17	3,748196	-0,31236	0,75477	NA
TMEM8B	397,20	-0,18	0,591608	-0,31229	0,754823	0,9229717
RP11-677M14.3	0,80	-0,68	2,189209	-0,31225	0,754851	NA
DDX58	316,45	0,22	0,700502	0,312153	0,754925	0,9229717
SLC8B1	228,41	0,22	0,711846	0,312142	0,754932	0,9229717
RP11-184M15.1	0,82	-1,15	3,671677	-0,31208	0,75498	NA
FAM73B	76,09	-0,28	0,900039	-0,312	0,755037	0,9229717
RP11-53I6.2	68,63	0,42	1,360894	0,311972	0,755062	0,9229717

DIP2B	669,32	0,20	0,629559	0,311944	0,755083	0,9229717
ZMPSTE24	270,91	-0,16	0,498066	-0,31189	0,755127	0,9229717
AC009960.8	5,75	-0,22	0,707046	-0,31186	0,755146	0,9229717
RP11-347E10.1	1,19	0,72	2,301967	0,311784	0,755205	NA
PTGR1	54,63	-0,34	1,077185	-0,31177	0,755217	0,9229717
SYN3	20,24	0,36	1,142027	0,311685	0,75528	0,9229717
AC094020.1	3,70	0,79	2,523162	0,311677	0,755286	NA
SNORD99	25,03	-0,37	1,178724	-0,31166	0,755295	0,9229717
RP11-24F11.2	30,06	0,34	1,088232	0,311652	0,755305	0,9229717
NT5CP1	0,11	-1,17	3,748196	-0,31163	0,755319	NA
MFSD5	232,47	-0,30	0,969293	-0,3116	0,755344	0,9229717
RP11-77K12.1	0,31	0,90	2,879764	0,31156	0,755375	NA
RP11-403I13.9	0,31	1,17	3,746555	0,311499	0,755422	NA
LONRF3	26,54	0,35	1,119015	0,311373	0,755517	0,9231168
MIR548F2	0,14	-1,17	3,748196	-0,31136	0,755525	NA
RP11-225H22.4	0,13	-1,17	3,748196	-0,31133	0,755548	NA
PLEKHG3	73,95	0,36	1,149187	0,31119	0,755656	0,9231168
RTN4IP1	98,08	-0,38	1,208793	-0,31113	0,7557	0,9231168
REEP2	11,11	-0,28	0,914128	-0,31112	0,755707	0,9231168
DMXL1	465,24	0,13	0,409148	0,311119	0,75571	0,9231168
RP11-269G24.3	1,21	-0,67	2,158918	-0,31106	0,755757	NA
MMAB	118,73	-0,32	1,031815	-0,3109	0,755874	0,9232558
RN7SL98P	0,85	0,59	1,904691	0,31087	0,755899	NA
RP11-543P15.1	0,55	0,47	1,511767	0,310751	0,75599	NA
RF01210	19,29	-0,31	0,997415	-0,31073	0,756007	0,9233581
OR6K3	10,58	-0,24	0,764383	-0,31062	0,756092	0,9234012
RP11-21N7.6	0,40	-0,81	2,622055	-0,31055	0,75614	NA
RP13-753N3.3	0,10	-1,16	3,748196	-0,31054	0,756149	NA
DIAPH2	421,11	0,14	0,447044	0,310497	0,756183	0,9234298
RP11-110I1.11	12,71	0,38	1,232546	0,310455	0,756215	0,9234298
RP13-198D9.4	0,62	0,56	1,801565	0,31045	0,756219	NA
RP11-112L6.2	0,14	-1,16	3,748196	-0,31044	0,756227	NA
RP11-85G18.4	0,47	-0,97	3,129882	-0,31027	0,756359	NA
RP1-167A14.2	2,19	0,76	2,454929	0,310082	0,756499	NA
ZNF708	96,06	-0,26	0,848874	-0,30983	0,756689	0,923948
RP11-272L13.2	0,14	-1,16	3,748196	-0,30973	0,756765	NA
SNRNP200	1311,26	0,12	0,373273	0,309675	0,756808	0,9240269
SETD6	108,83	-0,23	0,741358	-0,30962	0,756853	0,9240269
AC000041.8	0,12	-1,16	3,748196	-0,30952	0,756929	NA
ABHD12	294,88	-0,17	0,534418	-0,30946	0,756974	0,9240648
RCC2	1847,94	0,10	0,323124	0,309445	0,756983	0,9240648
ARSJ	9,29	-0,37	1,197348	-0,30931	0,757083	0,9241265
AC011330.13	1,16	0,92	2,991052	0,309001	0,757321	NA
RP11-379D21.3	0,19	-0,88	2,855356	-0,30894	0,75737	NA
RP11-640I15.1	0,97	-0,87	2,822195	-0,30887	0,757424	NA
PACSIN2	327,29	-0,18	0,594652	-0,30885	0,757433	0,9244362
GLA	311,99	0,21	0,687521	0,308849	0,757436	0,9244362
TIMM17B	605,26	-0,11	0,341583	-0,30875	0,757514	0,9244395
RF00026	12,09	0,46	1,500009	0,308715	0,757539	0,9244395
CDRT1	0,50	0,96	3,103686	0,308711	0,757541	NA

RP11-539G18.3	25,88	0,23	0,748414	0,308478	0,757719	0,924555
RP11-502I4.1	41,47	0,28	0,920864	0,30846	0,757733	0,924555
AP002884.2	0,18	-1,04	3,371993	-0,30834	0,757822	NA
SYT12	17,95	-0,24	0,768269	-0,30826	0,757886	0,9246405
RAD54L	5,92	0,70	2,26566	0,308237	0,757902	0,9246405
RP13-479F17.2	0,52	-1,09	3,534181	-0,30819	0,757939	NA
NANOG	38,46	-0,19	0,632383	-0,30816	0,757963	0,9246433
ADCK5	98,80	0,36	1,158748	0,308103	0,758004	0,9246433
RP4-751H13.6	0,66	0,63	2,045017	0,308057	0,758039	NA
ARL6IP4	2021,26	0,09	0,290139	0,308019	0,758068	0,9246606
RP11-766N7.4	0,21	-0,88	2,855085	-0,30801	0,758074	NA
PRPSAP2	186,67	-0,22	0,721149	-0,30795	0,758124	0,9246685
SMARCA5	914,28	0,12	0,395156	0,307817	0,758222	0,9246959
RP11-631N16.2	80,41	-0,36	1,17238	-0,30779	0,758246	0,9246959
AF129075.5	2,42	0,76	2,485621	0,307704	0,758308	NA
LL09NC01-251B2.3	13,44	0,19	0,62829	0,307517	0,75845	0,9248232
ANXA6	519,07	0,14	0,468176	0,307511	0,758455	0,9248232
RP5-837J1.6	0,13	-1,15	3,748196	-0,30746	0,75849	NA
SCML2	14,63	-0,54	1,754939	-0,30745	0,758504	0,9248232
RP11-422P22.1	0,30	1,15	3,746701	0,307411	0,758531	NA
CDC37	486,26	-0,11	0,36703	-0,30739	0,758549	0,9248232
RP11-44N11.3	0,87	1,14	3,718523	0,307373	0,758559	NA
TNN	0,67	1,14	3,703974	0,307362	0,758568	NA
RP11-159F24.4	3,66	0,21	0,698095	0,307281	0,75863	NA
RP5-1021I20.2	31,07	-0,29	0,930299	-0,30725	0,758654	0,9248644
TBC1D17	58,17	0,26	0,858389	0,307156	0,758725	0,9248644
SERTAD2	524,71	0,15	0,480601	0,307101	0,758766	0,9248644
RP11-365N19.2	2,03	0,53	1,724441	0,307063	0,758796	NA
EMB	796,69	0,14	0,440166	0,307058	0,758799	0,9248644
Z99756.1	2,67	0,39	1,279373	0,306997	0,758846	NA
AC079354.3	17,24	-0,18	0,599675	-0,30695	0,758878	0,9248644
BEST3	19,17	-0,44	1,438686	-0,30692	0,758903	0,9248644
ZNF702P	17,71	0,30	0,982784	0,306885	0,758931	0,9248644
ATP10A	185,40	0,18	0,602897	0,306785	0,759007	0,9248967
CTD-2026K11.3	1,57	0,53	1,724185	0,306668	0,759096	NA
C3orf52	0,58	0,62	2,029313	0,30664	0,759117	NA
OR13K1P	3,98	0,59	1,915342	0,306525	0,759205	0,924989
RP11-61A14.4	16,59	-0,19	0,62523	-0,30649	0,759228	0,924989
RP4-791M13.5	0,30	1,15	3,746711	0,306393	0,759305	NA
RP11-434D2.3	15,60	0,69	2,244752	0,306289	0,759384	0,924989
RP11-161M6.2	17,43	0,41	1,33341	0,30627	0,759399	0,924989
RP11-96D1.11	76,69	0,43	1,398295	0,306215	0,759441	0,924989
CD2BP2	228,99	0,26	0,859014	0,306125	0,759509	0,924989
RP11-186B7.4	555,57	-0,13	0,439507	-0,30606	0,759562	0,924989
PPIH	142,97	0,29	0,950993	0,305924	0,759663	0,924989
ITSN1	153,77	-0,22	0,712202	-0,30589	0,759689	0,924989
HSPA4L	51,53	-0,26	0,862737	-0,30584	0,759723	0,924989
SBF2	461,16	0,17	0,559779	0,305798	0,759758	0,924989
BCAS2	412,91	-0,20	0,652571	-0,30577	0,759777	0,924989
AC003973.6	10,18	-0,20	0,653055	-0,30569	0,759843	0,924989

APEX2	106,84	-0,22	0,731324	-0,30568	0,759847	0,924989
PARL	691,93	-0,13	0,426528	-0,30566	0,759863	0,924989
FAM87B	2,92	-0,84	2,742714	-0,30563	0,759889	NA
RP1-122P22.2	5,85	0,54	1,76941	0,305501	0,759985	0,924989
RPL14	2895,34	0,06	0,198973	0,30549	0,759993	0,924989
DMRTC2	0,19	-1,03	3,369692	-0,30544	0,760031	NA
GFER	64,38	-0,38	1,231873	-0,30542	0,760043	0,924989
RP4-758J24.6	34,66	0,18	0,605638	0,305411	0,760053	0,924989
KIF18B	8,92	0,24	0,790592	0,30538	0,760077	0,924989
RP11-1028N23.2	2,81	0,59	1,920957	0,305285	0,760149	NA
Z84723.2	0,50	0,94	3,095512	0,305219	0,7602	NA
RACK1	13404,63	-0,05	0,150275	-0,30521	0,760208	0,9250884
GLUDP8	0,30	1,14	3,746734	0,30518	0,760229	NA
RN7SL814P	4,58	0,24	0,786306	0,305091	0,760297	0,9251109
OSBPL7	90,00	-0,31	1,03192	-0,30499	0,760374	0,9251109
ST6GALNAC1	9,62	-0,66	2,169235	-0,30499	0,760376	0,9251109
RP11-373E16.5	20,54	-0,22	0,729544	-0,30483	0,760493	0,9251933
CTD-3105H18.14	2,95	0,59	1,936885	0,304827	0,760498	NA
RNA5SP207	5,57	-0,53	1,733928	-0,30475	0,760554	0,9252067
AP003774.6	82,60	-0,25	0,804765	-0,30468	0,76061	0,9252145
CLEC4D	54,28	0,41	1,332831	0,304578	0,760688	0,9252482
NTHL1	90,27	-0,34	1,124145	-0,30447	0,760773	0,9252918
RP1-111B22.2	1,56	0,30	1,001778	0,304412	0,760814	NA
CTB-113D17.1	124,74	-0,23	0,755252	-0,30431	0,760888	0,9253227
CEPT1	238,24	-0,22	0,730491	-0,3043	0,760898	0,9253227
RP11-507D14.4	0,30	1,14	3,746769	0,304043	0,761095	NA
RP11-428O18.6	16,60	-0,18	0,602872	-0,30397	0,761148	0,9255655
PALM2	1,05	-0,69	2,270295	-0,30397	0,761155	NA
EIF2S3L	1,01	-0,50	1,646095	-0,30382	0,761264	NA
MED15P9	2,30	0,45	1,468491	0,303774	0,7613	NA
CTB-193M12.5	76,87	0,31	1,022867	0,303728	0,761335	0,9256254
GSTO2	75,98	-0,13	0,442721	-0,30372	0,761341	0,9256254
RP11-627K11.3	24,00	-0,64	2,111167	-0,30371	0,761346	0,9256254
OR7E162P	1,54	0,81	2,668185	0,303659	0,761388	NA
RP11-338K17.8	2,46	-0,31	1,009251	-0,30357	0,761459	NA
RP11-702H23.4	0,82	-0,75	2,47043	-0,30348	0,761523	NA
HEXB	1750,95	-0,10	0,331167	-0,30343	0,761564	0,9257418
AP000640.9	11,89	0,44	1,440684	0,303399	0,761586	0,9257418
TM9SF4	336,09	0,20	0,646047	0,303392	0,761591	0,9257418
PDZK1P1	3,51	-0,66	2,191751	-0,30331	0,761653	NA
RP11-485G7.4	0,77	0,47	1,563158	0,30324	0,761707	NA
RP13-152O15.2	0,30	1,06	3,503865	0,303194	0,761742	NA
ARHGAP15	903,03	0,10	0,329787	0,303025	0,761871	0,9259958
AC099535.3	1,83	0,81	2,689569	0,303007	0,761885	NA
UTP6	500,38	-0,16	0,537378	-0,30299	0,7619	0,9259958
RP11-94A24.1	0,12	-1,14	3,748196	-0,30294	0,761935	NA
CTD-2509G16.4	0,81	0,41	1,363159	0,302922	0,761949	NA
RP11-360L9.4	1,47	0,72	2,366825	0,302729	0,762096	NA
CPNE8	400,19	0,19	0,623846	0,302679	0,762135	0,9262153
RP5-1024N4.6	3,14	-0,45	1,476388	-0,30255	0,762233	NA

TRIM27	559,33	-0,20	0,658132	-0,30253	0,762247	0,9262153
RPL6P27	5,45	-0,15	0,501081	-0,30251	0,76226	0,9262153
MIR6719	0,29	1,13	3,746793	0,30246	0,762302	NA
SPATA6	83,98	0,27	0,899656	0,302445	0,762313	0,9262153
FAM65C	41,22	0,37	1,238376	0,302424	0,762329	0,9262153
OR56B2P	0,28	-0,73	2,419522	-0,3023	0,762426	NA
NDUFB4	372,36	-0,08	0,253156	-0,30217	0,762525	0,9263678
INO80D	809,90	-0,18	0,602235	-0,30213	0,762554	0,9263678
MIR4459	0,14	-1,03	3,397079	-0,30209	0,76258	NA
RN7SL202P	0,30	0,87	2,895522	0,30204	0,762622	NA
RP11-367G12.1	0,17	-1,02	3,375079	-0,30201	0,762642	NA
CTB-167G5.6	5,24	-0,33	1,104122	-0,30195	0,762693	0,9264758
PAX4	1,57	0,66	2,175407	0,301804	0,762802	NA
AC015688.3	0,29	1,13	3,746835	0,301707	0,762876	NA
RN7SL709P	3,55	0,35	1,159991	0,301704	0,762878	NA
ZNF677	89,52	-0,20	0,668436	-0,30159	0,762967	0,9267486
GPI	871,48	0,14	0,457665	0,30135	0,763148	0,9269074
IGKV3D-11	0,57	-0,70	2,32946	-0,30123	0,763242	NA
TFCP2L1	97,44	-0,57	1,906269	-0,30121	0,763251	0,9269726
GALK2	152,45	-0,22	0,744757	-0,30114	0,763304	0,926976
IQUB	0,56	0,93	3,084251	0,30111	0,763331	NA
PPWD1	214,00	-0,20	0,649334	-0,30089	0,7635	0,9270621
RP11-1148O4.2	1,90	0,72	2,396778	0,300872	0,763512	NA
AC018816.4	33,77	0,18	0,603647	0,300814	0,763556	0,9270621
DPH3	310,66	0,19	0,625723	0,300771	0,763589	0,9270621
INSC	1,06	0,59	1,959104	0,30067	0,763666	NA
CENPU	17,04	-0,42	1,401285	-0,30061	0,763712	0,9270621
EDARADD	0,75	-0,33	1,106582	-0,3006	0,763717	NA
C3orf80	0,77	1,13	3,746672	0,300533	0,763771	NA
FAM155A	4,44	-0,30	0,99156	-0,30052	0,763777	0,9270621
SNORA3B	22,89	-0,24	0,798521	-0,30052	0,763781	0,9270621
PCNX2	190,68	-0,15	0,511566	-0,30046	0,763829	0,9270621
TMEM86B	67,08	-0,29	0,949842	-0,30043	0,763846	0,9270621
SVIP	85,76	-0,27	0,909503	-0,30043	0,763847	0,9270621
AC008993.2	16,05	0,29	0,954433	0,300398	0,763873	0,9270621
CCHCR1	66,14	-0,27	0,89428	-0,30027	0,76397	0,9271186
APAF1	1031,56	-0,10	0,323586	-0,30001	0,764166	0,9272665
DNP1	364,65	0,16	0,532263	0,299934	0,764227	0,9272665
RP11-554D14.6	21,10	0,23	0,763583	0,299916	0,764241	0,9272665
RP11-530N7.2	0,29	1,12	3,74683	0,299813	0,76432	NA
DNAJC19	149,92	0,17	0,577115	0,299732	0,764382	0,9273283
RP11-55L3.1	5,97	-0,40	1,320643	-0,2997	0,764405	0,9273283
CTD-2308B18.3	0,63	1,12	3,74121	0,29969	0,764413	NA
RASA2	427,93	-0,18	0,5916	-0,29965	0,764442	0,9273283
RP11-159J3.1	2,14	-0,47	1,559897	-0,29957	0,764506	NA
CTD-2048F20.1	0,53	1,09	3,627137	0,29951	0,764551	NA
AC068134.10	21,37	0,62	2,056281	0,299485	0,76457	0,927424
AC079781.9	0,79	0,96	3,219523	0,299477	0,764576	NA
CYP4F24P	0,58	1,12	3,741181	0,299388	0,764644	NA
RN7SL266P	0,14	-1,02	3,393472	-0,29937	0,764659	NA

CSNK1D	656,59	0,10	0,339175	0,299349	0,764674	0,9274894
RP11-614F17.2	0,53	0,93	3,095236	0,299348	0,764675	NA
AC013400.2	54,95	0,31	1,045497	0,299148	0,764827	0,9276084
AB015752.3	0,46	0,68	2,284758	0,299031	0,764916	NA
CTD-2303B20.1	7,61	-0,49	1,653479	-0,29903	0,764917	0,9276084
C11orf76	22,59	0,23	0,760257	0,298948	0,76498	0,9276084
PPARGC1B	283,28	-0,20	0,659079	-0,2989	0,765016	0,9276084
CHPF2	141,60	0,24	0,793352	0,298856	0,76505	0,9276084
SPATA32	0,29	1,12	3,746782	0,298828	0,765071	NA
PLCXD2	155,46	0,40	1,348494	0,298828	0,765071	0,9276084
SLC6A1	51,31	0,21	0,693144	0,298749	0,765131	0,9276208
AC006328.1	3,69	-0,57	1,903296	-0,2987	0,765167	NA
RP5-1037N22.2	1,79	0,46	1,534606	0,298689	0,765177	NA
AC144831.1	68,76	-0,32	1,061758	-0,29865	0,765204	0,9276486
TAT	2,69	-0,35	1,181512	-0,29838	0,765412	NA
NCDN	42,12	-0,35	1,187467	-0,29835	0,765438	0,927827
IL24	9,15	0,53	1,763094	0,298313	0,765464	0,927827
AGAP3	320,53	-0,16	0,541919	-0,29827	0,765501	0,927827
RP11-330M2.4	0,28	0,86	2,89724	0,298261	0,765504	NA
ZNF491	0,35	1,03	3,470243	0,298178	0,765568	NA
RP11-486M23.3	2,01	0,55	1,84698	0,298069	0,765651	NA
AMH	0,17	-1,12	3,748196	-0,298	0,7657	NA
RP11-65D24.1	0,59	0,48	1,618653	0,29798	0,765719	NA
BIRC5	12,16	0,33	1,122004	0,297767	0,765881	0,9282274
CTC-490E21.10	0,71	0,84	2,805803	0,297757	0,765889	NA
RP11-202G11.2	0,66	-0,47	1,585055	-0,29775	0,765897	NA
RP11-83N9.5	0,29	1,11	3,746694	0,297572	0,766029	NA
MFSD3	63,57	0,38	1,262016	0,297541	0,766054	0,9283762
CLPX	415,57	0,15	0,519582	0,297426	0,766141	0,9284213
JAM2	12,72	0,32	1,060439	0,297294	0,766242	0,9284829
CALHM2	525,73	-0,21	0,709288	-0,29723	0,766292	0,9284829
GRM8	2,06	1,02	3,443176	0,297142	0,766358	NA
NEK1	189,34	0,22	0,735888	0,297112	0,766381	0,9285011
FOXM1	36,96	-0,26	0,864551	-0,29706	0,766423	0,9285011
KIAA2013	436,45	0,16	0,538978	0,297013	0,766456	0,9285011
PANX2	2,37	0,68	2,28849	0,296969	0,76649	NA
MORC3	381,31	0,17	0,574863	0,296895	0,766547	0,9285067
RP11-530I19.3	5,92	0,40	1,353464	0,296802	0,766618	0,9285067
SYT5	26,56	-0,18	0,612956	-0,29672	0,766678	0,9285067
EGR1	1634,24	0,15	0,505816	0,296689	0,766704	0,9285067
SCFD1	851,61	-0,10	0,320419	-0,29668	0,76671	0,9285067
GTPBP4	654,89	0,15	0,511451	0,296608	0,766766	0,9285136
HSD17B3	0,06	-1,11	3,745401	-0,29649	0,766856	NA
TYMS	6,11	0,44	1,46927	0,29641	0,766917	0,9285906
HSDL2	272,51	0,21	0,723902	0,296345	0,766966	0,9285906
CEP63	321,76	0,17	0,565409	0,296156	0,767111	0,9285906
AC114730.5	4,39	-0,43	1,454753	-0,29612	0,76714	0,9285906
UQCC2	125,87	0,11	0,372973	0,296101	0,767153	0,9285906
CTD-2561J22.5	54,74	-0,20	0,66216	-0,29606	0,767188	0,9285906
SETD3	308,59	0,17	0,586581	0,296018	0,767216	0,9285906

CRY2	194,63	0,25	0,861408	0,295911	0,767298	0,9285906
RP11-848G14.5	431,40	0,20	0,672372	0,295876	0,767325	0,9285906
CCL23	0,41	1,04	3,514203	0,295834	0,767357	NA
FGD2	1823,70	0,08	0,267016	0,295822	0,767366	0,9285906
SETD4	164,04	-0,27	0,913431	-0,29575	0,767423	0,9285906
TAF6L	18,28	0,47	1,594456	0,29574	0,767429	0,9285906
TERC	0,32	1,02	3,451665	0,295711	0,767451	NA
RP11-403B2.7	0,46	-0,61	2,049498	-0,29569	0,767464	NA
ULBP1	20,97	0,48	1,621832	0,295645	0,767501	0,928618
RP11-16N10.2	12,13	-0,26	0,863263	-0,29555	0,767573	0,9286447
RP11-571M6.15	0,29	1,11	3,745969	0,295515	0,7676	NA
RP11-473M20.11	0,84	0,55	1,852331	0,295397	0,767691	NA
RCN3	185,42	-0,17	0,591929	-0,29537	0,767711	0,9287515
RP11-284N8.3	15,19	-0,43	1,447776	-0,29529	0,767775	0,9287684
RP11-370B11.4	1,77	0,49	1,647199	0,295247	0,767805	NA
RP5-905H16.2	25,79	0,24	0,822549	0,295188	0,76785	0,928775
C22orf46	23,04	-0,28	0,947652	-0,29515	0,76788	0,928775
C9orf116	0,29	1,11	3,74686	0,295059	0,767949	NA
MAGOHB	117,82	0,24	0,808019	0,29498	0,768009	0,928868
IDNK	142,55	0,30	1,027717	0,294917	0,768057	0,928868
ZNF394	581,95	0,15	0,512208	0,294733	0,768198	0,9289514
XXbac-BPG246D15.9	2,52	1,08	3,659246	0,294702	0,768222	NA
HINFP	224,80	0,16	0,535396	0,294696	0,768226	0,9289514
HAGH	347,26	-0,17	0,588235	-0,29457	0,768319	0,9290033
AC016734.2	2,05	0,27	0,908867	0,294365	0,768479	NA
RPS6KA2	97,87	0,30	1,021348	0,294213	0,768595	0,9292769
C5	75,28	-0,34	1,145488	-0,29406	0,768715	0,9293363
NP1PB7	0,44	1,03	3,505561	0,294027	0,768737	NA
TM2D1	339,98	-0,14	0,480003	-0,29402	0,768744	0,9293363
RPS13	7316,47	-0,04	0,148873	-0,29386	0,768868	0,9293787
STX8	357,21	0,08	0,268605	0,293841	0,768879	0,9293787
AC008065.1	0,16	-0,99	3,382335	-0,2938	0,768913	NA
AC074093.1	55,68	0,29	1,004207	0,293689	0,768995	0,9294513
RP11-722A15.2	14,57	-0,35	1,201605	-0,29363	0,769039	0,9294513
SUSD2	0,81	0,94	3,217444	0,29358	0,769079	NA
ASCL2	22,78	-0,26	0,901515	-0,29348	0,769153	0,9294568
RP11-152L20.3	3,47	0,83	2,816573	0,293461	0,76917	NA
CWF19L1	233,17	0,16	0,548648	0,293455	0,769174	0,9294568
STRN3	260,80	-0,13	0,449085	-0,29343	0,769194	0,9294568
RP5-973N23.4	1,63	0,36	1,234928	0,293302	0,769291	NA
RP11-380D23.1	0,41	1,03	3,518316	0,293238	0,76934	NA
ST7	146,03	-0,28	0,94052	-0,29323	0,769347	0,9294956
NPHP3-AS1	9,57	-0,46	1,572144	-0,2932	0,769372	0,9294956
SLC41A1	0,64	0,56	1,915445	0,293155	0,769404	NA
RPL22	2149,18	-0,07	0,241585	-0,29315	0,769406	0,9294956
APH1A	470,28	0,19	0,663122	0,293056	0,769479	0,9294956
RP11-449L23.2	13,41	-0,24	0,80765	-0,29303	0,769501	0,9294956
ZNF790	34,36	0,35	1,197331	0,292988	0,769532	0,9294956
ADGRE1	66,43	-0,29	1,00123	-0,29293	0,769575	0,9294956
HOXA3	0,57	1,00	3,426064	0,292922	0,769582	NA

AC007040.8	0,68	-0,69	2,34181	-0,29276	0,769703	NA
CCDC102B	18,32	0,52	1,789974	0,2926	0,769828	0,9297406
GRIN3A	0,42	0,77	2,640496	0,292589	0,769836	NA
RP11-176N18.2	0,31	0,85	2,896154	0,292516	0,769892	NA
C20orf24	1171,84	-0,09	0,302433	-0,29245	0,769946	0,9298221
RP11-303E16.3	1,82	0,47	1,604807	0,292123	0,770192	NA
RP11-1376P16.2	1,01	0,61	2,080202	0,292048	0,77025	NA
RP11-547D23.1	0,57	1,06	3,616523	0,292027	0,770266	NA
RP11-735B13.1	1,14	-0,44	1,505898	-0,29202	0,770274	NA
STRN	166,72	0,24	0,826159	0,291962	0,770316	0,930164
SCLT1	558,64	0,11	0,382248	0,291942	0,770331	0,930164
SUSD6	761,74	-0,16	0,53109	-0,29188	0,770379	0,930164
OR5D3P	0,83	1,09	3,735107	0,291877	0,77038	NA
KIAA0114	172,80	-0,23	0,798569	-0,29174	0,770487	0,9302343
SMAD5OS	0,30	1,02	3,488362	0,291679	0,770532	NA
RP11-668G10.2	0,52	1,06	3,62228	0,291671	0,770538	NA
CTC-523E23.13	4,62	0,28	0,947574	0,29159	0,7706	0,9303105
RP11-820K3.2	2,15	-0,44	1,492231	-0,29155	0,770628	NA
SLCO3A1	472,65	-0,13	0,46085	-0,29147	0,770691	0,9303315
RP5-1113E3.3	5,01	-0,42	1,442546	-0,29144	0,770718	0,9303315
ASIP	0,23	-0,72	2,465855	-0,29143	0,770722	NA
SIPA1L2	169,41	-0,25	0,861264	-0,29133	0,770798	0,9303687
CTD-2369P2.12	174,87	0,17	0,597463	0,291224	0,77088	0,930407
TNNI3K	0,07	-1,09	3,745662	-0,29114	0,770948	NA
RP11-44F21.3	0,33	1,09	3,746693	0,291066	0,771001	NA
RP11-320M16.1	0,91	-0,35	1,208733	-0,29103	0,77103	NA
MROH2B	0,27	-0,97	3,324027	-0,29097	0,771073	NA
RN7SL602P	2,77	-0,35	1,212812	-0,29095	0,771092	NA
POP5	313,08	0,17	0,581637	0,290598	0,771359	0,9308859
RP11-534G20.3	106,91	-0,30	1,018501	-0,29057	0,771377	0,9308859
MANEAL	1,01	-0,93	3,188896	-0,29051	0,771426	NA
RP11-131J3.1	2,42	-0,39	1,351695	-0,2905	0,771434	NA
PTPN21	0,74	0,83	2,845254	0,29046	0,771464	NA
MRPS28	301,35	0,13	0,447901	0,29045	0,771472	0,9309403
PECR	25,23	0,24	0,821248	0,290289	0,771595	0,9310257
OR7D2	57,53	-0,28	0,957929	-0,29023	0,771643	0,9310257
ULK1	180,06	-0,19	0,654997	-0,29013	0,771719	0,931057
AC010900.1	0,35	-0,87	3,000964	-0,29007	0,771761	NA
NRN1L	2,28	0,80	2,746869	0,290018	0,771803	NA
GPR137C	167,13	-0,27	0,932179	-0,28984	0,771937	0,9312586
CTC-325J23.2	2,23	0,41	1,425919	0,289799	0,77197	NA
BGN	3,37	0,49	1,697424	0,28979	0,771977	NA
UPK3A	241,53	0,15	0,531593	0,289778	0,771986	0,9312586
RBMV2FP	1,14	0,36	1,233766	0,289771	0,771992	NA
CTB-36O1.6	1,20	-0,40	1,395289	-0,28976	0,771998	NA
RP11-285E18.1	0,46	0,89	3,057796	0,289622	0,772106	NA
RP5-999L4.2	16,79	-0,41	1,431656	-0,28957	0,772142	0,9313861
CEP295	128,41	-0,20	0,686818	-0,28929	0,772361	0,9315898
PHYKPL	801,79	0,11	0,397501	0,289148	0,772468	0,9315929
LLNLR-304A6.1	16,10	-0,19	0,656852	-0,2891	0,772507	0,9315929

AC004158.3	8,44	-0,25	0,869993	-0,28909	0,772514	0,9315929
GRAMD1C	10,45	-0,38	1,321493	-0,28879	0,772744	0,9317826
RAB12	89,55	-0,19	0,64195	-0,28875	0,772771	0,9317826
RP4-677H15.4	0,35	-0,85	2,945835	-0,28872	0,772796	NA
RP11-893F2.14	0,95	-0,92	3,201625	-0,28851	0,77296	NA
ATP6AP2	1882,67	0,10	0,33186	0,288476	0,772982	0,9319279
MS4A6A	7751,48	-0,07	0,252007	-0,28846	0,772992	0,9319279
AC138035.2	2,38	0,48	1,648494	0,288365	0,773068	NA
RP4-789D17.5	1,82	0,76	2,631279	0,288299	0,773118	NA
SERINC3	1265,69	-0,14	0,46982	-0,28822	0,77318	0,9319296
SPTBN1	271,72	-0,18	0,623372	-0,28821	0,773184	0,9319296
LRRC8D	261,81	0,20	0,69491	0,288211	0,773185	0,9319296
RP11-501E14.1	7,01	0,33	1,138265	0,2882	0,773193	0,9319296
RP11-517O13.1	1,17	-0,36	1,235754	-0,28818	0,77321	NA
SAMD13	1,10	0,64	2,226213	0,287962	0,773376	NA
RP11-817J15.2	0,55	-0,68	2,347766	-0,28788	0,77344	NA
HNRNPUL2	181,09	-0,22	0,774264	-0,28786	0,773455	0,9321557
KIAA1147	170,85	-0,25	0,873372	-0,28777	0,773519	0,9321557
MIA-RAB4B	38,62	-0,23	0,793935	-0,28772	0,773559	0,9321557
HIF1A	2229,41	0,10	0,337585	0,287693	0,773582	0,9321557
TUBA3D	0,28	1,08	3,746686	0,287641	0,773621	NA
JTB	1845,07	0,08	0,288895	0,287601	0,773652	0,9321803
C19orf12	149,66	-0,29	1,004117	-0,28732	0,773866	0,9323176
WNT9B	5,68	-0,23	0,804406	-0,28726	0,773916	0,9323176
RP11-14C10.6	2,62	-0,31	1,094866	-0,28718	0,773978	NA
AC096591.1	0,57	0,47	1,631165	0,287156	0,773993	NA
GMEB2	130,46	-0,25	0,874371	-0,28714	0,774005	0,9323176
CHKB-CPT1B	23,86	0,42	1,446755	0,287096	0,774039	0,9323176
RP11-494O16.4	15,89	0,21	0,723138	0,287094	0,77404	0,9323176
SUGP1	136,02	-0,22	0,752594	-0,28706	0,774067	0,9323176
MYO5A	1219,34	-0,13	0,468922	-0,2868	0,774265	0,9324961
SNORD11	13,70	-0,31	1,095241	-0,28673	0,774316	0,9324969
RP11-178C3.2	42,76	0,26	0,897668	0,286647	0,774382	0,9325126
ACTL10	0,25	0,83	2,906668	0,286622	0,774402	NA
HERC3	498,58	0,19	0,676676	0,286586	0,774429	0,9325126
TNFRSF11B	0,69	-0,40	1,410816	-0,28642	0,774554	NA
RP11-23N2.1	1,03	0,52	1,827587	0,286341	0,774617	NA
RP3-521E19.2	0,42	0,77	2,689676	0,286258	0,77468	NA
RP11-676B18.1	2,72	0,29	0,998948	0,286249	0,774687	NA
MTMR3	182,02	-0,19	0,674265	-0,28619	0,774733	0,9327776
RP11-381P6.1	1,41	-0,55	1,923535	-0,28617	0,774744	NA
RP11-147L13.12	40,44	0,21	0,738736	0,286168	0,774749	0,9327776
RP1-85F18.4	1,30	-0,93	3,236632	-0,28615	0,77476	NA
RP11-109E10.1	0,65	-0,41	1,429341	-0,28612	0,774786	NA
MEG3	13,52	-0,22	0,777374	-0,28605	0,774843	0,9328294
RP11-116G8.4	1,90	-0,38	1,336036	-0,28597	0,774899	NA
MDS2	9,08	-0,25	0,868253	-0,28596	0,774911	0,9328382
ATF4P3	3,78	0,38	1,338535	0,285906	0,77495	0,9328382
RIMBP3B	1,47	-1,04	3,643759	-0,28588	0,774967	NA
GHR	10,99	0,14	0,5048	0,285827	0,775011	0,932851

RP11-373D23.2	140,17	0,12	0,411819	0,285761	0,775062	0,9328516
BVES	28,05	0,26	0,927465	0,285679	0,775124	0,9328665
AC007970.1	0,39	-0,72	2,528859	-0,28567	0,775133	NA
RP11-128B16.4	7,34	-0,34	1,173816	-0,28557	0,775208	0,9329068
KB-1205A7.1	0,28	0,99	3,483152	0,285467	0,775286	NA
RP11-118H4.1	2,25	0,23	0,806103	0,285447	0,775302	NA
SMAD6	8,89	0,56	1,971046	0,285438	0,775309	0,9329149
RP11-429A20.3	6,74	-0,25	0,890687	-0,28543	0,775315	0,9329149
MAPRE2	564,47	-0,17	0,607089	-0,28529	0,775422	0,9329831
ASNSP1	0,55	1,03	3,623293	0,285233	0,775466	NA
TOPORS	390,42	-0,23	0,823501	-0,28509	0,775578	0,9331107
RP3-417G15.1	0,54	0,40	1,418999	0,284888	0,77573	NA
GALNT9	1,32	-0,34	1,195573	-0,28475	0,775833	NA
RP11-483I13.2	2,46	-0,36	1,275823	-0,28472	0,775861	NA
RNU6-892P	1,09	-0,80	2,802768	-0,28463	0,775926	NA
ZFP30	20,53	-0,29	1,002917	-0,28445	0,776068	0,9335466
RP11-626G11.4	0,29	0,70	2,445989	0,284436	0,776076	NA
PRAF2	53,77	0,23	0,813511	0,284344	0,776146	0,9335466
IFI27L1	32,39	0,39	1,359275	0,284262	0,77621	0,9335466
MTHFR	513,52	0,13	0,461594	0,284184	0,77627	0,9335466
RP11-381O7.3	6,00	-0,38	1,352599	-0,28414	0,776302	0,9335466
C1orf157	0,53	1,04	3,658196	0,284114	0,776323	NA
RP11-463O12.3	0,54	-0,75	2,651334	-0,284	0,776407	NA
AC022182.3	29,27	0,29	1,005632	0,283991	0,776418	0,9335466
ZFP91	659,58	0,09	0,32742	0,283978	0,776427	0,9335466
ICOSLG	194,49	0,18	0,627833	0,283967	0,776435	0,9335466
DENND2D	90,29	0,29	1,022171	0,283903	0,776485	0,9335466
ERVK3-1	526,85	-0,16	0,562792	-0,28382	0,776551	0,9335466
RNU6-512P	0,53	1,06	3,741878	0,283813	0,776554	NA
CTC-425F1.4	9,23	0,27	0,944929	0,283762	0,776593	0,9335466
NRROS	237,55	-0,13	0,449704	-0,28373	0,776619	0,9335466
C3orf33	19,41	0,33	1,148434	0,283697	0,776643	0,9335466
SOWAHC	8,50	0,23	0,809021	0,283574	0,776737	0,9335466
HAUS3	179,35	-0,20	0,709479	-0,28345	0,776831	0,9335466
RP4-816N1.7	0,71	0,79	2,782373	0,283441	0,776839	NA
RYR3	29,51	-0,22	0,760572	-0,28336	0,776903	0,9335466
RELA	496,72	0,11	0,400122	0,283315	0,776935	0,9335466
RP11-398J13.1	57,28	-0,36	1,271906	-0,2833	0,776947	0,9335466
RP11-117D22.2	84,43	-0,29	1,013125	-0,28326	0,776976	0,9335466
PUF60	878,87	0,14	0,490956	0,283187	0,777033	0,9335466
AC007228.11	1,99	-0,53	1,858554	-0,28319	0,777034	NA
IL33	13,44	-0,34	1,21025	-0,28318	0,777037	0,9335466
CPTP	13,95	-0,48	1,679084	-0,28315	0,77706	0,9335466
KIAA1586	94,86	0,26	0,909804	0,283064	0,777128	0,9335466
EDRF1	243,67	-0,18	0,636892	-0,28301	0,777173	0,9335466
RP11-329B9.4	0,54	-1,01	3,579245	-0,28296	0,777209	NA
RP3-324O17.5	5,52	0,36	1,273762	0,282938	0,777224	0,9335466
RP11-178A10.1	5,45	-0,39	1,3773	-0,28287	0,777275	0,9335466
RP11-356N1.1	0,61	-0,76	2,690959	-0,28284	0,777301	NA
GDF7	1,38	0,50	1,755888	0,282828	0,777309	NA

RNA5SP85	0,27	1,06	3,747236	0,282783	0,777343	NA
MRPL14	634,55	-0,14	0,511619	-0,28271	0,777399	0,9335466
FAM127B	86,68	-0,30	1,077074	-0,28268	0,777425	0,9335466
RP5-1174N9.2	7,78	-0,20	0,704737	-0,28267	0,777432	0,9335466
PCDHGA9	3,27	0,45	1,606184	0,282515	0,777549	NA
ZMYND11	185,61	0,18	0,652972	0,282502	0,777559	0,9335466
RP11-159J3.4	2,90	0,70	2,490637	0,282452	0,777597	NA
DDX41	211,20	-0,17	0,594883	-0,28245	0,777602	0,9335466
OR4K2	5,79	0,31	1,108262	0,282403	0,777634	0,9335466
SLC35B1	415,99	0,16	0,565472	0,282302	0,777712	0,9335466
RP11-432N13.3	0,83	-0,90	3,195332	-0,28224	0,777761	NA
MTL1	14,92	-0,55	1,938638	-0,28223	0,777767	0,9335466
RP11-483G21.3	9,15	-0,44	1,552603	-0,28222	0,777773	0,9335466
CABIN1	239,45	-0,11	0,374809	-0,28219	0,777802	0,9335466
FUT6	2,06	0,38	1,337252	0,28216	0,777821	NA
FANCD2	227,82	0,21	0,736485	0,282158	0,777823	0,9335466
KMT5A	296,05	-0,12	0,414369	-0,28213	0,777847	0,9335466
LRP11	3,27	0,66	2,339896	0,282116	0,777855	NA
RP11-211N8.8	0,58	-1,00	3,546884	-0,28205	0,777904	NA
CBX2	0,28	1,06	3,746258	0,282025	0,777924	NA
LRRC56	4,75	-0,25	0,886462	-0,28201	0,777934	0,9335818
SENP3-EIF4A1	3,33	0,43	1,516714	0,281942	0,777988	NA
ZBTB45	57,67	-0,36	1,285822	-0,2819	0,778019	0,9335818
SPTBN2	0,64	-0,95	3,381863	-0,28186	0,778053	NA
ARMT1	211,45	0,25	0,891731	0,28185	0,778058	0,9335818
AZI2	287,15	-0,19	0,664961	-0,2818	0,7781	0,9335818
ANKLE1	101,88	-0,13	0,449673	-0,28172	0,778162	0,9335818
TMPRSS11GP	0,93	1,02	3,619833	0,281702	0,778172	NA
ZNF724P	18,89	-0,23	0,810045	-0,28167	0,7782	0,9335818
AP000476.1	112,16	0,19	0,657151	0,28163	0,778227	0,9335818
DDX6	611,70	-0,10	0,360273	-0,2815	0,778325	0,9336386
KL	1,40	1,04	3,694554	0,28148	0,778343	NA
GJB7	2,26	0,44	1,564411	0,281323	0,778463	NA
ATRIP	63,14	0,34	1,213892	0,281312	0,778471	0,9336695
HSCB	139,63	-0,18	0,626062	-0,2813	0,77848	0,9336695
RP11-75C9.2	0,56	0,89	3,147859	0,2812	0,778557	NA
RP11-1080G15.1	0,68	0,71	2,517929	0,281049	0,778672	NA
RP11-702F3.1	24,76	0,26	0,935801	0,281043	0,778677	0,9336695
RP11-752G15.7	4,40	0,24	0,859297	0,281017	0,778698	0,9336695
C5orf58	57,00	-0,29	1,037667	-0,28101	0,778706	0,9336695
CSNK1G3	249,95	-0,16	0,586965	-0,28093	0,778762	0,9336695
RP11-154H23.4	14,35	-0,43	1,524191	-0,2808	0,778867	0,9336695
NFIL3	495,98	-0,17	0,602668	-0,28075	0,778902	0,9336695
RP11-59C5.3	1,17	-0,57	2,040962	-0,28064	0,778986	NA
AC005306.3	19,78	-0,29	1,023089	-0,28061	0,779009	0,9336695
ARSD	505,87	0,14	0,506504	0,280545	0,779059	0,9336695
GJA10	0,53	1,03	3,654934	0,280497	0,779096	NA
CTD-3035D6.1	9,14	0,18	0,639277	0,280473	0,779115	0,9336695
ZNF585A	191,82	-0,19	0,679383	-0,28038	0,779183	0,9336695
CH17-76K2.6	46,13	-0,18	0,63389	-0,28038	0,779189	0,9336695

ATF6	604,12	-0,15	0,517694	-0,28036	0,779203	0,9336695
RP11-624A21.1	206,45	-0,10	0,368761	-0,2803	0,77925	0,9336695
C4orf45	9,50	-0,80	2,865691	-0,28028	0,779261	0,9336695
DPH3B	0,45	0,86	3,05327	0,280243	0,779291	NA
TGS1	169,31	-0,20	0,72334	-0,28017	0,77935	0,9336695
TCP11L2	179,97	0,22	0,785373	0,280116	0,779389	0,9336695
MTPN	3153,40	0,07	0,246845	0,280075	0,77942	0,9336695
SLC16A8	0,36	1,05	3,747005	0,279902	0,779553	NA
JUNB	6792,86	0,07	0,234986	0,279858	0,779586	0,9336695
ACBD6	310,65	-0,15	0,53803	-0,27982	0,779613	0,9336695
ZNF674	45,89	0,17	0,596249	0,279795	0,779635	0,9336695
CTC-360G5.9	27,40	0,24	0,87404	0,279775	0,77965	0,9336695
CTA-212A2.3	267,52	-0,11	0,396837	-0,27974	0,779675	0,9336695
RP5-826L7.1	10,96	0,34	1,203341	0,279741	0,779676	0,9336695
SRI	878,04	-0,14	0,484931	-0,27972	0,779695	0,9336695
TMBIM6	4923,12	0,08	0,278501	0,279682	0,779722	0,9336695
UBBP4	3,07	0,20	0,701529	0,279668	0,779732	NA
RP11-426C22.1	137,77	0,30	1,073912	0,279582	0,779798	0,9336695
ZWILCH	63,72	0,37	1,324048	0,279537	0,779833	0,9336695
RP11-180C16.1	80,97	-0,68	2,422688	-0,27951	0,779856	0,9336695
RP11-10N23.5	0,42	-0,57	2,022293	-0,27949	0,779869	NA
ATXN7L3B	671,70	0,11	0,378218	0,279432	0,779913	0,9336779
RP11-163O19.16	0,56	1,02	3,65513	0,279314	0,780004	NA
RP11-650L12.2	5,39	0,37	1,330925	0,279286	0,780025	0,9336849
CYP4F2	0,34	1,05	3,746189	0,279253	0,780051	NA
CAMK2N1	4,50	0,32	1,160883	0,279239	0,780061	0,9336849
SLC22A1	0,40	0,96	3,428315	0,279234	0,780065	NA
TMC8	416,32	-0,12	0,446496	-0,27918	0,780107	0,9336849
KIAA1522	78,71	-0,29	1,040971	-0,27916	0,78012	0,9336849
SCAANT1	10,97	-0,69	2,479185	-0,2789	0,780324	0,9337806
RP11-527H14.6	7,06	-0,60	2,155431	-0,27888	0,78034	0,9337806
CHAD	0,31	0,95	3,423044	0,278868	0,780346	NA
PRX	1,98	-0,52	1,865128	-0,27882	0,780387	NA
RP11-400L8.2	10,53	-0,49	1,757833	-0,27879	0,780408	0,9337806
AC012146.7	30,86	0,26	0,916604	0,278762	0,780428	0,9337806
RF00586	0,53	1,04	3,742068	0,278733	0,78045	NA
EEF2KMT	63,55	-0,38	1,346837	-0,27873	0,780451	0,9337806
RP11-807G9.2	3,81	-0,35	1,258845	-0,27847	0,780653	0,9339479
RP1-198K11.5	1,70	0,82	2,962268	0,278427	0,780685	NA
RP11-480N24.6	0,58	0,42	1,521743	0,27837	0,780728	NA
RP11-215I23.4	164,25	-0,13	0,465034	-0,27836	0,780735	0,9339479
RP11-526F14.1	38,57	-0,23	0,815702	-0,27833	0,780756	0,9339479
SNORA74D	1,12	-0,57	2,039166	-0,27833	0,780763	NA
OR10K2	0,64	0,56	2,00083	0,278302	0,78078	NA
SCYL2	473,66	0,15	0,547351	0,278288	0,780792	0,9339479
RP11-176F3.9	0,50	1,02	3,65624	0,278216	0,780846	NA
CTD-2562G15.3	0,38	-1,03	3,715002	-0,27819	0,780864	NA
TNF	124,75	-0,22	0,783255	-0,27811	0,780926	0,9340493
RP11-84E24.3	1,65	0,34	1,232924	0,278076	0,780954	NA
INCA1	2,07	0,62	2,238248	0,277921	0,781073	NA

CEACAM3	4,62	-0,67	2,40615	-0,27792	0,781077	0,9341695
LRRC18	7,32	-0,51	1,848275	-0,27781	0,781162	0,9342109
MXD1	1249,77	0,13	0,454405	0,27751	0,781388	0,9343719
CTC-482H14.5	1,97	0,39	1,421612	0,277508	0,78139	NA
GET4	478,73	0,17	0,596969	0,277421	0,781457	0,9343719
TMEM132D	0,23	-1,04	3,748196	-0,27739	0,781479	NA
ARMC2	17,35	-0,44	1,594135	-0,27731	0,781541	0,9343719
TYSND1	124,48	-0,22	0,782916	-0,2773	0,78155	0,9343719
KIF16B	181,78	0,21	0,761638	0,277207	0,781621	0,9343719
ZC3H10	62,14	0,26	0,928435	0,277018	0,781766	0,9343719
RP11-73M7.10	352,83	0,13	0,477715	0,277013	0,78177	0,9343719
HECA	662,62	0,12	0,441516	0,276946	0,781821	0,9343719
SP7	0,65	1,02	3,679866	0,276896	0,78186	NA
AP000689.8	114,10	0,12	0,44195	0,276891	0,781864	0,9343719
TAF15	73,62	0,19	0,691282	0,27686	0,781887	0,9343719
TREX1	815,51	0,14	0,500346	0,276759	0,781965	0,9343719
NSL1	255,03	-0,21	0,744569	-0,27675	0,781974	0,9343719
GAREM2	11,46	-0,16	0,57534	-0,27673	0,781987	0,9343719
RN7SL166P	3,67	-0,44	1,575721	-0,27658	0,782102	NA
LRCH1	148,01	-0,26	0,936639	-0,27658	0,782102	0,9343719
RP4-734C18.1	0,50	1,04	3,742543	0,276557	0,78212	NA
ZNF865	4,03	0,39	1,415356	0,276553	0,782123	0,9343719
PRIM2	67,60	-0,22	0,811371	-0,27652	0,782146	0,9343719
ABC7-42404400C24.1	15,47	-0,52	1,866251	-0,2765	0,782165	0,9343719
C3AR1	247,16	-0,32	1,17125	-0,27645	0,782201	0,9343719
UMAD1	65,83	0,33	1,195592	0,276304	0,782314	0,9343979
IRAK1	415,99	-0,15	0,525057	-0,27629	0,782323	0,9343979
AC004893.10	0,42	1,04	3,747324	0,276218	0,782381	NA
ELOVL6	16,75	-0,19	0,675932	-0,27619	0,782404	0,9344124
RP11-10L12.6	5,89	0,66	2,404174	0,276093	0,782477	0,9344124
RP11-252M21.4	15,22	0,20	0,712571	0,276081	0,782486	0,9344124
RP5-1115A15.2	0,28	1,03	3,747377	0,275946	0,782589	NA
ALG10B	107,31	-0,19	0,684937	-0,27591	0,782621	0,9345137
CPA6	0,18	-0,93	3,379875	-0,2759	0,782624	NA
RP11-16F15.1	0,30	-0,60	2,164738	-0,27587	0,782649	NA
OXA1L	1684,89	0,09	0,32438	0,275651	0,782816	0,9346277
PMAIP1	1501,72	-0,09	0,34341	-0,27565	0,782817	0,9346277
BTBD1	392,98	-0,12	0,430375	-0,27558	0,782873	0,9346348
C9orf47	0,24	0,80	2,894846	0,275557	0,782888	NA
RASSF4	2622,83	-0,09	0,315696	-0,27536	0,783039	0,9347729
AC006947.1	2,84	0,43	1,554401	0,27532	0,78307	NA
DNM1P51	7,69	-0,32	1,146022	-0,27526	0,783113	0,9348019
RSPRY1	462,58	-0,15	0,556599	-0,27511	0,783234	0,9348861
IVL	0,21	-1,03	3,748196	-0,27505	0,783277	NA
TEX264	674,58	-0,11	0,412039	-0,27497	0,783342	0,934954
RP4-565E6.1	21,09	0,25	0,921736	0,274902	0,783391	0,934954
DHCR24	89,81	-0,38	1,391609	-0,27476	0,783503	0,9350271
RP11-139H15.5	0,62	0,53	1,926406	0,274739	0,783517	NA
LA16c-306E5.3	0,28	1,03	3,747424	0,274712	0,783537	NA
RP1-34L19.2	0,51	1,00	3,64372	0,274685	0,783558	NA

TTC9B	1,15	0,92	3,342663	0,274589	0,783632	NA
HGD	0,62	1,00	3,639243	0,274543	0,783667	NA
SLC47A2	1,48	0,47	1,696849	0,274477	0,783718	NA
RP11-320G10.1	0,26	1,03	3,747372	0,27443	0,783754	NA
RP11-1166P10.6	0,62	-0,98	3,589366	-0,2742	0,783934	NA
MTOR	359,10	0,24	0,873911	0,274059	0,784039	0,935577
RP1-102E24.8	1,38	-0,49	1,782909	-0,27406	0,784039	NA
RP11-775H9.1	0,15	-1,03	3,748196	-0,27395	0,784122	NA
AC133644.2	12,95	-0,48	1,736502	-0,27392	0,784147	0,935577
PPP1R14B	57,73	-0,14	0,513033	-0,27382	0,784219	0,935577
GABRP	21,64	-0,29	1,074728	-0,27378	0,784253	0,935577
CIRBP-AS1	33,84	0,29	1,064325	0,273772	0,78426	0,935577
ADM2	3,59	0,40	1,459924	0,273743	0,784282	NA
ARHGEF35	0,68	-0,98	3,586308	-0,2737	0,784318	NA
RP11-271C24.2	0,31	1,03	3,747357	0,273686	0,784326	NA
ROGDI	386,28	0,12	0,441797	0,273681	0,78433	0,935577
ZNF140	60,86	0,30	1,101972	0,27367	0,784338	0,935577
RP5-997K18.1	0,14	-1,03	3,748196	-0,27361	0,784381	NA
RP5-965G21.6	2,95	0,76	2,774224	0,273528	0,784447	NA
DHX32	116,64	-0,31	1,138894	-0,2734	0,784542	0,935577
ABCF3	290,48	-0,23	0,843134	-0,27334	0,784593	0,935577
RP11-322M19.2	60,29	-0,26	0,960276	-0,27326	0,78465	0,935577
BLOC1S2	649,84	-0,14	0,509486	-0,27323	0,784679	0,935577
PBX2	129,61	0,15	0,551253	0,273145	0,784742	0,935577
RP11-93G23.2	85,09	-0,20	0,740411	-0,27314	0,784743	0,935577
RP11-481C4.2	34,62	0,21	0,780203	0,273142	0,784744	0,935577
RP11-258F22.1	10,58	-0,20	0,731194	-0,27313	0,784752	0,935577
GAMT	59,80	0,28	1,028425	0,27311	0,784768	0,935577
RP11-303E16.2	2,32	0,32	1,189303	0,273091	0,784784	NA
RP11-227G15.12	16,02	-0,28	1,007851	-0,27302	0,78484	0,9355864
NNT	738,90	-0,16	0,602295	-0,27297	0,784877	0,9355864
RP11-291L19.1	0,45	-0,61	2,236853	-0,27294	0,784902	NA
FFAR3	0,94	-0,76	2,772309	-0,27293	0,78491	NA
KIRREL3-AS3	0,56	0,99	3,62931	0,272765	0,785034	NA
RP11-434D11.1	5,30	-0,23	0,846844	-0,27276	0,785036	0,9356313
RP11-398F12.1	28,79	-0,30	1,09898	-0,27271	0,785074	0,9356313
RP11-305I9.3	10,19	-0,96	3,505609	-0,27266	0,785117	0,9356313
RF02271	10,03	0,30	1,108944	0,272654	0,785119	0,9356313
CBX6	838,18	0,12	0,458235	0,272593	0,785166	0,9356313
AC005363.11	1,31	-0,89	3,256285	-0,27251	0,785233	NA
OSGEPL1	101,98	-0,31	1,144831	-0,27248	0,785252	0,9356441
AL133245.1	0,84	-0,76	2,777392	-0,27248	0,785254	NA
RPL30P13	0,37	1,02	3,747385	0,272441	0,785283	NA
USP3	1756,26	0,09	0,318992	0,272403	0,785312	0,9356441
CTD-2536I1.1	23,96	-0,30	1,096703	-0,27227	0,785412	0,9356441
C14orf119	784,05	-0,23	0,844489	-0,27218	0,785483	0,9356441
RP3-340I3.1	2,74	0,36	1,34044	0,272074	0,785565	NA
RP1-224A6.8	13,53	0,49	1,791084	0,272054	0,785581	0,9356441
EXOSC10	286,02	0,09	0,316211	0,27205	0,785583	0,9356441
RP11-616K22.1	1,73	0,66	2,43392	0,271974	0,785642	NA

SLC25A30	125,84	0,17	0,624978	0,271909	0,785692	0,9356441
SCAP	416,87	-0,14	0,528221	-0,27189	0,785703	0,9356441
MAPRE1	861,85	-0,13	0,475109	-0,27176	0,785805	0,9356441
RP11-464D20.6	10,73	0,25	0,925153	0,271761	0,785806	0,9356441
RP11-478K15.6	1,07	-0,87	3,198192	-0,27174	0,785819	NA
DHCR7	14,06	0,40	1,48033	0,271738	0,785824	0,9356441
UBE2O	111,15	0,20	0,720679	0,271699	0,785853	0,9356441
PPP2R1A	1094,86	0,07	0,247444	0,271678	0,78587	0,9356441
RP11-12K11.2	4,99	-0,55	2,007684	-0,27158	0,785945	0,9356441
OSTN	0,18	-0,79	2,899055	-0,27157	0,785953	NA
SDHAF2	321,86	-0,15	0,554671	-0,27155	0,785967	0,9356441
NLGN2	1,57	0,73	2,690261	0,271546	0,785971	NA
AC144449.1	0,43	-0,95	3,50466	-0,27141	0,786073	NA
POLR2E	897,23	-0,10	0,350549	-0,27134	0,786131	0,9356441
VGLL4	157,30	-0,18	0,648757	-0,27126	0,786189	0,9356441
OGT	1955,65	-0,11	0,404803	-0,27124	0,78621	0,9356441
CCDC109B	884,92	0,13	0,473965	0,271222	0,78622	0,9356441
METTL13	147,14	0,27	0,989977	0,271192	0,786244	0,9356441
AD000864.6	79,12	-0,18	0,666063	-0,27119	0,786248	0,9356441
AC079807.2	2,60	0,67	2,466904	0,271119	0,7863	NA
DNLZ	65,69	-0,33	1,223137	-0,27108	0,786327	0,9356441
ERLIN2	290,68	0,15	0,565574	0,271075	0,786333	0,9356441
CTD-2527I21.7	4,61	-0,28	1,024465	-0,27085	0,786508	0,9357918
RP11-379F4.4	0,45	0,56	2,073088	0,270773	0,786565	NA
RP11-93B10.3	0,82	1,00	3,70462	0,27069	0,786629	NA
ZNF654	196,56	0,21	0,766285	0,270656	0,786656	0,9359078
NR6A1	119,21	-0,25	0,933797	-0,27048	0,786792	0,9359756
FBXL20	638,63	0,18	0,66457	0,270451	0,786813	0,9359756
RP11-32B5.1	0,28	-0,59	2,169209	-0,27041	0,786842	NA
RP11-450H6.3	1,93	-0,65	2,392689	-0,27038	0,78687	NA
GPR176	0,09	-1,01	3,748196	-0,27028	0,786944	NA
BORCS8	239,27	-0,17	0,637254	-0,27028	0,786944	0,9360715
CYSLTR1	488,43	0,12	0,46134	0,270058	0,787116	0,9361477
LARS	834,31	-0,09	0,336645	-0,26999	0,787168	0,9361477
MYCBP	503,17	0,17	0,614461	0,269969	0,787184	0,9361477
SLC22A14	0,14	-1,01	3,748196	-0,26993	0,787214	NA
RP11-385H1.1	7,61	0,26	0,945828	0,269929	0,787215	0,9361477
AC007349.6	0,57	0,48	1,764122	0,269859	0,787269	NA
AC013271.7	4,05	-0,19	0,714807	-0,26983	0,787294	0,9361477
SLC7A14	48,29	0,18	0,654848	0,269805	0,78731	0,9361477
RP11-707F2.1	0,78	0,50	1,845109	0,269656	0,787425	NA
AJUBA	5,24	-0,36	1,334901	-0,26951	0,787541	0,9362567
RP4-668G5.1	9,33	-0,31	1,150819	-0,26945	0,787582	0,9362567
RP11-108M12.3	7,73	-0,33	1,222261	-0,26939	0,787626	0,9362567
RP11-15J10.1	27,13	-0,54	2,017795	-0,26939	0,787627	0,9362567
RF01979	1,39	-0,47	1,727731	-0,26939	0,78763	NA
SNHG8	475,43	-0,09	0,341972	-0,26936	0,787653	0,9362567
MYO1E	339,88	0,19	0,723378	0,269288	0,787708	0,9362624
MDGA2	4,43	-0,45	1,689884	-0,26919	0,787787	0,9362957
RP11-299H22.7	0,84	0,60	2,213148	0,269107	0,787847	NA

ARHGEF10	27,59	0,16	0,597813	0,269105	0,787849	0,9363096
RP11-488L18.10	231,77	0,13	0,49368	0,268891	0,788013	0,936372
RP11-347J14.7	3,31	0,21	0,789276	0,268887	0,788016	NA
RP11-307C18.1	0,49	0,98	3,650882	0,268855	0,788041	NA
RNF220	255,42	0,10	0,356018	0,26875	0,788122	0,936372
NTMT1	292,60	0,15	0,559461	0,26875	0,788122	0,936372
MED15	916,83	-0,10	0,371508	-0,26871	0,788151	0,936372
RP11-1058B10.1	4,60	0,46	1,693769	0,268664	0,788188	0,936372
GPBP1	1061,02	0,08	0,295298	0,268644	0,788203	0,936372
RPL21P119	1,04	0,41	1,516023	0,268614	0,788227	NA
SMIM9	0,26	1,01	3,746805	0,26848	0,78833	NA
RP11-881L2.1	7,10	0,24	0,87966	0,268446	0,788356	0,9364092
CH17-264L24.1	50,73	0,19	0,697241	0,26842	0,788376	0,9364092
TPX2	5,77	-0,36	1,333541	-0,26841	0,788386	0,9364092
RP1-122K4.3	2,78	0,31	1,151778	0,268405	0,788387	NA
AC018766.5	2,01	0,72	2,681673	0,268306	0,788464	NA
RNU6-482P	3,29	-0,49	1,819467	-0,26822	0,788527	NA
PITPNM1	272,88	0,17	0,640205	0,26818	0,788561	0,9365573
ZNF589	200,97	-0,20	0,733491	-0,26808	0,788641	0,9365925
ZNF32OS1	0,93	0,76	2,826866	0,268036	0,788672	NA
LYRM5	149,69	0,31	1,147369	0,267927	0,788756	0,9366695
RP11-528D24.3	2,34	-0,35	1,29489	-0,2677	0,788929	NA
AC058791.1	259,50	0,20	0,754617	0,267662	0,788959	0,9367949
RPA3	149,79	0,13	0,468539	0,267616	0,788995	0,9367949
FASTK	307,07	-0,20	0,730836	-0,26759	0,789012	0,9367949
RP11-637A17.2	2,24	-0,45	1,673534	-0,26758	0,789022	NA
RP11-111F5.3	0,46	0,70	2,618516	0,267422	0,789144	NA
ESAM	10,68	0,29	1,091618	0,267256	0,789272	0,9370436
TRBV7-3	0,25	0,93	3,496991	0,267232	0,78929	NA
AC067945.2	0,82	0,50	1,876019	0,267228	0,789293	NA
AC069257.8	0,28	0,78	2,910761	0,267178	0,789332	NA
RP11-500M8.4	42,81	-0,24	0,905408	-0,26711	0,789387	0,9370748
CPED1	284,37	0,16	0,611342	0,267091	0,789399	0,9370748
CAPN13	1,82	-0,46	1,705731	-0,26706	0,789423	NA
RN7SL146P	3,03	0,72	2,681478	0,267056	0,789426	NA
RALGAPA2	311,54	0,18	0,655735	0,26701	0,789461	0,9370888
TAGLN	94,74	-0,27	0,993264	-0,26694	0,789513	0,9370903
MIR5192	0,46	-0,95	3,545496	-0,26682	0,78961	NA
MADD	703,72	0,15	0,560015	0,266761	0,789653	0,9371674
LLNLR-470E3.1	172,73	-0,14	0,51926	-0,26673	0,789679	0,9371674
ACE2	0,50	0,80	2,986766	0,26668	0,789715	NA
IRGQ	307,57	0,18	0,685693	0,26666	0,789731	0,9371699
FAM41C	10,15	0,47	1,756538	0,266563	0,789805	0,9371981
RP11-471M2.2	0,75	-0,98	3,680557	-0,26654	0,789822	NA
CTD-2207A17.1	1,30	0,58	2,193986	0,266486	0,789865	NA
RP11-611O2.1	2,44	-0,39	1,451734	-0,26647	0,789876	NA
SRC	61,03	0,27	1,022647	0,266421	0,789915	0,9372351
MYADML	3,93	-0,26	0,988374	-0,26639	0,789937	0,9372351
GS1-124K5.10	0,48	0,96	3,594538	0,266385	0,789942	NA
KEL	1,60	0,31	1,1769	0,266345	0,789974	NA

RP11-632K20.8	0,37	0,61	2,275075	0,266344	0,789974	NA
VWC2	4,80	0,30	1,144819	0,266077	0,79018	0,937463
TNPO1P1	26,43	-0,55	2,063159	-0,26596	0,790266	0,9375059
RP11-516C1.2	1,10	0,99	3,716851	0,265931	0,790293	NA
TMEM200B	3,55	0,67	2,52411	0,265832	0,790368	NA
PEPD	407,09	-0,15	0,56348	-0,26577	0,790416	0,9375107
CNOT6L	614,30	0,17	0,638503	0,265668	0,790495	0,9375107
CTC-513N18.7	0,26	1,00	3,747484	0,265636	0,790519	NA
THAP2	130,55	0,24	0,894744	0,265579	0,790564	0,9375107
RP11-579E24.1	8,31	0,20	0,738433	0,265524	0,790606	0,9375107
DRC7	0,56	-0,71	2,670167	-0,26551	0,790617	NA
USP16	784,73	0,09	0,341271	0,265497	0,790627	0,9375107
FOXO1	345,61	0,22	0,813518	0,265455	0,790659	0,9375107
ZNF525	33,13	-0,18	0,682281	-0,2654	0,790704	0,9375107
KLHL33	20,56	-0,17	0,657704	-0,26536	0,790731	0,9375107
CALU	493,95	0,18	0,681169	0,265324	0,79076	0,9375107
PARK2	8,06	-0,24	0,919426	-0,26531	0,790774	0,9375107
RP5-1068E13.7	0,65	0,66	2,479913	0,265026	0,79099	NA
ESYT3	6,61	0,28	1,04825	0,264948	0,79105	0,9377775
AC006116.17	29,60	0,35	1,325521	0,264776	0,791182	0,9378084
RAP1GDS1	646,75	-0,15	0,558153	-0,26468	0,791257	0,9378084
KCNH1	20,47	0,22	0,848022	0,264666	0,791267	0,9378084
ADAM10	1054,68	-0,12	0,440196	-0,26464	0,791285	0,9378084
RP11-244E17.1	0,37	0,60	2,264358	0,264641	0,791286	NA
CENPT	112,73	0,19	0,73277	0,264587	0,791328	0,9378084
SMAD4	419,56	-0,19	0,729663	-0,26449	0,791402	0,9378361
UGT3A1	0,52	0,96	3,635896	0,264381	0,791486	NA
SH3BGRL	2471,06	0,09	0,348829	0,264246	0,79159	0,938
RP11-18F14.4	1,07	-0,68	2,562164	-0,26423	0,791603	NA
RP11-219B4.5	3,60	-0,28	1,049915	-0,26418	0,79164	NA
CTB-193M12.3	3,24	-0,23	0,872813	-0,26417	0,79165	NA
RP11-92A5.2	0,68	0,53	2,004093	0,264155	0,791661	NA
KIAA0232	497,82	-0,22	0,84112	-0,26414	0,791669	0,938033
B3GLCT	10,14	0,50	1,907763	0,263816	0,791922	0,9381109
RP11-425D10.10	90,23	-0,34	1,278571	-0,26375	0,79197	0,9381109
CTC-340A15.2	34,42	0,17	0,655161	0,263675	0,79203	0,9381109
CREB3L4	43,02	-0,35	1,331426	-0,26364	0,792054	0,9381109
SYCE1L	1,23	-0,58	2,216531	-0,2636	0,792091	NA
DEC1	111,21	0,13	0,505833	0,263593	0,792093	0,9381109
ANKRD34C	0,31	0,99	3,747526	0,26348	0,792181	NA
KIFC1	10,62	-0,37	1,393867	-0,26346	0,792196	0,9381109
TNFSF8	177,91	-0,25	0,941874	-0,26338	0,792257	0,9381109
RASD1	42,74	0,34	1,294548	0,263188	0,792406	0,9381109
OPA1	645,12	-0,13	0,480059	-0,26318	0,792414	0,9381109
MAEA	349,82	-0,15	0,557928	-0,26315	0,792436	0,9381109
AP001057.1	23,75	0,27	1,012093	0,263093	0,792479	0,9381109
CHST11	340,65	-0,20	0,773146	-0,26298	0,792563	0,9381109
CYTH2	240,73	0,17	0,65664	0,262942	0,792595	0,9381109
ZFP62	109,80	-0,37	1,397339	-0,26292	0,792609	0,9381109
GRHPR	676,37	0,13	0,483716	0,262865	0,792655	0,9381109

RP11-274B21.11	1,72	0,79	3,005233	0,262851	0,792666	NA
RP11-803D5.4	15,97	-0,55	2,106149	-0,26284	0,792673	0,9381109
MAGI3	44,46	-0,46	1,745679	-0,26283	0,792685	0,9381109
BOD1	98,84	-0,23	0,868234	-0,26282	0,792687	0,9381109
CTD-2561J22.2	1,21	-0,48	1,817123	-0,26273	0,792759	NA
RP11-1006G14.4	51,46	-0,33	1,274728	-0,26267	0,792806	0,9381109
DIAPH1	2597,49	0,08	0,285611	0,262631	0,792835	0,9381109
XXyac-R12DG2.3	0,27	-0,88	3,35346	-0,26261	0,792851	NA
RN7SL473P	81,24	-0,33	1,262413	-0,26255	0,792898	0,9381109
TBC1D1	671,63	-0,10	0,369894	-0,26254	0,792909	0,9381109
FUBP1	636,08	0,11	0,432445	0,262514	0,792925	0,9381109
RP11-60I3.5	25,80	0,54	2,065783	0,262382	0,793027	0,9381109
RP11-498D10.3	6,54	-0,29	1,0978	-0,26236	0,793046	0,9381109
C8orf88	0,21	-0,89	3,382291	-0,26233	0,793065	NA
ZNF706	820,67	-0,08	0,311885	-0,26231	0,793085	0,9381109
RP11-29A1.2	0,62	-0,97	3,690052	-0,26228	0,793109	NA
RP11-109A6.5	0,24	-0,88	3,364987	-0,26225	0,793131	NA
ERICH1	281,32	0,10	0,385685	0,262245	0,793132	0,9381109
KIF17	25,71	-0,42	1,607363	-0,26223	0,793146	0,9381109
CTB-360I.5	31,25	-0,23	0,8637	-0,26203	0,793298	0,9381184
RP11-85F14.5	9,40	-0,36	1,371314	-0,26201	0,79331	0,9381184
RP11-772C9.1	14,57	0,16	0,604947	0,261898	0,7934	0,9381184
RP11-18M17.2	29,00	-0,32	1,229334	-0,2619	0,7934	0,9381184
ADGRD1	153,58	-0,25	0,94052	-0,26189	0,793405	0,9381184
ACSBG1	26,16	0,22	0,832056	0,26179	0,793484	0,9381521
RP11-196G18.3	0,23	-0,88	3,375917	-0,26178	0,793492	NA
DUX4L17	1,07	-0,85	3,253642	-0,2617	0,793551	NA
AC017002.1	9,78	-0,43	1,643336	-0,26169	0,793561	0,9381839
FLT1	37,45	0,21	0,817411	0,261547	0,793671	0,9382544
RP11-231D20.2	7,07	-0,36	1,360387	-0,26138	0,793798	0,9383453
ETFDH	264,84	-0,21	0,785254	-0,2613	0,793863	0,9383627
ZNF112	0,29	0,80	3,075912	0,26105	0,794054	NA
C20orf96	59,65	0,31	1,179809	0,261016	0,79408	0,9385315
DAB1	0,29	0,73	2,813337	0,260923	0,794152	NA
XAB2	149,32	0,22	0,824668	0,260923	0,794152	0,9385315
RP11-248J18.3	16,06	-0,34	1,306669	-0,26092	0,794158	0,9385315
RP5-906C1.1	2,24	0,37	1,408795	0,260835	0,794219	NA
CCDC38	20,58	0,13	0,515189	0,260806	0,794242	0,9385379
TCN2	168,50	-0,27	1,02941	-0,26073	0,794301	0,9385379
ATXN2L	271,28	-0,18	0,685817	-0,26071	0,794318	0,9385379
SERPINB6	1636,98	0,09	0,353079	0,260647	0,794365	0,9385379
RP11-366M4.7	2,12	-0,24	0,936969	-0,2606	0,794398	NA
PCSK7	720,96	0,10	0,390311	0,260577	0,794419	0,938542
RP4-543J19.8	24,84	-0,22	0,850955	-0,26038	0,794574	0,9385683
RP11-166B2.3	27,07	-0,19	0,734782	-0,26037	0,794579	0,9385683
AC004166.7	77,15	0,19	0,739523	0,260352	0,794592	0,9385683
LA16c-59E1.2	0,49	0,94	3,616021	0,2603	0,794632	NA
RP11-235E17.4	0,49	0,94	3,613811	0,260245	0,794674	NA
CREB3	222,05	0,21	0,805436	0,259962	0,794893	0,9388141
KLHL9	226,83	0,19	0,731051	0,259951	0,794901	0,9388141

RP11-399C16.3	3,60	0,36	1,36874	0,259836	0,794991	NA
UBL3	460,66	0,13	0,517709	0,259775	0,795037	0,93883
RCAN1	142,24	-0,22	0,850753	-0,25974	0,795065	0,93883
TAB1	78,13	0,23	0,900328	0,259731	0,795071	0,93883
CTD-2574D22.2	3,99	-0,23	0,874352	-0,25967	0,795117	0,93883
SNORD117	0,57	-0,54	2,078922	-0,25961	0,795162	NA
IFI16	2010,75	0,07	0,272252	0,259599	0,795173	0,9388352
PROM2	16,86	-0,20	0,757422	-0,25954	0,795222	0,9388352
SNX6	761,98	-0,13	0,483135	-0,25944	0,795298	0,9388649
RNU2-36P	0,57	0,46	1,773216	0,259377	0,795345	NA
RP11-325K4.2	30,81	0,43	1,66841	0,259124	0,79554	0,9390432
WDR53	48,76	0,43	1,649583	0,258915	0,795701	0,9390432
CRHR1	0,13	-0,97	3,744295	-0,25889	0,795717	NA
SYT15	65,50	0,20	0,753323	0,258884	0,795725	0,9390432
PLEKHF2	161,24	0,17	0,653149	0,258766	0,795816	0,9390432
ZNF26	406,54	-0,13	0,521223	-0,25871	0,79586	0,9390432
RP11-415I12.6	1,23	0,24	0,94128	0,258661	0,795897	NA
GPX6	0,15	-0,88	3,391398	-0,2586	0,795945	NA
TSNARE1	44,75	0,45	1,738264	0,258542	0,795989	0,9390432
LLNLR-268E12.1	0,72	0,82	3,159248	0,258458	0,796053	NA
RP11-434P11.2	4,14	0,89	3,462646	0,258401	0,796097	0,9390432
PGBD4	127,24	0,17	0,64766	0,258259	0,796207	0,9390432
COPG1	308,18	-0,19	0,739193	-0,25826	0,796209	0,9390432
NPRL3	218,41	0,18	0,695741	0,25824	0,796222	0,9390432
RP11-96O20.4	0,24	0,97	3,7476	0,258239	0,796223	NA
RP11-43D4.2	156,82	0,20	0,779127	0,258156	0,796287	0,9390432
STAG2	1320,50	0,11	0,412171	0,258071	0,796352	0,9390432
NXNL1	3,28	-0,39	1,521244	-0,25801	0,7964	NA
CHM	277,32	0,19	0,746752	0,257984	0,796419	0,9390432
RNU6-1285P	0,72	-0,94	3,640713	-0,25796	0,79644	NA
DMD	36,98	0,19	0,73921	0,25783	0,796538	0,9390432
ADGRD2	8,91	-0,15	0,577907	-0,25781	0,796552	0,9390432
ACRBP	136,71	-0,24	0,923572	-0,25781	0,796552	0,9390432
GNG2	554,26	-0,10	0,405278	-0,2578	0,796558	0,9390432
IGLV5-37	0,79	-0,61	2,368037	-0,25775	0,796603	NA
TAF1	438,01	-0,17	0,644251	-0,25774	0,796607	0,9390432
HIST1H2AE	11,09	0,43	1,651303	0,257719	0,796624	0,9390432
SIRT2	499,79	0,10	0,376692	0,257628	0,796694	0,9390432
C21orf131	3,29	0,59	2,306937	0,25751	0,796785	NA
TP73-AS1	37,30	0,23	0,897494	0,257494	0,796797	0,9390432
RN7SL285P	28,60	0,29	1,125541	0,257488	0,796802	0,9390432
FREM1	0,34	-0,85	3,292593	-0,25731	0,796938	NA
RP11-182J23.1	27,74	0,23	0,90552	0,257308	0,796941	0,9390432
YIPF1	344,17	0,16	0,60242	0,2573	0,796947	0,9390432
NIF3L1	73,37	-0,31	1,21782	-0,25714	0,797073	0,9390432
RP11-306O1.2	4,47	0,27	1,06553	0,257029	0,797156	0,9390432
ALS2CL	57,45	0,34	1,335955	0,25697	0,797202	0,9390432
RP11-183G22.1	1,25	0,34	1,340446	0,256878	0,797273	NA
SPATA2L	53,10	0,37	1,454282	0,256855	0,797291	0,9390432
WDR61	586,63	0,12	0,480291	0,256814	0,797323	0,9390432

KANSL1L	131,04	0,19	0,73624	0,256792	0,797339	0,9390432
RP11-65L3.3	48,79	-0,26	1,024492	-0,25678	0,797348	0,9390432
HIST1H4I	24,47	0,31	1,198926	0,25674	0,797379	0,9390432
MIR548C	16,18	0,20	0,780121	0,256717	0,797397	0,9390432
MIR548Z	16,18	0,20	0,780121	0,256717	0,797397	0,9390432
CLTC	1545,95	0,09	0,362601	0,256702	0,797409	0,9390432
SNAPC1	115,59	0,18	0,708254	0,256647	0,797451	0,9390432
PLEKHG4	20,46	-0,24	0,928345	-0,25664	0,797458	0,9390432
NAV3	72,81	-0,18	0,684146	-0,25663	0,797468	0,9390432
RHCE	0,43	-0,76	2,950134	-0,25661	0,797481	NA
ZNF385C	45,58	0,21	0,828576	0,256588	0,797497	0,9390432
ELOF1	522,38	-0,12	0,460677	-0,25653	0,79754	0,9390432
RP11-92G12.3	6,12	0,18	0,683733	0,256513	0,797555	0,9390432
ZNF616	21,55	-0,29	1,116475	-0,2565	0,797568	0,9390432
RP11-687M24.3	2,63	0,32	1,231725	0,256255	0,797754	NA
RABL3	135,24	0,19	0,757131	0,256188	0,797805	0,9392628
RF00425	1,53	-0,84	3,291258	-0,25617	0,797822	NA
RP11-540O11.1	1,02	-0,51	2,00435	-0,25616	0,797828	NA
RP11-325L7.2	0,95	-0,58	2,250166	-0,25594	0,797995	NA
DCAF4L2	1,91	-0,51	1,985841	-0,25582	0,798086	NA
RP11-385D13.3	26,70	-0,17	0,655711	-0,25579	0,79811	0,9395233
PAGR1	245,32	-0,14	0,533762	-0,25575	0,798142	0,9395233
FAR2	67,68	0,32	1,263529	0,255706	0,798178	0,9395233
TNFSF11	0,23	0,96	3,747364	0,255664	0,79821	NA
CERS3	0,54	0,89	3,469916	0,255484	0,798349	NA
SIGLEC8	24,98	-0,18	0,723452	-0,25547	0,79836	0,9395782
HACL1	139,80	-0,22	0,864579	-0,25542	0,798395	0,9395782
AOAH	2523,61	0,06	0,252486	0,255389	0,798423	0,9395782
ZDHHC5	268,73	0,14	0,5395	0,255294	0,798496	0,9395782
FXYD7	0,58	0,79	3,108253	0,25528	0,798507	NA
RP11-173M1.4	5,46	-0,24	0,945894	-0,25527	0,798516	0,9395782
KMT2C	3005,20	0,11	0,428762	0,25513	0,798623	0,9395782
CTD-3099C6.7	10,30	-0,48	1,865232	-0,2551	0,798645	0,9395782
C1orf64	13,54	-0,26	1,024341	-0,25508	0,798665	0,9395782
RP11-378A13.1	31,18	0,21	0,827367	0,255018	0,798709	0,9395782
ULK4	57,79	0,26	1,026742	0,254954	0,798759	0,9395782
UBA6	577,32	-0,09	0,34925	-0,25493	0,79878	0,9395782
HDAC3	1259,86	-0,09	0,361622	-0,25477	0,798902	0,9396624
RP4-753D5.4	3,22	0,18	0,714336	0,254666	0,798981	NA
U52111.14	0,57	-0,42	1,661378	-0,25457	0,799055	NA
RN7SL16P	3,23	-0,48	1,879384	-0,25453	0,799086	NA
RP11-278C7.5	0,77	-0,50	1,979566	-0,25451	0,799098	NA
RP11-29H23.5	0,22	-0,73	2,87217	-0,2545	0,799108	NA
LCP2	1099,95	0,11	0,416086	0,254374	0,799206	0,939803
RP11-544M22.1	47,10	-0,21	0,829906	-0,2543	0,799263	0,939803
HEATR9	0,09	-0,88	3,441164	-0,2543	0,799265	NA
ZSCAN30	143,63	-0,14	0,541283	-0,25427	0,799285	0,939803
SDHAF4	22,84	-0,22	0,851804	-0,2542	0,799344	0,939803
GBP6	85,25	-0,17	0,673715	-0,25413	0,799394	0,939803
RP1-151F17.1	2,78	-0,76	2,9894	-0,25409	0,799429	NA

RP11-399K21.6	0,62	0,37	1,461183	0,254023	0,799478	NA
NUP155	255,43	0,17	0,66833	0,253975	0,799515	0,939803
ATXN7L2	40,69	-0,40	1,561434	-0,25395	0,799534	0,939803
RP11-1391J7.1	7,31	-0,20	0,790231	-0,25392	0,799557	0,939803
IMP3	745,58	0,09	0,343512	0,253909	0,799566	0,939803
GPT2	25,23	-0,24	0,96217	-0,25389	0,799577	0,939803
TMEM115	110,86	-0,23	0,915229	-0,25384	0,799618	0,939803
FDX1L	41,23	-0,34	1,33225	-0,25383	0,799628	0,939803
PBK	0,49	0,88	3,482277	0,253799	0,799651	NA
RP11-456O19.2	6,28	-0,67	2,659745	-0,25376	0,79968	0,9398046
LYRM2	493,10	-0,17	0,660344	-0,25364	0,79977	0,9398396
AC006042.8	2,07	0,77	3,031007	0,253629	0,799782	NA
RP11-525J21.1	6,10	-0,32	1,256718	-0,25359	0,799811	0,9398396
AC009312.1	3,38	-0,37	1,470853	-0,25352	0,799868	NA
HSD17B12	308,14	-0,14	0,566072	-0,2534	0,799962	0,939901
RARS2	184,51	-0,17	0,666821	-0,25331	0,800032	0,939901
HAUS4	383,35	0,14	0,559626	0,253289	0,800045	0,939901
RP11-255G21.1	3,16	0,42	1,672735	0,253285	0,800048	NA
CACNA1G	13,22	-0,20	0,791066	-0,25326	0,800065	0,939901
MOB3A	920,55	-0,10	0,381496	-0,25316	0,800144	0,939932
RP11-255C15.1	39,31	-0,33	1,309974	-0,2531	0,800193	0,939932
PON1	0,52	0,92	3,638006	0,253055	0,800225	NA
RP11-399E6.4	0,54	-0,94	3,698655	-0,25305	0,800228	NA
LRRC37A	112,83	-0,19	0,73805	-0,25294	0,800311	0,9399684
RP11-100M12.2	2,42	-0,51	2,029917	-0,25294	0,800318	NA
KRBOX4	181,36	-0,24	0,951702	-0,25289	0,800357	0,9399684
STAC2	6,68	-0,21	0,833139	-0,25286	0,800375	0,9399684
LDLRAD4	508,35	0,13	0,505257	0,252784	0,800435	0,9399794
RP11-615J4.3	2,08	-0,84	3,333052	-0,25278	0,800442	NA
ALG1	161,93	0,24	0,950727	0,252703	0,800498	0,9399941
RP4-613B23.1	3,40	0,30	1,19893	0,252648	0,800541	NA
RP11-383G6.4	2,12	-0,38	1,524393	-0,2524	0,800733	NA
TRAPPC4	242,08	-0,16	0,640003	-0,25235	0,800773	0,9400832
RP11-21M7.1	5,00	-0,32	1,278002	-0,25233	0,80079	0,9400832
FUS	872,48	-0,08	0,327243	-0,25229	0,800819	0,9400832
EIF2B2	192,42	0,23	0,911145	0,25227	0,800833	0,9400832
ZNF622	369,42	-0,21	0,824689	-0,25223	0,800862	0,9400832
EIF6	2125,96	-0,07	0,268857	-0,25212	0,800951	0,9400832
ARMC6	274,91	0,16	0,624011	0,252088	0,800973	0,9400832
MTMR4	265,34	-0,22	0,859936	-0,25207	0,800984	0,9400832
RP11-1080G15.2	0,72	0,81	3,218089	0,252023	0,801023	NA
CLSTN1	239,43	-0,17	0,667189	-0,25196	0,801073	0,9400832
ANKRD62	2,46	-0,34	1,352111	-0,25172	0,80126	NA
OR2H2	16,42	0,31	1,248823	0,251713	0,801263	0,9400832
AC005077.12	43,39	-0,19	0,766444	-0,25168	0,801292	0,9400832
RP11-323H21.3	3,00	-0,24	0,966001	-0,25164	0,801317	NA
BTLA	4,58	0,28	1,126249	0,251604	0,801347	0,9400832
MFNG	549,81	0,16	0,619977	0,251559	0,801382	0,9400832
PTPN13	28,49	0,43	1,700301	0,251556	0,801384	0,9400832
RP13-15M17.1	24,04	0,47	1,849555	0,251492	0,801434	0,9400832

ZNF282	120,71	0,32	1,278731	0,251451	0,801466	0,9400832
NDUFB6	375,65	-0,10	0,41751	-0,2514	0,801506	0,9400832
NAXE	334,59	-0,18	0,728055	-0,25132	0,801564	0,9400832
RP3-399J4.4	22,68	-0,44	1,737139	-0,25125	0,801623	0,9400832
AC074019.2	1,08	0,37	1,47773	0,251192	0,801666	NA
CTD-2514K5.4	106,40	-0,14	0,570175	-0,25119	0,801666	0,9400832
PTPRE	2419,33	0,06	0,234878	0,251117	0,801724	0,9400832
RP11-350G13.1	1,69	-0,25	1,002076	-0,25109	0,801743	NA
SCAMP1	259,46	0,19	0,742023	0,251021	0,801798	0,9400832
TBCCD1	178,26	0,17	0,68956	0,251009	0,801807	0,9400832
C19orf44	24,03	-0,24	0,969076	-0,25098	0,801828	0,9400832
RP11-480C22.1	1,55	0,42	1,658095	0,250935	0,801865	NA
NKAIN2	0,15	-0,84	3,353928	-0,25093	0,801868	NA
NFKBIZ	3323,45	0,07	0,296051	0,250913	0,801882	0,9400832
AC062020.2	4,16	-0,79	3,147555	-0,25083	0,801949	0,9400832
ZNF800	468,99	-0,12	0,460863	-0,25082	0,801953	0,9400832
CAPZA2	2042,57	-0,10	0,388046	-0,25077	0,801991	0,9400832
AC090421.1	45,12	-0,32	1,286639	-0,25071	0,802039	0,9400832
RN7SL553P	2,87	0,43	1,703097	0,250658	0,802079	NA
RNU6-1053P	3,68	0,57	2,293663	0,250653	0,802082	NA
PHF21A	400,45	-0,15	0,600666	-0,25058	0,80214	0,9401422
RNU2-65P	2,41	0,34	1,365632	0,250529	0,802178	NA
MFAP2	0,10	-0,85	3,409277	-0,25049	0,802207	NA
C16orf95	30,73	0,30	1,183524	0,250489	0,802209	0,9401638
RP11-367G6.1	0,37	-0,56	2,247586	-0,25048	0,802216	NA
RP11-658F2.8	142,57	0,19	0,741055	0,250265	0,802382	0,9403073
FIP1L1	287,77	-0,14	0,565759	-0,25012	0,802491	0,9403691
RP11-302M6.3	1,98	-0,84	3,341144	-0,25006	0,80254	NA
RP11-39K24.2	0,52	-0,67	2,694376	-0,25001	0,802577	NA
LINC00294	123,63	-0,22	0,897936	-0,24997	0,802614	0,9403691
RP11-4B16.1	47,94	0,26	1,023316	0,249906	0,80266	0,9403691
ATP6V1E2	70,39	-0,35	1,393672	-0,24989	0,802672	0,9403691
HIST1H4J	65,26	0,20	0,81197	0,24987	0,802688	0,9403691
LGALS17A	0,81	-0,40	1,60911	-0,2498	0,802742	NA
ALOX15B	22,64	0,31	1,24046	0,249615	0,802885	0,9404491
GUSBP4	16,77	0,37	1,491529	0,249597	0,802899	0,9404491
RN7SL288P	18,41	0,24	0,950661	0,249586	0,802907	0,9404491
P4HB	1193,94	0,07	0,290405	0,249453	0,80301	0,9404526
FAM161A	51,32	0,21	0,85257	0,249451	0,803012	0,9404526
RNA5SP149	0,51	0,90	3,591117	0,249435	0,803025	NA
LRR3B	0,46	0,93	3,743821	0,249325	0,80311	NA
RP11-638I2.2	32,69	0,11	0,455635	0,249316	0,803116	0,9404852
C2orf91	33,33	0,16	0,648673	0,249181	0,803221	0,9404852
MRPS10	256,30	0,11	0,446256	0,249101	0,803283	0,9404852
RP4-545K15.3	58,14	-0,25	1,008271	-0,24909	0,80329	0,9404852
C18orf8	159,40	-0,22	0,86969	-0,24909	0,803292	0,9404852
AF238380.5	0,79	0,93	3,721016	0,248977	0,803379	NA
RN7SL862P	0,26	0,85	3,427906	0,248944	0,803404	NA
LMX1A	0,08	-0,93	3,748196	-0,24881	0,803511	NA
CTA-268H5.14	9,09	-0,79	3,163815	-0,24879	0,803527	0,9407008

AC072062.3	3,51	0,41	1,658482	0,248783	0,803529	NA
ZNF155	2,86	0,86	3,478054	0,248491	0,803754	NA
CRELD1	60,17	0,29	1,182028	0,248476	0,803766	0,9409221
CTC-270D5.1	0,62	-0,53	2,116392	-0,24825	0,803938	NA
BBOF1	2,97	-0,43	1,739622	-0,24818	0,803997	NA
XPNPEP2	0,79	0,92	3,710521	0,248063	0,804085	NA
RP11-586D19.2	8,32	0,28	1,144346	0,248049	0,804097	0,9411987
RIMBP3	9,09	0,72	2,916349	0,248009	0,804128	0,9411987
ABRA	23,18	0,25	1,027326	0,247974	0,804155	0,9411987
RP11-443F16.1	0,53	0,89	3,589432	0,247889	0,80422	NA
RP11-159F24.6	0,38	-0,64	2,591268	-0,24762	0,804426	NA
AC133965.1	2,64	-0,40	1,620571	-0,24762	0,804428	NA
Z69720.3	0,54	0,48	1,935713	0,247323	0,804658	NA
VPS35P1	0,39	0,65	2,620868	0,247279	0,804692	NA
CTD-2003C8.1	108,66	-0,26	1,04393	-0,24715	0,80479	0,9418593
MB	0,34	0,93	3,747361	0,24713	0,804808	NA
NOC3L	179,57	0,17	0,670666	0,247069	0,804855	0,9418593
CCDC148	5,11	0,28	1,146801	0,24697	0,804932	0,9418593
NAPA	834,71	0,09	0,347657	0,246856	0,805019	0,9418593
ASB2	54,60	-0,34	1,389458	-0,24685	0,805021	0,9418593
FAM127A	134,62	-0,15	0,627867	-0,24681	0,805057	0,9418593
RUVBL2	419,63	-0,15	0,594269	-0,24675	0,805105	0,9418593
LA16c-390H2.4	21,83	0,19	0,751111	0,246677	0,805158	0,9418593
GDF11	25,71	0,26	1,046777	0,246656	0,805175	0,9418593
RP5-965G21.5	0,22	0,92	3,747797	0,246554	0,805253	NA
SLC35F1	1,24	-0,40	1,613761	-0,24652	0,805282	NA
RF00190	0,37	0,65	2,648333	0,24648	0,80531	NA
AC092669.3	232,54	-0,08	0,321417	-0,24641	0,805361	0,9419793
PPCDC	182,97	-0,19	0,75339	-0,24639	0,805378	0,9419793
CTC-444N24.13	0,78	0,92	3,73687	0,246357	0,805406	NA
FAM27C	4,66	-0,69	2,794689	-0,2463	0,805447	0,9420001
AC016700.5	1,12	-0,63	2,544913	-0,24627	0,805476	NA
ANAPC7	240,50	0,17	0,709195	0,246173	0,805548	0,9420061
RAB27A	452,39	-0,14	0,549652	-0,24615	0,805565	0,9420061
SUMF2	417,62	0,08	0,320108	0,246101	0,805604	0,9420061
LINC00654	4,85	0,34	1,395451	0,245991	0,805689	0,9420464
ANGEL2	323,44	0,12	0,496845	0,245852	0,805797	0,9421131
GUCY2D	6,29	0,35	1,418443	0,245749	0,805876	0,9421311
RBM38	129,70	0,26	1,063784	0,245685	0,805926	0,9421311
LRRC75A-AS1	4606,41	0,05	0,212215	0,245636	0,805964	0,9421311
RN7SL762P	0,42	0,75	3,070422	0,245589	0,806	NA
FAM131A	77,66	-0,24	0,988818	-0,2455	0,806073	0,9421989
CTB-96E2.10	1,22	0,81	3,297656	0,245467	0,806095	NA
PHC3	602,27	-0,15	0,62794	-0,24539	0,806152	0,9422324
SMARCD1	217,92	-0,18	0,726685	-0,24522	0,80629	0,9422916
NEURL3	1,48	-0,42	1,69541	-0,24521	0,806291	NA
NAV1	731,09	0,09	0,355526	0,245197	0,806304	0,9422916
SNORD38A	0,92	-0,29	1,164465	-0,24517	0,806324	NA
RP11-10022.2	33,79	0,27	1,095844	0,245061	0,806409	0,9423289
RP11-264B17.2	7,16	-0,23	0,94464	-0,24503	0,806437	0,9423289

RP4-597N16.4	0,31	0,85	3,452718	0,244975	0,806476	NA
GLT25D1	1849,70	0,07	0,27331	0,244697	0,806691	0,9425549
DHX33	105,74	0,17	0,706051	0,244578	0,806783	0,9425549
DIMT1	399,57	-0,14	0,55735	-0,24453	0,80682	0,9425549
CTD-2006H14.2	1,50	0,43	1,764018	0,244478	0,80686	NA
SORBS1	82,74	-0,32	1,290377	-0,24442	0,806907	0,9425549
RWDD1	347,19	0,11	0,45409	0,244411	0,806913	0,9425549
RP11-98I9.4	8,79	-0,42	1,733694	-0,24438	0,806934	0,9425549
HOXA6	0,28	0,70	2,870045	0,244246	0,80704	NA
DDX54	268,42	0,18	0,726044	0,244244	0,807042	0,9425666
GRIK2	24,27	-0,28	1,134175	-0,24424	0,807046	0,9425666
RBP2	0,26	-0,92	3,748196	-0,24422	0,807059	NA
MRPL16	901,63	0,14	0,55489	0,244148	0,807117	0,9425902
PLK3	359,90	0,15	0,619184	0,244005	0,807227	0,9426413
BTNL9	17,16	-0,13	0,523217	-0,24393	0,807282	0,9426413
RNA5SP39	10,80	0,46	1,887743	0,243895	0,807312	0,9426413
RP11-75C10.7	0,47	0,91	3,743455	0,243876	0,807327	NA
PRRT3	2,57	-0,33	1,359859	-0,24384	0,807352	NA
RNU6-97P	2,32	0,61	2,491497	0,243824	0,807367	NA
FAM234A	207,86	-0,15	0,634347	-0,24376	0,80742	0,9426766
PICK1	57,09	-0,21	0,844326	-0,24365	0,807502	0,9426766
RP11-856B14.1	33,91	-0,27	1,100288	-0,24363	0,807517	0,9426766
CTA-125H2.2	2,89	0,67	2,735764	0,243623	0,807523	NA
SCHIP1	72,27	-0,22	0,908048	-0,24359	0,807545	0,9426766
RP11-503P10.1	0,19	0,70	2,883694	0,243558	0,807573	NA
RP11-430B1.2	2,38	0,56	2,312308	0,243524	0,807599	NA
MIR4420	1,83	-0,89	3,637893	-0,24346	0,807649	NA
HS3ST3A1	0,12	-0,69	2,847133	-0,24345	0,807657	NA
RP11-308B5.2	6,04	0,20	0,831862	0,243443	0,807662	0,942754
RP11-79E3.3	0,17	-0,70	2,86417	-0,24343	0,807674	NA
RP1-45N11.1	2,03	-0,42	1,718989	-0,24335	0,807735	NA
SPAG5	64,37	0,28	1,158279	0,243338	0,807744	0,9427696
RP11-11M20.2	0,60	-0,90	3,715324	-0,24331	0,807768	NA
KLHL20	174,27	-0,19	0,762998	-0,24325	0,807815	0,9427696
IGFN1	0,25	-0,70	2,879024	-0,24323	0,807828	NA
TMEM173	856,94	-0,13	0,522424	-0,24318	0,80787	0,9427696
CLDND2	5,48	-0,29	1,176831	-0,24311	0,807919	0,9427696
AXIN1	142,57	0,18	0,746276	0,243099	0,807929	0,9427696
RP11-466F5.6	3,42	0,49	2,026381	0,243072	0,807949	NA
FNTA	1679,45	0,08	0,348647	0,242962	0,808035	0,9428341
RP11-489P6.2	0,75	-0,59	2,426045	-0,24285	0,808123	NA
EXOC3L1	42,54	0,49	1,999728	0,242772	0,808182	0,942865
CCDC14	360,91	-0,20	0,803825	-0,24277	0,808186	0,942865
RP1-130L23.1	8,97	0,34	1,40239	0,242706	0,808233	0,942865
NT5C3B	223,19	-0,20	0,810387	-0,24267	0,808264	0,942865
GABRA4	2,32	0,36	1,470994	0,242628	0,808294	NA
ATP13A1	467,33	0,10	0,418966	0,242538	0,808364	0,942922
BZW1L1	40,20	-0,46	1,906637	-0,24241	0,808461	0,942976
RP11-315J22.1	0,95	-0,27	1,109256	-0,24235	0,808511	NA
IL1RAP	262,15	0,12	0,495351	0,242292	0,808554	0,9430254

DYDC2	10,64	0,30	1,236408	0,24216	0,808656	0,9430323
CYP2G1P	0,10	-0,91	3,748196	-0,24216	0,808659	NA
TBC1D10B	345,39	0,16	0,6787	0,242154	0,808661	0,9430323
RP11-697H9.2	0,24	0,84	3,452031	0,24214	0,808672	NA
RP11-302B13.5	0,45	0,87	3,607645	0,24194	0,808827	NA
ARMC5	32,41	0,37	1,520622	0,241903	0,808856	0,943181
RALYL	7,84	0,21	0,873697	0,241858	0,80889	0,943181
RP11-267J23.1	2,09	0,22	0,91795	0,241729	0,80899	NA
RNU1-130P	10,64	-0,29	1,186232	-0,2417	0,809011	0,9432627
CTD-2308N23.5	2,47	-0,31	1,295693	-0,24163	0,80907	NA
RP11-443P15.2	0,05	-0,90	3,738369	-0,24162	0,809075	NA
CTD-3222D19.5	1,11	-0,69	2,838599	-0,24158	0,809106	NA
RP11-398A8.3	170,88	0,18	0,749532	0,241558	0,809123	0,943304
GLRX3	596,46	0,08	0,328434	0,241457	0,809201	0,943304
SPRED3	24,44	0,22	0,902803	0,241419	0,80923	0,943304
AC084018.1	47,93	0,23	0,945586	0,241384	0,809257	0,943304
RP11-245M24.1	12,35	0,19	0,791535	0,241326	0,809302	0,943304
ST18	80,36	-0,22	0,927152	-0,24126	0,80935	0,943304
AC092155.4	0,22	0,90	3,747921	0,241195	0,809404	NA
RNU1-77P	0,22	0,84	3,482285	0,241034	0,809529	NA
CNTN2	7,14	-0,18	0,744664	-0,24096	0,809583	0,9435052
EXOC3	457,84	0,10	0,427123	0,240911	0,809624	0,9435052
RP11-261C10.4	0,89	0,90	3,725086	0,240846	0,809674	NA
RP11-151I11.2	1,53	0,59	2,445893	0,240719	0,809773	NA
ICAM4	42,62	0,39	1,639913	0,240454	0,809978	0,9438453
RAI1	68,41	-0,21	0,863476	-0,24037	0,810041	0,9438453
AP000282.2	0,28	-0,90	3,748196	-0,24034	0,810064	NA
NAT1	42,51	-0,37	1,525366	-0,24026	0,810127	0,9438453
GLRA1	5,88	-0,27	1,114913	-0,24023	0,81015	0,9438453
JOSD1	501,93	0,16	0,652086	0,240176	0,810194	0,9438453
RNF26	105,21	0,27	1,141999	0,240141	0,810221	0,9438453
RP11-135A24.2	3,05	-0,50	2,07888	-0,2401	0,810249	NA
RP4-800J21.3	1,34	0,35	1,450815	0,239896	0,810411	NA
MROH9	0,30	0,83	3,44859	0,239868	0,810432	NA
ABCG5	4,02	-0,40	1,669852	-0,23985	0,810447	0,9440497
RP11-678K21.3	1,75	-0,41	1,691671	-0,23975	0,810521	NA
RP11-278C7.4	3,82	-0,39	1,634169	-0,23972	0,810544	0,9440732
BAHD1	95,55	-0,29	1,207608	-0,23969	0,810568	0,9440732
EXOSC8	156,30	0,14	0,568343	0,239402	0,810794	0,9442765
RHOQP1	0,64	-0,87	3,642553	-0,23928	0,81089	NA
DEPDC4	8,77	0,24	1,005679	0,239264	0,810901	0,9443308
CYP3A7	0,04	-0,89	3,736427	-0,23925	0,810908	NA
SLC2A4RG	30,51	0,25	1,050299	0,239211	0,810942	0,9443308
SUOX	72,89	0,20	0,830905	0,239085	0,81104	0,9443857
AKIRIN2	737,23	-0,11	0,47959	-0,23879	0,811265	0,9445885
PTER	226,31	0,23	0,97769	0,238634	0,811389	0,9446225
ZNF829	50,49	-0,19	0,794756	-0,23846	0,811523	0,9446225
PSMA5	1471,51	0,07	0,280493	0,238369	0,811595	0,9446225
GAPDH	19946,81	0,05	0,203812	0,238345	0,811613	0,9446225
RP11-613M10.9	1,04	0,62	2,600343	0,238295	0,811652	NA

ZMAT5	286,16	-0,18	0,740413	-0,23829	0,811659	0,9446225
AC003104.1	1,47	-0,69	2,876666	-0,23828	0,811661	NA
TUT1	75,70	0,30	1,240378	0,238212	0,811716	0,9446225
RP11-116N8.2	11,87	0,32	1,323609	0,238139	0,811773	0,9446225
RNA5SP190	1,20	-0,87	3,653804	-0,23807	0,811826	NA
DOLPP1	37,84	-0,38	1,591314	-0,23803	0,811862	0,9446225
GUSBP3	105,88	-0,14	0,586458	-0,23802	0,811862	0,9446225
SOX11	10,69	0,19	0,781258	0,238021	0,811865	0,9446225
RP5-1139B12.2	0,77	0,89	3,737256	0,237969	0,811905	NA
RP11-498C9.17	7,32	-0,16	0,676099	-0,23796	0,811912	0,9446225
CTD-2586B10.1	0,21	0,89	3,747945	0,237901	0,811958	NA
PFKFB4	104,99	-0,27	1,11457	-0,2379	0,81196	0,9446225
C4orf27	143,17	0,14	0,59547	0,237888	0,811968	0,9446225
IL27	11,51	0,26	1,100844	0,237841	0,812005	0,9446225
RP3-331H24.6	3,69	-0,28	1,181227	-0,23782	0,812021	NA
RP11-798K3.3	1,62	0,46	1,941893	0,237701	0,812113	NA
IL3RA	198,16	-0,16	0,656648	-0,23763	0,81217	0,94469
ZNF347	233,74	0,19	0,819684	0,237627	0,812171	0,94469
ZNF546	58,66	0,21	0,872659	0,237564	0,812219	0,94469
CTD-3187F8.15	0,81	-0,75	3,162991	-0,23751	0,812261	NA
ZNF532	281,46	-0,17	0,706659	-0,2375	0,812266	0,94469
RP11-293B20.1	3,01	0,33	1,36993	0,237442	0,812314	NA
RP11-414H23.2	0,72	-0,33	1,402656	-0,23744	0,812318	NA
OCIAD1	768,20	0,08	0,34062	0,237426	0,812327	0,9447016
RP5-1121E10.2	2,16	0,32	1,350103	0,237357	0,81238	NA
RP11-371B4.2	3,96	0,24	1,021776	0,237294	0,812429	0,9447232
REPIN1	303,95	0,11	0,452592	0,237271	0,812447	0,9447232
RP11-66B24.2	5,98	-0,21	0,86598	-0,23718	0,812517	0,9447377
KCNIP2	1,08	0,56	2,341337	0,237178	0,812518	NA
NPIPBA	817,35	0,09	0,381785	0,237084	0,812592	0,9447377
RP11-543P15.3	4,62	0,37	1,570741	0,237058	0,812611	0,9447377
CTD-2330K9.3	0,51	-0,85	3,576332	-0,23692	0,812716	NA
RP11-382A20.4	4,79	-0,29	1,217037	-0,23692	0,812719	0,9448032
RP11-2C23.1	0,21	0,89	3,747951	0,236882	0,812748	NA
RP11-15E18.1	2,01	-0,41	1,723532	-0,23676	0,812846	NA
S100A2	1,09	0,88	3,705796	0,236663	0,812918	NA
RP13-554M15.7	10,99	0,25	1,047948	0,236649	0,812929	0,9449885
AC002467.7	30,96	-0,47	2,003503	-0,23655	0,813004	0,9450174
C9orf43	0,44	-0,88	3,710475	-0,23655	0,813009	NA
CTD-2006K23.1	269,72	0,22	0,914084	0,236386	0,813133	0,9451075
RP11-477D19.2	23,57	-0,21	0,908266	-0,23627	0,813223	0,9451132
ADAP1	350,02	0,14	0,580026	0,236249	0,813239	0,9451132
RP11-220I1.5	1,80	0,53	2,259132	0,236192	0,813283	NA
USP47	875,22	0,09	0,388324	0,23616	0,813309	0,9451348
CTD-2537I9.18	2,68	-0,37	1,555408	-0,23613	0,813332	NA
DDX52	313,46	0,13	0,536399	0,235792	0,813594	0,9453016
EMP2	132,63	-0,15	0,6213	-0,23576	0,813619	0,9453016
ZNF160	247,61	0,12	0,494083	0,235753	0,813624	0,9453016
RN7SL646P	2,61	0,54	2,275013	0,235666	0,813691	NA
RP11-474D1.1	7,75	0,21	0,89221	0,23566	0,813696	0,9453016

HOXB4	0,97	-0,59	2,512717	-0,23556	0,81377	NA
AC095067.1	11,05	0,42	1,787881	0,235525	0,813802	0,9453016
RP11-20024.4	1,55	-0,32	1,378594	-0,23543	0,813872	NA
NBPF11	173,97	-0,17	0,731784	-0,23539	0,813904	0,9453016
WASF2	2087,77	-0,08	0,339514	-0,23538	0,813918	0,9453016
KB-431C1.4	78,18	-0,14	0,594616	-0,23537	0,813924	0,9453016
DGKZ	378,07	-0,11	0,477799	-0,23534	0,813942	0,9453016
AC069513.3	530,31	-0,09	0,398242	-0,23532	0,813964	0,9453016
MARCH8	184,86	0,13	0,541078	0,235255	0,814011	0,9453016
RNF215	46,97	-0,25	1,045686	-0,2351	0,814134	0,9453073
RP4-566L20.1	1,14	-0,86	3,657153	-0,23505	0,81417	NA
RAB3D	248,41	-0,15	0,61762	-0,23503	0,814188	0,9453073
SCAF8	333,96	-0,15	0,629392	-0,23496	0,814241	0,9453073
SPAG1	42,70	-0,23	0,999476	-0,23492	0,814273	0,9453073
SDK1	0,18	-0,66	2,822572	-0,23484	0,81433	NA
CTD-2256P15.2	43,59	-0,44	1,868963	-0,23483	0,814342	0,9453073
SERPINB8	410,43	-0,13	0,565257	-0,23478	0,814383	0,9453073
AC073479.1	6,82	-0,25	1,06788	-0,23477	0,814389	0,9453073
CTB-52I2.4	1,14	0,56	2,38003	0,234736	0,814414	NA
TRPM3	42,50	0,22	0,953162	0,234725	0,814423	0,9453073
GNAI2	3365,65	0,05	0,227127	0,234627	0,814498	0,9453326
AP001055.6	43,75	-0,31	1,302631	-0,23457	0,814546	0,9453326
AC005954.3	10,23	-0,23	0,998387	-0,23446	0,814625	0,9453652
HNRNPR	1024,90	0,08	0,354649	0,234386	0,814686	0,9453746
RMND5B	169,47	0,19	0,81069	0,234309	0,814745	0,9453746
DCAF5	358,93	-0,12	0,511369	-0,23426	0,814785	0,9453746
CHAC2	1,55	0,46	1,984375	0,234198	0,814831	NA
MCM9	220,04	0,17	0,746168	0,23405	0,814946	0,9455026
MPI	227,27	0,18	0,782442	0,233819	0,815126	0,9456214
AC092933.4	1,32	-0,34	1,442391	-0,23372	0,815199	NA
PILRB	389,68	-0,15	0,638452	-0,23372	0,8152	0,9456214
RP11-570L15.1	25,91	0,32	1,352356	0,233687	0,815228	0,9456214
RP11-464O2.2	4,28	-0,41	1,759649	-0,2336	0,815296	0,9456214
RP11-431N15.2	9,32	0,31	1,315416	0,23359	0,815303	0,9456214
RN7SL302P	0,24	-0,87	3,748196	-0,23337	0,815474	NA
RP11-662M24.1	1,20	0,27	1,171761	0,233367	0,815476	NA
SYNM	0,38	0,72	3,072407	0,233337	0,815499	NA
CTC-439O9.1	12,08	0,27	1,169437	0,233282	0,815542	0,945777
ADIRF-AS1	67,96	0,24	1,047	0,233239	0,815576	0,945777
WDR64	0,15	-0,78	3,344419	-0,23319	0,815614	NA
ERV3-1	92,02	0,17	0,723942	0,23317	0,815629	0,945777
UCK1	194,89	0,22	0,925687	0,233156	0,815641	0,945777
CUZD1	14,13	-0,70	3,001931	-0,23306	0,815718	0,9458074
UHRF1	24,59	0,19	0,815749	0,232968	0,815786	0,9458278
RP11-556O5.4	0,21	0,67	2,893319	0,232842	0,815884	NA
RP11-353N4.6	1,46	0,63	2,727671	0,232716	0,815982	NA
TMPO	459,77	0,11	0,461782	0,232702	0,815993	0,9459229
RP11-74J13.8	40,31	-0,20	0,839113	-0,2327	0,815998	0,9459229
RSAD2	415,61	-0,26	1,10964	-0,23263	0,81605	0,9459229
FIZ1	60,62	0,25	1,062026	0,232555	0,816107	0,9459229

RP11-46H11.3	28,16	-0,17	0,742912	-0,23254	0,816122	0,9459229
G6PC2	2,89	0,28	1,215113	0,232399	0,816228	NA
C12orf4	126,13	-0,20	0,863498	-0,23236	0,816258	0,9460217
RP11-127O4.3	1,41	-0,40	1,711295	-0,23235	0,816267	NA
SEC14L5	9,19	0,23	0,995029	0,232281	0,81632	0,9460338
RP5-1029F21.4	6,67	0,19	0,830718	0,232133	0,816434	0,946071
ANAPC1	284,08	-0,14	0,609981	-0,23211	0,816453	0,946071
CTD-2650P22.2	0,84	-0,65	2,786477	-0,23184	0,816659	NA
RN7SL7P	5,47	0,48	2,05674	0,231836	0,816666	0,946185
ZNF396	13,52	-0,18	0,780514	-0,2318	0,816696	0,946185
MUC22	0,39	-0,86	3,721216	-0,23175	0,816729	NA
RP11-753C18.12	8,23	0,28	1,208971	0,231609	0,816841	0,946185
ZNHIT6	182,86	-0,16	0,685522	-0,23149	0,816932	0,946185
AC005786.6	8,18	0,13	0,583199	0,231427	0,816983	0,946185
RASSF6	19,00	0,24	1,051296	0,231416	0,816992	0,946185
MLST8	250,39	0,11	0,48703	0,2314	0,817004	0,946185
RP11-73B2.4	1,42	0,41	1,761	0,231395	0,817008	NA
RP5-905H7.8	1,42	0,41	1,761	0,231395	0,817008	NA
RP11-407N17.4	6,84	-0,61	2,624722	-0,23133	0,817059	0,946185
ZFR2	11,50	0,23	0,996994	0,231315	0,81707	0,946185
RN7SL753P	0,20	-0,87	3,748196	-0,2313	0,817083	NA
RP11-157L3.4	0,31	-0,45	1,949739	-0,23129	0,817086	NA
PDLIM7	106,01	-0,23	0,987675	-0,23127	0,817103	0,946185
NECAB3	39,01	-0,40	1,729838	-0,2312	0,817161	0,946185
CANT1	141,57	-0,15	0,638007	-0,23113	0,817211	0,946185
CHP2	39,48	0,19	0,822711	0,231131	0,817213	0,946185
PRPF8	1312,29	-0,07	0,285639	-0,23106	0,817271	0,9461925
RP11-227P3.1	4,19	-0,22	0,933201	-0,23099	0,817321	0,9461925
NOD1	87,57	0,21	0,927575	0,2309	0,817392	0,9462161
CTD-2081C10.5	1,02	-0,57	2,463489	-0,23089	0,817401	NA
GPC1	0,34	-0,79	3,43864	-0,23066	0,817579	NA
AF131216.5	8,01	-0,24	1,033738	-0,23058	0,817644	0,9463517
AC069257.4	18,06	0,14	0,620654	0,230552	0,817663	0,9463517
LIG3	250,58	-0,21	0,917938	-0,23034	0,817826	0,9463517
PMS2L2	36,86	-0,26	1,119458	-0,23031	0,817848	0,9463517
SPATA13	332,11	0,15	0,66815	0,230284	0,817871	0,9463517
COL17A1	4,97	-0,47	2,0225	-0,23026	0,81789	0,9463517
MMP24	8,04	0,22	0,944626	0,230259	0,81789	0,9463517
RP11-546B15.1	8,97	0,48	2,069033	0,230186	0,817947	0,9463517
LPAR2	376,86	-0,13	0,585471	-0,23011	0,818002	0,9463517
NEK8	15,20	-0,20	0,872509	-0,23009	0,818018	0,9463517
ERO1B	173,73	-0,16	0,704215	-0,22997	0,818113	0,9463524
PRRC1	422,52	-0,16	0,675199	-0,22996	0,818121	0,9463524
RP11-1157N2__B.2	0,29	-0,57	2,487595	-0,22992	0,818157	NA
RN7SL817P	4,12	-0,25	1,081867	-0,22983	0,818223	0,9463529
C2orf68	455,81	-0,08	0,366097	-0,22981	0,818238	0,9463529
LRRC46	1,97	0,58	2,508149	0,229777	0,818265	NA
ZNF541	0,37	0,86	3,747336	0,229737	0,818296	NA
ABCC8	2,60	0,27	1,174833	0,229733	0,818299	NA
APOE	4,03	-0,22	0,977806	-0,2296	0,818402	0,9463529

CTD-2130013.1	0,14	-0,65	2,831362	-0,22952	0,818464	NA
ARHGEF17	22,32	-0,46	1,983819	-0,22952	0,818466	0,9463529
HAPLN3	30,24	-0,36	1,551742	-0,22949	0,818487	0,9463529
MIR7111	1,20	-0,65	2,819064	-0,22944	0,818526	NA
C1orf101	3,93	-0,37	1,607699	-0,22944	0,818527	0,9463529
ENOX2	133,50	-0,18	0,789369	-0,22943	0,818534	0,9463529
RP4-765C7.2	2,18	0,35	1,508605	0,229311	0,818627	NA
RAB41	1,45	-0,67	2,906949	-0,2293	0,818635	NA
LRRC17	0,05	-0,86	3,748196	-0,22928	0,818649	NA
ZNF324	39,68	0,22	0,959719	0,229283	0,818649	0,9463529
PURB	433,85	0,12	0,543882	0,229271	0,818658	0,9463529
RP11-506B4.4	30,67	-0,42	1,836234	-0,22922	0,818697	0,9463529
STAT6	1770,96	-0,06	0,243577	-0,2292	0,818714	0,9463529
RP11-452K12.3	0,19	0,56	2,44544	0,2291	0,818791	NA
SIPA1L1	416,03	0,14	0,597694	0,229068	0,818816	0,9463529
WASH2P	64,15	0,17	0,723861	0,229052	0,818829	0,9463529
DUSP3	729,94	0,08	0,33518	0,229046	0,818833	0,9463529
PDE6H	0,27	0,86	3,74805	0,229004	0,818866	NA
VSIG1	3,61	-0,24	1,061887	-0,22897	0,818893	NA
RP11-547D13.1	10,18	0,20	0,893885	0,228894	0,818951	0,9464305
RP11-11N6.1	0,29	0,86	3,748052	0,228774	0,819045	NA
APRT	2351,25	0,05	0,206988	0,228702	0,8191	0,946476
RP11-247A12.2	15,96	0,18	0,801484	0,228639	0,819149	0,946476
THAP6	67,88	0,14	0,620313	0,22845	0,819296	0,946476
SDC1	0,05	-0,86	3,748196	-0,22845	0,8193	NA
LINC00364	0,22	0,86	3,748054	0,228407	0,81933	NA
MB21D2	34,19	0,30	1,313519	0,228389	0,819344	0,946476
TPH2	171,51	-0,13	0,585201	-0,22835	0,819371	0,946476
RP5-837M10.3	2,89	0,69	3,020005	0,228313	0,819403	NA
HRAS	115,52	-0,24	1,031151	-0,2283	0,819412	0,946476
RP5-867C24.1	45,43	-0,40	1,748302	-0,22828	0,819432	0,946476
CCDC34	4,03	0,34	1,50286	0,228255	0,819448	0,946476
RP11-718O11.1	15,17	0,22	0,942699	0,228238	0,819461	0,946476
RP11-50B3.4	0,25	0,86	3,748056	0,228227	0,81947	NA
UBOX5	112,54	0,19	0,821911	0,228189	0,819499	0,946476
AC007948.1	0,36	0,86	3,748056	0,228155	0,819526	NA
LRRC14	206,50	0,25	1,076274	0,228055	0,819604	0,9465381
RNU6-786P	2,20	0,52	2,278848	0,22796	0,819677	NA
RP11-448G4.3	0,21	0,85	3,748058	0,227955	0,819681	NA
FAM90A17	0,26	0,85	3,748058	0,227944	0,81969	NA
RP11-791I24.4	6,40	-0,35	1,52475	-0,22783	0,819778	0,9465858
INE2	0,26	0,85	3,748059	0,227815	0,81979	NA
RP11-390D11.2	0,22	0,85	3,748033	0,227808	0,819795	NA
PRKX	875,38	-0,09	0,415393	-0,22774	0,819846	0,9465858
RP4-773A18.10	42,81	-0,24	1,067229	-0,22771	0,819869	0,9465858
ABO	100,23	-0,17	0,759616	-0,22766	0,819913	0,9465858
GMPR	48,98	-0,37	1,635343	-0,22761	0,819946	0,9465858
AP001469.5	0,75	0,41	1,818855	0,227568	0,819982	NA
AC006538.8	0,21	0,85	3,74806	0,227553	0,819994	NA
CTC-204F22.1	10,01	-0,18	0,772835	-0,22745	0,820074	0,9465858

ZNF565	1,24	0,30	1,301886	0,227439	0,820082	NA
GSPT1	528,90	-0,11	0,50505	-0,22742	0,820094	0,9465858
AC005785.5	9,06	-0,25	1,118911	-0,2274	0,820116	0,9465858
AC105402.3	0,27	0,85	3,748033	0,227391	0,820119	NA
RP11-31E22.1	1,75	0,25	1,081267	0,227339	0,82016	NA
RRM2B	427,56	0,16	0,709812	0,227326	0,82017	0,9465858
CTD-2012K14.7	0,36	0,85	3,748023	0,227295	0,820194	NA
KREMEN1	20,30	0,16	0,706475	0,227287	0,8202	0,9465858
NCRNA00105	40,65	-0,18	0,776382	-0,22728	0,820205	0,9465858
RP11-104O19.4	0,20	0,85	3,74806	0,22728	0,820206	NA
CTB-40H15.2	0,30	0,85	3,748062	0,227255	0,820225	NA
RP11-286O1.1	0,37	0,85	3,748064	0,226976	0,820442	NA
GLS	941,01	-0,08	0,349507	-0,22695	0,820465	0,9468231
RP11-50I19.2	3,25	0,28	1,242779	0,226921	0,820485	NA
RN7SL165P	0,77	-0,44	1,931281	-0,22686	0,82053	NA
TMEM168	313,16	-0,21	0,905604	-0,22686	0,820533	0,9468231
RP11-574K11.29	12,00	0,46	2,011245	0,226754	0,820615	0,9468231
RP11-217B7.2	0,26	0,85	3,748066	0,226707	0,820652	NA
RP11-314J18.6	0,18	0,55	2,448254	0,226647	0,820698	NA
RP13-128O4.3	6,72	-0,36	1,601264	-0,22663	0,820709	0,9468231
WASH6P	260,30	-0,13	0,58466	-0,22659	0,820742	0,9468231
RP11-932O9.9	131,58	0,11	0,474705	0,226516	0,8208	0,9468231
NCF4	691,97	0,11	0,497269	0,2265	0,820813	0,9468231
RP11-445P17.8	1,17	0,66	2,935219	0,226469	0,820837	NA
CTC-471J1.9	1,19	-0,37	1,615941	-0,22646	0,820842	NA
CCDC30	205,25	0,17	0,757466	0,226364	0,820918	0,9468231
ZMAT1	272,25	0,16	0,696065	0,226352	0,820928	0,9468231
KB-1410C5.5	1,02	-0,52	2,292409	-0,22634	0,820933	NA
MYO1C	84,00	-0,21	0,924426	-0,22634	0,820935	0,9468231
HMG2P28	0,43	0,81	3,579858	0,226336	0,82094	NA
FAM53C	292,23	0,12	0,526787	0,226297	0,82097	0,9468231
NLRP4	0,22	0,85	3,748004	0,226293	0,820974	NA
PPCS	535,84	-0,09	0,402352	-0,22616	0,82108	0,9468907
RP11-340B18.1	3,81	-0,35	1,542242	-0,22609	0,821133	0,9468939
RP11-490K7.1	0,20	0,55	2,443084	0,226019	0,821186	NA
RP11-555K12.1	0,60	0,56	2,496752	0,226016	0,821189	NA
NEK3	267,81	0,15	0,661709	0,225897	0,821281	0,9469108
DPM2	534,99	0,13	0,558298	0,22585	0,821318	0,9469108
RP11-855A2.3	4,46	-0,20	0,901615	-0,22582	0,821344	0,9469108
DAND5	10,09	0,14	0,61441	0,225807	0,821352	0,9469108
RP11-74M11.2	0,34	0,85	3,748074	0,225629	0,82149	NA
LRRC10	6,01	0,31	1,362011	0,225594	0,821517	0,9469921
RP11-103J8.1	0,30	-0,76	3,37288	-0,22553	0,821568	NA
EEF1AKMT4	107,64	-0,33	1,445057	-0,22553	0,821568	0,9469921
CCBL1	22,43	-0,24	1,053856	-0,22552	0,821575	0,9469921
RP11-58H20.3	0,07	-0,85	3,748196	-0,22547	0,821614	NA
RP1-13D10.3	0,77	-0,83	3,671133	-0,22546	0,821625	NA
CXorf29	4,28	0,26	1,16539	0,225444	0,821634	0,9470017
RP11-88G17.6	3,97	-0,17	0,767693	-0,2253	0,821749	0,9470751
NDUFS8	1229,53	0,05	0,215438	0,225166	0,82185	0,9470934

RP11-153I24.5	8,59	0,19	0,855552	0,225145	0,821866	0,9470934
TGFB1	107,39	-0,17	0,751979	-0,22507	0,821924	0,9470948
AC091801.1	13,06	0,19	0,856587	0,225013	0,821969	0,9470948
FAM171A1	0,21	0,84	3,747402	0,225006	0,821975	NA
PPP1R18	570,67	0,09	0,399613	0,224901	0,822057	0,9471366
MT-TT	5,57	-0,18	0,804752	-0,22467	0,822239	0,9472884
ZDHHC7	545,55	0,09	0,389455	0,224563	0,82232	0,9472891
EPSTI1	1347,00	-0,13	0,561562	-0,22453	0,822346	0,9472891
CCDC90B	437,92	-0,08	0,356659	-0,22447	0,822393	0,9472891
KPNB1	827,38	-0,08	0,344326	-0,22435	0,822484	0,9473358
RNU2-70P	0,55	-0,46	2,05237	-0,22428	0,822538	NA
RN7SL684P	0,43	0,84	3,744388	0,224242	0,822569	NA
TOMM40	115,22	0,15	0,654153	0,224196	0,822605	0,9473891
RP11-58E21.3	257,94	0,13	0,575886	0,224161	0,822632	0,9473891
SERTAD3	88,77	0,15	0,685768	0,224092	0,822686	0,9473926
CREB5	988,27	-0,16	0,702299	-0,22395	0,822798	0,9474632
RP11-626H12.3	0,20	0,84	3,747253	0,223794	0,822918	NA
RP11-274B21.9	4,84	-0,36	1,602012	-0,22365	0,823027	0,9475588
ALKBH7	576,56	-0,07	0,302094	-0,22363	0,823042	0,9475588
CNGB1	26,87	-0,18	0,784585	-0,22361	0,823058	0,9475588
RAB14	782,90	-0,09	0,420973	-0,22358	0,823085	0,9475588
RP11-1023P17.2	2,81	0,57	2,529339	0,223533	0,823121	NA
LRRC25	610,59	-0,11	0,474289	-0,22344	0,82319	0,9476209
RP11-373E16.3	2,37	-0,32	1,44029	-0,22324	0,823348	NA
RP11-47I22.2	1,62	-0,34	1,544042	-0,22323	0,823357	NA
HSPBP1	136,90	-0,20	0,875991	-0,22319	0,823388	0,9477903
HEXIM1	297,57	0,12	0,530734	0,22312	0,823442	0,9477935
HAND2-AS1	105,91	-0,15	0,658713	-0,22292	0,823598	0,9479108
PRKAG1	347,29	0,09	0,41781	0,222859	0,823646	0,9479108
C7orf49	207,20	0,19	0,853405	0,222692	0,823775	0,9479686
RP11-270M14.4	0,06	-0,83	3,748196	-0,22266	0,8238	NA
GAD1	0,19	0,68	3,06454	0,22263	0,823824	NA
PRKG1	8,95	0,27	1,215138	0,222607	0,823841	0,9479686
GIGYF1	196,32	0,09	0,414315	0,222598	0,823849	0,9479686
TEKT5	7,13	-0,66	2,951559	-0,22234	0,824046	0,9481373
LIMD2	1215,19	-0,06	0,257859	-0,22215	0,824199	0,9481493
CEP97	110,67	-0,19	0,872519	-0,22213	0,824211	0,9481493
KALRN	210,38	-0,31	1,397136	-0,22213	0,824215	0,9481493
CH507-513H4.4	229190,84	-0,05	0,225872	-0,22207	0,824261	0,9481493
RP11-379C10.1	3,38	-0,31	1,380377	-0,22202	0,824302	NA
CH507-513H4.3	229190,54	-0,05	0,225867	-0,22198	0,824328	0,9481687
ORC2	107,78	-0,11	0,473496	-0,2218	0,824466	0,9482174
NOXA1	96,55	-0,23	1,017403	-0,2218	0,824473	0,9482174
SLC35D2	111,40	0,17	0,787591	0,221705	0,824544	0,9482405
EFCAB13	32,57	-0,22	1,01023	-0,22159	0,824631	0,9482621
CH507-513H4.6	229203,51	-0,05	0,225888	-0,22149	0,824714	0,9482621
CTC-471J1.2	1,89	-0,33	1,506564	-0,22139	0,824786	NA
ERH	217,75	0,09	0,399086	0,221389	0,82479	0,9482621
RP11-6N17.2	30,46	0,12	0,56198	0,221382	0,824795	0,9482621
RP11-327E2.5	17,65	0,20	0,924637	0,221327	0,824838	0,9482621

SPACA6	10,91	-0,20	0,914946	-0,22126	0,82489	0,9482621
ORC4	761,11	-0,14	0,655105	-0,22122	0,824919	0,9482621
EXOSC5	435,38	-0,14	0,638845	-0,22115	0,824977	0,9482694
RP11-219A15.4	1,08	0,52	2,373511	0,221136	0,824987	NA
RN7SL43P	0,92	0,50	2,279255	0,220967	0,825118	NA
RP11-349F21.2	7,97	0,20	0,924358	0,220821	0,825232	0,9485045
TMEM148	2,96	0,23	1,056778	0,220789	0,825257	NA
FAM71E1	0,24	0,83	3,748108	0,220701	0,825325	NA
RP11-1000B6.7	47,66	-0,33	1,488813	-0,22064	0,82537	0,948604
RN7SL308P	3,21	0,36	1,652203	0,220635	0,825377	NA
DCK	249,49	-0,11	0,51672	-0,22048	0,825499	0,94866
RP11-252I13.2	0,45	0,83	3,744381	0,220459	0,825513	NA
ADAM22	9,88	0,36	1,654493	0,220312	0,825628	0,94866
CTD-2036P10.3	152,92	-0,31	1,414741	-0,22031	0,825632	0,94866
CTD-2530N21.4	0,55	-0,80	3,626856	-0,2203	0,825637	NA
CTC-470E21.2	0,05	-0,83	3,748196	-0,22018	0,825733	NA
AURKB	29,60	-0,32	1,459192	-0,22017	0,82574	0,94866
LSG1	343,75	-0,16	0,736818	-0,22011	0,825782	0,94866
NFIC	106,78	0,15	0,667965	0,219909	0,825942	0,94866
RNF13	1462,81	-0,09	0,409647	-0,21989	0,825959	0,94866
DHRS12	76,74	-0,24	1,073909	-0,21986	0,825981	0,94866
MYCBP2-AS1	87,16	-0,16	0,748359	-0,21984	0,825993	0,94866
RP5-1129J21.3	19,55	0,25	1,117611	0,219822	0,82601	0,94866
AC005593.2	29,36	0,37	1,693434	0,219804	0,826024	0,94866
CATSPER2	78,21	-0,17	0,761247	-0,2198	0,82603	0,94866
LLNLR-263F3.1	10,25	0,19	0,87314	0,219666	0,826131	0,9487142
RP5-864K19.6	3,74	0,62	2,805672	0,219638	0,826153	NA
LINC00467	56,92	-0,17	0,786284	-0,2196	0,826184	0,9487142
NEDD8-MDP1	0,20	0,82	3,747807	0,219512	0,826251	NA
CTC-378H22.2	11,53	-0,35	1,582023	-0,21951	0,826256	0,9487142
TMEM220-AS1	2,18	0,53	2,411995	0,219493	0,826266	NA
INF2	269,30	-0,11	0,50893	-0,21938	0,826356	0,9487142
RASGRF2	7,19	-0,42	1,909953	-0,21934	0,826384	0,9487142
CTB-164N12.1	0,06	-0,82	3,748196	-0,21932	0,826403	NA
WHAMML1	74,72	-0,11	0,488127	-0,21923	0,826471	0,9487142
TMEM223	391,70	-0,15	0,662395	-0,21918	0,826512	0,9487142
AC005154.6	696,42	-0,10	0,451534	-0,21914	0,826544	0,9487142
OR11A1	18,23	0,24	1,092341	0,219084	0,826585	0,9487142
RP11-446H18.3	1,59	0,58	2,652125	0,218982	0,826664	NA
AC008533.1	8,94	-0,36	1,644053	-0,21888	0,826744	0,9487142
RASEF	45,87	0,10	0,468726	0,218879	0,826744	0,9487142
BMP8B	44,26	-0,17	0,787166	-0,21884	0,826774	0,9487142
TP53TG1	73,49	0,17	0,777006	0,218817	0,826792	0,9487142
WDR91	267,02	0,23	1,03218	0,218522	0,827022	0,9487142
MDK	4,20	0,39	1,795377	0,21851	0,827032	0,9487142
RP11-40C6.2	0,53	0,43	1,967453	0,218436	0,827089	NA
NEIL2	86,80	-0,29	1,339967	-0,2184	0,827119	0,9487142
AL133243.1	102,37	-0,24	1,078784	-0,21839	0,827124	0,9487142
TNFAIP8L2	990,32	0,12	0,553982	0,218352	0,827155	0,9487142
RPL23AP79	174,36	-0,13	0,579796	-0,21824	0,827238	0,9487142

LA16c-60D12.1	87,41	-0,15	0,709527	-0,21821	0,827262	0,9487142
SRA1	1317,60	0,09	0,427937	0,218208	0,827267	0,9487142
RP11-166P13.4	24,22	0,20	0,920669	0,21819	0,827281	0,9487142
SUCLG2	181,67	0,15	0,693326	0,218169	0,827297	0,9487142
CEBPA	174,06	0,17	0,798759	0,218096	0,827355	0,9487142
RP11-76N22.2	11,91	-0,21	0,9472	-0,21809	0,827359	0,9487142
B2M	99772,29	0,04	0,202713	0,218033	0,827403	0,9487142
EIF2AK3	108,12	-0,22	1,017121	-0,2179	0,827503	0,9487354
RP11-254I22.3	0,66	0,70	3,229311	0,217877	0,827525	NA
PRKRA	403,34	-0,14	0,637565	-0,21779	0,827593	0,9487354
RNF212	9,81	-0,33	1,499327	-0,21777	0,827606	0,9487354
CASP16P	8,15	0,20	0,899069	0,217748	0,827626	0,9487354
AC136007.2	853,08	0,07	0,302223	0,217642	0,827708	0,9487358
RP5-1189B24.3	0,19	0,82	3,748023	0,217568	0,827765	NA
C17orf62	1387,47	0,09	0,404518	0,217518	0,827805	0,9487358
RAB26	1,45	-0,25	1,157035	-0,21747	0,827843	NA
RP11-718B12.2	0,41	0,78	3,594916	0,217439	0,827866	NA
RPS3P2	0,37	0,67	3,066118	0,217392	0,827903	NA
GGA1	312,85	-0,10	0,474909	-0,21736	0,827932	0,9487358
CISD2	228,50	-0,14	0,640417	-0,21733	0,827952	0,9487358
AEBP2	240,23	0,10	0,482047	0,2173	0,827975	0,9487358
RP11-727F15.14	33,64	-0,31	1,441801	-0,21729	0,82798	0,9487358
RBM14-RBM4	185,07	-0,24	1,095513	-0,21727	0,828001	0,9487358
BEX5	0,23	0,81	3,748124	0,217251	0,828013	NA
RP11-288C18.1	24,48	-0,29	1,3163	-0,21722	0,828034	0,9487358
BPIFA4P	0,19	0,81	3,748082	0,217205	0,828049	NA
RNU7-56P	0,43	0,78	3,578444	0,217052	0,828168	NA
SEPT11	487,57	0,17	0,765402	0,217027	0,828188	0,9487752
CXXC4	0,51	-0,58	2,662707	-0,21697	0,82823	NA
CHAT	3,84	0,36	1,657094	0,216961	0,828239	0,9487752
LINC00189	4,10	-0,31	1,408975	-0,21692	0,828268	0,9487752
RN7SL697P	4,73	-0,31	1,419469	-0,21692	0,828272	0,9487752
CD82	34,77	-0,26	1,19521	-0,21684	0,828334	0,9487755
DNASE1L1	197,30	-0,19	0,857176	-0,21671	0,828431	0,9487755
SPECC1L	195,75	-0,19	0,87485	-0,21663	0,828494	0,9487755
PIKFYVE	519,60	0,12	0,54935	0,216629	0,828497	0,9487755
RP11-318C24.1	2,12	-0,23	1,040971	-0,21661	0,828511	NA
ZDHHC6	370,54	-0,15	0,702631	-0,21655	0,828557	0,9487755
CENPS	3,45	0,56	2,606977	0,216552	0,828558	NA
RWDD4	125,62	-0,11	0,516844	-0,21647	0,828623	0,9487755
C2CD5	289,76	-0,12	0,55658	-0,21645	0,828634	0,9487755
RP11-731I19.1	0,49	-0,56	2,600781	-0,21631	0,828744	NA
ZFC3H1	947,69	0,10	0,467042	0,216292	0,82876	0,9487755
BTF3L4	579,87	-0,11	0,514939	-0,21628	0,82877	0,9487755
THAP7-AS1	10,24	0,36	1,667161	0,216263	0,828783	0,9487755
CSF1R	1664,78	0,06	0,278075	0,216161	0,828862	0,9488083
METTL22	217,17	-0,16	0,756002	-0,21608	0,828927	0,9488247
TBCK	265,11	0,13	0,603673	0,215987	0,828998	0,9488279
RP11-156P1.2	11,02	-0,25	1,140435	-0,21594	0,829034	0,9488279
AHCTF1	318,92	-0,16	0,734059	-0,21588	0,829083	0,9488279

UNC50	196,08	0,15	0,712816	0,215704	0,829219	0,9489245
RP11-96K19.5	2,10	-0,58	2,684095	-0,21552	0,829362	NA
MIR581	0,88	0,71	3,283092	0,215433	0,82943	NA
RP4-633I8.2	2,48	0,30	1,385106	0,215406	0,829451	NA
CDK10	334,79	-0,11	0,522405	-0,21532	0,82952	0,9490673
CPAMD8	24,91	-0,20	0,909077	-0,21515	0,829654	0,9490673
RP5-1063M23.3	23,24	0,19	0,892245	0,2151	0,829689	0,9490673
RP11-933H2.4	13,06	-0,21	0,990566	-0,21505	0,829727	0,9490673
BAZ1B	466,63	-0,09	0,422379	-0,21503	0,829747	0,9490673
KCNJ13	77,49	0,33	1,537496	0,214982	0,829781	0,9490673
CSRN2	57,79	-0,25	1,158085	-0,21494	0,829811	0,9490673
AC093415.2	129,29	0,13	0,614724	0,214905	0,829841	0,9490673
RP11-849N15.5	7,16	0,20	0,915653	0,214899	0,829846	0,9490673
EIF4EBP3	150,10	0,14	0,650446	0,214889	0,829854	0,9490673
CTC-366B18.4	12,36	-0,35	1,626578	-0,2147	0,830002	0,9491251
RP11-144I2.1	10,51	0,21	0,977751	0,214694	0,830006	0,9491251
AC002116.7	1,63	-0,64	2,959969	-0,21453	0,830132	NA
RP11-379B18.8	160,14	-0,12	0,54613	-0,21453	0,830135	0,9492138
RP11-886P16.10	0,43	0,77	3,582495	0,214301	0,830312	NA
AC110299.1	0,79	-0,68	3,169699	-0,2143	0,830314	NA
RNU6-11P	0,42	0,78	3,619468	0,214199	0,830392	NA
RNU6-37P	0,42	0,78	3,619468	0,214199	0,830392	NA
TXLNA	335,28	0,14	0,631983	0,214196	0,830394	0,9493981
SAMD14	8,31	-0,54	2,501276	-0,21419	0,830398	0,9493981
HPGDS	0,24	0,74	3,469068	0,214102	0,830467	NA
AC009429.1	0,42	0,77	3,614827	0,21407	0,830493	NA
RPL23AP2	4,31	0,14	0,674232	0,213926	0,830605	0,9495228
ASPA	134,74	0,09	0,401012	0,21392	0,830609	0,9495228
MRPL34	556,80	0,10	0,479862	0,213785	0,830714	0,9495847
CTD-2026K11.2	2,92	-0,28	1,318314	-0,21343	0,830995	NA
RP11-61K9.3	40,36	-0,37	1,749187	-0,21342	0,831001	0,9498545
RP4-803J11.2	1,99	0,72	3,359214	0,213213	0,831161	NA
LRP10	317,55	-0,11	0,518019	-0,21317	0,831193	0,9500149
GNPNAT1	48,68	0,21	0,965632	0,213106	0,831245	0,9500158
GBA3	0,54	0,80	3,742233	0,213078	0,831266	NA
SHMT1	127,35	-0,25	1,190885	-0,21303	0,831303	0,9500236
RP11-181G12.2	0,21	0,80	3,747913	0,213008	0,831321	NA
ASCC2	469,98	-0,13	0,600786	-0,21293	0,831381	0,9500546
RP11-499F3.2	3,17	-0,42	1,969186	-0,21263	0,831616	NA
RP11-54A9.1	0,74	-0,58	2,718933	-0,21241	0,831791	NA
XXbac-BPG27H4.8	2,21	0,42	1,985685	0,212377	0,831813	NA
CTD-2047H16.2	1,24	0,40	1,90331	0,212366	0,831822	NA
PMCHL2	0,63	0,46	2,187191	0,212278	0,83189	NA
NUCB2	185,82	-0,14	0,655575	-0,21226	0,831902	0,9504662
SLC22A25	49,61	-0,16	0,751838	-0,21225	0,831911	0,9504662
RP1-102K2.6	1,92	0,30	1,393045	0,212114	0,832018	NA
DBP	128,32	-0,14	0,670024	-0,21204	0,832077	0,9504662
RF00091	0,79	0,48	2,277844	0,211943	0,832152	NA
CEP350	1505,45	0,08	0,356733	0,211929	0,832162	0,9504662
ZNF367	2,41	0,45	2,119616	0,211892	0,832192	NA

B3GALT5	10,06	-0,22	1,034161	-0,21188	0,832204	0,9504662
CROCC	96,35	0,18	0,859712	0,211867	0,832211	0,9504662
MIR645	3,81	0,59	2,771716	0,21182	0,832248	0,9504662
TJAP1	243,47	-0,13	0,629846	-0,2118	0,832261	0,9504662
CTD-3092A11.2	49,78	0,14	0,647421	0,211789	0,832271	0,9504662
ARFGAP2	826,35	0,09	0,448258	0,21175	0,832302	0,9504662
PPIAL4E	32,74	0,17	0,813562	0,211749	0,832303	0,9504662
AP000472.3	0,56	-0,57	2,704686	-0,21169	0,832347	NA
BLOC1S4	38,24	0,19	0,918884	0,211673	0,832362	0,9504759
PQLC2L	0,06	-0,79	3,748196	-0,21151	0,832489	NA
AC007563.5	3,23	-0,23	1,068875	-0,21142	0,832562	NA
RP11-68I3.2	0,62	0,38	1,809847	0,21134	0,832622	NA
TBC1D12	149,73	0,14	0,663684	0,211234	0,832704	0,9507348
KIR2DS4	1,70	-0,71	3,352203	-0,21121	0,832721	NA
RP11-228B15.4	9,25	-0,18	0,848887	-0,21121	0,832726	0,9507348
CRKL	234,24	0,14	0,648202	0,211185	0,832743	0,9507348
HSD17B1	22,19	-0,20	0,926076	-0,21108	0,832822	0,9507667
P2RX5	46,33	0,29	1,395998	0,210842	0,833011	0,9509244
BMP1	21,45	0,23	1,07527	0,210707	0,833116	0,9509865
RBMX	1266,66	0,08	0,387168	0,210626	0,833179	0,9509995
ADGRB1	0,53	-0,76	3,618814	-0,21049	0,833282	NA
CHRNA2	14,14	0,23	1,077281	0,210488	0,833287	0,9510648
RP11-465L10.10	0,17	0,73	3,445351	0,21045	0,833316	NA
NOL7	548,01	-0,08	0,400165	-0,21038	0,833373	0,951105
BCOR	224,45	-0,14	0,683478	-0,21031	0,833426	0,9511072
NPHP4	18,22	0,25	1,17475	0,210166	0,833538	0,9511137
AP000344.3	4,71	-0,48	2,298168	-0,21015	0,833554	0,9511137
CC2D1B	135,39	0,20	0,936265	0,210105	0,833586	0,9511137
CNDP1	13,28	0,18	0,874759	0,20996	0,833699	0,9511849
RP5-1157M23.2	0,48	0,64	3,033909	0,209841	0,833792	NA
DTX3	0,51	-0,56	2,68929	-0,2098	0,833823	NA
DACH1	11,89	-0,33	1,567743	-0,20967	0,833926	0,9513802
PIEZO2	22,38	-0,28	1,323488	-0,20956	0,834012	0,9513802
PEMT	209,61	-0,15	0,725487	-0,20953	0,834038	0,9513802
RP11-355B11.2	37,92	0,19	0,897588	0,209462	0,834088	0,9513802
C17orf89	259,51	0,08	0,368676	0,209409	0,834129	0,9513802
GS1-57L11.1	0,78	0,42	2,018365	0,209391	0,834143	NA
RP11-349G13.1	12,04	0,60	2,868409	0,2093	0,834214	0,9513802
RP11-323J4.1	11,50	-0,12	0,559506	-0,20921	0,834282	0,9513802
RP11-44K6.3	4,67	0,18	0,870669	0,209101	0,834369	0,9513802
RP11-44N11.1	61,73	0,19	0,900808	0,2091	0,83437	0,9513802
ZBTB1	365,28	-0,11	0,512202	-0,20909	0,834382	0,9513802
STX3	360,57	0,12	0,564384	0,208935	0,834499	0,9514438
C2orf19	5,38	0,30	1,459128	0,208869	0,83455	0,9514438
RP11-88H10.1	0,79	-0,33	1,575324	-0,20885	0,834566	NA
TTC9	5,32	-0,38	1,822516	-0,20882	0,834591	0,9514438
FAM3C2	1,49	-0,68	3,261667	-0,20871	0,834678	NA
AC009495.4	0,66	0,66	3,175255	0,208702	0,834681	NA
LCN2	0,84	-0,77	3,67499	-0,20864	0,834727	NA
RP11-103G8.4	2,81	-0,35	1,679479	-0,20853	0,834812	NA

RP11-479O16.1	7,20	0,18	0,881532	0,208352	0,834954	0,9517992
ARHGAP20	0,21	0,72	3,469568	0,208297	0,834997	NA
RP3-333H23.9	1,70	-0,28	1,364016	-0,20818	0,835085	NA
RP11-430C17.1	0,98	-0,38	1,812757	-0,20818	0,835088	NA
TBC1D3B	1,81	0,53	2,525998	0,208153	0,835109	NA
RNU6-4P	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-5P	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-1	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-2	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-3P	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-9	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
RNU6-6P	3,56	-0,15	0,711589	-0,20808	0,835166	NA
TPPP2	0,04	-0,78	3,748196	-0,20789	0,835317	NA
DSG3	4,35	-0,29	1,374439	-0,20776	0,835414	0,9520412
RP13-516M14.1	78,04	-0,21	0,99193	-0,20775	0,835422	0,9520412
MAN2A1	839,64	-0,11	0,542397	-0,20768	0,835482	0,9520412
RNF11	248,27	0,13	0,606382	0,207572	0,835563	0,9520412
RP11-256I9.2	5,63	-0,30	1,454468	-0,20753	0,835597	0,9520412
RP11-412P11.1	2,60	0,22	1,054838	0,207527	0,835599	NA
SPATA17	56,82	-0,15	0,723664	-0,20741	0,835686	0,9520412
U47924.6	5,27	-0,20	0,976392	-0,20739	0,835703	0,9520412
CTD-2050N2.1	12,52	0,22	1,06486	0,207384	0,83571	0,9520412
AB019437.56	0,27	0,70	3,394846	0,207354	0,835733	NA
CTGLF12P	6,85	0,31	1,473389	0,20735	0,835736	0,9520412
CT55	0,41	0,63	3,019329	0,20735	0,835737	NA
AC006960.7	9,69	-0,29	1,392255	-0,20725	0,835818	0,9520412
ZNF558	116,12	-0,18	0,872168	-0,20721	0,835842	0,9520412
COMP	2,58	0,26	1,251168	0,20721	0,835846	NA
IFRD1	1227,42	-0,07	0,357184	-0,20719	0,835859	0,9520412
LTA	0,23	0,71	3,411877	0,207166	0,83588	NA
PPIAL	2,07	-0,15	0,725145	-0,2071	0,835933	NA
RP11-247C2.2	7,21	-0,15	0,73653	-0,20704	0,835975	0,9520412
RP4-576H24.2	4,48	0,51	2,45082	0,207029	0,835988	0,9520412
RP5-1028K7.2	0,06	-0,78	3,748196	-0,20699	0,836016	NA
NPIP6	14,11	-0,31	1,481326	-0,20698	0,836026	0,9520412
RP11-640N20.4	44,51	-0,18	0,892346	-0,20697	0,836031	0,9520412
ANKS6	24,44	0,18	0,866608	0,206961	0,83604	0,9520412
SNX27	724,14	-0,09	0,419766	-0,20681	0,836159	0,9520412
RP11-25I15.3	8,05	0,29	1,393058	0,206778	0,836183	0,9520412
IGL3	0,34	-0,45	2,185644	-0,20672	0,836225	NA
RP11-17A19.1	13,01	0,17	0,842849	0,20671	0,836236	0,9520412
RN7SKP127	1,75	0,51	2,480499	0,206698	0,836246	NA
AC018755.24	30,76	-0,14	0,659805	-0,20666	0,836274	0,9520412
STARD3	360,32	0,15	0,719188	0,206639	0,836292	0,9520412
MIR3188	1,33	0,29	1,384793	0,206573	0,836343	NA
CTD-2245O6.1	0,25	0,70	3,403116	0,206539	0,83637	NA
LBHD1	131,83	0,21	1,001506	0,206494	0,836405	0,9521121
SLC26A3	0,18	0,77	3,74743	0,206447	0,836442	NA
RP3-431P23.5	0,42	0,62	2,982951	0,206342	0,836524	NA
RP4-569M23.5	3,42	0,21	1,002399	0,206341	0,836525	NA

N4BP2L2-IT2	67,30	-0,35	1,679448	-0,20632	0,836541	0,9521855
CTD-2017F17.2	11,56	-0,25	1,196213	-0,20628	0,836572	0,9521855
MIR142	0,72	0,37	1,80884	0,205986	0,836801	NA
DESI1	287,16	-0,15	0,733669	-0,20591	0,836864	0,9524311
RP11-168G16.1	16,05	0,32	1,56635	0,205716	0,837013	0,9524311
AC073346.2	248,61	0,13	0,632675	0,205609	0,837096	0,9524311
NAA50	598,21	-0,10	0,510673	-0,20561	0,837099	0,9524311
ZSCAN16	22,96	0,31	1,517016	0,205574	0,837124	0,9524311
RP11-492D6.1	2,67	-0,42	2,020908	-0,20556	0,837136	NA
RP5-1053E7.1	0,24	0,70	3,408677	0,20551	0,837174	NA
WDR74	422,81	-0,10	0,463617	-0,20544	0,837231	0,9524311
IQCG	91,78	-0,18	0,878076	-0,20542	0,837241	0,9524311
RP11-211G3.3	10,02	0,50	2,421372	0,205415	0,837248	0,9524311
RP11-504I13.3	20,18	-0,22	1,061939	-0,20531	0,837333	0,9524311
BTBD6	164,01	-0,21	1,030804	-0,2053	0,837336	0,9524311
EBAG9	101,81	-0,17	0,83703	-0,20526	0,837366	0,9524311
NOX1	0,75	0,56	2,731435	0,205253	0,837374	NA
CTC-454I21.3	1,48	-0,34	1,638513	-0,20517	0,837437	NA
RP11-798G7.4	0,25	0,70	3,403408	0,205129	0,837472	NA
RP11-995C19.2	0,25	0,70	3,403408	0,205129	0,837472	NA
AK2	1283,69	0,08	0,383371	0,205049	0,837534	0,9524311
RP11-649G15.2	20,00	-0,45	2,17313	-0,20502	0,837553	0,9524311
LINC00649	74,61	0,16	0,798096	0,204997	0,837574	0,9524311
RP11-173B14.4	1,70	-0,41	1,999898	-0,20497	0,837597	NA
RP11-115H15.2	23,48	0,12	0,608131	0,204956	0,837606	0,9524311
ABCA5	87,57	0,12	0,585636	0,204955	0,837607	0,9524311
RP11-92G19.2	0,80	0,51	2,511442	0,204895	0,837654	NA
AC093838.4	109,79	-0,20	0,95577	-0,20485	0,837687	0,9524641
KRT9	0,06	-0,77	3,748196	-0,20477	0,837749	NA
OR51E1	0,06	-0,77	3,748196	-0,20474	0,837775	NA
MIR1273A	3,38	-0,23	1,145984	-0,20469	0,837816	NA
SPHK2	59,19	-0,21	1,01146	-0,20463	0,837858	0,9525479
ARHGEF26	25,10	0,10	0,464315	0,204627	0,837863	0,9525479
RP11-89N17.4	0,39	0,63	3,064865	0,204513	0,837952	NA
RP11-423H2.1	96,25	-0,20	0,972109	-0,20427	0,838144	0,952732
RPS20P33	7,36	0,47	2,289174	0,204127	0,838255	0,952732
CH17-431G21.1	0,72	-0,74	3,629602	-0,20411	0,838268	NA
AC020951.1	43,77	0,26	1,257107	0,204049	0,838315	0,952732
ZNF559-ZNF177	8,97	-0,39	1,898926	-0,20394	0,838403	0,952732
RP4-569D19.5	3,88	0,22	1,059685	0,203904	0,838428	0,952732
RP11-118B18.1	35,19	0,20	0,978492	0,203831	0,838486	0,952732
RP11-166N6.3	1,08	0,43	2,099674	0,203756	0,838544	NA
RP11-383G10.3	3,01	0,21	1,009114	0,203745	0,838553	NA
PLEKHB2	1827,58	0,06	0,29547	0,203729	0,838565	0,952732
MNAT1	105,69	0,15	0,754154	0,203728	0,838566	0,952732
AC012360.6	3,93	-0,29	1,404107	-0,20368	0,838607	0,952732
SRSF6	2088,78	0,05	0,257892	0,203655	0,838623	0,952732
RP11-247L20.4	0,21	0,70	3,422241	0,203622	0,838649	NA
HM13	983,79	0,05	0,269744	0,20362	0,83865	0,952732
GATC	128,08	-0,15	0,713263	-0,2036	0,838668	0,952732

SRD5A3	118,01	-0,20	0,989485	-0,20357	0,838691	0,952732
DHX8	558,53	0,15	0,734952	0,203464	0,838772	0,9527662
KIAA0040	247,81	0,13	0,636422	0,203391	0,83883	0,9527731
IL36B	0,04	-0,76	3,748196	-0,20332	0,838883	NA
RP11-263I1.1	0,97	0,76	3,720013	0,20322	0,838963	NA
MAFA	0,22	0,71	3,483971	0,203207	0,838973	NA
AMOTL2	0,44	-0,76	3,748196	-0,20312	0,839044	NA
AC093673.5	194,79	-0,17	0,823175	-0,20301	0,839129	0,9529237
RP5-907D15.2	0,74	0,73	3,614999	0,202958	0,839168	NA
ZNF667	43,22	-0,12	0,608777	-0,20296	0,83917	0,9529237
FAM204A	689,37	0,09	0,44771	0,202953	0,839171	0,9529237
PSMG1	175,57	-0,18	0,886542	-0,20288	0,83923	0,9529237
RAB10	821,29	-0,10	0,471047	-0,20282	0,839279	0,9529237
RP11-182J1.9	7,42	-0,25	1,254012	-0,20281	0,839283	0,9529237
OSER1	849,55	0,09	0,460397	0,202715	0,839357	0,9529237
RP11-524F11.3	59,72	-0,10	0,507354	-0,2027	0,839372	0,9529237
RP4-646N3.3	1,43	0,39	1,938208	0,202589	0,839456	NA
ZNF503-AS2	0,19	-0,76	3,748196	-0,20256	0,839482	NA
TSPAN17	114,31	-0,09	0,440477	-0,20252	0,839511	0,9530231
RP11-404F10.2	42,84	0,14	0,710727	0,202452	0,839563	0,9530245
SNORA71B	0,17	-0,68	3,349522	-0,20238	0,83962	NA
RP11-207N4.2	34,64	-0,23	1,152519	-0,20234	0,839651	0,9530666
RN7SL191P	3,67	-0,30	1,467153	-0,20227	0,839709	NA
RNY1P9	0,50	-0,46	2,292374	-0,20222	0,839746	NA
AGER	230,91	-0,12	0,572556	-0,20206	0,839874	0,9531526
CTC-483L24.2	234,81	-0,11	0,541324	-0,20204	0,839882	0,9531526
HDAC4	391,67	-0,14	0,706285	-0,202	0,839915	0,9531526
MOGAT3	33,88	0,10	0,511197	0,20198	0,839932	0,9531526
GS1-306C12.1	7,40	-0,16	0,811573	-0,20191	0,83999	0,9531604
ZPLD1	1,09	-0,45	2,213146	-0,20189	0,840007	NA
RP11-350G24.1	1,17	-0,34	1,672873	-0,20171	0,840143	NA
RELB	184,68	0,14	0,695077	0,201687	0,840162	0,9532071
C1orf233	55,26	-0,27	1,316157	-0,20167	0,840174	0,9532071
AP003039.3	0,06	-0,76	3,748196	-0,20167	0,840178	NA
RP11-295H24.4	0,43	-0,61	3,026211	-0,20166	0,840185	NA
TAS2R5	0,41	0,76	3,745183	0,201624	0,84021	NA
SH2B1	109,79	0,14	0,672374	0,201607	0,840224	0,9532071
SIRPB1	287,41	-0,15	0,725562	-0,20153	0,840285	0,9532071
FAM208B	402,76	-0,10	0,488302	-0,20153	0,840288	0,9532071
AL133247.3	0,06	-0,76	3,748196	-0,20147	0,840333	NA
EXOC4	473,61	-0,11	0,558311	-0,20138	0,840402	0,9532578
RP11-241F15.7	0,06	-0,75	3,748196	-0,20136	0,840418	NA
PSMB7	1576,43	0,05	0,250147	0,201336	0,840436	0,9532578
CTC-351M12.1	25,06	-0,16	0,80296	-0,20127	0,840486	0,9532578
HHIPL2	0,47	0,75	3,747514	0,200913	0,840767	NA
RP11-268P4.6	19,55	0,25	1,266478	0,200865	0,840804	0,9535605
DLL3	0,04	-0,75	3,748196	-0,20079	0,840864	NA
RP4-715N11.2	2,16	0,29	1,426231	0,200595	0,841015	NA
RP11-207F8.1	0,05	-0,75	3,748196	-0,20054	0,841062	NA
FAM109A	280,60	-0,15	0,730215	-0,2005	0,841086	0,9537332

MIR548AZ	9,91	-0,50	2,469597	-0,20049	0,841099	0,9537332
IGFL2	27,99	0,16	0,801466	0,200474	0,84111	0,9537332
Z84812.4	0,21	0,69	3,44435	0,200353	0,841205	NA
BEND2	7,55	0,21	1,071738	0,200301	0,841246	0,9538286
BCL2L15	9,38	0,17	0,844285	0,200221	0,841307	0,9538406
RP11-432I5.4	1,93	0,30	1,48388	0,200115	0,841391	NA
AC123023.1	2,01	0,21	1,048173	0,200057	0,841436	NA
STRN4	340,03	0,13	0,640544	0,199962	0,84151	0,9540124
RP4-730K3.3	0,50	-0,72	3,581448	-0,19995	0,841516	NA
RP11-550E18.1	0,04	-0,75	3,748196	-0,19987	0,841579	NA
NCR1	2,04	-0,27	1,338609	-0,19987	0,841582	NA
NUTM1	0,04	-0,75	3,748196	-0,19982	0,841618	NA
ZC2HC1B	0,05	-0,75	3,748196	-0,19978	0,841651	NA
FAM177A1	266,42	0,10	0,484909	0,199732	0,84169	0,9540199
FRG1	289,26	-0,09	0,453624	-0,19972	0,841699	0,9540199
HNRNPA2B1	4020,46	0,03	0,170544	0,199689	0,841724	0,9540199
CRY1	41,83	0,25	1,243436	0,199656	0,84175	0,9540199
SMU1	829,34	-0,08	0,378649	-0,19963	0,841773	0,9540199
RF00443	0,05	-0,75	3,748196	-0,1995	0,841874	NA
CTC-431G16.2	0,96	-0,36	1,788492	-0,19948	0,841885	NA
RP11-154F14.2	0,88	-0,64	3,196713	-0,19944	0,84192	NA
RP11-22P6.2	1,78	-0,28	1,426456	-0,19944	0,841921	NA
BORCS6	94,79	0,26	1,283243	0,199365	0,841977	0,9541533
RP11-34C15.1	9,33	0,39	1,950749	0,199338	0,841999	0,9541533
JADRR	3,37	0,21	1,045519	0,19931	0,842021	NA
CTD-2196E14.6	13,64	0,18	0,88425	0,199247	0,84207	0,9541533
TBC1D2B	443,38	0,13	0,662895	0,199213	0,842096	0,9541533
CTD-2134A5.4	3,29	-0,19	0,95588	-0,19916	0,842135	NA
RP11-408A13.1	0,05	-0,75	3,748196	-0,19911	0,842174	NA
RP11-91A15.2	0,05	-0,75	3,748196	-0,19904	0,842229	NA
RP1-93H18.4	0,05	-0,75	3,748196	-0,19901	0,842257	NA
PLXNA3	94,28	-0,17	0,875968	-0,199	0,842264	0,9542857
RP11-339A7.1	0,83	-0,24	1,193683	-0,19897	0,842282	NA
RP4-647C14.2	3,04	-0,26	1,30726	-0,19893	0,842315	NA
RP11-648M2.2	1,16	0,65	3,263811	0,19884	0,842388	NA
RP11-96D1.6	0,04	-0,75	3,748196	-0,19883	0,842398	NA
TRGV8	0,04	-0,74	3,748196	-0,19873	0,842476	NA
RP1-197J16.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19871	0,84249	NA
AC012322.1	0,49	-0,41	2,039809	-0,19867	0,842519	NA
ERCC3	316,03	-0,12	0,590821	-0,19864	0,842546	0,9544985
PISD	314,02	-0,13	0,657579	-0,19863	0,842555	0,9544985
CTD-2331D11.4	0,92	-0,50	2,51137	-0,19856	0,842611	NA
RP11-561O23.5	1,24	-0,36	1,809862	-0,19854	0,842619	NA
RP5-1033H22.2	1,29	0,35	1,744286	0,198511	0,842645	NA
RP11-1060J15.3	0,04	-0,74	3,748196	-0,19843	0,842709	NA
RP11-87P13.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19837	0,842759	NA
ZNF717	116,63	0,20	1,017209	0,198336	0,842782	0,9546467
SCYL3	108,96	0,12	0,614886	0,198303	0,842808	0,9546467
RAB27B	0,46	-0,65	3,298737	-0,19829	0,84282	NA
CCT8L2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19827	0,842833	NA

ADAMTS16	5,28	0,31	1,587912	0,198263	0,842839	0,9546467
OR5L1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19824	0,842858	NA
DEFB127	0,05	-0,74	3,748196	-0,19823	0,842869	NA
ZSWIM5P1	0,04	-0,74	3,748196	-0,19812	0,842955	NA
AGRP	0,04	-0,74	3,748196	-0,19804	0,843017	NA
UBN1	280,19	0,13	0,661758	0,198027	0,843024	0,9547803
SEPT4	50,05	-0,19	0,94695	-0,19793	0,843098	0,9547803
PAG1	609,11	0,10	0,506126	0,197915	0,843111	0,9547803
RP1-221C16.7	0,05	-0,74	3,748196	-0,19788	0,843141	NA
HSFX1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19781	0,843194	NA
RP11-79L9.2	2,83	0,42	2,136142	0,197745	0,843244	NA
RP11-195C7.3	0,05	-0,74	3,748196	-0,19774	0,843245	NA
RP1-92C4.1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19773	0,843253	NA
RP11-396O20.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19763	0,843331	NA
RP11-467L19.7	0,05	-0,74	3,748196	-0,19759	0,843366	NA
RP11-1195F20.7	0,05	-0,74	3,748196	-0,19756	0,843386	NA
RP5-1159O4.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19756	0,843391	NA
PPP1R3E	125,17	0,19	0,979592	0,197558	0,843391	0,9550391
ZAN	0,04	-0,74	3,748196	-0,19756	0,843392	NA
CTD-2544L4.1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19753	0,843411	NA
RN7SL155P	1,23	0,35	1,761038	0,19753	0,843413	NA
RP11-261B23.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19752	0,843418	NA
RP13-75G22.1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19751	0,843427	NA
RP11-134K13.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19749	0,843446	NA
LARP4P	0,05	-0,74	3,748196	-0,19747	0,843458	NA
CTC-339D2.1	0,04	-0,74	3,748196	-0,19746	0,843467	NA
RP1-111C20.3	44,47	0,16	0,823211	0,197436	0,843487	0,9550892
RP11-426K3.1	0,04	-0,74	3,748196	-0,19742	0,843498	NA
CRYM	0,69	0,49	2,467917	0,197404	0,843512	NA
DGAT2L6	0,05	-0,74	3,748196	-0,19738	0,843528	NA
CHERP	198,04	-0,16	0,821158	-0,19735	0,843554	0,9551067
SMIM10L2A	0,05	-0,74	3,748196	-0,1973	0,843594	NA
RP11-24M17.6	0,04	-0,74	3,748196	-0,1972	0,843669	NA
RP11-461A8.4	0,04	-0,74	3,748196	-0,19716	0,843705	NA
PNMA5	0,04	-0,74	3,748196	-0,19715	0,843714	NA
RP11-370I10.10	0,04	-0,74	3,748196	-0,19715	0,843714	NA
RP11-1007O24.3	27,70	0,20	1,025818	0,197141	0,843717	0,9552335
AC010975.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19713	0,843723	NA
RP11-606E8.2	1,39	0,65	3,299701	0,197126	0,843729	NA
RP11-152H18.4	0,05	-0,74	3,748196	-0,1971	0,843751	NA
RP11-70D24.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19707	0,843775	NA
RP11-407G23.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19702	0,843815	NA
NKAIN4	0,09	-0,74	3,748196	-0,19691	0,8439	NA
RP11-573E11.2	18,10	-0,22	1,098644	-0,19688	0,843925	0,9554106
CTD-2373J19.1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19679	0,84399	NA
RP11-241F15.5	0,05	-0,74	3,748196	-0,19675	0,844023	NA
ZNF648	0,04	-0,74	3,748196	-0,19674	0,844029	NA
RPS15AP5	0,04	-0,74	3,748196	-0,19673	0,844038	NA
CCDC105	0,05	-0,74	3,748196	-0,19667	0,844086	NA
CTC-575C13.3	0,05	-0,74	3,748196	-0,19665	0,8441	NA

RP11-641C17.3	0,04	-0,74	3,748196	-0,19664	0,844107	NA
RP11-389C8.1	0,05	-0,74	3,748196	-0,19659	0,844145	NA
IMPDH1P11	0,04	-0,74	3,748196	-0,19659	0,844146	NA
MBD3	731,20	-0,12	0,611517	-0,19659	0,844148	0,9555522
CREB3L1	7,88	0,14	0,701316	0,196585	0,844152	0,9555522
RP11-324E6.10	0,05	-0,74	3,748196	-0,19653	0,844193	NA
IGSF3	2,72	0,50	2,537826	0,19652	0,844203	NA
RP5-1158E12.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,1965	0,844222	NA
ADAMTS12	0,80	-0,44	2,216707	-0,19648	0,844234	NA
CTNNA3	0,03	-0,73	3,739025	-0,19647	0,844245	NA
AC005041.11	0,05	-0,74	3,748196	-0,19642	0,84428	NA
CTC-209H22.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,1964	0,844294	NA
CAPNS2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19638	0,844314	NA
RP11-318E3.9	0,56	0,53	2,713985	0,19636	0,844329	NA
BCL7B	424,16	0,12	0,630867	0,196349	0,844337	0,9556756
TAS2R50	0,05	-0,74	3,748196	-0,19635	0,844337	NA
RP11-1P8.7	0,05	-0,74	3,748196	-0,19634	0,844342	NA
SMARCA2	1364,18	0,08	0,384966	0,196314	0,844364	0,9556756
RP11-678G14.2	19,89	-0,22	1,11322	-0,19624	0,844426	0,9556873
SNORA15	0,04	-0,74	3,748196	-0,19621	0,844449	NA
RP11-815K11.1	0,04	-0,74	3,748196	-0,19618	0,844466	NA
CTB-161M19.2	0,04	-0,74	3,748196	-0,19616	0,844483	NA
RP11-333H9.6	0,05	-0,74	3,748196	-0,19616	0,844488	NA
RP11-285C1.2	0,05	-0,74	3,748196	-0,19612	0,844518	NA
RP11-391J2.3	7,16	0,14	0,738695	0,196107	0,844527	0,9556891
RP11-76I23.7	0,05	-0,73	3,748196	-0,19605	0,844569	NA
OR10A5	0,05	-0,73	3,748196	-0,196	0,844609	NA
CTD-2061E9.1	0,05	-0,73	3,748196	-0,19599	0,844617	NA
RP11-534L20.5	0,70	-0,72	3,664847	-0,19598	0,844626	NA
RP11-321A17.5	0,05	-0,73	3,748196	-0,19596	0,844641	NA
RP11-44F21.5	0,19	0,73	3,748196	0,195952	0,844648	NA
USP8P	0,04	-0,73	3,748196	-0,19591	0,844678	NA
TRAJ20	0,05	-0,73	3,748196	-0,19591	0,844683	NA
CYP27C1	39,62	0,17	0,875703	0,195888	0,844698	0,9556891
RP4-583P15.14	8,19	-0,27	1,359058	-0,19571	0,84484	0,9556891
AC012494.1	0,05	-0,73	3,748196	-0,19568	0,844863	NA
INO80B	28,95	-0,21	1,048478	-0,19566	0,844878	0,9556891
RP11-426J22.1	22,68	0,22	1,115258	0,195649	0,844885	0,9556891
MRPL36	137,23	-0,13	0,644448	-0,19561	0,844917	0,9556891
RNU2-63P	85,65	-0,11	0,571399	-0,19559	0,844931	0,9556891
NDC1	125,62	-0,19	0,951577	-0,19557	0,84495	0,9556891
RP11-27M15.1	14,69	0,20	0,997323	0,195565	0,84495	0,9556891
AF196972.9	0,04	-0,73	3,748196	-0,19554	0,844968	NA
LGALS9C	0,69	0,42	2,14607	0,195476	0,84502	NA
AC009133.22	0,05	-0,73	3,748196	-0,19545	0,84504	NA
MGAT4B	239,54	-0,16	0,819347	-0,19538	0,845094	0,9556891
RP11-79P5.9	0,05	-0,73	3,748196	-0,19536	0,845113	NA
KIF27	41,51	0,22	1,112094	0,195339	0,845128	0,9556891
RP11-65C6.1	0,04	-0,73	3,748196	-0,19526	0,84519	NA
SULT1C4	17,21	-0,23	1,176077	-0,19525	0,845198	0,9556891

GLRX2	217,49	0,12	0,619619	0,195204	0,845233	0,9556891
ANAPC10	143,63	-0,15	0,747951	-0,19516	0,845268	0,9556891
SNORA50A	0,04	-0,73	3,748196	-0,19513	0,845294	NA
ATP23	49,41	0,28	1,415508	0,195119	0,8453	0,9556891
ZBTB21	368,59	0,13	0,670303	0,195112	0,845305	0,9556891
TUBB4A	0,93	-0,50	2,548147	-0,19509	0,845325	NA
SLC47A1	28,63	-0,11	0,572908	-0,19508	0,845334	0,9556891
RP11-64K12.9	1,01	0,45	2,299247	0,195053	0,845351	NA
SLC5A8	4,28	-0,54	2,768897	-0,19499	0,845398	0,9556891
ALG13	358,83	0,09	0,446138	0,194951	0,845431	0,9556891
AC008132.14	0,05	-0,73	3,748196	-0,19494	0,845438	NA
APLF	51,45	0,18	0,937736	0,194903	0,845469	0,9556891
RP11-66B24.3	0,05	-0,73	3,748196	-0,19489	0,845476	NA
STAMBP	114,88	-0,16	0,833871	-0,19486	0,845506	0,9556891
DUX4L16	0,04	-0,73	3,748196	-0,19472	0,845612	NA
SCPEP1	658,50	-0,09	0,439768	-0,19463	0,84568	0,9558274
APOA4	0,04	-0,73	3,748196	-0,19459	0,845716	NA
RP13-635I23.3	0,05	-0,73	3,748196	-0,19455	0,845741	NA
RPL27P12	0,04	-0,73	3,748196	-0,19455	0,845742	NA
RP11-495P10.6	0,04	-0,73	3,748196	-0,19449	0,845788	NA
RP11-243J16.7	0,04	-0,73	3,748196	-0,19449	0,845791	NA
RP11-214K3.25	0,04	-0,73	3,748196	-0,19448	0,845801	NA
FMO10P	0,04	-0,73	3,748196	-0,19441	0,845856	NA
C2orf47	189,63	-0,19	0,953132	-0,1944	0,845865	0,9559217
RORC	16,91	-0,18	0,946151	-0,1944	0,845866	0,9559217
GS1-256O22.5	1,04	0,64	3,276784	0,194388	0,845872	NA
RP11-705O24.4	0,94	-0,39	1,98233	-0,1943	0,84594	NA
AC013429.5	0,05	-0,73	3,748196	-0,19428	0,845956	NA
ZNF614	47,80	0,15	0,790896	0,194212	0,84601	0,9559697
AC091814.3	38,03	-0,17	0,850308	-0,19421	0,846011	0,9559697
RP11-144J4.3	0,05	-0,73	3,748196	-0,19415	0,846056	NA
RP11-275B14.1	0,04	-0,73	3,748196	-0,19414	0,846066	NA
MYOZ3	6,07	0,26	1,318218	0,194092	0,846104	0,9559931
RP11-79E3.1	0,05	-0,73	3,748196	-0,19407	0,846121	NA
TMEM45B	19,13	0,12	0,638723	0,194052	0,846135	0,9559931
RP11-477G18.2	0,80	-0,61	3,167041	-0,19405	0,846136	NA
RNU6-879P	0,04	-0,73	3,748196	-0,19405	0,846136	NA
AC007879.7	0,04	-0,73	3,748196	-0,19399	0,846185	NA
AES	473,99	0,06	0,319731	0,193875	0,846274	0,956092
RNU7-73P	1,22	-0,37	1,932853	-0,19383	0,846312	NA
MIR4760	0,04	-0,73	3,748196	-0,19381	0,846323	NA
AADACL3	1,04	-0,49	2,521418	-0,19377	0,846354	NA
CTC-325J23.3	0,04	-0,73	3,748196	-0,19371	0,846406	NA
RP11-461F16.3	0,05	-0,73	3,748196	-0,19359	0,846495	NA
RP11-663N22.1	11,70	0,30	1,553428	0,193576	0,846508	0,9562984
RAD51B	75,83	0,19	0,985948	0,193438	0,846616	0,9563624
AC000095.8	0,04	-0,72	3,748196	-0,19342	0,846627	NA
RP11-818O24.3	0,19	0,72	3,747792	0,193361	0,846676	NA
RF00024	0,49	-0,69	3,570658	-0,19334	0,846693	NA
RP11-369F10.2	0,05	-0,72	3,748196	-0,19322	0,846788	NA

FGF22	0,72	-0,26	1,320992	-0,19314	0,846852	NA
HTR3A	0,04	-0,72	3,748196	-0,19311	0,846874	NA
PHLDB1	44,49	0,16	0,82218	0,193069	0,846905	0,9565756
TMLHE	158,99	0,17	0,869103	0,193066	0,846907	0,9565756
C2orf42	32,20	0,27	1,399943	0,192929	0,847014	0,9565815
HYOU1	158,39	0,13	0,68455	0,192928	0,847016	0,9565815
RP11-474G23.2	31,24	0,33	1,736587	0,192768	0,847141	0,9566467
TRPM1	3,23	0,21	1,075973	0,192766	0,847142	NA
RP11-651P23.2	0,04	-0,72	3,748196	-0,19274	0,847166	NA
RP4-612J11.1	0,73	-0,42	2,190526	-0,1927	0,847193	NA
STK11	161,70	-0,14	0,742436	-0,19268	0,847209	0,9566467
RP11-458J1.1	7,02	0,21	1,100274	0,192657	0,847227	0,9566467
RP3-455J7.1	0,04	-0,72	3,748196	-0,19261	0,847265	NA
C6orf58	0,70	0,72	3,74804	0,192609	0,847265	NA
RP11-442G21.2	0,80	-0,38	1,989101	-0,19256	0,847304	NA
RP11-360L9.8	62,71	-0,15	0,791222	-0,19256	0,847307	0,9566788
FBP1	1013,54	0,09	0,450836	0,19221	0,847578	0,9569262
AF124730.4	0,05	-0,72	3,748196	-0,1922	0,847589	NA
CISD1	164,58	-0,10	0,524227	-0,19209	0,847675	0,9569291
RP11-779O18.2	4,44	-0,55	2,86869	-0,19208	0,847683	0,9569291
RNU6-925P	0,38	0,69	3,577189	0,192072	0,847686	NA
MIR876	0,04	-0,72	3,748196	-0,19204	0,847714	NA
RP11-445L13__B.1	0,04	-0,72	3,748196	-0,19192	0,847806	NA
RP11-16L6.2	0,04	-0,72	3,748196	-0,19191	0,84781	NA
CTD-2571L23.8	1,08	-0,25	1,294876	-0,1919	0,847824	NA
RP11-366O17.4	0,04	-0,72	3,748196	-0,19183	0,847874	NA
RP4-599G15.7	1,70	0,51	2,681796	0,191741	0,847945	NA
ASB10	0,03	-0,72	3,748196	-0,19171	0,847966	NA
RP11-109J4.1	0,05	-0,72	3,748196	-0,19164	0,848028	NA
RP11-328N19.1	1,99	0,34	1,797397	0,191609	0,848049	NA
LA16c-3G11.5	25,22	-0,66	3,435292	-0,1916	0,848056	0,9572922
RP11-70D24.1	10,99	0,18	0,964904	0,19148	0,84815	0,957304
SEC63	735,12	-0,07	0,37686	-0,19145	0,84817	0,957304
RP4-725K1.1	0,04	-0,72	3,748196	-0,19139	0,848221	NA
TRIM4	328,14	0,11	0,567933	0,191336	0,848262	0,95735
CTB-12O2.1	31,43	-0,31	1,636321	-0,19115	0,84841	0,9573525
KCNA7	24,01	0,14	0,752217	0,191144	0,848413	0,9573525
FOXP3	0,15	-0,72	3,748196	-0,19114	0,848417	NA
RP11-272G22.1	0,40	0,72	3,748196	0,191134	0,84842	NA
C15orf40	261,99	-0,12	0,602001	-0,19106	0,84848	0,9573525
FMR1-AS1	5,83	0,25	1,318304	0,191019	0,848511	0,9573525
JPX	308,16	-0,12	0,640681	-0,191	0,848529	0,9573525
EPN1	192,90	-0,13	0,67938	-0,19094	0,848573	0,9573525
RP11-796E2.4	106,98	0,18	0,961023	0,190762	0,848712	0,9574518
RP11-499F19.3	0,04	-0,71	3,748196	-0,19073	0,848738	NA
PCNA	224,50	-0,17	0,865598	-0,19069	0,848768	0,9574567
RP11-407G23.5	9,24	-0,13	0,673123	-0,19056	0,848867	0,9575099
RAVER1	17,55	-0,21	1,125075	-0,19045	0,848958	0,9575102
LMBRD2	83,52	-0,14	0,714179	-0,19043	0,84897	0,9575102
RP1-111D6.1	0,04	-0,71	3,748196	-0,19041	0,84899	NA

RP11-110G21.1	8,93	0,19	1,01114	0,190193	0,849158	0,9576423
RNF128	0,04	-0,71	3,748196	-0,19019	0,849159	NA
AC079807.4	25,25	0,19	0,980406	0,190152	0,84919	0,9576423
MCOLN2	294,76	-0,13	0,671259	-0,19004	0,849275	0,95768
RAB43P1	0,04	-0,71	3,748196	-0,18991	0,849381	NA
RP11-219I21.2	10,91	0,19	0,995231	0,189829	0,849443	0,9578117
AP003068.18	18,74	-0,11	0,5782	-0,18968	0,849561	0,9578309
CCZ1B	273,99	0,10	0,51041	0,189676	0,849563	0,9578309
AHSP	0,05	-0,71	3,748196	-0,18961	0,849616	NA
RP11-63P12.7	5,31	-0,19	0,985934	-0,18947	0,849725	0,9579548
GCAT	0,54	-0,33	1,728168	-0,18941	0,849768	NA
RP3-468K18.5	0,04	-0,71	3,748196	-0,18932	0,84984	NA
CTC-209H22.3	0,04	-0,71	3,748196	-0,18931	0,849846	NA
CAD	152,33	0,18	0,959927	0,18925	0,849897	0,9580905
RP11-315H15.3	1,43	0,56	2,949875	0,189113	0,850004	NA
AC108463.1	0,35	0,71	3,748196	0,189099	0,850015	NA
TTC5	326,24	-0,17	0,884933	-0,18904	0,850063	0,9581503
RP5-851M4.1	10,19	0,35	1,850125	0,188944	0,850137	0,9581503
AC110781.3	0,54	-0,49	2,613686	-0,18894	0,850141	NA
CEP41	143,09	-0,17	0,914488	-0,18893	0,850149	0,9581503
DDIT3	424,98	-0,12	0,657218	-0,18892	0,850156	0,9581503
RP11-94B19.6	0,04	-0,71	3,748196	-0,18886	0,8502	NA
IFT80	98,60	-0,14	0,727712	-0,18873	0,850304	0,9582055
NINL	0,45	0,47	2,517375	0,188671	0,850351	NA
POLD1	61,01	-0,24	1,249672	-0,18865	0,85037	0,9582055
RP11-900F13.3	1,14	0,49	2,583571	0,18864	0,850375	NA
RP11-556O9.2	0,04	-0,71	3,748196	-0,1886	0,850409	NA
RNU6-1275P	0,39	0,67	3,575986	0,188594	0,850411	NA
TSPAN11	0,71	-0,68	3,601621	-0,18858	0,85042	NA
RP11-87N24.2	4,37	0,21	1,087985	0,188581	0,850421	0,9582055
RP11-144A16.8	0,89	-0,25	1,333238	-0,18852	0,85047	NA
ASAH1	1985,02	0,07	0,347369	0,188514	0,850474	0,9582055
CTD-2583P5.1	16,59	-0,35	1,831826	-0,1885	0,850488	0,9582055
WDR88	0,22	0,64	3,411743	0,188461	0,850515	NA
CPSF1	293,74	-0,10	0,52321	-0,18845	0,850524	0,9582055
AC091814.2	1,89	0,51	2,683378	0,188431	0,850539	NA
RP11-56G10.2	42,27	0,09	0,485652	0,188397	0,850565	0,9582055
RPS9P1	0,79	-0,25	1,325194	-0,18839	0,850567	NA
FLVCR2	198,47	0,12	0,645551	0,188276	0,85066	0,9582549
AC016722.2	0,56	0,67	3,564906	0,188254	0,850678	NA
CCL2	0,24	0,71	3,748196	0,188248	0,850683	NA
SCN10A	0,05	-0,71	3,748196	-0,18814	0,850768	NA
RP11-445O3.2	1,23	0,37	1,968172	0,188134	0,850771	NA
RP11-569A11.1	0,04	-0,71	3,748196	-0,18811	0,850791	NA
SNORA80D	0,35	0,71	3,748196	0,188098	0,8508	NA
ARR3	0,41	-0,59	3,12531	-0,18803	0,850857	NA
RN7SL812P	0,17	0,70	3,748196	0,187948	0,850918	NA
RP11-425A6.5	2,75	0,21	1,122251	0,187875	0,850975	NA
MIR181B1	0,21	0,70	3,748196	0,187737	0,851083	NA
ELDR	0,32	0,70	3,748196	0,187731	0,851088	NA

NSUN3	125,09	0,14	0,746604	0,187717	0,851098	0,9586899
A4GNT	0,26	0,70	3,748196	0,187705	0,851108	NA
CTA-229A8.6	0,27	0,70	3,748196	0,187675	0,851132	NA
HIST2H3A	0,23	0,70	3,748196	0,187622	0,851173	NA
HIST2H3C	0,23	0,70	3,748196	0,187622	0,851173	NA
AC007248.6	0,20	0,70	3,748196	0,187612	0,851181	NA
RP11-706D8.2	1,48	-0,18	0,956056	-0,18759	0,851197	NA
HAPLN1	0,50	0,52	2,759835	0,187583	0,851203	NA
RP11-382A20.6	1,60	-0,36	1,928405	-0,1875	0,851266	NA
KB-176G8.1	2,15	0,22	1,186552	0,187402	0,851345	NA
RP11-809N8.2	63,44	0,27	1,446682	0,187374	0,851367	0,9588481
PARD6A	14,46	-0,35	1,891531	-0,18735	0,851386	0,9588481
DNAH1	180,30	0,16	0,830187	0,187341	0,851393	0,9588481
TRIM53B	0,32	0,70	3,748196	0,187293	0,851431	NA
RPL23P2	0,23	0,70	3,748196	0,187236	0,851476	NA
RNU2-31P	0,03	-0,70	3,748196	-0,18721	0,851496	NA
CNKSR1	1,08	-0,34	1,805664	-0,18709	0,851587	NA
RNU6-548P	0,35	0,70	3,748196	0,187054	0,851619	NA
RP11-595B24.2	2,54	0,33	1,750647	0,187031	0,851636	NA
AC007254.3	433,85	-0,08	0,447694	-0,187	0,85166	0,9590088
ASB8	490,22	0,12	0,629706	0,186962	0,851691	0,9590088
CTD-2270P14.1	327,36	0,18	0,987522	0,186953	0,851698	0,9590088
RP11-329J18.3	23,02	-0,23	1,204926	-0,1869	0,851742	0,9590088
RP11-314A20.1	1,11	-0,20	1,05953	-0,18688	0,851753	NA
AC110619.2	0,12	-0,54	2,870133	-0,18674	0,851867	NA
MINOS1	399,68	0,05	0,242833	0,186663	0,851925	0,9591119
RP11-245J9.8	53,21	-0,15	0,785148	-0,18665	0,851937	0,9591119
RP11-397J20.1	0,23	0,70	3,748196	0,186634	0,851947	NA
ZC3H15	1052,89	0,07	0,353308	0,186327	0,852188	0,9593159
AC099048.1	0,32	0,70	3,748196	0,18623	0,852265	NA
RN7SKP26	3,36	0,64	3,414816	0,18618	0,852304	NA
MLLT4	149,66	0,16	0,845372	0,186134	0,852339	0,9593159
RP11-864I4.4	2,24	0,28	1,48485	0,186055	0,852402	NA
RP11-500C11.3	16,51	-0,46	2,493985	-0,18602	0,852426	0,9593159
LPAR5	6,88	-0,28	1,515261	-0,18592	0,852505	0,9593159
SYP	8,90	-0,15	0,781187	-0,18588	0,852537	0,9593159
RP11-645C24.5	1,40	0,56	3,01393	0,185881	0,852538	NA
PTGES3L	17,23	-0,14	0,767967	-0,18584	0,852568	0,9593159
RP11-235E17.2	2,55	0,23	1,222157	0,185819	0,852587	NA
HDC	0,51	-0,56	3,027115	-0,18581	0,852592	NA
MIR6514	1,18	0,35	1,904382	0,18581	0,852594	NA
AAGAB	155,17	-0,16	0,886208	-0,18579	0,852606	0,9593159
RN7SL778P	2,73	-0,31	1,684725	-0,18576	0,852634	NA
TBC1D8B	106,67	-0,10	0,51276	-0,18571	0,852672	0,9593159
RP11-946L20.4	41,39	-0,14	0,734839	-0,18565	0,852715	0,9593159
RP11-266K4.9	9,45	0,27	1,452468	0,185598	0,85276	0,9593159
DHX9	901,56	0,09	0,468174	0,185574	0,852779	0,9593159
SYF2	506,56	-0,09	0,470868	-0,18555	0,852794	0,9593159
PODNL1	24,38	-0,14	0,766331	-0,18553	0,852815	0,9593159
RPF1	267,11	-0,11	0,594309	-0,18545	0,852879	0,9593159

RP11-649A18.3	16,38	0,13	0,708941	0,185431	0,852891	0,9593159
RP11-22P6.3	0,31	0,69	3,748196	0,185361	0,852946	NA
RP11-1114I9.1	1,19	0,68	3,697015	0,185282	0,853008	NA
CEP55	0,85	0,38	2,040572	0,185273	0,853015	NA
RN7SL411P	0,78	-0,30	1,62955	-0,18525	0,85303	NA
B3GALT2	25,19	0,29	1,567927	0,185231	0,853048	0,9594342
OR10A6	25,19	-0,21	1,157985	-0,18503	0,853208	0,9594478
RND2	7,01	-0,15	0,807606	-0,18495	0,853269	0,9594478
OR10K1	20,07	0,13	0,67781	0,184935	0,85328	0,9594478
RP11-81A1.6	83,42	-0,10	0,561191	-0,18493	0,853282	0,9594478
PARP3	55,46	-0,26	1,428166	-0,18476	0,853419	0,9594478
CLEC16A	151,16	-0,16	0,850031	-0,18475	0,853426	0,9594478
RP11-115O13.1	0,04	-0,69	3,748196	-0,18471	0,853459	NA
RP11-34C15.2	5,78	0,23	1,253089	0,184644	0,853509	0,9594478
HMOX1	180,62	0,18	0,959572	0,184607	0,853537	0,9594478
RP11-429B14.3	7,26	-0,22	1,210752	-0,1846	0,853546	0,9594478
CLEC19A	40,37	-0,13	0,69712	-0,18454	0,853586	0,9594478
RP11-556I14.1	0,23	0,69	3,748196	0,184464	0,85365	NA
CLEC3B	5,91	-0,48	2,610219	-0,18442	0,85368	0,9594478
ELL3	12,59	0,30	1,610335	0,184366	0,853726	0,9594478
PRKAA1	229,47	0,08	0,456542	0,18436	0,853731	0,9594478
RP11-791G16.6	3,34	0,35	1,903055	0,184146	0,853899	NA
RP11-392O17.2	8,89	0,12	0,625385	0,183955	0,854049	0,9597471
RP11-20I23.10	20,59	-0,13	0,720154	-0,18386	0,854122	0,9597713
RP11-791N19.1	1,03	-0,46	2,528238	-0,1838	0,854174	NA
PIK3C2G	2,40	-0,44	2,410571	-0,18379	0,854176	NA
PXK	349,18	0,11	0,579679	0,183708	0,854242	0,9598023
CTCFL	78,49	-0,09	0,501726	-0,1837	0,854252	0,9598023
ZNF692	82,12	0,19	1,016325	0,183497	0,854408	0,9598408
FANCM	49,48	0,27	1,463049	0,183482	0,85442	0,9598408
AC092024.2	6,16	-0,21	1,155798	-0,18343	0,854458	0,9598408
KIN	357,27	-0,12	0,667698	-0,18337	0,854504	0,9598408
FAM50B	4,68	0,42	2,290481	0,183323	0,854545	0,9598408
RP11-625H11.2	2,49	-0,30	1,643092	-0,18321	0,854634	NA
RP3-467D16.3	21,59	-0,22	1,182789	-0,183	0,854794	0,9599328
HSD17B13	13,49	0,11	0,618503	0,182945	0,854842	0,9599328
SPIN2A	0,25	-0,61	3,343206	-0,18291	0,854867	NA
SMAP2	2261,32	-0,06	0,30408	-0,1829	0,854873	0,9599328
STRADA	285,28	-0,09	0,517622	-0,18287	0,854902	0,9599328
STX19	0,93	0,68	3,719477	0,18286	0,854908	NA
SLC6A4	5,30	-0,17	0,940829	-0,18281	0,854947	0,9599328
AC011380.9	1,09	0,60	3,281675	0,182792	0,854962	NA
RP11-386I8.6	1,60	0,31	1,680995	0,182782	0,854969	NA
CTD-2531D15.1	0,38	0,68	3,745845	0,182768	0,85498	NA
AC026150.6	4,57	-0,43	2,374913	-0,18274	0,855001	0,9599328
ACAD8	126,72	-0,19	1,035542	-0,18271	0,855029	0,9599328
CCDC69	595,43	-0,05	0,297779	-0,18269	0,855039	0,9599328
ZNF701	123,63	-0,15	0,796483	-0,18253	0,855165	0,9600159
IRF3	325,95	-0,09	0,476513	-0,18244	0,855235	0,9600362
RNA5SP383	4,59	-0,30	1,651766	-0,18237	0,855292	0,9600389

CHRN4	7,62	0,16	0,88938	0,182273	0,855369	0,9600389
ELMO3	3,80	0,27	1,481293	0,182243	0,855392	0,9600389
RP11-998D10.1	1,45	0,42	2,320433	0,182184	0,855438	NA
RP11-259F4.1	1,70	0,37	2,031102	0,182127	0,855483	NA
ELP3	245,00	0,15	0,84223	0,182103	0,855502	0,9601043
RP11-278H7.5	0,55	0,32	1,732032	0,181895	0,855665	NA
RP11-2I17.1	8,84	0,15	0,805696	0,181886	0,855672	0,9602375
AC104655.2	1,17	-0,52	2,878813	-0,18179	0,855747	NA
THAP8	23,18	-0,37	2,009133	-0,18167	0,855839	0,9603675
HLTF	145,79	-0,15	0,830397	-0,1816	0,855896	0,9603731
KIAA1211L	0,13	-0,52	2,886178	-0,18152	0,85596	NA
TPCN2	339,64	-0,10	0,577568	-0,18144	0,856019	0,9604126
ETNPPL	0,77	0,28	1,55058	0,181416	0,856041	NA
AC138744.2	0,65	0,68	3,739834	0,18141	0,856046	NA
SLC25A53	77,66	-0,13	0,74003	-0,18137	0,856075	0,9604126
RP11-369K17.1	1,60	-0,54	2,957056	-0,18133	0,856108	NA
TBC1D23	236,16	-0,11	0,610583	-0,18132	0,856119	0,9604126
USP21	122,37	0,12	0,648997	0,181255	0,856167	0,9604126
PGM5	76,03	-0,24	1,318922	-0,18117	0,856237	0,9604126
ATP6V1G1	1516,77	0,05	0,293626	0,181161	0,856241	0,9604126
RP11-457D13.3	0,37	0,68	3,746	0,180865	0,856473	NA
AF064858.6	7,59	0,38	2,105247	0,180822	0,856507	0,9606226
COX6A1	1061,46	-0,04	0,20136	-0,18079	0,856532	0,9606226
PPP2R2A	337,96	0,08	0,438075	0,180682	0,856617	0,9606611
DPYSL5	12,59	-0,20	1,095843	-0,18058	0,856694	0,9606892
GS1-124K5.2	6,68	-0,22	1,218983	-0,18044	0,856811	0,9607623
RP11-93B14.4	0,38	0,64	3,574179	0,180363	0,856867	NA
STK32C	147,85	-0,16	0,872483	-0,18021	0,856989	0,9609043
DHPS	386,12	0,09	0,47612	0,179968	0,857178	0,9610114
ST7-OT4	16,03	-0,26	1,41823	-0,17995	0,857188	0,9610114
RP11-343L5.2	0,81	0,51	2,843235	0,179857	0,857265	NA
MIRLET7DHG	12,85	0,33	1,816657	0,179806	0,857305	0,9610372
C2orf50	4,81	0,18	1,0007	0,17979	0,857317	0,9610372
RP11-473M20.16	6,79	-0,10	0,546941	-0,17972	0,857369	0,9610372
CCDC173	7,23	-0,41	2,261371	-0,17966	0,857418	0,9610372
CTC-479C5.12	46,99	-0,12	0,647615	-0,17945	0,857584	0,9611512
TCF4	674,83	-0,12	0,665872	-0,17934	0,857669	0,9611512
DNA2	27,25	-0,19	1,067508	-0,1793	0,8577	0,9611512
CCNI	5143,97	0,03	0,194773	0,179269	0,857726	0,9611512
AC126544.4	166,14	0,13	0,750864	0,179134	0,857832	0,9611935
FAT2	0,23	-0,50	2,812658	-0,179	0,857935	NA
FDFT1	715,57	0,08	0,447007	0,178875	0,858036	0,9611935
CTD-2201I18.1	5,48	0,34	1,880754	0,178871	0,858039	0,9611935
RBM5	1158,55	-0,07	0,368729	-0,17886	0,858045	0,9611935
RP11-252A24.3	3,00	-0,22	1,235329	-0,17884	0,858061	NA
RP11-256L11.1	1,12	0,22	1,224242	0,17883	0,858071	NA
MRPS16	463,90	-0,07	0,386524	-0,17883	0,858072	0,9611935
DENND2A	23,36	-0,15	0,814976	-0,17875	0,858137	0,9611935
SLC25A40	212,32	0,13	0,708115	0,178742	0,858141	0,9611935
SAP30BP	539,61	-0,08	0,456906	-0,1787	0,858177	0,9611935

AC002519.6	0,11	-0,67	3,748196	-0,17867	0,858196	NA
SLC25A33	202,89	0,12	0,67383	0,17857	0,858276	0,9612457
RTF1	371,56	-0,09	0,530208	-0,1785	0,858327	0,9612457
RP11-767N6.2	10,46	-0,52	2,942068	-0,17839	0,858419	0,96125
RP11-274B21.14	168,43	0,13	0,753925	0,178368	0,858434	0,96125
RP11-21K12.2	57,64	0,21	1,169904	0,178211	0,858557	0,9613298
OXGR1	2,44	0,34	1,883525	0,178154	0,858602	NA
TSC1	360,13	-0,10	0,587949	-0,17805	0,858682	0,9613464
NUP50	402,91	0,10	0,549264	0,177996	0,858726	0,9613464
MC2R	17,96	0,16	0,875536	0,177995	0,858727	0,9613464
POTEH	3,21	-0,23	1,301783	-0,17798	0,858739	NA
GPC3	0,18	-0,67	3,748196	-0,17778	0,858897	NA
ADAMTSL4	251,97	0,09	0,523179	0,177622	0,85902	0,9616163
RP11-370A5.1	0,65	0,66	3,7401	0,17756	0,859069	NA
RP11-518K17.3	0,71	-0,21	1,206267	-0,17755	0,859077	NA
RN7SL841P	0,68	-0,28	1,594712	-0,17752	0,859103	NA
MRPS9	420,21	-0,13	0,718077	-0,17742	0,859182	0,9616255
AL138479.3	5,34	0,17	0,973245	0,177363	0,859223	0,9616255
XX-BC751M15.1	1,05	0,50	2,830469	0,177345	0,859238	NA
KCTD10	183,95	-0,16	0,87529	-0,17732	0,859258	0,9616255
SHISA5	838,96	-0,06	0,337689	-0,1773	0,859276	0,9616255
PIM1	148,45	-0,13	0,758168	-0,17728	0,859286	0,9616255
RP11-501E24.3	1,00	0,45	2,534362	0,17712	0,859414	NA
AC010127.3	29,89	0,18	1,014636	0,177111	0,859421	0,961653
C12orf72	35,43	-0,13	0,708721	-0,17708	0,859449	0,961653
ATP6V0D2	11,06	-0,14	0,811636	-0,17705	0,859471	0,961653
RP11-175D17.3	0,53	-0,64	3,61896	-0,17704	0,859481	NA
RP11-316M21.8	2,92	0,20	1,104287	0,176976	0,859527	NA
NKAPP1	27,73	-0,22	1,246373	-0,17695	0,85955	0,961653
RP11-56L13.3	4,32	0,32	1,837265	0,176818	0,859651	0,961653
RNF166	577,61	-0,07	0,368218	-0,17682	0,859652	0,961653
COPS8	469,02	-0,12	0,656277	-0,17678	0,859682	0,961653
RNY4P7	1,96	-0,33	1,852413	-0,17664	0,85979	NA
FTSJ2	274,32	0,12	0,703141	0,176635	0,859795	0,961653
RF00402	85,89	0,16	0,894228	0,176553	0,85986	0,961653
AC006987.4	6,66	-0,55	3,129891	-0,17641	0,859972	0,961653
RP11-30K9.6	19,25	-0,14	0,778419	-0,17637	0,860002	0,961653
TAF4	68,20	0,16	0,903496	0,176353	0,860016	0,961653
CTC-503J8.8	0,52	0,42	2,354996	0,176315	0,860047	NA
FBXO40	13,58	0,15	0,878645	0,176293	0,860064	0,961653
LDHB	2141,11	0,05	0,264109	0,176255	0,860094	0,961653
RP11-166N17.3	1,95	0,29	1,624566	0,176244	0,860102	NA
CTDP1	183,59	-0,10	0,586816	-0,17622	0,860122	0,961653
RP11-729L2.2	0,75	0,49	2,767032	0,176103	0,860213	NA
RP11-447J13.3	21,18	-0,12	0,697314	-0,17605	0,860252	0,961653
RP11-423H2.3	5,76	0,14	0,794765	0,175979	0,86031	0,961653
RP11-382A20.5	46,02	-0,13	0,738172	-0,17587	0,860394	0,961653
CAND1	560,58	0,10	0,552998	0,175869	0,860397	0,961653
MTUS1	1,93	0,28	1,614879	0,175834	0,860425	NA
SLC25A28	585,21	-0,09	0,491734	-0,17574	0,860499	0,961653

RP11-681H18.2	153,31	0,21	1,19479	0,17571	0,860522	0,961653
IL17RC	77,59	0,21	1,204569	0,175701	0,860529	0,961653
PIGO	103,15	-0,15	0,86709	-0,17569	0,860538	0,961653
TESPA1	251,23	-0,15	0,842807	-0,17567	0,860551	0,961653
ACTR2	4485,45	0,04	0,246643	0,175486	0,860698	0,9617038
RNU4-34P	1,77	-0,20	1,120843	-0,17547	0,860713	NA
CD79A	26,30	-0,31	1,768378	-0,17544	0,860733	0,9617038
VAPB	172,93	0,15	0,88217	0,175417	0,860752	0,9617038
CTC-429P9.3	145,74	-0,14	0,77272	-0,17506	0,86103	0,9619151
RPL26P19	0,73	0,24	1,380542	0,175023	0,861061	NA
LAMB1	9,93	-0,17	0,974217	-0,17502	0,861063	0,9619151
RP11-96O20.3	0,55	-0,53	3,04995	-0,17499	0,861085	NA
RAB43	12,34	0,41	2,360194	0,174979	0,861096	0,9619151
CDHR5	0,03	-0,66	3,748196	-0,17486	0,861192	NA
RP4-681N20.1	11,76	-0,10	0,587997	-0,17476	0,861265	0,9620461
PDZRN4	0,71	-0,65	3,7141	-0,17475	0,861277	NA
THAP3	279,98	0,14	0,792911	0,174637	0,861365	0,9620995
TRPV2	625,43	-0,08	0,448016	-0,17456	0,861428	0,9621128
RP11-95C14.1	2,62	0,19	1,112725	0,17451	0,861464	NA
FAM180A	1,69	-0,29	1,674089	-0,17447	0,861497	NA
RP11-809N15.3	5,83	0,15	0,868255	0,17443	0,861527	0,9621654
RP11-160H22.5	8,90	-0,16	0,924512	-0,17427	0,861656	0,9622363
SETDB1	410,38	-0,11	0,61255	-0,17422	0,861694	0,9622363
GLO1	603,43	-0,10	0,549974	-0,17413	0,861766	0,9622591
RANBP9	385,47	0,12	0,689271	0,17402	0,86185	0,9622683
SKIV2L2	358,37	-0,13	0,721129	-0,17398	0,861878	0,9622683
OR10Z1	1,17	0,38	2,183446	0,173931	0,86192	NA
RP11-815M8.1	1,88	-0,47	2,690726	-0,17387	0,861966	NA
RP3-433F14.3	20,19	0,16	0,941532	0,173733	0,862075	0,9624311
RP11-298I3.1	0,90	-0,48	2,772566	-0,17373	0,86208	NA
DMBT1	0,08	-0,65	3,748196	-0,17366	0,862136	NA
PAFAH2	79,27	-0,13	0,736951	-0,17355	0,86222	0,9625344
RP3-465N24.8	0,55	0,63	3,612656	0,173331	0,862391	NA
TARS2	166,91	0,11	0,634725	0,173319	0,862401	0,9626399
DCUN1D5	109,96	0,16	0,909327	0,173297	0,862418	0,9626399
RP11-814P23.1	250,92	0,07	0,3804	0,173019	0,862637	0,9627075
WARS	2649,34	0,06	0,336132	0,172997	0,862654	0,9627075
RP11-319E12.2	3,76	-0,25	1,417075	-0,17293	0,862708	NA
VEGFB	65,37	-0,13	0,780004	-0,17292	0,862717	0,9627075
CTD-3051D23.4	5,57	0,18	1,034812	0,172913	0,86272	0,9627075
RP11-276H19.1	2,20	0,26	1,512275	0,172907	0,862724	NA
SUCLG1	1045,17	-0,07	0,418383	-0,17289	0,862737	0,9627075
RP1-118J21.28	1,26	0,34	1,952597	0,172843	0,862775	NA
NLN	167,56	0,11	0,630373	0,172819	0,862793	0,9627127
RP11-554D20.2	7,36	0,26	1,516031	0,172656	0,862922	0,9627985
RN7SL503P	2,72	0,21	1,194162	0,172194	0,863285	NA
DPRXP4	6,04	0,33	1,920167	0,172185	0,863292	0,9631532
MYH2	0,04	-0,65	3,748196	-0,17218	0,863296	NA
SLC6A14	1,82	-0,34	1,985851	-0,17214	0,863326	NA
RP11-208N14.5	8,84	0,17	1,013743	0,172066	0,863386	0,9631588

CTD-2008A1.2	12,17	0,22	1,306269	0,172047	0,8634	0,9631588
SLC26A5	0,50	-0,60	3,506499	-0,17202	0,863418	NA
FAM71F2	99,34	0,12	0,695337	0,171912	0,863507	0,963176
MTX3	97,52	0,17	1,008718	0,171896	0,863519	0,963176
RP3-412A9.11	54,49	-0,25	1,446945	-0,17182	0,863579	0,9631846
HNRNPK	1956,02	0,04	0,254996	0,171486	0,863841	0,9633676
CTA-268H5.12	0,28	-0,59	3,436321	-0,17148	0,863847	NA
RP11-813I20.3	5,78	0,28	1,661999	0,171399	0,86391	0,9633676
ATP11A	565,38	-0,08	0,48925	-0,17139	0,863919	0,9633676
CTD-2555K7.2	4,20	-0,26	1,506948	-0,17135	0,86395	0,9633676
P4HA3	20,18	-0,30	1,733877	-0,1712	0,864063	0,9634359
RP11-266A24.1	0,37	0,64	3,746295	0,171016	0,864211	NA
FAM182B	0,08	-0,64	3,748196	-0,17101	0,864219	NA
RP11-540B6.6	76,65	-0,23	1,320634	-0,17097	0,864251	0,9635731
RP11-814E24.2	1,14	-0,63	3,660633	-0,17094	0,864271	NA
TMEM184A	29,24	-0,16	0,935133	-0,17089	0,864308	0,9635731
RP11-705C15.2	326,90	0,15	0,881141	0,170754	0,864417	0,9635731
NUDT12	13,32	-0,40	2,360295	-0,17068	0,864472	0,9635731
HFE	81,99	0,17	0,99132	0,170681	0,864475	0,9635731
RP11-197L7.3	6,32	-0,13	0,789038	-0,17065	0,864497	0,9635731
NKD2	0,02	-0,64	3,748196	-0,1705	0,864621	NA
LDB1	116,31	0,13	0,755571	0,170423	0,864677	0,9636881
USP9Y	10,89	-0,17	1,009126	-0,17039	0,864704	0,9636881
AC005592.2	0,36	0,61	3,595604	0,170248	0,864815	NA
TSPAN31	311,95	0,15	0,858729	0,170173	0,864874	0,9638146
RP11-408A13.4	2,06	0,46	2,730551	0,170072	0,864954	NA
LRRC8E	6,15	0,15	0,898343	0,170066	0,864958	0,9638146
SMPD3	24,97	0,17	1,006144	0,170048	0,864972	0,9638146
H3F3AP1	0,36	0,61	3,616627	0,16988	0,865105	NA
RP11-265F19.1	2,95	0,36	2,132886	0,169732	0,865221	NA
POM121L7	88,73	-0,14	0,796875	-0,16971	0,865241	0,9638196
CXorf38	479,95	0,10	0,563465	0,169666	0,865273	0,9638196
RP11-436I24.1	18,56	0,24	1,406862	0,169641	0,865293	0,9638196
RP11-146F11.1	2,40	0,34	2,007133	0,169625	0,865305	NA
CMTM2	3,51	0,52	3,093841	0,169584	0,865337	NA
TMEM216	132,65	-0,20	1,177878	-0,16953	0,86538	0,9638196
SLC5A4	4,17	-0,47	2,766089	-0,16938	0,865497	0,9638196
RP11-422P24.13	1,28	0,35	2,080564	0,169359	0,865515	NA
RP11-264J9.1	33,68	0,22	1,280871	0,169354	0,865518	0,9638196
RP11-983P16.2	7,69	-0,18	1,068324	-0,16933	0,865534	0,9638196
AP4B1	298,99	-0,12	0,735912	-0,16933	0,865537	0,9638196
EXOC1	372,73	-0,10	0,576666	-0,16933	0,865538	0,9638196
ZBTB2	66,50	0,17	1,033101	0,169225	0,86562	0,9638196
RBFOX3	14,79	0,13	0,778636	0,169085	0,86573	0,9638196
DPH7	165,48	-0,15	0,903944	-0,16908	0,865734	0,9638196
AC007001.4	0,63	-0,36	2,12064	-0,16905	0,865759	NA
RP11-166O4.4	0,48	-0,63	3,717015	-0,169	0,865794	NA
AC104451.2	8,77	0,26	1,538916	0,168979	0,865813	0,9638196
CLGN	0,20	0,57	3,38682	0,168797	0,865956	NA
RP11-390K5.6	0,53	0,41	2,41034	0,168796	0,865957	NA

RP11-566D24.2	4,19	0,47	2,780747	0,168778	0,865972	0,9638196
SPINK9	11,17	-0,13	0,789562	-0,16876	0,865985	0,9638196
TMEM91	75,48	-0,19	1,138387	-0,16873	0,866011	0,9638196
EPHX3	0,63	0,62	3,692634	0,168718	0,866018	NA
R3HCC1	199,47	-0,15	0,862189	-0,1687	0,86603	0,9638196
TNRC6A	320,42	0,08	0,491599	0,168683	0,866046	0,9638196
THUMPD3	258,16	-0,11	0,662515	-0,16867	0,866059	0,9638196
FBXL8	33,51	-0,16	0,939359	-0,16866	0,86606	0,9638196
CTD-2351A16.1	22,63	0,10	0,603175	0,168632	0,866086	0,9638196
FBXO42	276,37	0,11	0,67506	0,168593	0,866117	0,9638196
FBXL3	307,87	-0,13	0,785344	-0,16839	0,866274	0,9638733
RP11-363G2.5	14,40	0,18	1,048057	0,16839	0,866276	0,9638733
RP11-477N12.5	16,00	0,20	1,210408	0,168334	0,86632	0,9638733
FBXW10	3,76	0,14	0,819128	0,168112	0,866495	NA
RP11-1281K21.8	1,86	0,35	2,060436	0,168057	0,866538	NA
TRIM38	1342,97	-0,04	0,245436	-0,16802	0,866571	0,9640229
NR2E1	4,34	0,17	1,003852	0,167956	0,866618	0,9640229
ZSCAN2	30,31	0,18	1,059864	0,167894	0,866667	0,9640229
NENF	141,60	0,11	0,642518	0,167886	0,866673	0,9640229
SMIM19	268,64	0,14	0,812322	0,167818	0,866727	0,9640229
LYG1	11,56	0,37	2,200772	0,167768	0,866766	0,9640229
RN7SKP247	1,19	-0,25	1,477153	-0,16753	0,86695	NA
ADAM18	0,65	-0,51	3,041097	-0,16751	0,866973	NA
RP11-120M18.2	8,57	-0,19	1,143999	-0,1675	0,866976	0,9641528
ARRB2	815,01	0,04	0,25983	0,167463	0,867006	0,9641528
ZNF490	61,17	-0,10	0,588968	-0,16742	0,867038	0,9641528
RP11-566H8.2	1,05	-0,31	1,850423	-0,16728	0,867152	NA
TOB2	303,11	-0,11	0,651851	-0,16724	0,867181	0,9642543
RASSF1-AS1	28,94	0,25	1,503927	0,167144	0,867257	0,964281
CCDC122	314,62	-0,07	0,428836	-0,16704	0,867339	0,96429
RP11-164J13.1	17,47	-0,32	1,943691	-0,167	0,867369	0,96429
AP003774.5	0,13	-0,63	3,748196	-0,16697	0,867394	NA
RP11-166B2.5	1,36	-0,38	2,273417	-0,1669	0,867445	NA
AP1S2	4273,56	0,04	0,250699	0,16686	0,86748	0,9643434
RP11-534C12.1	0,19	0,57	3,403453	0,166786	0,867539	NA
CTD-2501B8.5	0,38	-0,30	1,780242	-0,1667	0,867609	NA
DENND6A	249,92	-0,12	0,730979	-0,16666	0,867634	0,9643434
PSTK	70,45	0,21	1,277985	0,166645	0,867649	0,9643434
RP11-1038A11.1	43,33	0,19	1,12584	0,166644	0,86765	0,9643434
GATAD1	475,14	0,08	0,506717	0,166611	0,867676	0,9643434
RP5-1085F17.3	87,15	0,16	0,982929	0,166506	0,867759	0,964378
RP11-77K12.5	4,05	0,33	1,973422	0,166329	0,867898	0,9644603
RP11-5C23.3	44,78	-0,12	0,729252	-0,16628	0,867937	0,9644603
AKR1B10	1,33	-0,20	1,231262	-0,16627	0,867948	NA
AJ006995.3	0,83	0,27	1,596785	0,166159	0,868032	NA
TMX2	497,65	0,09	0,551569	0,166079	0,868095	0,9645607
RNU2-24P	0,90	-0,46	2,760415	-0,16608	0,868097	NA
TPST2	374,88	-0,12	0,708513	-0,16592	0,868216	0,9645607
RNU2-14P	0,26	0,56	3,359199	0,165923	0,868217	NA
RP11-278L15.2	18,70	-0,34	2,066253	-0,16588	0,868253	0,9645607

PDCD7	147,41	-0,13	0,760289	-0,16582	0,868295	0,9645607
RP11-243M5.3	4,23	0,18	1,056549	0,165823	0,868296	0,9645607
TESK2	57,20	0,17	1,029304	0,165739	0,868362	0,9645607
SBDS	524,37	0,09	0,516854	0,165704	0,86839	0,9645607
LILRB2	681,61	0,05	0,300617	0,165611	0,868463	0,9645729
RF00494	0,42	-0,50	2,995618	-0,16558	0,868485	NA
PAQR6	1,06	-0,31	1,857627	-0,16558	0,86849	NA
SLC30A9	627,13	-0,11	0,652235	-0,16555	0,868513	0,9645729
RP11-326A13.1	1,40	0,32	1,96071	0,165536	0,868522	NA
RP11-756J15.3	7,14	-0,20	1,21711	-0,16549	0,868556	0,9645729
RP3-508I15.16	0,17	0,56	3,414955	0,165394	0,868634	NA
C15orf59	10,15	-0,10	0,597356	-0,16531	0,868697	0,9646346
JOSD2	242,19	-0,11	0,645357	-0,16526	0,86874	0,9646346
FAM210A	239,03	-0,13	0,779762	-0,16522	0,868767	0,9646346
OR10G4	16,82	-0,16	0,959117	-0,16511	0,868854	0,9646369
RPS6KA6	60,59	-0,10	0,59078	-0,16502	0,868931	0,9646369
PLA2G10	4,08	-0,21	1,267778	-0,16499	0,868955	0,9646369
DYNLT1	942,67	-0,05	0,319082	-0,16493	0,868995	0,9646369
RP11-654A16.3	4,10	0,52	3,141814	0,164817	0,869088	0,9646369
RP11-474D1.3	3,79	0,17	1,021085	0,164808	0,869095	0,9646369
TRIM9	1,25	0,62	3,748196	0,164803	0,869099	NA
RP11-583F2.3	0,18	0,56	3,409977	0,16479	0,869109	NA
MILR1	232,95	-0,11	0,648198	-0,16476	0,869132	0,9646369
BRD7P1	0,18	0,56	3,409689	0,164749	0,869142	NA
RP11-135D11.2	3,44	0,25	1,544658	0,164615	0,869247	NA
RP11-90L20.2	0,19	0,56	3,388807	0,164557	0,869293	NA
CTC-384G19.1	9,09	-0,18	1,068733	-0,16453	0,869312	0,964755
CYP2D6	2,38	-0,37	2,225563	-0,16451	0,869332	NA
C5orf17	40,85	0,13	0,789027	0,164494	0,869343	0,964755
RP5-1050D4.4	1,83	0,49	2,994134	0,164473	0,869359	NA
AC105921.2	0,17	0,56	3,399647	0,164358	0,869449	NA
ABLIM2	0,30	0,60	3,637286	0,164298	0,869497	NA
RGL3	2,77	0,20	1,213804	0,164265	0,869522	NA
CSNK2A2	445,30	-0,09	0,528052	-0,16426	0,869528	0,9649035
RP3-428A13.2	5,37	0,22	1,341231	0,164094	0,869657	0,9649548
KLHL35	10,31	-0,12	0,747295	-0,16407	0,869678	0,9649548
DDX19B	277,67	0,11	0,681572	0,163905	0,869806	0,9649967
NSMAF	558,84	0,09	0,538808	0,163888	0,86982	0,9649967
AOC4	0,18	0,56	3,411474	0,163571	0,870069	NA
DCUN1D1	510,25	0,08	0,496115	0,163524	0,870106	0,9652291
RP11-320G24.1	11,10	-0,10	0,627817	-0,16335	0,87024	0,9652291
PRG4	37,07	-0,29	1,75439	-0,16326	0,870313	0,9652291
RP11-256P1.1	39,90	0,10	0,603053	0,163256	0,870317	0,9652291
CD55	1525,82	-0,06	0,358165	-0,16325	0,870319	0,9652291
RP11-85K15.3	35,02	0,12	0,719569	0,163142	0,870407	0,9652291
SLC46A3	211,23	0,14	0,86233	0,163126	0,870419	0,9652291
RP11-1136J12.1	0,71	-0,51	3,107887	-0,1631	0,870439	NA
MED21	133,12	-0,16	0,95723	-0,16309	0,870444	0,9652291
RP13-554M15.5	1,40	0,47	2,911164	0,163063	0,870468	NA
C21orf119	85,46	-0,23	1,416128	-0,163	0,870518	0,9652534

ZNF454	0,79	-0,28	1,707902	-0,16282	0,870664	NA
STARD8	139,20	-0,11	0,693167	-0,16277	0,870703	0,9653233
USF2	516,07	0,05	0,337266	0,162737	0,870725	0,9653233
TP53INP1	138,55	-0,13	0,823708	-0,16265	0,870794	0,9653233
TMEM126B	316,62	0,12	0,710049	0,162456	0,870947	0,9653233
RP11-110H1.8	3,25	-0,19	1,159609	-0,16244	0,870957	NA
ZNF611	113,39	-0,09	0,563381	-0,16242	0,870979	0,9653233
RP11-646E18.2	0,77	0,26	1,585555	0,162412	0,870981	NA
ATP6V0E2	126,97	-0,18	1,111578	-0,16234	0,87104	0,9653233
RP11-5O24.1	15,54	-0,08	0,504141	-0,16233	0,871049	0,9653233
AQP10	0,19	0,61	3,748196	0,162286	0,871081	NA
RP5-1187M17.7	6,89	-0,22	1,369435	-0,16227	0,871096	0,9653233
RP11-799B12.1	58,41	0,12	0,727024	0,162151	0,871187	0,9653233
ADAM12	21,87	-0,25	1,535318	-0,16207	0,871247	0,9653233
RP1-101D8.1	10,80	0,09	0,578115	0,162051	0,871266	0,9653233
SKIL	500,92	-0,11	0,68042	-0,16194	0,871354	0,9653233
NDUFB3	353,06	0,05	0,327599	0,161915	0,871373	0,9653233
CFP	3588,51	-0,04	0,269084	-0,16179	0,871467	0,9653233
TTL	438,41	-0,10	0,612892	-0,16178	0,87148	0,9653233
RP11-16E12.2	0,14	-0,54	3,363641	-0,16176	0,871495	NA
CTD-2329C7.2	18,30	-0,16	1,009027	-0,16174	0,871511	0,9653233
RP11-559N14.5	10,67	0,15	0,901609	0,161637	0,871592	0,9653233
ALOX5	815,54	0,07	0,409982	0,161627	0,8716	0,9653233
ACAD11	149,82	0,15	0,904355	0,161623	0,871603	0,9653233
OR7E140P	0,43	-0,49	3,028048	-0,16161	0,87161	NA
MYPN	4,79	-0,21	1,291738	-0,1616	0,871619	0,9653233
POLR3G	33,12	0,28	1,733286	0,161497	0,871702	0,9653584
RP4-686C3.7	1,03	-0,31	1,935952	-0,16143	0,871753	NA
CTB-161M19.3	1,60	-0,17	1,046135	-0,16143	0,871754	NA
RP4-614C15.2	7,52	-0,19	1,146843	-0,16141	0,871773	0,9653787
ALG1L2	3,94	-0,27	1,671179	-0,16134	0,871824	0,9653787
NAT16	2,39	0,16	0,980539	0,161307	0,871851	NA
RP11-488C13.7	6,20	-0,37	2,314497	-0,16099	0,872103	0,9653909
RP11-574K11.31	46,54	-0,31	1,918913	-0,16095	0,872129	0,9653909
HMGCR	434,91	-0,12	0,742907	-0,16095	0,872131	0,9653909
RP11-313D6.3	0,55	0,44	2,722053	0,160831	0,872226	NA
PIGS	720,81	-0,08	0,504052	-0,16082	0,872237	0,9653909
ANKRD11	1568,53	-0,06	0,403048	-0,16081	0,872246	0,9653909
RP1-283E3.4	3,52	-0,36	2,236238	-0,16076	0,872282	NA
RN7SL468P	0,18	0,55	3,409771	0,160665	0,872357	NA
RP11-217F17.1	0,09	-0,60	3,748196	-0,16059	0,872416	NA
OLFML1	4,96	0,14	0,883284	0,160539	0,872457	0,9653909
ANKRD20A5P	42,63	-0,19	1,203639	-0,16043	0,87254	0,9653909
AC142119.1	5,24	-0,12	0,753487	-0,16042	0,872552	0,9653909
CTD-2011F17.2	13,58	0,14	0,87902	0,160339	0,872614	0,9653909
ELK3	385,15	-0,06	0,394939	-0,16032	0,872628	0,9653909
RN7SL284P	10,31	0,14	0,895056	0,160315	0,872633	0,9653909
AC011747.7	11,29	0,25	1,591356	0,160207	0,872718	0,9653909
RP11-321E2.8	0,11	-0,60	3,748196	-0,1602	0,872725	NA
RP11-432M8.5	0,11	-0,60	3,748196	-0,1602	0,872725	NA

SYDE1	0,16	0,60	3,747535	0,160077	0,872821	NA
TBC1D30	8,43	0,22	1,393193	0,160025	0,872862	0,9653909
ANKK1	3,03	0,15	0,912824	0,159904	0,872957	NA
PTPN6	3137,40	-0,03	0,177049	-0,15989	0,872969	0,9653909
IQSEC2	110,28	-0,13	0,843517	-0,15987	0,872986	0,9653909
DYM	378,42	-0,11	0,674399	-0,15985	0,873003	0,9653909
RP11-334E6.2	0,10	-0,60	3,748196	-0,15983	0,873018	NA
ZNF815P	22,48	-0,27	1,69763	-0,15982	0,873019	0,9653909
DEF8	342,50	-0,10	0,645685	-0,15977	0,873062	0,9653909
RNF8	160,48	0,12	0,739616	0,159689	0,873126	0,9653909
ARID2	371,42	0,08	0,481345	0,159673	0,873138	0,9653909
OR5BR1P	0,10	-0,60	3,748196	-0,15966	0,873146	NA
ORAOV1	108,34	-0,14	0,888134	-0,15966	0,873149	0,9653909
RP11-17A4.2	57,75	0,09	0,570043	0,15965	0,873157	0,9653909
RP11-629G13.1	3,21	-0,14	0,900299	-0,15963	0,873175	NA
KRT18P51	0,08	-0,60	3,748196	-0,15959	0,873201	NA
STAG3L5P	37,99	-0,10	0,596985	-0,15959	0,873208	0,9653909
RP11-44F14.6	8,05	0,18	1,131045	0,159558	0,87323	0,9653909
RN7SL303P	0,53	-0,37	2,342768	-0,15951	0,873264	NA
RP5-836J3.1	0,17	0,55	3,419223	0,159444	0,873319	NA
RP11-93O14.2	8,31	0,14	0,899867	0,159411	0,873345	0,9653909
SLCO5A1	3,80	0,15	0,937588	0,159365	0,873381	0,9653909
CTC-457L16.1	0,07	-0,60	3,748196	-0,15928	0,87345	NA
PRPF19	65,25	-0,10	0,645849	-0,15927	0,873458	0,9653909
RP11-468O2.1	0,07	-0,60	3,748196	-0,15926	0,873464	NA
PLD2	187,73	-0,09	0,593294	-0,15923	0,873487	0,9653909
RP11-645C24.3	169,23	-0,09	0,564605	-0,15921	0,873502	0,9653909
ZNF676	0,11	-0,60	3,748196	-0,1592	0,873511	NA
RP5-977B1.7	1,72	-0,21	1,345679	-0,15919	0,87352	NA
PODXL2	0,08	-0,60	3,748196	-0,15915	0,873553	NA
RP11-393I23.4	0,10	-0,60	3,748196	-0,15914	0,87356	NA
PPIE	511,03	-0,09	0,574609	-0,15914	0,873562	0,9653909
RP11-230C9.3	0,10	-0,60	3,748196	-0,15911	0,873578	NA
AC008982.2	51,70	-0,08	0,479998	-0,15909	0,873598	0,9653909
RP11-109P14.10	18,74	-0,16	0,994433	-0,15909	0,873601	0,9653909
AC002985.3	0,62	0,35	2,221317	0,159073	0,873611	NA
EN2	0,09	-0,60	3,748196	-0,15907	0,873612	NA
ARAF	495,73	0,06	0,376853	0,159072	0,873612	0,9653909
RP11-449H15.3	0,11	-0,60	3,748196	-0,15903	0,873646	NA
RP11-402L1.1	0,07	-0,60	3,748196	-0,15899	0,873676	NA
NT5DC4	0,24	0,45	2,815542	0,158944	0,873713	NA
RP11-466L22.1	0,08	-0,60	3,748196	-0,15894	0,873716	NA
MIR5692A1	0,08	-0,60	3,748196	-0,15893	0,873722	NA
SLCO1B1	0,09	-0,60	3,748196	-0,15893	0,873723	NA
XKR7	0,06	-0,60	3,748196	-0,15882	0,873811	NA
RP11-318A15.2	0,09	-0,60	3,748196	-0,15881	0,873819	NA
CTD-2587H19.3	8,01	0,15	0,928581	0,158808	0,87382	0,9653909
RP11-1008C21.1	30,97	-0,34	2,115077	-0,15878	0,873841	0,9653909
PDCD1LG2	0,09	-0,60	3,748196	-0,15877	0,873852	NA
RP11-57H12.2	1,77	-0,53	3,316263	-0,15873	0,873884	NA

AMIGO3	4,69	0,38	2,381767	0,158699	0,873906	0,9653909
RP4-682C21.2	0,07	-0,59	3,748196	-0,15869	0,873917	NA
UPF3AP2	0,50	0,29	1,799022	0,158677	0,873923	NA
CAPN6	0,08	-0,59	3,748196	-0,15867	0,873925	NA
C1orf174	184,06	-0,12	0,725214	-0,15865	0,873943	0,9653909
BPGM	141,05	0,19	1,227839	0,158626	0,873963	0,9653909
SCARF1	37,73	-0,16	1,035073	-0,1586	0,873983	0,9653909
RP11-289C17.2	0,09	-0,59	3,748196	-0,15858	0,874001	NA
SNORD83A	0,23	-0,59	3,748196	-0,15855	0,874025	NA
ANKRD61	0,08	-0,59	3,748196	-0,15852	0,874046	NA
RN7SL649P	0,10	-0,59	3,748196	-0,15845	0,874105	NA
RP4-773A18.2	0,10	-0,59	3,748196	-0,15842	0,874129	NA
MICALL1	130,95	0,14	0,864321	0,158397	0,874144	0,9653909
AC093802.1	21,10	-0,15	0,940438	-0,15839	0,87415	0,9653909
SPATA31D3	0,09	-0,59	3,748196	-0,15838	0,874158	NA
SLC1A5	542,18	0,09	0,577662	0,158339	0,874189	0,9653909
OR7E10P	0,08	-0,59	3,748196	-0,1583	0,874217	NA
RP11-213G2.3	18,51	0,22	1,400245	0,158296	0,874223	0,9653909
RP4-529N6.2	0,07	-0,59	3,748196	-0,15826	0,874249	NA
BCAM	10,99	-0,13	0,798686	-0,15825	0,874257	0,9653909
CACNA1A	269,53	-0,08	0,481197	-0,15825	0,874257	0,9653909
RP4-552O12.2	59,87	-0,12	0,744937	-0,15825	0,87426	0,9653909
PODN	0,80	-0,28	1,785087	-0,15825	0,874262	NA
TMEM62	298,91	-0,09	0,565659	-0,15823	0,874274	0,9653909
CTD-2376I20.1	0,07	-0,59	3,748196	-0,15822	0,874281	NA
SCARNA18	0,09	-0,59	3,748196	-0,15821	0,874294	NA
AC105921.5	0,08	-0,59	3,748196	-0,15816	0,874332	NA
AC005176.2	0,87	-0,23	1,462061	-0,15809	0,874385	NA
RNU6-117P	0,10	-0,59	3,748196	-0,15808	0,874397	NA
ZIC5	0,10	-0,59	3,748196	-0,15804	0,874426	NA
RP11-73M18.10	13,85	-0,24	1,543164	-0,15802	0,874441	0,9654532
UBE2F	690,81	0,08	0,480275	0,157913	0,874525	0,9654532
CTC-344H19.4	8,70	0,16	1,007107	0,157873	0,874557	0,9654532
AC083864.4	0,07	-0,59	3,748196	-0,15783	0,874589	NA
RP1-178F10.1	0,07	-0,59	3,748196	-0,15775	0,874654	NA
RP11-317B17.4	0,09	-0,59	3,748196	-0,15774	0,87466	NA
RP11-271K21.12	13,96	-0,09	0,58576	-0,15773	0,874669	0,9654532
KLHDC2	191,77	0,13	0,838649	0,157727	0,874672	0,9654532
NUDT3	667,28	-0,08	0,489039	-0,15773	0,874672	0,9654532
GYS2	0,10	-0,59	3,748196	-0,1577	0,874697	NA
GATAD2B	271,13	0,08	0,507601	0,157687	0,874703	0,9654532
CMB9-52H4.1	0,09	-0,59	3,748196	-0,15767	0,87472	NA
RP11-497H16.5	0,11	-0,59	3,748196	-0,15765	0,874732	NA
GTF2B	344,29	0,11	0,677507	0,157633	0,874746	0,9654532
CTD-2145A24.4	0,09	-0,59	3,748196	-0,15745	0,874893	NA
CTC-529P8.1	0,57	0,42	2,657647	0,157442	0,874897	NA
RP11-34P13.15	27,01	0,16	1,021011	0,15744	0,874898	0,9654638
REST	778,46	0,09	0,55003	0,157425	0,87491	0,9654638
RP11-783L4.1	0,08	-0,59	3,748196	-0,15739	0,874938	NA
RP11-57J16.1	8,31	-0,25	1,569977	-0,15737	0,874955	0,9654638

RP11-56P9.5	0,08	-0,59	3,748196	-0,15732	0,874994	NA
RN7SKP193	4,07	-0,13	0,833425	-0,15728	0,875028	0,9654638
DDX17	2954,22	0,05	0,300707	0,157253	0,875045	0,9654638
MAST3	277,72	-0,11	0,668864	-0,15719	0,875093	0,9654638
PSD4	218,85	-0,09	0,552876	-0,15716	0,875119	0,9654638
NOTCH3	4,33	-0,13	0,827372	-0,15707	0,875192	0,9654872
RN7SL159P	0,09	-0,59	3,748196	-0,15707	0,875192	NA
MAGEC3	0,03	-0,59	3,748196	-0,15687	0,87535	NA
CTC-459I6.1	0,08	-0,59	3,748196	-0,15679	0,875409	NA
PI4K2A	255,89	-0,10	0,655952	-0,15671	0,875473	0,9655342
CTD-3001H11.2	0,07	-0,59	3,748196	-0,15669	0,87549	NA
RP11-161I19.3	0,07	-0,59	3,748196	-0,15668	0,875494	NA
RP11-739N20.3	18,32	0,27	1,711435	0,15668	0,875497	0,9655342
ABC7-42389800N19.1	122,49	0,11	0,733588	0,156631	0,875536	0,9655342
OTOP1	0,10	-0,59	3,748196	-0,15657	0,875588	NA
ZSCAN18	62,93	0,14	0,870472	0,156498	0,87564	0,9655342
RP11-358B23.5	0,10	-0,59	3,748196	-0,15648	0,875657	NA
ZNF581	449,63	-0,08	0,538745	-0,15646	0,875673	0,9655342
RP11-689D3.4	26,77	-0,33	2,126172	-0,15633	0,87577	0,9655342
NR1I2	0,21	0,45	2,851595	0,156309	0,875789	NA
RP5-1024G6.2	20,46	0,17	1,095178	0,156289	0,875805	0,9655342
GNRH2	0,48	-0,54	3,48342	-0,15626	0,875831	NA
RP11-182J1.13	0,10	-0,59	3,748196	-0,15621	0,875864	NA
SLU7	879,46	0,06	0,386263	0,156202	0,875874	0,9655342
RP11-540O11.6	0,08	-0,59	3,748196	-0,1562	0,875876	NA
RP13-884E18.2	0,08	-0,59	3,748196	-0,15617	0,8759	NA
POTEF	0,31	0,59	3,746977	0,156156	0,87591	NA
DDIAS	32,77	-0,16	1,040624	-0,15614	0,87592	0,9655342
ITGA10	24,11	-0,15	0,967521	-0,1561	0,875951	0,9655342
CTD-3096M3.2	1,53	-0,57	3,647263	-0,1561	0,875958	NA
ARHGEF12	79,24	0,09	0,563593	0,156044	0,875998	0,9655342
RP11-330L19.2	1,00	-0,22	1,434923	-0,15594	0,87608	NA
RP11-737O24.2	18,02	0,31	1,993703	0,155882	0,876126	0,9655342
KCNJ10	4,51	0,18	1,14919	0,155868	0,876137	0,9655342
CTD-2235C13.2	3,82	-0,31	1,969584	-0,15586	0,876141	0,9655342
PDE6C	19,11	-0,28	1,79756	-0,15585	0,876152	0,9655342
TSN	647,95	-0,10	0,6277	-0,15582	0,876177	0,9655342
GPR22	65,65	0,18	1,172878	0,155769	0,876215	0,9655342
GAS6	382,14	0,06	0,3947	0,155734	0,876243	0,9655342
DBF4B	32,47	-0,08	0,488108	-0,15573	0,876248	0,9655342
RP11-1C1.5	0,08	-0,58	3,748196	-0,15566	0,876301	NA
GAS6-AS1	39,31	-0,16	1,050039	-0,15561	0,876341	0,9655342
LINC00632	3,39	0,22	1,409478	0,155603	0,876346	NA
RSU1	894,39	-0,09	0,570813	-0,15549	0,876433	0,9655342
RP11-545E17.3	29,22	-0,19	1,248342	-0,15543	0,876481	0,9655342
NFATC2IP	602,01	0,06	0,38791	0,155409	0,876499	0,9655342
RP11-443N24.3	3,33	0,21	1,326024	0,155395	0,87651	NA
RAPH1	187,69	0,23	1,505642	0,155319	0,87657	0,9655342
MGAM	13,85	0,41	2,665057	0,155279	0,876602	0,9655342
ANGPTL6	0,06	-0,58	3,748196	-0,15521	0,876658	NA

BIRC2	533,64	0,06	0,412884	0,155165	0,876692	0,9655342
LLGL1	6,05	-0,19	1,236707	-0,15516	0,876693	0,9655342
CTC-338M12.3	31,65	0,13	0,835002	0,155137	0,876713	0,9655342
NFKBIE	592,24	-0,10	0,639798	-0,1551	0,876739	0,9655342
CYP2D8P1	0,08	-0,58	3,748196	-0,15509	0,876749	NA
RP5-968D22.1	0,09	-0,58	3,748196	-0,15508	0,876756	NA
RP11-271B5.1	1,96	-0,12	0,784092	-0,15507	0,876765	NA
RP11-73K9.3	0,08	-0,58	3,748196	-0,15507	0,876767	NA
FAM173B	85,93	-0,17	1,113726	-0,15488	0,876919	0,9656747
MIR3173	1,00	-0,35	2,240114	-0,15487	0,876921	NA
SH2B2	1,89	0,37	2,367663	0,15483	0,876955	NA
RP5-1160K1.1	0,55	-0,21	1,37137	-0,15477	0,877	NA
PPM1E	0,43	-0,45	2,914216	-0,15472	0,877039	NA
RNF40	268,88	0,08	0,515145	0,15471	0,87705	0,9656777
RP4-765A10.1	1,45	-0,32	2,037746	-0,15462	0,877124	NA
NPHP3	237,32	-0,10	0,621619	-0,15453	0,87719	0,9656777
AF131215.9	4,69	0,13	0,832491	0,154526	0,877195	0,9656777
VPS11	311,62	0,09	0,612366	0,154465	0,877243	0,9656777
TLR10	216,83	0,15	0,971364	0,154437	0,877265	0,9656777
RP11-85F14.1	0,07	-0,58	3,748196	-0,15444	0,877266	NA
CTD-2179L22.1	45,52	0,15	0,958123	0,154432	0,877269	0,9656777
TMPRSS11B	22,30	0,13	0,872057	0,154356	0,877329	0,9656777
CTB-25B13.5	11,98	0,24	1,579825	0,154346	0,877337	0,9656777
LYRM7	286,12	0,10	0,651955	0,154242	0,877419	0,9657113
RP11-397A16.2	0,10	-0,58	3,748196	-0,15422	0,877433	NA
MIR191	0,62	0,56	3,648164	0,154203	0,87745	NA
RP11-657K20.2	0,03	-0,58	3,748196	-0,15418	0,877467	NA
GPR68	0,65	0,41	2,656881	0,154162	0,877482	NA
ASB6	235,91	0,14	0,907306	0,154065	0,877559	0,9657619
RP11-1143G9.4	9462,89	-0,23	1,500777	-0,15405	0,877569	0,9657619
RP11-80F22.8	0,09	-0,58	3,748196	-0,15404	0,877575	NA
DOPEY2	308,04	0,10	0,639386	0,15394	0,877657	0,9657784
CTD-2270P14.3	6,20	0,17	1,099944	0,153788	0,877777	0,9657784
RP11-1003J3.1	0,07	-0,58	3,748196	-0,15379	0,877779	NA
AIFM2	10,11	0,19	1,237078	0,153778	0,877785	0,9657784
HMGB1	4153,62	0,02	0,141439	0,153727	0,877825	0,9657784
HEATR1	295,46	-0,11	0,740723	-0,1537	0,877843	0,9657784
RP11-641J8.2	0,09	-0,58	3,748196	-0,15366	0,877874	NA
RP11-442N24__B.1	1,50	-0,33	2,126752	-0,15364	0,877895	NA
SLC25A18	1,43	-0,51	3,343992	-0,15363	0,877899	NA
PLEKHO2	359,86	-0,09	0,585749	-0,15359	0,877933	0,9658193
PNKP	113,32	0,13	0,832235	0,153497	0,878007	0,9658436
RAB7B	0,90	0,34	2,246321	0,153435	0,878056	NA
ANKRD55	1,79	-0,26	1,715083	-0,15341	0,878076	NA
RP11-32K4.2	0,08	-0,57	3,748196	-0,15329	0,878166	NA
WDR41	575,68	0,11	0,69738	0,153286	0,878173	0,9659607
RP11-460N1.1	2,15	0,46	3,004898	0,153233	0,878215	NA
TMEM43	505,84	0,08	0,5031	0,153099	0,87832	0,9659607
HPRT1	418,70	-0,12	0,796981	-0,15309	0,878325	0,9659607
CDH15	2,74	0,26	1,693966	0,153069	0,878344	NA

IRF1	1195,25	0,05	0,353647	0,153036	0,87837	0,9659607
BBX	1111,07	0,05	0,341309	0,153033	0,878373	0,9659607
RP11-495K9.5	1,02	-0,50	3,262079	-0,15279	0,878564	NA
RP11-256I9.1	0,55	-0,29	1,869113	-0,15275	0,878598	NA
RN7SL703P	4,38	0,23	1,479358	0,152739	0,878604	0,9661372
RP11-92F20.1	0,09	-0,57	3,748196	-0,15258	0,878728	NA
RP11-230F18.6	0,10	-0,57	3,748196	-0,15254	0,878764	NA
RIN3	845,07	0,06	0,411393	0,152373	0,878893	0,9661372
CTB-1144G6.6	3,79	0,17	1,123705	0,152339	0,87892	0,9661372
ASNS	90,04	0,15	0,971662	0,152272	0,878972	0,9661372
ZNF414	39,74	0,10	0,647636	0,152236	0,879001	0,9661372
AC002075.3	0,08	-0,57	3,748196	-0,15213	0,879084	NA
CTD-2031P19.3	9,64	0,13	0,822361	0,152123	0,87909	0,9661372
RP11-431M7.3	6,45	-0,14	0,935289	-0,15212	0,879096	0,9661372
C8G	0,67	-0,42	2,771311	-0,15212	0,879096	NA
CTD-2049J23.2	32,78	0,10	0,684838	0,152112	0,879098	0,9661372
DHX38	573,31	0,07	0,478963	0,152108	0,879102	0,9661372
RP11-555J4.3	46,98	-0,12	0,767338	-0,15208	0,879124	0,9661372
RP11-3P17.5	1,13	-0,16	1,04953	-0,15208	0,879126	NA
BRD8	96,52	0,11	0,742006	0,152066	0,879135	0,9661372
RNU6-762P	0,34	0,57	3,746733	0,152047	0,87915	NA
CHMP6	268,15	0,13	0,831093	0,152039	0,879156	0,9661372
NBPF1	282,94	-0,10	0,651457	-0,15185	0,879302	0,9662023
FGF1	3,74	0,47	3,12105	0,151841	0,879312	NA
HS1BP3	86,32	-0,14	0,909425	-0,15183	0,87932	0,9662023
DENND2C	28,42	-0,10	0,629298	-0,15177	0,879371	0,9662023
TAF1C	187,99	0,14	0,918514	0,1516	0,879502	0,9662373
LCN12	11,99	0,15	0,970727	0,151594	0,879507	0,9662373
RP11-635I10.1	0,08	-0,57	3,748196	-0,15138	0,879673	NA
HSPE1-MOB4	80,10	0,26	1,737825	0,151331	0,879715	0,9664085
TMEM5	237,02	-0,06	0,426202	-0,15122	0,879803	0,9664488
HPS1	1001,29	-0,05	0,331897	-0,15107	0,879922	0,966491
CHP1	2626,53	0,05	0,335278	0,151038	0,879946	0,966491
RP11-91K9.1	2,04	0,19	1,23863	0,15101	0,879968	NA
RP11-428B4.2	0,21	0,57	3,748196	0,150949	0,880016	NA
RP11-130L8.2	0,36	-0,54	3,563774	-0,15094	0,880023	NA
NAALADL1	40,06	-0,27	1,783427	-0,15077	0,880156	0,9666646
RP11-1064E11.1	0,67	-0,41	2,713147	-0,15073	0,880191	NA
RP5-901A4.1	0,50	-0,53	3,5276	-0,15072	0,880198	NA
MIR1299	0,44	-0,44	2,944333	-0,15062	0,880275	NA
FEM1A	80,54	0,09	0,569929	0,150586	0,880302	0,9667423
MAD2L1BP	167,37	-0,13	0,871401	-0,15051	0,880365	0,9667423
AC022007.4	0,15	0,56	3,748196	0,150491	0,880378	NA
EHD1	134,48	-0,12	0,81318	-0,15047	0,88039	0,9667423
IL15RA	29,02	0,22	1,484258	0,15041	0,880441	0,9667423
AC016708.2	1,36	0,14	0,92865	0,150397	0,880451	NA
RP11-72I2.1	0,14	0,56	3,748196	0,150368	0,880474	NA
RP11-1E1.1	0,08	-0,56	3,748196	-0,15035	0,880491	NA
LRRTM4	9,55	-0,16	1,063677	-0,15032	0,880515	0,9667423
ZKSCAN8	109,73	-0,11	0,700672	-0,15029	0,880538	0,9667423

TMEM30B	2,68	-0,25	1,662304	-0,15021	0,8806	NA
RN7SL250P	0,16	0,56	3,748196	0,15019	0,880615	NA
AC006994.1	0,20	0,56	3,748196	0,150174	0,880628	NA
RNU6-188P	0,20	0,56	3,748196	0,150169	0,880631	NA
PLXNA2	36,18	-0,27	1,765818	-0,15016	0,88064	0,9667709
CTB-120L21.1	0,18	0,56	3,748196	0,150056	0,88072	NA
KCNU1	0,02	-0,56	3,746493	-0,15003	0,88074	NA
RP11-331F9.4	4,47	-0,29	1,962286	-0,15	0,880766	0,9667709
TACC1	2031,98	-0,05	0,314881	-0,14997	0,880786	0,9667709
RP11-464D20.2	0,08	-0,56	3,748196	-0,14997	0,880791	NA
CH507-9B2.5	75,22	-0,19	1,28273	-0,14989	0,880849	0,9667709
RNF182	0,16	0,56	3,748196	0,149886	0,880854	NA
XX-FW83128A1.2	0,08	-0,56	3,748196	-0,14984	0,880888	NA
RP11-731N10.1	0,13	0,56	3,748196	0,149771	0,880945	NA
GUCY1B2	5,09	-0,34	2,239046	-0,14975	0,880959	0,9667709
RP11-274J7.2	5,93	0,19	1,293148	0,149744	0,880967	0,9667709
IGLV1-40	4,86	-0,23	1,529855	-0,14967	0,881024	0,9667709
KBTBD8	339,88	0,15	0,980217	0,149663	0,881031	0,9667709
AC020626.1	0,17	0,56	3,748196	0,149644	0,881046	NA
RP11-395A13.2	33,96	-0,14	0,930067	-0,14964	0,881047	0,9667709
MIR941-1	0,29	0,56	3,748196	0,149634	0,881054	NA
RNA5SP25	0,22	0,56	3,748196	0,149621	0,881063	NA
RP11-146I2.1	8,04	0,17	1,117238	0,149576	0,8811	0,9667709
RP5-896L10.1	0,67	0,56	3,724119	0,149534	0,881133	NA
MMP17	38,42	-0,14	0,945557	-0,14951	0,881148	0,9667709
ECHDC2	207,06	0,09	0,597094	0,149464	0,881188	0,9667709
EPS8L2	0,43	0,44	2,914373	0,149427	0,881217	NA
FZD7	0,20	0,56	3,748196	0,149411	0,881229	NA
RP11-567C2.1	0,18	0,56	3,748196	0,14939	0,881246	NA
RP11-240A16.1	0,26	0,56	3,748196	0,14937	0,881262	NA
UBR2	757,88	-0,07	0,474953	-0,14936	0,88127	0,9668039
MIR6876	0,18	0,56	3,748196	0,149303	0,881315	NA
PROB1	0,21	0,56	3,748196	0,1493	0,881317	NA
OR6C7P	0,29	0,56	3,748196	0,149287	0,881327	NA
RP11-19E18.1	0,15	0,56	3,748196	0,149264	0,881345	NA
RPS29P20	0,27	0,56	3,748196	0,149216	0,881383	NA
MDFIC	295,53	-0,10	0,637456	-0,14919	0,881404	0,9668935
XXbac-B135H6.19	0,18	0,56	3,748196	0,149165	0,881423	NA
GBA	177,46	0,09	0,610682	0,149121	0,881459	0,9668968
RP1-315G1.1	0,19	0,56	3,748196	0,14899	0,881561	NA
CTAGE9	0,26	0,56	3,748196	0,148944	0,881598	NA
LIME1	13,17	-0,14	0,922164	-0,14893	0,881608	0,9669545
SELO	543,01	0,07	0,494915	0,148922	0,881615	0,9669545
RP11-342F21.1	0,27	0,56	3,748196	0,148921	0,881616	NA
CTD-3148I10.9	0,31	0,56	3,748196	0,148896	0,881636	NA
CTB-5506.13	4,02	-0,34	2,315599	-0,14885	0,881669	0,9669571
OR7E23P	0,28	0,56	3,748196	0,148822	0,881694	NA
TRIM6-TRIM34	0,26	0,56	3,748196	0,148798	0,881713	NA
RP11-368P15.2	0,29	0,56	3,748196	0,148765	0,881739	NA
RP11-441F2.5	0,27	0,56	3,748196	0,148743	0,881756	NA

AGGF1P2	0,27	0,56	3,748196	0,148717	0,881777	NA
SERHL2	5,23	0,17	1,171174	0,1487	0,881791	0,9669747
CTD-2194L12.2	1,51	0,22	1,459781	0,148682	0,881805	NA
PCSK6-AS1	0,65	-0,26	1,740037	-0,14852	0,881933	NA
CATSPERG	44,83	0,12	0,776069	0,148496	0,881951	0,9669747
ERI3	295,16	-0,06	0,4336	-0,14847	0,881969	0,9669747
RN7SL525P	1,05	0,26	1,720267	0,148416	0,882015	NA
RP5-1052I5.1	42,90	0,18	1,203652	0,14838	0,882043	0,9669747
RP11-269G24.4	0,25	0,56	3,748196	0,148301	0,882105	NA
MFSD6	177,49	-0,14	0,936631	-0,14829	0,882114	0,9669747
KCNK12	0,07	-0,56	3,748196	-0,14829	0,882115	NA
POLR1E	92,35	-0,15	1,029432	-0,14828	0,882119	0,9669747
MIR4512	0,32	0,44	2,980185	0,148254	0,882142	NA
RP11-278A16.1	0,92	-0,20	1,350801	-0,14824	0,882151	NA
RP11-411B10.4	0,44	-0,45	3,010145	-0,1482	0,882183	NA
CTD-2371O3.2	3,67	-0,19	1,301319	-0,14817	0,882208	NA
RTN3	1072,65	0,06	0,390313	0,148133	0,882237	0,9669747
GC	0,03	-0,56	3,748196	-0,14811	0,882255	NA
CLDN20	0,26	0,56	3,748196	0,148104	0,882261	NA
XXbac-BPG32J3.18	0,48	-0,55	3,722226	-0,14809	0,882269	NA
CHCHD4	115,95	-0,17	1,163789	-0,14806	0,882298	0,9669747
CTB-99A3.1	28,12	-0,13	0,911701	-0,14802	0,882324	0,9669747
USP32P1	170,02	-0,09	0,59383	-0,148	0,882339	0,9669747
FAM199X	151,39	-0,13	0,862765	-0,14787	0,882443	0,9669747
RP11-708J19.2	0,83	-0,33	2,213412	-0,14778	0,882517	NA
CDH19	6,62	-0,16	1,053478	-0,14768	0,882597	0,9669747
RP11-4104.2	11,89	-0,15	1,025666	-0,14759	0,882664	0,9669747
BCCIP	385,58	0,08	0,519954	0,147583	0,882672	0,9669747
CTD-2231E14.8	141,18	-0,12	0,842799	-0,14757	0,882681	0,9669747
CHD1L	699,70	0,08	0,526167	0,147538	0,882707	0,9669747
SIGLEC9	471,78	-0,10	0,674102	-0,14753	0,88271	0,9669747
RNF169	164,73	0,16	1,070794	0,147521	0,882721	0,9669747
RP11-561B11.6	19,43	0,14	0,935932	0,147483	0,882751	0,9669747
AC007899.3	1,41	-0,38	2,591582	-0,14747	0,882758	NA
RP11-398A8.5	0,28	0,55	3,748196	0,147469	0,882761	NA
MROH7	63,59	0,12	0,785758	0,147434	0,88279	0,9669747
SNF8	504,52	-0,07	0,453318	-0,1474	0,882814	0,9669747
RP11-589N15.2	0,27	-0,43	2,926704	-0,14739	0,882821	NA
KAT7	533,96	-0,09	0,643493	-0,14738	0,882829	0,9669747
RP11-824M15.3	0,16	0,42	2,839297	0,147289	0,882904	NA
RP11-701H24.7	0,81	0,36	2,475876	0,147254	0,882932	NA
KHNYN	218,21	-0,12	0,792985	-0,14722	0,882957	0,9670435
CTD-2506P8.5	0,25	0,55	3,748196	0,147215	0,882962	NA
RP11-566K11.7	0,18	0,42	2,831803	0,147159	0,883006	NA
MIR3159	4,17	-0,15	1,052308	-0,14712	0,88304	0,9670435
BLNK	169,06	0,12	0,845096	0,147034	0,883106	0,9670435
CD48	2902,79	0,05	0,342129	0,146966	0,883159	0,9670435
PLOD1	353,41	-0,07	0,50752	-0,14684	0,883255	0,9670435
PRORS1P	15,35	0,20	1,342697	0,146802	0,883288	0,9670435
NUDT22	449,73	0,08	0,551946	0,146758	0,883323	0,9670435

RP5-1073O3.5	12,93	-0,11	0,774508	-0,14672	0,883351	0,9670435
ABCB4	63,18	-0,18	1,255006	-0,14667	0,883392	0,9670435
ADO	241,11	-0,10	0,674677	-0,14658	0,883467	0,9670435
RP11-745L13.2	28,99	0,17	1,184494	0,146538	0,883496	0,9670435
VPS39	498,62	0,08	0,535061	0,146514	0,883516	0,9670435
CXCL9	0,16	0,42	2,841272	0,14647	0,88355	NA
VPS33B	113,73	-0,12	0,841444	-0,14641	0,883599	0,9670783
HIST1H3E	1,01	-0,21	1,415952	-0,14639	0,883613	NA
RP11-343J24.1	1,74	-0,18	1,224137	-0,1463	0,883688	NA
CEP120	160,77	-0,13	0,907343	-0,14616	0,883799	0,9672349
RP11-484L7.1	23,70	-0,10	0,693315	-0,1461	0,883846	0,9672349
RP11-42I10.1	1,39	0,21	1,470728	0,145992	0,883928	NA
ALDH16A1	405,83	0,11	0,752751	0,14598	0,883937	0,9672775
RP11-60E8.4	1,46	-0,42	2,880434	-0,14581	0,884072	NA
RP11-346I3.4	2,30	0,23	1,557362	0,145776	0,884098	NA
ZFP91-CNTF	33,61	-0,53	3,608631	-0,14574	0,884123	0,9673875
RF00413	8,47	0,16	1,126491	0,145689	0,884167	0,9673875
RN7SL559P	4,58	-0,21	1,462041	-0,14559	0,884241	0,9673875
CASC1	5,09	0,28	1,908092	0,145537	0,884287	0,9673875
CRYZL1	314,38	-0,08	0,54566	-0,14548	0,884328	0,9673875
KCNJ2-AS1	0,45	0,43	2,962201	0,14543	0,884372	NA
RP11-90E5.1	2,88	0,14	0,930108	0,145426	0,884374	NA
CD1A	76,79	-0,20	1,359547	-0,14542	0,884382	0,9673875
TTBK1	4,67	-0,26	1,756201	-0,14535	0,884436	0,9673875
TSHB	0,07	-0,54	3,748196	-0,14529	0,884479	NA
PRKCI	270,40	0,11	0,737575	0,14527	0,884498	0,9673875
CTD-2345M20.1	0,13	0,42	2,858123	0,14526	0,884506	NA
DDX18	510,85	-0,06	0,40209	-0,14526	0,884506	0,9673875
RP11-156L14.1	1,53	-0,18	1,247365	-0,14506	0,884664	NA
NFYA	210,06	0,13	0,885187	0,145055	0,884667	0,9675072
RP11-615I2.2	2,14	0,18	1,272969	0,145037	0,884682	NA
TUFMP1	0,13	0,41	2,858757	0,144974	0,884732	NA
CFHR4	1,08	-0,48	3,278785	-0,14491	0,88478	NA
MOB3B	368,75	-0,10	0,692015	-0,14483	0,884843	0,9676424
RP11-626H12.2	13,87	0,12	0,810772	0,144701	0,884947	0,9676996
RP11-815J4.6	0,26	0,54	3,748196	0,144658	0,884981	NA
PKD2L2	25,69	-0,07	0,451246	-0,14453	0,88508	0,9677878
RP11-456K23.1	34,34	-0,16	1,089562	-0,14436	0,885217	0,9678811
C9orf64	91,07	0,12	0,843839	0,144282	0,885278	0,9678904
AL133168.2	0,58	0,43	3,011027	0,14404	0,885469	NA
CTD-2611K5.5	1,01	-0,41	2,815756	-0,14397	0,885528	NA
POLR3H	263,73	0,10	0,719647	0,143936	0,885551	0,967999
KNSTRN	42,65	0,15	1,058195	0,143794	0,885663	0,967999
RP11-798L4.1	2,48	-0,20	1,374018	-0,14378	0,885671	NA
OLFML2A	12,75	0,14	0,981481	0,143778	0,885676	0,967999
AC074182.1	0,19	0,41	2,826262	0,143736	0,885709	NA
HIST1H1D	79,56	0,11	0,798166	0,143672	0,88576	0,967999
CTD-2313J17.6	4,83	0,16	1,123502	0,143664	0,885766	0,967999
CTNND1	675,77	-0,07	0,493797	-0,14363	0,885795	0,967999
SIGLEC12	5,44	-0,41	2,834492	-0,14361	0,885812	0,967999

RP11-209M4.1	4,16	0,12	0,854634	0,143559	0,885849	0,967999
MFSD4A	16,96	-0,16	1,142049	-0,14354	0,885863	0,967999
RPL36AP45	1,68	0,17	1,18393	0,143463	0,885925	NA
ZC3H13	819,02	0,06	0,403435	0,143442	0,885941	0,967999
RP11-196N14.1	208,85	0,15	1,020841	0,143432	0,885949	0,967999
UCHL5	357,30	-0,07	0,52087	-0,14334	0,886018	0,9680173
RP11-38M15.10	0,48	-0,43	2,987806	-0,14328	0,886069	NA
GMPR2	371,07	0,09	0,657406	0,14314	0,88618	0,9681373
SLC35F3	1,84	-0,32	2,218226	-0,14306	0,886245	NA
FBXL6	120,93	-0,13	0,912483	-0,14299	0,886301	0,9681696
RLBP1	0,12	0,54	3,747231	0,142984	0,886303	NA
MBOAT7	1004,45	0,05	0,376132	0,142954	0,886327	0,9681696
NCOA5	157,94	0,13	0,909299	0,142904	0,886366	0,9681696
KLHL14	0,53	0,31	2,174623	0,142854	0,886405	NA
RP11-81A1.2	30,05	0,11	0,791701	0,142631	0,886582	0,9682365
ING3	565,58	-0,09	0,627351	-0,14258	0,886619	0,9682365
PPIB	3996,92	0,04	0,266204	0,142541	0,886652	0,9682365
CCDC93	350,76	0,10	0,726687	0,142442	0,886731	0,9682365
CTD-2340E1.3	0,84	-0,33	2,285559	-0,14238	0,886777	NA
SNORD14A	38,40	0,16	1,142415	0,142349	0,886805	0,9682365
RP13-25N22.1	1,88	0,27	1,880715	0,142342	0,88681	NA
ACOT12	0,13	-0,53	3,748196	-0,14229	0,886849	NA
PODXL	5,71	-0,20	1,371959	-0,14224	0,886889	0,9682365
PLPP2	30,76	0,08	0,545934	0,142224	0,886903	0,9682365
TRPS1	671,35	-0,08	0,571172	-0,14222	0,886905	0,9682365
RP11-56B16.4	1,46	-0,33	2,353364	-0,1422	0,886922	NA
RP11-810D13.1	1,21	-0,30	2,09428	-0,1421	0,887003	NA
LCAT	57,38	-0,13	0,902789	-0,14208	0,887017	0,9682365
RYR1	63,93	0,14	1,001697	0,142056	0,887036	0,9682365
PRDM12	2,35	-0,32	2,239292	-0,14198	0,887098	NA
RP11-138H8.2	2,12	0,16	1,140497	0,141965	0,887107	NA
RP11-667K14.9	4,26	-0,44	3,073951	-0,14192	0,887143	0,9682365
CTC-559E9.6	6,35	0,20	1,41362	0,141903	0,887156	0,9682365
RP11-365F18.3	3,79	-0,15	1,068921	-0,1419	0,887161	0,9682365
CCDC107	316,37	-0,07	0,499929	-0,14187	0,887186	0,9682365
CD300LD	10,93	-0,09	0,653985	-0,14177	0,887262	0,9682365
RP11-251B9.1	3,40	0,16	1,10184	0,141731	0,887293	NA
RP11-556O15.1	0,94	0,36	2,527609	0,141707	0,887311	NA
AC010524.2	10,86	0,13	0,948287	0,141682	0,887331	0,9682365
FAM234B	41,66	-0,13	0,888837	-0,14168	0,887335	0,9682365
RP11-10N23.6	0,53	0,33	2,362629	0,141673	0,887338	NA
IGLV2-14	1,52	0,27	1,888295	0,14165	0,887356	NA
RP11-340F14.6	38,50	0,20	1,439216	0,141563	0,887425	0,9682365
RP11-489G11.3	10,82	-0,20	1,43462	-0,14155	0,887434	0,9682365
SEPT14P21	0,90	0,40	2,836046	0,141541	0,887442	NA
FAF1	403,06	0,10	0,678677	0,141509	0,887468	0,9682365
AARS	114,33	-0,10	0,685888	-0,14135	0,887591	0,9683146
GNA14	0,22	0,53	3,748196	0,141302	0,887631	NA
RP11-662B19.2	1,58	0,28	1,990957	0,141258	0,887666	NA
GPRC5D	0,32	-0,48	3,417688	-0,14124	0,887677	NA

RP11-36B6.1	19,05	-0,16	1,146721	-0,14099	0,887881	0,9685467
PSEN1	801,73	-0,06	0,418676	-0,14086	0,887977	0,9685467
RP11-346L1.2	1,27	-0,20	1,410764	-0,14085	0,887988	NA
RRP8	259,95	0,12	0,866038	0,140734	0,88808	0,9685467
RP11-146N23.4	1,11	-0,32	2,279186	-0,14056	0,888219	NA
RP11-572M11.4	17,11	-0,16	1,10634	-0,14053	0,88824	0,9685467
CHCHD1	145,31	0,09	0,670356	0,140353	0,888381	0,9685467
ANKAR	80,06	0,17	1,221241	0,140245	0,888466	0,9685467
RP11-430C1.1	33,59	0,12	0,888123	0,140245	0,888466	0,9685467
RP11-64D24.4	8,86	0,10	0,705092	0,14022	0,888486	0,9685467
RP11-109N23.4	0,37	0,49	3,523676	0,140183	0,888516	NA
RNASEK	3544,67	0,02	0,175244	0,140153	0,888539	0,9685467
SLMAP	380,44	-0,08	0,580372	-0,1401	0,888579	0,9685467
PCNX4	463,17	0,11	0,791115	0,140081	0,888596	0,9685467
CDC20B	7,79	0,11	0,764614	0,140071	0,888604	0,9685467
WDR27	156,41	0,12	0,892546	0,139827	0,888797	0,9685467
AL133243.2	230,61	-0,10	0,707255	-0,13975	0,888858	0,9685467
ZNF707	15,09	0,13	0,924261	0,139738	0,888867	0,9685467
AC079305.10	32,37	-0,15	1,09311	-0,1397	0,888893	0,9685467
RP11-358B23.6	20,03	0,14	0,989319	0,139678	0,888915	0,9685467
ADGRL1	39,12	0,18	1,284236	0,139635	0,888949	0,9685467
RP11-452F19.3	38,52	0,16	1,179731	0,139576	0,888995	0,9685467
RP11-448G4.4	1,18	0,41	2,92609	0,139549	0,889017	NA
RNU6-190P	17,43	-0,27	1,967927	-0,13951	0,889049	0,9685467
C2orf16	1,11	-0,45	3,263792	-0,13939	0,889142	NA
CTB-167B5.1	0,78	-0,25	1,763298	-0,13933	0,889186	NA
ADAT1	209,33	-0,09	0,662007	-0,13933	0,889191	0,9685467
RP11-192H23.4	17,42	0,10	0,68547	0,139321	0,889197	0,9685467
GIT1	400,53	0,05	0,374746	0,13931	0,889205	0,9685467
N4BP2L2	1634,74	-0,04	0,298333	-0,13925	0,889252	0,9685467
RP11-330A4.1	5,37	0,28	1,983472	0,139137	0,889342	0,9685467
RP11-36D19.9	11,82	-0,17	1,207112	-0,13907	0,889394	0,9685467
CTD-3126B10.2	7,17	-0,12	0,849836	-0,13895	0,889486	0,9685467
C16orf91	147,21	0,16	1,132629	0,138873	0,889551	0,9685467
TMEM242	176,50	0,11	0,814833	0,138853	0,889567	0,9685467
RP11-753A21.1	7,12	0,18	1,287568	0,13885	0,889569	0,9685467
HCFC1	503,34	-0,06	0,421907	-0,13883	0,889585	0,9685467
PTGIS	18,71	0,08	0,57331	0,138817	0,889595	0,9685467
FAM181A-AS1	2,03	0,21	1,51038	0,138798	0,88961	NA
RP11-503P21.4	73,43	0,09	0,629932	0,13878	0,889624	0,9685467
P2RX3	2,75	-0,16	1,123048	-0,13872	0,889671	NA
ZNF850	48,69	-0,12	0,84807	-0,13871	0,889679	0,9685467
PILRA	900,16	-0,05	0,326654	-0,13868	0,8897	0,9685467
NFYB	232,30	0,12	0,850664	0,138654	0,889724	0,9685467
CTB-43E15.4	6,76	-0,11	0,77697	-0,13865	0,88973	0,9685467
RP11-456N14.4	2,18	-0,15	1,074964	-0,13853	0,889822	NA
NPEPL1	404,59	0,07	0,538549	0,138479	0,889862	0,9686248
CLUL1	0,83	0,22	1,611805	0,138445	0,889889	NA
RP11-85P9.3	2,21	-0,18	1,308462	-0,13835	0,889962	NA
TUBG1	23,56	0,13	0,94701	0,138347	0,889966	0,9686248

AC104600.1	2,31	-0,22	1,573313	-0,13832	0,889989	NA
NELFB	51,46	0,12	0,902285	0,138264	0,890032	0,9686248
DENR	581,34	0,07	0,539735	0,138214	0,890071	0,9686248
DCTN4	436,13	-0,08	0,583569	-0,13809	0,890172	0,9686248
PPP3R1	146,74	-0,12	0,894393	-0,13799	0,890252	0,9686248
NBAS	332,01	0,06	0,444364	0,13798	0,890256	0,9686248
LIMA1	115,08	-0,14	1,021477	-0,13796	0,890275	0,9686248
RP11-102L12.2	16,73	0,15	1,114584	0,13792	0,890304	0,9686248
USP42	164,31	0,10	0,733218	0,137846	0,890362	0,9686248
RN7SL531P	2,05	0,16	1,197101	0,137816	0,890386	NA
RP11-479J7.1	1,55	0,30	2,18871	0,137729	0,890454	NA
PYCR1	6,17	-0,41	2,961986	-0,13768	0,890494	0,9686248
FOXH1	163,33	0,07	0,474611	0,137676	0,890496	0,9686248
NCK1	298,25	-0,08	0,616577	-0,13767	0,890501	0,9686248
ITK	154,81	0,10	0,719639	0,137625	0,890537	0,9686248
RPS2	11145,76	-0,02	0,164159	-0,13757	0,890583	0,9686248
RP11-418B12.1	0,55	0,33	2,388563	0,137531	0,890611	NA
MIA2	381,81	0,05	0,341552	0,137345	0,890758	0,9686507
XIST	6014,65	-0,12	0,839855	-0,13733	0,890771	0,9686507
TTC23	5,77	0,21	1,542039	0,137297	0,890796	0,9686507
CTB-159G17.4	1,13	-0,22	1,582462	-0,13728	0,890807	NA
RP11-967K21.1	5,61	0,19	1,394077	0,137268	0,890819	0,9686507
RP11-72M17.1	10,56	0,19	1,374809	0,137207	0,890867	0,9686507
ANP32A	932,08	-0,05	0,346337	-0,13703	0,891003	0,9687046
RP11-5C23.1	6,33	0,33	2,417267	0,136953	0,891068	0,9687046
RP11-91I20.1	6,66	0,17	1,215453	0,13685	0,891149	0,9687046
ZBED1	449,97	-0,07	0,498059	-0,13676	0,89122	0,9687046
LRP4	0,29	0,45	3,282714	0,136754	0,891225	NA
TRPV1	17,86	-0,14	1,057723	-0,13673	0,891246	0,9687046
RP4-702J19.1	0,49	0,33	2,384873	0,136693	0,891274	NA
RN7SL213P	0,89	-0,34	2,46333	-0,13669	0,891279	NA
CHST2	255,24	0,11	0,799856	0,136675	0,891287	0,9687046
MED19	104,85	0,10	0,723321	0,136631	0,891322	0,9687046
SMARCD1	101,75	0,12	0,848506	0,136535	0,891399	0,9687046
AP000344.4	0,58	-0,37	2,697568	-0,13653	0,891404	NA
CWC25	548,31	0,06	0,463971	0,136525	0,891406	0,9687046
ZNF696	10,83	-0,19	1,35987	-0,13649	0,891437	0,9687046
RBM34	234,06	0,06	0,461142	0,136311	0,891575	0,9687388
ZNF609	347,46	-0,09	0,624003	-0,13628	0,891597	0,9687388
RP11-12A2.1	13,39	0,32	2,33393	0,136248	0,891625	0,9687388
RP11-345I18.3	0,74	0,23	1,709224	0,136062	0,891772	NA
SSX1	2,29	0,29	2,099473	0,136048	0,891783	NA
FAM24B	19,38	0,22	1,63754	0,136015	0,89181	0,9688572
TSPYL6	0,56	0,37	2,708811	0,135956	0,891856	NA
RP11-805L22.2	2,74	-0,18	1,354511	-0,13594	0,891871	NA
MTG2	134,23	-0,11	0,819583	-0,13592	0,891881	0,9688572
AC116366.6	83,59	0,10	0,722887	0,135913	0,89189	0,9688572
RP11-158M9.1	0,17	0,38	2,833174	0,135628	0,892116	NA
ZNF286A	123,02	0,12	0,878751	0,135579	0,892154	0,9690278
AC097374.2	98,58	0,16	1,157307	0,135557	0,892172	0,9690278

LTV1	474,81	0,09	0,672743	0,135516	0,892204	0,9690278
KNDC1	0,66	-0,40	2,959397	-0,13545	0,892258	NA
RP11-701P16.1	29,77	-0,27	2,000215	-0,13541	0,892285	0,9690364
CCND1	0,67	0,22	1,637667	0,135306	0,89237	NA
FAM53B	218,53	0,08	0,599394	0,135295	0,892378	0,9690364
TSEN15	388,12	0,06	0,463817	0,135201	0,892453	0,9690364
PAPSS2	233,34	-0,13	0,936102	-0,13517	0,89248	0,9690364
AP3M2	91,85	-0,19	1,373811	-0,13515	0,89249	0,9690364
CFAP47	7,45	-0,36	2,654495	-0,13506	0,892562	0,9690364
GALNT7	301,45	0,09	0,637166	0,135045	0,892576	0,9690364
TRIM54	0,21	0,51	3,748196	0,135007	0,892607	NA
MSH3	275,28	-0,09	0,664659	-0,1349	0,892693	0,9690738
CEACAM21	21,36	0,30	2,20345	0,13487	0,892715	0,9690738
COL5A3	0,99	-0,38	2,815484	-0,13459	0,892936	NA
AC008132.15	0,14	-0,45	3,369233	-0,13456	0,892963	NA
GSG1	26,22	-0,12	0,885756	-0,13445	0,89305	0,9693776
RP11-611O2.3	13,74	0,24	1,805017	0,134384	0,893099	0,9693776
CCSAP	304,89	0,10	0,773016	0,134206	0,89324	0,9694739
RP11-550P17.5	0,14	-0,45	3,368078	-0,13419	0,893253	NA
RP11-113C12.2	0,15	-0,45	3,356889	-0,13409	0,893329	NA
NRG2	0,14	0,50	3,748196	0,134046	0,893366	NA
VANGL2	1,42	-0,39	2,886103	-0,13394	0,893451	NA
RASA3	90,37	0,13	0,939048	0,133934	0,893454	0,9696445
SLC23A2	287,72	0,09	0,663773	0,133843	0,893527	0,9696445
TMPRSS11F	0,15	-0,45	3,361814	-0,13384	0,893528	NA
RP11-204L24.2	0,14	-0,45	3,370597	-0,13383	0,89354	NA
RP11-173P15.10	1,43	-0,44	3,300473	-0,1338	0,89356	NA
STARD6	0,62	-0,42	3,126654	-0,1338	0,89356	NA
AC068610.5	0,10	-0,46	3,414022	-0,13379	0,893569	NA
SLC25A1	379,26	0,10	0,724862	0,133783	0,893575	0,9696445
CTD-2047H16.3	30,47	-0,08	0,583463	-0,13374	0,893611	0,9696445
ZFAND6	755,15	0,05	0,390705	0,133655	0,893676	0,9696445
TOMM5	462,11	0,04	0,286523	0,133612	0,893709	0,9696445
FN3K	10,69	-0,10	0,781984	-0,1335	0,893794	0,96968
SLIT3	32,58	-0,13	1,009801	-0,13333	0,893932	0,9697729
RP11-464C19.3	2,25	0,18	1,33597	0,133202	0,894034	NA
CTD-2233K9.1	39,20	-0,12	0,877416	-0,13307	0,894139	0,9699405
RP11-327L3.5	0,53	-0,20	1,467987	-0,13291	0,894264	NA
OR2V1	17,21	0,16	1,200592	0,132754	0,894388	0,9701545
EED	175,63	-0,09	0,698073	-0,13264	0,894476	0,9701692
RP11-323P14.2	15,69	0,11	0,841094	0,132605	0,894506	0,9701692
ZIC3	0,45	-0,29	2,221332	-0,13256	0,894543	NA
KCNJ1	10,29	0,28	2,140923	0,132333	0,894721	0,9703455
RP3-357D13.1	0,10	-0,45	3,425077	-0,13233	0,894725	NA
XX-C2158C6.3	3,18	0,40	3,050083	0,132291	0,894754	NA
SH2D1B	5,33	0,30	2,275226	0,132186	0,894837	0,9704143
CASP6	53,72	0,12	0,942922	0,132121	0,894888	0,9704143
SNORA75	0,56	-0,26	1,933548	-0,13193	0,895038	NA
RP11-5809.2	19,68	0,10	0,727385	0,131898	0,895065	0,9705199
HSBP1L1	24,72	-0,11	0,829037	-0,13186	0,895095	0,9705199

FAM69A	83,25	0,15	1,162996	0,131742	0,895189	0,9705199
PDGFB	0,68	0,42	3,155276	0,131736	0,895193	NA
SLC15A2	270,99	-0,10	0,787217	-0,13172	0,895205	0,9705199
SSTR3	0,13	-0,45	3,379883	-0,13171	0,895215	NA
DOK2	667,38	0,06	0,431328	0,131623	0,895282	0,9705199
EEFSEC	151,98	-0,11	0,82945	-0,1316	0,895299	0,9705199
RP11-483E23.8	2,11	-0,15	1,166776	-0,13148	0,895395	NA
IGFBP3	0,61	-0,21	1,585292	-0,13146	0,895409	NA
RP11-46H11.11	68,30	0,13	0,953923	0,131332	0,895513	0,9706954
RP11-110H1.9	0,13	-0,44	3,374949	-0,13131	0,895529	NA
RFX2	117,75	0,11	0,834461	0,131205	0,895613	0,9707477
RP1-99E18.2	0,11	-0,45	3,398411	-0,13119	0,895622	NA
RP11-849F2.4	0,12	-0,44	3,385348	-0,13111	0,89569	NA
HTR5A	0,48	-0,35	2,651573	-0,1311	0,895697	NA
NHSL1	83,86	0,15	1,141444	0,131026	0,895755	0,9708446
RP11-702L15.1	0,12	-0,44	3,387707	-0,13098	0,895791	NA
AS3MT	11,16	-0,18	1,363394	-0,13092	0,895836	0,9708766
AP1B1	613,45	0,05	0,400537	0,130824	0,895915	0,9709048
RP11-751A18.1	0,13	-0,44	3,378065	-0,13082	0,895922	NA
CCT5P1	0,13	-0,44	3,377548	-0,13075	0,895976	NA
AC008565.1	1,69	0,19	1,423597	0,130735	0,895985	NA
RP11-16E18.4	17,67	0,20	1,567629	0,130688	0,896022	0,9709203
RP3-487J7.2	79,36	-0,12	0,882886	-0,13056	0,896125	0,9709203
CTC-550B14.7	21,44	-0,07	0,566806	-0,13051	0,896163	0,9709203
PAFAH1B2	850,14	-0,05	0,345127	-0,13043	0,896226	0,9709203
UBQLN4	182,88	0,10	0,796426	0,130425	0,89623	0,9709203
EHBP1	157,72	0,10	0,753141	0,13041	0,896242	0,9709203
LINC01241	0,02	-0,49	3,747759	-0,13035	0,896291	NA
STPG1	63,46	-0,08	0,587978	-0,13017	0,896431	0,971063
BANK1	227,76	-0,10	0,763116	-0,13011	0,896478	0,971063
RP11-311B18.1	3,80	0,27	2,099122	0,129903	0,896643	0,9711491
RP11-395G23.3	31,78	0,21	1,641642	0,129866	0,896673	0,9711491
RELN	1,23	0,26	2,036376	0,129836	0,896697	NA
RNU6-509P	0,11	-0,44	3,409568	-0,12982	0,896711	NA
NR3C2	9,07	0,24	1,811181	0,129812	0,896715	0,9711491
OARD1	287,24	-0,10	0,792841	-0,12975	0,896767	0,9711491
AC068831.16	1,03	0,18	1,36948	0,129723	0,896786	NA
KCNT1	2,33	0,13	0,998596	0,129673	0,896825	NA
RN7SL660P	1,26	-0,16	1,24787	-0,12965	0,896844	NA
RN7SL271P	2,71	-0,29	2,200999	-0,12957	0,896907	NA
TMEM255A	19,68	0,29	2,22416	0,129562	0,896913	0,9711557
RP5-1042I8.7	102,08	0,07	0,539939	0,129548	0,896924	0,9711557
AKAP11	432,87	0,08	0,595135	0,12952	0,896946	0,9711557
AP000609.5	10,79	-0,16	1,260818	-0,12948	0,896981	0,9711557
MIR5695	0,10	-0,44	3,415826	-0,12944	0,897008	NA
SERPINE3	0,35	0,39	3,02527	0,129345	0,897085	NA
DOK1	138,78	-0,13	1,038376	-0,12934	0,897087	0,9711695
RP11-25C19.3	20,13	0,17	1,327907	0,129327	0,897099	0,9711695
TPTE2	0,48	0,46	3,551157	0,12931	0,897113	NA
RP11-673C5.1	215,78	0,02	0,172371	0,129228	0,897177	0,9711983

RP13-870H17.3	0,19	0,48	3,747569	0,129101	0,897278	NA
RP11-15H20.6	95,45	0,08	0,643762	0,129079	0,897295	0,9712333
TTLL11	7,98	-0,21	1,631023	-0,12905	0,897314	0,9712333
RN7SL220P	0,14	-0,43	3,36909	-0,12905	0,897322	NA
AC073410.1	1,47	0,34	2,64886	0,129045	0,897322	NA
ZNF330	330,19	-0,08	0,587332	-0,12894	0,897409	0,9712357
RP11-326N17.2	107,99	-0,06	0,439349	-0,12892	0,897421	0,9712357
ELAVL2	2,87	-0,13	1,022397	-0,12882	0,897498	NA
CASP3	175,81	-0,10	0,794956	-0,12868	0,897613	0,9713517
AC091062.2	7,50	0,17	1,290252	0,128653	0,897632	0,9713517
LHX9	0,11	-0,44	3,396717	-0,12854	0,897721	NA
RP11-535A19.1	0,13	-0,43	3,372945	-0,12849	0,897764	NA
DBNDD2	101,76	0,16	1,235835	0,128419	0,897818	0,9714956
RP11-503G7.1	0,95	-0,36	2,796007	-0,12841	0,897822	NA
CMP21-97G8.2	2,80	-0,17	1,341105	-0,1284	0,897832	NA
SLC29A1	21,38	-0,22	1,703112	-0,12833	0,897885	0,9715121
SECISBP2	786,31	0,06	0,474972	0,128196	0,897994	0,971573
CASP5	0,48	0,45	3,489844	0,12807	0,898094	NA
GCC1	44,34	-0,15	1,135092	-0,12806	0,898104	0,9716362
GPR87	0,18	-0,36	2,828729	-0,12791	0,898224	NA
AP000235.2	1,37	-0,28	2,206393	-0,12783	0,898286	NA
ALG11	187,02	0,08	0,60864	0,127688	0,898396	0,9717913
FUT1	48,07	0,11	0,837285	0,127684	0,898399	0,9717913
LRPPRC	860,47	-0,07	0,57746	-0,12768	0,898404	0,9717913
RP11-173D3.1	2,27	0,24	1,852575	0,127641	0,898433	NA
CTD-2081C10.7	1,06	-0,47	3,667245	-0,12762	0,898447	NA
OR5B2	2,26	-0,32	2,510521	-0,1276	0,898469	NA
LYPD6B	0,02	-0,48	3,746816	-0,12759	0,898475	NA
NANOGB	4,56	0,18	1,375126	0,12742	0,898608	0,9719553
RP11-332L18.4	0,56	-0,18	1,380633	-0,1274	0,898627	NA
LGI4	2,95	0,39	3,090917	0,127362	0,898654	NA
GALK1	227,81	0,08	0,610191	0,127228	0,89876	0,9719769
IQSEC1	646,17	-0,05	0,390918	-0,1272	0,898781	0,9719769
RP11-299J3.8	68,39	0,08	0,658489	0,127194	0,898787	0,9719769
RNGTT	280,23	-0,10	0,77573	-0,12713	0,898837	0,9719769
NPHP3-ACAD11	8,28	0,37	2,905202	0,127011	0,898932	0,9719867
WDFY3	594,17	-0,10	0,765345	-0,12692	0,899002	0,9719867
TIMM44	156,86	-0,09	0,741778	-0,12692	0,899003	0,9719867
ARFGAP1	483,58	-0,10	0,777231	-0,12676	0,899129	0,9720662
RP11-245J24.1	0,19	0,43	3,36214	0,126508	0,89933	NA
RP4-669K10.8	40,13	-0,08	0,622346	-0,12643	0,899388	0,9722298
MCMBP	505,99	-0,07	0,555491	-0,12642	0,899396	0,9722298
CTD-2135D7.2	5,35	0,19	1,505659	0,126373	0,899437	0,9722298
DSCC1	0,42	-0,31	2,484436	-0,12634	0,899466	NA
OLFML3	1,54	0,25	1,958784	0,126264	0,899523	NA
MAGEA13P	0,32	0,47	3,747236	0,126259	0,899527	NA
RP11-204J18.3	7,89	0,09	0,749212	0,126053	0,89969	0,9723747
RP11-78O7.2	27,61	0,25	1,986081	0,126045	0,899697	0,9723747
POLR2I	179,40	0,04	0,333148	0,12594	0,89978	0,9723747
CTB-118N6.2	7,00	0,27	2,11898	0,12594	0,89978	0,9723747

RP11-507P23.3	0,58	-0,34	2,677409	-0,12566	0,900005	NA
SOX30	1,25	-0,32	2,553175	-0,12565	0,900001	NA
NDC80	7,40	-0,15	1,187859	-0,12557	0,900007	0,9725979
AC009005.2	14,82	0,20	1,592602	0,125547	0,900091	0,9725979
RP1-7G5.5	0,44	-0,34	2,67732	-0,12544	0,900175	NA
AL355480.3	0,57	0,22	1,76203	0,125404	0,900204	NA
OTX1	0,13	0,47	3,748196	0,125309	0,900279	NA
TMF1	680,00	0,08	0,613487	0,125222	0,900348	0,9727288
RP11-265D17.2	8,90	0,30	2,388438	0,125187	0,900376	0,9727288
STT3A	329,09	0,07	0,588621	0,125137	0,900415	0,9727288
PIDD1	73,90	-0,11	0,907757	-0,12513	0,900421	0,9727288
AC007566.10	13,90	0,22	1,755254	0,125039	0,900493	0,9727342
BTBD18	2,38	0,38	3,067324	0,12501	0,900516	NA
RPS20P35	0,15	-0,42	3,358644	-0,12497	0,900551	NA
RP11-634B7.4	4,13	0,16	1,293679	0,124958	0,900556	0,9727342
THAP5	151,81	-0,08	0,601602	-0,12486	0,900635	0,9727342
ZBTB26	14,37	0,18	1,413695	0,12482	0,900666	0,9727342
RP11-56B16.1	2,40	-0,38	3,047367	-0,12479	0,900687	NA
RP11-87L10.1	20,66	-0,19	1,530002	-0,12479	0,900688	0,9727342
SHPRH	532,33	-0,08	0,674674	-0,12467	0,900786	0,9727737
BIRC6-AS2	21,92	0,14	1,153759	0,124615	0,900829	0,9727737
RP11-168E14.1	0,40	-0,45	3,589191	-0,12446	0,900952	NA
RP13-130D24.1	4,57	-0,12	0,947078	-0,12445	0,900957	0,9728001
ISY1-RAB43	4,77	-0,17	1,351049	-0,12445	0,900958	0,9728001
RP11-22H5.2	7,07	-0,12	0,961974	-0,12435	0,901041	0,9728331
CDH22	0,82	-0,46	3,684471	-0,12428	0,901093	NA
RN7SL732P	1,82	0,18	1,436618	0,124238	0,901127	NA
NR1D2	236,96	0,10	0,777608	0,124203	0,901154	0,9728995
FBXO45	174,05	-0,10	0,826207	-0,12401	0,901306	0,9729761
PGAP2	93,55	-0,13	1,02905	-0,12397	0,90134	0,9729761
TRAPPC2	220,06	-0,06	0,484869	-0,12389	0,901406	0,9729761
LY9	170,76	-0,13	1,063526	-0,12385	0,901435	0,9729761
TAX1BP3	277,51	-0,09	0,727145	-0,12375	0,90151	0,9730015
LRRC55	11,93	-0,19	1,511236	-0,12365	0,901595	0,9730325
C14orf93	74,54	0,14	1,141398	0,123585	0,901644	0,9730325
RN7SL617P	1,10	-0,27	2,156781	-0,12357	0,901652	NA
HSPA14	260,85	-0,09	0,719535	-0,12345	0,90175	0,973078
TAS1R1	0,60	0,30	2,415223	0,123448	0,901752	NA
RP11-22P4.2	0,17	0,42	3,377731	0,123376	0,901809	NA
LA16c-431H6.6	16,33	-0,12	0,988941	-0,12337	0,901812	0,973078
SRP19	432,69	0,05	0,438324	0,123334	0,901843	0,973078
FAM154B	6,97	-0,13	1,019913	-0,12326	0,901903	0,9730864
FAM92A1	36,33	0,14	1,112547	0,123178	0,901966	0,9730982
RP1-300G12.2	0,79	0,27	2,172299	0,123152	0,901987	NA
KAZALD1	0,15	0,46	3,748196	0,123103	0,902025	NA
CBFA2T2	226,44	0,08	0,677948	0,122984	0,90212	0,973193
AC008268.2	0,13	-0,46	3,748196	-0,12284	0,902235	NA
SNHG1	503,27	-0,08	0,660883	-0,12281	0,902258	0,973193
RP11-80F22.4	0,11	-0,42	3,396198	-0,12277	0,902291	NA
CTD-2651B20.6	4,51	0,19	1,556907	0,122747	0,902308	0,973193

RP5-882C2.2	71,28	-0,08	0,614246	-0,12273	0,902318	0,973193
AC010149.2	65,70	0,11	0,893553	0,122674	0,902365	0,973193
RP11-797A18.5	20,86	-0,17	1,414956	-0,12267	0,902368	0,973193
RNU6-1034P	0,60	-0,45	3,709413	-0,12263	0,902397	NA
CCDC171	169,27	0,11	0,878414	0,122436	0,902554	0,973337
CTD-2501M5.1	3,51	-0,22	1,836926	-0,12236	0,902614	NA
CTD-3064C13.1	10,08	-0,14	1,175833	-0,12229	0,90267	0,9733887
NID1	89,00	-0,14	1,183026	-0,12224	0,902706	0,9733887
BCL6B	0,11	0,35	2,878393	0,122211	0,902732	NA
RP11-327J17.3	2,18	-0,23	1,894614	-0,12221	0,902735	NA
TCTA	212,80	-0,11	0,929429	-0,12211	0,902814	0,9734489
ATAD3B	148,70	-0,11	0,875679	-0,12204	0,902868	0,9734508
RN7SL771P	0,56	0,29	2,383266	0,121995	0,902903	NA
LIMD1	339,17	-0,09	0,72405	-0,12197	0,902926	0,9734565
RP11-536I6.2	2,36	-0,23	1,91655	-0,12181	0,903047	NA
AC019109.1	2,01	-0,15	1,217484	-0,12171	0,903129	NA
CTD-2105E13.16	0,14	0,41	3,39748	0,121703	0,903134	NA
AP000997.1	0,11	-0,41	3,399218	-0,12159	0,903222	NA
BLCAP	593,51	0,07	0,557802	0,12159	0,903223	0,9736522
AC138969.4	123,72	0,05	0,379395	0,121536	0,903266	0,9736522
TUBB2B	0,14	-0,46	3,748196	-0,12148	0,903311	NA
TAF5L	80,30	0,11	0,895288	0,121462	0,903325	0,9736522
ZFX	975,62	0,07	0,573594	0,121406	0,903369	0,9736522
FAM90A12	0,16	-0,45	3,748196	-0,12134	0,903423	NA
THSD4	36,84	-0,13	1,044678	-0,12117	0,903557	0,9736522
KATNB1	100,03	-0,13	1,107366	-0,12112	0,903598	0,9736522
RP11-157K17.5	22,99	-0,17	1,426233	-0,12108	0,903629	0,9736522
RP11-325F22.3	51,35	0,08	0,690897	0,121052	0,90365	0,9736522
CD300A	1034,73	0,04	0,359585	0,121034	0,903664	0,9736522
ASB15	6,69	0,33	2,733657	0,121012	0,903681	0,9736522
TIA1	547,73	0,06	0,492049	0,12101	0,903683	0,9736522
CARD10	1,13	-0,24	1,951508	-0,12099	0,903701	NA
CTC-512J14.7	0,76	0,17	1,442326	0,120983	0,903704	NA
CHRD1	4,96	-0,15	1,246686	-0,12083	0,903823	0,9736673
RP11-575H3.1	0,10	-0,45	3,748196	-0,12083	0,903829	NA
PPIG	977,88	-0,04	0,334408	-0,12077	0,903871	0,9736673
UPF3A	289,51	0,05	0,453433	0,120617	0,903995	0,9736673
KCNMA1	4,78	-0,16	1,365853	-0,12059	0,904013	0,9736673
MAD1L1	412,09	-0,07	0,54042	-0,12058	0,904022	0,9736673
RP11-651P23.5	7,46	-0,16	1,329958	-0,12054	0,904059	0,9736673
MIR4440	0,11	-0,45	3,748196	-0,1204	0,904166	NA
RP11-701P16.2	168,88	0,09	0,784446	0,120398	0,904168	0,9736673
RP11-629O1.4	1,19	0,40	3,293814	0,120362	0,904197	NA
AL353898.2	14,52	0,14	1,130348	0,120335	0,904218	0,9736673
RP11-90P5.5	32,49	0,07	0,573982	0,120318	0,904231	0,9736673
GPR135	25,42	0,16	1,368592	0,120286	0,904256	0,9736673
RP11-700H6.2	2,96	-0,17	1,392522	-0,12027	0,904267	NA
AC074391.1	1,11	0,30	2,500115	0,120224	0,904306	NA
bP-21201H5.2	43,23	0,29	2,385249	0,120221	0,904308	0,9736673
KIAA0319L	677,59	-0,07	0,553162	-0,1202	0,904325	0,9736673

RN7SL493P	0,14	-0,45	3,748196	-0,12018	0,904344	NA
AP000442.1	0,16	-0,41	3,380874	-0,12015	0,904365	NA
RP11-139H14.3	3,82	-0,17	1,444192	-0,1201	0,904405	0,9736965
RN7SL560P	0,69	0,17	1,40897	0,120067	0,90443	NA
RP11-252A4.2	1,34	0,40	3,320769	0,119982	0,904497	NA
AF277315.18	15,74	0,16	1,317103	0,119976	0,904502	0,973745
RP5-1057I20.2	0,16	0,45	3,748196	0,119913	0,904552	NA
GP5	0,95	-0,17	1,422454	-0,11987	0,904582	NA
NXF4	0,09	-0,45	3,748196	-0,11976	0,904675	NA
FOXC1	0,43	-0,45	3,748196	-0,1197	0,904724	NA
AL022344.4	0,51	0,25	2,102282	0,119648	0,904762	NA
MRPS36	136,08	0,07	0,570118	0,11964	0,904769	0,973745
HCP5B	0,16	-0,45	3,748196	-0,11963	0,904773	NA
PRKRIP1	242,03	0,07	0,594532	0,119522	0,904862	0,973745
RP11-15E18.4	0,13	-0,45	3,748196	-0,1195	0,90488	NA
RP11-181C3.1	8,84	-0,13	1,082568	-0,11946	0,904913	0,973745
PABPC3	1,37	0,13	1,092207	0,119448	0,90492	NA
TSPAN33	673,99	-0,07	0,617215	-0,11944	0,904923	0,973745
DNAJB9	341,30	-0,07	0,591482	-0,11941	0,904953	0,973745
CTD-3006G17.2	1,81	-0,19	1,610235	-0,11936	0,904988	NA
PRR25	0,17	-0,45	3,748196	-0,11925	0,905076	NA
NIPAL1	22,32	-0,12	0,979337	-0,11924	0,905084	0,973745
EPT1	273,24	0,14	1,215819	0,119227	0,905096	0,973745
RP1-59D14.5	0,82	0,29	2,469394	0,119203	0,905115	NA
METTL3	277,77	0,07	0,567134	0,119121	0,90518	0,973745
LYNX1-SLURP2	0,11	-0,45	3,748196	-0,11909	0,9052	NA
RP11-120I21.2	12,39	-0,11	0,949041	-0,11907	0,905224	0,973745
TRIP10	70,67	-0,11	0,889003	-0,11894	0,905323	0,973745
TRMT61A	61,55	0,13	1,077463	0,118919	0,905339	0,973745
SCARNA6	0,10	-0,45	3,748196	-0,11886	0,905387	NA
FRG1GP	0,88	0,20	1,6423	0,118847	0,905396	NA
CAST	2277,01	-0,02	0,1981	-0,11878	0,905446	0,973745
LA16c-380H5.6	8,33	0,14	1,207004	0,118741	0,90548	0,973745
GPR137	34,70	0,11	0,904366	0,118657	0,905547	0,973745
ACSM6	16,15	0,16	1,31927	0,118624	0,905573	0,973745
GPR42	0,30	0,44	3,747475	0,118613	0,905582	NA
ZNF672	236,12	0,06	0,49376	0,118607	0,905587	0,973745
RP11-307L14.1	0,53	0,43	3,622006	0,118577	0,90561	NA
RP11-326L2.1	14,00	0,18	1,492128	0,118562	0,905622	0,973745
MFN2	289,11	0,08	0,675519	0,118546	0,905635	0,973745
FMNL2	58,90	-0,13	1,059355	-0,1185	0,905669	0,973745
CPEB3	114,98	-0,10	0,814649	-0,11849	0,905675	0,973745
HIC2	108,49	-0,10	0,821036	-0,11841	0,905745	0,973745
TRAP1	315,55	0,05	0,454417	0,118396	0,905754	0,973745
RP11-521B24.5	8,12	-0,09	0,784413	-0,11832	0,905818	0,973745
RP11-46C24.7	6,96	-0,15	1,264904	-0,11831	0,90582	0,973745
ANKRD46	52,62	-0,16	1,322773	-0,11831	0,905825	0,973745
RP11-255A11.2	0,92	-0,20	1,672544	-0,11828	0,905846	NA
IDI1	782,31	0,07	0,56891	0,118257	0,905864	0,973745
PPP1CC	981,39	-0,05	0,415416	-0,11819	0,905915	0,973745

KHDRBS3	1,68	0,28	2,363881	0,118013	0,906057	NA
SHISA9	65,72	-0,08	0,655809	-0,11787	0,906171	0,9738356
FAM151B	72,40	0,07	0,602325	0,117858	0,90618	0,9738356
RASSF9	10,64	-0,09	0,802258	-0,11781	0,906221	0,9738356
RN7SL150P	1,21	-0,20	1,695895	-0,11779	0,906234	NA
TSPYL1	604,63	-0,05	0,394466	-0,11765	0,906345	0,9738356
UBA3	701,38	0,06	0,53457	0,117619	0,906369	0,9738356
PTPN3	66,51	0,09	0,732126	0,117605	0,90638	0,9738356
ZNF747	122,55	-0,10	0,860951	-0,11757	0,90641	0,9738356
TBC1D9	987,71	-0,07	0,573659	-0,11756	0,906418	0,9738356
FBXL16	1,86	-0,29	2,457315	-0,11754	0,906436	NA
KCNS3	0,61	0,44	3,746138	0,117488	0,906473	NA
RP4-646N3.1	0,15	-0,44	3,748196	-0,11735	0,906581	NA
RP11-344G13.1	5,69	-0,19	1,597173	-0,11722	0,906684	0,973911
AC012065.5	0,11	-0,44	3,748196	-0,11718	0,906716	NA
RN7SL815P	5,01	-0,26	2,249964	-0,11717	0,906724	0,973911
RN7SL674P	1,98	0,19	1,633374	0,117126	0,90676	NA
FAM86C2P	7,21	-0,20	1,735724	-0,11711	0,906774	0,973911
ZMYND8	468,54	-0,07	0,617993	-0,11704	0,906825	0,973911
WBP2NL	16,78	-0,11	0,953121	-0,11698	0,906874	0,973911
IFT74	145,00	0,08	0,669212	0,116964	0,906889	0,973911
SGTA	345,37	0,05	0,445903	0,116962	0,90689	0,973911
RP11-112J3.15	0,59	-0,43	3,709835	-0,11688	0,906952	NA
ACVR1	84,12	0,13	1,151093	0,116881	0,906954	0,973911
KB-1125A3.12	79,50	-0,05	0,39238	-0,11683	0,906991	0,973911
RP11-1182P23.5	0,15	-0,44	3,748196	-0,11682	0,907004	NA
PRND	4,88	-0,09	0,797002	-0,11681	0,907012	0,973911
RP11-304C12.3	0,49	0,41	3,47828	0,116774	0,907039	NA
SREK1	1568,73	-0,04	0,353999	-0,11671	0,907089	0,9739136
ARL2BP	622,46	-0,05	0,469965	-0,11667	0,907119	0,9739136
CCNE1	11,93	0,24	2,03669	0,116579	0,907193	0,9739373
TNXB	0,48	-0,26	2,211156	-0,11656	0,907205	NA
LARP7	522,80	-0,05	0,457784	-0,11635	0,907377	0,9740778
AC009236.1	0,92	-0,19	1,661967	-0,11634	0,907384	NA
SLC24A3	1,64	-0,39	3,361883	-0,11622	0,90748	NA
RP11-166A12.1	0,10	0,44	3,748088	0,11615	0,907534	NA
RP11-115P16.4	3,77	-0,12	1,025663	-0,1161	0,907576	0,9741147
RP13-487K5.1	0,72	0,24	2,041582	0,11608	0,907589	NA
CD7	6,67	0,14	1,176885	0,116031	0,907628	0,9741147
DOCK6	12,03	-0,14	1,19957	-0,11596	0,907682	0,9741147
L3MBTL1	59,74	0,09	0,750431	0,115943	0,907698	0,9741147
RP11-131M11.4	23,97	-0,08	0,730263	-0,11591	0,907723	0,9741147
PRH1-PRR4	28,23	-0,18	1,544264	-0,11591	0,907725	0,9741147
GS1-124K5.13	37,53	0,12	1,071212	0,115667	0,907917	0,9742162
CTB-157D17.1	23,25	-0,13	1,155517	-0,11566	0,907924	0,9742162
TRIM49D1	0,14	0,43	3,748196	0,115629	0,907946	NA
RP11-316M21.5	0,49	0,31	2,686884	0,115599	0,907971	NA
SNORD89	1,47	-0,18	1,527607	-0,11557	0,907992	NA
CTD-2194A8.2	0,05	-0,43	3,748196	-0,11556	0,908001	NA
RP13-726E6.1	2,39	-0,35	3,060236	-0,11549	0,908056	NA

CTD-2308N23.2	0,99	0,16	1,369951	0,115383	0,908142	NA
PCGF1	69,07	0,07	0,622332	0,11538	0,908144	0,9743624
NPC1	222,56	0,08	0,732233	0,115353	0,908165	0,9743624
GORASP2	473,08	0,07	0,585004	0,11524	0,908255	0,974402
COL5A2	0,09	-0,43	3,748196	-0,1151	0,908363	NA
FAM166A	10,93	0,26	2,238653	0,115101	0,908365	0,9744646
ITGB1P1	56,95	0,24	2,092368	0,11502	0,908429	0,9744768
PLEK2	0,17	0,43	3,748196	0,114957	0,908479	NA
DUSP11	309,32	-0,09	0,784854	-0,11494	0,908496	0,9744927
MOV10	255,41	-0,07	0,56912	-0,11482	0,908587	0,9745338
RNF2	280,38	-0,07	0,59997	-0,11475	0,908642	0,9745368
MSRA	266,51	-0,05	0,416168	-0,11459	0,908769	0,9746162
RP11-320P7.2	0,16	-0,43	3,748196	-0,11447	0,908862	NA
AF146191.4	5,22	0,19	1,656355	0,11439	0,908929	0,9746474
LYPD5	10,59	0,07	0,579622	0,114364	0,908949	0,9746474
STX16-NPEPL1	4,74	0,23	2,000691	0,114252	0,909038	0,9746474
NCF2	2853,53	0,04	0,33642	0,114235	0,909051	0,9746474
RHOBTB2	45,57	0,18	1,560925	0,11416	0,909111	0,9746474
MBTD1	211,75	-0,08	0,720656	-0,11416	0,909112	0,9746474
PRRX1	0,17	-0,32	2,832475	-0,11411	0,909148	NA
AC016909.1	2,24	0,28	2,442704	0,114022	0,90922	NA
RP11-333E1.2	3,22	0,29	2,530759	0,11401	0,90923	NA
AC005251.3	0,59	-0,18	1,60694	-0,114	0,909239	NA
RP11-553K8.3	27,43	-0,17	1,458712	-0,11393	0,90929	0,9747318
SCAF11	2588,94	0,02	0,210272	0,113927	0,909296	0,9747318
GID8	582,71	0,05	0,45477	0,113794	0,909401	0,9747891
RP5-940J5.8	6,99	-0,11	0,980584	-0,11353	0,909614	0,9748247
WDR19	173,71	-0,08	0,717579	-0,11348	0,909649	0,9748247
RP11-807C20.2	36,99	-0,14	1,19624	-0,11346	0,909662	0,9748247
UBA1	1245,05	0,03	0,28049	0,113436	0,909685	0,9748247
TCEA1	814,01	-0,04	0,325999	-0,11342	0,909697	0,9748247
RN7SL620P	0,34	0,29	2,516852	0,113383	0,909727	NA
RP11-844P9.6	0,02	-0,42	3,748196	-0,11324	0,909844	NA
RP11-108M9.1	0,13	0,42	3,748196	0,113052	0,909989	NA
RP13-638C3.2	0,16	-0,42	3,748196	-0,113	0,91003	NA
RP1-76B20.11	1,46	-0,37	3,288615	-0,113	0,910034	NA
RP11-465N4.5	0,30	-0,29	2,56992	-0,11286	0,910144	NA
ASB11	1,72	0,15	1,327634	0,112855	0,910146	NA
TRNP1	3,81	0,24	2,154408	0,112821	0,910172	0,9752343
RP11-213H15.3	117,21	0,13	1,191104	0,112807	0,910184	0,9752343
ZNF316	26,54	0,15	1,331543	0,112712	0,910259	0,9752584
RP11-159G9.4	0,15	-0,42	3,748196	-0,11269	0,910276	NA
HAGLR	0,08	-0,42	3,748196	-0,11267	0,910294	NA
AC000111.6	0,15	0,42	3,748196	0,112659	0,910301	NA
RP11-475D10.4	5,04	-0,10	0,908278	-0,11263	0,910328	0,9752762
AP1M1	669,30	0,07	0,603559	0,112411	0,910497	0,9753134
RP11-932O9.8	0,14	0,42	3,748196	0,112262	0,910616	NA
RP3-425C14.4	108,60	-0,11	0,937267	-0,11221	0,910653	0,9753134
IFIT5	157,80	0,11	0,975365	0,112166	0,910692	0,9753134
TTC28-AS1	69,81	-0,08	0,738294	-0,11213	0,910723	0,9753134

AC015849.15	4,69	-0,13	1,191014	-0,11211	0,91074	0,9753134
CAPZA1	5292,61	-0,03	0,233001	-0,1121	0,910744	0,9753134
RBM33	960,16	-0,05	0,418469	-0,11201	0,910813	0,9753134
CTD-2260A17.3	0,17	0,42	3,748196	0,111978	0,910841	NA
MAGED1	130,47	-0,09	0,846246	-0,11185	0,910944	0,9753134
KRCC1	294,41	0,09	0,777924	0,111825	0,910962	0,9753134
RP1-69E11.3	0,24	0,42	3,748196	0,111781	0,910997	NA
TRNAU1AP	330,45	0,07	0,63535	0,111724	0,911042	0,9753134
RP11-780K2.1	0,13	-0,42	3,748196	-0,11164	0,911108	NA
ALDH3B2	0,09	-0,38	3,44213	-0,11159	0,911151	NA
TRA2B	2202,72	0,03	0,231937	0,111582	0,911155	0,9753134
ZNF8	140,32	0,07	0,605623	0,111561	0,911172	0,9753134
XDH	24,42	-0,10	0,869455	-0,11155	0,911178	0,9753134
ABCA2	28,74	-0,15	1,343893	-0,11154	0,911186	0,9753134
SARDH	3,55	0,11	0,956561	0,111538	0,91119	NA
DDX31	89,23	-0,13	1,122575	-0,11152	0,911201	0,9753134
CAMKMT	36,32	-0,08	0,732584	-0,11152	0,911204	0,9753134
C22orf34	61,37	-0,14	1,212488	-0,1114	0,911303	0,9753134
PSMB3	3185,07	-0,02	0,185026	-0,11134	0,911344	0,9753134
RP11-752G15.9	10,10	0,17	1,498128	0,111325	0,911358	0,9753134
CTB-45I8.1	0,85	-0,22	2,018656	-0,11127	0,911402	NA
RF00602	0,18	0,42	3,748196	0,111261	0,911409	NA
MANSC4	0,15	0,42	3,748196	0,111249	0,911419	NA
FYN	1248,42	-0,03	0,261439	-0,11105	0,911575	0,9754672
MIR2278	0,17	0,42	3,748196	0,111011	0,911608	NA
MICALL2	7,57	0,21	1,896822	0,110972	0,911639	0,9754672
PIPSL	4,10	-0,15	1,36883	-0,11095	0,911659	0,9754672
RP11-438N5.2	0,12	0,42	3,748196	0,110898	0,911697	NA
RP11-161M6.6	0,15	0,42	3,748196	0,110846	0,911739	NA
RNU6-1019P	0,11	0,42	3,748196	0,110842	0,911742	NA
RP11-536N17.1	0,17	0,42	3,748196	0,110829	0,911752	NA
RP11-763F8.1	0,14	0,42	3,748196	0,110776	0,911794	NA
FAM127C	0,11	0,42	3,748196	0,110748	0,911816	NA
ALX4	0,12	0,42	3,748196	0,110743	0,91182	NA
ACPT	0,16	0,42	3,748196	0,110739	0,911823	NA
ACIN1	772,98	0,05	0,422638	0,110726	0,911834	0,9755549
RP11-63K6.1	0,17	0,42	3,748196	0,11072	0,911838	NA
RSRP1	1665,14	-0,03	0,29891	-0,11071	0,911846	0,9755549
RP11-218M11.3	0,11	0,41	3,748196	0,1107	0,911854	NA
RP13-503K1.1	0,21	0,41	3,748196	0,110587	0,911944	NA
AC092839.4	2,34	-0,33	2,982798	-0,11057	0,911955	NA
RF00411	0,17	0,41	3,748196	0,11057	0,911957	NA
RP11-22L13.1	0,22	0,41	3,748196	0,110506	0,912008	NA
RP11-697H9.5	0,11	0,41	3,748196	0,110485	0,912025	NA
RP5-899B16.2	0,11	0,41	3,748196	0,110472	0,912035	NA
TMEM101	353,11	0,09	0,806979	0,110423	0,912074	0,9757119
LIMS1-AS1	0,11	0,41	3,748196	0,110419	0,912077	NA
RP3-442M11.1	0,16	0,41	3,748196	0,110418	0,912078	NA
FAM83A	3,73	-0,17	1,570245	-0,1104	0,91209	NA
PSPC1	543,91	0,05	0,408295	0,110393	0,912098	0,9757119

AC107982.4	0,14	0,41	3,748196	0,110392	0,912098	NA
ACHE	1,07	0,35	3,203162	0,11036	0,912124	NA
EPX	0,15	0,41	3,748196	0,11034	0,91214	NA
RP11-626K17.5	0,16	0,41	3,748196	0,110339	0,912141	NA
RP11-875O11.5	0,15	0,41	3,748196	0,110327	0,91215	NA
RP11-57H14.5	0,15	0,41	3,748196	0,110324	0,912152	NA
RP11-264I13.2	7,83	0,11	0,97586	0,110279	0,912188	0,9757523
RXFP1	0,18	0,41	3,74664	0,110219	0,912236	NA
RN7SL52P	0,87	0,16	1,430986	0,110216	0,912238	NA
RP3-368A4.3	0,19	0,41	3,748196	0,11019	0,912259	NA
CTD-2311B13.2	0,17	0,41	3,748196	0,110189	0,912259	NA
RNA5SP428	0,24	0,41	3,748196	0,110179	0,912268	NA
AC013267.1	0,16	0,41	3,748196	0,11015	0,91229	NA
RP11-26L20.3	0,42	-0,41	3,735192	-0,11009	0,912337	NA
RP11-432M8.22	0,16	0,41	3,748196	0,110071	0,912353	NA
BMX	0,02	-0,41	3,748196	-0,10999	0,91242	NA
NAP1L3	0,59	0,40	3,615436	0,109965	0,912437	NA
RP11-401P9.7	24,92	-0,12	1,046368	-0,10996	0,912439	0,9758263
CTD-2309H9.3	1,83	-0,13	1,187329	-0,10995	0,912452	NA
RP11-184I16.4	11,49	-0,13	1,176872	-0,10993	0,912464	0,9758263
LINC00304	12,71	-0,11	1,046402	-0,10987	0,91251	0,9758263
DMGDH	8,39	0,14	1,27528	0,109852	0,912527	0,9758263
AC005067.4	0,56	0,41	3,74267	0,109787	0,912578	NA
NUDT18	74,25	-0,16	1,452272	-0,10969	0,912657	0,9758263
FAM122B	246,37	0,09	0,853745	0,10966	0,912679	0,9758263
RP11-164P12.5	0,30	0,28	2,520072	0,109605	0,912723	NA
RPS18P12	0,74	0,17	1,514851	0,109589	0,912735	NA
RP11-333E1.1	58,15	0,08	0,694802	0,109581	0,912742	0,9758263
RNU6-310P	0,47	0,26	2,367044	0,109485	0,912818	NA
CTA-29F11.1	345,55	-0,07	0,651601	-0,10943	0,912864	0,9758263
LHX1	0,10	-0,41	3,748196	-0,10942	0,912867	NA
ZDHHC8	65,90	0,09	0,780052	0,109417	0,912872	0,9758263
RP11-418J17.1	97,87	-0,09	0,798974	-0,10941	0,912878	0,9758263
CTD-2031P19.5	0,21	0,41	3,748196	0,109409	0,912878	NA
ADGRL3	4,07	-0,29	2,661911	-0,1094	0,912888	0,9758263
LCT	0,33	-0,41	3,748196	-0,10935	0,912923	NA
ARL5C	0,79	-0,20	1,800423	-0,10934	0,912933	NA
GCC2-AS1	15,89	0,18	1,654396	0,109316	0,912952	0,9758263
THOC2	1124,15	0,03	0,29275	0,109199	0,913044	0,9758263
RP11-340I6.7	4,93	-0,16	1,448833	-0,10917	0,913069	0,9758263
LRCH3	248,73	-0,05	0,501918	-0,10914	0,913094	0,9758263
PSMG4	143,08	-0,05	0,446513	-0,10913	0,913097	0,9758263
RP11-507K13.6	0,11	0,41	3,748196	0,109087	0,913133	NA
MAPT	6,19	0,11	0,965884	0,108935	0,913254	0,9758481
SSU72	1256,17	-0,04	0,364281	-0,10889	0,913293	0,9758481
RP11-514P8.11	30,74	-0,23	2,097134	-0,10886	0,913315	0,9758481
RP11-178H8.7	0,20	-0,31	2,822537	-0,10885	0,913318	NA
NOL6	94,69	-0,10	0,955127	-0,10884	0,913327	0,9758481
RN7SL735P	0,23	0,41	3,748196	0,108727	0,913419	NA
PIGP	199,16	0,08	0,717659	0,108687	0,913451	0,975878

RP11-243M5.2	2,63	0,16	1,485404	0,108536	0,913571	NA
AC006004.1	11,87	-0,12	1,143636	-0,10843	0,913653	0,975878
BIK	64,02	0,16	1,47138	0,108431	0,913654	0,975878
CTD-2013N17.7	20,70	-0,07	0,661189	-0,10842	0,913661	0,975878
RP11-542H15.1	56,19	-0,10	0,909958	-0,10834	0,913727	0,975878
CTC-242N15.1	239,74	0,04	0,408223	0,108336	0,913729	0,975878
RP11-390F4.3	23,22	-0,07	0,682917	-0,10822	0,91382	0,975878
RP1-45P21.3	22,50	0,15	1,421873	0,108186	0,913848	0,975878
RP4-680D5.3	0,15	-0,31	2,847267	-0,10817	0,913861	NA
AP001816.1	18,37	0,19	1,766852	0,108125	0,913897	0,975878
IL1RAPL1	0,31	0,27	2,502681	0,108121	0,913899	NA
AP2A2	217,80	0,06	0,549973	0,108071	0,913939	0,975878
KB-1396H2.2	0,17	-0,31	2,836477	-0,10807	0,91394	NA
AP001442.2	13,56	0,09	0,836554	0,10803	0,913972	0,975878
RP11-91G21.1	11,87	0,29	2,690205	0,10795	0,914035	0,975878
USP5	126,62	0,07	0,626481	0,107948	0,914037	0,975878
RP11-70C1.1	14,57	0,14	1,268787	0,107825	0,914135	0,975927
RP11-568G11.4	0,14	0,40	3,748196	0,107765	0,914182	NA
RP11-354K4.1	3,60	0,13	1,195579	0,107716	0,914221	NA
RP11-843B15.2	7,23	0,15	1,419243	0,107696	0,914236	0,9759327
SLC15A4	181,63	-0,07	0,656615	-0,10769	0,914245	0,9759327
SMPD2	87,94	-0,09	0,803479	-0,10762	0,914301	0,9759358
SIGLECL1	0,17	0,40	3,747795	0,107596	0,914316	NA
FOXD2-AS1	0,51	0,34	3,126329	0,107575	0,914333	NA
RP11-447H19.1	0,14	-0,31	2,852544	-0,10739	0,914483	NA
RP11-473C18.3	0,14	0,40	3,748196	0,107336	0,914522	NA
RTP4	55,76	0,20	1,894671	0,107326	0,91453	0,9760938
CLPB	529,94	-0,08	0,714334	-0,1073	0,914553	0,9760938
RP5-1103G7.4	1,55	-0,29	2,713965	-0,10728	0,914568	NA
STC1	1,95	0,10	0,967582	0,107269	0,914576	NA
RN7SL700P	0,51	0,39	3,654458	0,107251	0,91459	NA
CHRD2	0,07	-0,37	3,491767	-0,10715	0,91467	NA
RNA5P146	0,81	-0,34	3,175592	-0,10705	0,914745	NA
RP11-346L13.3	0,16	0,36	3,380073	0,107013	0,914779	NA
RP11-162A12.2	0,91	-0,17	1,621545	-0,10693	0,914848	NA
RP11-787D18.2	1,53	-0,28	2,642696	-0,10672	0,915012	NA
CTD-2007H13.3	3,14	0,16	1,502704	0,106627	0,915085	NA
RP11-16F15.2	0,76	-0,13	1,238315	-0,10661	0,915102	NA
DIXDC1	28,57	-0,10	0,908712	-0,10653	0,915159	0,9764521
MRPL10	330,34	0,07	0,699321	0,106493	0,915191	0,9764521
IFNAR2	317,50	-0,07	0,637279	-0,10647	0,915212	0,9764521
RP11-1398P2.1	45,63	-0,18	1,687061	-0,10644	0,915236	0,9764521
RP11-345J4.4	9,17	-0,16	1,532642	-0,10643	0,915241	0,9764521
RP11-347C12.4	9,17	-0,16	1,532642	-0,10643	0,915241	0,9764521
TAF7	933,16	-0,04	0,397749	-0,10635	0,915303	0,9764521
CHN2	519,00	-0,05	0,482123	-0,1063	0,915346	0,9764521
RP1-179N16.3	97,14	-0,13	1,230939	-0,10622	0,915405	0,9764521
RIN1	52,72	0,09	0,86169	0,106145	0,915467	0,9764521
PSTPIP2	535,72	-0,05	0,454306	-0,10613	0,915478	0,9764521
RP11-430B1.1	1,31	-0,17	1,648335	-0,10609	0,915514	NA

RN7SL39P	0,17	-0,30	2,833833	-0,10606	0,915531	NA
RN7SL156P	6,69	0,08	0,750343	0,10604	0,915551	0,9764521
F8A1	194,02	0,06	0,528673	0,106014	0,915571	0,9764521
CDC6	18,84	0,14	1,326275	0,10562	0,915884	0,9767189
NME8	126,67	-0,08	0,720465	-0,10556	0,915932	0,9767189
CC2D2B	92,53	0,08	0,795745	0,1055	0,915979	0,9767189
CLCA3P	0,88	0,39	3,711372	0,10543	0,916034	NA
HPS4	242,65	-0,06	0,605674	-0,1054	0,916062	0,976751
RP1-46F2.3	3,11	-0,16	1,524097	-0,10524	0,916185	NA
LBR	986,60	0,04	0,366933	0,105179	0,916233	0,9768713
PRDM9	4,83	0,13	1,221958	0,105121	0,91628	0,9768713
ZNF493	150,74	-0,06	0,560044	-0,10497	0,916398	0,9769411
CWC22	385,12	-0,07	0,659987	-0,10489	0,916463	0,9769548
FAM223A	15,57	0,14	1,315101	0,104773	0,916556	0,976998
RP11-127L20.6	2,06	0,26	2,444222	0,104752	0,916573	NA
QPCT	272,96	0,09	0,907626	0,104535	0,916745	0,9770112
DNAH10OS	20,24	0,08	0,787259	0,104482	0,916787	0,9770112
CCDC160	11,02	-0,13	1,209028	-0,10442	0,916835	0,9770112
CTD-2336O2.1	99,04	-0,06	0,593251	-0,10442	0,91684	0,9770112
RP11-81H3.2	27,14	0,12	1,136545	0,104407	0,916846	0,9770112
ZC3H4	304,46	-0,06	0,539418	-0,10433	0,916905	0,9770112
RP11-65E22.2	0,82	-0,25	2,414462	-0,10428	0,916944	NA
CDH1	35,71	0,06	0,613033	0,104239	0,91698	0,9770112
RP11-107I14.4	7,19	-0,10	0,964401	-0,1042	0,917008	0,9770112
MTURN	180,99	-0,11	1,01687	-0,10414	0,917062	0,9770112
ASB3	234,60	-0,05	0,502987	-0,10399	0,917177	0,9770112
SPEF2	61,82	0,09	0,899277	0,103986	0,917181	0,9770112
LCA5	8,16	0,27	2,611245	0,103907	0,917243	0,9770112
FAM167A-AS1	0,89	0,19	1,868407	0,103902	0,917247	NA
PRPF40B	5,46	0,18	1,749733	0,103897	0,917251	0,9770112
MRPL27	439,86	-0,07	0,632574	-0,10352	0,917552	0,9771419
KALP	0,21	-0,35	3,351394	-0,10351	0,917558	NA
PRICKLE3	20,64	-0,09	0,884752	-0,1035	0,917564	0,9771419
RP11-162G10.5	59,30	-0,12	1,203802	-0,1035	0,917566	0,9771419
GNG10	384,18	-0,07	0,688378	-0,10348	0,917584	0,9771419
CNTN5	0,01	-0,39	3,740623	-0,10342	0,91763	NA
C7orf43	85,63	0,07	0,680652	0,103381	0,917661	0,9771682
RP13-16H11.8	12,36	-0,09	0,883308	-0,10319	0,917815	0,9772766
RN7SL361P	1,08	0,17	1,616371	0,103136	0,917855	NA
RP11-441O15.3	1,56	-0,13	1,251225	-0,10308	0,917897	NA
RP11-473M20.9	192,27	-0,08	0,808191	-0,10304	0,917928	0,9773408
KCNJ11	2,64	-0,13	1,231383	-0,10299	0,917974	NA
EDEM2	351,00	0,07	0,695355	0,10295	0,918003	0,9773644
GNAL	26,59	-0,12	1,175217	-0,10281	0,918113	0,9774253
CTD-2382E5.6	0,53	0,37	3,617407	0,102811	0,918113	NA
SLC24A5	0,33	0,39	3,748196	0,102773	0,918143	NA
RP5-1024N4.2	32,59	-0,10	0,957718	-0,10268	0,918216	0,9774641
SELENBP1	4,64	0,12	1,207434	0,102613	0,91827	0,9774641
RP3-403A15.5	6,95	0,16	1,597992	0,102567	0,918307	0,9774641
RP11-148B18.1	2,75	0,14	1,346117	0,102534	0,918333	NA

LINC01230	1,16	0,25	2,395666	0,102531	0,918335	NA
RP11-527E14.1	3,48	-0,28	2,777282	-0,10231	0,918514	NA
RF02217	0,70	0,22	2,165136	0,102295	0,918523	NA
USP24	835,54	-0,05	0,515859	-0,10221	0,918587	0,9776912
AC092684.1	7,97	0,21	2,060888	0,102166	0,918625	0,9776912
RP11-26N15.2	0,66	-0,25	2,403535	-0,10214	0,918646	NA
CTSF	3,01	-0,26	2,561356	-0,1021	0,918678	NA
RP11-357N13.1	0,32	-0,30	2,974598	-0,10198	0,91877	NA
PRPH2	3,97	-0,35	3,444893	-0,10183	0,918893	0,9777053
RP11-160H22.1	7,64	0,10	0,988998	0,101802	0,918914	0,9777053
ABHD10	242,21	0,07	0,68636	0,101795	0,91892	0,9777053
ALYREF	139,01	-0,07	0,664558	-0,10177	0,918942	0,9777053
BAZ2A	631,76	0,05	0,467675	0,101762	0,918945	0,9777053
TAPBPL	309,17	-0,05	0,515925	-0,10175	0,918954	0,9777053
PFKM	57,63	-0,08	0,794896	-0,10166	0,91903	0,9777304
RP11-44N12.2	0,76	-0,19	1,82757	-0,10159	0,91908	NA
TPRKB	243,14	0,06	0,575587	0,101453	0,919191	0,9777886
SUV39H1	5,85	-0,16	1,616529	-0,10145	0,919192	0,9777886
SNORA20	1,43	-0,13	1,263541	-0,10141	0,919225	NA
DCP2	989,93	0,06	0,577131	0,101388	0,919242	0,9777886
DDX53	1,62	0,25	2,426689	0,101297	0,919314	NA
RP11-1212A22.1	17,62	-0,25	2,484233	-0,10129	0,919317	0,9777927
RP5-1121H13.3	0,49	-0,21	2,081455	-0,10127	0,919334	NA
TSR1	371,29	0,06	0,641003	0,101251	0,919351	0,9777927
RP11-686D22.3	0,35	0,29	2,91158	0,101246	0,919355	NA
AC007131.1	1,08	-0,21	2,069407	-0,10123	0,919365	NA
RP11-1127D7.1	0,59	-0,21	2,103745	-0,10118	0,919405	NA
ZNF705D	0,13	0,38	3,748196	0,101159	0,919424	NA
IER5L	7,83	-0,15	1,485053	-0,10099	0,919557	0,9778385
STK40	360,23	-0,05	0,483209	-0,10097	0,919572	0,9778385
ETV1	2,24	-0,17	1,709122	-0,10082	0,91969	NA
GSR	299,95	-0,06	0,569516	-0,10079	0,919715	0,9778385
RP11-43D4.3	49,51	-0,07	0,717943	-0,10077	0,919731	0,9778385
SCARNA2	2,40	0,21	2,091183	0,100767	0,919736	NA
NAP1L4	763,07	-0,04	0,380404	-0,10072	0,919775	0,9778385
JMY	255,49	-0,06	0,645085	-0,10066	0,919822	0,9778385
RTN2	4,63	0,13	1,309335	0,100549	0,919908	0,9778385
AC006946.15	0,18	0,38	3,748196	0,100537	0,919918	NA
CTC-513N18.6	3,28	0,15	1,469986	0,100498	0,919949	NA
NTSR1	0,33	0,38	3,74809	0,100487	0,919957	NA
LINC00261	1,67	0,17	1,736626	0,100358	0,92006	NA
RP11-386I23.1	77,73	-0,08	0,809582	-0,10035	0,920065	0,9778385
TMEM167B	484,61	0,04	0,38574	0,100304	0,920103	0,9778385
RP5-1125A11.1	78,95	-0,09	0,916409	-0,10022	0,920171	0,9778385
MIEN1	713,56	0,04	0,362585	0,100136	0,920237	0,9778385
C10orf55	31,35	0,10	1,022529	0,100103	0,920263	0,9778385
RP11-519G16.2	1,24	0,21	2,098592	0,100095	0,920269	NA
MYO7A	9,17	-0,12	1,17301	-0,09998	0,92036	0,9778385
URI1	437,69	-0,06	0,589577	-0,09996	0,92038	0,9778385
RP4-613B23.4	0,37	-0,35	3,518433	-0,09985	0,920464	NA

HS3ST3B1	5,97	0,08	0,833308	0,099836	0,920475	0,9778385
RP1-177P22.1	8,37	0,16	1,649194	0,099739	0,920551	0,9778385
AC092597.3	1,68	-0,20	1,987506	-0,09973	0,920556	NA
RP11-506M13.3	26,90	0,09	0,889525	0,099693	0,920588	0,9778385
RP5-968J1.1	1,02	-0,28	2,849208	-0,09962	0,920643	NA
SSBP3	256,28	-0,04	0,421356	-0,09958	0,920679	0,9778385
NOMO2	317,28	-0,06	0,569464	-0,09955	0,920702	0,9778385
COMMD7	787,06	-0,05	0,527936	-0,09955	0,920705	0,9778385
AC093381.2	2,40	-0,20	1,99503	-0,09947	0,920763	NA
RP11-314P15.2	2,67	0,27	2,727505	0,099426	0,9208	NA
WBP1L	604,98	0,06	0,565092	0,099364	0,920849	0,9778385
RP13-228J13.5	6,29	0,12	1,257884	0,099358	0,920854	0,9778385
TNFRSF17	1,26	-0,14	1,364557	-0,09936	0,920855	NA
PHKG1	15,50	-0,11	1,108102	-0,0993	0,920903	0,9778385
CTC-573N18.1	12,96	-0,16	1,587071	-0,09928	0,920916	0,9778385
RN7SL336P	13,74	0,18	1,840891	0,099267	0,920926	0,9778385
AC062017.1	5,10	0,18	1,788892	0,099257	0,920935	0,9778385
ASF1B	1,20	-0,19	1,901541	-0,09924	0,920944	NA
RP5-1171I10.4	87,00	0,07	0,732538	0,099191	0,920986	0,9778385
GNA11	40,07	-0,10	1,05238	-0,09916	0,921008	0,9778385
SLC2A1	234,47	0,07	0,702347	0,099094	0,921064	0,9778385
HTR3B	12,64	-0,07	0,736599	-0,09909	0,921065	0,9778385
C20orf194	394,64	0,05	0,466472	0,099081	0,921074	0,9778385
ZFAND2B	363,73	0,05	0,476116	0,099045	0,921103	0,9778385
STKLD1	20,96	0,06	0,566491	0,099012	0,921129	0,9778385
RP11-727F15.11	0,69	0,31	3,15615	0,098923	0,921199	NA
GLTSCR1L	194,65	-0,08	0,771037	-0,09882	0,92128	0,977943
ERCC6	225,41	-0,08	0,770818	-0,09868	0,921395	0,977943
USP14	471,13	0,05	0,463092	0,098618	0,921441	0,977943
MBIP	146,42	-0,09	0,957383	-0,09857	0,921482	0,977943
METTL15	109,56	-0,07	0,759052	-0,09856	0,92149	0,977943
SNHG10	39,53	-0,10	1,030637	-0,09827	0,921722	0,9780016
AC005355.2	3,87	-0,08	0,834266	-0,09823	0,921749	0,9780016
CTD-3128G10.7	0,92	-0,17	1,742955	-0,09817	0,921797	NA
EMP1	441,55	-0,05	0,514441	-0,09817	0,921801	0,9780016
DNAH17	87,78	-0,12	1,221732	-0,09814	0,921818	0,9780016
DENND1C	139,13	-0,08	0,810636	-0,09811	0,921844	0,9780016
PANK2	343,13	-0,05	0,540858	-0,09809	0,92186	0,9780016
RN7SL277P	0,43	-0,25	2,583089	-0,09801	0,921927	NA
SERPINB13	0,43	-0,29	2,948536	-0,09787	0,922032	NA
RP11-168O22.1	1,07	0,19	1,950358	0,097846	0,922055	NA
CTD-2290C23.1	2,90	0,08	0,799386	0,097841	0,922059	NA
RP11-12A16.3	26,64	0,08	0,821191	0,097757	0,922126	0,9780317
EML1	23,59	0,07	0,676129	0,09772	0,922154	0,9780317
ADAMTSL3	98,73	-0,06	0,568647	-0,09768	0,922183	0,9780317
MAGT1	509,91	-0,04	0,414079	-0,09767	0,922193	0,9780317
RP11-12C17.3	29,94	0,07	0,676562	0,097602	0,922249	0,9780317
USP7	1154,51	-0,03	0,357634	-0,09754	0,922296	0,9780317
FNDC3A	327,65	0,05	0,540685	0,097538	0,922299	0,9780317
MERTK	21,32	-0,23	2,370089	-0,09738	0,922428	0,9780317

CTD-2152M20.2	4,46	-0,27	2,787952	-0,09737	0,922431	0,9780317
FAM91A1	532,60	0,04	0,429659	0,097339	0,922457	0,9780317
TFDP2	298,00	-0,07	0,728297	-0,09733	0,922467	0,9780317
APOBEC3B	26,28	0,17	1,73724	0,097183	0,922581	0,9780859
ATN1	46,86	-0,08	0,808003	-0,09706	0,92268	0,9780859
NQO1	36,75	-0,18	1,854744	-0,09696	0,922758	0,9780859
PFDN2	296,28	0,03	0,346222	0,096957	0,922761	0,9780859
FAT1	3,97	0,09	0,956421	0,096925	0,922786	0,9780859
RN7SL606P	1,93	-0,15	1,596637	-0,09687	0,922827	NA
AC009967.3	5,88	-0,10	1,020933	-0,0968	0,922886	0,9780859
ESRG	46,69	0,10	1,076612	0,096705	0,922961	0,9780859
NPTX2	0,07	-0,36	3,748196	-0,0967	0,922963	NA
C19orf54	79,04	-0,08	0,784409	-0,09668	0,922981	0,9780859
PPP1R12B	284,15	0,08	0,843548	0,096666	0,922991	0,9780859
RTN4R	0,11	0,36	3,747916	0,096622	0,923027	NA
RP11-750B16.1	1,18	-0,11	1,118511	-0,09651	0,923118	NA
RP5-1050D4.5	1,56	-0,29	2,970398	-0,09644	0,923169	NA
RP11-558O12.3	2,85	-0,22	2,302467	-0,09644	0,923173	NA
PKP2	100,65	0,08	0,857514	0,096231	0,923337	0,978357
RNASEK-C17orf49	77,07	0,08	0,854975	0,096212	0,923352	0,978357
RP11-978I15.10	0,46	0,20	2,116223	0,095968	0,923546	NA
RN7SL804P	0,99	0,16	1,675311	0,095911	0,923591	NA
BPIFB1	5,52	-0,10	1,007453	-0,0958	0,923679	0,9786477
RP11-480I12.10	0,46	-0,36	3,731393	-0,09569	0,923765	NA
RP11-439L12.1	0,54	-0,16	1,709981	-0,09564	0,923806	NA
RP11-863P13.1	10,59	-0,17	1,790455	-0,09561	0,923828	0,9787475
DOC2A	30,45	0,10	1,016051	0,095475	0,923938	0,9787475
GDAP2	486,08	0,06	0,621208	0,095458	0,923951	0,9787475
RP11-193F5.2	0,33	-0,29	2,998481	-0,09544	0,923966	NA
PPP2R5C	1507,81	-0,04	0,385356	-0,09534	0,924047	0,9787475
CAPRIN1	924,68	-0,04	0,457726	-0,09531	0,924071	0,9787475
VPS72	177,28	0,08	0,872268	0,095246	0,924119	0,9787475
LINC01452	2,72	-0,08	0,833622	-0,09522	0,92414	NA
RP11-359E3.4	13,88	0,09	0,899764	0,095218	0,924142	0,9787475
VRTN	2,47	0,10	1,029086	0,095122	0,924218	NA
TPM3	6592,84	-0,02	0,182055	-0,09501	0,924311	0,9788494
CTC-564N23.6	18,01	0,24	2,522157	0,094964	0,924343	0,9788494
C16orf59	0,25	-0,33	3,428028	-0,09495	0,924355	NA
MGC14436	1,40	-0,21	2,18169	-0,09495	0,924358	NA
P4HA1	414,03	0,05	0,535765	0,094769	0,924498	0,9789577
TSNAX-DISC1	0,33	-0,28	2,956443	-0,0947	0,924552	NA
ZNRF3	5,57	0,11	1,166153	0,094575	0,924652	0,9790652
DECR2	8,56	0,08	0,886922	0,094485	0,924724	0,9790856
RP11-87M1.1	1,07	0,12	1,324157	0,09432	0,924855	NA
NOL8	515,68	-0,05	0,575885	-0,09429	0,92488	0,9791629
CAPN8	9,40	0,19	2,019743	0,094223	0,924932	0,9791629
RP11-231I16.1	36,82	0,14	1,529232	0,094194	0,924955	0,9791629
KCNIP3	3,17	-0,22	2,361828	-0,09415	0,92499	NA
IGKV3-20	2,25	0,12	1,275996	0,094149	0,924991	NA
RP11-455G16.1	17,33	-0,09	0,916625	-0,09408	0,925049	0,9791886

RP11-428J1.4	2,41	0,16	1,754191	0,094036	0,925081	NA
PLEKHA8	85,79	0,10	1,071714	0,093982	0,925123	0,9791886
OVCH2	0,47	0,22	2,378281	0,093897	0,925191	NA
CLDN12	8,52	0,07	0,784494	0,093895	0,925192	0,9791886
TOMM40L	206,20	-0,09	0,985963	-0,09385	0,925227	0,9791886
LINC00269	14,85	0,08	0,880686	0,093832	0,925242	0,9791886
SDPR	72,80	0,11	1,149323	0,093755	0,925304	0,9791978
PHF14	419,97	-0,06	0,656612	-0,09356	0,925455	0,9792699
MRPL22	318,22	0,04	0,414218	0,093537	0,925477	0,9792699
EYA4	0,31	-0,24	2,539384	-0,09348	0,925525	NA
MIR1268A	0,82	0,23	2,453545	0,093472	0,925529	NA
RP11-426L16.10	0,95	0,22	2,325574	0,093453	0,925544	NA
SYTL1	468,74	-0,04	0,395977	-0,09321	0,925739	0,9793724
ZNF442	17,41	-0,07	0,753185	-0,0932	0,925741	0,9793724
MTERF3	71,55	-0,10	1,054524	-0,0932	0,925741	0,9793724
RP5-997D16.2	1,93	-0,34	3,641702	-0,09319	0,925749	NA
ARHGDIG	1,48	-0,14	1,481915	-0,09319	0,925757	NA
SAMMSON	34,78	0,07	0,751005	0,093134	0,925797	0,9793724
AKT1S1	67,88	-0,06	0,596951	-0,09302	0,925886	0,9793724
CCL17	0,19	-0,31	3,362342	-0,09302	0,925888	NA
ZNF444	92,49	-0,09	0,983616	-0,09296	0,925935	0,9793724
MUC21	6,14	-0,14	1,477301	-0,09294	0,925949	0,9793724
FCRL6	25,77	0,13	1,347939	0,092834	0,926036	0,9793724
CTD-2547L16.1	30,74	0,09	1,005526	0,092744	0,926107	0,9793724
RNASE3	8,63	-0,20	2,173827	-0,09272	0,926126	0,9793724
CTD-2643K12.3	0,05	0,35	3,748191	0,092655	0,926177	NA
BRD3	655,41	-0,05	0,487906	-0,09264	0,926186	0,9793724
ACTBP6	0,66	-0,29	3,106388	-0,09263	0,926197	NA
RP3-477M7.4	0,75	-0,15	1,628605	-0,09251	0,926294	NA
CTC-325H20.4	9,86	-0,09	0,946563	-0,09239	0,926385	0,9793724
CTB-37A13.1	30,40	-0,17	1,789146	-0,09235	0,926418	0,9793724
BSN	0,73	-0,20	2,185625	-0,09234	0,926426	NA
RP1-56K13.2	9,95	-0,09	1,002297	-0,09229	0,926466	0,9793724
DNAJA1	1683,07	-0,03	0,354771	-0,09224	0,926508	0,9793724
RP11-344N10.3	6,21	0,11	1,173661	0,092235	0,926511	0,9793724
OR51L1	31,81	0,14	1,469924	0,092202	0,926537	0,9793724
AC068286.1	12,78	-0,10	1,031583	-0,0922	0,926538	0,9793724
OSTM1	365,55	0,04	0,384404	0,092156	0,926574	0,9793724
EIF3I	1384,87	0,03	0,379964	0,092015	0,926686	0,9794348
RP11-420A23.1	3,65	-0,21	2,323164	-0,09193	0,926752	NA
OR7E126P	1,00	-0,26	2,793031	-0,0919	0,926778	NA
CPSF2	745,45	0,05	0,544798	0,09184	0,926825	0,9795256
KCNJ15	12,30	0,08	0,82725	0,091775	0,926877	0,9795256
ACP2	54,49	0,10	1,125838	0,091682	0,926951	0,9795478
PTAFR	1475,59	0,04	0,445848	0,09155	0,927056	0,979603
RP11-453E17.3	0,19	-0,31	3,359548	-0,09145	0,927137	NA
AC105344.2	0,12	0,34	3,748196	0,091435	0,927147	NA
CTD-2306M5.1	12,26	0,07	0,754683	0,091413	0,927164	0,9796195
MRPL21	286,53	0,03	0,36155	0,091298	0,927256	0,9796195
RP11-183M13.1	41,48	0,06	0,683356	0,091244	0,927298	0,9796195

HMGCL	258,10	0,06	0,635082	0,091187	0,927344	0,9796195
PCNP	544,02	0,05	0,493897	0,091185	0,927345	0,9796195
AC009299.4	68,55	-0,12	1,364487	-0,09104	0,927463	0,9796195
FRG1CP	75,38	-0,08	0,929485	-0,09103	0,927465	0,9796195
CTC-457L16.2	0,14	-0,31	3,392484	-0,09103	0,927473	NA
RP11-244O19.1	1,72	-0,27	2,97708	-0,091	0,927493	NA
RNA5SP498	3,81	0,09	1,011922	0,090948	0,927534	0,9796195
SMUG1	145,83	-0,06	0,706863	-0,09093	0,927545	0,9796195
LLNLF-158E9.1	31,15	0,10	1,08447	0,09084	0,92762	0,9796429
RP11-565A3.1	1,14	0,33	3,685206	0,090794	0,927657	NA
SLC28A2	60,66	-0,10	1,087779	-0,09066	0,927763	0,9796935
RP11-570L14.1	12,18	-0,09	0,942999	-0,09065	0,927773	0,9796935
C21orf37	1,74	-0,14	1,58079	-0,09062	0,927793	NA
AL356017.3	148,88	0,05	0,569858	0,090567	0,927836	0,9797045
RP11-781P6.1	0,77	0,34	3,722995	0,090475	0,92791	NA
IL11	3,96	-0,09	0,957631	-0,09041	0,92796	0,97978
RP11-927P21.1	15,09	0,11	1,16878	0,090217	0,928114	0,9798871
RP5-937E21.8	2,35	0,25	2,756694	0,090117	0,928194	NA
LL22NC03-86G7.1	151,56	0,03	0,361104	0,089893	0,928372	0,9799916
XXbac-BPG181B23.4	7,91	-0,07	0,806112	-0,08987	0,928393	0,9799916
PDE5A	56,63	0,11	1,205609	0,089863	0,928396	0,9799916
RNU6-701P	0,99	0,33	3,696651	0,089799	0,928447	NA
JMJD7	75,57	0,13	1,440505	0,089664	0,928554	0,9799916
ATP11C	133,94	0,07	0,793142	0,089563	0,928634	0,9799916
MPRIP	279,28	0,05	0,589599	0,089541	0,928652	0,9799916
SAP130	144,97	0,09	0,995317	0,08952	0,928669	0,9799916
BZW1	1819,11	-0,03	0,387867	-0,08951	0,928678	0,9799916
RP11-542G1.1	2,00	-0,14	1,570825	-0,08948	0,928697	NA
RP3-477O4.14	75,26	-0,06	0,718806	-0,08944	0,928731	0,9799916
PRDX2	639,91	-0,05	0,608139	-0,08943	0,92874	0,9799916
RIBC1	0,17	-0,30	3,40091	-0,08926	0,928877	NA
P2RX6P	0,49	0,19	2,111308	0,089255	0,928879	NA
RN7SL744P	8,04	-0,11	1,251964	-0,08894	0,929131	0,9803483
CTD-2014D20.1	0,42	-0,16	1,809351	-0,08893	0,929141	NA
RNU12	221,11	-0,05	0,510858	-0,0888	0,929244	0,9803946
RPIA	150,79	-0,06	0,691525	-0,08867	0,929347	0,9803946
RAB40B	23,46	0,11	1,249042	0,08846	0,929511	0,9803946
CTD-2555O16.4	10,18	-0,09	1,070143	-0,08837	0,929585	0,9803946
RPS11P5	1,85	-0,11	1,267544	-0,0883	0,929635	NA
CCDC175	11,16	0,12	1,327384	0,088302	0,929636	0,9803946
RP3-508I15.10	2,06	-0,09	0,993179	-0,08826	0,929672	NA
RP11-176H8.1	18,47	0,08	0,961834	0,088253	0,929676	0,9803946
RYK	206,84	-0,09	1,008684	-0,08825	0,929676	0,9803946
RN7SL215P	0,15	-0,30	3,386921	-0,08822	0,929699	NA
CXorf56	138,36	0,07	0,766385	0,088219	0,929703	0,9803946
CTD-2385L22.2	7,78	-0,08	0,895663	-0,08815	0,929756	0,9803946
RP11-259N19.1	8,89	-0,09	0,989544	-0,08811	0,929787	0,9803946
VPS52	159,11	-0,08	0,862671	-0,08807	0,929819	0,9803946
FEZ2	339,52	-0,04	0,411395	-0,08806	0,929825	0,9803946
HERPUD2	255,19	-0,05	0,531224	-0,08802	0,92986	0,9803946

CALCB	3,05	0,20	2,328632	0,08802	0,929861	NA
RP11-574M7.1	53,65	-0,16	1,801153	-0,08791	0,929951	0,9804009
RBM26	557,52	-0,05	0,528409	-0,08788	0,929976	0,9804009
CTCF	449,07	-0,04	0,419088	-0,08781	0,930024	0,9804009
NFKBIB	86,04	-0,06	0,723645	-0,0877	0,930118	0,9804447
KRT78	0,01	-0,33	3,738633	-0,0876	0,930197	NA
FCGBP	157,42	-0,12	1,32581	-0,08753	0,930247	0,9805209
RP1-313I6.1	0,64	-0,32	3,658876	-0,08744	0,930325	NA
OR7E122P	99,91	0,09	0,999271	0,08742	0,930338	0,9805209
RP11-638I2.6	41,04	-0,06	0,717438	-0,08741	0,930349	0,9805209
RP11-124N3.3	0,52	0,20	2,317182	0,087149	0,930553	NA
CCDC7	71,94	0,09	0,983602	0,087034	0,930644	0,9807385
ONECUT1	1,00	-0,20	2,249319	-0,08698	0,930689	NA
RNF219	128,08	0,09	1,033544	0,086899	0,930752	0,9807385
PIK3R4	177,33	0,08	0,887821	0,086895	0,930755	0,9807385
CTBS	519,89	-0,05	0,616652	-0,08688	0,930766	0,9807385
RP11-77K12.4	6,21	0,08	0,87739	0,086753	0,930868	0,9807907
RP11-438B23.2	2,32	-0,09	1,072115	-0,08664	0,930955	NA
GLI3	3,09	-0,21	2,371522	-0,08657	0,93101	NA
RF00045	1,34	0,29	3,313839	0,086557	0,931024	NA
IGFL3	9,14	-0,20	2,311834	-0,08638	0,931166	0,981049
GRHL3	0,07	0,32	3,747937	0,086258	0,931261	NA
ARHGEF37	20,86	0,15	1,68379	0,086185	0,931319	0,981155
RP11-756J15.1	39,79	-0,07	0,871747	-0,08595	0,931507	0,9811703
STK39	76,27	0,07	0,845385	0,085843	0,931591	0,9811703
KB-1471A8.1	13,53	-0,05	0,528678	-0,08576	0,931657	0,9811703
VCPIP1	531,86	0,05	0,534032	0,085741	0,931673	0,9811703
C11orf98	267,78	-0,05	0,600597	-0,08573	0,931679	0,9811703
CTD-2301A4.5	0,16	-0,29	3,383091	-0,0857	0,931701	NA
SLC29A2	10,15	0,16	1,896787	0,085622	0,931767	0,9811703
MRPL41	333,06	-0,04	0,422109	-0,08557	0,931811	0,9811703
KCTD9P1	2,65	0,11	1,333798	0,085546	0,931827	NA
LRRC37A3	98,63	-0,05	0,624162	-0,08551	0,931852	0,9811703
RP11-254F7.2	166,26	0,08	0,975734	0,085492	0,93187	0,9811703
RN7SL111P	1,23	-0,15	1,787112	-0,08544	0,931908	NA
FKBP15	762,25	-0,04	0,513195	-0,08541	0,931938	0,9811703
SCIMP	911,75	-0,03	0,382062	-0,08535	0,93198	0,9811703
AC016697.3	2,30	-0,13	1,480961	-0,08533	0,932	NA
C16orf70	388,61	-0,04	0,472677	-0,08529	0,93203	0,9811703
RP11-76E17.3	22,21	-0,18	2,064189	-0,08526	0,932052	0,9811703
SEL1L	828,48	0,04	0,527148	0,085202	0,932101	0,9811703
FAM216B	1,77	0,17	1,997135	0,085158	0,932136	NA
AC005339.2	6,67	0,11	1,318886	0,085127	0,932161	0,9811703
BORCS8-MEF2B	11,37	-0,13	1,534494	-0,08511	0,932178	0,9811703
ERI2	26,41	0,08	0,921701	0,085039	0,932231	0,9811705
WDR37	381,23	0,06	0,668869	0,084969	0,932286	0,9811737
RP11-45K10.2	0,53	-0,26	3,114049	-0,08493	0,932318	NA
BPIFB9P	0,58	-0,26	3,084579	-0,0849	0,932343	NA
CENPA	0,25	0,25	2,928101	0,084816	0,932408	NA
GTF2A1	272,78	-0,06	0,752877	-0,0848	0,93242	0,9812168

RP11-708J19.1	17,63	0,11	1,295825	0,084784	0,932433	0,9812168
RP11-505K9.1	4,89	0,18	2,150873	0,084642	0,932546	0,9812808
TMEM11	333,14	0,06	0,755238	0,08437	0,932762	0,9813675
RP11-299G20.2	8,19	-0,08	1,005044	-0,08437	0,932762	0,9813675
TSPAN19	20,88	0,06	0,768025	0,084339	0,932787	0,9813675
GPD2	271,61	-0,08	0,956943	-0,08426	0,932853	0,9813814
RNFT1	226,64	0,06	0,718591	0,08413	0,932953	0,981431
TMEM165	587,80	0,03	0,392246	0,083957	0,933091	0,981471
RP11-187A9.3	6,29	-0,09	1,042957	-0,08391	0,933131	0,981471
OR9G1	2,71	-0,24	2,802622	-0,08386	0,93317	NA
RP11-275E10.1	0,44	-0,31	3,747711	-0,08376	0,933251	NA
FAM110C	5,77	-0,12	1,447935	-0,08369	0,933303	0,981471
FUT10	64,45	0,08	1,013774	0,08362	0,933359	0,981471
IRF2BPL	68,24	-0,05	0,596555	-0,08359	0,933386	0,981471
SLC29A4	43,52	0,05	0,551921	0,083472	0,933476	0,981471
USP12	227,34	-0,07	0,844779	-0,08345	0,933494	0,981471
C1orf115	0,48	0,20	2,382691	0,083448	0,933495	NA
RPL21P123	11,96	-0,12	1,466815	-0,08343	0,933508	0,981471
MIR1972-1	0,48	0,22	2,655439	0,083426	0,933513	NA
MIR1972-2	0,48	0,22	2,655439	0,083426	0,933513	NA
BSDC1	277,52	-0,05	0,541308	-0,0834	0,933531	0,981471
RP13-216E22.4	10,41	-0,08	0,926336	-0,08335	0,93357	0,981471
RMND1	119,65	0,07	0,839772	0,083287	0,933623	0,981471
RFC5	23,87	-0,09	1,028454	-0,08323	0,933667	0,981471
RP11-3B7.1	1,53	0,13	1,505086	0,083209	0,933686	NA
SLC2A6	345,00	0,05	0,597966	0,083206	0,933687	0,981471
RANGRF	214,00	-0,05	0,584875	-0,08315	0,93373	0,981471
AC002044.3	3,06	-0,15	1,746494	-0,08307	0,933797	NA
XRCC1	130,30	-0,08	0,927376	-0,083	0,933854	0,981491
C19orf33	28,33	-0,08	0,940229	-0,08295	0,933894	0,981491
FCER1G	6354,42	-0,01	0,174166	-0,08293	0,933907	0,981491
RP11-443N24.2	1,57	-0,15	1,86404	-0,08278	0,934028	NA
C4orf3	924,82	-0,02	0,296475	-0,08273	0,934063	0,9815995
EXD3	102,69	-0,07	0,817058	-0,08265	0,934131	0,9816019
MAFG	245,57	0,07	0,796203	0,082553	0,934207	0,9816019
EIF1AX	1201,39	-0,03	0,380754	-0,08253	0,934223	0,9816019
TMEM59	1676,26	0,03	0,38702	0,08245	0,934289	0,9816154
IGLV2-11	0,51	0,22	2,659902	0,082435	0,934301	NA
CCDC154	39,98	-0,13	1,635214	-0,08224	0,934457	0,9817363
RP11-99J16__A.2	0,95	0,27	3,239067	0,082212	0,934478	NA
LETM1	310,83	-0,04	0,470896	-0,08199	0,934655	0,9818894
AD000091.2	1,80	-0,09	1,157304	-0,08184	0,934777	NA
COX17	180,63	-0,02	0,297365	-0,08175	0,934845	0,9819603
RP11-769O8.1	8,87	0,07	0,804571	0,081667	0,934912	0,9819603
RP1-257C22.2	1,78	-0,20	2,397707	-0,08166	0,934914	NA
ACTR1B	411,34	-0,05	0,57748	-0,08165	0,934927	0,9819603
HELB	341,19	-0,06	0,739511	-0,08164	0,934936	0,9819603
RP11-2P5.4	21,51	-0,08	0,963511	-0,08155	0,935002	0,9819603
RNF144B	1269,59	0,05	0,658088	0,081502	0,935042	0,9819603
PDGFD	2,74	0,23	2,78977	0,081462	0,935074	NA

HTT	1191,59	-0,05	0,598757	-0,08144	0,935092	0,9819603
DRP2	0,13	0,31	3,748196	0,081374	0,935144	NA
CTD-3149D2.3	6,26	-0,06	0,726512	-0,08128	0,935222	0,9820414
CTC-558O2.1	1,43	0,16	2,009554	0,081212	0,935274	NA
MTMR9L	1,34	-0,12	1,450204	-0,0811	0,935364	NA
RP11-210K20.2	0,96	-0,12	1,518646	-0,08102	0,935427	NA
RP11-329A14.1	0,49	0,30	3,743802	0,080955	0,935478	NA
ZDHHC3	300,63	0,05	0,597345	0,080759	0,935634	0,9821238
RP11-279N8.1	8,21	-0,12	1,495198	-0,08076	0,935635	0,9821238
RP11-229P13.25	0,30	0,30	3,748032	0,080741	0,935648	NA
RP11-422P15.3	9,87	0,15	1,829087	0,080729	0,935658	0,9821238
AC008691.1	4,08	0,08	0,959224	0,080715	0,935668	0,9821238
KCTD3	95,55	0,07	0,878284	0,080711	0,935672	0,9821238
CORO1C	1013,38	0,04	0,441721	0,080548	0,935802	0,9821238
RP11-343P16.1	0,35	-0,21	2,648803	-0,08046	0,935871	NA
COL4A3BP	1075,26	-0,04	0,454948	-0,08044	0,935889	0,9821238
RP11-169K16.8	1,18	-0,11	1,378754	-0,08043	0,935892	NA
RP11-54D18.3	2,18	0,10	1,289074	0,080432	0,935894	NA
RP13-614K11.2	0,51	-0,25	3,09175	-0,08039	0,935925	NA
MIR5692B	0,13	-0,30	3,748196	-0,08038	0,935938	NA
RP11-617J18.1	5,53	-0,08	0,934053	-0,08034	0,935969	0,9821238
LY75-CD302	170,43	-0,18	2,292618	-0,08031	0,93599	0,9821238
RP2	270,98	0,04	0,559229	0,080214	0,936067	0,9821238
POLA2	258,84	-0,07	0,834361	-0,0802	0,936082	0,9821238
RN7SL619P	14,70	-0,11	1,317654	-0,08018	0,936095	0,9821238
RP11-67L2.2	110,10	0,08	0,947571	0,080173	0,9361	0,9821238
AC010969.1	0,14	0,27	3,362768	0,080132	0,936132	NA
AC003973.4	0,81	-0,12	1,506998	-0,08013	0,936135	NA
PKD2	236,56	-0,05	0,677286	-0,0801	0,936156	0,9821238
CYP7A1	0,14	0,27	3,362593	0,080083	0,936171	NA
INTS8	339,64	0,06	0,794572	0,080009	0,93623	0,9821238
FRMD6-AS1	12,80	0,10	1,234837	0,08	0,936237	0,9821238
AC115522.3	1,18	0,12	1,490743	0,079966	0,936264	NA
AC010082.2	14,28	-0,08	0,941856	-0,07989	0,936327	0,9821238
INPPL1	316,09	-0,03	0,383411	-0,07978	0,936414	0,9821238
ASCC3	444,63	-0,04	0,515346	-0,07977	0,936424	0,9821238
RNF125	374,25	-0,04	0,473833	-0,07974	0,936444	0,9821238
AP000688.15	12,94	-0,06	0,806613	-0,07973	0,936454	0,9821238
PROSER2	8,25	-0,18	2,271391	-0,07972	0,936462	0,9821238
RP11-543A18.1	0,16	-0,30	3,748196	-0,07969	0,936483	NA
AP000962.2	1,86	-0,12	1,468133	-0,07968	0,936493	NA
RP5-1068E13.4	0,10	0,27	3,41139	0,079663	0,936505	NA
RP11-307N16.5	0,13	0,27	3,37442	0,079584	0,936568	NA
U2AF1L5	898,81	0,03	0,372487	0,079503	0,936633	0,9822378
BMP5	0,11	0,27	3,400351	0,079496	0,936638	NA
ORMDL3	32,67	-0,09	1,074032	-0,07945	0,936676	0,9822378
RN7SL618P	2,72	0,10	1,290072	0,079416	0,936702	NA
RP11-367G6.2	0,31	0,28	3,492545	0,079357	0,936748	NA
CTD-2510L9.2	25,64	0,14	1,72542	0,079186	0,936885	0,9824013
S100A1	0,88	0,30	3,748178	0,079175	0,936893	NA

RP11-605B16.1	0,13	0,27	3,381267	0,079103	0,936951	NA
CHAF1A	100,83	0,07	0,897039	0,079024	0,937014	0,9824718
ERAP1	487,36	-0,04	0,557346	-0,07894	0,937077	0,9824718
RPL7AP10	0,15	-0,30	3,748196	-0,07883	0,937166	NA
TAF1B	237,95	-0,06	0,702386	-0,07879	0,937196	0,9824718
MS4A14	189,86	0,07	0,949493	0,078793	0,937197	0,9824718
ZNF766	194,68	0,06	0,700222	0,078769	0,937216	0,9824718
SLC39A4	116,35	-0,06	0,715692	-0,07857	0,937377	0,9825803
RP11-473C18.7	1,11	0,20	2,578293	0,078477	0,937449	NA
CBR4	178,36	-0,04	0,560317	-0,07847	0,937455	0,9825803
RP11-768B22.2	7,08	0,15	1,861554	0,07844	0,937478	0,9825803
RN7SL708P	1,10	0,19	2,367033	0,078391	0,937517	NA
RP11-356I2.1	2,33	0,15	1,946286	0,078344	0,937555	NA
RCBTB2	523,26	-0,05	0,64506	-0,07819	0,93768	0,9827118
MTRF1L	155,11	-0,06	0,722017	-0,07815	0,937709	0,9827118
RN7SKP163	0,09	0,27	3,427678	0,078078	0,937766	NA
ZCWPW2	26,18	0,11	1,371542	0,078067	0,937775	0,9827249
ALOX12P2	23,49	-0,09	1,153019	-0,07797	0,937854	0,9827522
RN7SL482P	0,10	0,27	3,418233	0,077944	0,937873	NA
RP11-433P17.2	0,12	0,26	3,385803	0,077942	0,937874	NA
LL21NC02-1C16.2	84,78	-0,07	0,84329	-0,07771	0,938062	0,9828317
KBTBD11	73,52	-0,08	1,005818	-0,07769	0,938076	0,9828317
NEDD4L	218,25	-0,09	1,155569	-0,07761	0,938135	0,9828317
POLR2K	287,17	-0,05	0,677177	-0,07761	0,938141	0,9828317
RP11-481F24.3	0,78	0,12	1,520631	0,077542	0,938192	NA
RP11-409I10.2	2,01	0,28	3,65078	0,077512	0,938217	NA
RN7SL28P	0,12	0,26	3,393779	0,077473	0,938247	NA
AC016722.3	6,52	0,07	0,88729	0,077402	0,938304	0,9829166
PGM2L1	56,52	0,07	0,951924	0,077372	0,938327	0,9829166
RP13-638C3.5	2,35	0,16	2,022366	0,077303	0,938382	NA
RASGRP3	80,74	0,07	0,920991	0,077175	0,938484	0,9830257
RP11-181B18.1	0,13	0,29	3,748196	0,077164	0,938493	NA
RP11-122L4.2	0,68	-0,24	3,064823	-0,07692	0,93869	NA
OR52U1P	0,13	-0,29	3,748196	-0,07689	0,938713	NA
TSGA13	2,55	-0,12	1,559206	-0,07683	0,938756	NA
CASP8	445,74	0,04	0,507006	0,076821	0,938766	0,9831237
ODF2	152,62	-0,04	0,553415	-0,07676	0,938813	0,9831237
PCK2	147,50	-0,06	0,837309	-0,0767	0,938865	0,9831237
RP11-266L9.8	4,36	0,17	2,280835	0,076651	0,938901	0,9831237
RP11-153K11.3	0,10	0,26	3,423092	0,076651	0,938902	NA
CCT6B	79,42	0,09	1,12568	0,07661	0,938934	0,9831237
HAX1	468,83	-0,05	0,695793	-0,07657	0,938968	0,9831237
APOBR	554,17	0,04	0,476356	0,076482	0,939035	0,9831237
NKD1	26,37	0,08	1,079102	0,07638	0,939117	0,9831237
AGAP5	105,84	0,09	1,181456	0,076361	0,939132	0,9831237
RP11-282O18.3	20,25	-0,06	0,816295	-0,07633	0,939154	0,9831237
SPI1	138,24	0,04	0,494845	0,076327	0,939159	0,9831237
PIM2	265,13	0,04	0,552399	0,076218	0,939246	0,983159
MRS2	355,04	0,05	0,70235	0,075929	0,939476	0,9833436
RECQL	384,30	-0,06	0,75725	-0,07582	0,939559	0,9833436

SCGB1A1	0,16	-0,28	3,748196	-0,0758	0,939577	NA
CTD-2542C24.5	11,96	0,07	0,929969	0,075797	0,939581	0,9833436
SLC30A7	392,08	0,05	0,71482	0,075698	0,939659	0,9833702
DUXAP10	97,32	-0,10	1,302257	-0,07552	0,939802	0,9834646
RP11-462P6.1	5,48	-0,15	2,047683	-0,07541	0,939888	0,9834992
DLD	594,22	-0,04	0,58038	-0,07532	0,939962	0,9835211
LARP6	3,64	-0,10	1,311329	-0,07513	0,940114	NA
RP5-884G6.2	0,47	0,24	3,141904	0,075094	0,94014	NA
PABPN1L	0,25	-0,25	3,362919	-0,07506	0,94017	NA
RP11-862G15.1	20,69	-0,11	1,459212	-0,07501	0,94021	0,9836942
FAM153B	4,93	-0,09	1,168993	-0,07498	0,940233	0,9836942
AC007364.1	0,22	-0,18	2,437908	-0,07492	0,940279	NA
IL8RBP	31,87	0,10	1,290278	0,074909	0,940287	0,9836959
KRTAP5-11	1,14	0,22	2,930492	0,074906	0,940289	NA
NOX5	28,81	-0,06	0,833546	-0,07482	0,940358	0,9837149
RP11-566E18.1	0,30	0,28	3,748041	0,074785	0,940386	NA
AC007036.4	0,41	-0,15	1,995013	-0,07477	0,940394	NA
AF230666.2	3,69	-0,12	1,602231	-0,07476	0,940406	NA
CTD-2035E11.3	23,56	0,05	0,618864	0,07465	0,940493	0,9838005
POC1B	332,05	-0,05	0,704556	-0,07455	0,940572	0,9838141
CTD-2162K18.3	1,76	0,13	1,788117	0,074547	0,940575	NA
OR56B1	0,32	0,28	3,748055	0,074531	0,940588	NA
RNA5SP387	1,49	0,19	2,605744	0,074487	0,940623	NA
RP11-16E12.1	72,33	0,06	0,83514	0,074452	0,940651	0,9838141
PROS1	15,32	-0,08	1,115283	-0,0744	0,940689	0,9838141
MAPK6	200,29	0,06	0,779249	0,074368	0,940718	0,9838141
CTA-14H9.7	28,89	0,06	0,805239	0,074279	0,940788	0,9838325
CTD-2086O20.1	1,61	0,20	2,699871	0,074277	0,94079	NA
AC084149.2	0,65	0,17	2,240088	0,074043	0,940976	NA
OR5H14	22,50	0,05	0,662047	0,073901	0,941089	0,9840242
RP11-90D11.1	5,64	0,12	1,588188	0,073882	0,941104	0,9840242
ZNF391	4,02	0,10	1,372125	0,073835	0,941142	0,9840242
RP11-320C15.1	0,18	0,28	3,748196	0,073735	0,941221	NA
ASMT	0,61	-0,23	3,142262	-0,07373	0,941226	NA
RP4-781K5.5	21,37	-0,15	2,025796	-0,0737	0,941247	0,9840242
ZNF514	191,42	0,09	1,170772	0,073702	0,941247	0,9840242
OR52A1	15,70	-0,05	0,646977	-0,07365	0,941289	0,9840242
RP11-114H21.2	2,21	-0,10	1,408103	-0,07361	0,941321	NA
NTN5	1,31	-0,09	1,252644	-0,0736	0,941328	NA
RNU6-810P	0,19	0,28	3,748196	0,073591	0,941336	NA
RP11-288K12.1	1,80	-0,19	2,616408	-0,07352	0,941395	NA
MFSD1	2291,23	-0,02	0,335537	-0,07351	0,941399	0,9840842
AC108868.5	0,10	0,28	3,748196	0,073483	0,941422	NA
ZNF33B	196,55	-0,06	0,781585	-0,07343	0,941465	0,9840979
SNCA	157,83	0,06	0,872026	0,073277	0,941586	0,9841391
PRRC2C	2272,64	-0,02	0,29859	-0,07324	0,941612	0,9841391
SERPINA10	80,85	0,05	0,689878	0,07318	0,941663	0,9841391
RP11-498M5.2	0,11	0,27	3,748196	0,07311	0,941718	NA
RP4-612C19.2	0,11	0,27	3,748196	0,073077	0,941744	NA
TAF1D	493,56	0,03	0,352077	0,073013	0,941795	0,9842219

RP11-460G11.2	0,31	-0,19	2,639842	-0,07298	0,941821	NA
DNAJB13	8,12	0,06	0,848341	0,07286	0,941918	0,9842845
MUC5AC	1,88	-0,22	3,040735	-0,07286	0,941921	NA
RP11-411G9.2	0,11	0,27	3,748196	0,072837	0,941936	NA
RIPK4	0,18	0,27	3,748196	0,072735	0,942017	NA
ZBTB8B	65,34	0,05	0,653617	0,072722	0,942027	0,9842845
HIGD1C	0,12	0,27	3,748196	0,07264	0,942093	NA
NUDT19P4	0,13	0,27	3,748196	0,072607	0,942119	NA
RP11-636O21.2	30,86	0,05	0,665805	0,072574	0,942145	0,9842845
ISCU	565,54	-0,03	0,480425	-0,07256	0,942153	0,9842845
PPP6C	562,27	-0,04	0,50374	-0,07255	0,942161	0,9842845
AC004538.2	0,10	0,27	3,748196	0,072544	0,942169	NA
NEDD9	495,95	0,04	0,566051	0,072539	0,942173	0,9842845
MIR4505	0,12	0,27	3,748196	0,072535	0,942176	NA
RP11-781E19.1	0,15	0,27	3,748196	0,072531	0,94218	NA
SLC7A9	3,31	-0,08	1,095976	-0,07243	0,942261	NA
EPOP	0,13	0,27	3,748196	0,072407	0,942278	NA
MAMDC2	0,10	0,27	3,748196	0,072353	0,942321	NA
AC009227.3	0,11	0,27	3,748196	0,072342	0,94233	NA
PIBF1	121,11	0,06	0,771651	0,072338	0,942333	0,9842928
RP11-644K8.1	0,11	0,27	3,748196	0,072335	0,942335	NA
RP11-710C12.1	0,09	0,27	3,748196	0,072316	0,942351	NA
RP11-736I10.9	0,13	0,27	3,748196	0,072306	0,942359	NA
OSBPL2	372,75	0,05	0,678142	0,072304	0,94236	0,9842928
MIR4482	24,77	-0,15	2,040083	-0,07228	0,942376	0,9842928
RP11-466A17.1	0,08	0,27	3,748196	0,072269	0,942388	NA
DFFA	320,13	0,06	0,767484	0,072263	0,942392	0,9842928
CTD-2184D3.5	0,11	0,27	3,748196	0,072228	0,942421	NA
RP11-700H6.1	0,10	0,27	3,748196	0,072226	0,942422	NA
TRBJ2-2P	1,15	0,27	3,683437	0,072222	0,942425	NA
GPR153	0,16	0,27	3,748196	0,072195	0,942447	NA
RP11-37C7.3	0,11	0,27	3,748196	0,072173	0,942464	NA
RP11-12A1.1	0,19	-0,27	3,748196	-0,07217	0,94247	NA
RN7SL806P	4,12	-0,06	0,820103	-0,07216	0,942472	0,9843208
RP1-39G22.4	0,12	0,27	3,748196	0,07215	0,942482	NA
RP11-393H10.4	0,16	-0,27	3,748196	-0,07213	0,9425	NA
LRFN2	0,17	0,27	3,748196	0,072086	0,942533	NA
HOXA-AS2	0,72	0,20	2,773848	0,072078	0,94254	NA
RP5-1069P2.4	11,00	-0,10	1,398597	-0,07206	0,942557	0,9843426
RN7SKP69	0,10	0,27	3,748196	0,072055	0,942558	NA
C20orf173	0,08	0,27	3,748196	0,072034	0,942575	NA
RP11-293K20.3	0,13	0,27	3,748196	0,072028	0,94258	NA
RP11-209D14.4	1,40	-0,08	1,093014	-0,07201	0,942595	NA
FAM163A	2,30	0,13	1,821034	0,072006	0,942597	NA
POLR2J3	434,59	-0,03	0,382357	-0,072	0,942599	0,9843426
RP4-735C1.4	0,08	0,27	3,748196	0,071934	0,942655	NA
AC090960.1	0,09	0,27	3,748196	0,071891	0,942688	NA
RP11-350A18.1	49,58	-0,04	0,598427	-0,07181	0,942752	0,9843655
RP11-450H5.1	0,12	0,27	3,748196	0,071795	0,942765	NA
RP11-3L21.2	0,16	0,27	3,748196	0,071758	0,942794	NA

RP11-661A12.9	0,13	0,27	3,748196	0,071757	0,942795	NA
RP11-6N17.6	22,56	-0,08	1,125721	-0,07174	0,942806	0,9843655
PLA2G12A	164,88	0,06	0,785065	0,071687	0,942851	0,9843655
KRR1	328,16	0,06	0,799314	0,071654	0,942878	0,9843655
DENND4C	475,26	-0,04	0,555005	-0,07164	0,942885	0,9843655
RP3-393P12.1	0,13	0,27	3,748196	0,071617	0,942907	NA
RP11-158M2.5	0,09	0,27	3,748196	0,071585	0,942932	NA
CRYZ	60,45	-0,11	1,532252	-0,07153	0,942975	0,9844041
CTA-85E5.8	0,13	0,27	3,748196	0,071485	0,943012	NA
FTHL25	0,13	0,27	3,748196	0,07148	0,943015	NA
SLC9B1P3	0,17	0,27	3,748196	0,071471	0,943023	NA
RP11-92K15.3	0,14	0,27	3,748196	0,071464	0,943028	NA
AC083843.3	1,01	-0,26	3,674913	-0,07142	0,943067	NA
HOXC4	0,45	0,21	2,905622	0,071414	0,943068	NA
RP11-45M22.5	0,17	0,27	3,748196	0,071405	0,943075	NA
CCDC58P1	0,09	0,27	3,748196	0,071388	0,943089	NA
AC131097.3	2,95	0,09	1,219661	0,071319	0,943144	NA
RP11-82O2.1	0,33	0,27	3,748058	0,071315	0,943147	NA
RP11-122L9.1	4,02	0,08	1,172827	0,071279	0,943175	0,9845581
RP11-10E18.5	9,73	0,08	1,111009	0,071206	0,943234	0,9845636
RP11-195B21.3	0,08	0,27	3,748196	0,071167	0,943265	NA
RNY1P14	0,13	0,27	3,748196	0,0711	0,943318	NA
RP4-622L5.2	0,15	0,27	3,748196	0,071013	0,943388	NA
RP1-102K2.9	5,21	0,09	1,238097	0,071005	0,943393	0,9846487
RP4-784A16.3	0,11	0,27	3,748196	0,070983	0,943411	NA
RP11-295P22.2	0,11	0,27	3,748196	0,070916	0,943465	NA
RP11-210L7.3	0,17	0,27	3,748196	0,070874	0,943498	NA
DENND6A-AS1	0,16	0,27	3,748196	0,070862	0,943507	NA
CTC-543D15.3	0,16	0,27	3,748196	0,070861	0,943509	NA
RNA5SP155	0,11	0,27	3,748196	0,070859	0,94351	NA
RP11-523H20.5	67,63	-0,04	0,526436	-0,07077	0,943579	0,9846487
RP3-322L4.2	0,15	0,27	3,748196	0,070772	0,943579	NA
CCDC127	56,44	0,08	1,064328	0,070724	0,943617	0,9846487
AC004562.1	0,15	0,27	3,748196	0,070717	0,943623	NA
RP11-8L8.2	141,57	-0,06	0,905595	-0,07063	0,943696	0,9846487
RP11-491H9.3	0,14	0,26	3,748196	0,070618	0,943702	NA
RP11-333A23.1	0,12	0,26	3,748196	0,070599	0,943717	NA
RP11-324J13.1	0,11	0,26	3,748196	0,070581	0,943731	NA
CCDC115	266,77	0,06	0,802182	0,070568	0,943742	0,9846487
RPL12P37	0,13	0,26	3,748196	0,07054	0,943764	NA
SGF29	152,34	-0,06	0,828374	-0,07049	0,943801	0,9846487
KATNA1	157,35	-0,05	0,661438	-0,07048	0,943813	0,9846487
RP11-932O9.7	8,51	-0,13	1,910646	-0,07045	0,943838	0,9846487
RP11-337A23.5	0,09	0,26	3,748196	0,070441	0,943842	NA
BARD1	298,83	0,04	0,627871	0,070379	0,943892	0,9846487
TMEM136	7,81	-0,06	0,884711	-0,07036	0,943909	0,9846487
MISP	1,15	-0,09	1,27851	-0,07033	0,943933	NA
TGFB2	5,74	0,17	2,467571	0,070314	0,943944	0,9846487
ZBTB4	196,73	-0,05	0,751449	-0,0703	0,943952	0,9846487
NIN	1263,73	0,03	0,376656	0,070186	0,944045	0,9846487

CETN2	122,67	-0,07	0,967406	-0,07015	0,944073	0,9846487
RP11-250H24.2	0,17	0,26	3,748196	0,070139	0,944083	NA
GNAI1	57,60	-0,06	0,849972	-0,07011	0,944109	0,9846487
TFCP2	297,98	0,04	0,617438	0,069937	0,944244	0,9846763
RP11-175P13.3	2,10	0,08	1,108919	0,069883	0,944287	NA
EPHB6	77,95	-0,07	1,014127	-0,06987	0,944294	0,9846763
C9orf91	231,06	-0,05	0,723881	-0,06987	0,944294	0,9846763
SWAP70	567,71	-0,03	0,457311	-0,0698	0,944356	0,9846851
RP11-217B1.2	0,11	0,26	3,748196	0,069748	0,944394	NA
RP11-845C23.2	15,08	0,05	0,64982	0,069719	0,944417	0,984694
COQ10B	406,09	0,05	0,737039	0,069561	0,944543	0,9847703
RP11-1609.2	0,83	0,14	2,037599	0,069484	0,944604	NA
RP11-85B7.5	0,09	0,26	3,748196	0,069445	0,944635	NA
VN1R1	1,73	-0,15	2,226144	-0,06937	0,944698	NA
RP11-956J14.3	0,11	0,26	3,748196	0,06931	0,944743	NA
CTD-2639E6.4	0,84	0,17	2,483538	0,069253	0,944788	NA
BTN2A1	333,83	0,05	0,764961	0,069098	0,944912	0,9850134
SSC5D	6,04	0,07	0,996636	0,069074	0,944931	0,9850134
RP11-305E6.4	25,79	-0,05	0,667924	-0,06907	0,944935	0,9850134
RNY1	1,71	0,14	2,051885	0,069037	0,94496	NA
FAM230A	4,92	-0,11	1,628472	-0,06886	0,945104	0,9851343
FER1L5	10,55	0,04	0,583789	0,068745	0,945192	0,9851503
RP11-583F2.5	13,76	-0,06	0,924815	-0,06857	0,945331	0,9851503
DNAJA4	97,47	0,07	1,043618	0,068565	0,945336	0,9851503
RP3-414A15.12	15,86	0,06	0,924786	0,068533	0,945361	0,9851503
MUC17	2,71	-0,14	1,993501	-0,06853	0,945366	NA
CRAMP1	87,75	-0,07	1,000652	-0,06849	0,945392	0,9851503
ADNP2	188,65	0,05	0,788908	0,068436	0,945439	0,9851503
CAMKK2	311,22	0,04	0,563696	0,068371	0,94549	0,9851503
COX7B2	0,63	0,17	2,446935	0,068305	0,945543	NA
RN7SL748P	0,26	0,15	2,173284	0,068213	0,945616	NA
RP11-404O13.5	103,06	-0,04	0,657506	-0,0681	0,945706	0,98529
PYROXD1	275,26	-0,04	0,65715	-0,06807	0,94573	0,98529
RNU6-866P	3,77	-0,07	1,002482	-0,06783	0,945923	0,9854362
RP11-549B18.2	1,57	0,12	1,734959	0,067807	0,945939	NA
TEX12	0,14	0,25	3,748196	0,067767	0,945971	NA
FAM45A	481,16	-0,03	0,509448	-0,06762	0,946089	0,9855534
RP5-1021I20.1	0,16	-0,19	2,871923	-0,06753	0,946159	NA
STX6	309,30	-0,04	0,625905	-0,06742	0,946247	0,9855709
UQCRHL	9,69	-0,05	0,740804	-0,06736	0,946298	0,9855709
CNPY2	874,97	-0,02	0,334274	-0,06732	0,946329	0,9855709
RP11-434H6.7	14,03	0,08	1,200655	0,067285	0,946355	0,9855709
MOSPD3	107,59	0,06	0,963777	0,067265	0,946371	0,9855709
PIWIL4	41,99	0,13	1,88962	0,067151	0,946462	0,9855765
HP	29,01	-0,09	1,334286	-0,06713	0,946482	0,9855765
LINC01597	6,49	0,12	1,83579	0,067056	0,946537	0,9855792
RP11-452N17.1	0,88	-0,25	3,687575	-0,06699	0,946586	NA
NGRN	330,24	-0,05	0,681768	-0,06695	0,946624	0,9856142
DMBX1	4,19	0,05	0,804893	0,066819	0,946726	0,9856555
COL4A1	0,89	0,25	3,747686	0,066806	0,946736	NA

FAAP20	248,84	-0,03	0,411559	-0,06676	0,946776	0,9856555
RNF121	67,85	0,07	0,99256	0,066697	0,946823	0,9856555
RP11-138E2.1	2,45	-0,11	1,663007	-0,06663	0,946878	NA
PFN1P4	9,58	0,11	1,674872	0,066528	0,946958	0,9857206
RP11-356C4.5	7,59	0,17	2,629826	0,066375	0,94708	0,9857206
RP11-64I5.1	10,82	0,10	1,435569	0,066344	0,947104	0,9857206
RP11-736N17.10	0,85	-0,12	1,753128	-0,06631	0,947131	NA
AC007347.2	1,57	-0,07	1,049916	-0,06629	0,947149	NA
RP3-420J14.1	14,08	0,04	0,607323	0,066233	0,947192	0,9857206
CTB-89H12.1	29,07	0,10	1,529009	0,066233	0,947193	0,9857206
DPRXP3	0,66	-0,21	3,143313	-0,0662	0,947222	NA
RP11-493L12.2	210,66	-0,03	0,432471	-0,06619	0,947227	0,9857206
SIRPB2	310,84	-0,04	0,581931	-0,06614	0,947263	0,9857206
RP11-686O6.2	0,66	0,21	3,193662	0,066087	0,947309	NA
PLA2G4A	69,80	0,07	1,068988	0,066086	0,947309	0,9857206
RP11-326I11.4	0,08	0,25	3,748196	0,06608	0,947314	NA
C1orf168	35,39	0,05	0,688957	0,065845	0,947501	0,9857687
TRIM16L	21,17	0,06	0,909596	0,065827	0,947516	0,9857687
SPOP	1212,64	-0,03	0,445039	-0,06582	0,947524	0,9857687
HBD	0,56	-0,18	2,709962	-0,06578	0,947551	NA
RP11-335E6.3	1,46	-0,10	1,558165	-0,06574	0,947585	NA
RP11-982M15.2	166,45	-0,05	0,72646	-0,06573	0,947596	0,9857687
SFTPB	19,40	0,05	0,715136	0,065696	0,94762	0,9857687
CTC-573M9.1	1,87	-0,08	1,179088	-0,0656	0,947695	NA
PSME3	493,62	0,05	0,716805	0,065519	0,947761	0,9858601
RP4-798C17.7	0,37	0,25	3,748196	0,065442	0,947822	NA
RP13-638C3.6	4,08	0,11	1,673505	0,065279	0,947952	0,9860032
RP11-353N4.5	15,76	-0,11	1,701311	-0,06505	0,948137	0,9861404
IGKV1D-39	1,43	-0,11	1,76232	-0,06483	0,948306	NA
CES3	2,45	0,10	1,54635	0,064819	0,948318	NA
STMND1	10,47	0,05	0,721807	0,064748	0,948374	0,9862886
PCDH17	1,38	0,08	1,249886	0,06471	0,948405	NA
RP11-226E21.4	48,67	-0,06	0,867972	-0,06467	0,948437	0,9862886
C19orf35	84,54	0,03	0,516587	0,064668	0,948438	0,9862886
C1orf74	5,60	-0,09	1,405753	-0,06442	0,948638	0,9863635
CH507-42P11.1	5,14	0,09	1,408121	0,064378	0,948669	0,9863635
H2BFS	5,14	0,09	1,408121	0,064378	0,948669	0,9863635
CTD-2589M5.5	0,23	0,24	3,748081	0,064317	0,948718	NA
AC009158.1	1,45	0,09	1,352537	0,064128	0,948868	NA
BBS4	64,45	0,08	1,276775	0,064069	0,948915	0,986512
RP11-818F20.1	4,18	0,06	0,996731	0,064009	0,948963	0,986512
ISG20	619,88	-0,04	0,686084	-0,064	0,948971	0,986512
C6orf163	2,06	0,15	2,279475	0,063903	0,949048	NA
RP11-474P2.7	3,09	0,16	2,54013	0,06383	0,949106	NA
AP000280.66	1,38	-0,19	2,907945	-0,06383	0,949109	NA
RP11-480A16.2	14,87	-0,06	0,927975	-0,06382	0,949117	0,9865438
TRAK1	617,08	-0,04	0,699126	-0,0638	0,949128	0,9865438
RN7SKP177	6,35	0,05	0,809421	0,063651	0,949248	0,9865438
PRPF4B	676,92	0,02	0,272517	0,063644	0,949254	0,9865438
MITD1	246,32	-0,04	0,577723	-0,06363	0,949267	0,9865438

RPL24P4	0,56	-0,09	1,397307	-0,0636	0,949285	NA
IFI44L	2580,81	-0,07	1,101918	-0,06333	0,949506	0,986731
MESTIT1	4,44	-0,05	0,856637	-0,06327	0,949553	0,986731
AC004967.7	1,92	-0,07	1,169612	-0,06326	0,949557	NA
RP11-2E11.9	0,45	0,15	2,375083	0,063226	0,949587	NA
AC144450.1	0,49	-0,19	3,088002	-0,06309	0,949695	NA
FKBP5	1747,38	0,04	0,565861	0,063026	0,949746	0,9868766
AC068499.10	1,85	-0,08	1,271353	-0,063	0,949768	NA
RP11-13N13.5	11,88	-0,05	0,730415	-0,06275	0,949968	0,9870518
MARK1	0,28	-0,24	3,748196	-0,06272	0,949987	NA
GGH	8,33	-0,08	1,207828	-0,0626	0,950085	0,9870736
KMT2E	1932,73	0,02	0,306343	0,062551	0,950124	0,9870736
RIMKLB	61,27	0,07	1,159463	0,062521	0,950148	0,9870736
RP11-356K23.1	48,66	0,06	0,97464	0,06242	0,950228	0,9871019
TLX1	0,06	0,23	3,747108	0,062039	0,950532	NA
RP11-64C12.1	12,97	-0,04	0,717889	-0,062	0,950561	0,9872908
DIP2A	347,39	0,03	0,404148	0,062001	0,950562	0,9872908
RN7SL868P	1,01	-0,18	2,861894	-0,06192	0,950627	NA
RP11-486L19.2	17,53	-0,03	0,546774	-0,06191	0,950633	0,9872908
RN7SL543P	7,91	-0,08	1,245275	-0,06191	0,950634	0,9872908
DRD4	1,17	0,12	1,870654	0,061903	0,95064	NA
DND1P1	0,47	-0,23	3,735062	-0,06188	0,950659	NA
CRYBA1	13,42	-0,17	2,73926	-0,06186	0,950675	0,9872908
RP11-360N9.2	15,63	0,04	0,711866	0,061728	0,95078	0,9873442
RP5-843L14.1	1,59	-0,13	2,039567	-0,06169	0,950811	NA
GLB1L2	2,74	-0,09	1,410606	-0,06163	0,950861	NA
PADI1	0,15	-0,23	3,748196	-0,06159	0,950893	NA
PIK3C3	607,33	-0,05	0,784096	-0,06152	0,950944	0,9874597
RP11-370I10.6	2,52	0,10	1,58002	0,061329	0,951097	NA
ID4	1,97	-0,21	3,345503	-0,06132	0,951105	NA
PDLIM4	0,05	0,23	3,747312	0,061221	0,951183	NA
RP11-395I6.2	6,01	-0,10	1,708788	-0,06122	0,951186	0,9876559
PNP	859,63	-0,03	0,504029	-0,06114	0,951244	0,987661
RP11-270C12.3	1,05	0,08	1,383848	0,06109	0,951288	NA
RP11-1223D19.1	0,57	-0,13	2,111017	-0,06096	0,95139	NA
ZP2	0,88	0,15	2,504391	0,060922	0,951422	NA
NIP7	213,97	0,05	0,769971	0,060906	0,951434	0,9877155
TLDC2	52,12	0,08	1,313031	0,060878	0,951456	0,9877155
RP11-137O10.1	1,22	0,08	1,258887	0,060872	0,951461	NA
CA14	33,10	0,06	1,030895	0,0608	0,951518	0,9877155
SYTL3	227,47	0,05	0,815411	0,060796	0,951522	0,9877155
RNA5SP263	0,92	-0,22	3,683676	-0,06074	0,951566	NA
KIAA2026	575,95	-0,03	0,558493	-0,06071	0,951587	0,9877155
TRAF3IP1	50,70	-0,06	0,984663	-0,0605	0,951754	0,9877155
STAT1	1824,51	0,03	0,466623	0,060468	0,951783	0,9877155
EMBP1	1,08	0,11	1,824061	0,060376	0,951856	NA
RP11-760D2.5	9,05	0,08	1,330981	0,060367	0,951863	0,9877155
PTH2R	0,31	-0,20	3,348461	-0,0603	0,951914	NA
NIT1	195,80	-0,05	0,875158	-0,06026	0,951946	0,9877155
RP11-804M7.1	4,94	-0,05	0,754005	-0,06024	0,951962	0,9877155

RNU6-476P	9,29	-0,11	1,773695	-0,06015	0,95204	0,9877155
RP11-425I13.3	5,06	-0,11	1,78136	-0,06009	0,952081	0,9877155
RP11-142L16.2	64,70	-0,11	1,789506	-0,06005	0,952117	0,9877155
TMED11P	0,29	-0,20	3,317258	-0,06	0,952157	NA
NUTM2G	4,11	-0,17	2,794137	-0,05997	0,95218	0,9877155
NAIP	1695,18	0,03	0,446705	0,059936	0,952207	0,9877155
RPSAP58	6,04	-0,04	0,644044	-0,05988	0,95225	0,9877155
AC009120.10	13,85	-0,03	0,552497	-0,05983	0,952289	0,9877155
RF00322	9,62	0,09	1,528989	0,059803	0,952313	0,9877155
RP11-310N16.1	2,08	-0,08	1,310598	-0,05978	0,95233	NA
XXyac-YR21IF11.3	28,87	-0,04	0,739774	-0,05977	0,952343	0,9877155
RP11-542M13.2	4,43	0,07	1,153259	0,059745	0,952358	0,9877155
TEKT1	0,62	0,22	3,748196	0,059739	0,952363	NA
RP11-756A22.5	0,57	-0,09	1,480108	-0,05969	0,952405	NA
CTD-2050E21.1	7,23	-0,06	1,051035	-0,05941	0,952624	0,9878586
AKR7L	25,03	-0,03	0,541389	-0,0594	0,952637	0,9878586
PTP4A2P1	0,26	0,13	2,173054	0,059385	0,952646	NA
RBM43	72,18	-0,04	0,684086	-0,05926	0,952747	0,9878586
TENM3	0,09	0,22	3,645661	0,059244	0,952758	NA
ZNF808	56,20	-0,06	0,978496	-0,05922	0,952779	0,9878586
MRPL11	686,95	-0,02	0,403512	-0,0592	0,952793	0,9878586
RP11-254F7.3	50,83	-0,04	0,697251	-0,05917	0,952815	0,9878586
RP11-1094M14.5	1,62	0,13	2,148328	0,05911	0,952865	NA
MTRNR2L4	9,35	0,05	0,813984	0,059102	0,952871	0,9878616
RP1-40G4P.1	0,89	0,07	1,186186	0,059048	0,952914	NA
RNU6-946P	28,43	-0,05	0,889168	-0,059	0,952948	0,9878869
MIR7705	0,66	0,11	1,790474	0,058983	0,952966	NA
THSD1	0,23	-0,17	2,841628	-0,05896	0,952983	NA
RP1-30M3.6	0,72	-0,10	1,775896	-0,05889	0,953038	NA
PLCD1	64,90	0,07	1,23721	0,058863	0,953061	0,9878997
FANCI	42,65	0,04	0,710414	0,058845	0,953076	0,9878997
RP11-324I22.4	42,91	0,03	0,558311	0,058789	0,95312	0,9878997
RP11-213G2.1	1,70	-0,17	2,936003	-0,05877	0,953134	NA
DTX2P1	0,24	0,13	2,177155	0,058724	0,953172	NA
PSG9	0,54	0,22	3,736731	0,058718	0,953177	NA
NUTM2B	1,86	-0,12	2,038052	-0,05861	0,953262	NA
SAMD9L	971,38	-0,03	0,556907	-0,05859	0,953278	0,9880081
RP11-77P3.1	0,25	0,13	2,175546	0,058534	0,953324	NA
NARF	878,14	-0,02	0,3524	-0,05842	0,953412	0,9880901
SKA2	216,34	0,03	0,456527	0,058358	0,953463	0,9880901
AC009502.4	44,96	-0,05	0,882906	-0,05825	0,953547	0,9881222
AC012457.2	1,46	0,11	1,971844	0,058171	0,953612	NA
CHD6	443,68	-0,02	0,310224	-0,05813	0,953648	0,9881433
RP11-7F17.1	0,22	-0,14	2,436513	-0,05809	0,953678	NA
RN7SL126P	1,86	0,08	1,376407	0,058039	0,953718	NA
RP11-553K8.5	85,65	-0,05	0,927967	-0,05795	0,953785	0,9881433
RP11-434D9.2	5,43	0,05	0,902987	0,057932	0,953803	0,9881433
ARL5A	518,20	0,04	0,632808	0,057861	0,95386	0,9881433
RABIF	180,16	0,04	0,707787	0,057851	0,953868	0,9881433
RP11-875O11.2	0,79	0,14	2,489782	0,057809	0,953901	NA

AC003029.1	235,67	-0,04	0,623392	-0,05779	0,953913	0,9881433
FOXO3	498,01	0,03	0,48654	0,057668	0,954013	0,9881433
ULK3	199,36	0,06	0,994686	0,057641	0,954035	0,9881433
ZC2HC1A	80,41	-0,07	1,149958	-0,05763	0,954046	0,9881433
RP11-327L3.4	0,22	-0,16	2,845229	-0,05755	0,954109	NA
RP11-327O17.2	0,31	-0,17	3,023757	-0,05748	0,954165	NA
AC012314.8	29,93	0,05	0,818481	0,057465	0,954175	0,9882218
RP11-93K22.13	0,36	-0,15	2,628181	-0,05742	0,954213	NA
RPP25L	219,61	-0,04	0,678784	-0,05733	0,95428	0,9882218
USP29	13,70	0,03	0,538674	0,057317	0,954292	0,9882218
GAL3ST1	0,67	-0,09	1,525555	-0,05728	0,95432	NA
TLE1	71,02	0,09	1,498083	0,057265	0,954334	0,9882218
RP11-797A18.3	0,45	0,21	3,744842	0,057259	0,954339	NA
CTA-212A2.1	3,73	0,16	2,779225	0,057213	0,954376	NA
ASB9	2,77	0,11	1,960743	0,057026	0,954525	NA
RP11-880O3.1	1,05	0,06	1,060305	0,056954	0,954582	NA
RP11-13E5.2	1,75	-0,13	2,198653	-0,05693	0,954601	NA
DNAJC17	240,22	0,04	0,664379	0,056886	0,954636	0,988461
HCG23	229,85	-0,03	0,614543	-0,05684	0,954673	0,988461
RP11-59H7.3	0,20	-0,14	2,441568	-0,0568	0,954707	NA
TPD52L2	877,82	0,03	0,502327	0,056756	0,95474	0,988461
DOCK3	0,89	0,16	2,868627	0,056748	0,954746	NA
AC100793.2	14,10	-0,06	1,085106	-0,05671	0,954777	0,988461
RP11-803P9.1	1,25	0,15	2,617198	0,056683	0,954798	NA
HIST1H1B	10,23	0,08	1,482342	0,056636	0,954835	0,9884655
AC124789.1	1,17	0,08	1,40007	0,056565	0,954892	NA
DBN1	10,02	0,04	0,680164	0,056473	0,954965	0,9885456
EPAS1	0,36	0,17	3,02505	0,05629	0,955111	NA
AC098617.1	0,17	-0,16	2,865358	-0,05628	0,955116	NA
RP11-17G12.2	1,64	-0,09	1,54458	-0,05626	0,955137	NA
RP11-171I2.5	4,15	0,12	2,193049	0,056221	0,955166	0,9885966
RP11-442J21.2	3,68	0,08	1,468419	0,056179	0,955199	NA
MADCAM1	0,27	0,21	3,748126	0,056071	0,955286	NA
EIF4A2	2825,27	-0,01	0,262782	-0,05598	0,955358	0,9885966
RP11-152N13.5	0,40	-0,20	3,515819	-0,0559	0,955421	NA
RP3-508I15.9	22,87	-0,04	0,71686	-0,05582	0,955484	0,9885966
RP4-724E16.2	24,25	-0,06	1,054625	-0,05575	0,955544	0,9885966
RP11-665G4.1	5,49	-0,09	1,655416	-0,05574	0,955547	0,9885966
RP11-605F22.2	0,28	0,12	2,169637	0,05573	0,955557	NA
KLRC3	13,76	0,18	3,299249	0,055666	0,955608	0,9885966
ARHGEF9	169,32	-0,04	0,775279	-0,05567	0,955608	0,9885966
HLX	321,95	-0,04	0,740324	-0,05565	0,955621	0,9885966
RGS11	0,46	0,11	1,895679	0,055635	0,955632	NA
CAPN1	731,93	-0,02	0,361506	-0,05558	0,955673	0,9885966
RP11-206L10.8	7,05	-0,08	1,405545	-0,05548	0,955754	0,9885966
AC079742.4	1,89	0,13	2,418263	0,055474	0,95576	NA
CTD-3131K8.2	62,26	0,04	0,66627	0,055431	0,955795	0,9885966
TMCC3	147,87	-0,05	0,973443	-0,05543	0,955799	0,9885966
XXbac-BPG246D15.8	1091,27	-0,02	0,378581	-0,05542	0,955804	0,9885966
NLGN4Y	2,62	0,06	1,160455	0,055402	0,955818	NA

RP9P	30,92	0,07	1,187762	0,055365	0,955848	0,9885966
RP11-756H20.1	11,47	0,08	1,386707	0,055315	0,955887	0,9885966
SNX9	233,54	0,04	0,731389	0,055241	0,955947	0,9885966
RN7SL105P	5,48	0,07	1,180898	0,055162	0,956009	0,9885966
KCNC3	2,49	0,08	1,503861	0,055125	0,956039	NA
GRM5	0,70	-0,19	3,454714	-0,0551	0,95606	NA
CTC1	160,22	0,05	0,868839	0,055081	0,956074	0,9885966
RP11-274E7.2	1,13	0,06	1,032838	0,05508	0,956075	NA
MBNL3	351,41	-0,05	0,866209	-0,05506	0,956091	0,9885966
C11orf44	0,61	-0,10	1,741289	-0,05503	0,956114	NA
RP11-149I23.3	0,11	0,21	3,748196	0,055021	0,956122	NA
DNAJC5B	4,48	0,08	1,407467	0,055014	0,956127	0,9885966
UGT2A1	0,74	0,10	1,745829	0,054991	0,956146	NA
GSTM1	162,64	0,07	1,258319	0,054919	0,956203	0,9885966
RNU6-611P	2,22	-0,11	2,035179	-0,05491	0,956211	NA
MID1	11,99	0,10	1,845961	0,054807	0,956292	0,9885966
CASKIN1	0,30	0,21	3,748196	0,054761	0,956329	NA
XXbac-BPG116M5.14	3,31	0,07	1,23863	0,054717	0,956364	NA
XXbac-BPG116M5.16	3,31	0,07	1,23863	0,054717	0,956364	NA
RP11-390P2.4	82,06	0,07	1,216291	0,054717	0,956364	0,9885966
SLC25A23	4,51	0,09	1,701713	0,05447	0,95656	0,9885966
ATP5J	526,58	0,01	0,2225	0,054404	0,956614	0,9885966
RP11-944C7.1	4,06	-0,06	1,184829	-0,05432	0,956679	0,9885966
CUL1	1033,77	-0,02	0,444045	-0,0543	0,956697	0,9885966
PFN1P8	21,27	-0,07	1,28117	-0,05428	0,95671	0,9885966
PIEZO1	675,93	0,02	0,353455	0,05427	0,95672	0,9885966
RN7SKP230	8,67	0,06	1,191766	0,054163	0,956805	0,9885966
CTC-484M2.1	3,07	-0,06	1,074718	-0,05409	0,956865	NA
SEMA4D	840,70	0,04	0,741749	0,054058	0,956889	0,9885966
RNU6-993P	0,47	0,20	3,613264	0,054025	0,956915	NA
RP11-114J13.1	1,09	-0,12	2,250644	-0,05401	0,956924	NA
RIMS1	5,32	-0,10	1,795102	-0,05397	0,956955	0,9885966
CHRM2	3,59	0,08	1,469055	0,053968	0,956961	NA
IPCEF1	477,93	-0,04	0,65115	-0,05388	0,957028	0,9885966
MAN1B1-AS1	45,42	-0,05	0,841515	-0,05386	0,957047	0,9885966
ZFP37	11,98	0,05	0,980772	0,053831	0,95707	0,9885966
HIST1H2AH	0,49	-0,17	3,086807	-0,05381	0,957087	NA
PROSER3	63,31	-0,04	0,77581	-0,05377	0,957116	0,9885966
CD93	843,85	-0,02	0,366269	-0,05366	0,957209	0,9885966
CAHM	22,20	-0,05	0,9672	-0,0536	0,957258	0,9885966
KB-1507C5.4	9,14	0,07	1,285827	0,05353	0,957309	0,9885966
MAN1B1	344,50	-0,03	0,498895	-0,05352	0,957319	0,9885966
RP11-25D3.1	5,12	0,06	1,134294	0,053505	0,957329	0,9885966
LTA4H	1569,76	0,02	0,453979	0,053445	0,957378	0,9885966
RP11-466A19.1	4,09	0,04	0,793032	0,053414	0,957402	0,9885966
RPPH1	112,47	-0,03	0,490264	-0,05341	0,957403	0,9885966
ATAD5	90,82	0,05	0,846187	0,053409	0,957406	0,9885966
NOXO1	0,77	0,09	1,741674	0,053335	0,957465	NA
MYOCD	0,02	-0,20	3,745003	-0,05323	0,957546	NA
AC007193.6	1,70	0,11	2,045967	0,053177	0,957591	NA

PJA1	21,26	-0,10	1,913966	-0,05303	0,957706	0,9888517
RP3-406P24.5	22,03	0,05	0,870388	0,052827	0,95787	0,9889663
HRC	0,71	-0,12	2,194345	-0,05276	0,957924	NA
LRRC8A	209,86	0,06	1,137186	0,052639	0,95802	0,9890026
RP11-794P6.2	0,12	-0,20	3,746538	-0,05264	0,958023	NA
ICA1	32,45	0,04	0,81982	0,052596	0,958053	0,9890026
RP11-613F22.8	12,39	-0,03	0,627108	-0,05258	0,958065	0,9890026
MTO1	427,15	0,04	0,671171	0,052421	0,958193	0,9890698
RP11-519G16.5	1,39	-0,08	1,574333	-0,05231	0,958284	NA
PAIP2B	47,74	-0,04	0,838355	-0,0523	0,958287	0,9890698
RP11-861E23.2	43,78	-0,03	0,597038	-0,0523	0,958289	0,9890698
DYRK4	168,27	-0,05	0,955401	-0,0522	0,95837	0,9890986
RP11-175P13.2	0,48	0,12	2,297227	0,052168	0,958395	NA
TXNDC2	0,22	0,20	3,748196	0,052044	0,958494	NA
RP11-844G16.1	0,50	-0,19	3,732924	-0,05201	0,95852	NA
RP11-111H13.1	0,60	0,16	3,094521	0,05189	0,958616	NA
TUBB6	474,61	0,02	0,447347	0,051826	0,958667	0,98935
SSX2	0,45	0,14	2,708729	0,051818	0,958674	NA
CTB-158E9.1	0,11	0,19	3,747656	0,05171	0,95876	NA
RP11-505E24.2	2,43	0,07	1,355964	0,051709	0,958761	NA
CABP5	0,21	-0,15	2,849325	-0,05168	0,958783	NA
SNORA25	0,72	0,11	2,071288	0,051666	0,958795	NA
SDHB	1447,72	-0,02	0,312944	-0,05162	0,958829	0,9893899
RP4-545C24.1	6,22	-0,07	1,384389	-0,05161	0,958837	0,9893899
C1orf216	30,61	-0,04	0,734657	-0,05158	0,958865	0,9893899
GPR158	4,00	-0,07	1,421871	-0,05144	0,958972	0,9893943
ERGIC2	313,79	0,03	0,635342	0,051439	0,958976	0,9893943
RP3-425C14.6	0,26	0,13	2,486152	0,051353	0,959045	NA
AC005082.12	0,66	0,19	3,656125	0,051351	0,959046	NA
SLC16A7	282,91	0,03	0,603364	0,051208	0,95916	0,9894864
RPL23AP1	3,98	0,10	1,959371	0,051193	0,959172	0,9894864
ZNF646	124,64	0,07	1,385893	0,05096	0,959358	0,9895973
MXD4	275,85	-0,03	0,514339	-0,05092	0,959385	0,9895973
RDH5	21,60	-0,06	1,245425	-0,05067	0,95959	0,9897534
COL26A1	0,66	-0,09	1,801975	-0,05053	0,9597	NA
RP11-137L10.6	89,07	0,05	0,922326	0,050384	0,959816	0,9899304
MAP3K12	32,84	-0,05	1,023315	-0,05032	0,959868	0,9899304
RP11-799O21.1	9,86	0,07	1,455754	0,050031	0,960098	0,9900725
KDM3A	438,57	-0,03	0,659485	-0,05001	0,960112	0,9900725
RP11-138I18.2	2,75	-0,07	1,345154	-0,04992	0,960189	NA
BNIP3L	1501,91	0,02	0,461287	0,04981	0,960274	0,9900813
ITGAL	864,11	-0,02	0,393332	-0,04977	0,960304	0,9900813
RN7SL542P	0,66	-0,16	3,141978	-0,04968	0,960375	NA
AC016689.1	7,24	0,07	1,496169	0,049679	0,960378	0,9900813
RN7SKP30	3,36	0,11	2,134555	0,049612	0,960432	NA
RP11-798G7.8	52,25	-0,05	0,980039	-0,04961	0,960432	0,9900813
EDEM3	443,53	-0,03	0,610713	-0,04956	0,960472	0,9900813
ICAM3	1145,13	-0,01	0,290214	-0,04953	0,960493	0,9900813
WIPF1	943,67	-0,02	0,370098	-0,04951	0,960515	0,9900813
RP11-473M20.14	23,84	0,04	0,714838	0,049468	0,960546	0,9900813

IL15	283,50	-0,04	0,810691	-0,0494	0,9606	0,9900819
SMURF2P1	0,46	0,12	2,339843	0,049338	0,96065	NA
TMEM56-RWDD3	0,70	0,18	3,58584	0,049329	0,960657	NA
TEC	210,96	-0,04	0,853667	-0,04928	0,960696	0,990126
DIO3OS	1,35	-0,17	3,366662	-0,04909	0,960845	NA
GS1-393G12.12	0,79	0,12	2,497964	0,048981	0,960934	NA
PLCD4	21,07	-0,05	0,948721	-0,04894	0,960969	0,990294
RP11-174O3.3	0,26	-0,18	3,748196	-0,04887	0,961024	NA
N4BP1	465,64	0,03	0,629892	0,048862	0,961029	0,990294
CD80	0,10	0,18	3,748196	0,048862	0,961029	NA
RP11-756P10.6	9,09	0,09	1,819492	0,048818	0,961064	0,990294
NEURL4	48,49	0,07	1,369553	0,048741	0,961125	0,990294
RP13-585F24.1	0,89	0,07	1,36143	0,048733	0,961132	NA
RP11-163D8.1	0,83	0,16	3,226438	0,048689	0,961167	NA
RP11-732A19.1	0,28	-0,16	3,361958	-0,04868	0,961172	NA
C17orf75	108,37	0,05	1,016036	0,048673	0,96118	0,990294
SLC6A9	0,16	0,18	3,748196	0,048609	0,961231	NA
CTB-54D4.1	2,85	0,06	1,232402	0,048576	0,961257	NA
CLPP	235,27	-0,02	0,416285	-0,04857	0,961265	0,990294
SNORA11B	2,74	0,11	2,295938	0,048558	0,961271	NA
LOX	1,38	0,13	2,624874	0,048547	0,961281	NA
HSPBAP1	240,71	0,03	0,550939	0,04849	0,961326	0,990294
SFSWAP	542,82	0,02	0,428974	0,048488	0,961327	0,990294
SUMF1	448,61	-0,03	0,535001	-0,04847	0,961338	0,990294
RP1-214M20.2	0,40	-0,11	2,281908	-0,04833	0,961454	NA
DPAGT1	225,29	0,04	0,885755	0,048215	0,961545	0,9904348
AC007050.17	4,24	0,11	2,207026	0,048169	0,961582	0,9904348
RP11-505E24.3	0,28	-0,16	3,365051	-0,04803	0,961691	NA
CDC42BPB	277,80	0,04	0,836429	0,047923	0,961777	0,9904352
RP11-75C9.1	11,30	-0,05	0,983459	-0,04792	0,961782	0,9904352
RP11-572M11.3	0,93	-0,10	2,033003	-0,04791	0,961789	NA
ITGAV	154,97	0,05	1,055716	0,047842	0,961842	0,9904352
MLLT10P1	2,06	-0,14	2,949619	-0,04782	0,961861	NA
RHEB	444,25	0,03	0,699802	0,047791	0,961883	0,9904352
KRBA1	12,40	0,09	1,926068	0,047785	0,961887	0,9904352
RP11-1077A2.1	14,17	0,02	0,497579	0,047768	0,961901	0,9904352
RP5-1148A21.3	0,24	-0,16	3,382284	-0,04766	0,961984	NA
RP11-669N7.2	0,60	-0,15	3,109566	-0,04764	0,962001	NA
SLCO4C1	52,46	-0,03	0,656162	-0,04761	0,962024	0,9905065
TTY10	0,06	0,18	3,748196	0,047503	0,962112	NA
AC037445.1	0,32	0,17	3,579857	0,047444	0,96216	NA
CTD-2142D14.1	0,31	0,12	2,473258	0,047413	0,962184	NA
RP11-290F24.6	0,21	-0,16	3,381543	-0,04733	0,962251	NA
RP5-1096D14.6	2,33	-0,04	0,931094	-0,0473	0,962272	NA
AC023481.1	0,28	0,12	2,480116	0,04728	0,96229	NA
GJC3	3,41	0,15	3,102548	0,047263	0,962304	NA
TMEM52B	125,08	0,03	0,618417	0,047174	0,962374	0,9907872
SPATA4	28,18	0,04	0,79617	0,047129	0,96241	0,9907872
AC140481.1	44,50	0,07	1,560003	0,047037	0,962483	0,9907872
RP11-98J23.2	6,17	-0,12	2,53843	-0,047	0,962515	0,9907872

RN7SKP248	0,32	0,14	2,884717	0,046943	0,962559	NA
FAM153A	9,05	0,07	1,445217	0,046938	0,962563	0,9907872
MTERF1	96,87	0,04	0,941265	0,046749	0,962713	0,9908391
SPATA31A1	0,09	0,17	3,748196	0,046656	0,962787	NA
LFNG	219,92	-0,03	0,54933	-0,04665	0,96279	0,9908391
RP11-277P12.10	1,47	-0,08	1,79119	-0,04665	0,962796	NA
CH507-513H4.5	3335,04	-0,01	0,217118	-0,04662	0,962818	0,9908391
ARPP19	584,61	-0,02	0,532712	-0,04661	0,962826	0,9908391
ZNF438	64,40	0,06	1,342015	0,046495	0,962916	0,9908764
RP11-473D24.1	1,72	-0,10	2,21194	-0,04644	0,96296	NA
ZFP64	90,98	0,03	0,745892	0,046268	0,963097	0,9910081
CLCN4	41,64	0,08	1,801946	0,046185	0,963162	0,9910138
RP11-98G7.1	2,04	0,16	3,374007	0,046109	0,963223	NA
MPPE1	361,95	0,03	0,59354	0,046057	0,963265	0,9910138
RP11-103J17.2	0,10	0,17	3,747739	0,046046	0,963274	NA
PIAS3	192,62	-0,05	1,189283	-0,04589	0,963398	0,9910138
NLRP5	0,39	0,15	3,322466	0,045864	0,963419	NA
RP11-297C4.3	11,91	-0,04	0,912604	-0,04583	0,963445	0,9910138
RP11-284F21.10	1,75	0,12	2,623819	0,045804	0,963466	NA
HCFC2	104,31	0,05	1,174608	0,045743	0,963515	0,9910138
AP000356.2	8,53	0,04	0,789698	0,045712	0,96354	0,9910138
RPS4XP22	2,95	0,05	0,993661	0,045701	0,963549	NA
BAALC	0,51	-0,11	2,363774	-0,0457	0,963551	NA
AF011889.5	48,10	-0,06	1,388278	-0,04569	0,963556	0,9910138
DYRK1B	13,54	-0,06	1,264809	-0,04565	0,963592	0,9910138
C12orf43	117,90	0,02	0,542441	0,045616	0,963616	0,9910138
DEPDC1B	6,03	-0,08	1,82187	-0,04558	0,963641	0,9910138
TEKT2	3,59	0,04	0,943186	0,045548	0,963671	NA
SEPT10	1,77	-0,10	2,194675	-0,04552	0,963693	NA
RP11-340P19.1	7,01	0,09	1,874353	0,045498	0,96371	0,9910138
LA16c-360H6.3	0,18	-0,16	3,409217	-0,04547	0,96373	NA
DHX29	405,33	0,03	0,575568	0,045459	0,963742	0,9910138
WFDC11	26,12	0,04	0,873631	0,045319	0,963853	0,9910738
COX7B	772,15	0,01	0,262549	0,045207	0,963942	0,9910794
AC007040.11	13,33	0,05	1,049504	0,04517	0,963972	0,9910794
TDRD3	161,12	0,03	0,632944	0,045111	0,964018	0,9910794
BEND3	36,92	0,05	1,0839	0,0449	0,964187	0,9911198
RP11-520F9.2	10,52	-0,04	0,996143	-0,04489	0,964192	0,9911198
NDUFC2-KCTD14	104,45	0,04	0,861251	0,044859	0,96422	0,9911198
RNU6-789P	0,58	-0,11	2,378861	-0,04484	0,964233	NA
FBXO38	338,68	0,03	0,731178	0,044795	0,964271	0,9911198
RP11-363L24.3	1,97	-0,11	2,407173	-0,04475	0,964308	NA
FLYWCH2	84,36	-0,04	0,9093	-0,04465	0,96439	0,9911809
CTD-2313F11.1	10,12	-0,06	1,263247	-0,04459	0,964437	0,9911809
AC074183.3	3,18	-0,04	1,005383	-0,04458	0,964442	NA
HMGB1P8	5,39	-0,04	0,836082	-0,04441	0,964574	0,9912041
CDC25A	3,74	0,13	2,910125	0,044276	0,964685	NA
C2orf61	0,75	-0,07	1,646771	-0,04417	0,964768	NA
IGLV3-9	1,49	-0,12	2,616504	-0,04417	0,964769	NA
AC022007.5	11,99	-0,05	1,033308	-0,04414	0,964797	0,9912041

FAM200B	148,27	-0,03	0,613905	-0,04409	0,96483	0,9912041
FHIT	103,59	0,04	0,936417	0,044083	0,964838	0,9912041
WDR90	45,73	-0,03	0,659866	-0,04408	0,964842	0,9912041
CREBZF	188,66	0,03	0,639059	0,043959	0,964937	0,9912041
RP11-138C9.1	8,66	0,04	1,004231	0,043912	0,964975	0,9912041
AC068489.1	0,10	0,16	3,748196	0,043888	0,964994	NA
AE000658.31	5,76	-0,06	1,286785	-0,04381	0,965059	0,9912041
VAMP3	780,43	0,02	0,509182	0,043806	0,965059	0,9912041
RP11-455B3.1	0,49	0,09	1,993482	0,043793	0,965069	NA
ZC3H12C	19,46	-0,05	1,148168	-0,04376	0,965094	0,9912041
RN7SL217P	1,01	0,07	1,707786	0,043749	0,965104	NA
RP11-757G1.6	33,30	-0,05	1,251455	-0,04374	0,965115	0,9912041
CTD-2516F10.2	36,37	0,04	0,850018	0,043716	0,965131	0,9912041
DPY19L2P1	24,53	0,07	1,592278	0,043689	0,965152	0,9912041
RP11-431K24.1	22,65	-0,03	0,782936	-0,04353	0,965281	0,991282
RP11-475C16.1	3,97	-0,04	0,852294	-0,04343	0,965355	0,9913036
RP11-119B16.2	6,75	0,06	1,317775	0,043342	0,965429	0,9913129
RASGEF1B	1319,25	0,02	0,459961	0,043262	0,965493	0,9913129
AC145343.2	3,18	0,06	1,396723	0,043118	0,965607	NA
PKD1L1	3,18	0,12	2,691231	0,043117	0,965608	NA
NUP133	267,17	0,03	0,692018	0,043085	0,965634	0,9913129
HEMK1	351,23	-0,03	0,785803	-0,04298	0,965715	0,9913129
C1S	40,61	-0,03	0,637994	-0,04287	0,965805	0,9913129
RN7SL81P	0,19	-0,15	3,390381	-0,04281	0,965852	NA
RN7SL76P	7,29	0,05	1,254995	0,042786	0,965872	0,9913129
CEACAM6	0,12	0,16	3,747517	0,042758	0,965895	NA
AC010093.1	18,23	0,06	1,431074	0,042717	0,965927	0,9913129
RPL21P5	0,27	0,15	3,44206	0,042711	0,965932	NA
CNBD2	107,34	-0,04	0,994439	-0,04269	0,965952	0,9913129
RP11-400F19.6	15,90	0,08	1,978613	0,042661	0,965972	0,9913129
SF3A2	11,03	-0,04	0,85656	-0,04264	0,96599	0,9913129
TMCO4	103,54	-0,04	0,910568	-0,0426	0,96602	0,9913129
RP11-194N12.2	5,53	0,04	1,054687	0,042575	0,96604	0,9913129
PDCD6IP	902,90	-0,02	0,454207	-0,04247	0,966121	0,9913129
RP11-864J10.4	15,42	0,08	1,946819	0,042329	0,966236	0,9913129
AF254983.5	13,56	-0,07	1,624385	-0,04233	0,966237	0,9913129
SLC2A11	75,85	-0,03	0,752293	-0,04226	0,966294	0,9913129
SFMBT1	31,87	-0,06	1,394405	-0,04224	0,966308	0,9913129
RP11-461F11.2	30,38	-0,03	0,65448	-0,04221	0,966328	0,9913129
CYTH1	1300,66	0,01	0,344408	0,042153	0,966377	0,9913129
RP11-706F1.1	1,04	-0,06	1,437079	-0,0421	0,966421	NA
OBSL1	11,39	0,03	0,731573	0,041961	0,96653	0,9913529
RP5-1120P11.4	0,28	0,12	2,91777	0,041865	0,966606	NA
RP11-215P8.4	10,71	0,06	1,393171	0,041856	0,966613	0,9913529
ANO1	0,22	-0,16	3,745217	-0,04184	0,966628	NA
NCKAP5L	116,04	-0,03	0,602879	-0,04167	0,966761	0,9913529
SULT1C2P1	7,92	-0,04	0,874763	-0,04159	0,966823	0,9913529
CAMSAP3	0,66	0,15	3,664488	0,041583	0,966831	NA
RP11-502L5.2	0,19	-0,16	3,748196	-0,04155	0,966859	NA
BRMS1	482,62	-0,02	0,429811	-0,04151	0,966889	0,9913529

ERLEC1	257,08	0,02	0,528802	0,041493	0,966903	0,9913529
RP11-354K4.2	0,61	0,11	2,761409	0,041477	0,966916	NA
RNF115	352,08	0,02	0,530694	0,041452	0,966935	0,9913529
RP11-604N13.1	8,77	-0,03	0,657357	-0,04144	0,966942	0,9913529
GS1-484O17.5	9,40	0,04	1,066765	0,041422	0,966959	0,9913529
RP3-439I14.1	5,41	0,05	1,183043	0,04139	0,966985	0,9913529
RP11-498C9.3	27,00	0,03	0,749209	0,041369	0,967002	0,9913529
ZNF658	6,42	0,07	1,690065	0,041281	0,967071	0,9913695
RP4-796I8.1	0,71	0,15	3,727721	0,041117	0,967203	NA
PAIP2	1412,38	0,01	0,351532	0,041109	0,967209	0,9914562
HBG2	1,37	0,11	2,635299	0,04109	0,967224	NA
KBTBD2	567,06	-0,03	0,694462	-0,04094	0,967341	0,991537
RP5-855F14.1	0,56	0,07	1,589021	0,040919	0,96736	NA
RP11-109A6.2	0,65	0,07	1,64128	0,040915	0,967364	NA
GMFB	496,51	-0,02	0,605785	-0,04085	0,967417	0,9915437
HIGD1B	0,58	-0,13	3,134246	-0,04081	0,967449	NA
RP1-272L16.1	0,22	-0,14	3,389844	-0,04075	0,967493	NA
TEX30	92,18	0,05	1,321783	0,040748	0,967496	0,9915437
AC108676.1	45,06	-0,02	0,529301	-0,04073	0,967508	0,9915437
HSPA12A	79,60	0,03	0,645511	0,040582	0,967629	0,9915855
BCL7C	143,60	0,03	0,6489	0,040498	0,967696	0,9915855
SLCO1A2	4,07	-0,05	1,253432	-0,04048	0,967709	0,9915855
RP11-856B14.10	3,60	-0,03	0,72395	-0,04044	0,967745	NA
RP13-44L19.2	11,09	-0,07	1,671119	-0,04041	0,96777	0,991594
YBEY	71,56	-0,04	0,938474	-0,04032	0,967837	0,9916084
RP11-332J15.3	1,86	-0,09	2,240711	-0,0402	0,967932	NA
RN7SL861P	0,21	0,14	3,467148	0,040176	0,967953	NA
CYP4F43P	1,20	0,05	1,252256	0,040134	0,967986	NA
KIF20A	0,70	0,08	2,104303	0,040101	0,968012	NA
FAM83E	3,49	0,04	1,057994	0,039986	0,968105	NA
RP11-727F15.13	0,26	-0,15	3,748196	-0,03986	0,968208	NA
ICE2	264,85	-0,02	0,554554	-0,03983	0,968229	0,9918165
SLC3A2	1038,77	-0,02	0,461201	-0,03983	0,96823	0,9918165
MYLIP	684,04	-0,02	0,430874	-0,03982	0,968238	0,9918165
RP11-373N22.3	9,23	-0,06	1,453024	-0,03977	0,968275	0,9918165
YTHDC2	526,77	-0,02	0,463547	-0,03973	0,96831	0,9918165
LUM	0,19	0,15	3,748196	0,039727	0,96831	NA
RP11-424N24.2	0,37	-0,14	3,537583	-0,03971	0,968323	NA
RP3-508I15.14	4,68	-0,07	1,75159	-0,03966	0,96836	0,9918165
CTD-2033A16.3	10,42	0,07	1,817038	0,039536	0,968463	0,991835
VASH2	10,71	-0,03	0,818815	-0,03943	0,96855	0,991835
RP11-286N22.6	56,39	-0,03	0,879105	-0,03942	0,968556	0,991835
PAUPAR	27,51	-0,05	1,282685	-0,03937	0,968592	0,991835
AMY2B	134,37	0,03	0,649364	0,03916	0,968763	0,9918859
CD99L2	133,92	-0,05	1,150972	-0,03915	0,968772	0,9918859
RN7SL546P	14,47	-0,04	0,927732	-0,03911	0,968801	0,9918859
RP11-386B13.3	2,72	0,05	1,376451	0,039095	0,968815	NA
PRKACA	288,41	-0,01	0,335405	-0,03889	0,968981	0,9919834
POU2F3	4,57	0,03	0,832843	0,038858	0,969003	0,9919834
RNU6-998P	1,51	-0,11	2,91851	-0,03882	0,969035	NA

MROH5	0,98	-0,12	3,20112	-0,03879	0,969056	NA
RHCG	0,87	0,14	3,701984	0,038768	0,969076	NA
RP1-122P22.4	1,29	-0,08	2,110589	-0,03876	0,969081	NA
AC012123.1	0,58	-0,07	1,770109	-0,03872	0,96911	NA
CAPN12	43,48	-0,04	1,075809	-0,03872	0,969111	0,9920394
RP11-233H19.2	7,67	0,03	0,885275	0,038596	0,969212	0,9920882
SNORD17	3,12	0,08	2,014157	0,038485	0,969301	NA
RP11-402K9.1	7,23	-0,03	0,810047	-0,03848	0,969303	0,9921269
GNB3	0,07	0,14	3,748196	0,038472	0,969312	NA
PLEKHB1	0,28	0,14	3,743634	0,038289	0,969457	NA
IMP4	555,10	0,02	0,581004	0,038256	0,969484	0,992246
GPC5	0,02	-0,14	3,748121	-0,03823	0,969505	NA
RNU6-177P	0,55	-0,14	3,615281	-0,03813	0,969587	NA
KCNK9	0,02	-0,14	3,748196	-0,03803	0,969665	NA
LGR6	0,61	-0,09	2,38665	-0,03795	0,969725	NA
SDHAP1	116,31	0,03	0,857963	0,037953	0,969725	0,992246
BRD4	698,89	0,02	0,505597	0,037874	0,969788	0,992246
AC010733.4	5,57	-0,05	1,391239	-0,03782	0,969829	0,992246
SRP54	294,75	-0,02	0,417042	-0,0378	0,969847	0,992246
ZBTB11	575,18	-0,02	0,415226	-0,03772	0,969911	0,992246
SFR1	66,74	-0,03	0,865637	-0,0377	0,969928	0,992246
RP11-295I5.3	2,73	-0,11	2,797893	-0,03755	0,97005	NA
RP11-214K3.24	8,69	0,04	1,012132	0,037417	0,970153	0,992246
LINC00473	2,02	-0,11	3,004808	-0,03735	0,970207	NA
ASIC3	2,50	-0,10	2,722822	-0,03734	0,970211	NA
BZW2	776,24	0,02	0,505986	0,037333	0,970219	0,992246
CTD-3193O13.1	0,43	0,14	3,745821	0,037243	0,970291	NA
SEH1L	408,33	0,02	0,466357	0,037222	0,970308	0,992246
RF00072	0,11	0,14	3,748196	0,037215	0,970313	NA
RP4-760C5.5	31,28	0,04	0,980576	0,037177	0,970344	0,992246
RP11-692C24.2	10,01	0,05	1,214158	0,037157	0,97036	0,992246
CARF	64,48	-0,03	0,87064	-0,03705	0,970442	0,992246
DBT	202,63	-0,03	0,773998	-0,03705	0,970442	0,992246
QDPR	286,86	0,04	0,975817	0,037035	0,970457	0,992246
GTF2H2	95,74	0,03	0,6901	0,037017	0,970471	0,992246
OR6U2P	9,29	-0,03	0,851573	-0,03697	0,970513	0,992246
CPT1C	27,52	0,03	0,776494	0,036962	0,970515	0,992246
RP3-364I1.3	1,23	-0,04	0,999594	-0,03687	0,970589	NA
RP11-96H19.1	21,82	0,06	1,557301	0,036829	0,970622	0,992246
RP11-177B4.1	8,16	0,03	0,763405	0,03669	0,970732	0,992246
ARID4A	657,11	0,02	0,473163	0,036626	0,970783	0,992246
PDPN	7,64	-0,02	0,663296	-0,03661	0,970795	0,992246
RP11-388P9.2	0,28	-0,13	3,671707	-0,03656	0,970837	NA
LONRF2	8,65	-0,03	0,829822	-0,03655	0,970842	0,992246
TMEM192	449,33	0,03	0,749406	0,036489	0,970892	0,992246
CCDC28A	325,13	-0,03	0,736848	-0,03642	0,970947	0,992246
CTA-363E6.3	7,54	-0,03	0,90518	-0,03642	0,970949	0,992246
RP11-96O20.2	4,76	-0,04	1,053882	-0,03641	0,970953	0,992246
MLLT6	218,04	-0,02	0,636579	-0,03634	0,971008	0,992246
OR1S1	0,53	0,11	3,073402	0,03632	0,971027	NA

AC002451.3	7,18	-0,05	1,420143	-0,03623	0,971098	0,992246
TMEFF2	0,69	0,11	3,066264	0,036216	0,971111	NA
LTBR	614,71	0,02	0,51623	0,036186	0,971134	0,992246
PTRF	13,02	-0,02	0,526805	-0,03618	0,971136	0,992246
RP1-140K8.5	24,82	0,04	0,980994	0,036149	0,971164	0,992246
STK38	644,97	-0,01	0,402245	-0,03613	0,97118	0,992246
CTD-2349P21.10	1,63	0,05	1,337193	0,036119	0,971188	NA
CH17-118O6.3	0,06	0,14	3,748196	0,036094	0,971207	NA
WDR46	353,36	-0,02	0,487048	-0,03598	0,971296	0,9923103
LRRC2-AS1	0,39	0,12	3,410998	0,035845	0,971406	NA
CTA-298G8.2	0,08	0,13	3,748196	0,035804	0,971438	NA
RP11-597D13.7	3,32	-0,03	0,966651	-0,0358	0,97144	NA
RP11-106M7.1	21,83	0,02	0,676464	0,035697	0,971524	0,9924626
RP11-175P19.2	0,05	0,13	3,748196	0,035669	0,971546	NA
RP11-344P13.4	0,09	0,13	3,748196	0,035662	0,971552	NA
PHKA2	258,83	-0,02	0,615586	-0,03561	0,97159	0,9924626
CPA4	2,46	0,04	1,098659	0,035569	0,971626	NA
MEFV	250,58	0,01	0,413511	0,035538	0,971651	0,9924626
DCTN6	255,34	-0,02	0,615488	-0,03553	0,971658	0,9924626
MIR1254-1	3,13	0,06	1,644001	0,035524	0,971662	NA
RNU6-402P	0,12	0,13	3,748196	0,03544	0,971729	NA
RP3-395M20.2	0,23	0,13	3,748196	0,035379	0,971778	NA
RP11-507J18.2	0,89	-0,07	1,849347	-0,03534	0,97181	NA
CROT	107,85	-0,03	0,878054	-0,0353	0,971841	0,9925439
CDRT4	5,66	-0,06	1,645884	-0,03529	0,971845	0,9925439
RP11-579D7.1	0,08	0,13	3,748196	0,035231	0,971895	NA
RP11-410A13.1	1,34	0,09	2,582501	0,035203	0,971918	NA
CTC-529I10.1	15,87	-0,04	0,998674	-0,03514	0,971967	0,9926113
RP11-312H15.2	0,06	0,13	3,748196	0,03513	0,971976	NA
RP11-386G11.3	0,07	0,13	3,748196	0,035038	0,97205	NA
WNT1	0,07	0,13	3,748196	0,035016	0,972067	NA
RNU6-272P	2,21	0,12	3,374165	0,035009	0,972073	NA
PAX6	31,33	0,02	0,713077	0,034986	0,972091	0,9926113
ADORA1	0,07	0,13	3,748196	0,034954	0,972117	NA
RP11-77H9.8	0,45	0,13	3,745756	0,034815	0,972228	NA
RP11-63E9.1	16,77	-0,06	1,674244	-0,03481	0,972229	0,9926113
RP11-556I14.2	0,08	0,13	3,748196	0,034745	0,972283	NA
RNU1-56P	0,08	0,13	3,748196	0,034735	0,972291	NA
RP4-803A2.1	0,10	0,13	3,748196	0,034693	0,972325	NA
RP5-933K21.3	0,09	0,13	3,748196	0,034669	0,972344	NA
RP4-644F6.3	56,91	-0,02	0,641969	-0,03467	0,972347	0,9926113
SPTLC2	2017,78	0,02	0,516143	0,034635	0,97237	0,9926113
OR10Y1P	0,08	0,13	3,748196	0,034635	0,972371	NA
DGKH	119,72	-0,02	0,721935	-0,03463	0,972376	0,9926113
CTA-440B3.1	0,07	0,13	3,748196	0,034614	0,972387	NA
GSTM2	230,72	0,02	0,64118	0,034572	0,972421	0,9926113
USP32	348,50	-0,02	0,579009	-0,03455	0,972436	0,9926113
LYSMD2	377,18	0,02	0,631811	0,034537	0,972449	0,9926113
RP11-234K24.3	4,17	-0,04	1,143922	-0,03453	0,972451	0,9926113
RP11-436M15.1	0,06	0,13	3,748196	0,034532	0,972453	NA

OR10J8P	0,12	0,13	3,748196	0,034519	0,972463	NA
RP11-439E19.9	2,36	0,05	1,36104	0,034507	0,972473	NA
CTD-3179P9.1	0,10	0,13	3,748196	0,034499	0,972479	NA
RP11-66H6.4	0,07	0,13	3,748196	0,03448	0,972495	NA
CTA-972D3.2	9,59	-0,03	0,993458	-0,03448	0,972498	0,9926113
RP11-158M2.3	0,08	0,13	3,748196	0,034442	0,972525	NA
CTC-506B8.1	0,07	0,13	3,748196	0,034403	0,972556	NA
SLC34A3	0,06	0,13	3,748196	0,034392	0,972564	NA
VAC14	273,46	-0,02	0,683696	-0,03435	0,972598	0,992659
RP1-97J1.2	0,08	0,13	3,748196	0,034313	0,972627	NA
AF015720.3	0,07	0,13	3,748196	0,034287	0,972648	NA
TOP3B2	0,09	0,13	3,748196	0,034282	0,972652	NA
VAMP4	165,44	-0,03	0,91084	-0,03425	0,972676	0,9926848
RP11-4M23.4	0,06	0,13	3,748196	0,034232	0,972692	NA
PRH2	0,06	0,13	3,748196	0,034224	0,972698	NA
AC104654.2	0,10	0,13	3,748196	0,034207	0,972712	NA
RP11-16P13.1	0,06	0,13	3,748196	0,034196	0,972721	NA
RN7SL582P	3,45	0,06	1,676787	0,034192	0,972724	NA
RP11-627H22.3	0,08	0,13	3,748196	0,034173	0,97274	NA
CTD-2375G15.1	0,07	0,13	3,748196	0,034171	0,972741	NA
RP11-170M17.1	0,08	0,13	3,748196	0,034162	0,972748	NA
AC002472.8	0,06	0,13	3,748196	0,034161	0,972748	NA
AC007790.4	2,87	0,06	1,847739	0,034142	0,972764	NA
RNA5SP308	0,11	0,13	3,748196	0,034134	0,97277	NA
RP1-20C7.6	1,49	0,09	2,64968	0,034011	0,972869	NA
FAM187B	0,08	0,13	3,748196	0,033991	0,972884	NA
HTATIP2	355,13	-0,03	0,872388	-0,03397	0,972905	0,9927594
CTB-5E10.3	6,44	-0,04	1,049687	-0,03396	0,972907	0,9927594
SV2A	13,77	-0,03	0,737221	-0,03396	0,97291	0,9927594
CTC-512J14.6	0,07	0,13	3,748196	0,033951	0,972916	NA
KPNA7	0,08	0,13	3,748196	0,0339	0,972957	NA
RP11-363E7.3	0,06	0,13	3,748196	0,033889	0,972966	NA
RP11-325L7.1	0,09	0,13	3,748196	0,033876	0,972976	NA
RP11-438D8.4	1,17	-0,07	2,075245	-0,03387	0,97298	NA
AC007256.5	0,07	0,13	3,748196	0,03387	0,972981	NA
RP11-367N14.3	0,08	0,13	3,748196	0,033869	0,972981	NA
RP11-383B4.4	0,07	0,13	3,748196	0,033866	0,972984	NA
KIAA0895	2,87	0,06	1,747756	0,033863	0,972986	NA
RASD2	0,25	0,13	3,748196	0,03386	0,972989	NA
AC006026.12	0,06	0,13	3,748196	0,033845	0,973001	NA
RP11-117D22.1	0,11	0,13	3,748196	0,033845	0,973001	NA
RP11-164N3.3	0,05	0,13	3,748196	0,033845	0,973001	NA
CTC-297N7.1	0,08	0,13	3,748196	0,033842	0,973003	NA
IGHV4-28	0,10	0,13	3,748196	0,033841	0,973004	NA
RP11-243J18.3	0,07	0,13	3,748196	0,033813	0,973027	NA
AF131215.4	0,06	0,13	3,748196	0,033811	0,973028	NA
AC013437.4	0,06	0,13	3,748196	0,033806	0,973032	NA
AE000658.25	0,09	0,13	3,748196	0,033799	0,973038	NA
RHO	0,12	0,13	3,748196	0,033797	0,973039	NA
IGKV1-16	0,10	0,13	3,748196	0,033782	0,973051	NA

RP11-47J17.2	0,72	0,06	1,63998	0,033754	0,973073	NA
RP11-532F6.4	0,07	0,13	3,748196	0,03375	0,973077	NA
PKD1L3	0,11	0,13	3,748196	0,033745	0,973081	NA
RP13-582O9.6	0,11	0,13	3,748196	0,033722	0,973099	NA
TBC1D3E	0,07	0,13	3,748196	0,033706	0,973112	NA
CTC-559E9.9	0,07	0,13	3,748196	0,033693	0,973122	NA
RNA5SP283	0,07	0,13	3,748196	0,033689	0,973125	NA
CENPJ	55,05	-0,05	1,504986	-0,03366	0,973151	0,9929518
RP11-889L3.3	0,09	0,13	3,748196	0,033654	0,973153	NA
RP13-137A17.4	0,12	0,13	3,748196	0,03365	0,973156	NA
RNU7-79P	0,07	0,13	3,748196	0,033645	0,97316	NA
RP4-635A23.3	0,06	0,13	3,748196	0,033644	0,973161	NA
AC093627.7	0,12	0,13	3,748196	0,033626	0,973175	NA
RP4-798A17.5	0,07	0,13	3,748196	0,033598	0,973198	NA
ADAM1A	0,06	0,13	3,748196	0,033591	0,973204	NA
CTC-137K3.1	0,11	0,13	3,748196	0,033579	0,973213	NA
RP11-90K18.1	0,06	0,13	3,748196	0,033567	0,973222	NA
RP11-414H17.5	0,09	0,13	3,748196	0,033561	0,973228	NA
RP11-126O22.11	0,11	0,13	3,748196	0,033543	0,973242	NA
RP11-1084J3.3	0,05	0,13	3,748196	0,033539	0,973244	NA
RP3-418A9.3	0,08	0,13	3,748196	0,033524	0,973256	NA
ALX1	0,08	0,13	3,748196	0,033511	0,973267	NA
RP11-863P13.5	0,08	0,13	3,748196	0,033506	0,973271	NA
CXCL11	0,08	0,13	3,748196	0,033503	0,973274	NA
SNORA31	27,03	-0,03	0,81094	-0,0335	0,973274	0,9929982
CERKL	906,17	0,01	0,309344	0,033465	0,973304	0,9929982
HRASLS2	0,07	0,13	3,748196	0,033464	0,973305	NA
RP11-133N21.7	0,08	0,13	3,748196	0,033447	0,973318	NA
OR2W6P	0,08	0,13	3,748196	0,033446	0,973319	NA
RP11-201O14.1	0,07	0,13	3,748196	0,033438	0,973325	NA
AC105461.1	0,08	0,13	3,748196	0,03343	0,973331	NA
AC090044.1	1,06	-0,05	1,51303	-0,0334	0,973354	NA
RPL5P30	0,09	0,13	3,748196	0,033388	0,973366	NA
RP11-309I15.2	0,11	0,13	3,748196	0,033355	0,973392	NA
AP001432.11	0,08	0,12	3,748196	0,033349	0,973396	NA
AC094019.4	0,05	0,12	3,748196	0,033334	0,973408	NA
RP5-940J5.3	0,09	0,12	3,748196	0,03327	0,973459	NA
CTD-2542C24.14	0,09	0,12	3,748196	0,03326	0,973467	NA
AC016831.3	0,05	0,12	3,748196	0,033259	0,973468	NA
RP11-533E19.2	0,05	0,12	3,748196	0,033235	0,973488	NA
RP11-769N19.2	0,08	0,12	3,748196	0,033229	0,973492	NA
RP11-492D6.2	0,11	0,12	3,748196	0,033229	0,973492	NA
RP11-43P8.2	0,05	0,12	3,748196	0,033201	0,973514	NA
RPL15P1	0,07	0,12	3,748196	0,0332	0,973515	NA
AC007919.19	0,11	0,12	3,748196	0,033163	0,973545	NA
RP11-126O22.3	0,09	0,12	3,748196	0,033151	0,973554	NA
RP11-97E23.3	0,09	0,12	3,748196	0,033117	0,973581	NA
RP11-802F5.1	0,08	0,12	3,748196	0,033102	0,973593	NA
TRAV39	0,06	0,12	3,748196	0,033096	0,973598	NA
CTC-539A10.4	300,05	0,02	0,56623	0,033071	0,973618	0,9931731

RP11-119K6.6	0,09	0,12	3,748196	0,033055	0,97363	NA
AP000688.29	41,45	-0,02	0,755287	-0,03305	0,973632	0,9931731
CTHRC1	0,14	0,12	3,748196	0,033052	0,973633	NA
POLB	177,09	0,02	0,543438	0,033049	0,973635	0,9931731
RN7SL151P	0,07	0,12	3,748196	0,033048	0,973636	NA
RP11-117N4.1	0,08	0,12	3,748196	0,03302	0,973659	NA
RP11-385F5.4	0,08	0,12	3,748196	0,033008	0,973668	NA
CTD-2252P21.1	0,07	0,12	3,748196	0,032959	0,973707	NA
RP11-561N12.7	0,07	0,12	3,748196	0,032959	0,973707	NA
RP3-481F12.4	0,09	0,12	3,748196	0,032955	0,97371	NA
C10orf113	0,06	0,12	3,748196	0,032866	0,973781	NA
CTD-3148I10.15	0,06	0,12	3,748196	0,032862	0,973785	NA
RP11-265N6.1	39,69	0,03	0,934572	0,03286	0,973786	0,9932729
AC090516.1	0,10	0,12	3,748196	0,032853	0,973792	NA
AC107218.2	0,12	0,12	3,748196	0,032822	0,973816	NA
RN7SKP173	0,08	0,12	3,748196	0,032817	0,973821	NA
RP11-934B9.3	0,11	0,12	3,748196	0,03279	0,973842	NA
AC006077.3	2,51	-0,05	1,438174	-0,03278	0,973853	NA
CTB-76P12.1	0,11	0,12	3,748196	0,032731	0,973889	NA
SRGAP1	321,55	-0,03	1,002855	-0,03271	0,973909	0,9932857
RP11-431M3.2	0,11	0,12	3,748196	0,032704	0,973911	NA
AP001065.6	0,09	0,12	3,748196	0,032696	0,973917	NA
RP5-1065J22.2	0,06	0,12	3,748196	0,032664	0,973942	NA
RP11-734E19.1	0,09	0,12	3,748196	0,032615	0,973982	NA
RP11-38G5.4	0,08	0,12	3,748196	0,032601	0,973993	NA
ZGLP1	60,87	-0,04	1,128577	-0,0326	0,973996	0,9932857
RP11-530N7.3	0,08	0,12	3,748196	0,032583	0,974007	NA
SLC22A7	0,01	-0,12	3,74775	-0,03257	0,974017	NA
RP1-231P7P.1	0,08	0,12	3,748196	0,032518	0,974059	NA
RP5-1096D14.3	0,07	0,12	3,748196	0,0325	0,974073	NA
CEP57L1	60,85	-0,03	0,920504	-0,03248	0,974086	0,9932857
ZFAND5	3483,74	-0,01	0,275796	-0,03245	0,97411	0,9932857
ZNF516	423,42	-0,02	0,583145	-0,03244	0,974119	0,9932857
RP11-266K4.14	4,67	-0,04	1,30063	-0,03244	0,974119	0,9932857
RP11-447H19.3	0,08	0,12	3,748196	0,03243	0,97413	NA
RP11-10J21.4	0,08	0,12	3,748196	0,032382	0,974167	NA
RP11-301H24.3	0,11	0,12	3,748196	0,032369	0,974178	NA
CTC-241F20.3	70,93	0,03	0,940192	0,032347	0,974195	0,9933088
RF00599	0,09	0,12	3,748196	0,032255	0,974269	NA
RP11-335I12.2	0,06	0,12	3,748196	0,03224	0,97428	NA
RP11-864N7.2	0,52	0,08	2,334485	0,03223	0,974289	NA
RP11-548L20.1	0,08	0,12	3,748196	0,032223	0,974294	NA
RP11-770J1.7	0,05	0,12	3,748196	0,032207	0,974307	NA
SRCIN1	13,93	0,04	1,354983	0,032201	0,974312	0,9933437
CCNC	363,52	0,02	0,652168	0,03217	0,974336	0,9933437
RP11-407G23.7	0,08	0,12	3,748196	0,03215	0,974352	NA
AC091493.2	0,09	0,12	3,748196	0,032127	0,974371	NA
RP5-1028K7.3	0,11	0,12	3,748196	0,0321	0,974392	NA
TMEM102	21,19	-0,05	1,559875	-0,03208	0,974405	0,9933591
TRPM5	0,51	-0,11	3,56058	-0,03196	0,974507	NA

CTD-2339M3.1	0,09	0,12	3,748196	0,031949	0,974513	NA
RP11-480I12.9	3,31	-0,04	1,292711	-0,03191	0,974547	NA
RP11-855A2.1	34,59	0,02	0,66333	0,03187	0,974576	0,9933993
RP1-111D6.4	0,11	0,12	3,748196	0,031841	0,974599	NA
KIAA1549	29,22	0,03	0,80164	0,031817	0,974618	0,9933993
RP11-757A13.1	0,12	0,12	3,748196	0,031785	0,974644	NA
RP5-902P8.12	6,63	-0,03	0,99205	-0,03171	0,9747	0,9933993
RP11-126O22.6	0,06	0,12	3,748196	0,031632	0,974766	NA
CHGA	0,09	0,12	3,748196	0,031598	0,974792	NA
RP11-485M7.2	5,23	-0,06	1,878522	-0,03159	0,974798	0,9933993
RP11-1055B8.3	0,05	0,12	3,748196	0,031552	0,97483	NA
PRKD3	527,17	-0,02	0,638383	-0,03151	0,974859	0,9933993
CTD-2162K18.4	4,65	0,03	0,990791	0,031482	0,974885	0,9933993
NCBP2	426,45	0,02	0,568844	0,031475	0,974891	0,9933993
RP11-179A7.2	0,06	0,12	3,748196	0,031373	0,974972	NA
UBE2Q1	359,06	0,02	0,633381	0,031347	0,974993	0,9933993
CTC-510F12.4	30,30	-0,05	1,697711	-0,03132	0,975011	0,9933993
RP11-284A20.3	1,04	0,08	2,576342	0,03131	0,975022	NA
RP11-1H8.5	100,50	0,02	0,620598	0,031297	0,975033	0,9933993
CTC-296K1.3	1,39	0,07	2,362118	0,031258	0,975064	NA
DBIL5P	0,04	0,12	3,747888	0,03124	0,975078	NA
RP11-421L21.3	25,34	-0,05	1,562306	-0,03121	0,975099	0,9933993
UNC5CL	11,03	0,08	2,493157	0,031153	0,975147	0,9933993
ADH5	418,08	-0,02	0,608463	-0,03112	0,975177	0,9933993
FRMPD1	1,47	0,04	1,419923	0,031096	0,975193	NA
AC068533.7	26,57	-0,05	1,483858	-0,03103	0,975242	0,9933993
TBC1D4	206,55	0,03	0,880294	0,03103	0,975245	0,9933993
RP1-172N19.2	0,11	0,12	3,748196	0,031022	0,975252	NA
AP000343.2	0,09	0,12	3,748196	0,030979	0,975286	NA
RBAK-RBAKDN	0,07	0,12	3,748196	0,030954	0,975306	NA
SMARCB1	271,50	-0,02	0,51518	-0,0309	0,975348	0,9934494
RP11-901L6.1	1,47	0,04	1,219521	0,030811	0,97542	NA
LINC01348	15,52	0,03	1,0656	0,030803	0,975426	0,9934749
RP11-303E16.5	0,42	-0,06	1,813163	-0,03071	0,975502	NA
COL6A4P1	0,28	-0,11	3,618325	-0,0307	0,975513	NA
RP11-597G23.1	5,72	-0,03	1,086244	-0,03055	0,97563	0,9935035
RP11-81N13.1	4,98	0,03	0,94894	0,030544	0,975634	0,9935035
SDHAF3	139,13	-0,03	1,008341	-0,03052	0,975653	0,9935035
RP11-158H5.8	0,44	0,09	3,067073	0,030506	0,975663	NA
DNPEP	543,56	0,01	0,433046	0,0305	0,975668	0,9935035
RP11-234B24.6	0,57	0,09	3,074001	0,030476	0,975688	NA
RN7SL477P	1,79	0,05	1,612426	0,030397	0,975751	NA
RN7SL827P	3,01	0,04	1,433068	0,030311	0,975819	NA
RP11-405K6.1	0,07	0,11	3,748196	0,030204	0,975904	NA
CTD-2340D6.1	7,59	0,02	0,725289	0,0302	0,975908	0,9936932
HNRNPA1P6	0,41	-0,07	2,344984	-0,03019	0,975919	NA
RN7SL58P	1,20	-0,06	2,057613	-0,03018	0,975921	NA
RRP1B	167,95	0,02	0,606852	0,030126	0,975967	0,9936989
RP11-253E3.3	2,36	0,03	1,005554	0,030062	0,976018	NA
PCBP4	0,60	-0,07	2,429756	-0,03005	0,976026	NA

TINAGL1	16,48	-0,02	0,773411	-0,02989	0,976155	0,9937769
TIGD1	700,36	0,01	0,270334	0,02986	0,976179	0,9937769
HIST2H3PS2	0,07	0,11	3,748196	0,029809	0,97622	NA
RP11-298D21.1	0,18	-0,08	2,827041	-0,02977	0,97625	NA
RPL27A	7529,86	0,01	0,284353	0,029763	0,976256	0,9937769
RFX3	395,05	-0,03	0,916223	-0,02976	0,976257	0,9937769
AC009095.4	0,63	0,07	2,44892	0,02949	0,976474	NA
KIAA0141	494,33	0,01	0,327301	0,029425	0,976525	0,9938752
YTHDF3	643,32	0,02	0,585265	0,029411	0,976537	0,9938752
KLK11	4,52	-0,02	0,704758	-0,02936	0,976578	0,9938752
RP1-249H1.4	39,24	-0,03	0,943042	-0,02928	0,976645	0,9938752
RP11-242D8.1	550,77	-0,01	0,500723	-0,02927	0,97665	0,9938752
C11orf80	31,90	-0,04	1,258194	-0,02924	0,976674	0,9938752
AC068057.2	0,03	-0,11	3,748196	-0,02907	0,976809	NA
RP4-591C20.9	21,85	-0,05	1,738299	-0,02894	0,976913	0,9940066
RP11-565J7.3	1,82	-0,02	0,860775	-0,02889	0,976952	NA
YME1L1	874,45	-0,01	0,210766	-0,02887	0,97697	0,9940066
BCL2L12	25,61	-0,04	1,276479	-0,02879	0,977036	0,9940066
PRPF38A	524,68	0,02	0,629325	0,028752	0,977063	0,9940066
RP11-43P5.3	0,59	0,10	3,62886	0,028711	0,977095	NA
TMEM120B	95,44	0,02	0,757636	0,028676	0,977123	0,9940066
RP11-837J7.4	23,19	0,06	1,926331	0,028618	0,977169	0,9940066
RP11-380G5.3	106,65	0,03	0,923997	0,028542	0,97723	0,9940066
ALDH8A1	12,40	-0,03	0,967819	-0,02854	0,977231	0,9940066
RP11-574K11.32	213,37	-0,03	0,966618	-0,02845	0,977305	0,9940184
UTP15	149,75	-0,03	1,072984	-0,02826	0,977456	0,9940184
HSPH1	470,69	0,02	0,567043	0,02825	0,977463	0,9940184
SND1	610,87	0,01	0,45566	0,028201	0,977502	0,9940184
REC8	181,71	0,02	0,705976	0,028192	0,977509	0,9940184
RP11-1H8.2	0,50	0,06	2,311591	0,027987	0,977673	NA
RP5-1012F16.1	1,46	0,04	1,446782	0,027976	0,977682	NA
ANKEF1	101,00	0,02	0,712374	0,02785	0,977781	0,9942105
NCRNA00102	1,30	-0,04	1,500777	-0,02782	0,977802	NA
AC018890.1	444,31	0,01	0,303	0,027767	0,977848	0,9942105
NCEH1	226,34	-0,02	0,776852	-0,02775	0,977858	0,9942105
RP11-558A11.1	0,44	0,10	3,599478	0,027676	0,97792	NA
RN7SL270P	0,47	0,07	2,620297	0,027652	0,97794	NA
FBXO39	0,06	0,10	3,748196	0,027634	0,977954	NA
RP11-128A6.1	1,85	0,07	2,662314	0,027605	0,977977	NA
RP11-805I24.1	9,02	-0,02	0,847266	-0,02753	0,978037	0,9942198
AC022816.2	1,35	0,05	1,823469	0,027517	0,978047	NA
POMZP3	58,94	0,03	1,06006	0,027382	0,978155	0,9942198
AC079776.3	9,49	-0,02	0,671112	-0,02738	0,978158	0,9942198
RP11-195F19.5	12,19	-0,04	1,441292	-0,02735	0,978182	0,9942198
IL9R	0,32	0,10	3,746584	0,027243	0,978266	NA
MIR548E	0,35	-0,10	3,592335	-0,02718	0,978317	NA
SFTPD	0,05	0,10	3,748196	0,027179	0,978317	NA
LPAR6	548,55	0,01	0,381013	0,027179	0,978317	0,9942198
ACOT6	0,09	0,10	3,748196	0,027148	0,978341	NA
RP11-355O1.11	1,45	0,03	1,118872	0,027095	0,978384	NA

IFFO1	396,25	0,02	0,684088	0,027055	0,978416	0,9942198
RP11-314N14.1	2,57	-0,06	2,093697	-0,02704	0,978425	NA
CTBP1	450,28	-0,01	0,351425	-0,02703	0,978434	0,9942198
FRG1DP	4,14	0,04	1,341506	0,027	0,978459	0,9942198
RP11-403I13.5	14,94	-0,05	1,730891	-0,02687	0,978562	0,9942198
SNX5	993,03	-0,01	0,484801	-0,02686	0,978575	0,9942198
TDRD6	31,28	-0,06	2,074089	-0,02682	0,978601	0,9942198
RP11-981G7.6	4,95	0,07	2,466006	0,026762	0,978649	0,9942198
RP11-101C11.1	0,27	-0,10	3,746286	-0,02674	0,978667	NA
LTB4R	422,66	0,01	0,425046	0,026708	0,978692	0,9942198
SUSD5	6,38	0,04	1,501921	0,026682	0,978713	0,9942198
RP11-40020.4	7,10	0,07	2,619059	0,02668	0,978715	0,9942198
CEP135	198,72	0,01	0,512327	0,026638	0,978749	0,9942198
TMEM55B	304,47	-0,01	0,541271	-0,02657	0,978806	0,9942198
RP11-45P15.4	3,47	0,07	2,79752	0,026534	0,978831	NA
RP11-454P21.1	9,39	-0,06	2,328132	-0,02648	0,978875	0,9942198
ZNF180	39,98	-0,02	0,912792	-0,02647	0,978883	0,9942198
RP11-624L12.1	1,49	-0,03	1,107824	-0,02639	0,978944	NA
TUBB8	0,02	-0,10	3,748196	-0,02634	0,978985	NA
RP11-341G5.3	0,64	-0,08	3,050112	-0,02633	0,978995	NA
MIA3	477,68	-0,01	0,517581	-0,02612	0,979164	0,9942687
BEST1	1971,72	0,01	0,213409	0,026115	0,979166	0,9942687
CABP1	14,20	-0,03	0,965398	-0,0261	0,979177	0,9942687
RP11-629B11.5	2,27	-0,06	2,48943	-0,02605	0,979216	NA
CTD-2023J5.1	0,40	-0,06	2,279082	-0,02603	0,979232	NA
RP3-340B19.5	53,10	-0,05	1,738571	-0,02598	0,979274	0,9942687
GLULP5	49,61	0,02	0,950062	0,025736	0,979468	0,9942687
SYNJ2BP	409,63	-0,02	0,769757	-0,02565	0,979537	0,9942687
SEP15	1219,01	0,01	0,36894	0,025621	0,97956	0,9942687
RP11-554O1.1	0,69	-0,04	1,547461	-0,0256	0,979577	NA
HEBP1	168,73	-0,02	0,873964	-0,02559	0,979584	0,9942687
RP4-671O14.6	171,02	0,01	0,542418	0,025492	0,979662	0,9942687
PIGA	99,32	0,02	0,973811	0,025472	0,979678	0,9942687
MYO15A	54,51	-0,02	0,629733	-0,02525	0,979853	0,9942687
CDC7	40,16	0,04	1,605793	0,025252	0,979854	0,9942687
LRAT	14,48	0,02	0,811702	0,025208	0,979889	0,9942687
RP1-292B18.3	0,96	-0,04	1,50391	-0,02519	0,979904	NA
DNAJC25-GNG10	120,53	-0,03	1,281947	-0,02519	0,979905	0,9942687
IFIT2	456,72	0,02	0,929734	0,025166	0,979922	0,9942687
MAMSTR	0,08	0,09	3,748196	0,025159	0,979928	NA
RN7SL678P	0,83	0,09	3,702937	0,025135	0,979947	NA
AGO4	928,65	0,01	0,538267	0,02503	0,980031	0,9942687
RP11-275N1.1	0,37	-0,09	3,552325	-0,02488	0,98015	NA
RP11-445H22.4	0,06	0,09	3,748196	0,024805	0,980211	NA
RP11-164A7.1	324,67	-0,01	0,454447	-0,02473	0,980267	0,9942687
CTC-420A11.2	2,36	0,03	1,290069	0,024719	0,980279	NA
AHDC1	33,48	0,02	0,655395	0,024685	0,980306	0,9942687
RP11-7D5.2	0,59	0,04	1,602473	0,024662	0,980325	NA
SNTA1	2,24	0,08	3,430996	0,024638	0,980344	NA
RP11-532M24.1	1,15	-0,07	2,890024	-0,02459	0,980382	NA

IKBKB	565,62	0,01	0,469394	0,024555	0,98041	0,9942687
GFOD1	77,05	-0,02	0,733799	-0,02455	0,980414	0,9942687
OR2T12	26,96	0,02	0,747047	0,024493	0,980459	0,9942687
RP11-399019.9	0,45	0,07	2,658026	0,024475	0,980474	NA
EIF4EBP1	1112,36	0,01	0,288746	0,024459	0,980487	0,9942687
MRPS6	473,97	-0,01	0,60992	-0,02445	0,980497	0,9942687
NRBP1	711,73	-0,01	0,336041	-0,02438	0,980547	0,9942687
HIST1H2BK	30,28	-0,04	1,453047	-0,02437	0,980555	0,9942687
PLA2R1	22,71	0,02	0,762976	0,024333	0,980587	0,9942687
PCGEM1	0,99	0,06	2,529946	0,024281	0,980628	NA
VLDLR	25,99	-0,02	0,722303	-0,02423	0,980665	0,9942687
AC002116.8	13,12	-0,05	1,994493	-0,02422	0,980674	0,9942687
CLEC9A	7,46	0,03	1,074824	0,024161	0,980724	0,9942687
MTERFD3	21,55	0,04	1,503807	0,024153	0,98073	0,9942687
SLC30A2	38,36	-0,01	0,480807	-0,02413	0,980747	0,9942687
TCHH	7,87	-0,08	3,188365	-0,0241	0,980776	0,9942687
SPICE1	94,38	0,03	1,273874	0,024095	0,980777	0,9942687
DUX4L9	1,11	-0,09	3,674455	-0,02409	0,980784	NA
ASB16	3,23	0,03	1,370079	0,024027	0,980831	NA
CA5A	91,23	-0,01	0,517349	-0,02402	0,980838	0,9942687
RP11-752G15.6	25,93	0,03	1,397268	0,023978	0,98087	0,9942687
GPATCH4	234,66	0,02	0,640659	0,023973	0,980874	0,9942687
DOCK4	35,50	-0,03	1,258045	-0,02386	0,980963	0,9942687
RPL7AP3	0,41	0,08	3,553732	0,023819	0,980997	NA
AK5	41,26	0,02	1,038316	0,023759	0,981045	0,9942687
SFXN1	127,86	-0,02	0,717429	-0,02376	0,981047	0,9942687
RP11-203M5.7	6,18	0,04	1,622939	0,023674	0,981113	0,9942687
GOLGB1	1674,37	0,01	0,440365	0,023604	0,981169	0,9942687
RP11-588L15.2	23,60	0,05	1,955292	0,023535	0,981224	0,9942687
RP11-298C2.1	46,65	0,03	1,125752	0,023373	0,981353	0,9942687
SH3BGR13	20743,81	0,00	0,172052	-0,02335	0,98137	0,9942687
RP11-110L15.1	40,79	-0,02	0,665058	-0,02334	0,981381	0,9942687
RP11-152D8.1	4,72	-0,03	1,092746	-0,02332	0,981397	0,9942687
RP11-21N3.1	692,97	-0,01	0,529822	-0,02326	0,981443	0,9942687
RP11-542B15.1	3,19	0,02	0,894856	0,023255	0,981447	NA
AC104135.2	2,25	-0,02	0,923695	-0,0231	0,981569	NA
RPS4XP17	0,42	-0,04	1,669502	-0,0231	0,981573	NA
NLRP8	1,67	0,03	1,233846	0,023026	0,98163	NA
OR2T2	0,09	0,09	3,748196	0,022999	0,981651	NA
SGCZ	0,03	-0,09	3,748196	-0,02299	0,981656	NA
NACAD	0,30	0,07	3,115727	0,022853	0,981768	NA
RP11-586D19.1	9,10	-0,01	0,633764	-0,02274	0,98186	0,9945957
RP11-863P13.2	8,74	0,03	1,389979	0,022653	0,981927	0,9945957
WIF1	0,01	-0,08	3,748085	-0,02262	0,981951	NA
ATG5	418,16	-0,02	0,705658	-0,02261	0,981965	0,9945957
RP11-10E18.2	1,79	0,06	2,681326	0,022596	0,981973	NA
RP1-309F20.3	0,04	-0,08	3,748196	-0,02256	0,982005	NA
AC007276.5	10,50	0,04	1,756231	0,022534	0,982022	0,9945957
RP1-225E12.2	56,06	-0,01	0,658692	-0,02252	0,982033	0,9945957
PTMAP5	1,01	0,03	1,335116	0,02248	0,982065	NA

KANK3	1,92	0,03	1,345356	0,022474	0,98207	NA
RP11-66B24.7	6,19	-0,02	0,880879	-0,02244	0,982098	0,9946072
RP11-12O16.1	7,76	0,04	1,86765	0,022301	0,982207	0,9946642
ATP9B	552,80	0,01	0,541624	0,022112	0,982359	0,9947451
LRRC1	9,27	0,02	1,076731	0,022067	0,982394	0,9947451
CTB-113P19.3	1,02	0,06	2,877908	0,021964	0,982477	NA
CTD-2021H9.3	0,50	0,06	2,638097	0,021919	0,982512	NA
RP11-757G14.4	10,09	0,03	1,160019	0,021886	0,982539	0,994798
DNAJC21	437,30	0,01	0,621689	0,021868	0,982554	0,994798
RP5-1051H14.1	3,68	0,04	1,605885	0,021847	0,98257	NA
RP11-795F19.5	0,33	0,08	3,465715	0,021826	0,982586	NA
DIAPH3	3,36	-0,03	1,188412	-0,0218	0,982607	NA
ITPK1-AS1	29,96	0,02	0,922629	0,021742	0,982654	0,9948453
PCMT1	761,07	0,01	0,453433	0,021604	0,982763	0,9948568
MTHFD1	289,68	-0,01	0,625443	-0,02151	0,982836	0,9948568
SGSM3	188,72	-0,02	0,726858	-0,02151	0,982841	0,9948568
KRT77	0,10	0,08	3,748196	0,021446	0,98289	NA
AC010504.2	1,64	-0,04	1,973778	-0,02144	0,982898	NA
CLIP2	103,08	-0,02	0,718347	-0,02142	0,982914	0,9948568
AKT3	128,57	-0,02	0,912294	-0,02139	0,982932	0,9948568
RP11-315E17.1	0,50	0,05	2,271063	0,021332	0,982981	NA
OTX2	0,04	-0,08	3,748196	-0,02132	0,982993	NA
YPEL1	51,90	0,02	1,063603	0,021141	0,983133	0,9949227
APC	457,68	-0,01	0,708954	-0,02114	0,983134	0,9949227
ARNT	357,24	0,01	0,710067	0,021057	0,9832	0,9949227
SNORD46	0,90	-0,04	2,087044	-0,02106	0,983201	NA
IGHV5-51	2,17	0,04	1,831675	0,021038	0,983216	NA
RP11-848P1.5	1,16	0,04	1,839075	0,021035	0,983218	NA
FAM98C	152,21	-0,01	0,714399	-0,02098	0,983259	0,9949227
AC006042.7	3,07	-0,04	2,005603	-0,02097	0,98327	NA
RP11-8P17.1	0,05	-0,08	3,747872	-0,02092	0,983306	NA
DNAH11	29,03	0,02	0,728333	0,020909	0,983318	0,9949227
AL096869.5	0,04	-0,08	3,748196	-0,02086	0,983354	NA
EXOC3L4	1,37	0,03	1,371131	0,020835	0,983377	NA
CLEC4C	5,08	0,02	0,876347	0,020833	0,983379	0,9949227
TMEM141	163,46	-0,01	0,539143	-0,02082	0,98339	0,9949227
LBH	23,03	-0,03	1,216571	-0,02076	0,983437	0,9949227
GNPTG	688,37	0,01	0,407027	0,020634	0,983538	0,9949227
NPAS3	6,85	0,04	1,801291	0,02053	0,98362	0,9949227
LINC00710	0,02	-0,08	3,748196	-0,0205	0,983648	NA
DEGS1	595,97	0,01	0,6244	0,020403	0,983722	0,9949227
IGHV4-39	0,56	-0,04	1,911203	-0,02039	0,983731	NA
USP43	21,49	-0,05	2,420106	-0,02038	0,983743	0,9949227
SCAMP3	625,85	0,01	0,564774	0,020351	0,983764	0,9949227
CAPN5	3,90	-0,02	0,893733	-0,02034	0,983776	0,9949227
CDT1	18,77	0,02	1,091999	0,020306	0,9838	0,9949227
OR2A7	0,05	0,08	3,748196	0,020292	0,983811	NA
CTD-2033A16.1	1,45	0,03	1,365579	0,020106	0,983959	NA
AC007040.5	5,90	-0,03	1,405098	-0,01987	0,984146	0,9952017
BACH1	1076,11	-0,01	0,370117	-0,01983	0,984183	0,9952017

RP11-295B17.5	0,84	0,06	3,17286	0,019794	0,984208	NA
CTNND2	0,14	0,07	3,747774	0,019588	0,984372	NA
CHORDC1	261,68	-0,01	0,591145	-0,01948	0,984459	0,9953954
IBA57-AS1	2,70	0,03	1,742621	0,019467	0,984469	NA
FRS3	12,24	0,02	0,815762	0,019362	0,984553	0,9953954
GHITM	2091,54	-0,01	0,409483	-0,01934	0,984566	0,9953954
TMED7-TICAM2	48,79	0,02	1,237128	0,019269	0,984627	0,9953954
TSPAN16	5,90	0,04	1,930247	0,019199	0,984682	0,9953954
DPYSL4	1,77	-0,06	3,005929	-0,0192	0,984683	NA
RP11-492M23.1	22,96	-0,02	0,800963	-0,01914	0,98473	0,9953954
OAZ2	690,69	0,01	0,675723	0,019116	0,984749	0,9953954
RP11-52B19.10	2,86	-0,02	0,868683	-0,01905	0,984801	NA
RP11-151E14.1	10,48	-0,04	1,997614	-0,01905	0,984805	0,9953981
C22orf15	0,04	-0,07	3,748196	-0,01897	0,984866	NA
AC084031.1	0,70	-0,04	2,173479	-0,01883	0,984977	NA
HAUS6	127,73	-0,01	0,729257	-0,01882	0,984983	0,9954059
CTRB1	0,90	0,03	1,461791	0,018813	0,984991	NA
THRA	7,88	-0,03	1,621208	-0,01874	0,985048	0,9954059
CTC-429C10.4	13,84	0,03	1,818552	0,018631	0,985135	0,9954059
TSC22D2	423,41	-0,01	0,684795	-0,01863	0,985139	0,9954059
RAP1GAP	0,37	0,06	3,291559	0,018622	0,985143	NA
AC068491.4	4,43	-0,02	1,073418	-0,01861	0,985152	0,9954059
ZEB1-AS1	3,74	0,03	1,638031	0,018519	0,985225	NA
SYBU	0,63	0,03	1,584162	0,018453	0,985278	NA
TBC1D19	4,41	0,03	1,475414	0,018427	0,985298	0,9954059
SRP9	1495,49	-0,01	0,356337	-0,01842	0,985305	0,9954059
CDH13	16,78	-0,01	0,694352	-0,01841	0,985312	0,9954059
OXNAD1	221,28	-0,02	0,857992	-0,01834	0,985368	0,9954059
TNFRSF10D	218,32	0,02	0,833805	0,018337	0,98537	0,9954059
LETM2	105,07	0,01	0,611929	0,018298	0,985401	0,9954059
PXDNL	0,04	-0,07	3,748196	-0,01829	0,985406	NA
RP11-365K22.1	1,33	-0,02	1,232515	-0,01823	0,985456	NA
RP11-809H16.5	3,24	0,02	1,121491	0,01802	0,985623	NA
PLEKHA4	22,64	0,02	1,041928	0,018013	0,985629	0,9955817
RP11-38C17.1	0,52	0,05	3,026267	0,01784	0,985766	NA
SLC17A7	15,07	-0,02	0,937356	-0,01777	0,98582	0,995681
PLIN2	510,12	-0,01	0,617683	-0,01769	0,985882	0,995681
RP1-55C23.7	0,43	0,05	3,032855	0,017685	0,98589	NA
CCDC84	251,52	0,01	0,437154	0,017651	0,985918	0,995681
RNU7-77P	2,88	0,03	1,927425	0,017591	0,985965	NA
RP11-567F11.1	5,35	0,05	2,857552	0,017556	0,985993	0,995681
AL161668.5	2,24	0,03	1,566693	0,017504	0,986034	NA
RN7SL810P	1,62	-0,02	1,40574	-0,01739	0,986128	NA
RP11-731J8.2	5,55	-0,01	0,83881	-0,01736	0,986147	0,995681
CUL3	601,71	-0,01	0,417792	-0,01726	0,986228	0,995681
EPHB2	38,74	0,02	1,323818	0,017201	0,986276	0,995681
RP11-519M16.1	8,37	0,03	1,862044	0,017168	0,986302	0,995681
RP11-116D17.2	33,88	-0,02	0,923498	-0,01712	0,986343	0,995681
ARCN1	896,96	0,01	0,496525	0,017118	0,986343	0,995681
ZNF592	363,64	0,01	0,568491	0,017099	0,986358	0,995681

AP001597.1	119,06	0,01	0,559769	0,017085	0,986369	0,995681
AWAT1	0,02	-0,06	3,748196	-0,01699	0,986447	NA
SNTG1	10,82	-0,02	0,894476	-0,01696	0,986467	0,9957253
AC083949.1	0,66	-0,03	1,663991	-0,01669	0,986686	NA
ZRSR2	311,74	0,01	0,590301	0,016681	0,986691	0,9958862
RP11-216F19.1	11,88	-0,02	0,922917	-0,01663	0,986733	0,9958862
RP11-606M12.1	2,09	0,03	1,776681	0,016594	0,98676	NA
TCTEX1D1	0,02	-0,06	3,748196	-0,01639	0,986922	NA
GGNBP1	18,87	0,02	1,404768	0,016218	0,987061	0,9960993
RSBN1	263,71	-0,01	0,424222	-0,01618	0,98709	0,9960993
ORAI2	559,64	0,01	0,523556	0,016097	0,987157	0,9960993
M6PR	1901,39	0,00	0,195807	0,016075	0,987174	0,9960993
CHRNA7	132,41	-0,02	1,023609	-0,01599	0,987239	0,9960993
CTD-2192J16.21	11,41	-0,01	0,660517	-0,01595	0,987273	0,9960993
RP11-459E5.1	0,08	0,06	3,748196	0,015948	0,987276	NA
AC106862.1	0,82	-0,06	3,699658	-0,01584	0,987362	NA
GCKR	13,51	-0,01	0,742097	-0,01574	0,987445	0,9960993
GALC	198,94	0,01	0,529805	0,015727	0,987452	0,9960993
RP11-112L6.4	1,31	-0,03	1,927431	-0,01567	0,9875	NA
ACACB	252,66	0,01	0,382064	0,015657	0,987508	0,9960993
TOE1	163,25	-0,01	0,863373	-0,01564	0,987519	0,9960993
PALB2	37,00	0,02	1,018733	0,015508	0,987627	0,9960993
TXLNB	1,70	-0,03	1,707845	-0,01548	0,987651	NA
AC018464.3	8,71	0,03	1,938187	0,015458	0,987666	0,9960993
HIST1H2BN	100,55	0,02	1,051825	0,015442	0,98768	0,9960993
MTMR11	727,84	0,01	0,609101	0,015424	0,987694	0,9960993
RP11-178L8.5	0,11	0,06	3,747523	0,015365	0,987741	NA
RP11-383J24.2	0,40	0,06	3,74628	0,015305	0,987789	NA
RP11-316P21.1	2,56	0,01	0,676188	0,015298	0,987794	NA
MEF2B	15,88	0,02	1,458837	0,015289	0,987801	0,996154
RP11-784B15.1	1,32	0,02	1,590686	0,015133	0,987926	NA
SPTY2D1	257,33	0,01	0,69944	0,015059	0,987985	0,9962853
RP11-512C24.2	3,16	0,02	1,138254	0,014986	0,988044	NA
POLR2M	272,74	-0,01	0,778895	-0,0149	0,98811	0,996319
NDUFV3	456,66	0,01	0,457803	0,014883	0,988126	0,996319
AC005757.6	4,97	0,02	1,055228	0,014589	0,98836	0,9964155
AC069292.6	3,52	-0,01	0,786304	-0,01457	0,988374	NA
CYP2U1	143,72	-0,02	1,152319	-0,01446	0,988464	0,9964155
MTRNR2L6	8,08	-0,01	0,829208	-0,01446	0,988466	0,9964155
RIDA	120,66	-0,02	1,059207	-0,01438	0,988529	0,9964155
NETO2	87,84	0,02	1,270272	0,014234	0,988644	0,9964155
THAP9	17,50	-0,01	0,973271	-0,01423	0,988644	0,9964155
LOXL4	7,76	0,04	2,681793	0,014192	0,988676	0,9964155
TMEM134	433,17	-0,01	0,602495	-0,01417	0,988696	0,9964155
MS4A2	12,88	0,01	0,947639	0,014159	0,988703	0,9964155
HEPACAM2	0,09	0,05	3,748196	0,014087	0,98876	NA
ATP6V1G2	0,02	-0,05	3,748196	-0,01401	0,988822	NA
SMARCA1	1,35	-0,05	3,663767	-0,01401	0,988822	NA
ARHGAP18	277,17	0,01	0,569141	0,01398	0,988846	0,9965051
TSTD3	6,66	0,02	1,600962	0,013803	0,988988	0,9965939

MANBAL	164,06	0,01	0,685682	0,013687	0,98908	0,9966153
RP11-430C7.5	16,43	-0,02	1,308156	-0,01364	0,989116	0,9966153
RP11-440L14.1	13,11	-0,01	1,020173	-0,01338	0,989325	0,9967113
RP11-380J14.1	0,09	0,05	3,748196	0,013359	0,989341	NA
RP11-798K23.5	1,61	-0,04	2,638847	-0,0133	0,989389	NA
MAP4K3	171,86	0,01	0,724384	0,013291	0,989396	0,9967113
CD99L1	118,25	-0,01	0,995003	-0,01316	0,989498	0,9967113
CTD-2002H8.2	4,12	0,01	1,020219	0,013156	0,989503	0,9967113
BMP2K	598,83	0,01	0,626743	0,013153	0,989506	0,9967113
GOT1	139,48	0,02	1,170707	0,013119	0,989533	0,9967113
RP1-166H4.2	2,05	-0,02	1,278182	-0,01311	0,989536	NA
IRX4	0,24	0,05	3,742017	0,013107	0,989542	NA
RP1-58B11.2	52,66	-0,01	0,868048	-0,01304	0,989592	0,9967174
TMEM253	0,02	-0,05	3,748196	-0,01302	0,989608	NA
RP11-1094H24.3	1,38	-0,02	1,505554	-0,01285	0,989745	NA
RP11-125M16.1	0,73	-0,03	2,207339	-0,01282	0,98977	NA
AC108488.3	21,13	0,02	1,439957	0,012783	0,989801	0,9967826
CLIC5	1,10	0,05	3,676294	0,012765	0,989816	NA
ZNF226	169,86	-0,01	0,890567	-0,01275	0,989827	0,9967826
RP11-111M22.3	26,00	-0,02	1,640672	-0,01272	0,989854	0,9967826
WAS	154,26	0,01	0,49276	0,012689	0,989876	0,9967826
FKBPL	1,78	-0,05	3,649582	-0,01264	0,989917	NA
PIGBOS1	139,32	-0,01	0,78344	-0,01261	0,98994	0,9967826
ITSN2	1506,67	0,00	0,334365	0,012518	0,990012	0,9967826
RPS16	4824,60	0,00	0,238655	0,012493	0,990032	0,9967826
RP11-255N4.2	8,29	0,02	1,362596	0,012387	0,990117	0,9967926
RPL5P3	0,58	-0,02	1,416514	-0,01236	0,990136	NA
RP11-88E10.5	44,53	0,02	1,687186	0,012347	0,990149	0,9967926
AC133919.6	0,05	0,05	3,748196	0,0123	0,990186	NA
PCYOX1L	140,19	0,01	0,605671	0,012129	0,990323	0,9968892
PGAP3	29,14	-0,02	1,25952	-0,01209	0,990352	0,9968892
RP11-53B2.1	0,03	-0,04	3,748196	-0,01194	0,990473	NA
RGS17	132,04	-0,01	0,670205	-0,01193	0,990484	0,9969684
RP11-285F7.2	17,74	0,01	1,100673	0,01184	0,990554	0,9969841
C16orf97	0,02	-0,04	3,747377	-0,01172	0,99065	NA
SLC25A34	23,89	-0,01	1,036219	-0,01168	0,99068	0,9970048
RP11-2A4.3	0,03	0,04	3,748196	0,011644	0,99071	NA
ATRAID	1235,74	0,00	0,393224	-0,01157	0,99077	0,9970048
FSTL3	10,53	0,02	1,876972	0,011539	0,990793	0,9970048
PLTP	0,03	-0,04	3,748196	-0,01154	0,990794	NA
RNASEL	89,78	0,01	0,813685	0,011499	0,990825	0,9970048
MAGEA6	0,03	-0,04	3,748196	-0,0115	0,990827	NA
EXD1	2,64	-0,01	1,175808	-0,01143	0,99088	NA
RP5-1074L1.1	4,71	0,01	1,026815	0,011383	0,990918	0,9970048
AP2M1	1664,19	0,00	0,247662	0,011284	0,990997	0,9970048
UVRAG	1381,91	0,00	0,303708	-0,01126	0,991019	0,9970048
KSR2	26,89	0,01	0,87329	0,01124	0,991032	0,9970048
UIMC1	192,07	-0,01	0,732314	-0,01121	0,991057	0,9970048
PIGM	176,88	0,01	0,661667	0,011047	0,991186	0,9970814
RP11-348H3.8	1,08	0,03	2,303105	0,011042	0,99119	NA

RP11-397A16.1	2,51	-0,02	1,891768	-0,01091	0,991295	NA
FAM19A2	95,32	-0,01	0,475804	-0,01091	0,991298	0,9971169
PAX7	0,03	-0,04	3,748196	-0,0109	0,9913	NA
SLC16A2	0,47	-0,02	1,840359	-0,01088	0,991319	NA
STAMBPL1	66,30	0,01	0,984832	0,010868	0,991329	0,9971169
RP11-58A12.3	0,03	-0,04	3,748196	-0,01086	0,991336	NA
PCSK1N	0,03	-0,04	3,747907	-0,01078	0,991403	NA
RP11-573D15.8	25,86	-0,01	0,510601	-0,01077	0,991406	0,9971411
SALRNA2	1,21	-0,02	1,941459	-0,01057	0,991566	NA
AAAS	136,87	-0,01	0,846876	-0,01044	0,991671	0,9973126
RPS10P28	0,25	0,02	2,144445	0,010411	0,991694	NA
TTBK2	415,20	-0,01	0,492443	-0,0104	0,991702	0,9973126
AC002511.2	3,31	-0,01	1,112382	-0,01037	0,991724	NA
RP1-153G14.4	142,24	0,01	0,505834	0,010324	0,991762	0,9973126
GRIA4	3,86	-0,01	0,963124	-0,01029	0,991791	0,9973126
TMEM70	177,46	-0,01	0,898992	-0,01019	0,99187	0,9973126
AC008174.3	0,05	-0,04	3,748196	-0,01016	0,991894	NA
RP5-1043L13.1	66,57	-0,01	0,948565	-0,01015	0,991899	0,9973126
ZDHH11B	0,07	0,04	3,748196	0,010125	0,991921	NA
RP11-160E2.21	0,26	-0,02	2,455355	-0,01001	0,992015	NA
RP5-864K19.4	4,68	0,01	1,379615	0,009957	0,992056	0,9974167
KCNB1	235,06	-0,01	0,794748	-0,00983	0,992157	0,9974339
PARD6G	3,48	-0,01	1,00431	-0,00975	0,992224	NA
CENPV	30,07	0,01	1,263671	0,009691	0,992268	0,9974339
ZSWIM7	430,92	0,00	0,468422	-0,00961	0,992333	0,9974339
RANBP3	250,83	0,01	0,68669	0,009565	0,992368	0,9974339
RP11-382A20.3	279,98	-0,01	0,816366	-0,00952	0,992402	0,9974339
TMEM234	18,20	0,01	1,431358	0,009495	0,992424	0,9974339
RP11-300J18.1	0,05	-0,04	3,748196	-0,00949	0,992425	NA
TMEM163	1,75	-0,02	2,242061	-0,00942	0,992484	NA
SMC4	428,17	-0,01	0,587075	-0,0094	0,992501	0,9974339
TEX40	6,25	0,02	2,240841	0,009398	0,992502	0,9974339
KLK4	0,52	-0,02	1,736009	-0,00923	0,992638	NA
RP11-121L10.2	0,24	-0,02	2,146552	-0,00911	0,992732	NA
CLVS1	6,95	-0,02	1,788773	-0,00909	0,992744	0,9974809
RP11-569O4.6	0,03	-0,03	3,748196	-0,00896	0,992848	NA
FBXO27	31,86	0,01	0,673329	0,00896	0,992851	0,9974809
BPIFA3	0,61	-0,03	3,722942	-0,00896	0,992855	NA
AC079610.2	38,39	0,01	0,9562	0,008953	0,992856	0,9974809
LINC00895	1,85	-0,01	1,409642	-0,00895	0,992863	NA
RP11-613E4.3	5,83	0,02	2,123422	0,008938	0,992869	0,9974809
VPS45	249,16	0,01	0,698308	0,00893	0,992875	0,9974809
RP11-648L3.2	9,41	0,01	0,766168	0,008904	0,992896	0,9974809
RP11-122G18.7	0,21	-0,02	2,469324	-0,00889	0,992904	NA
GLYATL1P2	0,07	-0,03	3,748196	-0,00888	0,992913	NA
CTD-2540C19.1	0,62	-0,02	2,132374	-0,00888	0,992915	NA
RP11-115D19.1	25,58	-0,01	1,232085	-0,00887	0,992924	0,9974809
LZTS3	1,22	0,02	1,992102	0,008865	0,992927	NA
RP11-1109M24.14	1,15	0,01	1,684742	0,008825	0,992959	NA
LRRC70	0,06	0,03	3,748196	0,00862	0,993123	NA

MLYCD	91,33	0,01	0,99161	0,008566	0,993165	0,9976354
ACBD3	175,40	0,00	0,582223	-0,0085	0,993217	0,9976354
ASTE1	119,34	0,01	0,792645	0,008475	0,993238	0,9976354
HEY1	0,29	0,03	3,387392	0,00835	0,993338	NA
RRAD	42,62	-0,03	3,492721	-0,00835	0,993338	0,9976819
ELMO2P1	0,04	-0,03	3,748196	-0,00827	0,993399	NA
RP11-74K11.2	0,03	-0,03	3,748196	-0,00825	0,993422	NA
RP11-647O20.1	0,03	-0,03	3,748196	-0,00824	0,993428	NA
RP11-244K5.6	0,07	-0,03	3,748196	-0,00822	0,993442	NA
ZSWIM2	0,07	0,03	3,748196	0,008192	0,993464	NA
RP11-152L7.2	21,01	0,01	0,834857	0,008132	0,993511	0,9978018
AF131217.1	0,03	-0,03	3,74796	-0,00813	0,993513	NA
RNU6-1237P	1,70	0,02	2,33269	0,007988	0,993627	NA
RP11-541E12.1	0,04	-0,03	3,748196	-0,00786	0,993728	NA
CCDC42	0,05	-0,03	3,748196	-0,00781	0,993769	NA
RP11-24D15.1	0,05	-0,03	3,748196	-0,00766	0,993888	NA
ENO2	10,42	0,02	2,12695	0,007648	0,993898	0,9980897
SLC35E2B	282,81	0,00	0,601001	-0,00764	0,993905	0,9980897
PDK4	184,98	-0,01	1,346197	-0,00741	0,994085	0,9981568
GPALPP1	173,30	0,00	0,520504	-0,00741	0,994085	0,9981568
RP11-196G11.5	33,24	0,01	0,911917	0,007353	0,994133	0,9981568
CTD-2184D3.7	0,05	-0,03	3,748196	-0,00734	0,994147	NA
LHX2	0,04	-0,03	3,748196	-0,00728	0,994193	NA
RP11-152C15.1	0,05	-0,03	3,748196	-0,00722	0,994243	NA
RP11-374M1.4	0,05	-0,03	3,748196	-0,00717	0,994281	NA
RP11-195E2.1	0,03	-0,03	3,748196	-0,00703	0,994392	NA
AGPAT5	179,52	0,01	0,848572	0,007025	0,994395	0,9983341
VPS41	849,95	0,00	0,517888	0,006997	0,994417	0,9983341
RP11-475I24.9	0,06	-0,03	3,748196	-0,00697	0,99444	NA
RP11-874G11.1	10,67	-0,02	2,956289	-0,00692	0,99448	0,9983435
AC073842.18	0,05	-0,03	3,748196	-0,00685	0,994531	NA
LL22NC03-N14H11.1	0,05	-0,03	3,748196	-0,0068	0,994571	NA
TRIM49	0,05	-0,03	3,748196	-0,00679	0,994585	NA
AC069282.6	0,03	-0,03	3,748196	-0,00674	0,994626	NA
RP11-317N8.3	0,04	-0,03	3,748196	-0,00673	0,99463	NA
ZCCHC7	263,20	0,00	0,571572	-0,0067	0,994654	0,9984639
AC008984.7	0,06	-0,03	3,748196	-0,00668	0,994668	NA
RPS27AP3	0,06	-0,02	3,748196	-0,00663	0,994707	NA
RP11-1E3.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00661	0,994723	NA
PMPCA	392,94	0,00	0,593842	-0,00657	0,99476	0,9985165
RP11-334J6.6	0,03	-0,02	3,748196	-0,00656	0,994765	NA
CTC-435M10.10	0,04	-0,02	3,748196	-0,00654	0,994783	NA
RP11-72B4.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00652	0,994797	NA
STMN1P1	0,05	-0,02	3,748196	-0,0065	0,994814	NA
CTD-2007F2.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00648	0,994827	NA
RP11-805F19.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00648	0,994833	NA
NRSN1	0,03	0,02	3,748196	0,006466	0,994841	NA
HERC1	1261,02	0,00	0,463207	-0,00646	0,994844	0,9985469
KIF5A	0,26	0,02	2,456039	0,006432	0,994868	NA
CTD-2175M1.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00643	0,994869	NA

H2AFZP	0,04	-0,02	3,748196	-0,00642	0,99488	NA
RP11-57C13.6	0,04	-0,02	3,748196	-0,00636	0,994924	NA
RP11-766N7.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00633	0,994948	NA
DUX4L32	0,05	-0,02	3,748196	-0,00632	0,994958	NA
RP11-436F9.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00631	0,994962	NA
RP11-451M19.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,0063	0,994976	NA
RP1-27K12.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00627	0,994995	NA
THAP7	83,98	0,01	0,901263	0,006228	0,995031	0,9985577
AC113167.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,0062	0,995053	NA
CLIC3	31,92	0,01	1,273223	0,006193	0,995058	0,9985577
CTC-756D1.2	6,99	0,01	1,058842	0,006152	0,995091	0,9985577
LPCAT1	233,64	0,00	0,674164	-0,00615	0,995097	0,9985577
NSD1	968,33	0,00	0,539803	-0,00611	0,995123	0,9985577
DEFB103A	0,05	-0,02	3,748196	-0,00611	0,995124	NA
DEFB103B	0,05	-0,02	3,748196	-0,00611	0,995124	NA
RNU6-202P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00606	0,995168	NA
RP11-40H20.2	0,65	-0,01	1,484507	-0,00605	0,995171	NA
C4orf50	25,79	0,01	2,056112	0,006021	0,995196	0,9985654
RP11-875O11.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00602	0,995199	NA
RP11-298J20.4	1,63	-0,02	3,653622	-0,00598	0,99523	NA
RP11-401O9.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00597	0,995236	NA
RP11-266K4.16	0,03	-0,02	3,748196	-0,00597	0,99524	NA
RNY4	6,57	0,01	1,235105	0,005962	0,995243	0,9985654
RP11-666O2.5	0,05	-0,02	3,748196	-0,00595	0,995256	NA
AC026954.6	0,05	-0,02	3,748196	-0,00593	0,995272	NA
POC1A	0,03	-0,02	3,748196	-0,00592	0,995274	NA
RP11-90P5.1	0,05	-0,02	3,748196	-0,00592	0,99528	NA
RP4-784A16.1	0,05	-0,02	3,748196	-0,0059	0,99529	NA
CTPS2	137,80	0,00	0,840077	0,005901	0,995291	0,9985654
RP11-674I16.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00589	0,9953	NA
SNORA46	0,03	-0,02	3,748196	-0,00587	0,995315	NA
RP11-335G20.7	0,03	-0,02	3,748196	-0,00587	0,995317	NA
OR6K4P	0,06	-0,02	3,748196	-0,00586	0,995327	NA
RP11-134G8.10	0,99	-0,01	1,820647	-0,00585	0,995336	NA
FAM71A	0,35	-0,02	3,36541	-0,00584	0,99534	NA
RP11-527D15.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00583	0,995346	NA
RP11-498A13.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00583	0,995347	NA
RP3-481A17.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00582	0,995353	NA
CTD-2272D18.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,0058	0,995371	NA
AC007349.4	0,06	-0,02	3,748196	-0,00579	0,995378	NA
RP11-553E24.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00576	0,995408	NA
RP11-1109M24.7	0,25	-0,01	2,457985	-0,00575	0,99541	NA
RP11-145M9.5	0,03	-0,02	3,748196	-0,00575	0,995415	NA
RP11-80G7.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00573	0,995431	NA
RP11-660I20.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00571	0,995446	NA
RP11-424M24.5	0,06	-0,02	3,748196	-0,00569	0,995457	NA
RN7SL262P	0,03	-0,02	3,748196	-0,00569	0,995463	NA
RP11-56B16.6	0,03	-0,02	3,748196	-0,00566	0,995485	NA
CTD-2325P2.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00565	0,995489	NA
RP5-894D12.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00565	0,995493	NA

KB-68A7.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00564	0,995504	NA
RP11-548H18.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00563	0,995511	NA
AC005039.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00561	0,99552	NA
RP11-680F8.3	6,13	-0,01	1,061514	-0,00559	0,99554	0,9986429
FAM197Y9	0,05	-0,02	3,748196	-0,00553	0,995592	NA
AC007041.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00552	0,995595	NA
OR6B1	14,32	0,00	0,882076	0,005477	0,99563	0,9986429
RP1-130H16.18	0,03	-0,02	3,748196	-0,00546	0,995646	NA
RP11-434I12.2	0,04	0,02	3,747193	0,005451	0,995651	NA
AC078843.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00545	0,995653	NA
ATP5A1P1	0,05	-0,02	3,748196	-0,00544	0,995657	NA
AL590762.11	0,03	-0,02	3,748196	-0,00543	0,995665	NA
RP11-501O2.4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00543	0,995669	NA
RP11-272J7.5	0,04	-0,02	3,748196	-0,00543	0,99567	NA
ANKRD28	592,94	0,00	0,496482	0,00541	0,995684	0,9986429
VN1R85P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00541	0,995684	NA
RP11-256I23.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00539	0,995701	NA
RP11-3J1.1	0,86	-0,01	1,375119	-0,00538	0,995706	NA
IGKV1OR2-6	0,03	-0,02	3,748196	-0,00535	0,995733	NA
SLC33A1	292,70	0,00	0,814203	0,005341	0,995739	0,9986429
SLC4A7	423,18	0,00	0,525921	0,00532	0,995755	0,9986429
NBPF5P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00532	0,995759	NA
RP5-1114G22.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,0053	0,995768	NA
RP11-337N19.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,0053	0,995771	NA
AC091177.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00529	0,99578	NA
RP11-100M12.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00529	0,995781	NA
OR51A3P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00527	0,995799	NA
CTD-2195B23.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00526	0,9958	NA
AC016757.3	0,32	0,01	2,434763	0,005263	0,9958	NA
AGGF1P1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00526	0,995803	NA
AC011516.2	0,06	-0,02	3,748196	-0,00526	0,995804	NA
SH3PXD2B	29,98	-0,01	1,905795	-0,00525	0,995807	0,9986429
AC005786.5	0,03	-0,02	3,748196	-0,00525	0,995809	NA
GUCA1C	0,04	-0,02	3,748196	-0,00523	0,995828	NA
TRAV19	0,05	-0,02	3,748196	-0,00523	0,995829	NA
OR1L6	0,06	-0,02	3,748196	-0,0052	0,995853	NA
RP11-128P17.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,0052	0,995854	NA
RP3-518E13.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00519	0,995855	NA
RP11-45F15.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00519	0,995858	NA
CTD-2373N4.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00519	0,995859	NA
IL4R	395,09	0,00	0,497775	0,00518	0,995867	0,9986429
RP11-377B2.2	0,06	-0,02	3,748196	-0,00517	0,995875	NA
KB-1440D3.16	0,04	-0,02	3,748196	-0,00516	0,995886	NA
AC010878.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00515	0,995887	NA
RP11-219F1.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00515	0,995888	NA
AC104058.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00515	0,995893	NA
RP11-618N24.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00514	0,995896	NA
CTD-2310F14.1	12,57	-0,01	0,977147	-0,00514	0,995897	0,9986429
RP11-839G9.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00513	0,995911	NA
RP11-262H14.9	0,04	-0,02	3,748196	-0,00511	0,99592	NA

RP11-241J12.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00511	0,995926	NA
OR6V1	0,04	-0,02	3,748196	-0,0051	0,995928	NA
DRD3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00509	0,995942	NA
AC069213.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00508	0,995943	NA
CTD-2008E3.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00507	0,995956	NA
RP11-49O14.3	0,05	-0,02	3,748196	-0,00506	0,995959	NA
MIR103A2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00506	0,99596	NA
PCID2	198,34	0,00	0,704428	0,005058	0,995964	0,9986429
RP11-76C10.4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00506	0,995965	NA
AF129408.16	0,06	-0,02	3,748196	-0,00505	0,995967	NA
RP11-117J13.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00505	0,995968	NA
CPXM1	0,05	-0,02	3,748196	-0,00505	0,995969	NA
RP11-208N14.4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00504	0,995977	NA
CTD-2591A1.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00503	0,995987	NA
RP11-777B9.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00503	0,995989	NA
RP11-10J21.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00501	0,995999	NA
RP11-643G16.3	0,24	-0,02	3,748196	-0,00501	0,995999	NA
RP13-235E23.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00501	0,996005	NA
XX-C2158C12.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00499	0,996021	NA
RP5-1193P9.1	0,05	-0,02	3,748196	-0,00499	0,996022	NA
CTB-46E9.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00497	0,996032	NA
OR51B6	0,05	-0,02	3,748196	-0,00497	0,996033	NA
AP000577.2	0,06	-0,02	3,748196	-0,00497	0,996038	NA
RP11-22B10.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00496	0,996042	NA
LARGE	25,65	0,01	1,047346	0,004957	0,996045	0,9986429
ADH5P3	0,06	-0,02	3,748196	-0,00496	0,996046	NA
CTC-332L22.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00495	0,996048	NA
RP11-344A16.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00495	0,99605	NA
RPS17P1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00494	0,996056	NA
RP11-593P24.2	0,06	-0,02	3,748196	-0,00494	0,996061	NA
ANHX	0,08	-0,02	3,748196	-0,00492	0,996073	NA
RP11-125H8.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00492	0,996074	NA
RP11-690I21.1	0,05	-0,02	3,748196	-0,00492	0,996074	NA
RP11-276E15.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00491	0,996079	NA
CTD-2514A21.4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00491	0,996081	NA
RP11-547L9.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00491	0,996083	NA
AC006039.5	0,04	-0,02	3,748196	-0,0049	0,996086	NA
CTD-2533G20.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,0049	0,996088	NA
RP11-247I13.5	0,05	-0,02	3,748196	-0,0049	0,996089	NA
RP11-369E15.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,0049	0,99609	NA
RNU6-1213P	0,06	-0,02	3,748196	-0,0049	0,996094	NA
RP11-136K14.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00489	0,9961	NA
RP4-555D20.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00488	0,996105	NA
GGA2	663,21	0,00	0,453926	0,004872	0,996113	0,9986429
RP11-258O13.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00487	0,996113	NA
ACSM5P1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00487	0,996117	NA
OR51G2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00487	0,996118	NA
RP11-299H22.6	54,28	-0,01	1,323743	-0,00484	0,996135	0,9986429
TAS2R60	0,03	-0,02	3,748196	-0,00482	0,996153	NA
AC099535.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00482	0,996155	NA

PAK2	1570,86	0,00	0,351278	-0,00482	0,996157	0,9986429
ASPHD1	0,07	0,02	3,748196	0,004813	0,996159	NA
RPS3	21885,04	0,00	0,167141	0,004813	0,99616	0,9986429
OR10AD1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00481	0,99616	NA
RP11-1109F11.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,0048	0,996169	NA
OSTF1P1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00479	0,996177	NA
RP11-541N10.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00479	0,996177	NA
RNU6-1005P	0,03	-0,02	3,748196	-0,00479	0,996178	NA
LA16c-23H5.4	0,25	-0,02	3,425085	-0,00479	0,996178	NA
MIR3136	0,05	-0,02	3,748196	-0,00479	0,996179	NA
GOT2L2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00478	0,996184	NA
RP11-62C3.6	0,04	-0,02	3,748196	-0,00478	0,996184	NA
OR10G7	0,06	-0,02	3,748196	-0,00478	0,996189	NA
RP1-77H15.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00477	0,996192	NA
CTA-929C8.6	0,04	-0,02	3,748196	-0,00477	0,996193	NA
RP3-485C17.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00477	0,996197	NA
RP11-560F18.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00476	0,996202	NA
PRAMEF8	0,05	-0,02	3,748196	-0,00475	0,996214	NA
RNU6-307P	0,03	-0,02	3,748196	-0,00474	0,996217	NA
RP3-388N13.5	0,04	-0,02	3,748196	-0,00474	0,996218	NA
RP11-129B22.2	0,06	-0,02	3,748196	-0,00474	0,99622	NA
FOXI1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00474	0,99622	NA
RP11-539G18.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00474	0,996222	NA
RP11-298I3.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00473	0,996222	NA
AF129408.15	0,04	-0,02	3,748196	-0,00473	0,996224	NA
RP3-426I6.6	0,03	-0,02	3,748196	-0,00472	0,996231	NA
RP1-56K13.5	0,03	-0,02	3,748196	-0,00472	0,996237	NA
RP11-626G11.6	0,05	-0,02	3,748196	-0,00471	0,996239	NA
AC003984.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00471	0,996246	NA
RP11-177C12.4	0,05	-0,02	3,748196	-0,0047	0,996248	NA
RF00593	0,05	-0,02	3,748196	-0,00469	0,996255	NA
RP3-326L13.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00469	0,996261	NA
RNU6-1152P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00468	0,996262	NA
CHRNA4	3,86	0,02	3,511661	0,00468	0,996266	0,9986429
OR4M2	0,03	0,02	3,748196	0,004674	0,996271	NA
RP11-320L13.2	0,21	-0,01	2,471043	-0,00467	0,996275	NA
RP11-270F18.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00466	0,996278	NA
RP11-380D23.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00466	0,996279	NA
RP5-1154L15.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00466	0,996284	NA
AP000946.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
CTC-367F4.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
CTC-394G3.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
MIR211	0,06	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RNU6-1001P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RNU6-31P	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RP11-1006G14.5	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RP11-212J19.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RP11-213G6.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RP11-347D21.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RP11-510M2.7	0,03	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA

RP11-517O13.2	0,05	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RPS6P22	0,03	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
ZCCHC16	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
RN7SKP89	0,04	-0,02	3,748196	-0,00465	0,996293	NA
CT45A2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00464	0,996296	NA
RP4-635E18.7	0,06	-0,02	3,748196	-0,00464	0,996297	NA
RP11-21L23.4	0,06	-0,02	3,748196	-0,00463	0,996306	NA
MIR5009	0,03	-0,02	3,748196	-0,00462	0,99631	NA
RNU6-942P	0,91	-0,01	2,070599	-0,00462	0,996313	NA
RP11-103B5.4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00462	0,996313	NA
LY6G6F	0,06	-0,02	3,748196	-0,00462	0,996315	NA
RP11-549B18.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00461	0,996319	NA
RP4-614C10.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00461	0,996326	NA
MIR378J	0,04	-0,02	3,748196	-0,0046	0,996328	NA
RP11-330C7.4	0,05	-0,02	3,748196	-0,00459	0,996337	NA
RP11-333A23.3	0,03	-0,02	3,748196	-0,00459	0,996339	NA
RP11-402L5.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00458	0,996344	NA
NCRNA00208	0,03	-0,02	3,748196	-0,00458	0,996348	NA
GS1-309P15.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00457	0,996351	NA
IGHV3-33	0,44	0,01	2,602506	0,004573	0,996351	NA
RNA5SP140	0,04	-0,02	3,748196	-0,00457	0,996353	NA
ZUFSP	101,82	0,00	0,790034	0,00457	0,996354	0,9986429
AC097532.4	0,04	-0,02	3,748196	-0,00457	0,996354	NA
RP11-495P10.3	0,04	-0,02	3,748196	-0,00457	0,996355	NA
RP11-96C23.5	0,04	-0,02	3,748196	-0,00455	0,99637	NA
RN7SKP206	0,03	-0,02	3,748196	-0,00455	0,996371	NA
RP11-253I19.4	0,05	-0,02	3,748196	-0,00454	0,996374	NA
NOLA2P1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00454	0,996377	NA
PRB2	0,04	0,02	3,74721	0,004533	0,996383	NA
RP11-455B2.8	0,06	-0,02	3,748196	-0,00453	0,996386	NA
RP11-302L19.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00453	0,996388	NA
IGKV2OR22-4	0,06	-0,02	3,748196	-0,00451	0,996404	NA
EPB41	508,40	0,00	0,386181	-0,00451	0,996404	0,9986429
MIR4425	0,04	-0,02	3,748196	-0,00451	0,996405	NA
RP11-20I23.2	12,23	-0,01	1,462063	-0,0045	0,99641	0,9986429
RNU6-237P	0,03	-0,02	3,748196	-0,00449	0,996414	NA
RP11-5P15.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00448	0,996426	NA
AC117947.1	0,06	-0,02	3,748196	-0,00448	0,996427	NA
CTD-2382E5.1	5,76	0,01	1,485011	0,004469	0,996434	0,9986429
AGT	0,04	-0,02	3,748196	-0,00445	0,996447	NA
OR2A4	0,03	-0,02	3,748196	-0,00445	0,99645	NA
YES1	54,75	0,00	0,785899	0,004439	0,996459	0,9986429
RP11-792A8.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00444	0,99646	NA
RP3-431A14.6	0,03	-0,02	3,748196	-0,00443	0,996462	NA
XXbac-BPG24O18.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00441	0,996477	NA
RP11-425I13.1	0,23	-0,02	3,748196	-0,00441	0,996478	NA
TOP1	362,67	0,00	0,389064	-0,00439	0,996496	0,9986429
CCL8	0,04	-0,02	3,748196	-0,00439	0,996497	NA
RP11-209P2.1	0,04	-0,02	3,748196	-0,00437	0,996515	NA
RXRG	0,07	-0,02	3,748196	-0,0043	0,996571	NA

RP11-360G10.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,0043	0,996573	NA
RP11-349A22.2	0,03	-0,02	3,748196	-0,00429	0,996574	NA
RP11-403A21.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00429	0,996579	NA
RNU2-10P	0,03	-0,02	3,748196	-0,00426	0,996604	NA
RP11-365O16.6	0,04	-0,02	3,748196	-0,00425	0,996609	NA
RN7SL67P	0,05	-0,02	3,748196	-0,00425	0,99661	NA
RP4-686J16.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00423	0,996627	NA
RP11-201M22.1	1,70	-0,01	2,918983	-0,0042	0,996651	NA
TAS2R41	0,04	-0,02	3,748196	-0,00419	0,996659	NA
PTPRO	153,39	0,00	0,997926	0,004168	0,996674	0,9987623
RP11-368I23.1	0,03	-0,02	3,748196	-0,00415	0,996688	NA
AC015849.12	0,04	-0,02	3,748196	-0,00413	0,996706	NA
PFN1P3	1,91	-0,01	2,641646	-0,00411	0,996719	NA
CTD-3252C9.4	448,26	0,00	0,597759	0,004108	0,996722	0,9987623
CSN3	0,06	-0,02	3,748196	-0,0041	0,996731	NA
SPIC	0,06	-0,02	3,748196	-0,00406	0,996763	NA
RP11-431K24.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00405	0,99677	NA
RP11-13K12.5	0,03	-0,02	3,748196	-0,00404	0,996773	NA
AF127936.5	0,03	-0,02	3,748196	-0,00404	0,996773	NA
AP000355.2	0,04	-0,02	3,748196	-0,00401	0,996801	NA
KB-1589B1.1	0,03	-0,01	3,748196	-0,00397	0,996831	NA
KCNQ4	0,05	0,01	3,748196	0,003972	0,996831	NA
AC005358.3	0,04	-0,01	3,748196	-0,00396	0,996841	NA
RN7SL68P	0,92	0,01	1,419721	0,003953	0,996846	NA
RP3-355L5.3	0,03	-0,01	3,748196	-0,00393	0,996863	NA
RP11-261P13.6	0,04	-0,01	3,748196	-0,00393	0,996863	NA
SHD	0,34	0,01	2,323119	0,003926	0,996867	NA
SUMO3	801,27	0,00	0,307329	0,003912	0,996878	0,9988249
HERC5	266,59	0,00	0,820338	-0,0039	0,996892	0,9988249
RPL12P29	0,04	-0,01	3,748196	-0,00389	0,996896	NA
RN7SKP157	0,04	-0,01	3,748196	-0,00384	0,996935	NA
AC002472.14	0,03	-0,01	3,748196	-0,00384	0,996939	NA
RP4-633I8.1	0,03	-0,01	3,748196	-0,00383	0,996943	NA
RP5-1107A17.2	0,04	-0,01	3,748196	-0,00382	0,996949	NA
TRAF3IP3	900,20	0,00	0,431439	0,003808	0,996961	0,9988297
Z95114.3	0,05	-0,01	3,748196	-0,0038	0,996971	NA
RP3-499B10.4	3,05	0,01	2,512565	0,003793	0,996974	NA
COCH	0,23	0,01	2,804914	0,00376	0,997	NA
RP11-430K10.1	0,06	-0,01	3,748196	-0,00375	0,997007	NA
WDR83	33,28	0,00	0,772616	0,003745	0,997012	0,9988297
CETN4P	2,80	0,00	1,279215	-0,00373	0,997022	NA
IGKV1D-42	0,04	-0,01	3,748196	-0,00369	0,997059	NA
RP11-155N3.3	0,06	-0,01	3,748196	-0,00368	0,997066	NA
IWS1	562,39	0,00	0,49463	-0,00366	0,997076	0,9988297
AC069277.1	0,05	-0,01	3,748196	-0,00365	0,997086	NA
RP11-138H18.2	0,04	0,01	3,748196	0,003637	0,997098	NA
RNU7-41P	5,93	0,00	1,028076	-0,0036	0,997125	0,9988297
RP11-432M8.15	0,06	-0,01	3,748196	-0,00359	0,997137	NA
RP11-276H7.3	0,04	-0,01	3,748196	-0,00357	0,997151	NA
CTB-140J7.2	0,03	-0,01	3,748196	-0,00355	0,997168	NA

RP11-612L3.1	0,20	-0,01	2,882262	-0,00355	0,997171	NA
CDK3	123,10	0,00	1,215726	-0,00349	0,997215	0,9988297
PROSER1	337,93	0,00	0,76589	-0,00349	0,997219	0,9988297
ABCF1	630,24	0,00	0,530505	-0,00335	0,99733	0,9988412
HTR1D	5,95	0,00	0,641333	-0,00334	0,997338	0,9988412
AC096669.2	0,06	-0,01	3,748196	-0,0033	0,99737	NA
INHBE	2,69	0,00	1,397048	0,003218	0,997433	NA
RP11-57H14.4	14,47	0,00	1,303645	0,003112	0,997517	0,9989669
RNY4P25	0,19	-0,01	3,748196	-0,00303	0,997583	NA
RNU6-626P	0,06	-0,01	3,748196	-0,00301	0,9976	NA
RP11-513I15.5	2,90	0,00	0,815853	0,002945	0,99765	NA
SFRP1	0,03	-0,01	3,748196	-0,00294	0,99765	NA
GRPEL2	47,57	0,00	1,234002	0,002913	0,997676	0,9990677
RN7SL585P	0,05	-0,01	3,748196	-0,00288	0,997701	NA
RBM24	0,05	0,01	3,748196	0,002877	0,997705	NA
ITLN2	0,05	-0,01	3,748196	-0,00285	0,997727	NA
MKRN1	1103,05	0,00	0,372986	-0,00276	0,997798	0,9990677
MRPS21P7	0,06	-0,01	3,748196	-0,00273	0,99782	NA
ALDH9A1	358,92	0,00	0,810417	0,002724	0,997826	0,9990677
RP11-400F19.18	16,34	0,00	1,054877	-0,00271	0,997838	0,9990677
RNU6-722P	0,18	-0,01	3,436546	-0,0027	0,997848	NA
SCG5	0,06	-0,01	3,748196	-0,00265	0,997889	NA
CES5A	0,10	-0,01	3,748196	-0,00261	0,997921	NA
RN7SL130P	7,35	0,00	1,159441	-0,0026	0,997924	0,9990677
F13A1	1332,82	0,00	0,495053	-0,00258	0,99794	0,9990677
RNU6-823P	0,06	-0,01	3,748196	-0,00235	0,998127	NA
RP13-631K18.2	27,46	0,00	0,549877	0,002125	0,998305	0,9993423
USP40	370,52	0,00	0,708644	0,002103	0,998322	0,9993423
REEP1	1,21	-0,01	2,415756	-0,00209	0,998332	NA
B9D2	175,36	0,00	0,755631	0,001944	0,998449	0,9993933
TMEM52	0,03	-0,01	3,748196	-0,00194	0,998453	NA
JARID2	717,78	0,00	0,472806	0,001854	0,998521	0,9993933
PCDHGC5	0,05	0,01	3,748196	0,001852	0,998522	NA
RP11-93K22.6	0,28	0,01	3,409308	0,001837	0,998534	NA
HAGHL	48,81	0,00	1,597119	0,001836	0,998535	0,9993933
STEAP1	0,07	0,01	3,748196	0,001812	0,998554	NA
HRH4	11,00	0,00	0,97046	0,001766	0,998591	0,9993933
KIAA1683	103,50	0,00	0,983831	0,001703	0,998641	0,9993933
ITGAD	0,75	0,00	2,494843	0,001694	0,998648	NA
SLC6A17	1,22	0,00	1,290828	-0,00163	0,998699	NA
RNU1-89P	0,03	-0,01	3,748196	-0,00162	0,998707	NA
AC012262.1	0,04	-0,01	3,748196	-0,00159	0,99873	NA
AC007677.1	6,68	0,00	1,388294	0,001582	0,998738	0,999436
TCL6	44,39	0,00	0,688016	0,001398	0,998885	0,9994503
PIGF	278,43	0,00	0,662981	0,001282	0,998977	0,9994503
CMTM4	55,63	0,00	1,417877	-0,00127	0,998985	0,9994503
CHAF1B	39,12	0,00	0,548952	-0,00125	0,999001	0,9994503
ALPK1	404,56	0,00	0,524471	0,001161	0,999073	0,9994503
B4GALT1	2844,25	0,00	0,351863	-0,00116	0,999074	0,9994503
STXBP5L	0,05	0,00	3,748196	-0,00114	0,999087	NA

AC010149.4	0,06	0,00	3,748196	-0,00111	0,999117	NA
SPIRE2	73,71	0,00	0,745405	-9,33E-04	0,999255	0,9995529
AC010148.1	19,22	0,00	0,913538	-8,47E-04	0,999324	0,9995529
TMEM213	25,83	0,00	0,733288	-8,30E-04	0,999338	0,9995529
OPN5	0,02	0,00	3,748196	7,81E-04	0,999377	NA
RP11-114G11.5	0,04	0,00	3,748196	7,76E-04	0,999381	NA
CYP2AB1P	0,04	0,00	3,748196	-7,38E-04	0,999411	NA
TTLL13	1,87	0,00	2,932053	7,23E-04	0,999423	NA
RP11-24H1.1	1,21	0,00	1,553741	7,08E-04	0,999435	NA
MIR205HG	20,82	0,00	0,522091	-6,75E-04	0,999461	0,9996225
RP4-669P10.16	0,64	0,00	3,624664	-6,52E-04	0,99948	NA
RP11-401P9.1	0,19	0,00	3,748196	-4,64E-04	0,99963	NA
TMPRSS11A	0,40	0,00	3,74626	-3,83E-04	0,999694	NA
MAP3K7	230,46	0,00	0,693146	-2,33E-04	0,999814	0,9998897
CTC-563A5.2	9,37	0,00	1,996237	2,06E-04	0,999836	0,9998897
RN7SL586P	0,88	0,00	1,438639	1,48E-04	0,999882	NA
ATPAF2	539,24	0,00	0,495367	1,27E-04	0,999898	0,9998984
ABHD16B	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC000068.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC000370.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC002383.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC002480.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC002523.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC002550.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC003005.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004022.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004054.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004076.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004455.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004463.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004471.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004540.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004637.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC004837.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005033.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005154.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005162.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005229.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005307.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005522.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005780.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC005794.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC006028.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC006116.24	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC006116.27	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC006159.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC006548.19	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC007009.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC007064.23	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC007091.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

AC007285.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC007391.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC007618.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC008063.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC008067.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC008265.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC008427.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC009133.21	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC009232.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC009294.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC009477.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC010096.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC010880.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC011718.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC011752.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC011899.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC012497.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC013248.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC013437.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC013472.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC015923.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC016691.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC016831.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC016909.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC018693.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC018693.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC018730.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC019068.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC019349.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC020743.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC023115.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC023356.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC024619.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC025811.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC034228.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC064865.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC064875.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC067959.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC068137.13	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC068491.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC068535.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC073150.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC073310.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC073846.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC078842.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC078937.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC079804.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC079987.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC090952.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC092054.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

AC092570.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC092578.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC092638.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093110.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093326.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093388.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093616.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093627.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093639.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC093662.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC097458.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC098817.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC098828.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC103563.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC104297.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC104532.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC106705.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC109589.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC110769.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC112217.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC114273.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC114812.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC116050.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC124944.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC125238.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC130360.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC133633.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC135178.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC140725.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
AC144838.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
ACTN2	0,00	0,00	0	0	1	NA
ADCY8	0,00	0,00	0	0	1	NA
ADGRF4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AE000662.92	0,00	0,00	0	0	1	NA
AF038458.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AF038458.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AF196970.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AF212831.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AF238378.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
AGXT2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AL022393.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AL050303.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
AL121578.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AL928742.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
ANKRD31	0,00	0,00	0	0	1	NA
ANKRD34B	0,00	0,00	0	0	1	NA
ANO4	0,00	0,00	0	0	1	NA
ANXA8L1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000244.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000289.6	0,00	0,00	0	0	1	NA

AP000322.53	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000343.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000351.13	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000351.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000470.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000593.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000857.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000857.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000860.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP000884.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP001059.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP001429.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP001439.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP001472.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP002856.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP004289.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
AP005530.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
APOBEC1	0,00	0,00	0	0	1	NA
APOC2	0,00	0,00	0	0	1	NA
ARL13A	0,00	0,00	0	0	1	NA
ASS1P5	0,00	0,00	0	0	1	NA
ATP6V1B1	0,00	0,00	0	0	1	NA
ATXN2-AS	0,00	0,00	0	0	1	NA
AXIN2	0,00	0,00	0	0	1	NA
BMS1P11	0,00	0,00	0	0	1	NA
bP-2171C21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
BPIFB2	0,00	0,00	0	0	1	NA
BTBD16	0,00	0,00	0	0	1	NA
BX682235.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
C14orf180	0,00	0,00	0	0	1	NA
C15orf56	0,00	0,00	0	0	1	NA
C16orf71	0,00	0,00	0	0	1	NA
C17orf47	0,00	0,00	0	0	1	NA
C18orf63	0,00	0,00	0	0	1	NA
C19orf71	0,00	0,00	0	0	1	NA
C1orf195	0,00	0,00	0	0	1	NA
C2orf69P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
C2orf72	0,00	0,00	0	0	1	NA
C5orf52	0,00	0,00	0	0	1	NA
C6orf222	0,00	0,00	0	0	1	NA
C8A	0,00	0,00	0	0	1	NA
C8orf71	0,00	0,00	0	0	1	NA
C9	0,00	0,00	0	0	1	NA
CALM2P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CAPSL	0,00	0,00	0	0	1	NA
CCDC184	0,00	0,00	0	0	1	NA
CCDC85A	0,00	0,00	0	0	1	NA
CCL19	0,00	0,00	0	0	1	NA
CDC37P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CDRT15P1	0,00	0,00	0	0	1	NA

CECR3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CERS1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CFAP126	0,00	0,00	0	0	1	NA
CGB3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CH17-164J11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CH507-145C22.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CH507-145C22.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CIB4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CISTR	0,00	0,00	0	0	1	NA
CLDN2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CLVS2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CMB9-14B22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CNMD	0,00	0,00	0	0	1	NA
COLCA2	0,00	0,00	0	0	1	NA
COX6BP3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CPLX3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CRABP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CRYBB3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CRYGB	0,00	0,00	0	0	1	NA
CRYGC	0,00	0,00	0	0	1	NA
CT45A8	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTA-246H3.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTA-249B10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTA-796E4.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTA-797E19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTB-35F21.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTB-50L17.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-203F4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-261N6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-281F24.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-379B2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-394G3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-412M14.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-431G16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-436K13.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-448D22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-448F2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-453G23.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-503J8.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTC-518B2.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2001E22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2014E2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2015A6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2015A6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2017C7.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2034I4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2034L19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2042D5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2045M21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2057J6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

CTD-2062A1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2108O9.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2122P11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2154B17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2158P22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2161F6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2199O4.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2203A3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2210A23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2213F21.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2218K11.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2227C6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2228K2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2308G16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2308N23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2313P7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2320G14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2323K18.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2325A15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2325P2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2331H12.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2331H12.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2335O3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2350C19.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2353N24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2380F24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2382E5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2501E16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2516F10.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2517O10.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2526L21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2526L21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2528L19.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2530H12.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2552K11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2555C10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2582D11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2583P5.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2587M23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2588C8.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-2588J6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-3012A18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-3028N15.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-3074O7.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
CTD-3137H5.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
CYLC1	0,00	0,00	0	0	1	NA
CYP11B2	0,00	0,00	0	0	1	NA
DBX1	0,00	0,00	0	0	1	NA
DEFA10P	0,00	0,00	0	0	1	NA
DEFB108P1	0,00	0,00	0	0	1	NA

DEFB119	0,00	0,00	0	0	1	NA
DISP3	0,00	0,00	0	0	1	NA
DKK4	0,00	0,00	0	0	1	NA
DKKL1	0,00	0,00	0	0	1	NA
DMRTB1	0,00	0,00	0	0	1	NA
DND1	0,00	0,00	0	0	1	NA
DNM1P31	0,00	0,00	0	0	1	NA
DPRXP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
DYX1C1-CCPG1	0,00	0,00	0	0	1	NA
EBF3	0,00	0,00	0	0	1	NA
ECEL1P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
EDDM3A	0,00	0,00	0	0	1	NA
EDN2	0,00	0,00	0	0	1	NA
EPYC	0,00	0,00	0	0	1	NA
EQTN	0,00	0,00	0	0	1	NA
FAM136B	0,00	0,00	0	0	1	NA
FAM19A4	0,00	0,00	0	0	1	NA
FAM228A	0,00	0,00	0	0	1	NA
FAM60BP	0,00	0,00	0	0	1	NA
FAM90A10	0,00	0,00	0	0	1	NA
FCRL4	0,00	0,00	0	0	1	NA
FDSP4	0,00	0,00	0	0	1	NA
GAGE10	0,00	0,00	0	0	1	NA
GAGE12F	0,00	0,00	0	0	1	NA
GAPDHP14	0,00	0,00	0	0	1	NA
GIMAP1-GIMAP5	0,00	0,00	0	0	1	NA
GKN1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GKN3P	0,00	0,00	0	0	1	NA
GLRB	0,00	0,00	0	0	1	NA
GOLGA6L2	0,00	0,00	0	0	1	NA
GPR182	0,00	0,00	0	0	1	NA
GPR75-ASB3	0,00	0,00	0	0	1	NA
GPX5	0,00	0,00	0	0	1	NA
GRB14	0,00	0,00	0	0	1	NA
GRB7	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-103B18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-115G20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-21A4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-304P7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-304P7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-433O24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GS1-536K7.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
GSG2	0,00	0,00	0	0	1	NA
GSTA2	0,00	0,00	0	0	1	NA
GTSCR1	0,00	0,00	0	0	1	NA
GUCA1A	0,00	0,00	0	0	1	NA
HAND2	0,00	0,00	0	0	1	NA
HCG17	0,00	0,00	0	0	1	NA
HCG4	0,00	0,00	0	0	1	NA
HIGD2B	0,00	0,00	0	0	1	NA

HOXA4	0,00	0,00	0	0	1	NA
HOXB1	0,00	0,00	0	0	1	NA
HPX	0,00	0,00	0	0	1	NA
IFNE	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV1-67	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV3-20	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV3-60	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV3-73	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV5-10-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHV5-78	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHVII-1-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGHVIII-82	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV1D-17	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV1D-43	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV1OR10-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV1OR2-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV1OR22-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV6-21	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGKV6D-21	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGLJ6	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGLJCOR18	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGLV3-16	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGLV5-52	0,00	0,00	0	0	1	NA
IGLVI-68	0,00	0,00	0	0	1	NA
IL17A	0,00	0,00	0	0	1	NA
IL17B	0,00	0,00	0	0	1	NA
IL1RAPL2	0,00	0,00	0	0	1	NA
IQCJ	0,00	0,00	0	0	1	NA
IQSEC3	0,00	0,00	0	0	1	NA
KB-1073A2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
KB-1299A7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
KB-1458E12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
KB-1592A4.16	0,00	0,00	0	0	1	NA
KB-1958F4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
KBTBD13	0,00	0,00	0	0	1	NA
KCNG3	0,00	0,00	0	0	1	NA
KCNQ1DN	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRT123P	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRT18P20	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRT20	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRT28	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRT35	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRTAP1-5	0,00	0,00	0	0	1	NA
KRTAP10-3	0,00	0,00	0	0	1	NA
LA16c-313D11.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
LBX1-AS1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LGR5	0,00	0,00	0	0	1	NA
LINC00052	0,00	0,00	0	0	1	NA
LINC00472	0,00	0,00	0	0	1	NA
LINC00661	0,00	0,00	0	0	1	NA

LINC01594	0,00	0,00	0	0	1	NA
LINC01620	0,00	0,00	0	0	1	NA
LLOXNC01-240C2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LLOXNC01-36H8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LL22NC03-24A12.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
LL22NC03-84E4.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
LL22NC03-86D4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LLNLR-231D4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LMO1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LRRC14B	0,00	0,00	0	0	1	NA
LRRC66	0,00	0,00	0	0	1	NA
LRRC71	0,00	0,00	0	0	1	NA
LY6G6C	0,00	0,00	0	0	1	NA
LYPD1	0,00	0,00	0	0	1	NA
LYVE1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MAGEA2B	0,00	0,00	0	0	1	NA
MAPK15	0,00	0,00	0	0	1	NA
MED15P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MEGF10	0,00	0,00	0	0	1	NA
MEI4	0,00	0,00	0	0	1	NA
MEIS1-AS2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR1202	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR1250	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR1285-2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR153-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR2052	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR3115	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR3117	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR3144	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR3192	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR320C1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR339	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR345	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR3662	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR424	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4263	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4316	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4328	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4428	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4451	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4506	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4529	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR466	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4676	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4736	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4766	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4772	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR4780	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR503	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR506	0,00	0,00	0	0	1	NA

MIR507	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR518F	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR548AD	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR5583-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR5583-2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR5687	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR5706	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR579	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR580	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR604	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR607	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR6071	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR6075	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR6133	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR6715A	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR7854	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR8055	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIR8064	0,00	0,00	0	0	1	NA
MIRLET7D	0,00	0,00	0	0	1	NA
MMP23A	0,00	0,00	0	0	1	NA
MMP26	0,00	0,00	0	0	1	NA
MMP27	0,00	0,00	0	0	1	NA
MRGPRX2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MRPL20P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
MRPL51P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MRPS15P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
MT1B	0,00	0,00	0	0	1	NA
MT1H	0,00	0,00	0	0	1	NA
MT1L	0,00	0,00	0	0	1	NA
MT1M	0,00	0,00	0	0	1	NA
MYH4	0,00	0,00	0	0	1	NA
MYOZ1	0,00	0,00	0	0	1	NA
NBPF22P	0,00	0,00	0	0	1	NA
NBPF4	0,00	0,00	0	0	1	NA
NCRNA00186	0,00	0,00	0	0	1	NA
NEK4P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
NKX2-5	0,00	0,00	0	0	1	NA
NMBR	0,00	0,00	0	0	1	NA
NMRK2	0,00	0,00	0	0	1	NA
NODAL	0,00	0,00	0	0	1	NA
NPM2	0,00	0,00	0	0	1	NA
NR1H5P	0,00	0,00	0	0	1	NA
NUDT4P2	0,00	0,00	0	0	1	NA
NWD2	0,00	0,00	0	0	1	NA
OCM2	0,00	0,00	0	0	1	NA
OCSTAMP	0,00	0,00	0	0	1	NA
OPCML	0,00	0,00	0	0	1	NA
OPN1MW	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR10G6	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR10J5	0,00	0,00	0	0	1	NA

OR10S1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR11H12	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR11H13P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR1L1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR2AI1P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR2AJ1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR2AK2	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR2T27	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR2W3	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR3A1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR3D1P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4A6P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4C49P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4C6	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4G3P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4K12P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR4S1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR51G1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR51K1P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR52P2P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR5AR1	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR5B12	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR5BT1P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR5M6P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR5M7P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR6C74	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR7E19P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR7E33P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OR8K2P	0,00	0,00	0	0	1	NA
OTOS	0,00	0,00	0	0	1	NA
PAGE2	0,00	0,00	0	0	1	NA
PCDHGA4	0,00	0,00	0	0	1	NA
PCDHGB1	0,00	0,00	0	0	1	NA
PCSK4	0,00	0,00	0	0	1	NA
PDC	0,00	0,00	0	0	1	NA
PDCL2	0,00	0,00	0	0	1	NA
PDHA2	0,00	0,00	0	0	1	NA
POM121L2	0,00	0,00	0	0	1	NA
POM121L3P	0,00	0,00	0	0	1	NA
POU3F2	0,00	0,00	0	0	1	NA
PPIHP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
PPP1R26P3	0,00	0,00	0	0	1	NA
PRAMEF4	0,00	0,00	0	0	1	NA
PRB3	0,00	0,00	0	0	1	NA
PRDM13	0,00	0,00	0	0	1	NA
PRODH2	0,00	0,00	0	0	1	NA
PRR32	0,00	0,00	0	0	1	NA
PVALB	0,00	0,00	0	0	1	NA
RARRES2P10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RBPMSLP	0,00	0,00	0	0	1	NA

REG3A	0,00	0,00	0	0	1	NA
REP15	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF00264	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF00418	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF00573	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF00604	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF02102	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF02122	0,00	0,00	0	0	1	NA
RF02159	0,00	0,00	0	0	1	NA
RHBDF1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RHOD	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP115	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP140	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP223	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP237	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP251	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP296	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SKP299	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SL569P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RN7SL629P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP154	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP182	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP217	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP218	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP221	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP239	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP280	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP328	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP354	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP461	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP525	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNA5SP94	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNASE11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNASE13	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNF183	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU1-136P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU2-39P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU2-50P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU4-35P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU4-71P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU5A-6P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1048P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1079P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1086P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1109P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1164P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1193P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1194P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1264P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1269P	0,00	0,00	0	0	1	NA

RNU6-1290P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-1320P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-160P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-163P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-196P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-197P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-200P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-229P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-296P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-302P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-319P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-324P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-368P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-380P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-389P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-428P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-511P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-524P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-537P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-538P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-562P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-577P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-608P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-620P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-640P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-693P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-73P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-748P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-812P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-826P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-827P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-840P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-854P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-919P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-932P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-972P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-983P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6-989P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6ATAC15P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6ATAC23P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU6ATAC6P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU7-171P	0,00	0,00	0	0	1	NA
RNU7-18P	0,00	0,00	0	0	1	NA
ROS1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-128M12.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-138A5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-13D10.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-144F13.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-149A16.16	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-149M18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP1-152L7.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-161N10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-167F1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-168L15.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-179E13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-179P9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-191J18.65	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-197J16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-202I21.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-210I18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-229K20.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-288H2.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-290F12.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-319M7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-41P2.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-73A14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-81F6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-84O15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-85F18.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-90G24.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-90J4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-91J24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-92C8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP1-97D16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-100M12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1029J19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1038A11.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-103G8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1070N10.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1074O12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1079K10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1079K10.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-107K17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-108K14.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-108P20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-109A6.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-109B6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-109G23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-109L13.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-10K17.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-110I1.14	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-111F5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-111M22.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-112H10.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-112N23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-113D6.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-114M1.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-114M5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-115M14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-115N12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-115N4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-116B19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-116D17.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-116N8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-117L15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-117O7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-118B18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-118E18.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-118M12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-118M12.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-119K6.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-120A1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-120K24.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1217F2.14	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-124A7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-124D2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-126O22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-126O22.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1275H24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1277H1.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1281K21.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-130C19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-131K5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-131L23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-133N21.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-134N1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1360M22.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-136C24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-137J7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-138H8.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-138I18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-13B9.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-140A10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-140C5.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-141O11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-142A22.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-142J21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1437A8.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-143M1.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-144G6.13	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-145B3.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-145M9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-147L13.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-149B7.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-149P24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-14J7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-150O12.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-151A10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-153M7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-155L15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-157P1.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-15A1.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-15B17.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-160H22.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-161P17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-164O23.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-167N24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-168P6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-168P8.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-16L21.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-172C16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-173C20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-173D3.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-173P15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-177H22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-177J6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-181B11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-182I10.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-18B16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-190D6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-190G13.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-193H5.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-193I22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-196D18.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-196H14.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-196H14.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-19G24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-19O2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-19P22.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-1J11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-202G18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-203I2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-203L2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-205M20.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-209E8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-20D14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-213H15.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-214O11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-215H18.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-215P8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-21C4.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-21J7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-220M1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-220M1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-223D18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-226F19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-232M24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-233E12.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-236P24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-238F2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-239E10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-240M16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-242D8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-248E9.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-249J13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-24B13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-24J20.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-24O5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-251A15.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-251G23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-253D19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-255G12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-255H23.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-257A22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-258F22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-259O18.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-262H14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-264M12.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-266N13.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-267N12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-268I9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-269G24.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-269M20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-274B18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-27M24.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-281A20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-282I1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-285E9.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-285M22.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-286N3.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-287J9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-288B23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-290K4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-290M5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-292D4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-293N1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-294C11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-296E23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-297B17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-297L21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-298D21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-29B2.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-2H3.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-2K15.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-2L8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-2O17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-300M6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-303E16.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-305D15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-305O4.3	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-307C12.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-307L14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-308D16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-30G13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-30P6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-310H4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-312P12.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-312P21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-313L9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-315J22.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-317L10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-319G9.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-31K23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-325E14.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-325L12.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-325O24.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-326C3.15	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-326C3.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-326I11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-327I3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-327J17.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-327L9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-331G2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-332B14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-332K15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-334E6.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-335F8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-338K17.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-338N10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-338O1.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-33N16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-342H21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-343J3.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-346J10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-347C18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-347D21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-347I19.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-347N5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-349O10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-34A14.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-350D17.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-350F16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-353N14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-353N14.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-354P11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-354P17.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-356B19.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-356O23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-357P24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-359E10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-359K18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-35J10.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-361M4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-363J17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-364C11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-365D9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-365F18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-365H23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-366F6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-368M16.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-369E15.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-36N20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-371E8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-373N22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-373N24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-374A22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-374F3.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-375B1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-375B1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-375D13.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-376N17.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-379H8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-37E23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-380P16.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-381K7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-382F24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-382H24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-383C12.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-384A12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-384C4.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-385N23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-389G6.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-38G5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-38J22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-38O23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-392A14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-392L5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-393M18.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-395G17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-396D18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-396J6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-397J18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-398J10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-399F2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-399K21.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-400D2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-402G3.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-403D15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-404E6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-407P10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-410C4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-411G7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-415C15.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-415J8.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-416H1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-417D4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-417N10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-418H16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-418J17.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-422N16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-424E7.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-424E7.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-428C19.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-430G17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-430K22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-431M7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-432B6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-432I13.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-435O5.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-436F9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-437G21.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-437G21.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-439H8.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-439I14.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-439M15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-440D17.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-441F2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-442O18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-443P15.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-445L13_B.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-445O16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-448G15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-44D5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-44N17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-452B18.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-453D21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-455J20.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-456E1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-458I4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-458I7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-45B20.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-460B17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-460E7.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-460N20.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-460N20.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-462G22.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-467L19.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-468J21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-468N14.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-469J4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-46P12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-472I20.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-473M14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-473M14.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-474L23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-475E11.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-476I15.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-476M19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-477B16.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-477G18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-477J21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-478C6.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-47P18.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-480D4.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-482E14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-482H16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-484P15.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-487E1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-48D4.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-48L13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-490B18.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-493E12.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-496I2.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-498M14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-498P14.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-499O7.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-4C20.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-4L24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-500G22.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-501J20.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-502N13.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-503D12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-504G3.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-504G3.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-506B15.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-506C15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-506E9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-508N22.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-515C16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-51F16.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-520B13.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-521C10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-521P1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-522B15.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-523L1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-525A16.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-527F15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-52L11.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-530I17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-532F12.6	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-533K9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-534L6.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-536G4.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-536L15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-537H15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-538A16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-538C21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-539L10.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-53D5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-53L24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-540D4.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-543F8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-545G3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-545M17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-54O15.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-54O7.16	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-54O7.18	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-552D4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-553L6.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-555F9.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-557C9.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-56O19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-563D10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-565N2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-566K11.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-568J23.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-571L19.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-573M3.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-58O1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-587O9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-588F18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-589C21.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-58O3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-592N21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-592P9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-59J16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-59K5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-5N11.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-602N24.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-60C6.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-612J15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-61G23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-622J8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-625B21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-625L16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-631M21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-639E23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-642D6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-642E20.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-643E14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-646I6.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-646J21.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-647F2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-647K16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-64I24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-650K20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-651J20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-652G5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-656D10.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-659G9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-65B23.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-65B7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-65N13.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-666A20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-666A8.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-666E17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-666O2.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-667K14.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-667M19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-670N15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-671P2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-675M1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-686D16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-686D22.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-688H10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-692P14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-69C17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-69M1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-6F6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-6J21.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-700H6.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-701B16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-701H24.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-702A23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-702B10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-702N8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-707M1.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-709A23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-70F11.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-710F7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-712B9.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-712L6.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-715G15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-71A24.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-71E19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-71H17.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-71H9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-726G23.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-72P19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-736P16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-737O24.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-742D12.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-745K9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-745L13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-747I9.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-74E22.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-752G15.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-753E22.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-754J4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-755E23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-758M4.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-761I4.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-76F14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-770E5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-781D11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-788H18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-790I12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-793B23.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-793H13.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-795A2.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-795H16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-798G7.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-79E3.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-804A23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-809N8.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-80A15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-80H12.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-810F22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-813P10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-815I9.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-815J4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-815N9.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-81F11.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-829H16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-83B20.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-841C19.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-843B15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-848P1.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-84D1.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-852E15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-854K16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-863N1.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-872D17.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-876F14.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-878E11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-882G5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-88E18.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-88H10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-899L11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-89A12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP11-8H2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-8L8.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-91A15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-91A18.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-91J19.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-93H10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-93N20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-94B19.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-94P11.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-94P11.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-950C14.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-959F10.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-96A15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP11-99C10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-13A3.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-213K19.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-279N23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-395E19.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-467H17.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-492C18.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-554M15.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-565O16.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-644M16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-685P2.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-77O11.11	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP13-977E11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-332O11.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-333B15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-382I10.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-382I10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-391O22.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-400B16.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-406A7.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-416H24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-429O6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-433G13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-463P15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-466P17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-468K18.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-470B24.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-471M13.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP3-514A23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-550H1.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-562J12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-564O4.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-584D14.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-597N16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-599G15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-599G15.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-599G15.5	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP4-604A21.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-612B18.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-613A2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-635E18.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-639J15.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-655J12.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-668E10.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-676J13.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-683L5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-717M23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-744I24.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-769N13.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-777O23.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-782L23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP4-811H24.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1007F24.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1024G6.9	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1027O15.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1028K7.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1042K10.12	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1044H5.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1052I5.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1057I20.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1059E7.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1065J22.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1099E6.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1121A15.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1158E12.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-1163L11.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-833A20.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-837I24.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-837O21.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-837O21.7	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-839B4.8	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-870F10.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-878I13.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-882O7.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-891H21.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-919F19.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-942I16.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-944M2.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-944M2.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-965F6.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-979D14.1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-981L23.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-981O7.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-986I17.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-991G20.6	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP5-998N21.10	0,00	0,00	0	0	1	NA
RP6-204F4.5	0,00	0,00	0	0	1	NA

RP6-218J18.3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL19P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL19P14	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL23AP68	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL31P33	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL34P33	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL36AP26	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL39P18	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPL7AP15	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPRML	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPS15AP16	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPS15AP3	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPS3AP32	0,00	0,00	0	0	1	NA
RPS6P16	0,00	0,00	0	0	1	NA
RSL24D1P11	0,00	0,00	0	0	1	NA
S100A16	0,00	0,00	0	0	1	NA
SAP18P3	0,00	0,00	0	0	1	NA
SERPINA12	0,00	0,00	0	0	1	NA
SERPINB2	0,00	0,00	0	0	1	NA
SERPINB3	0,00	0,00	0	0	1	NA
SHISA6	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC10A5	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC17A3	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC22A10	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC22A24	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC28A1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC39A12	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC45A1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC5A4P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC6A10P	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLC6A6P	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLCO1C1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SLCO2A1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNCG	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORA22C	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORA24B	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORA47	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORD101	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORD116-21	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORD3C	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNORD93	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNRPGP4	0,00	0,00	0	0	1	NA
SNX6P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SOSTDC1	0,00	0,00	0	0	1	NA
SPDYC	0,00	0,00	0	0	1	NA
SPERT	0,00	0,00	0	0	1	NA
SPINT3	0,00	0,00	0	0	1	NA
SPPL2C	0,00	0,00	0	0	1	NA
SPRR2D	0,00	0,00	0	0	1	NA
SUN5	0,00	0,00	0	0	1	NA

SYT9	0,00	0,00	0	0	1	NA
SYTL5	0,00	0,00	0	0	1	NA
TACR3	0,00	0,00	0	0	1	NA
TCP10L2	0,00	0,00	0	0	1	NA
TECTA	0,00	0,00	0	0	1	NA
TEK	0,00	0,00	0	0	1	NA
TEX19	0,00	0,00	0	0	1	NA
TEX50	0,00	0,00	0	0	1	NA
TM4SF19-TCTEX1D2	0,00	0,00	0	0	1	NA
TMEFF1	0,00	0,00	0	0	1	NA
TMEM183AP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
TMEM225	0,00	0,00	0	0	1	NA
TMEM256-PLSCR3	0,00	0,00	0	0	1	NA
TMIGD1	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRAJ16	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRAJ17	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRAJ19	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRAV37	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRBV16	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRBV24-1	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRBV24OR9-2	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRBV26OR9-2	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRBV27	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRGV10	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRGV5P	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRIM49B	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRPV4	0,00	0,00	0	0	1	NA
TRPV5	0,00	0,00	0	0	1	NA
TTC29	0,00	0,00	0	0	1	NA
TULP3P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
UFSP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
UGT1A8	0,00	0,00	0	0	1	NA
USP17L7	0,00	0,00	0	0	1	NA
VENTXP6	0,00	0,00	0	0	1	NA
VEZF1L1	0,00	0,00	0	0	1	NA
VGLL2	0,00	0,00	0	0	1	NA
VN1R107P	0,00	0,00	0	0	1	NA
VN1R20P	0,00	0,00	0	0	1	NA
VN1R3	0,00	0,00	0	0	1	NA
VN1R46P	0,00	0,00	0	0	1	NA
VWA8-AS1	0,00	0,00	0	0	1	NA
WNT3A	0,00	0,00	0	0	1	NA
WNT8A	0,00	0,00	0	0	1	NA
XIRP1	0,00	0,00	0	0	1	NA
XIRP2	0,00	0,00	0	0	1	NA
XXbac-B444P24.14	0,00	0,00	0	0	1	NA
XXbac-BPG32J3.19	0,00	0,00	0	0	1	NA
XXbac-BPG34I8.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
XXyac-YM21GA2.2	0,00	0,00	0	0	1	NA
XXyac-YM21GA2.4	0,00	0,00	0	0	1	NA

YBX2	0,00	0,00	0	0	1	NA
Z84721.4	0,00	0,00	0	0	1	NA
Z95114.5	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZBBX	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZCCHC18	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZFP64P1	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZNF730	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZRSR1	0,00	0,00	0	0	1	NA
ZSCAN5B	0,00	0,00	0	0	1	NA
A1CF	36,27	-4,90	1,054565	-4,64413	NA	NA
AATK	5,58	-0,27	2,211563	-0,12328	NA	NA
AB015752.4	3,22	-23,52	3,639365	-6,46294	NA	NA
AB019440.50	0,75	-4,38	3,65229	-1,19802	NA	NA
AB020862.1	6,51	-24,51	3,35061	-7,31419	NA	NA
ABC11-48400900C8.1	2,79	-6,27	3,639924	-1,72317	NA	NA
ABC14-1188822O7.1	10,36	-3,28	1,526474	-2,14926	NA	NA
ABC7-42418200C9.1	4,38	-1,79	1,745811	-1,02582	NA	NA
ABCA12	2,05	-2,63	3,16298	-0,83069	NA	NA
ABCA13	10,01	-3,96	0,848728	-4,66806	NA	NA
ABCB1	65,06	-8,65	2,90065	-2,98157	NA	NA
ABCB10P4	8,75	-9,50	3,343684	-2,84139	NA	NA
ABCB5	7,73	-3,15	0,943993	-3,33942	NA	NA
ABCC12	0,49	-3,32	3,661654	-0,90661	NA	NA
ABCC13	10,10	-0,92	0,940985	-0,97566	NA	NA
ABCG4	1,53	-4,42	2,809202	-1,57326	NA	NA
ABHD8	36,99	-0,12	1,118155	-0,10747	NA	NA
AC000094.3	0,75	-4,38	3,652226	-1,19963	NA	NA
AC000123.3	6,65	-3,93	2,168888	-1,81372	NA	NA
AC000124.1	2,45	-6,09	3,640602	-1,67331	NA	NA
AC002117.1	10,63	0,43	1,830803	0,235683	NA	NA
AC002127.4	17,02	0,55	2,087297	0,262681	NA	NA
AC002128.5	9,34	-25,05	3,636795	-6,88903	NA	NA
AC002365.4	2,20	-2,01	2,620328	-0,76859	NA	NA
AC002386.1	4,23	-6,88	3,460376	-1,98775	NA	NA
AC002398.5	2,92	-6,18	3,639837	-1,69813	NA	NA
AC002398.9	8,80	-2,87	2,177443	-1,31974	NA	NA
AC002511.3	1,27	-5,14	3,645369	-1,41106	NA	NA
AC003029.4	4,53	-2,19	1,108846	-1,97218	NA	NA
AC003090.1	1,12	-4,94	3,646277	-1,35435	NA	NA
AC003958.5	1,77	-5,24	3,643051	-1,43749	NA	NA
AC004076.5	11,77	-1,14	0,944217	-1,21186	NA	NA
AC004160.4	5,73	-2,72	3,329379	-0,8175	NA	NA
AC004231.2	2,75	-1,23	2,472558	-0,49881	NA	NA
AC004381.6	9,46	-5,34	1,813595	-2,94394	NA	NA
AC004741.3	1,66	-1,80	3,26676	-0,54973	NA	NA
AC004754.3	3,72	-7,83	3,077427	-2,54529	NA	NA
AC004862.6	3,66	-0,65	1,586601	-0,40902	NA	NA
AC004895.4	1,75	-1,85	2,939876	-0,63059	NA	NA
AC004945.2	26,15	0,74	1,104246	0,672429	NA	NA
AC004987.8	4,74	-24,07	3,638112	-6,61563	NA	NA

AC005013.5	1,41	-5,29	3,644296	-1,45258	NA	NA
AC005029.1	3,90	-23,80	3,638688	-6,54025	NA	NA
AC005037.5	3,94	-3,87	3,564922	-1,08553	NA	NA
AC005042.4	5,16	-24,18	3,63782	-6,64786	NA	NA
AC005076.5	2,56	-1,96	1,804167	-1,08859	NA	NA
AC005281.1	6,14	-3,38	1,088275	-3,1026	NA	NA
AC005307.3	9,24	-24,83	3,636766	-6,82796	NA	NA
AC005481.5	2,36	-5,53	2,75972	-2,00265	NA	NA
AC005514.2	4,36	-0,95	2,814886	-0,33855	NA	NA
AC005538.3	2,34	-5,85	3,640925	-1,60741	NA	NA
AC005540.3	5,60	-1,72	1,926368	-0,89538	NA	NA
AC005592.1	4,59	-6,88	3,604636	-1,9077	NA	NA
AC005614.3	15,56	-1,07	0,976258	-1,09859	NA	NA
AC005682.6	1,77	-5,43	3,642822	-1,49113	NA	NA
AC005776.1	0,89	-3,32	2,220847	-1,49531	NA	NA
AC005922.3	6,24	-7,33	2,664283	-2,75113	NA	NA
AC005932.1	2,72	-3,96	1,791534	-2,21254	NA	NA
AC006007.1	6,47	-24,47	3,637401	-6,72733	NA	NA
AC006014.8	2,69	-3,56	1,705678	-2,08954	NA	NA
AC006030.1	0,67	-3,06	3,396932	-0,90204	NA	NA
AC006032.1	3,56	-3,75	3,560491	-1,05338	NA	NA
AC006116.12	1,81	-1,71	1,407529	-1,21143	NA	NA
AC006116.22	0,84	-4,10	2,776897	-1,47619	NA	NA
AC006116.25	45,75	-1,58	1,013346	-1,55918	NA	NA
AC006150.1	4,38	-23,95	3,638326	-6,58169	NA	NA
AC006160.4	4,36	-8,40	3,529987	-2,37991	NA	NA
AC006230.3	1,70	-5,04	3,226079	-1,561	NA	NA
AC006277.3	2,65	-2,88	2,88242	-0,99906	NA	NA
AC006296.1	1,25	-5,12	3,645569	-1,40512	NA	NA
AC006328.5	1,28	-5,16	3,64526	-1,41522	NA	NA
AC006366.5	2,56	-6,15	3,640377	-1,69058	NA	NA
AC006369.2	13,23	-0,17	1,30446	-0,12745	NA	NA
AC006942.4	2,76	-4,59	2,606487	-1,76159	NA	NA
AC006946.12	2,45	-5,24	3,245481	-1,61425	NA	NA
AC007000.10	5,18	-4,21	2,295501	-1,83197	NA	NA
AC007000.12	2,48	-2,37	2,343442	-1,01185	NA	NA
AC007000.7	17,98	-1,85	1,145874	-1,61024	NA	NA
AC007014.1	5,50	-2,70	3,615979	-0,74578	NA	NA
AC007036.5	2,31	-0,72	2,965999	-0,24408	NA	NA
AC007036.6	1,42	-2,25	2,240383	-1,00424	NA	NA
AC007041.3	4,16	-23,89	3,494436	-6,8359	NA	NA
AC007050.18	0,61	-4,09	3,656014	-1,1194	NA	NA
AC007078.4	4,59	-4,59	3,458778	-1,32628	NA	NA
AC007092.1	19,36	-1,25	1,355793	-0,92464	NA	NA
AC007204.3	3,72	-6,70	3,638869	-1,83996	NA	NA
AC007250.3	7,38	-1,94	0,960683	-2,0165	NA	NA
AC007276.6	3,08	-7,32	3,639033	-2,01098	NA	NA
AC007292.4	2,01	-2,79	1,297561	-2,15291	NA	NA
AC007326.13	0,78	-3,84	3,653494	-1,0522	NA	NA
AC007362.3	0,52	-3,37	3,662803	-0,91929	NA	NA

AC007386.3	7,02	-1,70	2,811378	-0,60324	NA	NA
AC007405.4	46,02	-3,13	0,936087	-3,34627	NA	NA
AC007551.3	29,14	1,30	1,154905	1,123507	NA	NA
AC007563.1	2,79	-6,11	3,077776	-1,98601	NA	NA
AC007679.3	4,51	-2,00	1,323011	-1,51382	NA	NA
AC007682.1	3,25	-2,92	1,4825	-1,96799	NA	NA
AC007731.1	2,37	-1,91	2,356691	-0,81057	NA	NA
AC007966.1	7,21	-7,61	3,399552	-2,23774	NA	NA
AC008103.4	13,59	-8,08	3,35277	-2,41127	NA	NA
AC008132.13	11,73	0,94	1,316998	0,71385	NA	NA
AC008264.4	1,08	-4,05	3,309035	-1,22333	NA	NA
AC008280.1	1,19	-3,89	2,527524	-1,54004	NA	NA
AC008703.1	9,03	-3,40	3,365702	-1,00998	NA	NA
AC009120.5	7,61	-2,22	2,823957	-0,78597	NA	NA
AC009237.8	2,22	-2,25	1,995991	-1,1278	NA	NA
AC009299.2	4,21	-2,78	2,094088	-1,32817	NA	NA
AC009411.2	4,42	-23,96	3,638301	-6,58491	NA	NA
AC009501.4	13,51	-8,36	2,320883	-3,60275	NA	NA
AC009501.5	2,18	-3,44	1,657599	-2,07764	NA	NA
AC009518.4	1,33	-5,19	3,644241	-1,42317	NA	NA
AC009784.3	19,25	-7,26	1,695075	-4,28027	NA	NA
AC009878.2	1,58	-5,45	3,643307	-1,49676	NA	NA
AC010132.11	0,99	-4,59	3,648614	-1,25746	NA	NA
AC010153.2	2,56	-6,15	3,640377	-1,69058	NA	NA
AC010975.1	1,65	-4,13	3,645285	-1,13269	NA	NA
AC010983.1	1,23	-5,10	3,645645	-1,3991	NA	NA
AC011242.5	3,65	-8,52	3,574864	-2,38408	NA	NA
AC011284.3	1,34	-4,81	3,645744	-1,31821	NA	NA
AC011294.3	19,50	-0,74	1,456365	-0,50485	NA	NA
AC011322.1	1,05	-4,88	3,648442	-1,33819	NA	NA
AC011330.8	1,09	-4,54	3,25989	-1,39222	NA	NA
AC011524.3	1,67	-5,54	3,642966	-1,51981	NA	NA
AC011899.9	46,76	-4,28	1,731482	-2,47282	NA	NA
AC012075.1	0,90	-4,65	3,649385	-1,27436	NA	NA
AC012087.1	10,62	-25,24	3,636637	-6,94072	NA	NA
AC012358.7	19,55	-0,23	1,132849	-0,19928	NA	NA
AC012368.2	11,96	-5,94	2,446622	-2,42683	NA	NA
AC012462.3	3,88	-23,70	3,638696	-6,51262	NA	NA
AC012501.2	3,89	-4,27	3,100229	-1,37628	NA	NA
AC012613.2	7,36	-3,11	2,002861	-1,55496	NA	NA
AC013264.2	0,87	-3,90	3,310474	-1,17857	NA	NA
AC013271.3	6,92	-7,65	3,637728	-2,10165	NA	NA
AC013409.3	0,64	-4,16	3,655021	-1,13836	NA	NA
AC013409.4	5,30	-24,24	3,637827	-6,66351	NA	NA
AC013412.1	1,38	-5,26	3,644568	-1,44355	NA	NA
AC013437.3	1,13	-4,75	3,64724	-1,30289	NA	NA
AC013460.1	12,77	-2,78	3,449091	-0,80659	NA	NA
AC016725.4	3,61	-2,75	2,699581	-1,01937	NA	NA
AC016735.1	4,55	-6,17	3,172286	-1,94616	NA	NA
AC016768.1	3,43	-6,58	3,639172	-1,80703	NA	NA

AC016772.4	11,42	-25,35	3,636554	-6,9698	NA	NA
AC016903.2	4,65	-24,04	3,638141	-6,60665	NA	NA
AC016912.3	1,44	-5,32	3,644255	-1,46059	NA	NA
AC017074.2	1,76	-2,53	3,190993	-0,79247	NA	NA
AC017076.5	29,64	-0,17	1,386253	-0,12477	NA	NA
AC018705.5	4,43	-23,98	3,47946	-6,89204	NA	NA
AC018755.17	2,63	-3,69	2,797329	-1,31845	NA	NA
AC018766.6	5,05	-6,01	2,48116	-2,42424	NA	NA
AC018865.8	16,34	-0,08	0,879912	-0,09524	NA	NA
AC019171.4	4,28	-0,62	2,331021	-0,26679	NA	NA
AC019171.5	3,02	-0,64	3,004125	-0,21274	NA	NA
AC019186.1	2,40	-6,05	3,640667	-1,66306	NA	NA
AC019349.2	20,29	-7,33	2,113401	-3,46779	NA	NA
AC020595.1	7,97	-8,19	2,562414	-3,19639	NA	NA
AC022201.4	16,61	-1,89	1,896647	-0,99467	NA	NA
AC023468.2	1,80	-5,65	3,642498	-1,55011	NA	NA
AC024132.1	17,82	-8,47	2,312999	-3,66274	NA	NA
AC025442.3	2,76	-3,50	3,58425	-0,97521	NA	NA
AC025477.1	2,77	-1,12	2,16337	-0,516	NA	NA
AC027124.4	0,92	-3,19	3,490366	-0,91468	NA	NA
AC040160.13	12,25	-1,20	1,933981	-0,61991	NA	NA
AC040963.1	15,37	-25,85	3,164329	-8,16948	NA	NA
AC046143.3	7,95	0,37	1,739359	0,211256	NA	NA
AC051649.16	15,34	0,29	1,608495	0,18178	NA	NA
AC062016.2	1,71	-5,57	3,642773	-1,52956	NA	NA
AC063976.3	3,24	-23,53	3,639289	-6,4646	NA	NA
AC064836.3	1,87	-5,70	3,642181	-1,56486	NA	NA
AC064852.5	3,42	-3,42	2,374329	-1,44066	NA	NA
AC064872.1	0,77	-4,42	3,651758	-1,20934	NA	NA
AC066692.3	9,03	-3,63	1,994983	-1,82191	NA	NA
AC067945.3	3,00	-1,06	2,749953	-0,38511	NA	NA
AC068137.3	2,29	-5,99	3,640974	-1,6453	NA	NA
AC068137.4	13,30	-25,59	3,636396	-7,03591	NA	NA
AC068196.1	2,32	-5,35	2,773617	-1,92932	NA	NA
AC068491.2	2,76	-1,63	3,346217	-0,48591	NA	NA
AC068535.4	3,44	-6,42	3,598408	-1,78378	NA	NA
AC068535.5	3,71	-23,57	3,638787	-6,47842	NA	NA
AC068831.8	1,89	-4,68	2,848102	-1,64179	NA	NA
AC069363.1	10,84	-3,87	1,493841	-2,59225	NA	NA
AC069542.2	1,20	-3,40	2,57035	-1,32255	NA	NA
AC073055.2	4,57	-2,39	0,928157	-2,57355	NA	NA
AC073094.4	2,65	-6,20	3,640148	-1,70321	NA	NA
AC073115.5	1,37	-5,06	3,186135	-1,58881	NA	NA
AC073115.7	4,29	-7,28	2,695863	-2,699	NA	NA
AC073342.12	1,86	-5,69	3,09392	-1,83761	NA	NA
AC073464.5	1,28	-5,15	3,645323	-1,41268	NA	NA
AC073502.1	1,53	-3,47	3,025346	-1,14681	NA	NA
AC073628.1	0,79	-4,45	3,651222	-1,22006	NA	NA
AC073850.6	1,22	-5,08	3,64574	-1,39446	NA	NA
AC073869.6	0,94	-4,70	3,648726	-1,28786	NA	NA

AC074011.2	3,83	-4,44	2,181851	-2,03355	NA	NA
AC074091.13	6,03	-2,75	0,862829	-3,19292	NA	NA
AC074112.1	0,93	-4,50	3,648954	-1,23214	NA	NA
AC074138.3	5,09	-3,05	2,056993	-1,48272	NA	NA
AC074389.6	3,93	-23,79	3,638559	-6,53944	NA	NA
AC074389.7	1,16	-5,01	3,646304	-1,37477	NA	NA
AC074389.9	5,36	-6,39	3,637908	-1,75755	NA	NA
AC078841.5	12,55	-9,44	2,512978	-3,75772	NA	NA
AC078883.3	5,26	-9,10	2,971151	-3,06285	NA	NA
AC078941.1	0,96	-4,31	3,650707	-1,18006	NA	NA
AC079111.1	16,54	-1,41	1,329207	-1,0598	NA	NA
AC079305.9	8,07	0,37	2,271486	0,16271	NA	NA
AC079466.1	20,97	-4,44	1,031207	-4,30192	NA	NA
AC079584.3	11,01	-0,65	1,818974	-0,35943	NA	NA
AC079586.1	0,70	-4,28	3,653382	-1,1716	NA	NA
AC079610.1	2,25	-5,96	3,640992	-1,63682	NA	NA
AC079613.1	3,69	-6,46	3,639027	-1,77389	NA	NA
AC079777.1	7,81	-8,75	2,943915	-2,97268	NA	NA
AC079880.1	5,27	-24,23	3,637838	-6,66088	NA	NA
AC079923.1	12,98	1,05	1,855395	0,564143	NA	NA
AC083843.1	24,98	-0,07	1,736316	-0,04313	NA	NA
AC083884.7	1,11	-2,90	3,517531	-0,82351	NA	NA
AC083899.3	25,95	-0,05	2,100296	-0,02231	NA	NA
AC083900.1	6,12	0,02	2,261326	0,008233	NA	NA
AC090505.6	4,22	0,32	1,823065	0,175059	NA	NA
AC090587.5	3,05	-5,42	3,240389	-1,67352	NA	NA
AC090804.1	1,19	-3,33	1,508559	-2,2053	NA	NA
AC090955.5	2,08	-5,85	3,641524	-1,60672	NA	NA
AC091132.1	9,62	-2,45	1,853131	-1,3241	NA	NA
AC091491.2	4,28	-1,89	3,359869	-0,56267	NA	NA
AC091493.1	28,53	-5,99	1,95756	-3,06217	NA	NA
AC091729.9	3,65	-0,52	2,024874	-0,25653	NA	NA
AC092299.6	3,92	-3,04	2,165221	-1,40571	NA	NA
AC092595.2	1,26	-5,14	3,645433	-1,4091	NA	NA
AC092610.12	1,24	-5,10	3,645547	-1,39821	NA	NA
AC092635.1	1,57	-1,62	3,239751	-0,49979	NA	NA
AC092661.1	10,69	-4,56	1,906408	-2,39291	NA	NA
AC092667.2	9,99	-3,14	2,544993	-1,23419	NA	NA
AC092687.5	5,13	-5,62	2,532258	-2,22091	NA	NA
AC093106.5	2,05	-4,97	2,817389	-1,76324	NA	NA
AC093642.5	26,93	-0,62	1,06948	-0,58187	NA	NA
AC093726.4	6,97	-2,57	1,272279	-2,02276	NA	NA
AC093732.1	35,80	-3,38	1,874021	-1,80541	NA	NA
AC093734.11	10,38	-4,14	2,128612	-1,94728	NA	NA
AC096559.1	2,13	-1,84	2,998112	-0,61411	NA	NA
AC096649.2	1,08	-4,90	3,646967	-1,34415	NA	NA
AC097382.5	7,64	-1,67	0,921062	-1,81176	NA	NA
AC097468.6	1,11	-4,75	3,647246	-1,30182	NA	NA
AC097523.1	4,11	-2,95	1,392886	-2,12053	NA	NA
AC097532.1	2,52	-1,20	3,364066	-0,35718	NA	NA

AC098614.2	13,53	-4,48	2,163961	-2,06856	NA	NA
AC098800.1	5,44	-24,28	3,637766	-6,67394	NA	NA
AC100802.2	0,68	-4,23	3,654009	-1,15746	NA	NA
AC104532.2	2,15	-5,05	3,257886	-1,54921	NA	NA
AC104651.1	2,21	-5,94	3,641125	-1,63121	NA	NA
AC104777.1	4,87	-3,91	2,894967	-1,35058	NA	NA
AC104801.1	3,70	-23,62	3,638854	-6,49079	NA	NA
AC106883.1	1,52	-5,40	3,643791	-1,4819	NA	NA
AC107218.3	3,86	-6,57	3,124449	-2,1036	NA	NA
AC107399.2	3,48	-6,60	3,639112	-1,81296	NA	NA
AC108171.5	6,90	-24,62	3,637276	-6,76778	NA	NA
AC108448.2	2,19	-3,98	3,03748	-1,30959	NA	NA
AC108449.2	1,22	-3,61	1,77549	-2,03195	NA	NA
AC109826.1	3,69	-5,38	3,638778	-1,47775	NA	NA
AC112229.4	4,37	-4,54	1,436651	-3,16166	NA	NA
AC112497.1	22,32	-0,05	2,348016	-0,01954	NA	NA
AC113188.2	2,89	-2,04	1,331787	-1,53065	NA	NA
AC113554.3	2,24	-5,96	3,641072	-1,63584	NA	NA
AC113618.2	3,30	-6,51	3,639236	-1,79019	NA	NA
AC114730.3	10,63	0,20	1,27919	0,153319	NA	NA
AC114813.1	6,08	-24,44	3,637519	-6,71848	NA	NA
AC114814.4	1,50	-2,33	3,135789	-0,74398	NA	NA
AC129778.3	6,26	-4,68	2,063059	-2,27033	NA	NA
AC131056.5	1,98	-4,21	1,587953	-2,65184	NA	NA
AC138783.10	6,50	-6,12	3,272663	-1,86933	NA	NA
AC138972.2	13,08	-0,06	1,889177	-0,03327	NA	NA
AC139099.5	1,93	-3,29	2,764154	-1,18941	NA	NA
AC142293.3	2,63	-5,83	3,109968	-1,87602	NA	NA
AC142472.6	6,09	-3,24	1,918456	-1,68684	NA	NA
AC144831.3	2,15	-5,90	3,641305	-1,62006	NA	NA
AC145124.2	1,89	-1,66	1,607105	-1,03208	NA	NA
ACAN	5,16	-1,74	1,770503	-0,98312	NA	NA
ACER2	0,94	-3,65	3,652292	-0,99974	NA	NA
ACKR3	22,32	-1,30	2,101593	-0,61686	NA	NA
ACKR4	5,37	-1,98	2,045227	-0,96817	NA	NA
ACMSD	0,93	-3,80	3,279938	-1,15756	NA	NA
ACOT1	14,64	-0,71	2,309226	-0,30745	NA	NA
ACOT4	28,20	-5,27	1,132437	-4,65502	NA	NA
ACOX2	6,54	-1,09	1,877022	-0,57938	NA	NA
ACSBG2	2,63	-6,22	3,64068	-1,70826	NA	NA
ACSM5	3,62	-2,56	1,755518	-1,46079	NA	NA
ACTGP3	9,89	-7,77	2,638688	-2,94284	NA	NA
ACTL8	0,70	-4,00	3,655015	-1,09358	NA	NA
ACTN3	5,09	-7,19	3,639126	-1,97682	NA	NA
ACY3	18,46	-7,05	1,946409	-3,6199	NA	NA
ADAD1	4,11	-23,84	3,501491	-6,80908	NA	NA
ADAM2	3,14	-3,00	3,249087	-0,92237	NA	NA
ADAM23	2,18	-5,92	3,641291	-1,62708	NA	NA
ADAMTS10	27,04	-1,13	1,920153	-0,59046	NA	NA
ADAMTS14	1,28	-3,10	2,348554	-1,32093	NA	NA

ADAMTSL1	6,89	-7,02	2,108232	-3,32891	NA	NA
ADCY1	8,15	-4,29	1,071342	-4,00683	NA	NA
ADCYAP1R1	5,28	-2,09	2,450775	-0,85454	NA	NA
ADGRB3	15,84	-8,47	3,637228	-2,32816	NA	NA
ADGRF2	15,19	-4,53	1,048471	-4,31594	NA	NA
ADGRG2	17,27	-0,74	0,641969	-1,14646	NA	NA
ADGRG3	3,79	-5,86	3,6395	-1,61047	NA	NA
ADGRL2	6,78	-1,24	3,128308	-0,39687	NA	NA
ADGRL4	4,47	-6,93	3,435734	-2,01824	NA	NA
ADORA3	41,11	-0,68	1,795313	-0,38009	NA	NA
AF127936.3	4,99	-4,69	1,189351	-3,94325	NA	NA
AF127936.6	15,34	-10,64	2,729014	-3,89808	NA	NA
AF131215.2	2,35	-4,31	2,082294	-2,07181	NA	NA
AF186192.6	3,24	-4,79	2,935573	-1,63099	NA	NA
AF196972.3	5,42	1,19	2,197171	0,543199	NA	NA
AFAP1L2	10,10	-8,28	3,247067	-2,54902	NA	NA
AGAP2	17,27	-0,71	1,238421	-0,57613	NA	NA
AGBL2	7,43	-3,75	1,059549	-3,54355	NA	NA
AGBL3	15,43	-0,55	1,44431	-0,38346	NA	NA
AGGF1P4	1,51	-5,38	3,643787	-1,47769	NA	NA
AGGF1P8	2,78	-3,60	1,976298	-1,82123	NA	NA
AGO1	423,14	-1,30	0,623318	-2,08841	NA	NA
AGTR1	0,76	-4,18	3,652594	-1,14474	NA	NA
AJAP1	54,12	-7,50	1,616729	-4,63786	NA	NA
AK1	19,01	-2,42	1,126448	-2,14597	NA	NA
AK7	22,69	-3,43	1,312521	-2,6104	NA	NA
AKR1C2	12,10	-4,65	1,464736	-3,17595	NA	NA
AKR1C3	13,64	-3,17	1,608902	-1,9695	NA	NA
AKR1E2	2,82	-0,67	2,224764	-0,30237	NA	NA
AKR7A3	4,20	-6,38	2,662786	-2,39421	NA	NA
AL049758.2	23,56	-3,82	2,302491	-1,66103	NA	NA
AL078471.4	5,35	-8,10	3,021346	-2,68255	NA	NA
AL121578.5	18,26	-11,13	3,636139	-3,06043	NA	NA
AL162151.4	3,89	-6,59	3,566451	-1,84906	NA	NA
AL353997.2	1,11	-4,95	3,646806	-1,35637	NA	NA
AL353997.7	1,89	-5,71	3,642132	-1,56856	NA	NA
AL589743.2	10,45	0,20	1,377856	0,144366	NA	NA
AL592528.1	10,03	-7,59	3,393935	-2,2363	NA	NA
ALAS2	6,32	-4,65	1,612026	-2,88189	NA	NA
ALDH1A1	1,78	-5,13	2,764911	-1,85609	NA	NA
ALDH1A2	7,91	-6,72	2,719317	-2,47141	NA	NA
ALDH1L2	35,85	-0,18	1,222887	-0,14311	NA	NA
ALG1L	1,47	-4,98	3,230508	-1,54149	NA	NA
ALLC	10,40	-7,67	3,391008	-2,26142	NA	NA
AMBRA1	92,66	-1,88	1,118936	-1,67646	NA	NA
AMER1	20,46	-1,78	1,367023	-1,30063	NA	NA
AMOT	9,75	-2,31	2,335287	-0,98733	NA	NA
AMY1A	3,40	-6,53	3,50482	-1,86325	NA	NA
AMY1B	0,57	-3,99	3,656696	-1,09101	NA	NA
ANGPT1	16,03	-1,52	1,097993	-1,383	NA	NA

ANGPTL1	13,15	-0,81	2,084158	-0,38755	NA	NA
ANK1	1,31	-1,57	2,7549	-0,57119	NA	NA
ANK2	43,03	-7,71	1,456215	-5,29213	NA	NA
ANKFN1	8,71	-3,43	1,55679	-2,2019	NA	NA
ANKMY2	36,75	-0,21	1,359394	-0,15432	NA	NA
ANKRD1	1,84	-3,12	1,443279	-2,15877	NA	NA
ANKRD18DP	2,68	-1,21	3,374815	-0,35843	NA	NA
ANKRD20A2	20,58	-4,82	1,78613	-2,7008	NA	NA
ANKRD30BL	10,31	-2,35	1,114959	-2,10742	NA	NA
ANKRD35	4,74	-24,06	3,638116	-6,61336	NA	NA
ANKRD52	134,76	-3,11	1,052422	-2,95555	NA	NA
ANO2	0,67	-3,08	2,83945	-1,08609	NA	NA
ANO3	36,15	-5,15	3,457602	-1,49032	NA	NA
ANO5	11,94	-1,03	1,205585	-0,85605	NA	NA
ANO7P1	5,47	-6,13	2,203559	-2,78358	NA	NA
ANTXRL	4,08	-6,85	3,638813	-1,88311	NA	NA
ANTXRLP1	5,02	-6,78	3,080157	-2,20206	NA	NA
AOC1	8,16	-4,08	1,07874	-3,78209	NA	NA
AP000233.2	1,36	-5,24	3,644684	-1,4378	NA	NA
AP000235.3	7,24	-0,94	2,419505	-0,39016	NA	NA
AP000295.9	5,32	-1,58	2,367314	-0,66753	NA	NA
AP000336.1	8,55	-24,93	3,636914	-6,85393	NA	NA
AP000339.4	6,62	-2,08	2,586952	-0,8022	NA	NA
AP000350.5	22,70	-0,03	1,696163	-0,01896	NA	NA
AP000402.3	1,52	-5,40	3,643731	-1,48125	NA	NA
AP000439.1	4,52	-0,59	2,604596	-0,22776	NA	NA
AP000459.4	14,23	-1,14	1,30822	-0,86764	NA	NA
AP000462.2	0,96	-4,74	3,181752	-1,49035	NA	NA
AP000472.2	1,62	-3,27	1,906785	-1,71603	NA	NA
AP000525.10	7,82	-4,29	3,186675	-1,34628	NA	NA
AP000525.9	30,59	-0,79	1,32217	-0,59908	NA	NA
AP000593.6	1,45	-2,50	3,128928	-0,79776	NA	NA
AP000654.5	8,89	-24,94	3,636868	-6,85689	NA	NA
AP000705.8	3,60	-1,51	2,485302	-0,60611	NA	NA
AP001055.8	27,70	-2,06	1,233279	-1,67127	NA	NA
AP001056.1	6,14	-4,15	1,191739	-3,48216	NA	NA
AP001092.4	0,50	-3,81	3,660459	-1,04158	NA	NA
AP001172.3	2,49	-5,24	3,641106	-1,43887	NA	NA
AP001257.1	10,23	-1,77	3,154473	-0,56246	NA	NA
AP001432.14	9,18	-2,14	2,648308	-0,80659	NA	NA
AP001437.1	6,22	-3,10	2,440805	-1,27025	NA	NA
AP001601.2	6,07	-8,06	2,990184	-2,69604	NA	NA
AP001610.5	17,08	-3,23	1,795037	-1,80085	NA	NA
AP001610.9	5,21	-24,22	3,637877	-6,65746	NA	NA
AP001627.1	6,58	-3,24	2,957383	-1,09447	NA	NA
AP001629.8	14,95	-1,07	1,168486	-0,91971	NA	NA
AP001634.6	10,36	-25,21	3,63666	-6,93138	NA	NA
AP002856.5	0,49	-3,77	3,661007	-1,03102	NA	NA
AP002954.4	26,21	-4,29	1,909441	-2,24478	NA	NA
AP003774.4	17,73	0,91	1,370952	0,661275	NA	NA

AP005135.2	2,29	-2,40	2,914412	-0,82208	NA	NA
APOBEC3H	5,05	-3,09	1,115921	-2,7715	NA	NA
APOM	26,81	-0,08	1,468428	-0,05163	NA	NA
AQP8	9,13	-24,82	3,28688	-7,55125	NA	NA
ARF4-AS1	5,82	-1,08	1,153584	-0,93219	NA	NA
ARFGEF3	15,85	-4,14	0,886533	-4,66537	NA	NA
ARG1	5,75	-0,50	1,879455	-0,26387	NA	NA
ARHGAP11A	25,26	-0,38	1,177429	-0,3196	NA	NA
ARHGAP12	98,07	-1,90	1,042172	-1,82546	NA	NA
ARHGAP36	0,47	-3,10	3,668332	-0,84407	NA	NA
ARHGAP6	13,39	-6,04	1,835777	-3,29095	NA	NA
ARHGEF11	139,09	-2,35	1,252928	-1,8739	NA	NA
ARHGEF28	41,46	-3,20	1,016315	-3,14834	NA	NA
ARHGEF5	8,43	-5,57	2,59966	-2,14184	NA	NA
ARID3A	267,64	-0,95	0,856742	-1,11069	NA	NA
ARL15	75,87	-0,51	1,127948	-0,45467	NA	NA
ARMC12	12,59	-1,48	2,02847	-0,72767	NA	NA
ARMC3	21,80	-1,70	1,727182	-0,98342	NA	NA
ARMC4	4,17	0,16	2,018642	0,08109	NA	NA
ARMC9	27,60	-4,77	0,943875	-5,05858	NA	NA
ARPP21	5,99	-6,40	2,279451	-2,80813	NA	NA
ARSH	0,97	-4,52	3,649312	-1,23769	NA	NA
ASAP1-IT2	45,21	0,01	0,950087	0,008884	NA	NA
ASB14	32,51	0,45	1,323319	0,340107	NA	NA
ASIC1	0,70	-4,26	3,652668	-1,16697	NA	NA
ASIC2	1,39	-4,97	3,643431	-1,36278	NA	NA
ASXL3	15,09	-3,67	1,61336	-2,27474	NA	NA
ATP12A	7,60	-6,90	3,02942	-2,27727	NA	NA
ATP1A2	7,63	-5,65	1,39419	-4,05187	NA	NA
ATP1A3	2,94	-1,76	1,336548	-1,32037	NA	NA
ATP1B2	54,90	-5,24	1,200615	-4,36475	NA	NA
ATP2B2	10,99	-5,40	2,157705	-2,50477	NA	NA
ATP2B3	1,66	-5,18	3,161532	-1,63725	NA	NA
ATP5J2-PTCD1	3,06	-1,57	1,861499	-0,84517	NA	NA
ATP6V1C2	24,02	-2,94	1,792025	-1,64158	NA	NA
ATP8B5P	1,32	-2,22	1,485979	-1,49179	NA	NA
AURKA	17,89	-1,39	1,725426	-0,80849	NA	NA
AZIN2	4,95	-1,27	2,330017	-0,54529	NA	NA
B3GNT6	5,20	-4,32	1,734895	-2,49169	NA	NA
B4GAT1	4,06	-1,95	2,288818	-0,85089	NA	NA
BAAT	1,98	-1,45	3,632114	-0,39843	NA	NA
BAG3	20,91	0,06	1,695157	0,033605	NA	NA
BAIAP3	1,61	-4,64	3,272786	-1,41712	NA	NA
BCAN	0,30	-2,76	3,6796	-0,75045	NA	NA
BCAR3	23,32	-2,90	1,416813	-2,04703	NA	NA
BCAR4	2,12	-5,43	3,642357	-1,49133	NA	NA
BCDIN3D	121,88	-1,35	0,57926	-2,32729	NA	NA
BCO1	13,75	-10,53	2,805769	-3,7518	NA	NA
BDNF	1,01	-2,89	3,507851	-0,82278	NA	NA
BDNF-AS1	3,20	-1,43	1,880006	-0,75917	NA	NA

BEAN1	69,88	0,45	1,26527	0,352301	NA	NA
BEND6	94,04	-1,07	0,709484	-1,50694	NA	NA
BEND7	75,72	-6,44	1,792974	-3,59143	NA	NA
BEX2	25,91	-0,67	2,023215	-0,33312	NA	NA
BFSP2	1,24	-5,15	3,647015	-1,41131	NA	NA
BHMT2	11,59	-4,02	0,965987	-4,16389	NA	NA
BICC1	26,74	-1,86	0,934744	-1,98763	NA	NA
BLOC1S5-TXNDC5	15,82	-0,56	2,113159	-0,26389	NA	NA
bP-21264C1.1	1,79	-1,43	3,272118	-0,43589	NA	NA
bP-2171C21.3	4,39	-23,95	3,638315	-6,5821	NA	NA
bP-2189O9.3	4,50	1,01	2,448927	0,414156	NA	NA
BPI	0,86	-4,03	3,651061	-1,10339	NA	NA
BRPF3	44,93	-1,58	1,295035	-1,22025	NA	NA
BTBD19	41,48	-2,05	0,965824	-2,1266	NA	NA
BTG3-AS1	7,70	0,96	1,802498	0,533945	NA	NA
BUB1	25,26	-5,54	1,173578	-4,71701	NA	NA
BX322563.3	2,73	-6,24	3,640062	-1,71495	NA	NA
BYSL	18,12	-0,57	1,497664	-0,38305	NA	NA
C10orf10	11,55	-0,80	1,559357	-0,51155	NA	NA
C10orf62	1,89	-5,71	3,64213	-1,56877	NA	NA
C11orf95	10,71	-1,44	2,025526	-0,71078	NA	NA
C14orf79	27,35	-2,86	0,89351	-3,19861	NA	NA
C16orf45	15,24	-1,29	1,541642	-0,83832	NA	NA
C17orf78	5,26	-0,08	3,621065	-0,0219	NA	NA
C19orf68	4,35	-5,72	2,359316	-2,42323	NA	NA
C1orf116	3,05	-7,97	3,624008	-2,19938	NA	NA
C1orf180	6,69	-0,79	1,006936	-0,78078	NA	NA
C1orf185	3,45	-2,69	3,268225	-0,82158	NA	NA
C1orf194	0,50	-3,03	3,665754	-0,82662	NA	NA
C1orf87	9,30	-8,20	2,578842	-3,18009	NA	NA
C1QTNF7	1,32	-3,28	2,612522	-1,25446	NA	NA
C1QTNF9	3,49	-2,34	2,473083	-0,94809	NA	NA
C20orf195	0,52	-3,81	3,65723	-1,04103	NA	NA
C21orf117	3,22	-6,48	3,639373	-1,78166	NA	NA
C21orf128	0,73	-4,12	3,653663	-1,12804	NA	NA
C21orf67	4,85	-4,24	2,351617	-1,80494	NA	NA
C2orf44	11,97	-4,98	1,98342	-2,51247	NA	NA
C2orf73	3,05	-6,42	3,639834	-1,76462	NA	NA
C2orf81	57,98	-1,44	1,688345	-0,8529	NA	NA
C3orf20	2,73	-5,09	2,923365	-1,74129	NA	NA
C3orf65	43,14	-1,12	0,73954	-1,51219	NA	NA
C3P1	2,58	-6,00	3,640459	-1,64778	NA	NA
C4A	8,00	0,47	2,491181	0,189912	NA	NA
C4B	3,84	-0,92	2,366397	-0,38734	NA	NA
C4orf46	28,84	-2,12	1,064591	-1,98892	NA	NA
C5orf30	30,32	-1,48	1,416566	-1,04821	NA	NA
C5orf34	8,81	0,41	1,817367	0,227025	NA	NA
C5orf63	68,07	2,08	1,381018	1,507882	NA	NA
C6	4,02	-23,76	3,638342	-6,53119	NA	NA
C6orf10	4,31	-23,89	3,501289	-6,82281	NA	NA

C6orf3	5,02	-2,49	2,315232	-1,07496	NA	NA
C6orf52	0,75	-1,73	3,071256	-0,56327	NA	NA
C7	33,69	-7,24	1,234962	-5,86607	NA	NA
C7orf55-LUC7L2	19,22	-0,62	2,696804	-0,23001	NA	NA
C8B	1,24	-5,04	3,644727	-1,38148	NA	NA
C8orf22	1,39	-5,25	3,644081	-1,44109	NA	NA
C8orf46	2,47	-5,28	1,950039	-2,70742	NA	NA
C9orf106	19,92	-2,75	1,382131	-1,98721	NA	NA
C9orf24	6,24	-5,09	2,970985	-1,71419	NA	NA
C9orf73	11,61	-8,68	2,571347	-3,37439	NA	NA
CA10	6,50	-4,43	3,620674	-1,22268	NA	NA
CA13	20,33	-1,87	0,971579	-1,92569	NA	NA
CA8	13,62	-7,86	2,149704	-3,65551	NA	NA
CABP7	3,74	-5,72	2,791577	-2,05053	NA	NA
CACHD1	9,38	-4,71	2,39001	-1,97074	NA	NA
CACNA1I	3,34	-1,99	1,994236	-0,99605	NA	NA
CACNA2D2	9,08	-4,93	2,822674	-1,74553	NA	NA
CACNG2	6,01	-2,73	1,747465	-1,56281	NA	NA
CADM1	68,10	-2,78	1,263584	-2,20027	NA	NA
CADPS	27,53	-3,03	1,492247	-2,03078	NA	NA
CALB2	4,35	-23,95	3,638451	-6,5817	NA	NA
CALCR	2,18	-5,93	3,641235	-1,62728	NA	NA
CALML6	2,09	-5,68	3,64132	-1,55993	NA	NA
CAMK2A	23,85	-5,86	1,44386	-4,05583	NA	NA
CAMSAP2	41,25	-3,10	1,284283	-2,4129	NA	NA
CAND2	5,23	-3,92	2,834798	-1,38451	NA	NA
CASC22	1,57	-5,45	3,643496	-1,49452	NA	NA
CATSPER3	2,70	-5,33	2,798012	-1,90646	NA	NA
CBLN2	10,39	-5,54	1,749791	-3,16363	NA	NA
CBLN4	9,22	-25,04	3,636815	-6,88455	NA	NA
CBR3	1,94	-4,30	2,911304	-1,47669	NA	NA
CBX5	1283,93	-1,55	0,59834	-2,5889	NA	NA
CCDC103	6,59	-5,28	2,693913	-1,95916	NA	NA
CCDC113	48,27	-0,08	1,321573	-0,05752	NA	NA
CCDC121	9,31	1,13	1,956897	0,577873	NA	NA
CCDC155	17,04	-3,82	1,493542	-2,55633	NA	NA
CCDC163P	20,72	-1,15	0,860515	-1,33271	NA	NA
CCDC190	0,83	-3,98	3,30734	-1,20443	NA	NA
CCDC63	3,24	-6,52	3,639731	-1,79071	NA	NA
CCDC65	42,29	-4,65	3,60917	-1,28926	NA	NA
CCDC83	0,97	-2,81	2,587026	-1,08793	NA	NA
CCL11	3,50	-6,61	3,639052	-1,81534	NA	NA
CCNB1	15,02	-1,98	1,645509	-1,20436	NA	NA
CCNB3	6,55	-3,49	2,67968	-1,30319	NA	NA
CCND2-AS1	60,54	-9,33	1,931767	-4,82917	NA	NA
CCR7	10,14	-2,63	1,569385	-1,67798	NA	NA
CCT4P2	3,21	-6,32	3,06432	-2,06269	NA	NA
CD109	169,77	2,36	0,649896	3,624799	NA	NA
CD163L1	12,16	-2,74	2,15274	-1,27315	NA	NA
CD19	29,11	-1,04	1,831019	-0,56721	NA	NA

CD276	23,12	-2,34	1,850552	-1,26669	NA	NA
CD320	22,37	-2,06	0,988353	-2,08599	NA	NA
CD3G	47,31	-2,44	1,062708	-2,29379	NA	NA
CDC14B	14,01	-0,41	1,89092	-0,21691	NA	NA
CDC45	13,57	-7,72	2,382205	-3,24136	NA	NA
CDH10	1,39	-4,91	3,238558	-1,51659	NA	NA
CDH16	1,68	-5,06	3,645207	-1,38696	NA	NA
CDH5	20,39	-6,17	1,216774	-5,07209	NA	NA
CDK1	3,56	-0,08	1,748586	-0,04372	NA	NA
CDK15	2,54	-1,63	1,70725	-0,95489	NA	NA
CDKL3	19,46	-1,09	0,960512	-1,13286	NA	NA
CDKL4	0,60	-3,86	3,276015	-1,17803	NA	NA
CDKN2B-AS1	30,12	-3,19	0,888161	-3,59633	NA	NA
CDKN2C	29,93	-2,86	1,619868	-1,76825	NA	NA
CDNF	7,01	-5,02	1,633355	-3,07613	NA	NA
CDYL2	66,24	-4,15	1,765703	-2,35071	NA	NA
CEACAM20	0,79	-4,46	3,651673	-1,22165	NA	NA
CEBPE	1,49	-3,51	2,370364	-1,47934	NA	NA
CECR2	15,40	-1,09	1,026236	-1,06016	NA	NA
CELA3B	7,92	-1,90	1,138501	-1,6705	NA	NA
CELF6	78,85	-1,83	1,496746	-1,22286	NA	NA
CELSR3	9,40	-1,05	1,892294	-0,55266	NA	NA
CEMIP	32,70	-1,96	1,941271	-1,01084	NA	NA
CENPL	61,42	-0,12	0,968414	-0,12645	NA	NA
CENPP	80,86	-2,13	1,549623	-1,37453	NA	NA
CENPQ	12,21	-1,47	1,687085	-0,87398	NA	NA
CES4A	41,04	-0,97	1,036138	-0,93602	NA	NA
CFAP157	3,63	-0,59	1,637112	-0,36192	NA	NA
CFAP43	21,59	-5,37	2,426463	-2,21253	NA	NA
CFAP46	0,72	-4,24	3,650654	-1,16263	NA	NA
CFAP53	4,00	-8,33	3,549725	-2,34762	NA	NA
CFAP61	4,75	-1,57	2,581333	-0,60989	NA	NA
CFAP77	0,86	-4,37	3,650165	-1,1978	NA	NA
CFHR2	8,51	-9,61	3,349421	-2,86802	NA	NA
CFHR5	3,53	-3,21	3,234428	-0,99382	NA	NA
CFL2	222,99	2,09	1,075828	1,939385	NA	NA
CH17-125A10.2	8,53	-1,61	1,456522	-1,10594	NA	NA
CH17-264B6.3	2,01	-1,16	2,94606	-0,39456	NA	NA
CH17-296N19.1	1,06	-4,88	3,647384	-1,33695	NA	NA
CH17-478G19.1	2,55	-5,98	3,640479	-1,64252	NA	NA
CH17-78J1.1	1,99	-5,61	3,642011	-1,53938	NA	NA
CH25H	15,14	-1,61	2,605944	-0,61836	NA	NA
CH507-154B10.2	2,78	-1,26	2,273172	-0,55499	NA	NA
CH507-216K13.2	4,59	-1,02	1,70528	-0,59964	NA	NA
CH507-254M2.3	3,16	-4,03	2,411414	-1,67115	NA	NA
CHCHD6	36,57	-1,70	1,610739	-1,05832	NA	NA
CHDH	33,28	-4,16	0,778338	-5,33923	NA	NA
CHRD	12,72	-4,00	1,175131	-3,40183	NA	NA
CHRND	2,24	-5,95	3,640926	-1,6337	NA	NA
CHST7	8,08	-6,56	2,19875	-2,98389	NA	NA

CIART	8,34	-3,46	1,078149	-3,21363	NA	NA
CIB2	3,10	-3,28	1,989679	-1,64661	NA	NA
CITF22-92A6.2	8,44	-2,69	0,79328	-3,39632	NA	NA
CKLF-CMTM1	16,97	-0,34	1,079867	-0,31135	NA	NA
CKM	10,55	-7,89	2,661156	-2,96435	NA	NA
CKMT2	1,59	-5,45	3,643286	-1,49691	NA	NA
CLEC14A	2,86	-5,97	3,640024	-1,63986	NA	NA
CLEC18B	8,17	-5,33	2,196942	-2,42599	NA	NA
CLEC18C	0,93	-4,45	3,647972	-1,22051	NA	NA
CLEC6A	15,71	-0,50	1,914865	-0,25934	NA	NA
CLIC6	5,03	-0,51	1,457697	-0,34702	NA	NA
CLIP3	40,77	-8,70	2,226341	-3,90668	NA	NA
CLMP	51,59	1,28	1,050553	1,217769	NA	NA
CLU	62,40	-4,47	0,891953	-5,01697	NA	NA
CLUAP1	106,97	2,23	0,897488	2,479316	NA	NA
CMB9-55A18.1	8,72	-0,45	1,429178	-0,31193	NA	NA
CMB9-55F22.1	0,70	-4,27	3,652745	-1,16823	NA	NA
CMB9-55F22.2	11,69	-1,14	0,914484	-1,24892	NA	NA
CMYA5	4,97	-6,27	2,17021	-2,88869	NA	NA
CNBD1	2,50	-5,45	2,721381	-2,00155	NA	NA
CNGB3	5,59	-1,47	1,912061	-0,77129	NA	NA
CNIH2	2,43	-4,71	2,898106	-1,62598	NA	NA
CNN1	10,91	-4,33	1,050552	-4,12125	NA	NA
CNNM2	82,41	-1,71	0,942113	-1,81898	NA	NA
CNR1	6,91	-9,93	3,408433	-2,91267	NA	NA
CNTF	21,85	-6,86	3,623216	-1,89264	NA	NA
CNTN6	4,94	-6,41	3,164594	-2,0241	NA	NA
CNTNAP4	1,14	-1,31	3,2	-0,41092	NA	NA
CNTNAP5	15,01	0,43	1,232991	0,348254	NA	NA
COBL	4,66	-0,18	2,870927	-0,06108	NA	NA
COL11A1	9,76	-0,08	2,486559	-0,03332	NA	NA
COL11A2	6,03	-6,86	3,175632	-2,16056	NA	NA
COL16A1	3,88	-3,07	1,586713	-1,93369	NA	NA
COL21A1	4,54	1,31	3,208426	0,407968	NA	NA
COL22A1	39,28	-8,79	3,632514	-2,41965	NA	NA
COL25A1	1,14	-4,98	3,646501	-1,36553	NA	NA
COL4A2	1,45	-2,78	3,076532	-0,90219	NA	NA
COL5A1	2,60	-1,95	2,158471	-0,90292	NA	NA
COL6A6	29,35	-1,69	1,860495	-0,90694	NA	NA
COL8A1	40,94	-1,93	0,661644	-2,91292	NA	NA
COL8A2	65,10	-1,45	1,190116	-1,22091	NA	NA
COLEC11	5,20	-0,23	1,499812	-0,15202	NA	NA
COLGALT2	15,91	-3,99	2,387969	-1,66923	NA	NA
COPG2	15,90	-2,77	1,330824	-2,07951	NA	NA
COPZ2	5,59	-5,83	3,333943	-1,74777	NA	NA
COQ3	10,27	0,52	1,507814	0,345134	NA	NA
COX7A2P1	8,62	-8,93	2,933055	-3,04618	NA	NA
COX7BP2	1,52	-3,61	3,054355	-1,18053	NA	NA
CPA3	1,46	-5,37	3,645698	-1,47295	NA	NA
CPNE5	40,89	-5,28	1,176611	-4,48643	NA	NA

CR2	9,67	-0,50	1,284791	-0,38608	NA	NA
CRB1	20,93	-2,46	0,640535	-3,84507	NA	NA
CRMP1	2,60	-5,98	3,069085	-1,94923	NA	NA
CRYAB	1,75	-5,33	3,204125	-1,66203	NA	NA
CRYGN	1,91	-5,24	3,180964	-1,64864	NA	NA
CRYGS	20,43	-2,24	1,59882	-1,39995	NA	NA
CSDC2	5,30	-1,08	1,34385	-0,80071	NA	NA
CSN1S2AP	0,59	-4,04	3,656772	-1,10392	NA	NA
CSN2	2,45	-6,09	3,640594	-1,67305	NA	NA
CSPG4	20,90	-6,86	2,384713	-2,87475	NA	NA
CSRNP3	5,29	-4,91	1,247185	-3,93735	NA	NA
CST6	1,52	-5,40	3,643758	-1,48165	NA	NA
CT45A10	0,46	-3,66	3,661488	-0,99996	NA	NA
CTA-14H9.6	1,12	-4,95	3,646756	-1,35862	NA	NA
CTA-217C2.2	10,89	-10,04	3,284545	-3,0574	NA	NA
CTA-21C21.1	0,49	-3,77	3,661007	-1,03102	NA	NA
CTA-277P6.1	8,61	-24,94	3,636912	-6,85726	NA	NA
CTA-326K9.1	4,11	-23,87	3,638503	-6,561	NA	NA
CTA-363E19.2	10,80	-5,00	2,132019	-2,34365	NA	NA
CTA-363E6.6	2,49	-4,42	2,088796	-2,11795	NA	NA
CTA-384D8.20	1,69	-2,69	2,807404	-0,95721	NA	NA
CTA-38K21.2	2,27	-2,84	2,287715	-1,2404	NA	NA
CTA-390C10.9	12,30	-25,43	3,21035	-7,92277	NA	NA
CTA-392C11.1	0,91	-4,63	3,648438	-1,26871	NA	NA
CTA-407F11.6	46,51	0,06	0,998139	0,062852	NA	NA
CTA-445C9.14	0,79	-3,21	2,964544	-1,08124	NA	NA
CTA-992D9.10	8,40	-3,13	0,853531	-3,67091	NA	NA
CTA-992D9.6	5,09	-1,84	2,785691	-0,65882	NA	NA
CTA-992D9.9	1,66	-2,08	2,560495	-0,81293	NA	NA
CTB-105L4.2	4,42	-23,96	3,638307	-6,58557	NA	NA
CTB-111H14.1	5,82	-2,91	1,77599	-1,63591	NA	NA
CTB-113P19.4	2,49	-6,11	3,640512	-1,67913	NA	NA
CTB-114C7.3	5,02	-2,55	2,249447	-1,13232	NA	NA
CTB-114C7.4	6,42	0,53	1,965017	0,270592	NA	NA
CTB-127C13.1	108,91	-2,80	0,78555	-3,56788	NA	NA
CTB-129P6.11	4,01	-0,75	2,019709	-0,37099	NA	NA
CTB-133G6.1	23,84	0,14	1,888645	0,073638	NA	NA
CTB-134F13.1	4,52	-5,90	2,782367	-2,12036	NA	NA
CTB-161K23.1	2,21	-3,20	3,589849	-0,89104	NA	NA
CTB-171A8.1	5,75	-4,58	2,268742	-2,01949	NA	NA
CTB-175P5.4	18,50	-2,03	0,838476	-2,41936	NA	NA
CTB-179K24.3	7,63	-0,28	1,619797	-0,17057	NA	NA
CTB-2317.1	3,20	-6,47	3,639409	-1,77897	NA	NA
CTB-28J9.2	7,34	-8,65	2,95497	-2,92734	NA	NA
CTB-30L5.1	2,31	-6,00	3,640875	-1,64801	NA	NA
CTB-36H16.2	14,83	-6,54	2,308809	-2,83423	NA	NA
CTB-49A3.2	2,16	-3,26	2,503637	-1,30332	NA	NA
CTB-4E7.1	8,78	-24,92	3,63686	-6,8519	NA	NA
CTB-55O6.4	5,97	-4,49	3,124316	-1,43786	NA	NA
CTB-55O6.8	8,10	-1,97	2,577335	-0,76594	NA	NA

CTB-57H20.1	8,38	-9,94	3,353509	-2,96298	NA	NA
CTB-58E17.1	6,97	-0,70	0,991832	-0,7096	NA	NA
CTB-58E17.5	1,26	-4,95	3,645758	-1,35648	NA	NA
CTB-73N10.1	5,98	-24,41	3,637563	-6,71171	NA	NA
CTB-77H17.1	1,80	-5,64	3,642377	-1,54813	NA	NA
CTB-83J4.1	6,26	-3,08	2,998596	-1,02815	NA	NA
CTB-87J17.2	0,91	-4,65	3,64939	-1,27456	NA	NA
CTB-88F18.4	2,93	-6,35	3,639756	-1,74386	NA	NA
CTB-95D12.1	18,71	-9,44	2,490069	-3,78964	NA	NA
CTC-1337H24.4	0,78	-4,00	3,653094	-1,09395	NA	NA
CTC-205M6.1	7,11	0,77	2,903394	0,266438	NA	NA
CTC-232P5.3	40,38	-0,93	1,566383	-0,59644	NA	NA
CTC-236F12.4	2,40	-2,87	3,628551	-0,79194	NA	NA
CTC-248O19.1	6,39	-2,02	2,203423	-0,916	NA	NA
CTC-260E6.4	7,28	-2,26	1,72446	-1,31137	NA	NA
CTC-269P20.1	7,66	-24,68	3,637084	-6,78519	NA	NA
CTC-281F24.1	0,82	-3,61	3,654598	-0,9889	NA	NA
CTC-293A9.2	1,42	-5,13	3,644522	-1,40672	NA	NA
CTC-340D7.1	1,47	-1,80	2,053106	-0,87701	NA	NA
CTC-340I23.2	1,44	-5,32	3,644181	-1,46028	NA	NA
CTC-360G5.6	6,79	-1,28	0,864866	-1,48558	NA	NA
CTC-360P9.3	0,91	-4,66	3,649236	-1,27625	NA	NA
CTC-419K13.1	4,52	-23,99	3,638241	-6,59441	NA	NA
CTC-428G20.5	9,00	-1,48	0,633558	-2,34334	NA	NA
CTC-428G20.6	9,52	-4,55	2,631689	-1,72815	NA	NA
CTC-432M15.3	4,11	-4,97	3,633394	-1,36835	NA	NA
CTC-436K13.6	2,31	-3,30	2,004606	-1,64631	NA	NA
CTC-436P18.1	2,08	-1,56	3,630783	-0,4287	NA	NA
CTC-448F2.5	0,51	-3,83	3,659966	-1,04514	NA	NA
CTC-448F2.6	6,49	-6,33	2,719058	-2,32668	NA	NA
CTC-457E21.1	9,92	-5,02	2,780361	-1,80556	NA	NA
CTC-458G6.2	1,70	-0,90	1,618352	-0,55557	NA	NA
CTC-458I2.2	7,98	-1,65	2,094428	-0,78719	NA	NA
CTC-459M5.1	3,57	-1,78	2,198088	-0,81079	NA	NA
CTC-463N11.1	2,87	-4,84	3,63878	-1,32978	NA	NA
CTC-471J1.11	1,28	-3,17	2,654354	-1,19291	NA	NA
CTC-479C5.6	22,26	-9,67	3,636015	-2,65816	NA	NA
CTC-484P3.3	1,96	-5,39	3,642274	-1,48115	NA	NA
CTC-490G23.6	17,10	-5,41	2,198196	-2,45986	NA	NA
CTC-497E21.5	3,69	-23,61	3,638872	-6,48818	NA	NA
CTC-498M16.2	24,41	-26,48	3,636236	-7,28173	NA	NA
CTC-499B15.7	15,36	-1,77	1,411321	-1,25184	NA	NA
CTC-501O10.1	8,46	-0,62	1,331243	-0,46606	NA	NA
CTC-512J12.7	0,64	-3,91	3,656106	-1,06852	NA	NA
CTC-523E23.10	7,54	-9,84	3,381387	-2,90879	NA	NA
CTC-529L17.1	6,78	-0,05	1,787109	-0,02989	NA	NA
CTC-534A2.2	48,86	-0,95	1,526069	-0,62505	NA	NA
CTC-534B23.1	6,80	-23,83	3,637308	-6,55094	NA	NA
CTC-542B22.2	11,70	-1,08	1,610748	-0,67335	NA	NA
CTC-546K23.1	0,66	-4,21	3,654342	-1,15143	NA	NA

CTC-552D5.1	4,13	-2,25	2,292009	-0,98334	NA	NA
CTC-756D1.1	1,84	-5,67	3,642343	-1,55763	NA	NA
CTC-774J1.1	24,48	-6,89	1,43747	-4,79523	NA	NA
CTC-782O7.1	1,52	-5,11	2,715508	-1,88337	NA	NA
CTC-820M8.1	1,35	-3,27	2,329363	-1,4031	NA	NA
CTD-2006C1.12	4,00	-2,55	2,447728	-1,04045	NA	NA
CTD-2013N24.2	24,18	-0,86	1,20365	-0,71202	NA	NA
CTD-2014B16.5	1,90	-5,56	3,642148	-1,52561	NA	NA
CTD-2017F17.1	2,03	-1,51	3,319208	-0,45352	NA	NA
CTD-2020K17.4	3,39	-0,78	2,347447	-0,33385	NA	NA
CTD-2021H9.2	0,80	-4,22	3,652446	-1,1546	NA	NA
CTD-2021J15.2	3,68	-6,68	3,638889	-1,83485	NA	NA
CTD-2023N9.1	0,66	-3,93	3,656085	-1,07415	NA	NA
CTD-2027I19.3	1,71	-3,78	2,667975	-1,41785	NA	NA
CTD-2033C11.1	1,62	-1,25	3,638868	-0,34448	NA	NA
CTD-2047H16.4	26,43	-1,12	1,383992	-0,80589	NA	NA
CTD-2053J20.1	4,51	-8,56	3,519252	-2,43156	NA	NA
CTD-2086L14.7	1,11	-4,95	3,646766	-1,35609	NA	NA
CTD-2091N23.1	0,88	-4,62	3,649728	-1,26613	NA	NA
CTD-2110K23.1	12,97	-9,36	2,852033	-3,28267	NA	NA
CTD-2116N17.1	14,84	-4,35	1,896294	-2,29375	NA	NA
CTD-2124B8.1	0,90	-4,65	3,649353	-1,27548	NA	NA
CTD-2126E3.1	2,37	-2,20	2,632052	-0,83535	NA	NA
CTD-2132H18.1	0,69	-4,26	3,653683	-1,16681	NA	NA
CTD-2132N18.2	3,92	-1,22	0,939709	-1,30015	NA	NA
CTD-2134P3.1	2,05	-1,96	2,917678	-0,67134	NA	NA
CTD-2139B15.1	10,20	-25,18	3,63668	-6,92515	NA	NA
CTD-2141G3.1	13,60	-4,11	0,828203	-4,95704	NA	NA
CTD-2146O16.1	1,19	-5,05	3,645907	-1,38531	NA	NA
CTD-2165H16.3	6,56	-0,23	1,621594	-0,14008	NA	NA
CTD-2168K21.1	3,24	-4,88	3,6372	-1,34292	NA	NA
CTD-2193P3.2	0,94	-4,71	3,648859	-1,28969	NA	NA
CTD-2194D22.4	9,83	-4,18	1,5354	-2,72037	NA	NA
CTD-2194F4.2	1,05	-4,86	3,647448	-1,33377	NA	NA
CTD-2200A16.1	1,27	-5,14	3,645328	-1,40953	NA	NA
CTD-2201E9.3	1,32	-5,20	3,644977	-1,42693	NA	NA
CTD-2207L17.1	4,54	-23,99	3,638184	-6,59494	NA	NA
CTD-2207L17.2	2,22	-5,95	3,64112	-1,634	NA	NA
CTD-2210P15.2	1,34	-5,21	3,644873	-1,43017	NA	NA
CTD-2213F21.2	45,64	-1,16	1,504045	-0,77047	NA	NA
CTD-2227C6.3	3,59	-6,64	3,638988	-1,82575	NA	NA
CTD-2228K2.7	2,45	-3,86	2,45015	-1,57411	NA	NA
CTD-2234N14.1	1,12	-4,99	3,648167	-1,36781	NA	NA
CTD-2248H3.1	3,90	-6,59	3,564934	-1,84977	NA	NA
CTD-2254N19.1	1,07	-4,18	3,649577	-1,14474	NA	NA
CTD-2275D10.2	14,41	-5,14	3,506957	-1,46548	NA	NA
CTD-2286N8.2	1,55	-3,62	3,01627	-1,19946	NA	NA
CTD-2287O16.5	8,76	-1,79	2,437843	-0,73566	NA	NA
CTD-2291D10.2	6,32	-7,74	3,012271	-2,56986	NA	NA
CTD-2307P3.1	6,84	-24,61	3,637292	-6,76495	NA	NA

CTD-2313B8.1	18,42	-25,87	3,636134	-7,11521	NA	NA
CTD-2313N18.7	0,92	-4,05	3,650978	-1,11039	NA	NA
CTD-2314B22.1	3,68	-6,71	3,639301	-1,84425	NA	NA
CTD-2320B12.1	9,96	-8,84	2,514556	-3,516	NA	NA
CTD-2323K18.1	5,77	-3,74	1,991457	-1,87681	NA	NA
CTD-2324A24.1	2,97	-3,11	1,057185	-2,93774	NA	NA
CTD-2325A15.3	3,23	-8,33	3,606998	-2,30841	NA	NA
CTD-2332E11.2	1,99	-5,63	3,641885	-1,54476	NA	NA
CTD-2349B8.1	3,62	-1,77	1,632601	-1,08319	NA	NA
CTD-2349P21.5	5,04	-1,88	1,929051	-0,97536	NA	NA
CTD-2357A8.3	7,49	-0,29	1,172848	-0,247	NA	NA
CTD-2358C21.5	4,09	-5,38	2,896047	-1,85729	NA	NA
CTD-2363C16.1	1,25	-2,12	2,770078	-0,76534	NA	NA
CTD-2366F13.2	3,41	-4,98	3,393051	-1,46635	NA	NA
CTD-2382E5.4	14,87	-0,47	0,935945	-0,50205	NA	NA
CTD-2383M3.1	32,38	-8,09	3,630304	-2,22782	NA	NA
CTD-2396E7.7	1,20	-5,06	3,645893	-1,3885	NA	NA
CTD-2396E7.8	0,83	-4,54	3,650554	-1,24258	NA	NA
CTD-2501E16.1	0,93	-4,68	3,648952	-1,2834	NA	NA
CTD-2506P8.6	5,13	-24,09	3,637903	-6,62189	NA	NA
CTD-2514K5.2	4,62	0,39	2,175243	0,180589	NA	NA
CTD-2515C13.1	1,84	-5,67	3,642276	-1,55772	NA	NA
CTD-2515O10.5	0,94	-4,30	3,650021	-1,17745	NA	NA
CTD-2517M22.9	9,03	-1,50	1,593275	-0,94303	NA	NA
CTD-2522B17.8	3,38	-6,55	3,639184	-1,80043	NA	NA
CTD-2525I3.2	2,01	-1,70	2,117412	-0,80392	NA	NA
CTD-2525I3.8	6,89	-24,61	3,63728	-6,76592	NA	NA
CTD-2530H12.2	1,24	-5,10	3,645679	-1,39943	NA	NA
CTD-2530N21.5	4,53	-3,34	1,841768	-1,81303	NA	NA
CTD-2538C1.2	4,71	-3,00	2,062214	-1,4542	NA	NA
CTD-2541M15.3	2,71	-6,23	3,640099	-1,71234	NA	NA
CTD-2544N14.3	1,96	-1,88	3,263085	-0,57686	NA	NA
CTD-2545M3.6	1,81	-3,02	3,134809	-0,962	NA	NA
CTD-2547E10.6	46,14	-4,45	0,874448	-5,09448	NA	NA
CTD-2547H18.1	12,82	-0,20	1,72087	-0,11704	NA	NA
CTD-2555A7.3	1,72	-5,40	3,642929	-1,48331	NA	NA
CTD-2560K21.6	2,00	-5,80	3,641763	-1,59267	NA	NA
CTD-2566J3.1	2,03	-4,38	3,641576	-1,20301	NA	NA
CTD-2607J13.1	3,85	-7,48	3,071157	-2,43487	NA	NA
CTD-2611K5.6	2,32	-4,05	2,086362	-1,94168	NA	NA
CTD-2613O8.1	5,94	-24,41	3,63758	-6,70952	NA	NA
CTD-2616J11.3	1,06	-4,88	3,64735	-1,33797	NA	NA
CTD-2621I17.3	3,87	-5,22	2,604248	-2,00362	NA	NA
CTD-2623N2.3	15,93	-0,43	1,469832	-0,29021	NA	NA
CTD-2649C14.3	1,75	-5,61	3,642643	-1,53899	NA	NA
CTD-2650P22.1	6,14	-1,26	1,935505	-0,65247	NA	NA
CTD-2653M23.3	1,17	-5,02	3,646236	-1,37703	NA	NA
CTD-2655K5.1	1,09	-3,45	3,430822	-1,00651	NA	NA
CTD-2659N19.9	8,51	-0,81	2,653986	-0,30679	NA	NA
CTD-3025N20.2	7,73	-2,05	0,953898	-2,15236	NA	NA

CTD-3035K23.6	6,89	-7,00	2,150434	-3,25489	NA	NA
CTD-3064H18.6	9,14	0,14	1,496526	0,090252	NA	NA
CTD-3064M3.4	5,38	-2,91	1,111533	-2,6182	NA	NA
CTD-3065J16.9	7,57	-1,55	2,643649	-0,58455	NA	NA
CTD-3107M8.4	6,09	-24,41	3,368731	-7,24491	NA	NA
CTD-3113P16.11	22,66	-2,69	1,247615	-2,15629	NA	NA
CTD-3138B18.4	29,32	-6,35	3,61593	-1,75476	NA	NA
CTD-3145H4.1	1,58	-4,18	3,379142	-1,23818	NA	NA
CTD-3187F8.11	2,21	-5,07	1,758181	-2,88624	NA	NA
CTD-3203P2.3	1,81	-3,97	3,015336	-1,31737	NA	NA
CTD-3214H19.16	15,97	-25,84	3,636235	-7,10543	NA	NA
CTD-3220F14.1	2,23	-1,85	2,094681	-0,88499	NA	NA
CTD-3234P18.6	1,83	-3,73	1,712023	-2,17926	NA	NA
CTNNAL1	6,42	-5,04	2,245913	-2,24529	NA	NA
CTSG	3,58	-6,47	3,588059	-1,80252	NA	NA
CUBN	100,04	1,62	1,270835	1,27214	NA	NA
CXCL10	10,46	-5,94	1,617134	-3,67196	NA	NA
CXCL12	2,19	-5,97	3,642787	-1,63844	NA	NA
CXCL17	5,44	-3,20	3,617307	-0,88449	NA	NA
CXCL3	10,66	-0,43	1,784616	-0,24051	NA	NA
CXCR6	8,80	-7,77	2,40718	-3,22888	NA	NA
CXorf24	6,40	-1,66	2,647008	-0,62572	NA	NA
CXorf46	2,94	-6,35	3,6397	-1,74448	NA	NA
CXorf51B	1,65	-5,52	3,643092	-1,51503	NA	NA
CYGB	1,95	-4,00	3,024463	-1,32238	NA	NA
CYP19A1	24,36	-11,97	3,63609	-3,29279	NA	NA
CYP26C1	4,76	-5,43	3,261203	-1,66355	NA	NA
CYP2E1	29,34	-0,97	1,175821	-0,82422	NA	NA
CYP2F1P	2,19	-1,71	3,32704	-0,51386	NA	NA
CYP2T2P	14,13	-0,59	1,435293	-0,40845	NA	NA
CYP4F12	2,69	-1,63	2,051934	-0,79571	NA	NA
DAAM2	6,86	0,62	1,403296	0,440562	NA	NA
DACT2	1,93	-5,73	3,641738	-1,574	NA	NA
DAGLA	4,09	-2,64	2,712781	-0,97406	NA	NA
DAO	7,12	0,35	3,618884	0,095471	NA	NA
DBNDD1	5,54	-4,76	2,053438	-2,32018	NA	NA
DCAF8L2	11,30	-2,63	3,438164	-0,76419	NA	NA
DCANP1	56,42	-0,65	1,612253	-0,40539	NA	NA
DCLK2	13,02	-2,68	1,483565	-1,80609	NA	NA
DCLRE1B	25,28	1,39	1,573883	0,883988	NA	NA
DCST1	7,87	-6,90	1,98156	-3,48055	NA	NA
DCST2	6,56	-6,87	3,067023	-2,24132	NA	NA
DCT	1,30	-5,11	3,643632	-1,40289	NA	NA
DDAH1	0,93	-3,30	3,05349	-1,08012	NA	NA
DDTL	8,78	-0,60	1,581154	-0,37803	NA	NA
DDX11L10	17,80	-8,31	3,526323	-2,35692	NA	NA
DDX11L9	5,26	-5,38	1,538945	-3,49883	NA	NA
DDX25	35,16	-3,89	0,782922	-4,9685	NA	NA
DDX3Y	75,82	-7,62	1,505011	-5,06121	NA	NA
DEFB115	1,22	-5,09	3,645726	-1,39531	NA	NA

DEFB122	0,65	-3,94	3,656083	-1,07767	NA	NA
DEFB132	1,18	-4,82	3,646713	-1,3211	NA	NA
DFNA5	21,91	-1,49	1,898606	-0,78333	NA	NA
DFNB31	85,59	-2,74	1,679548	-1,63264	NA	NA
DGAT2	62,36	-1,25	1,061036	-1,18048	NA	NA
DHFR	37,92	0,16	0,91643	0,172736	NA	NA
DHRS11	37,32	-1,36	1,381707	-0,98396	NA	NA
DIEXF	81,77	-1,36	0,954225	-1,42747	NA	NA
DISP1	8,86	-2,58	1,212103	-2,12452	NA	NA
DLC1	30,02	-3,01	1,09148	-2,759	NA	NA
DLEU2L	21,11	-2,63	2,261966	-1,1609	NA	NA
DLEU7	12,63	-4,13	2,727708	-1,51254	NA	NA
DLG2	4,64	-6,24	1,973762	-3,15995	NA	NA
DLG3	43,18	-7,76	2,901356	-2,67465	NA	NA
DLG5	56,65	-6,33	1,439003	-4,40071	NA	NA
DLGAP2	15,40	-25,85	2,699314	-9,57535	NA	NA
DLX2	3,24	-6,50	2,947842	-2,20346	NA	NA
DNAH10	15,37	-1,76	1,772984	-0,99471	NA	NA
DNAJC18	40,73	-2,46	1,035461	-2,37853	NA	NA
DNAJC22	14,85	-2,45	0,671321	-3,64729	NA	NA
DNAJC27	100,14	-0,33	1,246699	-0,26621	NA	NA
DNAJC5G	1,55	-3,78	2,984834	-1,26774	NA	NA
DNM3	14,20	-1,64	1,755824	-0,93486	NA	NA
DNM3OS	16,61	-2,53	0,93243	-2,71641	NA	NA
DNTT	5,39	-24,26	3,637792	-6,66972	NA	NA
DOCK9	30,48	-3,30	1,231316	-2,68242	NA	NA
DPCR1	3,15	-6,35	3,022265	-2,101	NA	NA
DPF3	35,36	-5,23	2,07405	-2,52146	NA	NA
DPP10	20,12	-1,72	1,226531	-1,39849	NA	NA
DPP4	5,46	-2,41	1,441485	-1,66929	NA	NA
DPP6	67,93	-4,05	0,794165	-5,09498	NA	NA
DPPA2	3,24	-3,00	3,292875	-0,90999	NA	NA
DPY19L2	2,76	-1,80	2,235658	-0,80299	NA	NA
DPY19L4	272,43	-0,86	1,148337	-0,75298	NA	NA
DSC2	14,05	-0,66	1,147208	-0,57489	NA	NA
DSC3	6,99	-2,23	1,21692	-1,83629	NA	NA
DSCAML1	1,75	-5,38	3,641692	-1,47808	NA	NA
DSCR4	5,75	-8,26	3,002767	-2,75052	NA	NA
DTL	7,98	-6,19	2,044357	-3,02956	NA	NA
DTNB	15,14	-0,18	1,51193	-0,11652	NA	NA
DUSP13	15,74	-6,33	3,623349	-1,74711	NA	NA
DUSP27	2,57	-5,25	3,6411	-1,44227	NA	NA
DUSP8	3,56	-6,31	2,663831	-2,36771	NA	NA
DUX4L35	1,55	-5,43	3,643594	-1,49007	NA	NA
DUX4L37	4,70	-2,77	1,973659	-1,40113	NA	NA
DUXA	12,56	-5,41	1,986515	-2,72092	NA	NA
DUXAP2	12,91	-25,51	3,636424	-7,01545	NA	NA
DUXAP9	21,88	0,30	1,815781	0,163322	NA	NA
E2F2	81,32	-1,08	1,062091	-1,02156	NA	NA
EBI3	12,87	-4,37	2,282431	-1,91602	NA	NA

ECE1	140,98	-3,31	1,49334	-2,21403	NA	NA
ECHDC3	43,52	-2,01	1,559922	-1,28684	NA	NA
EDA2R	4,17	-2,94	2,221522	-1,32457	NA	NA
EDAR	4,01	-8,87	3,550378	-2,49874	NA	NA
EDIL3	4,13	-5,62	2,91754	-1,92628	NA	NA
EDNRA	12,90	-25,52	3,636425	-7,01923	NA	NA
EEF1A1P38	3,86	-5,60	1,549056	-3,61755	NA	NA
EFCAB10	21,68	-2,02	1,265539	-1,5965	NA	NA
EFCAB4A	2,85	-5,44	2,198194	-2,47504	NA	NA
EFHC2	8,09	-2,08	1,313707	-1,58596	NA	NA
EFNA5	55,25	-6,36	0,998254	-6,36818	NA	NA
EFNB2	9,04	-24,99	3,636847	-6,87034	NA	NA
EGFEM1P	30,13	-5,09	1,296253	-3,92362	NA	NA
EGLN3	20,71	-1,66	1,59803	-1,03938	NA	NA
EID2	16,67	-0,46	1,063766	-0,42844	NA	NA
EIF1AP1	4,16	-1,81	3,001516	-0,60342	NA	NA
EIF1AY	14,62	-3,19	0,621826	-5,1306	NA	NA
EIF5A2	27,25	-4,35	1,040555	-4,17944	NA	NA
ELAVL3	3,94	-3,09	1,424815	-2,17003	NA	NA
ELOVL3	5,43	-8,78	3,47542	-2,52697	NA	NA
ELOVL7	8,28	-2,61	1,255621	-2,07978	NA	NA
EMID1	0,83	-4,54	3,651664	-1,24335	NA	NA
EMILIN1	1,03	-3,51	3,394417	-1,03434	NA	NA
EML2	12,57	-1,61	0,895953	-1,80074	NA	NA
EML5	3,49	-1,66	2,545908	-0,65126	NA	NA
EML6	44,35	0,08	0,757876	0,11052	NA	NA
ENKD1	6,73	-0,01	1,813858	-0,00571	NA	NA
ENO4	7,86	-2,88	2,38129	-1,21095	NA	NA
ENPEP	12,27	-8,19	2,47337	-3,31111	NA	NA
ENPP2	15,45	1,09	1,455195	0,74881	NA	NA
ENPP3	6,80	-0,14	1,51307	-0,09479	NA	NA
ENPP7P2	2,13	-5,56	3,168615	-1,75442	NA	NA
ENTPD3	6,95	-6,65	1,97085	-3,3767	NA	NA
EPB41L4A	29,79	-2,60	1,07175	-2,42501	NA	NA
EPB41L5	47,74	-5,86	3,010099	-1,94663	NA	NA
EPCAM	3,19	-4,14	2,197345	-1,88221	NA	NA
EPHA10	2,67	-0,45	1,343888	-0,3371	NA	NA
EPHA5	9,15	-1,20	1,601799	-0,74865	NA	NA
EPHA6	3,67	-1,85	2,286489	-0,80787	NA	NA
EPHA7	4,53	-6,99	3,484626	-2,00568	NA	NA
EPHX1	8,89	-3,17	2,187882	-1,44898	NA	NA
EPO	2,13	-5,89	3,641383	-1,61822	NA	NA
EPS8L1	6,11	-3,83	3,218679	-1,1913	NA	NA
EPS8L3	26,92	-30,36	3,635997	-8,34923	NA	NA
ERBB4	10,00	-6,23	1,456384	-4,27541	NA	NA
ESCO2	115,92	-3,08	0,951326	-3,23677	NA	NA
ESR2	28,75	-2,78	0,939322	-2,95834	NA	NA
ESRP2	7,38	-1,00	1,154248	-0,86378	NA	NA
ESRRB	3,47	-5,75	2,727941	-2,106	NA	NA
ESRRG	9,46	-1,78	1,490833	-1,19531	NA	NA

ETF1P2	11,76	-2,35	1,035324	-2,26583	NA	NA
ETS1	51,40	-1,54	0,677636	-2,27358	NA	NA
EVA1A	5,69	-7,30	3,404111	-2,14312	NA	NA
EXO1	2,11	-1,61	2,026102	-0,79501	NA	NA
EXO5	14,27	-0,60	1,151061	-0,51896	NA	NA
EXOC5	410,72	-0,77	0,710191	-1,08461	NA	NA
EXTL1	2,97	-6,42	3,64124	-1,7641	NA	NA
EYA2	8,37	-7,21	2,656018	-2,71382	NA	NA
F10	4,73	-24,07	3,63794	-6,61746	NA	NA
F2R	11,17	-3,59	1,139539	-3,14738	NA	NA
F7	2,14	-5,19	3,642214	-1,42455	NA	NA
FADS2P1	2,40	-3,11	3,629818	-0,8579	NA	NA
FAIM	68,75	-1,98	1,005057	-1,9705	NA	NA
FAM108C1	15,38	1,13	1,341273	0,8437	NA	NA
FAM109B	24,89	-0,41	1,47585	-0,27989	NA	NA
FAM131B	1,01	-2,87	2,986868	-0,96071	NA	NA
FAM135B	5,51	-2,45	1,606086	-1,52235	NA	NA
FAM187A	1,69	-2,20	3,635418	-0,60613	NA	NA
FAM189A2	2,01	-1,66	1,821943	-0,91197	NA	NA
FAM196B	20,07	-3,23	1,847099	-1,74928	NA	NA
FAM197Y2	0,46	-3,67	3,66293	-1,00215	NA	NA
FAM21EP	4,35	-2,87	1,582109	-1,81575	NA	NA
FAM27E3	4,05	0,58	2,05827	0,281522	NA	NA
FAM3D	1,12	-4,64	3,64658	-1,27217	NA	NA
FAM45B	3,32	-4,44	1,793991	-2,47434	NA	NA
FAM46D	1,25	-4,93	3,645868	-1,35148	NA	NA
FAM47B	1,35	-5,23	3,644844	-1,43397	NA	NA
FAM53A	4,89	-6,18	2,709913	-2,28053	NA	NA
FAM57A	2,59	-1,07	2,115738	-0,50388	NA	NA
FAM66C	47,83	-4,76	1,140769	-4,17491	NA	NA
FAM72D	3,22	-1,23	3,028946	-0,40711	NA	NA
FAM74A4	2,34	-1,89	2,913905	-0,64776	NA	NA
FAM81B	20,63	-7,56	2,269747	-3,33	NA	NA
FAM83B	2,63	-6,19	3,640233	-1,70167	NA	NA
FAM83H	7,67	-0,98	1,539371	-0,63384	NA	NA
FAM86C1	6,50	-0,85	1,95835	-0,43278	NA	NA
FAM86EP	8,41	-2,33	3,122747	-0,74691	NA	NA
FAM89A	4,25	0,20	2,642561	0,074915	NA	NA
FAM9C	9,82	-0,90	1,155184	-0,78139	NA	NA
FANCF	29,89	-2,93	1,023999	-2,86117	NA	NA
FATE1	0,94	-4,69	3,648285	-1,28616	NA	NA
FBN2	33,48	-0,40	1,71581	-0,23532	NA	NA
FBP2	8,73	-24,96	3,636896	-6,86348	NA	NA
FBXL13	6,43	-2,60	2,569033	-1,01135	NA	NA
FBXL14	8,99	-2,78	3,069656	-0,90563	NA	NA
FBXO2	22,03	-1,28	1,361599	-0,93885	NA	NA
FBXO24	19,09	-0,17	1,101647	-0,15297	NA	NA
FBXO32	84,05	0,31	1,693563	0,180916	NA	NA
FBXO36	17,75	-2,18	1,04123	-2,09346	NA	NA
FBXO47	7,08	-7,62	2,342294	-3,25454	NA	NA

FBXW4P1	25,92	0,52	1,698332	0,309052	NA	NA
FCMR	39,04	-0,46	1,404228	-0,32637	NA	NA
FENDRR	18,43	-3,25	1,765888	-1,84139	NA	NA
FEZF1	0,92	-4,68	3,649202	-1,28111	NA	NA
FFAR1	2,35	-0,80	1,364823	-0,58495	NA	NA
FGD5	3,51	-1,53	1,248753	-1,22476	NA	NA
FGF12	10,33	-0,24	1,249552	-0,19407	NA	NA
FGF14	5,51	-8,72	2,558845	-3,40919	NA	NA
FGF9	13,11	0,10	1,403628	0,068053	NA	NA
FGFR3	1,37	-2,34	1,211486	-1,92786	NA	NA
FIBCD1	0,72	-3,97	3,652804	-1,08775	NA	NA
FICD	25,77	-3,45	1,236141	-2,79217	NA	NA
FIGF	1,57	-5,47	3,644327	-1,50153	NA	NA
FIGN	8,95	0,39	2,456697	0,158312	NA	NA
FJX1	0,97	-4,75	3,648515	-1,30152	NA	NA
FKBP4	115,10	-1,14	1,080286	-1,05183	NA	NA
FMO2	32,57	-27,75	3,635925	-7,63142	NA	NA
FMO8P	1,91	-5,73	3,642057	-1,57385	NA	NA
FMO9P	1,35	-5,23	3,644752	-1,43612	NA	NA
FNBP1L	17,41	-1,69	1,562205	-1,08498	NA	NA
FOXC2	3,72	-23,73	3,638838	-6,52202	NA	NA
FOXD4L4	0,83	-4,53	3,650681	-1,23967	NA	NA
FOXD4L5	13,60	-3,99	2,757485	-1,44684	NA	NA
FOXG1	6,38	-3,27	2,4738	-1,32123	NA	NA
FOXN3-AS1	6,38	-2,40	2,221685	-1,08189	NA	NA
FOXO3B	4,35	-23,93	3,638344	-6,57769	NA	NA
FOXP2	86,93	0,83	1,163458	0,716421	NA	NA
FREM2	13,46	-6,28	1,38208	-4,54437	NA	NA
FRMD3	31,47	-3,94	1,401431	-2,80887	NA	NA
FRMPD2	7,63	-0,28	1,787164	-0,15942	NA	NA
FRMPD4	12,76	-3,08	2,824185	-1,08991	NA	NA
FRZB	0,78	-3,92	3,654423	-1,07171	NA	NA
FSBP	6,54	-24,51	3,637299	-6,73907	NA	NA
FSCN3	9,31	-4,74	3,091399	-1,5317	NA	NA
FSD1L	92,87	-1,98	1,137673	-1,73975	NA	NA
FSD2	6,97	0,31	1,175255	0,265642	NA	NA
FSTL1	4,19	-4,49	1,979132	-2,27044	NA	NA
FSTL5	1,79	-5,44	3,146556	-1,72901	NA	NA
FTHL11	5,72	-4,83	1,50533	-3,21013	NA	NA
FTO	364,95	-0,23	0,537328	-0,43379	NA	NA
FUZ	10,72	-1,95	1,389549	-1,40443	NA	NA
FXYD2	18,61	-3,60	2,139832	-1,68343	NA	NA
FZD6	18,18	-3,64	1,866716	-1,94823	NA	NA
GAB1	86,90	-0,85	1,015805	-0,84139	NA	NA
GAB4	10,79	-8,15	2,504377	-3,25594	NA	NA
GABRA6	7,28	-6,38	2,742849	-2,32541	NA	NA
GABRB2	7,50	-3,14	3,32756	-0,9441	NA	NA
GABRR3	5,30	-1,30	1,872162	-0,69616	NA	NA
GAL3ST2	0,74	-3,90	3,654494	-1,06765	NA	NA
GAL3ST4	7,70	-3,32	1,393193	-2,38581	NA	NA

GALNT14	4,53	-4,89	2,915373	-1,67849	NA	NA
GALNT16	71,99	-3,79	0,775114	-4,88572	NA	NA
GARNL3	116,51	-3,28	1,31382	-2,49664	NA	NA
GAS8	19,17	-2,72	1,82736	-1,4887	NA	NA
GATA4	1,50	-5,31	3,643463	-1,45669	NA	NA
GATA6	1,01	-4,59	3,648942	-1,25827	NA	NA
GCG	2,97	-6,04	3,63989	-1,65946	NA	NA
GCGR	1,62	-5,53	3,645301	-1,51672	NA	NA
GCNA	20,33	1,32	1,433575	0,918546	NA	NA
GCNT3	134,57	-4,51	0,871079	-5,17251	NA	NA
GCOM1	1,93	-1,87	2,914447	-0,64063	NA	NA
GCSAM	5,40	-2,85	1,395627	-2,03965	NA	NA
GCSAML	66,92	-1,87	1,000162	-1,86611	NA	NA
GEMIN4	97,00	-0,50	1,200446	-0,41759	NA	NA
GFI1	5,76	-5,36	2,917281	-1,83851	NA	NA
GFRA1	34,20	-8,43	1,785332	-4,72008	NA	NA
GGT5	24,33	-0,93	1,021288	-0,91402	NA	NA
GJA8	1,34	-4,81	3,215201	-1,49609	NA	NA
GJB6	2,23	-2,99	3,176218	-0,94072	NA	NA
GLDN	54,63	0,25	1,513368	0,162062	NA	NA
GLIS3	3,66	-4,90	2,68787	-1,82466	NA	NA
GLS2	13,07	-9,85	3,251918	-3,02932	NA	NA
GLT8D2	2,86	-3,27	2,605104	-1,25663	NA	NA
GLTSCR2-AS1	3,47	-6,13	3,639258	-1,68506	NA	NA
GLYATL1	21,68	-5,55	1,866137	-2,97583	NA	NA
GLYCTK	99,67	-2,24	1,171022	-1,91619	NA	NA
GNAZ	10,69	-3,08	1,775798	-1,73673	NA	NA
GNG12	9,61	-10,13	3,317004	-3,05356	NA	NA
GNPDA2	63,89	-2,09	1,264256	-1,65388	NA	NA
GNRHR	5,00	-4,93	2,699674	-1,82731	NA	NA
GOLGA8G	4,26	-2,79	2,514889	-1,10864	NA	NA
GOLGA8O	2,24	-1,01	1,894952	-0,5308	NA	NA
GOLGA8S	4,96	-5,65	1,910823	-2,95439	NA	NA
GP1BB	35,07	-9,80	1,854104	-5,2843	NA	NA
GP9	26,35	-10,25	3,322055	-3,0849	NA	NA
GPA33	19,87	-3,58	2,295418	-1,5578	NA	NA
GPAT2	5,74	-0,12	2,884772	-0,04073	NA	NA
GPC4	7,72	-24,67	3,637081	-6,78217	NA	NA
GPC6	10,96	-10,17	3,285024	-3,09531	NA	NA
GPR1-AS	6,74	-1,50	1,043658	-1,44172	NA	NA
GPR142	1,19	-5,05	3,646007	-1,38479	NA	NA
GPR143	33,69	-5,31	1,902817	-2,79194	NA	NA
GPR146	8,73	-5,76	2,726778	-2,11248	NA	NA
GPR156	4,85	-24,08	3,428916	-7,02158	NA	NA
GPR27	6,68	0,93	3,508161	0,26562	NA	NA
GPR84	11,07	-4,09	1,743722	-2,3443	NA	NA
GPRC5B	1,41	-4,00	3,39018	-1,17889	NA	NA
GPRC6A	4,89	-24,14	3,638042	-6,63515	NA	NA
GPX2	3,99	-2,40	1,164658	-2,06338	NA	NA
GPX7	17,98	-3,65	1,451646	-2,51645	NA	NA

GRAP2	17,62	-6,72	1,806927	-3,71909	NA	NA
GREB1	16,00	-2,52	0,840017	-3,00437	NA	NA
GRIA2	2,64	-5,84	3,640404	-1,6052	NA	NA
GRIA3	12,37	-0,18	2,289514	-0,07877	NA	NA
GRID2	3,02	-0,48	3,626241	-0,13163	NA	NA
GRIK5	3,91	-5,81	2,754733	-2,10946	NA	NA
GRM2	4,85	-3,22	3,305612	-0,97339	NA	NA
GRM7	9,07	-2,12	1,278954	-1,65832	NA	NA
G RTP1	5,91	-2,27	1,12431	-2,01467	NA	NA
GS1-114I9.3	9,67	-0,73	1,976709	-0,37074	NA	NA
GS1-179L18.1	12,00	-0,95	1,43603	-0,66445	NA	NA
GS1-358P8.4	112,90	-2,16	1,159407	-1,86315	NA	NA
GS1-393G12.14	3,61	-3,59	3,185881	-1,12691	NA	NA
GS1-410F4.2	5,83	-1,63	2,23623	-0,73089	NA	NA
GS1-600G8.5	3,03	-5,03	1,843417	-2,72707	NA	NA
GSC	1,29	-5,17	3,645236	-1,41732	NA	NA
GSKIP	82,13	-0,71	1,072937	-0,65812	NA	NA
GTSE1-AS1	11,11	-4,81	2,880929	-1,66811	NA	NA
GUCY1A3	83,12	-1,40	1,324342	-1,05366	NA	NA
H2BFM	1,65	-5,48	3,64237	-1,50478	NA	NA
HABP2	2,34	-5,51	2,73804	-2,0131	NA	NA
HACD1	47,02	-1,53	0,993335	-1,53529	NA	NA
HAO2	1,32	-5,20	3,644977	-1,42693	NA	NA
HBA1	4,62	-1,52	1,581988	-0,96368	NA	NA
HBB	72,64	-1,63	0,845053	-1,92476	NA	NA
HCG20	18,56	-1,55	0,700259	-2,21662	NA	NA
HCG24	4,23	-0,33	1,348631	-0,24378	NA	NA
HDX	31,88	-0,38	1,416348	-0,26931	NA	NA
HEPH	0,45	-3,45	3,664279	-0,94091	NA	NA
HEPHL1	19,45	-5,00	2,666361	-1,87678	NA	NA
HERC2P4	13,30	-2,21	1,021025	-2,16691	NA	NA
HES3	1,06	-4,88	3,647288	-1,33735	NA	NA
HESX1	8,54	-1,08	1,705234	-0,63546	NA	NA
HFM1	4,79	0,49	3,625066	0,134166	NA	NA
HHAT	10,81	-2,26	1,403098	-1,60942	NA	NA
HIF1AN	515,11	-2,40	0,8291	-2,89467	NA	NA
HIF3A	81,26	-3,44	0,765985	-4,48591	NA	NA
HIP1R	9,64	-0,49	1,731101	-0,28332	NA	NA
HIST1H1PS1	15,43	-1,69	1,951508	-0,86799	NA	NA
HIST1H2AG	16,28	-0,65	1,085053	-0,5975	NA	NA
HIST1H2AI	1,93	-5,74	3,641989	-1,57711	NA	NA
HIST1H2AJ	6,07	-0,96	1,890836	-0,50849	NA	NA
HIST1H2APS3	0,62	-4,11	3,655605	-1,12414	NA	NA
HIST1H3H	26,95	-4,50	2,40984	-1,86921	NA	NA
HIST1H4A	10,32	-3,64	2,475234	-1,46874	NA	NA
HIST2H2AB	2,80	-0,39	2,03243	-0,19193	NA	NA
HIST2H2BC	9,18	-2,33	1,8177	-1,28403	NA	NA
HLA-DPA2	72,59	-1,33	1,239768	-1,07138	NA	NA
HMGA1P2	0,81	-4,49	3,650902	-1,23094	NA	NA
HMGB1L12	5,01	-9,17	3,500301	-2,61898	NA	NA

HMSD	5,10	-0,40	3,619193	-0,11114	NA	NA
HNRNPUL2-BSCL2	15,42	1,28	2,941296	0,435333	NA	NA
HNRPCP	1,63	-1,99	3,636466	-0,54845	NA	NA
HOMEZ	45,73	-2,63	1,319289	-1,99535	NA	NA
HORMAD1	13,75	-1,69	1,455706	-1,16	NA	NA
HOXA-AS3	3,11	0,90	3,643292	0,245978	NA	NA
HOXA10	9,70	0,19	1,599029	0,117859	NA	NA
HOXA13	1,80	-5,60	3,641751	-1,53736	NA	NA
HOXA2	3,30	-1,40	2,70378	-0,51772	NA	NA
HOXA5	60,84	0,86	1,227185	0,703822	NA	NA
HOXA9	27,22	1,34	1,196675	1,123546	NA	NA
HOXB7	1,62	-3,47	1,917335	-1,81132	NA	NA
HOXC11	18,56	-7,71	3,588943	-2,1493	NA	NA
HR	6,17	-7,53	3,361481	-2,23911	NA	NA
HRH1	21,03	-5,66	1,278753	-4,42707	NA	NA
HSD11B2	4,64	-6,60	2,300404	-2,86987	NA	NA
HSD3B1	3,76	-0,91	3,382711	-0,26808	NA	NA
HSF2	68,98	0,61	1,255398	0,486259	NA	NA
HSFY1	4,48	-0,46	1,831425	-0,253	NA	NA
HSP90AB3P	4,26	-3,72	1,252094	-2,96775	NA	NA
HSPA1L	24,70	-9,36	2,00818	-4,66012	NA	NA
HSPB2	0,74	-3,92	3,65434	-1,07211	NA	NA
HSPG2	13,18	-0,52	1,006329	-0,51706	NA	NA
HTR1DP1	5,93	-0,42	1,996132	-0,20854	NA	NA
HTR4	19,37	-8,04	3,636063	-2,211	NA	NA
HUS1B	3,79	-4,39	2,433529	-1,80266	NA	NA
HYLS1	40,92	-2,92	1,061038	-2,75255	NA	NA
ICI-14BB7.1	13,59	-6,06	2,239977	-2,70595	NA	NA
IFT172	86,16	-0,13	1,052625	-0,1218	NA	NA
IGDCC4	5,49	-6,73	2,418227	-2,78118	NA	NA
IGF1	23,01	-6,47	3,619381	-1,78665	NA	NA
IGF2BP3	22,77	-2,57	1,271	-2,01911	NA	NA
IGFBP6	7,78	-4,93	3,127241	-1,57704	NA	NA
IGHA2	5,89	-2,00	1,059999	-1,88855	NA	NA
IGHG2	23,18	-4,24	0,981019	-4,31826	NA	NA
IGHM	263,18	-0,39	1,176276	-0,32942	NA	NA
IGHV1-68	0,53	-3,88	3,659192	-1,06068	NA	NA
IGHV3-11	1,93	-5,74	3,641971	-1,57613	NA	NA
IGHV3-23	6,54	-4,98	1,461605	-3,40572	NA	NA
IGHVII-43-1	12,08	-25,43	3,636482	-6,99208	NA	NA
IGHVIII-5-1	6,69	-24,58	3,637324	-6,7569	NA	NA
IGIP	2,26	-2,79	2,082687	-1,33886	NA	NA
IGKV1-27	3,75	-5,85	3,165267	-1,84954	NA	NA
IGKV1-5	3,81	-1,68	1,846187	-0,90802	NA	NA
IGKV1D-27	2,56	-6,15	3,640366	-1,69065	NA	NA
IGKV3-34	3,84	-2,40	3,619562	-0,66389	NA	NA
IGKV3D-34	1,94	-4,61	3,643318	-1,26433	NA	NA
IGKV4-1	5,88	-0,23	1,914162	-0,1221	NA	NA
IGKV5-2	4,38	-7,30	2,691148	-2,71175	NA	NA
IGLC3	54,85	-2,59	1,011135	-2,55967	NA	NA

IGLV1-44	5,11	-5,18	2,102403	-2,46363	NA	NA
IGLV1-47	17,26	-4,60	1,570095	-2,92779	NA	NA
IGLV3-1	10,30	-0,93	1,092501	-0,85003	NA	NA
IGLV9-49	3,43	-8,19	3,591426	-2,28025	NA	NA
IGLVV-66	6,21	-7,93	3,455363	-2,29375	NA	NA
IGSF10	28,41	-3,99	1,767038	-2,25785	NA	NA
IKZF4	67,23	0,41	1,007456	0,404359	NA	NA
IL12RB2	17,29	-3,09	0,961018	-3,21802	NA	NA
IL17RB	3,66	-3,87	2,469645	-1,5654	NA	NA
IL18RAP	6,08	-2,72	1,255998	-2,16739	NA	NA
IL1RL1	29,91	-6,05	1,676777	-3,60935	NA	NA
IL20RB	10,85	-1,45	1,563061	-0,92695	NA	NA
IL22RA1	6,26	-24,47	3,637464	-6,72837	NA	NA
IL23A	38,03	-4,19	2,071484	-2,02253	NA	NA
IL36RN	10,17	-5,51	3,079442	-1,78769	NA	NA
IL7R	69,88	-2,83	0,932905	-3,02997	NA	NA
ILDR2	8,07	-1,74	0,942548	-1,84839	NA	NA
IP6K3	11,83	-10,36	3,270684	-3,16741	NA	NA
IPO4	91,35	-0,98	1,173005	-0,83462	NA	NA
IQCH	7,57	-1,81	2,624524	-0,69084	NA	NA
IRAK2	39,55	-0,65	1,013496	-0,64462	NA	NA
IRS1	83,33	-4,81	1,248186	-3,85551	NA	NA
ITGA11	388,93	-6,01	0,910397	-6,59686	NA	NA
ITGA2	23,17	-2,07	0,753719	-2,74086	NA	NA
ITGA2B	18,60	-1,96	1,453581	-1,35162	NA	NA
ITGA3	15,53	-2,26	0,693735	-3,25282	NA	NA
ITGA9	9,25	-4,76	2,874289	-1,6554	NA	NA
ITGB1BP2	2,91	-2,32	2,989344	-0,77721	NA	NA
ITLN1	1,07	-4,88	3,646693	-1,33939	NA	NA
ITM2A	14,45	-0,74	1,379694	-0,53688	NA	NA
IYD	26,24	-0,39	0,939333	-0,4141	NA	NA
JADE3	7,55	-2,71	2,353458	-1,15007	NA	NA
JAG2	16,85	-1,93	2,361628	-0,81742	NA	NA
JAM3	19,25	-3,36	2,033222	-1,65322	NA	NA
JCHAIN	65,62	-0,95	0,655096	-1,45727	NA	NA
JPH1	10,74	-25,28	3,256426	-7,76188	NA	NA
JPH4	5,77	-2,23	1,994534	-1,11921	NA	NA
KANK4	1,74	-3,76	3,470928	-1,08215	NA	NA
KANSL3	294,78	-0,94	0,544969	-1,71778	NA	NA
KB-1299A7.1	3,33	-6,53	3,639237	-1,795	NA	NA
KB-1568E2.1	3,22	-2,91	2,598079	-1,12189	NA	NA
KB-1572G7.3	1,70	-4,41	1,961233	-2,24867	NA	NA
KB-1615E4.2	1,00	-4,77	3,647287	-1,30814	NA	NA
KB-1836B5.4	0,94	-4,46	3,649702	-1,22334	NA	NA
KB-208E9.1	7,07	-4,73	3,107675	-1,52268	NA	NA
KB-318B8.7	8,43	-1,62	3,612628	-0,44857	NA	NA
KB-431C1.5	1,18	-3,47	2,952821	-1,17389	NA	NA
KCCAT333	3,31	-5,51	3,238741	-1,70161	NA	NA
KCNA3	7,25	1,41	1,924016	0,733107	NA	NA
KCNE2	2,18	-4,91	3,641779	-1,34752	NA	NA

KCNG1	21,96	-4,11	0,926552	-4,43557	NA	NA
KCNH2	2,19	-5,93	3,641394	-1,62939	NA	NA
KCNIP4	1,13	-1,25	3,237236	-0,38648	NA	NA
KCNK13	15,46	-1,30	1,831279	-0,71128	NA	NA
KCNK5	1,05	-4,45	3,266085	-1,36197	NA	NA
KCNMB2	2,59	-3,55	1,995929	-1,78042	NA	NA
KCNN2	8,47	-8,46	2,586202	-3,26975	NA	NA
KCNRG	14,95	-2,13	1,210136	-1,75824	NA	NA
KCTD14	1,35	-1,26	2,875108	-0,43823	NA	NA
KCTD4	3,82	-4,08	2,819976	-1,44717	NA	NA
KDM5D	18,42	-3,22	1,319682	-2,43802	NA	NA
KIAA1211	11,24	-25,30	3,636512	-6,95714	NA	NA
KIAA1324L	8,05	2,00	1,94894	1,028462	NA	NA
KIAA1456	47,56	-1,05	0,771815	-1,35476	NA	NA
KIAA1549L	4,61	-4,61	3,044998	-1,51384	NA	NA
KIF18A	14,78	-0,25	0,88518	-0,28511	NA	NA
KIF3A	45,59	0,19	0,839095	0,226618	NA	NA
KIF3B	253,87	0,05	0,737892	0,06351	NA	NA
KIR2DL3	0,66	-3,59	3,65701	-0,9816	NA	NA
KLB	27,34	0,86	0,935963	0,921124	NA	NA
KLF18	0,57	-3,99	3,657493	-1,09102	NA	NA
KLF5	2,34	-0,35	2,722104	-0,12941	NA	NA
KLHDC1	61,60	1,56	1,596117	0,975426	NA	NA
KLHDC8B	16,92	-6,84	1,934561	-3,5347	NA	NA
KLHL1	7,62	-24,69	3,637102	-6,7886	NA	NA
KLHL25	5,88	-6,04	2,49513	-2,42005	NA	NA
KLHL34	0,89	-2,89	2,030956	-1,4232	NA	NA
KLHL38	1,11	-4,50	3,648097	-1,23335	NA	NA
KLRC2	5,62	-4,55	2,488323	-1,82669	NA	NA
KMO	482,06	-2,57	0,988092	-2,5993	NA	NA
KRBOX1	7,26	-6,53	2,75507	-2,36847	NA	NA
KRT4	6,80	-24,59	3,637226	-6,76044	NA	NA
KRT6A	4,99	-7,07	3,470246	-2,03832	NA	NA
KRT8P28	2,42	-6,07	3,640671	-1,66824	NA	NA
KRTAP3-1	6,09	-0,67	2,174514	-0,30985	NA	NA
KTI12	116,85	0,61	0,968261	0,627617	NA	NA
L2HGDH	30,61	-0,99	0,75446	-1,30963	NA	NA
LA16c-2F2.4	2,16	-5,72	3,64147	-1,57142	NA	NA
LA16c-2F2.8	20,24	-3,58	1,121594	-3,19286	NA	NA
LA16c-306A4.1	7,58	-4,81	3,466363	-1,38779	NA	NA
LA16c-313F4.1	6,98	-2,38	1,466503	-1,62473	NA	NA
LA16c-329F2.2	1,03	-3,62	3,399767	-1,06567	NA	NA
LA16c-352F10.1	6,99	-24,64	3,637262	-6,77442	NA	NA
LA16c-361A3.3	8,49	-4,10	3,281707	-1,25052	NA	NA
LA16c-380H5.3	7,89	-9,61	3,371806	-2,85013	NA	NA
LA16c-390E6.3	2,13	-2,26	1,880904	-1,199	NA	NA
LA16c-444G7.1	6,32	-24,50	3,637442	-6,73433	NA	NA
LAIR2	6,60	-4,57	2,544153	-1,79671	NA	NA
LAMA3	8,91	-2,45	2,137234	-1,14424	NA	NA
LAMA5	5,03	-2,85	1,246972	-2,28611	NA	NA

LAMB4	9,04	0,02	1,095813	0,021974	NA	NA
LANCL3	53,87	-5,64	0,963698	-5,85067	NA	NA
LAX1	14,76	-1,38	0,866835	-1,59719	NA	NA
LBX2-AS1	9,39	-5,53	2,200387	-2,51137	NA	NA
LCE6A	25,16	-26,49	3,635943	-7,28423	NA	NA
LCN10	0,93	-2,82	3,654867	-0,77129	NA	NA
LDHC	67,91	-7,10	1,277784	-5,55841	NA	NA
LDLRAD3	20,10	-0,24	1,125228	-0,2161	NA	NA
LDOC1	2,33	-5,09	3,641815	-1,39743	NA	NA
LEF1	26,10	-2,83	1,770481	-1,6008	NA	NA
LEFTY1	0,66	-3,24	3,362054	-0,96344	NA	NA
LGALS12	23,02	-3,17	2,229514	-1,42041	NA	NA
LGALS14	1,74	-2,59	1,279722	-2,02568	NA	NA
LGI2	3,95	-7,37	3,562447	-2,06921	NA	NA
LHFPL4	12,41	-9,14	2,499059	-3,6583	NA	NA
LHX5	1,57	-5,09	3,222127	-1,5787	NA	NA
LHX6	1,41	-5,23	3,643243	-1,43511	NA	NA
LIFR	15,57	-4,17	2,327966	-1,79037	NA	NA
LIG4	100,57	-1,04	1,014393	-1,0262	NA	NA
LIMK2	97,76	-2,20	1,292514	-1,70153	NA	NA
LINC00235	1,65	-2,32	3,223114	-0,72022	NA	NA
LINC00243	23,96	-3,62	1,0253	-3,53012	NA	NA
LINC00334	1,40	-3,75	3,644864	-1,02877	NA	NA
LINC00344	2,13	-5,39	2,756775	-1,95481	NA	NA
LINC00466	45,59	-1,87	0,94147	-1,99095	NA	NA
LINC00540	7,09	0,97	1,704941	0,569711	NA	NA
LINC00836	7,49	-1,87	1,416822	-1,32108	NA	NA
LINC00908	33,02	-2,70	0,901995	-2,99577	NA	NA
LINC01126	14,99	-5,16	2,203655	-2,33982	NA	NA
LINC01541	6,23	-0,60	1,428567	-0,42135	NA	NA
LINC01566	5,72	-4,49	2,128752	-2,1115	NA	NA
LINC01596	3,69	-0,39	3,084999	-0,12634	NA	NA
LINC01598	4,25	-0,60	2,798701	-0,2146	NA	NA
LKAAEAR1	1,96	-5,77	3,641892	-1,58448	NA	NA
LLOXNC01-116E7.5	9,27	-6,37	3,63284	-1,75254	NA	NA
LLOXNC01-7P3.1	19,70	-1,63	2,284919	-0,71347	NA	NA
LL22NC03-84E4.11	2,02	-5,81	3,641682	-1,59644	NA	NA
LLNLF-173C4.2	2,95	-3,79	3,116019	-1,21579	NA	NA
LMAN2L	43,26	-0,67	1,571325	-0,42884	NA	NA
LMCD1	21,02	-1,87	1,075349	-1,74198	NA	NA
LMNTD2	1,42	-5,30	3,644263	-1,45522	NA	NA
LMOD1	0,79	-4,46	3,651191	-1,22147	NA	NA
LNX1	9,27	0,09	1,521781	0,061814	NA	NA
LOC100421166	0,76	-4,14	3,252101	-1,27323	NA	NA
LOC134466	4,24	-8,18	3,536905	-2,31353	NA	NA
LOXHD1	1,96	-3,99	3,032708	-1,31667	NA	NA
LPAR1	25,13	-2,46	1,908696	-1,2892	NA	NA
LRFN1	16,74	-2,41	0,969113	-2,49046	NA	NA
LRIG1	41,23	-0,83	1,645047	-0,50369	NA	NA
LRP5L	50,86	-0,58	1,11782	-0,52113	NA	NA

LRP6	89,04	-4,60	1,488838	-3,09295	NA	NA
LRRC24	4,79	-2,97	3,303884	-0,89802	NA	NA
LRRC32	20,64	-4,39	3,475855	-1,26274	NA	NA
LRRC39	11,18	-0,66	1,546127	-0,42963	NA	NA
LRRC6	10,72	-3,95	1,634374	-2,41514	NA	NA
LRRC61	8,00	0,38	1,739834	0,217886	NA	NA
LRRC7	8,98	0,59	1,461706	0,406354	NA	NA
LRRC74A	1,93	-5,22	3,202353	-1,62871	NA	NA
LRRC75A	13,42	-4,65	2,090167	-2,22649	NA	NA
LRRIQ3	3,25	-2,19	2,767827	-0,79197	NA	NA
LRRN1	13,55	-2,99	2,124454	-1,40512	NA	NA
LRRN3	12,48	-0,91	1,482391	-0,61155	NA	NA
LRWD1	9,37	-0,84	1,207637	-0,69364	NA	NA
LSINCT5	5,26	-3,35	1,607162	-2,08428	NA	NA
LSMEM1	5,45	-1,14	1,880937	-0,60598	NA	NA
LSR	15,19	-0,52	1,355711	-0,38157	NA	NA
LUZP2	36,65	-3,83	1,084096	-3,53324	NA	NA
LUZP4	1,09	-4,92	3,647081	-1,34945	NA	NA
LY6G6E	6,27	-1,55	0,736265	-2,09883	NA	NA
LYG2	4,71	-4,28	3,11698	-1,37352	NA	NA
LYPD8	2,28	-3,06	1,709916	-1,78919	NA	NA
M1AP	44,83	-3,32	1,499847	-2,21465	NA	NA
MACC1	101,64	-3,73	0,875492	-4,26337	NA	NA
MAD2L1	9,87	0,07	0,815809	0,09099	NA	NA
MAL2	5,82	-24,30	3,442561	-7,05964	NA	NA
MAML1	142,92	-1,85	0,911802	-2,03295	NA	NA
MAP10	12,06	1,13	1,729254	0,655654	NA	NA
MAP1LC3B2	55,43	-1,47	0,998259	-1,47703	NA	NA
MAP1LC3C	2,12	-1,19	1,82453	-0,6496	NA	NA
MAP2K4P1	3,15	-2,18	1,836688	-1,18796	NA	NA
MAP3K19	3,93	-6,83	3,640381	-1,87753	NA	NA
MAP6D1	7,00	-0,22	2,421601	-0,09063	NA	NA
MAPK13	52,62	-1,94	0,859834	-2,26007	NA	NA
MARCH3	29,59	-1,75	1,433938	-1,22292	NA	NA
MARCH4	2,14	-0,82	2,193835	-0,37346	NA	NA
MARS2	12,70	-1,03	2,547947	-0,40269	NA	NA
MBTPS2	56,72	-0,64	0,945748	-0,67554	NA	NA
MCCD1	0,59	-4,03	3,656619	-1,10153	NA	NA
MCCD1P2	1,16	-5,01	3,646169	-1,37322	NA	NA
MCHR2	7,87	-6,05	1,662473	-3,63842	NA	NA
MDGA1	37,40	-6,40	1,76136	-3,63451	NA	NA
MEIG1	3,04	-2,30	2,444632	-0,94188	NA	NA
MEP1A	1,67	-2,50	3,636597	-0,68732	NA	NA
MEP1B	4,49	-5,60	2,912586	-1,92336	NA	NA
MESP1	7,94	-2,45	2,846874	-0,86206	NA	NA
MET	6,61	-0,95	1,030466	-0,91907	NA	NA
METTL18	31,80	-3,80	1,792848	-2,11996	NA	NA
METTL21EP	12,54	-2,20	1,094959	-2,00617	NA	NA
METTL24	3,62	-4,18	3,497753	-1,19452	NA	NA
MEX3A	3,15	-3,20	2,893583	-1,10578	NA	NA

MFSD6L	4,49	-4,62	2,716254	-1,70255	NA	NA
MGAM2	15,00	-3,19	2,903766	-1,09714	NA	NA
MIA	2,16	-1,15	2,933626	-0,39337	NA	NA
MIAT	42,07	-1,11	1,453142	-0,76373	NA	NA
MID2	18,25	-8,25	2,376018	-3,4742	NA	NA
MIEF2	25,32	1,58	1,453267	1,085024	NA	NA
MIR10B	0,84	-4,55	3,650391	-1,24674	NA	NA
MIR1200	4,50	-1,06	2,563396	-0,41179	NA	NA
MIR1267	2,63	0,02	2,7329	0,008379	NA	NA
MIR1273E	1,43	-3,01	2,369839	-1,26996	NA	NA
MIR128-2	5,29	-24,24	3,637827	-6,66258	NA	NA
MIR1288	2,36	-6,04	3,640785	-1,6578	NA	NA
MIR1291	1,79	-4,18	2,9306	-1,42583	NA	NA
MIR1296	2,29	-5,83	3,109417	-1,87499	NA	NA
MIR1302-1	3,04	-2,06	2,41012	-0,85637	NA	NA
MIR194-1	1,25	-5,12	3,645464	-1,4053	NA	NA
MIR215	0,69	-4,27	3,653458	-1,16957	NA	NA
MIR219A1	2,04	-0,98	2,961317	-0,32973	NA	NA
MIR23C	4,10	-23,86	3,638526	-6,55868	NA	NA
MIR25	1,42	-5,30	3,644268	-1,45541	NA	NA
MIR2681	4,83	-24,11	3,638051	-6,62784	NA	NA
MIR3125	1,16	-5,01	3,646304	-1,37477	NA	NA
MIR3140	4,49	0,77	3,444555	0,223933	NA	NA
MIR3178	1,79	-4,93	3,250001	-1,51779	NA	NA
MIR3179-3	8,57	-24,82	3,282733	-7,56215	NA	NA
MIR3606	1,07	-4,89	3,647298	-1,33969	NA	NA
MIR3651	1,81	-1,45	2,119592	-0,68178	NA	NA
MIR3679	2,98	-1,70	2,224071	-0,76659	NA	NA
MIR3680-1	5,67	0,56	1,900404	0,295776	NA	NA
MIR3680-2	5,60	0,54	1,899503	0,285007	NA	NA
MIR378H	5,54	-7,59	3,527117	-2,15153	NA	NA
MIR3945	5,32	-3,06	2,447596	-1,24877	NA	NA
MIR4292	2,82	-6,29	3,639926	-1,72823	NA	NA
MIR4306	0,68	-4,24	3,653946	-1,1617	NA	NA
MIR4473	4,15	-23,87	3,638487	-6,55963	NA	NA
MIR4661	0,79	-4,45	3,651378	-1,22004	NA	NA
MIR4664	1,91	-5,73	3,642047	-1,57345	NA	NA
MIR4748	4,33	-4,79	3,444963	-1,39091	NA	NA
MIR4771-1	1,40	-4,91	3,64497	-1,3478	NA	NA
MIR4771-2	1,40	-4,91	3,64497	-1,3478	NA	NA
MIR4774	3,74	0,75	3,636466	0,207141	NA	NA
MIR4786	1,24	-5,11	3,64556	-1,40186	NA	NA
MIR548A1	2,63	-1,76	3,30172	-0,53353	NA	NA
MIR548AC	11,47	-0,15	1,973918	-0,07441	NA	NA
MIR548AG1	0,94	-4,71	3,648847	-1,28975	NA	NA
MIR548AL	2,20	-1,87	2,104113	-0,89091	NA	NA
MIR548AY	0,98	-4,77	3,648314	-1,30704	NA	NA
MIR548H4	15,29	-1,70	1,991708	-0,85484	NA	NA
MIR548I1	0,70	-3,83	3,655621	-1,04773	NA	NA
MIR548N	2,45	-5,22	2,466059	-2,1171	NA	NA

MIR5684	1,58	-2,88	2,45422	-1,17505	NA	NA
MIR571	1,26	-5,13	3,645485	-1,40599	NA	NA
MIR590	2,44	-1,38	3,627721	-0,37923	NA	NA
MIR599	1,87	-5,70	3,642196	-1,56464	NA	NA
MIR600HG	1,10	-4,37	2,796257	-1,56329	NA	NA
MIR606	0,63	-3,90	3,656515	-1,06784	NA	NA
MIR6134	6,85	-24,59	3,637286	-6,76184	NA	NA
MIR621	5,40	-24,27	3,637781	-6,67028	NA	NA
MIR623	4,80	-4,01	3,606246	-1,1112	NA	NA
MIR635	0,68	-4,24	3,653978	-1,16081	NA	NA
MIR6512	1,21	-5,07	3,645881	-1,39034	NA	NA
MIR665	1,79	-5,64	3,642471	-1,54887	NA	NA
MIR7850	1,74	-5,59	3,64271	-1,53515	NA	NA
MIR875	0,81	-4,50	3,650928	-1,23191	NA	NA
MIXL1	30,44	-2,60	0,538937	-4,83108	NA	NA
MKX	5,64	-5,24	2,360511	-2,22168	NA	NA
MLANA	27,84	-0,60	1,449315	-0,41376	NA	NA
MMP1	1,61	-5,48	3,643317	-1,50396	NA	NA
MMP13	7,30	-6,62	1,619813	-4,08879	NA	NA
MMP19	7,00	-1,14	1,89636	-0,60082	NA	NA
MMP23B	2,83	-0,24	3,406667	-0,07032	NA	NA
MMP28	3,63	-23,67	3,638693	-6,50558	NA	NA
MMP3	0,65	-3,98	3,654102	-1,0894	NA	NA
MMRN1	8,78	-4,17	2,109453	-1,97562	NA	NA
MOGAT1	8,33	-7,49	2,561232	-2,92446	NA	NA
MORN3	37,84	-2,04	0,706561	-2,89412	NA	NA
MOXD2	1,52	-5,40	3,643816	-1,48294	NA	NA
MPPED1	0,65	-4,17	3,653805	-1,14165	NA	NA
MPPED2	51,20	-5,39	1,287403	-4,18893	NA	NA
MS4A12	2,88	-5,88	3,640552	-1,61483	NA	NA
MS4A18	2,33	-6,02	3,640937	-1,65399	NA	NA
MS4A6E	16,68	-0,94	1,604837	-0,58557	NA	NA
MSH4	4,05	-5,12	3,63539	-1,40904	NA	NA
MSH5-SAPCD1	2,79	-1,71	3,6248	-0,47113	NA	NA
MST1P2	0,75	-4,37	3,652346	-1,19764	NA	NA
MSX2P1	3,22	-6,48	3,639353	-1,78072	NA	NA
MT1JP	3,17	-1,23	3,373637	-0,36593	NA	NA
MT1P3	3,15	-0,81	2,693951	-0,30076	NA	NA
MTCL1	3,45	-1,84	2,738763	-0,67142	NA	NA
MTFR2	7,35	-0,83	1,754718	-0,47096	NA	NA
MTMR7	6,01	-1,48	1,734052	-0,85341	NA	NA
MTNR1B	9,94	-25,03	3,63681	-6,88358	NA	NA
MTRNR2L3	4,14	-1,43	1,642328	-0,8696	NA	NA
MTRNR2L7	9,99	-5,12	2,756923	-1,85662	NA	NA
MTRR	163,53	-0,86	0,964723	-0,88728	NA	NA
MUC1	7,12	1,34	1,837449	0,731874	NA	NA
MUC13	5,69	-7,27	2,865675	-2,53588	NA	NA
MUC3A	21,70	-2,96	2,030726	-1,45797	NA	NA
MUSK	35,23	-4,12	3,160761	-1,30448	NA	NA
MYBPC1	6,67	-1,83	3,613517	-0,50689	NA	NA

MYEOV	7,82	-1,76	1,359293	-1,29717	NA	NA
MYH15	8,37	-4,32	2,892787	-1,4941	NA	NA
MYH3	14,64	1,75	1,654675	1,057874	NA	NA
MYH6	1,65	-4,96	3,231584	-1,53537	NA	NA
MYH8	9,59	-1,44	3,173524	-0,45282	NA	NA
MYL6B	46,75	-1,71	0,791955	-2,16107	NA	NA
MYL8P	4,03	-6,49	3,071703	-2,11329	NA	NA
MYO18B	10,30	-0,41	3,612918	-0,11371	NA	NA
MYO3A	74,56	-28,13	3,635723	-7,73789	NA	NA
MYO5B	30,09	-4,01	2,506554	-1,60163	NA	NA
MYOM3	45,74	-0,94	0,983555	-0,9602	NA	NA
MYOZ2	0,80	-2,51	3,658791	-0,68708	NA	NA
MYT1L	5,75	-2,94	0,983397	-2,99274	NA	NA
N6AMT1	73,21	-0,94	1,237871	-0,75655	NA	NA
NACC1	4,81	-1,38	1,21787	-1,13648	NA	NA
NAPEPLD	46,55	-0,69	0,920233	-0,75179	NA	NA
NAT8B	9,73	-6,81	3,117641	-2,18364	NA	NA
NATD1	12,91	-0,86	1,02509	-0,84277	NA	NA
NBEA	41,26	-0,34	1,381288	-0,24262	NA	NA
NBEAP1	2,47	-2,80	2,382056	-1,17619	NA	NA
NCAM1	54,07	-3,45	0,99105	-3,47805	NA	NA
NCAM2	1,70	-0,05	2,056708	-0,02215	NA	NA
NCAPD3	129,47	1,47	1,168231	1,259953	NA	NA
NCRNA00185	20,10	-4,19	1,432474	-2,92253	NA	NA
NDFIP2	5,73	-3,65	1,530326	-2,38684	NA	NA
NDP	7,59	-4,31	1,562336	-2,76126	NA	NA
NECTIN1	4,26	-0,55	1,53333	-0,35958	NA	NA
NECTIN3	5,93	-1,96	2,557223	-0,76774	NA	NA
NEFH	8,73	-0,01	1,742749	-0,00351	NA	NA
NEIL3	12,10	-3,16	1,379971	-2,29313	NA	NA
NEK5	20,18	-1,90	0,866432	-2,18961	NA	NA
NEPNP	14,34	-10,71	3,216987	-3,32809	NA	NA
NEURL2	6,45	-5,25	3,36535	-1,56097	NA	NA
NF1L2	1,02	-4,37	3,649311	-1,19857	NA	NA
NFATC4	0,92	-4,19	2,803851	-1,4936	NA	NA
NFE2L3P1	3,72	-4,89	2,379995	-2,05296	NA	NA
NKPD1	3,37	-3,04	1,455124	-2,08774	NA	NA
NLRP13	5,78	-24,37	3,637629	-6,69854	NA	NA
NLRP14	2,04	-4,81	2,840194	-1,69229	NA	NA
NLRP9	3,63	-8,11	3,575697	-2,26936	NA	NA
NMB	26,27	2,24	1,877614	1,191855	NA	NA
NOL3	7,10	-3,00	1,061979	-2,828	NA	NA
NOL4	20,58	-9,59	3,542546	-2,70773	NA	NA
NOV	5,24	1,52	2,453629	0,619039	NA	NA
NPAS2	32,04	-4,22	1,477479	-2,85688	NA	NA
NPFFR2	6,08	-24,44	3,395488	-7,19691	NA	NA
NPHS2	1,34	-5,04	3,645128	-1,38199	NA	NA
NPIPA7	7,75	-1,15	2,397906	-0,47901	NA	NA
NPIPA8	12,76	-0,83	1,348461	-0,61743	NA	NA
NPPA-AS1	7,24	1,21	1,741166	0,69475	NA	NA

NPPC	1,37	-3,91	3,376714	-1,15742	NA	NA
NPR1	2,53	-4,51	3,6387	-1,23943	NA	NA
NPR2	13,47	-3,81	3,097067	-1,22892	NA	NA
NPTX1	5,08	-1,56	1,691302	-0,923	NA	NA
NPY1R	19,27	-3,60	1,334865	-2,69723	NA	NA
NRCAM	3,76	-0,11	3,153119	-0,03499	NA	NA
NRF1	164,62	-1,25	0,709527	-1,76784	NA	NA
NRIP3	48,60	-2,05	1,087239	-1,88402	NA	NA
NRXN2	12,50	-9,16	2,525778	-3,62527	NA	NA
NT5E	7,77	-6,10	2,286785	-2,66807	NA	NA
NTN1	5,98	-0,08	2,414507	-0,03481	NA	NA
NTN4	1,61	-4,87	3,644302	-1,33594	NA	NA
NTRK2	8,83	-7,35	1,946289	-3,77693	NA	NA
NUAK1	6,61	-7,63	3,001681	-2,54123	NA	NA
NUDT10	14,14	-9,64	2,844196	-3,39093	NA	NA
NUP210L	5,43	-1,13	1,687588	-0,66804	NA	NA
NUP35	38,03	-1,50	0,900927	-1,66598	NA	NA
NUP62CL	4,86	-0,81	2,586151	-0,31368	NA	NA
NUTM2A	1,00	-2,49	3,537134	-0,70319	NA	NA
NUTM2D	2,21	-3,21	1,798423	-1,78631	NA	NA
NXPE1	10,37	-25,11	3,636677	-6,90564	NA	NA
OBSCN	16,27	-0,53	1,603234	-0,32971	NA	NA
OC90	22,20	-11,15	3,636015	-3,06627	NA	NA
OCLN	52,11	-0,24	1,025228	-0,23088	NA	NA
OCRL	114,22	-1,21	1,398645	-0,86677	NA	NA
OFCC1	2,28	-3,71	1,787166	-2,07855	NA	NA
OGN	7,26	1,82	1,671339	1,091064	NA	NA
OIP5	13,33	-4,39	1,832388	-2,39398	NA	NA
OLAH	12,72	-2,79	1,20283	-2,32278	NA	NA
OLFM3	3,08	-8,63	3,61408	-2,3871	NA	NA
OLIG2	1,44	-4,41	2,472109	-1,78392	NA	NA
ONECUT2	19,51	-4,58	2,557353	-1,79248	NA	NA
OPN1SW	2,87	-3,71	3,159644	-1,17316	NA	NA
OR10H4	1,04	-4,87	3,64894	-1,33488	NA	NA
OR10J3	29,15	-10,67	3,338468	-3,19678	NA	NA
OR11L1	3,14	-6,44	3,639448	-1,77076	NA	NA
OR11N1P	0,81	-4,49	3,651103	-1,22925	NA	NA
OR13F1	1,08	-4,91	3,647059	-1,34702	NA	NA
OR1D4	5,26	-24,21	3,637792	-6,6551	NA	NA
OR1X5P	0,98	-2,63	3,535232	-0,74254	NA	NA
OR2AH1P	2,24	-1,26	2,98043	-0,42149	NA	NA
OR2J3	11,61	-4,58	1,575156	-2,91001	NA	NA
OR2L6P	2,12	-5,88	3,641408	-1,61439	NA	NA
OR2M7	3,52	-8,24	3,583587	-2,30057	NA	NA
OR3A2	19,45	-6,44	1,295093	-4,97413	NA	NA
OR4A49P	1,10	-4,73	3,647385	-1,29661	NA	NA
OR4C12	18,35	-10,52	3,636136	-2,89264	NA	NA
OR4H12P	10,55	-25,23	3,636644	-6,93836	NA	NA
OR4M1	1,32	-1,61	2,763042	-0,58213	NA	NA
OR4Q3	1,43	-5,13	3,644528	-1,40706	NA	NA

OR51A4	11,99	-6,63	2,53718	-2,61426	NA	NA
OR51A5P	26,05	-11,61	3,63593	-3,19271	NA	NA
OR51A8P	3,37	-23,59	3,639235	-6,48294	NA	NA
OR51AB1P	0,80	-4,47	3,651249	-1,22435	NA	NA
OR51D1	34,75	-6,84	1,221234	-5,60287	NA	NA
OR52A5	4,71	-7,03	2,901894	-2,42377	NA	NA
OR52E3P	10,95	-25,28	3,636598	-6,9502	NA	NA
OR52E8	4,29	-23,91	3,638388	-6,57269	NA	NA
OR52N2	9,93	-8,97	3,331091	-2,6914	NA	NA
OR52T1P	13,36	-25,57	3,636393	-7,03158	NA	NA
OR5C1	9,04	-24,98	3,636843	-6,86903	NA	NA
OR5G5P	1,19	-4,84	3,646554	-1,32686	NA	NA
OR5M14P	3,28	-23,55	3,639323	-6,47077	NA	NA
OR5M2P	25,27	-2,31	0,704641	-3,27321	NA	NA
OR6C4	41,34	-5,75	1,077442	-5,33698	NA	NA
OR6P1	0,51	-3,81	3,658402	-1,04227	NA	NA
OR6T1	0,62	-4,12	3,655585	-1,12695	NA	NA
OR7A2P	4,77	-3,14	2,017118	-1,5589	NA	NA
OR7E108P	0,65	-4,18	3,654811	-1,14363	NA	NA
OR7E12P	3,24	-6,33	3,614014	-1,75271	NA	NA
OR7E46P	3,00	-0,96	2,439425	-0,39444	NA	NA
OR7E93P	2,55	-6,15	3,640387	-1,68886	NA	NA
OR8B5P	1,21	-2,75	2,117668	-1,29777	NA	NA
OR8B7P	10,01	-8,45	2,069492	-4,08189	NA	NA
OR8I1P	1,91	-5,73	3,642094	-1,57328	NA	NA
OR8Q1P	0,68	-4,23	3,654114	-1,15705	NA	NA
OSBPL5	90,88	-2,30	1,085456	-2,12343	NA	NA
OSGIN1	11,73	-1,22	1,634992	-0,74494	NA	NA
OTOG	2,42	-2,68	2,908904	-0,91971	NA	NA
OTOP3	2,49	-6,12	3,640529	-1,67983	NA	NA
OVOL3	3,11	-23,47	3,639502	-6,44805	NA	NA
OVOS2	10,41	-3,08	1,394996	-2,20472	NA	NA
P2RY10	31,63	-3,35	1,3453	-2,48999	NA	NA
PA2G4P3	9,35	-9,64	2,864473	-3,36432	NA	NA
PABPC1L2A	1,39	-2,83	2,456254	-1,15228	NA	NA
PACSIN1	60,50	-7,94	1,7966	-4,41718	NA	NA
PALMD	88,29	-6,85	1,1707	-5,8485	NA	NA
PAMR1	3,30	0,16	3,093067	0,052463	NA	NA
PANX3	3,26	-6,50	3,508282	-1,85343	NA	NA
PARD6B	60,19	-2,27	0,803233	-2,82585	NA	NA
PASK	40,75	-1,72	1,485904	-1,15954	NA	NA
PAX2	3,31	-6,47	3,607425	-1,79233	NA	NA
PAX3	8,37	0,13	1,420959	0,088947	NA	NA
PCBP3	9,72	-2,78	1,164656	-2,38645	NA	NA
PCDH1	4,13	-6,47	3,079065	-2,10108	NA	NA
PCDH15	35,52	-1,84	1,286957	-1,43218	NA	NA
PCNPP	1,30	-4,43	3,288791	-1,34659	NA	NA
PDDC1	197,06	-1,56	0,771401	-2,02817	NA	NA
PDE9A	2,46	-3,27	3,159186	-1,03485	NA	NA
PDX1-AS1	1,58	-5,08	3,211155	-1,58123	NA	NA

PDZD2	9,66	0,40	1,440236	0,279021	NA	NA
PDZD3	1,86	-2,63	2,832668	-0,92939	NA	NA
PELI3	21,31	-0,88	1,764135	-0,49794	NA	NA
PEX26	342,24	-2,06	0,683626	-3,00613	NA	NA
PEX3	34,58	-0,15	1,443449	-0,1034	NA	NA
PFKFB1	4,55	-4,91	3,035868	-1,61869	NA	NA
PFKFB2	131,98	0,83	1,008486	0,827928	NA	NA
PGA4	2,30	-5,76	3,14308	-1,83416	NA	NA
PGA5	0,80	-4,26	3,650358	-1,16691	NA	NA
PGBD1	15,92	-2,25	1,719504	-1,30647	NA	NA
PGR	89,82	-28,46	3,635842	-7,82846	NA	NA
PHEX	11,16	-3,11	1,293369	-2,40332	NA	NA
PHF7	41,35	-0,85	0,739407	-1,14621	NA	NA
PHKA1	9,04	-6,90	1,953371	-3,53281	NA	NA
PHLDB2	20,35	-3,02	1,419881	-2,12517	NA	NA
PHYHIPL	0,96	-4,28	3,269397	-1,31017	NA	NA
PI16	3,49	-8,83	3,584909	-2,46218	NA	NA
PIFO	0,51	-2,43	3,307095	-0,73437	NA	NA
PITPNM2	9,28	1,03	1,313559	0,784264	NA	NA
PKD2L1	13,21	-25,54	3,636361	-7,0229	NA	NA
PKIG	24,42	-1,60	0,982335	-1,62808	NA	NA
PKLR	0,80	-3,90	3,652541	-1,06818	NA	NA
PKP1	0,90	-3,95	3,299418	-1,19604	NA	NA
PLA2G4C	76,13	0,34	0,887275	0,387484	NA	NA
PLA2G4C-AS1	2,55	-1,31	2,205013	-0,59299	NA	NA
PLA2G4E	10,83	-4,75	1,171854	-4,05235	NA	NA
PLA2G4F	4,10	-3,24	1,835567	-1,76539	NA	NA
PLA2G5	2,67	-5,45	2,396858	-2,27231	NA	NA
PLAC9	12,28	-3,29	2,037244	-1,61719	NA	NA
PLCB4	3,60	-3,38	2,850396	-1,18696	NA	NA
PLCH1	14,87	-4,39	2,012838	-2,17866	NA	NA
PLCZ1	1,12	-3,87	2,901105	-1,33317	NA	NA
PLD6	13,64	-4,01	1,023763	-3,9141	NA	NA
PLEKHG1	32,48	-0,36	0,804416	-0,45325	NA	NA
PLG	23,28	-1,50	1,09663	-1,37201	NA	NA
PLPP3	5,19	-1,19	1,410443	-0,84231	NA	NA
PLSCR2	32,46	-6,80	1,749793	-3,88398	NA	NA
PLSCR5	2,84	-6,31	3,639931	-1,73255	NA	NA
PLXNA1	24,28	1,04	1,67753	0,620494	NA	NA
PLXNB1	7,43	-3,69	2,484145	-1,48497	NA	NA
PLXNB3	0,74	-3,03	3,323182	-0,91149	NA	NA
PMP2	13,36	-3,95	1,022486	-3,86618	NA	NA
PMS2P10	0,66	-3,04	2,891063	-1,05008	NA	NA
POC1B-GALNT4	24,60	-1,63	2,125174	-0,76838	NA	NA
POTEB3	0,98	-4,60	3,22243	-1,42713	NA	NA
POTEG	2,59	-4,20	1,939624	-2,1643	NA	NA
POU2AF1	80,65	-3,18	0,769425	-4,13243	NA	NA
POU4F1	4,55	-8,60	3,518811	-2,44367	NA	NA
PPARA	141,55	-1,50	0,636161	-2,35192	NA	NA
PPARGC1A	44,33	-7,82	1,969684	-3,96913	NA	NA

PPEF1	3,69	-1,01	1,367836	-0,7372	NA	NA
PPFIA3	3,67	-6,50	3,009248	-2,16045	NA	NA
PPFIBP1	149,43	-2,00	1,001759	-1,99814	NA	NA
PPIAP16	3,36	-23,57	3,639192	-6,47763	NA	NA
PPIC	10,22	-3,54	1,63024	-2,1738	NA	NA
PPL	5,17	-5,52	2,316802	-2,38446	NA	NA
PPP1R13L	43,94	-1,55	1,087554	-1,42159	NA	NA
PPP1R3B	58,11	-0,12	1,028797	-0,11466	NA	NA
PPP1R3D	34,38	-0,48	1,351344	-0,35727	NA	NA
PPP1R42	2,97	-3,41	1,746138	-1,95348	NA	NA
PPP2R3A	64,88	-2,38	1,056326	-2,24962	NA	NA
PPP4R4	4,53	-6,51	3,579143	-1,81979	NA	NA
PRAMEF13	0,81	-4,48	3,650623	-1,22792	NA	NA
PRAMEL	5,04	-7,01	3,500308	-2,00366	NA	NA
PRAP1	1,46	-2,06	2,841491	-0,72528	NA	NA
PRDM8	90,37	-4,37	1,361244	-3,20685	NA	NA
PRKD1	8,10	-2,49	2,841236	-0,87699	NA	NA
PRKXP1	1,18	-3,01	3,023401	-0,99396	NA	NA
PRL	7,94	-24,73	3,637031	-6,80046	NA	NA
PRMT3	85,79	-0,44	1,011599	-0,43522	NA	NA
PROK2	6,53	-5,75	2,626949	-2,19051	NA	NA
PROM1	5,46	-2,78	2,079045	-1,33493	NA	NA
PROZ	11,27	-10,36	2,846367	-3,63845	NA	NA
PRR34	22,52	-3,07	0,951801	-3,22227	NA	NA
PRSS1	4,22	-6,39	3,086406	-2,07121	NA	NA
PRSS30P	5,32	-0,92	3,616781	-0,25456	NA	NA
PRSS36	30,23	-0,56	1,544104	-0,36432	NA	NA
PRSS38	2,18	-5,18	3,641955	-1,42297	NA	NA
PRSS42	1,22	-5,09	3,645756	-1,39642	NA	NA
PRSS53	13,14	-1,29	1,115968	-1,15962	NA	NA
PRUNE2	36,72	-1,51	1,403375	-1,07567	NA	NA
PSG10P	1,35	-5,23	3,644547	-1,43381	NA	NA
PSG6	8,56	-5,68	2,930706	-1,93744	NA	NA
PSG7	14,38	-7,33	2,051992	-3,5725	NA	NA
PSMD10P	8,41	-4,00	2,92725	-1,36722	NA	NA
PSMD5	303,62	1,35	0,898659	1,503856	NA	NA
PTCH1	18,64	-1,27	0,932224	-1,36094	NA	NA
PTCHD1	64,32	-3,27	0,670178	-4,87745	NA	NA
PTCRA	8,80	-4,88	1,88843	-2,58524	NA	NA
PTENP1	3,82	-0,46	1,991573	-0,2303	NA	NA
PTGDR2	5,47	-3,62	1,758469	-2,06084	NA	NA
PTGER1	1,03	-4,83	3,647773	-1,32468	NA	NA
PTN	2,58	-6,16	3,640331	-1,69309	NA	NA
PTP4A3	25,26	-4,14	2,345558	-1,76355	NA	NA
PTPDC1	7,71	-1,81	1,332891	-1,35465	NA	NA
PTPRB	32,00	-5,13	1,109315	-4,62797	NA	NA
PTPRG	14,96	-4,51	1,122331	-4,01733	NA	NA
PTPRN2	22,16	-0,60	1,572471	-0,38132	NA	NA
PTPRQ	2,03	-5,69	3,631151	-1,56719	NA	NA
PTPRR	5,63	-6,67	3,637718	-1,83355	NA	NA

PTPRT	7,57	-4,61	2,358914	-1,95346	NA	NA
PTPRVP	23,54	-2,10	0,844484	-2,48998	NA	NA
PXDC1	26,88	1,41	1,472374	0,956636	NA	NA
PXMP4	205,93	-0,48	0,983071	-0,48704	NA	NA
PXYLP1	104,56	-2,71	0,694597	-3,90271	NA	NA
PYROXD2	83,79	-1,29	0,960003	-1,33955	NA	NA
PYY	1,64	-5,51	3,643064	-1,51262	NA	NA
PZP	20,63	-1,39	1,765747	-0,78744	NA	NA
QPCTL	43,98	-1,59	0,848442	-1,8682	NA	NA
QPRT	69,33	-1,14	0,768706	-1,48575	NA	NA
RAB30	48,95	-2,16	1,255926	-1,71587	NA	NA
RAB33A	10,92	-2,54	2,169672	-1,17241	NA	NA
RAB3C	2,26	-2,21	1,150636	-1,91709	NA	NA
RAB6B	1,36	-3,69	3,64547	-1,0114	NA	NA
RAB6C	1,51	-5,39	3,643794	-1,47991	NA	NA
RAD18	69,92	1,94	1,134704	1,707773	NA	NA
RAD51	2,51	-4,91	1,94456	-2,52718	NA	NA
RAD54B	1,17	-4,96	3,645185	-1,36098	NA	NA
RAD9B	74,17	0,77	1,208187	0,638988	NA	NA
RAET1L	0,86	-4,39	3,649785	-1,20348	NA	NA
RAPGEF3	6,38	-6,84	2,718461	-2,51743	NA	NA
RASGRF1	16,43	0,36	1,044199	0,340961	NA	NA
RASL11A	4,56	-2,33	1,374967	-1,69244	NA	NA
RASL12	10,47	-6,86	2,178612	-3,14849	NA	NA
RBFOX2	6,86	-9,82	3,407471	-2,88283	NA	NA
RBM11	10,67	-10,46	2,86166	-3,65573	NA	NA
RBP1	12,80	-2,03	1,388779	-1,46194	NA	NA
RBPMS2	3,79	-6,72	3,500547	-1,91853	NA	NA
RDH14	58,76	0,31	1,196264	0,258989	NA	NA
RDM1	7,86	-2,87	2,36638	-1,21398	NA	NA
REM2	4,89	-2,23	2,323271	-0,96119	NA	NA
REXO1L1	44,79	-1,86	1,200498	-1,55038	NA	NA
REXO1L6P	2,14	-1,14	3,02557	-0,37542	NA	NA
RF00001	0,73	-3,62	3,31872	-1,08928	NA	NA
RF00151	5,71	-2,11	2,336066	-0,9017	NA	NA
RF00415	0,91	-4,65	3,649217	-1,27431	NA	NA
RF00422	5,91	-9,29	3,44701	-2,6958	NA	NA
RF00432	11,74	-1,08	1,425673	-0,75503	NA	NA
RF00438	3,62	-4,79	1,798121	-2,66548	NA	NA
RF00554	12,06	-1,91	1,175157	-1,62726	NA	NA
RF00560	3,08	-4,31	2,407782	-1,79038	NA	NA
RF00614	5,50	-6,59	3,637823	-1,81195	NA	NA
RF01293	0,72	-3,66	3,329411	-1,09948	NA	NA
RF01848	4,82	-24,10	3,638043	-6,62337	NA	NA
RF02275	2,53	-6,14	3,64043	-1,68586	NA	NA
RFPL4A	21,90	-2,30	2,022815	-1,13913	NA	NA
RFX4	10,43	-1,89	2,131165	-0,88555	NA	NA
RFX7	404,65	-0,02	0,881794	-0,02288	NA	NA
RGMA	28,01	-3,40	0,817887	-4,1534	NA	NA
RGPD3	6,83	-3,80	1,803467	-2,10926	NA	NA

RGPD8	49,35	-0,86	1,0482	-0,8188	NA	NA
RGS4	5,50	-3,52	1,659956	-2,11885	NA	NA
RGS5	15,22	-4,11	3,057014	-1,34381	NA	NA
RGSL1	118,41	-5,66	1,142386	-4,9505	NA	NA
RHBDL1	0,86	-3,99	3,308487	-1,20721	NA	NA
RHBG	10,86	-2,56	0,936027	-2,73194	NA	NA
RHOXF1	2,82	-5,97	3,124428	-1,91053	NA	NA
RHOXF2B	12,59	-0,69	0,680969	-1,01023	NA	NA
RHPN1	14,62	-2,07	1,563833	-1,32051	NA	NA
RHPN2	57,69	-1,94	1,331624	-1,45646	NA	NA
RIMS4	2,06	-5,94	3,644052	-1,63052	NA	NA
RIT2	1,74	-5,59	3,642531	-1,5337	NA	NA
RLN3	3,58	-3,55	3,160438	-1,12456	NA	NA
RMST	3,37	-1,05	3,462219	-0,30426	NA	NA
RN7SKP111	6,66	-6,76	2,729716	-2,47812	NA	NA
RN7SKP150	0,87	-4,39	3,650445	-1,20323	NA	NA
RN7SKP19	0,64	-4,15	3,655145	-1,1353	NA	NA
RN7SKP192	0,57	-3,53	3,659979	-0,96531	NA	NA
RN7SKP197	7,20	-24,66	3,637191	-6,78015	NA	NA
RN7SKP213	3,18	-3,73	1,52822	-2,43861	NA	NA
RN7SKP222	4,61	-2,08	2,330937	-0,89428	NA	NA
RN7SKP229	8,73	-24,95	3,636883	-6,86083	NA	NA
RN7SKP25	1,91	-4,71	3,642634	-1,2937	NA	NA
RN7SKP284	10,89	-25,28	3,636601	-6,95053	NA	NA
RN7SKP37	1,42	-5,11	3,644577	-1,4031	NA	NA
RN7SKP38	1,08	-4,91	3,647038	-1,34616	NA	NA
RN7SKP58	2,17	-4,49	3,641305	-1,23423	NA	NA
RN7SKP79	2,94	-3,70	2,011048	-1,84203	NA	NA
RN7SKP83	7,98	-24,72	3,637024	-6,79724	NA	NA
RN7SKP97	1,72	-5,41	3,642916	-1,48408	NA	NA
RN7SL153P	5,64	-7,53	2,654125	-2,83655	NA	NA
RN7SL178P	4,36	-3,46	1,537119	-2,24971	NA	NA
RN7SL187P	7,28	-2,96	1,089893	-2,71349	NA	NA
RN7SL188P	1,40	-4,91	3,229789	-1,51897	NA	NA
RN7SL205P	3,85	-0,49	1,271231	-0,38254	NA	NA
RN7SL223P	1,23	-4,89	3,646025	-1,342	NA	NA
RN7SL22P	12,35	-8,13	1,892508	-4,2946	NA	NA
RN7SL233P	2,59	-4,59	2,063128	-2,22371	NA	NA
RN7SL239P	13,25	-1,17	1,373161	-0,8491	NA	NA
RN7SL242P	3,16	-0,57	2,78472	-0,20347	NA	NA
RN7SL268P	1,07	-4,44	2,759314	-1,6104	NA	NA
RN7SL272P	4,00	-23,83	3,638555	-6,54906	NA	NA
RN7SL273P	2,24	-2,10	2,321526	-0,90249	NA	NA
RN7SL280P	0,54	-3,60	3,661502	-0,98312	NA	NA
RN7SL293P	2,21	-3,60	1,528542	-2,35218	NA	NA
RN7SL299P	5,94	-24,40	3,637557	-6,70739	NA	NA
RN7SL3	1,36	-2,75	3,144581	-0,87411	NA	NA
RN7SL305P	1,43	-5,11	3,644635	-1,40073	NA	NA
RN7SL318P	6,89	-3,89	1,641222	-2,36958	NA	NA
RN7SL323P	4,89	-2,08	1,286797	-1,6147	NA	NA

RN7SL328P	0,50	-3,79	3,66023	-1,03641	NA	NA
RN7SL330P	4,88	-4,28	2,464257	-1,73747	NA	NA
RN7SL342P	6,13	-1,35	2,159101	-0,62575	NA	NA
RN7SL36P	1,47	-3,85	2,939277	-1,30994	NA	NA
RN7SL37P	4,35	-2,34	1,405521	-1,66303	NA	NA
RN7SL396P	2,60	-4,64	2,574863	-1,80305	NA	NA
RN7SL430P	5,28	-5,12	2,374456	-2,15726	NA	NA
RN7SL441P	2,00	-1,30	2,996644	-0,43336	NA	NA
RN7SL442P	2,36	-2,94	1,721385	-1,70899	NA	NA
RN7SL448P	15,90	-0,52	1,025325	-0,50403	NA	NA
RN7SL452P	4,35	-6,38	3,140616	-2,03133	NA	NA
RN7SL456P	2,52	-6,13	3,640438	-1,68403	NA	NA
RN7SL457P	4,44	-3,32	1,751169	-1,89571	NA	NA
RN7SL516P	2,70	-1,55	1,853081	-0,83886	NA	NA
RN7SL571P	2,81	-3,80	2,47119	-1,53814	NA	NA
RN7SL589P	13,18	-5,94	1,959879	-3,03065	NA	NA
RN7SL594P	1,61	-5,48	3,643215	-1,50285	NA	NA
RN7SL612P	2,71	-0,91	2,530488	-0,35886	NA	NA
RN7SL627P	2,86	-5,98	3,639968	-1,64345	NA	NA
RN7SL679P	1,29	-3,90	2,887429	-1,35064	NA	NA
RN7SL687P	1,70	-3,70	3,069468	-1,20646	NA	NA
RN7SL712P	4,26	-4,50	1,829153	-2,46134	NA	NA
RN7SL738P	2,22	-4,30	3,431545	-1,25316	NA	NA
RN7SL749P	9,43	-3,60	2,708452	-1,32865	NA	NA
RN7SL776P	1,94	-2,00	1,160522	-1,72237	NA	NA
RN7SL787P	9,67	-5,93	1,491071	-3,97608	NA	NA
RN7SL792P	4,30	-4,17	1,941192	-2,1472	NA	NA
RN7SL820P	2,29	-1,88	2,03609	-0,92338	NA	NA
RN7SL825P	3,82	-4,02	2,27489	-1,76811	NA	NA
RN7SL845P	1,61	-4,39	2,230419	-1,96821	NA	NA
RN7SL856P	1,67	-2,76	2,011205	-1,3703	NA	NA
RN7SL8P	1,68	-2,36	2,266003	-1,03934	NA	NA
RNA5SP114	0,82	-4,50	3,65069	-1,23272	NA	NA
RNA5SP126	1,53	-5,41	3,6437	-1,48511	NA	NA
RNA5SP167	3,40	-23,60	3,639157	-6,48481	NA	NA
RNA5SP194	1,71	-3,33	2,173565	-1,53066	NA	NA
RNA5SP260	5,38	-5,13	3,380195	-1,51805	NA	NA
RNA5SP295	4,26	-1,03	1,966211	-0,52398	NA	NA
RNA5SP88	4,47	-3,73	3,595357	-1,03662	NA	NA
RNA5SP89	1,37	-5,25	3,64464	-1,44027	NA	NA
RNF103-CHMP3	2,50	-5,65	3,168777	-1,78313	NA	NA
RNF113B	7,52	1,31	2,627778	0,498952	NA	NA
RNF150	161,26	-7,73	0,882323	-8,76553	NA	NA
RNF17	5,83	-24,38	3,637623	-6,70227	NA	NA
RNF208	1,36	-3,97	2,538704	-1,56337	NA	NA
RNF32	10,91	-0,36	2,172079	-0,16711	NA	NA
RNU1-120P	4,84	-2,07	1,988033	-1,0399	NA	NA
RNU1-44P	4,00	-6,79	3,638606	-1,86745	NA	NA
RNU1-61P	3,89	-1,47	1,881347	-0,7805	NA	NA
RNU1-63P	4,28	-23,91	3,638384	-6,57157	NA	NA

RNU2-16P	5,60	-1,72	1,500334	-1,14802	NA	NA
RNU2-25P	4,77	-6,56	2,719789	-2,41339	NA	NA
RNU2-47P	1,81	-4,54	3,302283	-1,3733	NA	NA
RNU2-7P	1,43	-2,47	3,64155	-0,67699	NA	NA
RNU4-24P	1,07	-4,51	3,262641	-1,38379	NA	NA
RNU4-78P	3,47	-4,83	2,623389	-1,84297	NA	NA
RNU5B-2P	1,22	-2,73	3,572176	-0,7633	NA	NA
RNU6-1011P	0,55	-3,92	3,658485	-1,07252	NA	NA
RNU6-1014P	3,30	-23,55	3,639263	-6,47148	NA	NA
RNU6-1057P	1,05	-3,89	2,864993	-1,35624	NA	NA
RNU6-1092P	1,39	-3,43	3,645106	-0,94037	NA	NA
RNU6-1127P	3,42	-0,11	2,49511	-0,0445	NA	NA
RNU6-1135P	0,91	-4,65	3,64939	-1,27456	NA	NA
RNU6-1196P	1,85	-5,69	3,642259	-1,56116	NA	NA
RNU6-1252P	1,21	-5,07	3,645875	-1,38944	NA	NA
RNU6-1300P	3,58	-3,10	2,858036	-1,08534	NA	NA
RNU6-1332P	1,15	-5,00	3,646425	-1,3712	NA	NA
RNU6-238P	2,19	-2,09	2,152375	-0,97262	NA	NA
RNU6-248P	1,56	-5,43	3,643497	-1,49161	NA	NA
RNU6-254P	8,52	-24,92	3,238405	-7,69367	NA	NA
RNU6-260P	1,45	-5,16	3,644244	-1,41702	NA	NA
RNU6-284P	5,62	-24,32	3,637684	-6,68461	NA	NA
RNU6-30P	1,61	-5,48	3,643266	-1,50346	NA	NA
RNU6-406P	1,70	-5,56	3,642886	-1,52543	NA	NA
RNU6-407P	1,94	-5,75	3,641943	-1,57969	NA	NA
RNU6-416P	0,72	-4,32	3,653033	-1,18132	NA	NA
RNU6-419P	2,26	-5,81	3,64109	-1,59554	NA	NA
RNU6-433P	1,13	-3,50	3,464871	-1,01137	NA	NA
RNU6-450P	1,72	-2,93	3,637324	-0,80467	NA	NA
RNU6-532P	2,04	-5,82	3,641615	-1,59947	NA	NA
RNU6-583P	3,43	-23,60	3,639111	-6,48628	NA	NA
RNU6-598P	3,31	-6,52	3,63925	-1,7922	NA	NA
RNU6-665P	1,21	-5,07	3,645856	-1,39169	NA	NA
RNU6-670P	1,41	-5,29	3,64439	-1,45088	NA	NA
RNU6-72P	2,04	-5,83	3,641629	-1,5999	NA	NA
RNU6-733P	1,27	-4,78	3,645875	-1,31166	NA	NA
RNU6-740P	1,47	-5,36	3,643982	-1,46963	NA	NA
RNU6-764P	1,35	-5,23	3,644788	-1,43503	NA	NA
RNU6-817P	1,00	-4,03	3,649819	-1,10483	NA	NA
RNU6-845P	4,25	-23,90	3,638413	-6,56949	NA	NA
RNU6-939P	0,80	-4,48	3,65118	-1,22666	NA	NA
RNU6-944P	0,81	-4,49	3,650819	-1,23084	NA	NA
RNU6-954P	3,89	-23,70	3,638689	-6,51268	NA	NA
RNU7-3P	4,42	-23,96	3,638304	-6,58441	NA	NA
RNVU1-7	1,69	-2,67	2,28875	-1,16777	NA	NA
RNY1P10	6,77	-6,57	3,536796	-1,85777	NA	NA
ROBO2	67,70	-5,67	1,188958	-4,77005	NA	NA
ROBO4	8,39	-0,67	1,700532	-0,39429	NA	NA
ROPN1L	4,80	-7,08	3,638306	-1,94561	NA	NA
RP1	21,80	0,02	1,935174	0,009597	NA	NA

RP1-101A2.1	1,90	-1,95	2,580508	-0,75531	NA	NA
RP1-107N3.2	1,13	-4,97	3,646504	-1,36356	NA	NA
RP1-117O3.2	0,83	-3,80	2,826228	-1,34365	NA	NA
RP1-128M12.1	14,48	-9,77	2,833739	-3,44716	NA	NA
RP1-131F15.2	8,87	-9,85	3,338375	-2,95057	NA	NA
RP1-134E15.3	11,61	-1,16	1,990731	-0,58237	NA	NA
RP1-136O14.1	7,21	-4,25	3,567627	-1,1924	NA	NA
RP1-154K9.2	4,77	-1,61	2,191702	-0,73627	NA	NA
RP1-15D23.2	1,21	-5,07	3,645873	-1,38951	NA	NA
RP1-163M9.5	0,68	-4,03	3,655623	-1,10253	NA	NA
RP1-164F3.8	1,31	-5,18	3,645004	-1,42003	NA	NA
RP1-167G20.1	5,59	-8,94	2,960556	-3,02116	NA	NA
RP1-178F15.5	13,72	-1,62	1,64216	-0,98935	NA	NA
RP1-186E20.2	1,61	-5,48	3,643226	-1,50336	NA	NA
RP1-18D14.4	5,25	-5,02	3,629471	-1,38236	NA	NA
RP1-191J18.66	9,12	-1,97	1,195146	-1,6493	NA	NA
RP1-199J3.6	2,63	-3,02	2,85092	-1,05975	NA	NA
RP1-199J3.7	2,30	-4,06	3,637338	-1,11666	NA	NA
RP1-200K18.1	0,73	-4,35	3,652626	-1,19027	NA	NA
RP1-202O8.3	2,37	-1,85	2,162358	-0,85606	NA	NA
RP1-20B11.2	21,50	-0,91	1,446533	-0,63025	NA	NA
RP1-20N2.2	0,75	-4,14	3,253545	-1,27161	NA	NA
RP1-223E5.4	3,46	-5,76	3,639385	-1,58142	NA	NA
RP1-223H12.5	3,84	-1,40	1,324887	-1,05533	NA	NA
RP1-230G1.4	1,93	-5,23	2,725856	-1,92009	NA	NA
RP1-230G1.7	0,79	-4,46	3,651078	-1,22124	NA	NA
RP1-23K20.2	1,49	-3,19	3,642208	-0,87496	NA	NA
RP1-240K6.4	8,07	-2,09	2,034409	-1,02544	NA	NA
RP1-244F1.1	1,25	-5,12	3,64551	-1,40474	NA	NA
RP1-244F24.1	4,21	-7,01	2,690405	-2,60477	NA	NA
RP1-256G22.1	1,33	-5,21	3,139418	-1,65856	NA	NA
RP1-265C24.5	2,53	-1,81	3,62598	-0,49922	NA	NA
RP1-266L20.2	5,53	-0,26	1,404462	-0,18777	NA	NA
RP1-266L20.4	6,59	-1,00	1,886204	-0,52881	NA	NA
RP1-274L14.2	9,31	-0,98	3,508865	-0,2798	NA	NA
RP1-28O17.1	8,51	-24,92	3,636916	-6,85141	NA	NA
RP1-300I2.2	4,50	-23,99	3,638259	-6,59286	NA	NA
RP1-308E4.1	1,26	-3,89	2,185781	-1,78164	NA	NA
RP1-32I10.10	4,31	-0,32	2,810733	-0,11288	NA	NA
RP1-39G22.7	14,48	1,41	2,067986	0,682482	NA	NA
RP1-45I4.3	4,07	-23,84	3,638521	-6,55255	NA	NA
RP1-46F2.2	3,63	-5,94	3,208747	-1,85259	NA	NA
RP1-56L9.6	4,34	-5,07	2,157291	-2,35052	NA	NA
RP1-60O19.1	4,59	-0,87	1,543205	-0,56425	NA	NA
RP1-65P5.6	9,50	-0,23	3,508375	-0,06694	NA	NA
RP1-69D17.4	2,01	-5,07	2,78308	-1,82165	NA	NA
RP1-6P5.1	3,93	-8,62	3,56106	-2,42147	NA	NA
RP1-71L16.3	1,89	-5,53	3,642328	-1,51737	NA	NA
RP1-78O14.1	69,74	-2,85	0,763829	-3,73129	NA	NA
RP1-80N2.2	6,12	-5,85	2,855916	-2,04884	NA	NA

RP1-84O15.2	2,89	-2,28	3,623679	-0,62993	NA	NA
RP1-90J20.7	19,70	-2,84	1,125999	-2,52451	NA	NA
RP1-95L4.3	6,22	-9,58	3,433658	-2,78975	NA	NA
RP1-95L4.4	11,50	-5,63	2,053059	-2,74451	NA	NA
RP1-9E21.5	25,81	-1,17	2,356329	-0,49623	NA	NA
RP11-1000B6.8	11,09	-1,27	2,465879	-0,51695	NA	NA
RP11-1006G14.1	9,81	-1,27	2,138153	-0,59476	NA	NA
RP11-1007I4.1	2,35	-5,86	3,640838	-1,60931	NA	NA
RP11-100G15.2	0,97	-2,85	3,652922	-0,77922	NA	NA
RP11-100G15.3	3,08	-6,42	3,639495	-1,76266	NA	NA
RP11-100L22.4	4,82	-24,10	3,638065	-6,6245	NA	NA
RP11-1017G21.5	18,06	-4,78	1,851929	-2,58011	NA	NA
RP11-1018J11.2	2,33	-1,88	0,943292	-1,99683	NA	NA
RP11-1018N14.4	3,16	-5,81	3,15186	-1,84313	NA	NA
RP11-101E14.3	0,68	-4,25	3,653899	-1,16226	NA	NA
RP11-101E19.6	9,77	-25,00	3,636744	-6,87381	NA	NA
RP11-101J8.2	1,75	-4,25	3,387297	-1,25371	NA	NA
RP11-101P17.8	2,24	-0,71	3,366148	-0,21021	NA	NA
RP11-1021N1.1	5,48	-2,50	1,463752	-1,71023	NA	NA
RP11-1023L17.2	12,24	1,45	1,613062	0,8965	NA	NA
RP11-102M11.1	22,16	-2,12	1,323753	-1,59892	NA	NA
RP11-1030E3.1	3,55	-8,57	3,58253	-2,39139	NA	NA
RP11-1036E20.10	6,43	-8,52	2,978451	-2,85977	NA	NA
RP11-104G3.2	7,03	-1,68	2,003331	-0,8395	NA	NA
RP11-104G3.7	1,30	-1,86	2,759996	-0,67229	NA	NA
RP11-105C19.2	0,74	-4,36	3,652425	-1,19326	NA	NA
RP11-105D1.2	1,12	-2,07	3,167265	-0,65331	NA	NA
RP11-1060J15.4	10,34	0,13	1,435848	0,093138	NA	NA
RP11-1072C15.2	24,55	-1,63	1,054079	-1,54484	NA	NA
RP11-1079H9.1	2,40	-1,77	2,639683	-0,6702	NA	NA
RP11-107P7.2	9,38	-25,06	3,636789	-6,89149	NA	NA
RP11-1084A12.2	5,59	-7,85	3,524838	-2,22628	NA	NA
RP11-1086I4.2	3,24	-6,32	3,607771	-1,75182	NA	NA
RP11-108A14.2	0,67	-4,22	3,654174	-1,1551	NA	NA
RP11-108E14.1	2,78	-3,29	2,239077	-1,47021	NA	NA
RP11-108O10.8	0,34	-2,24	3,689834	-0,60718	NA	NA
RP11-1096G20.5	1,85	-1,59	1,804664	-0,87907	NA	NA
RP11-109D20.1	2,26	-4,78	1,986243	-2,40863	NA	NA
RP11-109E24.2	5,67	-24,33	3,637675	-6,68852	NA	NA
RP11-109G10.2	0,75	-4,13	3,653659	-1,12979	NA	NA
RP11-109N23.6	3,41	-3,81	2,504482	-1,51964	NA	NA
RP11-10A14.5	7,28	-2,37	0,971081	-2,43746	NA	NA
RP11-10E18.7	44,80	-0,40	1,572035	-0,25152	NA	NA
RP11-10J21.5	9,97	-0,63	2,135438	-0,29364	NA	NA
RP11-10L12.1	4,30	-4,45	2,67585	-1,66191	NA	NA
RP11-1105G2.4	0,89	-3,13	2,92978	-1,06697	NA	NA
RP11-110C15.4	5,52	-3,56	1,09908	-3,23897	NA	NA
RP11-110K18.2	2,32	-3,38	3,586621	-0,94306	NA	NA
RP11-110K8.1	3,70	-4,80	3,400433	-1,41263	NA	NA
RP11-1112C15.1	19,07	-4,83	1,266555	-3,8123	NA	NA

RP11-1113C11.2	2,23	-5,95	3,641113	-1,63465	NA	NA
RP11-1114A5.5	2,02	-1,44	3,321344	-0,43434	NA	NA
RP11-111D3.2	0,55	-3,93	3,658533	-1,07439	NA	NA
RP11-111H3.2	6,30	-2,72	0,957512	-2,84043	NA	NA
RP11-111K18.1	31,99	-2,95	1,898859	-1,55187	NA	NA
RP11-111K18.2	1,06	-4,88	3,64733	-1,33876	NA	NA
RP11-111M22.4	1,10	-3,32	2,979223	-1,11562	NA	NA
RP11-112L15.3	15,51	-10,81	3,636261	-2,97404	NA	NA
RP11-1136L8.1	5,89	-1,68	1,302673	-1,28718	NA	NA
RP11-113D6.6	4,34	-23,93	3,638352	-6,57667	NA	NA
RP11-113E21.3	10,08	-9,69	3,306203	-2,93146	NA	NA
RP11-113K21.1	1,51	-5,38	3,64372	-1,47786	NA	NA
RP11-1144P22.1	3,90	-2,64	2,652007	-0,99656	NA	NA
RP11-1149O23.2	9,32	-0,13	1,222419	-0,10975	NA	NA
RP11-114F10.2	4,76	-1,17	1,595959	-0,73287	NA	NA
RP11-114G11.3	4,39	-4,92	1,773011	-2,77528	NA	NA
RP11-114H24.3	3,56	-2,34	1,726777	-1,35567	NA	NA
RP11-114H24.5	12,79	-8,64	3,639973	-2,37372	NA	NA
RP11-114N1.1	1,00	-4,39	3,649205	-1,20204	NA	NA
RP11-114N19.2	7,56	-8,19	3,401528	-2,40781	NA	NA
RP11-1151B14.4	7,49	0,32	3,219064	0,099664	NA	NA
RP11-115C10.1	4,62	-9,14	3,513932	-2,60114	NA	NA
RP11-115J16.2	6,98	-1,49	1,526767	-0,97888	NA	NA
RP11-116B13.1	1,84	-5,67	3,642233	-1,55798	NA	NA
RP11-116D17.1	6,42	-6,17	3,237876	-1,90566	NA	NA
RP11-117P22.1	1,64	-3,85	2,301088	-1,6721	NA	NA
RP11-118B22.6	14,83	-1,47	2,390664	-0,6148	NA	NA
RP11-119H12.1	6,40	-2,69	2,016354	-1,33367	NA	NA
RP11-11A18.1	0,98	-4,76	3,648166	-1,3043	NA	NA
RP11-11N7.4	3,57	-4,08	3,55769	-1,14724	NA	NA
RP11-120C12.3	0,79	-4,46	3,651339	-1,22134	NA	NA
RP11-120D5.1	21,31	-2,76	1,337033	-2,06694	NA	NA
RP11-1212A22.7	3,00	-5,56	2,764249	-2,01094	NA	NA
RP11-1217F2.12	9,67	-9,87	3,314645	-2,97624	NA	NA
RP11-121A13.3	1,83	-5,67	3,642273	-1,55583	NA	NA
RP11-121C2.2	29,57	-6,34	1,921563	-3,30051	NA	NA
RP11-121C6.5	12,96	-0,63	1,65934	-0,3806	NA	NA
RP11-121M22.1	5,73	-7,56	2,632801	-2,87331	NA	NA
RP11-122A21.2	5,35	-5,31	3,631737	-1,46105	NA	NA
RP11-122G18.10	2,33	-0,44	2,698307	-0,16129	NA	NA
RP11-122G18.11	14,99	-2,15	1,822498	-1,17831	NA	NA
RP11-122M14.1	16,18	-1,99	1,186979	-1,67756	NA	NA
RP11-123O22.1	2,52	-6,13	3,628955	-1,69016	NA	NA
RP11-125D12.2	2,67	-6,03	3,640301	-1,65766	NA	NA
RP11-1263C18.2	0,80	-4,04	3,292651	-1,22751	NA	NA
RP11-1267H10.2	1,70	-3,51	3,043937	-1,15453	NA	NA
RP11-126K1.2	7,53	0,79	2,050074	0,385342	NA	NA
RP11-1277A3.1	20,75	-3,59	1,465401	-2,45071	NA	NA
RP11-127L20.3	0,77	-3,71	3,317709	-1,11954	NA	NA
RP11-127L21.2	3,58	-23,67	3,638964	-6,50448	NA	NA

RP11-129K12.1	1,22	-4,13	3,343536	-1,2358	NA	NA
RP11-129M6.1	8,06	-24,73	3,637013	-6,80062	NA	NA
RP11-130L8.3	1,79	-5,27	3,202567	-1,64533	NA	NA
RP11-132A1.4	1,86	-5,69	3,642224	-1,56309	NA	NA
RP11-132A1.6	3,56	-6,63	3,638984	-1,82063	NA	NA
RP11-132G19.3	0,68	-4,23	3,654015	-1,15729	NA	NA
RP11-1336O20.2	1,50	-4,50	2,812819	-1,59925	NA	NA
RP11-133F8.2	8,20	-1,94	1,561909	-1,24236	NA	NA
RP11-133K1.5	1,37	-3,12	2,364663	-1,31959	NA	NA
RP11-1348G14.8	3,74	-2,32	2,303976	-1,00747	NA	NA
RP11-134E15.1	1,67	-3,41	2,685771	-1,27026	NA	NA
RP11-134G8.7	2,49	-0,99	1,418282	-0,69713	NA	NA
RP11-134K1.2	2,12	-5,16	2,401265	-2,14688	NA	NA
RP11-134N1.2	19,46	-6,76	2,31599	-2,91748	NA	NA
RP11-135A24.4	1,91	-2,06	2,537107	-0,81384	NA	NA
RP11-136K7.2	7,08	-2,44	1,109679	-2,19636	NA	NA
RP11-137D19.1	1,19	-5,04	3,646019	-1,38222	NA	NA
RP11-138B9.1	13,20	-1,59	2,139834	-0,74413	NA	NA
RP11-139G7.1	2,66	-4,50	3,638785	-1,23701	NA	NA
RP11-139K1.2	5,56	-0,26	2,338046	-0,11173	NA	NA
RP11-13K12.2	19,95	-2,75	1,501034	-1,83486	NA	NA
RP11-141B14.2	16,59	-0,81	1,149331	-0,70818	NA	NA
RP11-141E13.1	2,31	-4,04	2,343238	-1,72334	NA	NA
RP11-141M1.1	0,69	-4,27	3,653507	-1,16817	NA	NA
RP11-143P4.2	3,83	-6,73	3,63873	-1,85066	NA	NA
RP11-144C15.2	6,98	-3,37	3,615181	-0,93087	NA	NA
RP11-144L1.8	20,99	-9,48	3,470149	-2,73313	NA	NA
RP11-145M4.1	3,89	-23,70	3,638689	-6,51268	NA	NA
RP11-146F11.4	6,24	-24,47	3,637462	-6,72619	NA	NA
RP11-146N18.1	2,57	-4,28	3,010574	-1,42097	NA	NA
RP11-147G16.1	7,61	-7,16	3,000027	-2,38714	NA	NA
RP11-147H23.3	21,09	-5,32	2,374608	-2,24233	NA	NA
RP11-147K16.3	8,35	-24,90	3,636956	-6,84568	NA	NA
RP11-148B18.4	4,67	-4,29	1,219681	-3,51569	NA	NA
RP11-148B3.2	5,95	-24,39	3,401972	-7,1691	NA	NA
RP11-148E17.1	5,97	0,01	1,679337	0,00711	NA	NA
RP11-148L24.1	10,95	-3,78	1,266838	-2,98438	NA	NA
RP11-14J7.6	2,08	-5,88	3,060902	-1,92072	NA	NA
RP11-14O19.2	13,35	-2,75	1,458267	-1,88383	NA	NA
RP11-14O22.1	0,92	-2,61	3,65972	-0,71199	NA	NA
RP11-151F5.2	4,70	-6,25	2,112674	-2,95924	NA	NA
RP11-152N13.16	3,20	-0,89	1,986751	-0,44922	NA	NA
RP11-153N17.1	7,04	-9,45	3,400725	-2,77904	NA	NA
RP11-156E6.1	38,80	-0,59	1,061521	-0,55872	NA	NA
RP11-156K23.2	3,71	-0,86	2,34074	-0,36573	NA	NA
RP11-156K23.3	9,11	-1,91	1,905073	-1,00436	NA	NA
RP11-156P1.1	6,72	0,16	1,484365	0,110939	NA	NA
RP11-157B13.6	1,18	-5,04	3,64605	-1,38273	NA	NA
RP11-157D23.2	14,55	-10,58	3,221257	-3,28449	NA	NA
RP11-157I4.4	10,01	-4,84	1,602713	-3,01974	NA	NA

RP11-157J24.2	8,76	-24,96	3,636879	-6,86254	NA	NA
RP11-157N3.1	3,60	-1,12	1,50208	-0,7472	NA	NA
RP11-158A8.1	6,19	-24,46	3,637487	-6,72573	NA	NA
RP11-159H10.3	3,46	-6,36	3,006026	-2,11563	NA	NA
RP11-15A1.3	15,01	-0,14	1,715313	-0,08126	NA	NA
RP11-15E1.1	9,92	-5,26	3,06286	-1,71631	NA	NA
RP11-15E1.5	5,34	0,32	2,668856	0,119593	NA	NA
RP11-15H20.7	2,24	-3,57	1,489392	-2,39767	NA	NA
RP11-15H20.8	3,80	-8,33	3,566509	-2,33572	NA	NA
RP11-160A9.2	10,58	-7,29	1,997738	-3,64948	NA	NA
RP11-160E2.11	0,62	-3,84	3,657353	-1,05128	NA	NA
RP11-160H12.2	1,97	-5,78	3,641815	-1,58608	NA	NA
RP11-161E22.2	13,25	-8,38	2,322213	-3,60839	NA	NA
RP11-162J8.2	6,70	-7,38	3,50502	-2,10595	NA	NA
RP11-163E9.1	5,19	-2,21	1,463564	-1,51079	NA	NA
RP11-163F8.3	64,55	-2,40	0,906909	-2,65055	NA	NA
RP11-163N6.2	13,06	-0,56	1,194843	-0,47	NA	NA
RP11-164P12.3	2,66	-1,99	1,953373	-1,02108	NA	NA
RP11-166D18.1	1,84	-2,83	2,760482	-1,02541	NA	NA
RP11-166E2.1	3,31	-5,52	3,639661	-1,51527	NA	NA
RP11-166N17.1	2,66	-6,04	3,640242	-1,66007	NA	NA
RP11-167H9.2	5,23	-5,58	1,769016	-3,1546	NA	NA
RP11-167H9.4	2,13	-5,86	3,640837	-1,60822	NA	NA
RP11-167H9.5	1,02	-4,82	3,647752	-1,32195	NA	NA
RP11-167J8.1	2,14	-3,88	1,420518	-2,73196	NA	NA
RP11-167N4.4	3,11	-3,57	2,260598	-1,58102	NA	NA
RP11-167P11.2	6,83	-1,36	0,834814	-1,63467	NA	NA
RP11-168G16.2	1,66	-5,51	3,642837	-1,51374	NA	NA
RP11-168G22.1	3,83	-23,77	3,638768	-6,53294	NA	NA
RP11-169D4.2	3,37	-4,39	3,053827	-1,43835	NA	NA
RP11-169D4.3	9,67	-9,64	3,317187	-2,90604	NA	NA
RP11-169K17.3	0,74	-2,89	3,661285	-0,79028	NA	NA
RP11-169O17.6	2,44	-1,58	1,736588	-0,90839	NA	NA
RP11-16K12.2	2,05	-4,24	3,39827	-1,24829	NA	NA
RP11-16P6.1	4,38	-2,09	1,325224	-1,57661	NA	NA
RP11-171G2.1	7,65	0,46	2,889202	0,158716	NA	NA
RP11-172E10.1	4,90	-1,51	2,160352	-0,69727	NA	NA
RP11-173D3.4	26,16	-0,92	2,008404	-0,46043	NA	NA
RP11-173D9.1	1,90	-2,19	3,63215	-0,60325	NA	NA
RP11-173P16.2	4,22	-2,80	3,619039	-0,77351	NA	NA
RP11-174C7.1	1,79	-5,63	3,642589	-1,54694	NA	NA
RP11-175B9.3	3,44	-3,47	1,413254	-2,45541	NA	NA
RP11-175I6.5	4,80	-6,22	2,733991	-2,2737	NA	NA
RP11-175K6.2	21,18	-6,87	1,49473	-4,59727	NA	NA
RP11-175P19.3	1,35	-2,75	1,92131	-1,43299	NA	NA
RP11-177B4.2	18,88	-4,41	2,704831	-1,63179	NA	NA
RP11-177C12.3	0,91	-4,22	3,286943	-1,2837	NA	NA
RP11-177G23.1	1,73	-2,69	3,620734	-0,74387	NA	NA
RP11-177H13.2	56,29	-2,99	0,687184	-4,35169	NA	NA
RP11-177N22.3	4,89	-4,70	1,390456	-3,38102	NA	NA

RP11-178C3.6	4,74	-5,19	3,362397	-1,54274	NA	NA
RP11-179B15.2	1,82	-3,05	3,583487	-0,8523	NA	NA
RP11-17A4.3	4,06	-1,22	2,305718	-0,5311	NA	NA
RP11-17G12.3	1,15	-3,37	2,98709	-1,12853	NA	NA
RP11-17M15.2	0,91	-3,69	3,334278	-1,10601	NA	NA
RP11-180C1.1	7,19	-4,85	1,956208	-2,48033	NA	NA
RP11-180P8.1	19,09	-6,01	1,576323	-3,81015	NA	NA
RP11-180P8.4	12,50	-25,47	3,636449	-7,00448	NA	NA
RP11-180P8.5	3,24	-23,53	3,639342	-6,46499	NA	NA
RP11-181C3.2	4,63	0,16	2,667263	0,059134	NA	NA
RP11-182J1.18	26,96	-0,57	1,368154	-0,41578	NA	NA
RP11-185E12.2	1,29	-2,40	3,147937	-0,76154	NA	NA
RP11-185N2.1	3,79	-6,39	3,082197	-2,0739	NA	NA
RP11-187A9.2	3,29	-1,79	3,621575	-0,49467	NA	NA
RP11-187C18.3	8,75	-4,52	3,137279	-1,44134	NA	NA
RP11-187C18.5	7,78	-24,79	3,637066	-6,81696	NA	NA
RP11-188P17.2	1,39	-5,09	3,644697	-1,39761	NA	NA
RP11-189E14.3	3,67	-4,41	1,443353	-3,05597	NA	NA
RP11-18J9.3	15,22	-1,48	1,495539	-0,98889	NA	NA
RP11-190A12.4	3,55	-6,47	3,590877	-1,80186	NA	NA
RP11-190A12.7	3,38	-1,88	1,449944	-1,29674	NA	NA
RP11-191A15.1	1,34	-4,86	3,217722	-1,51073	NA	NA
RP11-191J12.1	6,94	-1,06	0,851698	-1,24988	NA	NA
RP11-191L9.4	14,43	-25,72	3,636475	-7,07231	NA	NA
RP11-192H6.2	8,30	-24,78	3,636975	-6,81247	NA	NA
RP11-192K2.2	3,10	-0,92	2,094596	-0,4398	NA	NA
RP11-192P3.4	22,36	-3,02	0,855317	-3,5354	NA	NA
RP11-196B3.2	2,95	-1,56	2,685901	-0,58103	NA	NA
RP11-197K3.1	8,53	-1,18	2,65303	-0,44643	NA	NA
RP11-197M22.2	3,28	-0,72	3,624952	-0,19895	NA	NA
RP11-197P3.1	3,62	-23,69	3,638941	-6,50998	NA	NA
RP11-1C8.6	1,82	-5,47	3,642577	-1,50258	NA	NA
RP11-1L12.3	1,87	-5,37	2,706287	-1,98452	NA	NA
RP11-1L9.1	1,34	-5,02	3,645173	-1,37799	NA	NA
RP11-1M18.1	2,96	-1,47	1,378509	-1,06884	NA	NA
RP11-202D1.3	4,37	-6,95	3,638556	-1,90907	NA	NA
RP11-202D20.1	9,87	-3,35	2,387703	-1,40472	NA	NA
RP11-203H19.2	2,10	-3,01	3,632489	-0,82882	NA	NA
RP11-203I16.3	11,96	-10,30	3,266436	-3,15232	NA	NA
RP11-203M5.8	1,99	-1,30	2,636351	-0,49185	NA	NA
RP11-204I15.1	1,07	-4,89	3,647262	-1,34193	NA	NA
RP11-204N11.2	1,58	-3,58	3,057036	-1,16992	NA	NA
RP11-205A8.3	1,60	-5,47	3,643343	-1,50222	NA	NA
RP11-206P5.2	2,21	-5,94	3,641167	-1,63141	NA	NA
RP11-20B24.5	7,86	-2,99	1,930779	-1,54715	NA	NA
RP11-20E23.1	1,81	-5,66	3,642377	-1,55285	NA	NA
RP11-20G6.3	11,39	-4,49	2,110331	-2,12916	NA	NA
RP11-20I20.1	9,48	-3,52	3,613258	-0,97327	NA	NA
RP11-20O24.2	10,73	-25,25	3,636617	-6,94442	NA	NA
RP11-210H10__A.1	2,34	-4,76	3,640645	-1,30763	NA	NA

RP11-210K20.5	1,60	-4,94	2,411042	-2,04842	NA	NA
RP11-210M15.1	4,35	-1,49	2,195891	-0,67663	NA	NA
RP11-211A18.2	4,55	-8,92	3,002365	-2,97034	NA	NA
RP11-211N8.7	1,26	-3,68	3,491159	-1,05503	NA	NA
RP11-211P13.1	2,39	-3,59	2,739178	-1,31054	NA	NA
RP11-212P7.3	2,31	-0,97	2,656572	-0,36535	NA	NA
RP11-215E13.1	0,89	-3,73	3,65183	-1,02036	NA	NA
RP11-216N14.7	18,28	-1,89	1,926349	-0,98096	NA	NA
RP11-219F10.1	1,82	-5,47	3,642592	-1,50253	NA	NA
RP11-219J21.2	3,98	-6,79	3,638628	-1,86588	NA	NA
RP11-21C4.4	8,64	-9,95	3,344772	-2,9758	NA	NA
RP11-220C2.1	1,32	-5,19	3,645013	-1,425	NA	NA
RP11-221N13.1	2,04	-5,83	3,641611	-1,59979	NA	NA
RP11-221N13.4	3,17	-2,65	2,1395	-1,23889	NA	NA
RP11-222K16.2	13,43	-8,39	2,093759	-4,00946	NA	NA
RP11-223C24.1	6,27	-6,12	3,636463	-1,6837	NA	NA
RP11-223F20.2	2,38	-6,05	3,640746	-1,66133	NA	NA
RP11-226F19.4	5,61	0,82	1,839958	0,445594	NA	NA
RP11-227F19.2	3,91	-23,80	3,638676	-6,54154	NA	NA
RP11-227F19.5	1,38	-5,26	3,644584	-1,44268	NA	NA
RP11-228M15.1	15,81	0,13	1,601733	0,082455	NA	NA
RP11-22B23.2	1,72	-5,20	3,643262	-1,42857	NA	NA
RP11-230B22.1	1,05	-3,04	2,280001	-1,33286	NA	NA
RP11-231C14.3	37,38	-0,29	1,823851	-0,16078	NA	NA
RP11-231C14.5	2,94	-23,38	3,639718	-6,42384	NA	NA
RP11-235E17.6	6,12	-9,43	2,904393	-3,24803	NA	NA
RP11-235P11.1	1,01	-4,62	3,648329	-1,26581	NA	NA
RP11-236B18.1	3,98	-6,79	3,638624	-1,86618	NA	NA
RP11-236P24.3	1,22	-5,09	3,645697	-1,39531	NA	NA
RP11-238I10.1	6,48	-2,07	2,364998	-0,87457	NA	NA
RP11-238K6.1	2,01	-1,14	2,019541	-0,56385	NA	NA
RP11-23B5.1	2,41	-6,06	3,640648	-1,66503	NA	NA
RP11-23J18.1	14,76	-1,09	1,636568	-0,6651	NA	NA
RP11-23N2.4	2,52	-2,96	3,231681	-0,91643	NA	NA
RP11-242D10.2	2,53	-2,68	3,626768	-0,73987	NA	NA
RP11-243A14.1	27,48	-2,23	0,892672	-2,49286	NA	NA
RP11-244C20.1	1,13	-4,97	3,646566	-1,36258	NA	NA
RP11-244H18.1	5,12	-24,04	3,439087	-6,98903	NA	NA
RP11-244H18.3	4,83	-24,09	3,638064	-6,6218	NA	NA
RP11-244K5.1	5,05	-6,36	3,12111	-2,03726	NA	NA
RP11-245J9.2	22,15	1,58	1,303382	1,21355	NA	NA
RP11-247A12.7	4,71	-24,06	3,638121	-6,61204	NA	NA
RP11-248C1.2	6,22	-2,17	1,61729	-1,34278	NA	NA
RP11-248G5.12	4,50	-1,34	2,304778	-0,58103	NA	NA
RP11-248J23.5	3,41	-2,50	2,469483	-1,01126	NA	NA
RP11-248J23.7	3,31	-7,39	3,623755	-2,04038	NA	NA
RP11-24F11.5	2,74	-0,52	2,519495	-0,20587	NA	NA
RP11-250B16.1	8,25	-5,47	1,948184	-2,80958	NA	NA
RP11-252E2.1	1,00	-3,43	2,957106	-1,16141	NA	NA
RP11-252K23.2	24,56	-1,51	0,885447	-1,7077	NA	NA

RP11-252M21.6	2,39	-5,88	3,640799	-1,61531	NA	NA
RP11-252P19.1	17,24	-9,62	2,487084	-3,86669	NA	NA
RP11-254B13.1	6,80	-1,63	0,615812	-2,64487	NA	NA
RP11-254B13.3	23,20	-1,90	1,736629	-1,09378	NA	NA
RP11-254F19.4	8,94	-5,76	2,357183	-2,44507	NA	NA
RP11-255H23.5	1,83	-5,67	3,642339	-1,55623	NA	NA
RP11-255N24.4	2,51	-6,12	3,640459	-1,68199	NA	NA
RP11-25K19.1	5,21	-1,00	2,572575	-0,3886	NA	NA
RP11-260M19.2	2,11	-3,16	2,750993	-1,14793	NA	NA
RP11-260M2.1	54,17	-0,24	1,168736	-0,20667	NA	NA
RP11-262M14.2	6,12	-9,28	3,44373	-2,69594	NA	NA
RP11-263C24.3	2,49	-5,47	3,20576	-1,70574	NA	NA
RP11-264B17.4	16,02	-1,74	1,244303	-1,39477	NA	NA
RP11-264C15.2	20,80	-7,00	3,625755	-1,93152	NA	NA
RP11-264F23.1	3,68	-5,28	1,700456	-3,1048	NA	NA
RP11-264J4.8	4,22	-4,06	1,326401	-3,06316	NA	NA
RP11-264J4.9	3,75	-3,06	1,866754	-1,63957	NA	NA
RP11-266K4.15	2,51	-6,12	3,640439	-1,68187	NA	NA
RP11-268I9.1	4,46	-9,09	3,521346	-2,58203	NA	NA
RP11-268P4.5	3,80	0,03	1,545787	0,017616	NA	NA
RP11-269F20.1	1,30	-1,82	2,808883	-0,649	NA	NA
RP11-269G24.2	1,56	-5,44	3,08497	-1,76311	NA	NA
RP11-26M5.3	3,64	-2,96	1,768596	-1,67084	NA	NA
RP11-270L13.1	8,02	-24,84	3,637016	-6,82918	NA	NA
RP11-271F18.4	8,84	-2,07	1,385884	-1,4941	NA	NA
RP11-274B21.10	6,59	0,81	1,807272	0,449663	NA	NA
RP11-274B21.5	0,84	-4,54	3,65049	-1,24346	NA	NA
RP11-274H2.2	10,60	-0,22	1,395873	-0,15944	NA	NA
RP11-274H2.3	8,42	-2,09	1,460036	-1,43018	NA	NA
RP11-274J16.5	1,22	-5,09	3,645788	-1,39514	NA	NA
RP11-275I14.2	17,09	-10,76	3,63618	-2,95999	NA	NA
RP11-275I14.4	10,61	-5,58	2,688662	-2,07441	NA	NA
RP11-275I4.1	17,68	-2,59	1,407752	-1,84212	NA	NA
RP11-275O4.4	4,19	-23,88	3,638452	-6,56265	NA	NA
RP11-277J6.3	0,68	-4,24	3,653865	-1,16157	NA	NA
RP11-278C7.2	6,59	-7,19	2,690399	-2,67162	NA	NA
RP11-278I4.2	8,64	-24,95	3,636903	-6,85928	NA	NA
RP11-278J6.5	0,66	-4,19	3,654552	-1,14529	NA	NA
RP11-278L15.6	1,16	-5,02	3,646256	-1,37617	NA	NA
RP11-279D17.1	1,81	-5,32	3,642656	-1,4591	NA	NA
RP11-281N10.1	3,22	-3,35	2,09946	-1,59455	NA	NA
RP11-281O15.4	0,98	-4,76	3,648408	-1,30587	NA	NA
RP11-282K24.3	16,20	-1,97	0,865123	-2,27885	NA	NA
RP11-284F21.8	6,60	-1,52	0,874824	-1,73274	NA	NA
RP11-284P20.3	5,63	-9,45	3,468517	-2,72328	NA	NA
RP11-285B24.1	0,71	-4,30	3,652978	-1,17766	NA	NA
RP11-286B14.1	7,97	-3,59	2,294003	-1,56696	NA	NA
RP11-287D1.5	5,68	-1,80	2,102458	-0,85447	NA	NA
RP11-287J9.2	3,89	-2,76	1,778862	-1,55145	NA	NA
RP11-290L1.6	2,60	-6,18	3,64029	-1,69691	NA	NA

RP11-290L7.5	13,12	-3,21	1,029017	-3,11594	NA	NA
RP11-290P14.2	2,00	-5,79	3,641686	-1,59066	NA	NA
RP11-291B21.2	0,96	-4,52	3,229123	-1,40046	NA	NA
RP11-294C11.11	3,48	-23,63	3,6391	-6,49465	NA	NA
RP11-295B17.4	2,07	-5,17	2,793365	-1,8493	NA	NA
RP11-295M18.2	0,76	-4,40	3,652027	-1,20539	NA	NA
RP11-295M18.6	8,03	-24,83	3,637011	-6,82775	NA	NA
RP11-295M18.7	10,34	-25,20	3,636667	-6,93055	NA	NA
RP11-295P9.13	0,83	-3,13	3,655741	-0,85505	NA	NA
RP11-296O14.3	38,42	-1,68	1,740268	-0,96552	NA	NA
RP11-297I6.5	1,57	-5,05	3,644143	-1,38595	NA	NA
RP11-298J23.8	2,42	-0,79	2,428964	-0,32537	NA	NA
RP11-298P3.1	17,33	-25,83	3,636174	-7,10445	NA	NA
RP11-29A1.3	2,83	-5,62	2,760375	-2,03577	NA	NA
RP11-2H3.7	11,50	-6,76	3,617116	-1,86873	NA	NA
RP11-2H8.2	0,80	-4,47	3,651245	-1,22448	NA	NA
RP11-301G7.1	6,90	-0,90	2,073327	-0,43543	NA	NA
RP11-301H24.2	1,57	-5,45	3,643477	-1,49656	NA	NA
RP11-302I18.1	1,13	-2,84	3,55452	-0,79819	NA	NA
RP11-302K17.3	1,66	-5,53	3,643005	-1,5171	NA	NA
RP11-303E16.9	112,07	-1,14	0,417502	-2,7207	NA	NA
RP11-304C16.3	1,58	-5,45	3,643433	-1,49639	NA	NA
RP11-304L20.1	6,98	-1,37	1,858667	-0,73815	NA	NA
RP11-305D15.8	0,79	-4,46	3,65124	-1,22082	NA	NA
RP11-307C19.1	1,01	-4,21	2,816215	-1,49575	NA	NA
RP11-307F22.2	0,80	-4,49	3,65274	-1,23009	NA	NA
RP11-307L3.4	1,75	-5,60	3,642651	-1,53762	NA	NA
RP11-307N16.6	1,19	-3,06	3,50346	-0,87343	NA	NA
RP11-307P5.1	1,69	-5,56	3,642925	-1,52657	NA	NA
RP11-308D13.1	1,64	-5,16	3,206001	-1,60827	NA	NA
RP11-308N19.1	9,83	-3,25	2,103002	-1,5438	NA	NA
RP11-309E23.2	3,02	-6,37	3,568664	-1,78442	NA	NA
RP11-311P8.1	17,60	-3,40	0,795176	-4,27576	NA	NA
RP11-312P12.2	7,96	-0,43	2,12796	-0,20129	NA	NA
RP11-313I2.13	1,84	-5,29	3,642794	-1,45325	NA	NA
RP11-314C16.1	1,38	-5,26	3,64457	-1,44433	NA	NA
RP11-314E23.1	1,26	-1,87	2,830015	-0,661	NA	NA
RP11-314N13.3	6,32	-6,62	3,637508	-1,81966	NA	NA
RP11-314N13.4	51,59	-1,70	0,996569	-1,70493	NA	NA
RP11-316C12.2	13,64	0,22	0,90307	0,240231	NA	NA
RP11-316I5.1	1,24	-4,89	3,646155	-1,34088	NA	NA
RP11-317B17.2	2,06	-2,17	3,240918	-0,67095	NA	NA
RP11-317J10.2	2,59	-2,94	3,194492	-0,92177	NA	NA
RP11-317J19.1	1,19	-2,55	2,714649	-0,93776	NA	NA
RP11-318G21.2	0,72	-4,33	3,652581	-1,18417	NA	NA
RP11-318K12.2	1,41	-3,38	2,660732	-1,271	NA	NA
RP11-319G6.1	9,16	-0,69	1,426917	-0,48466	NA	NA
RP11-319J24.3	15,27	0,26	1,33663	0,196507	NA	NA
RP11-31H5.3	13,20	-5,70	2,303497	-2,47311	NA	NA
RP11-31K22.3	4,19	-23,88	3,638452	-6,56249	NA	NA

RP11-320E2.1	4,25	-23,92	3,638418	-6,57388	NA	NA
RP11-320M2.1	28,53	-1,25	1,009487	-1,23641	NA	NA
RP11-321F8.4	1,79	-3,86	3,641989	-1,06034	NA	NA
RP11-321G12.1	3,00	-1,28	2,505873	-0,51256	NA	NA
RP11-321M21.4	14,34	-25,67	3,636323	-7,06015	NA	NA
RP11-321N4.5	5,15	-0,62	1,954334	-0,31588	NA	NA
RP11-322E11.1	1,22	-5,08	3,645816	-1,3924	NA	NA
RP11-322E11.3	2,33	-1,06	2,660785	-0,39661	NA	NA
RP11-324B6.1	1,69	-3,86	2,103727	-1,83278	NA	NA
RP11-324F11.1	4,06	-23,86	3,638546	-6,55637	NA	NA
RP11-325L12.7	1,12	-4,96	3,646658	-1,3612	NA	NA
RP11-325O24.2	1,89	-5,38	3,642303	-1,47816	NA	NA
RP11-325P15.2	8,68	-9,72	3,34385	-2,90553	NA	NA
RP11-326C3.11	97,31	-0,83	0,77113	-1,07979	NA	NA
RP11-326C3.2	1,84	-5,32	3,185095	-1,66907	NA	NA
RP11-326G21.1	13,42	1,40	1,618089	0,868109	NA	NA
RP11-327F22.5	0,93	-3,86	3,65159	-1,05586	NA	NA
RP11-327I22.5	4,33	-5,22	3,368113	-1,55044	NA	NA
RP11-327P2.7	55,28	-6,71	1,19714	-5,60303	NA	NA
RP11-328D5.4	20,45	-4,74	1,928052	-2,45687	NA	NA
RP11-328K4.1	3,48	-1,18	2,741236	-0,43152	NA	NA
RP11-330C7.2	7,25	1,07	2,685908	0,397542	NA	NA
RP11-330O11.3	18,92	-9,25	3,636117	-2,54492	NA	NA
RP11-331F9.3	3,73	-1,84	2,52138	-0,72915	NA	NA
RP11-332L8.2	9,06	-25,02	3,636846	-6,87853	NA	NA
RP11-332M2.1	136,63	-0,70	1,11257	-0,62654	NA	NA
RP11-333E13.1	8,99	-1,04	2,303264	-0,45369	NA	NA
RP11-333E13.2	14,15	-0,99	1,735853	-0,56752	NA	NA
RP11-334E6.3	3,59	-0,64	3,456801	-0,18394	NA	NA
RP11-334L9.2	0,73	-4,33	3,652681	-1,18606	NA	NA
RP11-335L9.1	1,48	-5,35	3,643839	-1,4691	NA	NA
RP11-33B1.3	3,46	-0,72	1,572066	-0,4559	NA	NA
RP11-33I11.2	6,46	-4,71	3,091718	-1,52405	NA	NA
RP11-340C20.2	6,55	-5,07	1,300266	-3,89718	NA	NA
RP11-340I6.1	0,57	-3,71	3,65956	-1,01277	NA	NA
RP11-340I6.5	6,56	-24,55	3,637371	-6,7488	NA	NA
RP11-341G23.4	3,03	-5,47	2,480433	-2,20445	NA	NA
RP11-342A1.1	11,02	-25,29	3,636587	-6,95522	NA	NA
RP11-342C20.2	3,49	-6,60	3,639086	-1,8134	NA	NA
RP11-342D11.2	2,58	-6,16	3,640317	-1,6919	NA	NA
RP11-342K6.1	17,46	-2,07	1,073387	-1,93167	NA	NA
RP11-343C2.9	1,32	-3,02	2,666925	-1,13069	NA	NA
RP11-343N15.1	28,92	-0,86	1,273743	-0,67816	NA	NA
RP11-344E13.4	2,95	-6,02	3,124577	-1,9262	NA	NA
RP11-344F13.1	6,65	-24,57	3,637344	-6,75442	NA	NA
RP11-345K20.2	4,69	-6,09	1,716772	-3,54889	NA	NA
RP11-345P4.6	4,39	-2,05	1,74866	-1,17513	NA	NA
RP11-346C16.1	15,23	0,15	1,922286	0,075528	NA	NA
RP11-346E17.4	0,75	-4,37	3,65219	-1,19716	NA	NA
RP11-347C18.1	1,32	-4,99	3,64542	-1,36808	NA	NA

RP11-347C18.5	7,00	-3,39	3,307753	-1,02364	NA	NA
RP11-348H3.5	0,80	-4,48	3,651176	-1,22621	NA	NA
RP11-348J24.2	17,00	-5,70	1,381267	-4,12482	NA	NA
RP11-348N5.9	2,03	-0,41	2,995239	-0,13791	NA	NA
RP11-349G13.3	3,66	-6,34	2,657178	-2,38673	NA	NA
RP11-34F20.7	17,63	1,69	1,766281	0,956259	NA	NA
RP11-34P1.4	8,99	-8,90	2,917762	-3,04916	NA	NA
RP11-350D17.2	0,83	-4,52	3,650672	-1,23883	NA	NA
RP11-350J20.12	0,73	-4,08	3,654267	-1,11728	NA	NA
RP11-351A20.1	0,99	-4,54	3,649063	-1,24451	NA	NA
RP11-351D16.3	18,48	-0,12	1,232693	-0,09669	NA	NA
RP11-351I21.10	2,40	-6,06	3,640699	-1,66495	NA	NA
RP11-351I24.1	4,06	-8,59	3,549046	-2,42114	NA	NA
RP11-351K16.4	13,72	-0,32	2,021317	-0,15832	NA	NA
RP11-352B15.2	7,77	-8,35	2,903008	-2,87784	NA	NA
RP11-352E6.1	4,50	-23,98	3,638265	-6,59184	NA	NA
RP11-353K11.1	3,53	-6,62	3,54533	-1,86616	NA	NA
RP11-353N14.5	3,12	-0,37	1,983869	-0,18465	NA	NA
RP11-354E23.3	10,53	-2,01	1,427034	-1,41081	NA	NA
RP11-354I13.1	2,65	-1,97	1,768186	-1,11626	NA	NA
RP11-354I13.2	1,21	-2,17	3,602654	-0,60358	NA	NA
RP11-354P11.3	2,55	-2,19	1,132462	-1,93701	NA	NA
RP11-354P17.6	0,80	-4,47	3,651249	-1,22435	NA	NA
RP11-356J5.5	0,72	-4,10	3,258595	-1,25906	NA	NA
RP11-356K23.3	13,60	-0,80	2,02163	-0,39688	NA	NA
RP11-357C3.2	3,99	-6,63	3,559604	-1,86322	NA	NA
RP11-357L1.1	6,29	-2,06	1,730058	-1,19003	NA	NA
RP11-359D24.1	6,70	-24,58	3,637327	-6,75732	NA	NA
RP11-359E7.2	1,83	-4,67	3,642892	-1,28131	NA	NA
RP11-359I18.5	4,11	-7,63	3,061547	-2,49347	NA	NA
RP11-359J23.1	8,50	-4,22	2,349051	-1,79819	NA	NA
RP11-359P18.2	2,50	-6,12	3,640498	-1,68051	NA	NA
RP11-35G22.1	10,39	-0,90	0,981636	-0,9166	NA	NA
RP11-35J23.1	2,68	-3,89	2,43622	-1,5972	NA	NA
RP11-360I20.2	1,59	-1,86	1,90436	-0,97477	NA	NA
RP11-360P21.2	1,62	-1,31	2,090926	-0,62532	NA	NA
RP11-361M10.3	1,27	-2,54	3,644721	-0,69652	NA	NA
RP11-362F19.3	6,19	-4,48	3,125849	-1,43408	NA	NA
RP11-362I1.2	1,71	-5,57	3,642843	-1,52848	NA	NA
RP11-363E6.4	0,97	-4,76	3,648376	-1,30468	NA	NA
RP11-363N22.2	0,73	-4,35	3,652571	-1,18963	NA	NA
RP11-364C11.3	3,09	-1,75	2,452287	-0,71272	NA	NA
RP11-364P22.1	21,60	-3,28	1,939839	-1,69047	NA	NA
RP11-365P13.2	23,26	-11,25	3,635989	-3,09394	NA	NA
RP11-366M4.18	11,02	-25,29	3,636589	-6,95492	NA	NA
RP11-366M4.8	20,72	-27,25	3,636054	-7,49488	NA	NA
RP11-366O20.5	2,28	-5,65	3,158068	-1,79057	NA	NA
RP11-367J11.2	15,28	-1,09	1,622922	-0,67015	NA	NA
RP11-367N14.2	5,33	0,42	2,089075	0,198723	NA	NA
RP11-368I7.2	1,27	-5,13	3,645064	-1,40646	NA	NA

RP11-368I7.4	1,07	-3,25	2,961163	-1,09612	NA	NA
RP11-368L12.1	4,93	-3,64	2,914217	-1,24756	NA	NA
RP11-368M16.3	7,58	-5,45	1,972155	-2,76319	NA	NA
RP11-369C8.1	1,43	-0,98	3,645935	-0,26984	NA	NA
RP11-369E15.2	1,60	-5,48	3,643354	-1,50336	NA	NA
RP11-371A22.1	49,24	-0,34	0,778846	-0,44104	NA	NA
RP11-371I1.1	0,63	-4,13	3,655415	-1,13072	NA	NA
RP11-371I1.2	1,24	-4,17	2,178583	-1,91525	NA	NA
RP11-372B4.3	5,50	-0,99	1,320935	-0,75061	NA	NA
RP11-373A9.3	9,48	-2,67	1,368677	-1,95021	NA	NA
RP11-373D23.3	9,42	-0,04	1,942501	-0,02105	NA	NA
RP11-373M8.2	2,48	-1,05	1,934857	-0,54071	NA	NA
RP11-375A20.1	4,05	-23,72	3,63856	-6,5182	NA	NA
RP11-375A5.1	6,37	-8,07	2,999453	-2,69204	NA	NA
RP11-375O18.2	28,18	-2,04	0,9347	-2,17827	NA	NA
RP11-378G13.2	3,50	-6,13	2,381336	-2,57386	NA	NA
RP11-378J18.3	6,37	-9,91	2,92294	-3,39141	NA	NA
RP11-379C1.1	0,75	-4,38	3,652277	-1,19979	NA	NA
RP11-379F4.7	2,29	-5,99	3,640851	-1,64462	NA	NA
RP11-379F4.9	6,02	-2,36	2,532139	-0,93214	NA	NA
RP11-379J5.5	27,93	-11,14	3,635897	-3,06301	NA	NA
RP11-379K17.4	10,02	-0,33	1,078084	-0,30502	NA	NA
RP11-379K17.7	5,65	-1,65	0,951584	-1,73686	NA	NA
RP11-379P15.1	5,21	-4,81	3,627228	-1,32554	NA	NA
RP11-380F14.2	1,97	-5,78	3,641864	-1,5867	NA	NA
RP11-380N8.6	10,76	-25,26	3,636619	-6,94515	NA	NA
RP11-381N20.2	10,15	-3,99	1,529543	-2,60632	NA	NA
RP11-382A18.3	1,55	-5,24	3,643773	-1,43897	NA	NA
RP11-382E9.1	4,71	-0,97	1,116721	-0,86794	NA	NA
RP11-383C5.4	14,88	-2,36	2,186697	-1,07905	NA	NA
RP11-383C5.7	24,31	-0,59	1,194416	-0,49237	NA	NA
RP11-383D22.1	5,45	-24,28	3,63777	-6,67402	NA	NA
RP11-384F7.1	0,49	-3,74	3,660256	-1,02229	NA	NA
RP11-384K6.6	22,40	0,39	1,454999	0,268509	NA	NA
RP11-384M20.1	5,32	0,19	2,827154	0,067266	NA	NA
RP11-385D13.1	1,67	-1,92	1,899344	-1,00945	NA	NA
RP11-385F5.5	9,49	-3,92	2,9466	-1,33108	NA	NA
RP11-387H17.4	6,38	-3,17	2,958251	-1,07252	NA	NA
RP11-38M15.12	1,51	-4,78	3,644838	-1,31054	NA	NA
RP11-390P24.1	20,03	-0,78	1,785564	-0,43526	NA	NA
RP11-391L3.5	6,15	-2,37	1,37186	-1,72928	NA	NA
RP11-392A22.2	54,36	0,53	1,384866	0,384253	NA	NA
RP11-393I2.4	5,27	-1,37	1,308457	-1,04478	NA	NA
RP11-393N21.2	5,00	-1,11	2,181375	-0,50919	NA	NA
RP11-394B2.7	1,43	-5,31	3,644259	-1,45772	NA	NA
RP11-394I13.1	3,20	-6,47	3,639396	-1,77864	NA	NA
RP11-394J1.2	8,26	-3,14	1,320786	-2,37624	NA	NA
RP11-394O2.3	2,72	0,03	2,713703	0,010812	NA	NA
RP11-395L14.18	5,54	-2,53	2,179142	-1,15917	NA	NA
RP11-395N3.1	0,91	-4,66	3,649155	-1,27695	NA	NA

RP11-397P13.6	0,71	-3,89	3,654454	-1,06431	NA	NA
RP11-398C13.2	8,33	-24,89	3,636949	-6,84305	NA	NA
RP11-398C13.8	108,67	-2,71	1,106047	-2,4487	NA	NA
RP11-398G24.2	8,19	-0,53	0,765101	-0,69547	NA	NA
RP11-398H6.1	4,09	-0,86	1,215294	-0,70741	NA	NA
RP11-399E6.1	2,45	-6,09	3,591811	-1,69673	NA	NA
RP11-399J13.2	5,81	-2,27	2,048365	-1,10597	NA	NA
RP11-399K21.11	4,23	0,41	2,21142	0,183207	NA	NA
RP11-399K21.5	7,83	-24,72	3,637058	-6,79803	NA	NA
RP11-399O19.5	2,25	-6,01	3,642762	-1,64944	NA	NA
RP11-39E3.3	1,88	-1,08	3,635417	-0,2958	NA	NA
RP11-39H3.2	10,28	0,10	1,184994	0,080391	NA	NA
RP11-39K24.12	2,22	-0,35	2,418348	-0,14648	NA	NA
RP11-39K24.15	1,78	-2,52	1,444576	-1,7442	NA	NA
RP11-3G20.1	3,32	-23,56	3,639194	-6,47313	NA	NA
RP11-3J10.5	1,50	-2,18	3,197211	-0,68254	NA	NA
RP11-3K24.3	1,90	-1,42	3,28317	-0,43332	NA	NA
RP11-3P22.1	1,34	-2,80	2,722504	-1,02732	NA	NA
RP11-400N13.3	2,79	-5,45	3,640302	-1,49809	NA	NA
RP11-401L13.4	1,74	-5,25	3,199292	-1,64141	NA	NA
RP11-401P9.5	7,25	-6,02	3,152192	-1,90944	NA	NA
RP11-401P9.6	2,74	-1,39	1,911696	-0,72552	NA	NA
RP11-402D21.2	1,17	-5,02	3,646102	-1,37816	NA	NA
RP11-402J7.3	4,43	-23,98	3,486216	-6,879	NA	NA
RP11-402L6.1	7,22	-9,77	3,393193	-2,87824	NA	NA
RP11-403B2.10	8,05	-24,73	3,637002	-6,79957	NA	NA
RP11-403F21.1	0,69	-4,26	3,65368	-1,16689	NA	NA
RP11-403H13.1	10,63	-0,83	2,750566	-0,30193	NA	NA
RP11-403I13.7	4,79	-6,28	2,682023	-2,34324	NA	NA
RP11-403N16.3	7,49	-5,80	2,641563	-2,19482	NA	NA
RP11-404G16.1	5,20	-4,68	2,696592	-1,73485	NA	NA
RP11-404O13.2	3,74	-4,60	2,682918	-1,7129	NA	NA
RP11-406A20.4	29,48	-3,94	1,834518	-2,14895	NA	NA
RP11-406H23.5	8,52	-10,03	3,348256	-2,9944	NA	NA
RP11-407B7.1	8,23	-3,26	2,269986	-1,43466	NA	NA
RP11-407G23.1	3,60	-6,32	2,661142	-2,37463	NA	NA
RP11-408N14.1	6,27	-9,36	3,431942	-2,72784	NA	NA
RP11-408O19.5	4,50	-0,40	1,459554	-0,2764	NA	NA
RP11-409C19.2	1,92	-5,56	3,642159	-1,52749	NA	NA
RP11-409K20.7	2,46	-1,72	2,614883	-0,65918	NA	NA
RP11-40C11.2	11,31	-25,34	3,636566	-6,96698	NA	NA
RP11-411B10.6	3,37	-6,55	3,639185	-1,79998	NA	NA
RP11-415D17.4	4,27	-8,49	3,535345	-2,40188	NA	NA
RP11-415J8.3	49,41	-2,01	0,982546	-2,04791	NA	NA
RP11-415J8.7	0,80	-4,27	3,651675	-1,17024	NA	NA
RP11-416O18.2	6,73	-6,83	3,500496	-1,95173	NA	NA
RP11-417B4.2	1,52	-3,93	2,608553	-1,50643	NA	NA
RP11-417L19.5	8,55	-2,58	1,853435	-1,39109	NA	NA
RP11-419P8.1	3,41	-0,40	1,572535	-0,2573	NA	NA
RP11-420A6.2	3,22	-0,34	2,559076	-0,13268	NA	NA

RP11-420H19.3	1,67	-5,54	3,642968	-1,51967	NA	NA
RP11-420J11.2	2,78	-6,26	3,63987	-1,72007	NA	NA
RP11-420K8.1	5,12	-6,08	1,923606	-3,16007	NA	NA
RP11-421L10.1	98,73	-3,21	0,787191	-4,07521	NA	NA
RP11-421M1.8	5,73	-24,30	3,637457	-6,67968	NA	NA
RP11-421P23.1	15,35	-25,78	3,636284	-7,0897	NA	NA
RP11-422J15.1	4,68	-2,88	1,712666	-1,67893	NA	NA
RP11-423E7.1	2,80	-2,12	2,660316	-0,79639	NA	NA
RP11-423G4.10	1,71	-3,93	2,083169	-1,88862	NA	NA
RP11-425D17.2	1,60	-1,68	3,257976	-0,51504	NA	NA
RP11-425J20.2	2,50	-6,12	3,640493	-1,67992	NA	NA
RP11-426C22.12	14,78	-0,18	1,247014	-0,14378	NA	NA
RP11-426C22.3	6,47	-2,56	3,028592	-0,84401	NA	NA
RP11-426C22.4	47,61	-2,64	1,359961	-1,94489	NA	NA
RP11-426C22.6	10,25	-3,09	2,34815	-1,31642	NA	NA
RP11-427L15.2	26,30	-3,13	1,591135	-1,96481	NA	NA
RP11-428G5.6	1,63	-5,50	3,6433	-1,5095	NA	NA
RP11-429J17.2	11,63	-5,28	1,516952	-3,48051	NA	NA
RP11-429K17.1	0,80	-2,81	2,925223	-0,9616	NA	NA
RP11-430K21.2	4,81	-7,05	3,092227	-2,27949	NA	NA
RP11-430L17.1	8,22	-3,98	2,879913	-1,3837	NA	NA
RP11-432B6.3	12,86	-3,33	3,332896	-0,99848	NA	NA
RP11-432D3.1	8,41	-0,79	0,957771	-0,82659	NA	NA
RP11-432N13.4	0,83	-4,54	3,650522	-1,24243	NA	NA
RP11-434D2.6	11,45	-10,28	3,277654	-3,13586	NA	NA
RP11-437F6.1	13,65	-25,60	3,636359	-7,04074	NA	NA
RP11-437J19.1	0,96	-4,74	3,648703	-1,29868	NA	NA
RP11-438J1.1	3,48	-3,10	3,622573	-0,85642	NA	NA
RP11-438N5.3	5,64	0,39	1,981219	0,197771	NA	NA
RP11-43A1.1	5,40	-24,26	3,637771	-6,66949	NA	NA
RP11-440D17.4	9,30	-25,05	3,636802	-6,88729	NA	NA
RP11-440D17.5	13,78	-25,62	3,63636	-7,04516	NA	NA
RP11-440G9.1	9,70	-0,97	2,139243	-0,45501	NA	NA
RP11-442A17.1	3,41	-6,25	3,101681	-2,01539	NA	NA
RP11-442I12.1	5,53	-24,30	3,637708	-6,67972	NA	NA
RP11-443A13.4	2,41	-6,07	3,640661	-1,66656	NA	NA
RP11-443B7.3	14,97	1,07	1,810462	0,589324	NA	NA
RP11-443N24.4	2,69	-6,05	3,086819	-1,96023	NA	NA
RP11-444J21.1	1,88	-4,56	3,643636	-1,25248	NA	NA
RP11-446H18.5	4,83	-7,47	3,048724	-2,45138	NA	NA
RP11-446J8.1	1,67	-2,66	2,256663	-1,17706	NA	NA
RP11-449D8.1	17,53	-25,43	3,636166	-6,99293	NA	NA
RP11-449J10.1	8,47	-9,76	3,350292	-2,91185	NA	NA
RP11-449P15.1	19,53	-2,12	1,697984	-1,24924	NA	NA
RP11-44D15.3	2,08	-1,15	1,448274	-0,79384	NA	NA
RP11-44F21.4	10,20	-25,18	3,262695	-7,7169	NA	NA
RP11-450G15.2	32,38	-5,92	3,612926	-1,63947	NA	NA
RP11-451G4.1	1,55	-5,25	3,178071	-1,65302	NA	NA
RP11-451J24.1	1,84	-5,68	3,642307	-1,55833	NA	NA
RP11-451O13.1	3,61	-3,02	2,973445	-1,01603	NA	NA

RP11-452J13.1	0,69	-3,66	3,655986	-1,00196	NA	NA
RP11-452J6.2	2,05	-5,31	2,77264	-1,91565	NA	NA
RP11-452K12.4	4,54	-5,42	2,315079	-2,33954	NA	NA
RP11-452L6.7	4,97	-6,23	3,638111	-1,71149	NA	NA
RP11-453O5.1	9,62	-25,10	3,636758	-6,90086	NA	NA
RP11-454C18.2	4,17	-3,34	2,42422	-1,37959	NA	NA
RP11-454K7.1	0,80	-3,96	3,65381	-1,08303	NA	NA
RP11-455F5.3	6,60	-6,15	2,880406	-2,13624	NA	NA
RP11-459I19.1	0,62	-3,65	3,658079	-0,99891	NA	NA
RP11-459K23.2	14,92	-25,73	3,636291	-7,07612	NA	NA
RP11-459O1.2	1,04	-4,67	3,64788	-1,27938	NA	NA
RP11-459O16.8	2,27	-4,16	2,614302	-1,59316	NA	NA
RP11-459O16.9	5,25	-5,51	3,303449	-1,66702	NA	NA
RP11-459P23.1	1,36	-3,74	2,576243	-1,45281	NA	NA
RP11-45M22.3	1,98	-5,62	3,641891	-1,54375	NA	NA
RP11-460H18.2	2,42	-5,89	3,640772	-1,61905	NA	NA
RP11-460I13.6	6,59	-0,67	2,198593	-0,30643	NA	NA
RP11-460N11.2	7,27	-1,79	1,329503	-1,34594	NA	NA
RP11-462G12.2	6,19	-2,63	1,091931	-2,40832	NA	NA
RP11-463J10.3	5,88	0,27	2,363397	0,113341	NA	NA
RP11-464F9.20	10,16	0,61	2,014143	0,303023	NA	NA
RP11-465B22.8	1,02	-4,83	3,647826	-1,3232	NA	NA
RP11-466J24.1	0,91	-4,65	3,64939	-1,27456	NA	NA
RP11-467H10.1	15,34	-4,03	3,020392	-1,33579	NA	NA
RP11-467H10.2	9,96	-5,41	2,246186	-2,41039	NA	NA
RP11-467P9.1	1,51	-2,97	2,705456	-1,09672	NA	NA
RP11-469A15.2	2,86	-3,54	1,865249	-1,89928	NA	NA
RP11-46A10.5	4,62	-3,24	1,539184	-2,10731	NA	NA
RP11-46B11.5	1,24	-3,95	1,723584	-2,2919	NA	NA
RP11-46D1.2	4,25	-0,86	2,369737	-0,36418	NA	NA
RP11-46F15.2	3,54	-23,66	3,638991	-6,50048	NA	NA
RP11-46J23.1	4,16	-3,44	3,621236	-0,94931	NA	NA
RP11-471B22.2	5,53	-2,49	2,534144	-0,98189	NA	NA
RP11-471M2.1	10,75	-9,79	3,295742	-2,97051	NA	NA
RP11-474J1.1	4,66	-4,53	3,503575	-1,29404	NA	NA
RP11-474N24.6	11,01	-0,38	1,302538	-0,2937	NA	NA
RP11-474P2.2	4,07	-3,68	2,772918	-1,32855	NA	NA
RP11-475D12.1	0,70	-4,29	3,653357	-1,17408	NA	NA
RP11-475J5.11	2,71	-5,56	2,119575	-2,62277	NA	NA
RP11-475J5.6	1,87	-2,36	1,630858	-1,44689	NA	NA
RP11-475J5.7	7,21	-8,10	3,414837	-2,37265	NA	NA
RP11-476C8.1	10,01	-5,85	2,014642	-2,90381	NA	NA
RP11-477I4.3	4,04	-3,06	1,883977	-1,6236	NA	NA
RP11-478C6.2	8,77	-1,59	1,952556	-0,81536	NA	NA
RP11-479O17.12	3,38	-1,32	1,483623	-0,88994	NA	NA
RP11-479O9.3	1,73	-5,58	3,642725	-1,53272	NA	NA
RP11-479O9.4	20,87	-0,01	1,529245	-0,00771	NA	NA
RP11-47L3.1	2,61	-2,42	1,804237	-1,33995	NA	NA
RP11-480D4.6	4,07	-3,22	2,892592	-1,11458	NA	NA
RP11-481E4.2	5,83	-0,37	1,591929	-0,23241	NA	NA

RP11-481J2.4	4,21	0,11	1,503284	0,076048	NA	NA
RP11-482G13.1	6,47	-2,22	1,568884	-1,4134	NA	NA
RP11-483C6.2	9,63	-6,01	2,920173	-2,05944	NA	NA
RP11-483E17.1	4,06	-6,03	2,158581	-2,79406	NA	NA
RP11-483I13.5	3,57	-2,23	2,949987	-0,75474	NA	NA
RP11-483M24.2	7,92	-24,72	3,637036	-6,79807	NA	NA
RP11-484L8.1	0,92	-3,05	3,422792	-0,891	NA	NA
RP11-485B17.3	3,41	-6,56	3,639101	-1,80271	NA	NA
RP11-485B17.5	0,72	-4,32	3,65297	-1,18285	NA	NA
RP11-485F13.1	2,86	-1,36	2,744786	-0,49645	NA	NA
RP11-485G7.5	5,22	-0,79	0,927838	-0,8562	NA	NA
RP11-486O13.2	7,17	-0,89	0,97008	-0,91436	NA	NA
RP11-486P11.1	6,53	-5,93	2,893033	-2,04853	NA	NA
RP11-487E1.1	15,09	-3,20	1,873791	-1,70633	NA	NA
RP11-487I5.4	2,75	-3,96	2,435782	-1,6268	NA	NA
RP11-488L18.6	2,10	-5,86	3,64139	-1,61009	NA	NA
RP11-48B3.2	5,17	-24,20	3,637871	-6,65304	NA	NA
RP11-48B3.5	8,32	-0,29	1,355492	-0,2135	NA	NA
RP11-48G14.3	1,97	-5,77	3,641902	-1,58513	NA	NA
RP11-491F9.1	0,25	-2,77	3,680927	-0,75279	NA	NA
RP11-493E12.1	1,27	-3,65	2,943371	-1,23852	NA	NA
RP11-493L12.7	1,96	-5,77	3,64184	-1,58344	NA	NA
RP11-495L19.1	5,28	-0,67	1,362233	-0,49274	NA	NA
RP11-496B10.3	4,91	-3,25	1,080498	-3,01136	NA	NA
RP11-496I2.2	0,99	-3,82	3,652088	-1,04586	NA	NA
RP11-497D6.5	2,46	-5,76	3,640751	-1,58154	NA	NA
RP11-497J7.1	9,54	-25,09	3,636769	-6,89831	NA	NA
RP11-499P20.2	25,84	-1,08	1,043337	-1,03305	NA	NA
RP11-49F20.1	7,47	-24,72	3,637133	-6,79762	NA	NA
RP11-49I11.2	3,12	-23,48	3,639482	-6,45138	NA	NA
RP11-49K24.3	7,86	-6,13	3,266052	-1,87545	NA	NA
RP11-4C20.3	7,36	-3,12	2,432489	-1,28429	NA	NA
RP11-4F22.2	4,01	-2,40	2,69096	-0,89175	NA	NA
RP11-4K16.2	7,46	-24,67	3,637121	-6,78211	NA	NA
RP11-4K3_A.3	1,11	-2,24	3,097653	-0,72252	NA	NA
RP11-4M23.3	3,26	-1,26	2,468385	-0,50861	NA	NA
RP11-4N23.1	0,51	-3,84	3,65979	-1,04861	NA	NA
RP11-500G22.2	4,91	-6,64	3,058399	-2,17072	NA	NA
RP11-503C24.3	5,78	-24,36	3,637613	-6,69785	NA	NA
RP11-503C24.5	6,60	-24,47	3,637354	-6,72737	NA	NA
RP11-503L19.1	2,19	-5,93	3,641199	-1,62868	NA	NA
RP11-504P24.9	11,26	-3,35	1,28558	-2,60422	NA	NA
RP11-505K9.5	1,59	-5,29	3,643546	-1,45107	NA	NA
RP11-506H20.2	1,53	-3,36	3,550879	-0,94569	NA	NA
RP11-508M1.1	7,72	-0,26	1,222905	-0,21304	NA	NA
RP11-508N22.4	0,84	-3,83	2,819559	-1,35954	NA	NA
RP11-508O18.1	1,05	-4,67	3,165707	-1,47609	NA	NA
RP11-509A17.3	25,61	-7,57	1,637172	-4,62133	NA	NA
RP11-509I21.2	8,17	-2,02	2,275999	-0,88656	NA	NA
RP11-50C13.1	16,82	-2,49	1,990527	-1,25198	NA	NA

RP11-50F24.3	5,01	-6,65	2,716057	-2,44873	NA	NA
RP11-510D21.2	7,01	-9,65	3,401287	-2,83721	NA	NA
RP11-510M2.6	1,05	-4,86	3,647444	-1,33328	NA	NA
RP11-511P7.4	19,44	-26,17	3,636097	-7,19599	NA	NA
RP11-513I15.3	1,56	-5,44	3,643505	-1,49178	NA	NA
RP11-513M16.8	19,82	-0,32	2,052593	-0,15573	NA	NA
RP11-513N24.1	4,77	-0,78	2,009851	-0,38671	NA	NA
RP11-515E23.1	32,65	-3,01	1,069793	-2,81295	NA	NA
RP11-517I3.1	1,41	-3,88	2,265432	-1,71069	NA	NA
RP11-517P14.7	2,67	-5,56	3,19466	-1,74132	NA	NA
RP11-51F16.8	1,18	-5,03	3,646132	-1,37955	NA	NA
RP11-520D19.2	3,64	-2,83	2,044701	-1,38588	NA	NA
RP11-520F9.1	0,98	-4,05	3,651118	-1,11004	NA	NA
RP11-521B24.4	50,00	-0,76	0,930269	-0,8199	NA	NA
RP11-521C20.2	0,87	-4,59	3,64995	-1,25866	NA	NA
RP11-521C22.2	1,73	-3,23	2,17345	-1,48422	NA	NA
RP11-521J24.1	3,74	-1,32	2,526119	-0,52378	NA	NA
RP11-522B15.1	7,68	-24,76	3,637091	-6,8086	NA	NA
RP11-523K4.2	2,21	-5,95	3,641203	-1,63347	NA	NA
RP11-524O1.4	0,86	-4,18	3,295717	-1,26943	NA	NA
RP11-526F3.1	5,89	-24,39	3,637583	-6,70592	NA	NA
RP11-526I2.5	14,69	-1,39	1,140023	-1,22139	NA	NA
RP11-527N12.2	1,69	-4,48	3,340681	-1,3418	NA	NA
RP11-528A10.1	2,58	-5,84	3,144896	-1,85552	NA	NA
RP11-528G1.2	4,78	-24,08	3,638079	-6,61912	NA	NA
RP11-528N21.3	10,44	-10,04	3,300787	-3,04311	NA	NA
RP11-529E10.6	4,73	-4,96	2,147973	-2,30685	NA	NA
RP11-529H2.2	4,82	-5,85	2,494574	-2,34683	NA	NA
RP11-52E20.1	3,39	-23,59	3,639164	-6,48311	NA	NA
RP11-52L5.6	10,79	-9,80	3,2891	-2,97839	NA	NA
RP11-530C5.4	14,98	-4,34	1,798022	-2,41146	NA	NA
RP11-536C10.25	1,25	-5,14	3,646302	-1,40894	NA	NA
RP11-536C5.2	7,45	-5,45	2,677274	-2,0375	NA	NA
RP11-536C5.7	3,08	-2,11	1,730145	-1,22217	NA	NA
RP11-538D9.1	1,46	-5,34	3,644135	-1,46526	NA	NA
RP11-539L10.2	46,47	-8,74	3,631615	-2,40727	NA	NA
RP11-539L10.4	5,62	-1,18	1,049872	-1,12678	NA	NA
RP11-53I6.3	3,55	-3,83	1,719742	-2,22588	NA	NA
RP11-53I6.4	14,52	-4,07	2,950696	-1,37934	NA	NA
RP11-542M13.4	4,28	-7,89	3,056229	-2,58185	NA	NA
RP11-543B16.3	67,35	0,21	1,141201	0,181777	NA	NA
RP11-543D10.2	4,30	-2,88	2,441143	-1,18149	NA	NA
RP11-543H12.1	7,32	-6,33	3,113664	-2,03268	NA	NA
RP11-544D21.2	38,87	-3,21	0,818008	-3,9302	NA	NA
RP11-544N10.1	1,71	-5,57	3,642832	-1,52925	NA	NA
RP11-545A16.1	10,78	-3,80	1,150715	-3,30324	NA	NA
RP11-545M17.3	2,22	-5,94	3,641039	-1,63128	NA	NA
RP11-545P7.9	6,46	-2,55	3,095	-0,82355	NA	NA
RP11-547I7.1	5,05	-24,09	3,637921	-6,62319	NA	NA
RP11-548M13.1	0,84	-4,57	3,651455	-1,2525	NA	NA

RP11-54K16.2	6,37	-5,52	2,911554	-1,89693	NA	NA
RP11-54O7.11	3,89	-1,94	1,109206	-1,74589	NA	NA
RP11-551L14.7	7,45	-24,68	3,637138	-6,78548	NA	NA
RP11-551M15.1	7,11	-2,88	2,22774	-1,29424	NA	NA
RP11-552E4.3	2,08	-5,31	2,736407	-1,94222	NA	NA
RP11-552M14.1	1,32	-2,09	2,225801	-0,9368	NA	NA
RP11-554D15.1	2,90	-6,33	3,639808	-1,7396	NA	NA
RP11-554I8.1	14,12	-10,69	3,219911	-3,32001	NA	NA
RP11-555M1.1	2,47	-4,99	3,640887	-1,3692	NA	NA
RP11-556G22.3	7,00	-9,48	3,410383	-2,77852	NA	NA
RP11-556H2.3	1,76	-2,34	2,503324	-0,93286	NA	NA
RP11-556K13.1	18,37	-3,13	0,731497	-4,27746	NA	NA
RP11-556O5.1	7,73	-7,47	2,667998	-2,79871	NA	NA
RP11-556O9.4	8,79	-8,44	3,360503	-2,51081	NA	NA
RP11-557H15.2	17,40	-2,28	1,208499	-1,88681	NA	NA
RP11-557H15.4	4,41	-4,43	2,748664	-1,61102	NA	NA
RP11-558F24.2	1,60	-5,48	3,643271	-1,50328	NA	NA
RP11-560J1.1	13,62	-3,48	1,648903	-2,10999	NA	NA
RP11-561C5.5	3,86	-4,07	1,203767	-3,38486	NA	NA
RP11-561O23.7	1,69	-5,55	3,642906	-1,52404	NA	NA
RP11-561P12.5	1,01	-4,81	3,647906	-1,31966	NA	NA
RP11-563E2.2	1,90	-5,72	3,641997	-1,5705	NA	NA
RP11-563J2.2	15,95	-3,70	1,123731	-3,29135	NA	NA
RP11-564C4.6	4,10	-0,35	2,109183	-0,16643	NA	NA
RP11-564P9.1	14,01	-25,64	3,636346	-7,05037	NA	NA
RP11-565F19.4	10,23	-1,10	1,082001	-1,0212	NA	NA
RP11-566K8.2	5,24	-5,99	2,058527	-2,90752	NA	NA
RP11-567L7.6	0,80	-4,46	3,650824	-1,22172	NA	NA
RP11-567O18.1	6,86	-1,87	2,406981	-0,77559	NA	NA
RP11-567P19.1	16,45	-0,36	1,815028	-0,19713	NA	NA
RP11-568G11.5	3,76	-23,62	3,638766	-6,4914	NA	NA
RP11-568J23.5	2,94	-5,16	1,985993	-2,60028	NA	NA
RP11-568J23.8	3,55	-1,80	2,749959	-0,65598	NA	NA
RP11-569D9.5	1,69	-5,55	3,642896	-1,52361	NA	NA
RP11-569G13.3	6,05	-1,99	1,580298	-1,26059	NA	NA
RP11-570L15.2	15,75	-0,76	1,532405	-0,49372	NA	NA
RP11-571F15.2	12,66	-2,30	2,053139	-1,11818	NA	NA
RP11-571G1.1	6,99	-24,64	3,637251	-6,77432	NA	NA
RP11-571I18.4	7,34	-3,68	2,397986	-1,53418	NA	NA
RP11-572F4.1	8,81	-4,07	3,264666	-1,24546	NA	NA
RP11-572O17.1	13,28	-1,76	2,171509	-0,81137	NA	NA
RP11-573D15.7	6,09	-1,83	1,274634	-1,43631	NA	NA
RP11-573G6.4	1,08	-3,41	2,919535	-1,16715	NA	NA
RP11-573M3.6	3,41	-3,88	3,555291	-1,09024	NA	NA
RP11-574K11.20	1,67	-4,94	3,230704	-1,53035	NA	NA
RP11-574K11.5	17,80	-0,84	1,318454	-0,63541	NA	NA
RP11-575F12.1	9,75	-24,98	3,636808	-6,86799	NA	NA
RP11-575F12.3	79,46	-8,20	1,511679	-5,42635	NA	NA
RP11-575N15.1	3,06	-23,45	3,639589	-6,44272	NA	NA
RP11-577H5.1	9,65	-3,60	2,992604	-1,20225	NA	NA

RP11-577N1.2	1,59	-5,27	3,643705	-1,44574	NA	NA
RP11-578F21.2	4,33	-1,64	3,394801	-0,48172	NA	NA
RP11-580I1.3	0,79	-4,47	3,65128	-1,22369	NA	NA
RP11-585P4.5	15,63	-2,17	1,235106	-1,75572	NA	NA
RP11-586K12.2	23,07	-2,31	2,471447	-0,93477	NA	NA
RP11-587P21.2	3,56	-6,63	3,638993	-1,82115	NA	NA
RP11-588K22.2	4,28	-3,60	1,703999	-2,11118	NA	NA
RP11-589P10.7	1,10	-2,96	3,003236	-0,98572	NA	NA
RP11-58H15.3	0,83	-4,31	3,651123	-1,18016	NA	NA
RP11-58K22.4	3,36	-1,06	1,646264	-0,64437	NA	NA
RP11-597D13.9	38,15	-3,25	1,274742	-2,55285	NA	NA
RP11-598C10.1	5,31	-24,24	3,637832	-6,66394	NA	NA
RP11-598F7.1	2,58	-1,88	2,383974	-0,78855	NA	NA
RP11-598F7.3	11,42	-2,41	1,91563	-1,26045	NA	NA
RP11-598O12.2	4,45	-2,45	2,50467	-0,97651	NA	NA
RP11-599B13.7	1,27	-5,14	3,645307	-1,41059	NA	NA
RP11-59E19.1	0,47	-3,69	3,660204	-1,00878	NA	NA
RP11-5K23.5	7,27	-6,76	2,333647	-2,89461	NA	NA
RP11-5O17.1	8,02	-24,83	3,296875	-7,53154	NA	NA
RP11-5P4.1	5,88	-24,38	3,63741	-6,70257	NA	NA
RP11-600F24.7	4,62	-1,42	1,37436	-1,03425	NA	NA
RP11-600K15.1	8,68	-9,05	2,928262	-3,0922	NA	NA
RP11-600L4.1	4,23	-8,99	3,5361	-2,54169	NA	NA
RP11-602M11.4	0,74	-4,36	3,652499	-1,1935	NA	NA
RP11-603B13.2	3,00	-6,38	3,639645	-1,75418	NA	NA
RP11-603J24.4	3,59	-6,64	3,63895	-1,82391	NA	NA
RP11-60A8.2	2,49	-6,11	3,64051	-1,67947	NA	NA
RP11-613D13.4	0,97	-4,52	3,648447	-1,23787	NA	NA
RP11-613M10.8	13,12	-8,65	2,553069	-3,38753	NA	NA
RP11-616K22.2	5,44	-2,36	1,904655	-1,23669	NA	NA
RP11-619L19.2	2,04	-5,29	3,194453	-1,65593	NA	NA
RP11-61L19.1	8,41	-3,70	0,829716	-4,45976	NA	NA
RP11-61L23.2	11,40	-2,43	1,326221	-1,83143	NA	NA
RP11-61N20.3	2,43	-5,09	2,820502	-1,80379	NA	NA
RP11-622C24.2	20,51	-4,31	2,354549	-1,82886	NA	NA
RP11-624L4.2	7,38	-6,96	2,358557	-2,95067	NA	NA
RP11-624M8.1	8,21	-5,08	1,460019	-3,47858	NA	NA
RP11-625H11.1	2,71	-6,24	3,640111	-1,71291	NA	NA
RP11-625N16.1	7,11	-24,66	3,637223	-6,78013	NA	NA
RP11-626I20.3	4,12	-3,37	3,621397	-0,93173	NA	NA
RP11-627C21.1	0,59	-4,04	3,656772	-1,10392	NA	NA
RP11-629B11.4	0,96	-4,73	3,64864	-1,29649	NA	NA
RP11-629F19.1	14,84	-5,69	2,32206	-2,4525	NA	NA
RP11-634B22.4	6,01	-2,50	1,791791	-1,39274	NA	NA
RP11-635N19.1	10,31	0,00	2,328936	-9,18E-04	NA	NA
RP11-635N19.2	26,39	-6,55	3,617948	-1,81086	NA	NA
RP11-637I8.2	9,27	-2,88	3,008719	-0,95776	NA	NA
RP11-639F1.2	3,24	-6,49	3,639329	-1,78316	NA	NA
RP11-63A1.2	1,07	-3,27	2,955923	-1,10784	NA	NA
RP11-63D14.1	3,71	-6,69	3,524627	-1,89775	NA	NA

RP11-640B6.1	6,50	-24,53	3,375444	-7,26751	NA	NA
RP11-642D21.1	7,40	-24,71	3,63716	-6,7948	NA	NA
RP11-643M14.3	7,05	-24,65	3,637237	-6,77606	NA	NA
RP11-644F5.16	5,24	-2,54	0,789808	-3,21092	NA	NA
RP11-645N11.3	10,58	-25,24	3,636628	-6,93928	NA	NA
RP11-646D13.1	5,98	-3,07	0,852269	-3,6016	NA	NA
RP11-646E18.4	2,58	-2,32	1,444743	-1,60283	NA	NA
RP11-646I6.5	13,03	-1,97	2,678645	-0,73486	NA	NA
RP11-64D22.1	4,88	-0,97	2,202867	-0,4423	NA	NA
RP11-64J21.3	23,05	-11,22	3,635992	-3,08651	NA	NA
RP11-650J17.1	3,92	-3,81	2,129426	-1,78716	NA	NA
RP11-650J17.2	1,19	-5,05	3,646139	-1,3842	NA	NA
RP11-650L12.4	1,08	-4,44	3,648621	-1,21797	NA	NA
RP11-651L5.2	2,06	-5,49	2,716139	-2,02279	NA	NA
RP11-655C2.3	1,04	-4,85	3,647679	-1,32953	NA	NA
RP11-659O3.1	1,80	-4,48	3,645636	-1,22993	NA	NA
RP11-65J21.4	1,75	-4,18	2,266482	-1,84341	NA	NA
RP11-65L3.2	23,44	-4,45	3,610549	-1,23135	NA	NA
RP11-660L16.2	6,99	-2,38	2,03273	-1,16937	NA	NA
RP11-661A12.8	13,61	-1,40	1,072643	-1,30375	NA	NA
RP11-661P17.1	13,73	-1,98	1,08119	-1,83289	NA	NA
RP11-662I13.2	4,71	-1,49	2,39556	-0,62221	NA	NA
RP11-664D1.1	4,44	-3,91	3,622836	-1,07936	NA	NA
RP11-667F14.1	15,32	-1,65	1,053661	-1,56826	NA	NA
RP11-667K14.8	0,73	-3,74	3,654875	-1,02264	NA	NA
RP11-668N23.1	6,19	-24,45	3,637487	-6,72097	NA	NA
RP11-66N24.3	14,72	-0,95	1,29198	-0,73877	NA	NA
RP11-671C19.1	1,50	-5,39	3,645719	-1,47895	NA	NA
RP11-671J11.4	3,10	-6,18	2,576529	-2,39873	NA	NA
RP11-671M22.5	1,00	-4,80	3,648011	-1,31551	NA	NA
RP11-672A2.5	7,03	0,15	2,089205	0,073319	NA	NA
RP11-672A2.6	1,07	-4,32	2,793953	-1,54459	NA	NA
RP11-673E1.3	3,40	-0,58	2,783815	-0,21013	NA	NA
RP11-678L1.1	8,70	0,17	1,472171	0,115917	NA	NA
RP11-681L4.2	12,38	-25,47	3,636467	-7,0027	NA	NA
RP11-685B14.1	9,69	-8,04	2,340573	-3,43594	NA	NA
RP11-68D16.1	4,32	-23,92	3,638378	-6,5753	NA	NA
RP11-691H4.1	16,02	-0,08	1,533388	-0,05351	NA	NA
RP11-691N7.6	2,42	-5,72	2,347381	-2,43774	NA	NA
RP11-692D12.1	3,32	-2,91	3,281988	-0,88645	NA	NA
RP11-692E14.1	2,75	-6,26	3,640069	-1,71911	NA	NA
RP11-693J15.4	7,78	-1,20	2,172504	-0,55327	NA	NA
RP11-697E22.2	5,60	-4,07	1,679605	-2,42468	NA	NA
RP11-697G4.3	2,02	-5,81	3,641642	-1,59448	NA	NA
RP11-697M17.1	10,68	-0,35	1,324959	-0,26329	NA	NA
RP11-697N18.4	8,80	-4,57	1,686325	-2,70896	NA	NA
RP11-698F20.3	2,93	-2,07	2,455874	-0,84444	NA	NA
RP11-69H7.2	0,95	-3,53	3,652945	-0,96661	NA	NA
RP11-69M1.6	7,95	-0,24	1,39301	-0,173	NA	NA
RP11-6F2.5	22,21	-2,53	1,885412	-1,34439	NA	NA

RP11-6I2.3	3,98	0,35	1,891762	0,18365	NA	NA
RP11-6L6.2	9,23	-3,24	1,976057	-1,64052	NA	NA
RP11-6L6.7	9,13	-24,96	3,636829	-6,8633	NA	NA
RP11-6N13.1	4,28	-6,57	2,629974	-2,49909	NA	NA
RP11-700F16.3	1,43	-1,42	2,04705	-0,69408	NA	NA
RP11-700J17.2	2,85	-1,61	2,436289	-0,66222	NA	NA
RP11-701P16.5	23,93	-2,13	1,305685	-1,63185	NA	NA
RP11-702F3.4	13,10	-7,18	1,544705	-4,64596	NA	NA
RP11-702M1.1	2,75	-23,22	3,639677	-6,3804	NA	NA
RP11-703I16.1	7,93	-3,56	1,370885	-2,59597	NA	NA
RP11-704C2.1	1,29	-5,17	3,645237	-1,4176	NA	NA
RP11-705C15.4	1,60	-1,88	3,637129	-0,51591	NA	NA
RP11-706D8.3	3,78	-4,36	1,608101	-2,70997	NA	NA
RP11-706J10.1	4,02	-7,50	3,062737	-2,45027	NA	NA
RP11-706O15.3	45,02	0,33	1,036077	0,321385	NA	NA
RP11-707G14.8	1,45	-3,86	2,032346	-1,89774	NA	NA
RP11-707M3.3	14,49	-0,10	1,742202	-0,05568	NA	NA
RP11-707O23.5	2,76	-6,10	3,640045	-1,67561	NA	NA
RP11-707P17.1	3,78	-7,73	3,074067	-2,51309	NA	NA
RP11-707P17.2	5,60	-5,08	2,688481	-1,88976	NA	NA
RP11-709D24.6	1,75	-2,83	3,180969	-0,89111	NA	NA
RP11-70K10.2	3,25	-23,54	3,63933	-6,4669	NA	NA
RP11-70L8.4	13,68	-1,53	1,171688	-1,30688	NA	NA
RP11-711C17.1	1,48	-5,36	3,643911	-1,47003	NA	NA
RP11-711M9.2	0,74	-4,37	3,652488	-1,19618	NA	NA
RP11-712B9.2	22,53	-4,99	1,849704	-2,69614	NA	NA
RP11-712B9.4	1,55	-5,43	3,643563	-1,48975	NA	NA
RP11-713C5.1	0,59	-4,04	3,656772	-1,10392	NA	NA
RP11-719L21.1	9,44	-24,96	3,636787	-6,86339	NA	NA
RP11-71E19.1	8,72	-24,95	3,636872	-6,86065	NA	NA
RP11-723D22.2	12,99	0,33	1,453269	0,223762	NA	NA
RP11-723O4.3	0,72	-4,09	3,654027	-1,11913	NA	NA
RP11-726G23.3	11,23	-9,15	3,298172	-2,77288	NA	NA
RP11-727A23.7	2,22	-3,11	2,515213	-1,23836	NA	NA
RP11-728E14.4	1,05	-4,86	3,64753	-1,33375	NA	NA
RP11-734C14.2	4,45	-8,83	3,522194	-2,50563	NA	NA
RP11-736I24.3	9,68	-2,39	1,858885	-1,28576	NA	NA
RP11-736I24.5	6,51	-1,84	1,487034	-1,23569	NA	NA
RP11-736K12.3	3,75	-6,70	3,520929	-1,90416	NA	NA
RP11-737O24.3	2,78	-1,56	3,378383	-0,46048	NA	NA
RP11-738G5.2	1,42	-3,17	1,890143	-1,67738	NA	NA
RP11-73B2.8	4,71	-24,05	3,638117	-6,61191	NA	NA
RP11-73B2.9	0,85	-4,56	3,650284	-1,24942	NA	NA
RP11-73M18.2	85,50	0,88	1,931204	0,457255	NA	NA
RP11-73M7.6	8,55	-0,68	1,549565	-0,43938	NA	NA
RP11-740P5.3	1,97	-5,78	3,641854	-1,58635	NA	NA
RP11-744K17.9	2,75	-4,40	2,632134	-1,67308	NA	NA
RP11-747H12.6	2,06	-5,67	3,641623	-1,55581	NA	NA
RP11-749H17.1	5,44	-1,23	1,280177	-0,9591	NA	NA
RP11-74C1.2	8,34	-0,93	2,096951	-0,4445	NA	NA

RP11-74C3.1	1,36	-5,24	3,644754	-1,43641	NA	NA
RP11-74D7.3	3,06	-3,06	3,624534	-0,84375	NA	NA
RP11-74J13.9	4,07	-4,81	2,394238	-2,00974	NA	NA
RP11-754B17.1	3,57	-0,43	1,817353	-0,23543	NA	NA
RP11-755J8.1	2,97	-3,11	2,826154	-1,10196	NA	NA
RP11-756G20.1	6,17	-5,16	3,393714	-1,51925	NA	NA
RP11-756P10.2	9,52	-2,07	1,234381	-1,67603	NA	NA
RP11-758E17.2	2,78	-6,27	3,640005	-1,7229	NA	NA
RP11-761I4.3	71,69	-4,64	1,898634	-2,44461	NA	NA
RP11-762E8.1	2,23	-5,05	2,792743	-1,80811	NA	NA
RP11-762J3.1	0,76	-4,40	3,652047	-1,20457	NA	NA
RP11-767N15.1	1,12	-4,96	3,646676	-1,36057	NA	NA
RP11-76C10.5	0,77	-4,42	3,651825	-1,20931	NA	NA
RP11-775H9.2	4,88	0,69	2,528168	0,274444	NA	NA
RP11-775H9.3	4,70	-7,65	3,571096	-2,14309	NA	NA
RP11-777B9.2	1,40	-4,43	3,646313	-1,21479	NA	NA
RP11-778D9.9	8,04	-24,84	3,2653	-7,60623	NA	NA
RP11-77O7.1	8,43	-24,73	3,314795	-7,45972	NA	NA
RP11-77P19.2	1,84	-4,24	3,019005	-1,40306	NA	NA
RP11-783N5.1	17,57	-4,47	2,020924	-2,21011	NA	NA
RP11-786O7.1	9,09	-24,82	3,287207	-7,549	NA	NA
RP11-789C1.2	3,40	-4,26	2,00803	-2,12323	NA	NA
RP11-78B10.2	7,70	-9,96	3,375336	-2,95068	NA	NA
RP11-78H24.1	2,56	-1,29	1,897668	-0,67963	NA	NA
RP11-78J21.7	2,16	-2,17	3,262491	-0,66662	NA	NA
RP11-793A3.2	2,63	-4,00	3,634448	-1,10169	NA	NA
RP11-799B12.4	0,77	-4,20	3,652403	-1,14921	NA	NA
RP11-79H23.2	3,61	-6,65	2,993384	-2,21999	NA	NA
RP11-79I23.2	1,44	-1,56	2,324243	-0,67308	NA	NA
RP11-79O8.1	7,79	-4,09	3,246045	-1,25983	NA	NA
RP11-7B3.4	1,04	-4,63	3,64817	-1,2692	NA	NA
RP11-7I15.3	1,76	-3,51	3,086888	-1,13715	NA	NA
RP11-7I15.4	5,11	-0,95	1,29107	-0,73797	NA	NA
RP11-7O11.3	2,58	-6,16	3,640319	-1,69337	NA	NA
RP11-7O11.7	7,21	-0,70	2,235091	-0,31364	NA	NA
RP11-800A3.4	2,48	-0,84	2,041811	-0,41117	NA	NA
RP11-801F7.1	5,79	-2,82	3,002243	-0,93922	NA	NA
RP11-802O23.4	12,55	-2,28	1,954144	-1,16911	NA	NA
RP11-805J14.3	3,69	-0,21	1,861359	-0,11431	NA	NA
RP11-806L2.2	25,03	-1,73	0,828921	-2,08274	NA	NA
RP11-807E13.2	21,30	-11,08	3,636041	-3,0484	NA	NA
RP11-807H22.10	4,13	0,23	2,062088	0,110386	NA	NA
RP11-807H22.4	2,51	-5,95	3,640571	-1,63539	NA	NA
RP11-807H22.9	5,85	-24,37	3,637601	-6,69986	NA	NA
RP11-809N15.2	6,02	-2,07	1,635224	-1,26787	NA	NA
RP11-80H8.4	9,04	0,00	1,813425	9,89E-05	NA	NA
RP11-80I15.4	1,70	-5,56	3,642763	-1,5258	NA	NA
RP11-815J21.3	12,49	-0,32	1,744775	-0,18237	NA	NA
RP11-816J8.1	2,63	-6,19	3,640251	-1,70105	NA	NA
RP11-817I4.2	7,23	-0,68	1,535691	-0,44134	NA	NA

RP11-820I16.1	3,64	-23,69	3,638864	-6,51128	NA	NA
RP11-822E23.6	15,06	-4,68	2,103524	-2,22396	NA	NA
RP11-826N14.2	0,61	-4,08	3,656169	-1,11574	NA	NA
RP11-82K18.2	3,54	-23,66	3,639011	-6,50129	NA	NA
RP11-82L20.1	2,21	-5,28	3,641476	-1,45008	NA	NA
RP11-82O19.1	3,59	-0,63	1,611675	-0,3894	NA	NA
RP11-830F9.6	5,61	-2,27	1,783965	-1,27346	NA	NA
RP11-832N8.1	1,19	-5,04	3,645952	-1,3825	NA	NA
RP11-834C11.4	11,79	-3,12	1,571207	-1,98468	NA	NA
RP11-83A24.1	2,29	-1,19	2,395864	-0,49874	NA	NA
RP11-83C7.1	2,35	-5,69	3,103168	-1,83461	NA	NA
RP11-83C7.2	2,33	-6,02	3,640892	-1,65207	NA	NA
RP11-841C19.1	1,10	-4,04	3,281262	-1,23031	NA	NA
RP11-841C19.6	2,66	-1,50	0,919053	-1,63088	NA	NA
RP11-846F4.6	1,41	-3,44	1,899068	-1,8102	NA	NA
RP11-849F2.9	6,82	-5,08	1,747974	-2,90623	NA	NA
RP11-84A12.1	15,51	-2,73	1,092869	-2,49453	NA	NA
RP11-84A19.4	8,67	-3,52	2,264189	-1,55271	NA	NA
RP11-84C10.1	0,79	-4,45	3,651282	-1,21823	NA	NA
RP11-854K16.3	13,64	-0,58	2,955037	-0,19698	NA	NA
RP11-854K16.4	36,05	-4,52	2,245083	-2,01477	NA	NA
RP11-85B7.2	1,68	-4,86	3,215312	-1,51164	NA	NA
RP11-85G21.1	1,26	-2,49	3,115077	-0,79979	NA	NA
RP11-862L9.2	12,44	-5,31	2,151205	-2,46763	NA	NA
RP11-863K10.4	4,03	-2,21	2,476132	-0,89277	NA	NA
RP11-873E20.1	0,97	-3,90	3,65124	-1,06694	NA	NA
RP11-876N24.2	9,67	-2,47	1,894463	-1,30525	NA	NA
RP11-876N24.3	16,42	-3,62	3,610612	-1,0014	NA	NA
RP11-877E17.2	31,79	-3,07	0,922636	-3,33135	NA	NA
RP11-879D6.1	2,82	-5,95	3,640111	-1,63409	NA	NA
RP11-87E22.1	0,96	-4,73	3,648613	-1,29755	NA	NA
RP11-87G24.5	4,36	-2,19	2,272894	-0,96359	NA	NA
RP11-883G14.2	5,92	-24,43	3,637817	-6,71587	NA	NA
RP11-883G14.3	5,45	-9,36	3,468715	-2,69909	NA	NA
RP11-885N19.6	16,43	-25,87	3,636211	-7,11591	NA	NA
RP11-886D15.1	8,38	1,62	1,815567	0,892674	NA	NA
RP11-887P2.5	5,36	-2,69	1,678586	-1,605	NA	NA
RP11-889I17.2	1,69	-5,52	3,642303	-1,51682	NA	NA
RP11-88B8.2	2,62	-2,89	1,93303	-1,49294	NA	NA
RP11-88H1.1	1,65	-5,51	3,643113	-1,51363	NA	NA
RP11-894J14.2	7,34	-24,69	3,637131	-6,78916	NA	NA
RP11-8P11.4	3,44	-7,00	3,610366	-1,93915	NA	NA
RP11-8P13.1	0,72	-4,31	3,653024	-1,18023	NA	NA
RP11-903H12.2	14,69	-25,71	3,636305	-7,07061	NA	NA
RP11-903H12.5	17,86	-25,61	3,636151	-7,0437	NA	NA
RP11-907D1.3	1,45	-3,10	2,164952	-1,43036	NA	NA
RP11-90L20.3	7,35	-1,16	1,557949	-0,74698	NA	NA
RP11-90M11.1	2,50	-6,12	3,640453	-1,68088	NA	NA
RP11-90M2.4	3,93	-1,09	1,480672	-0,735	NA	NA
RP11-923I11.4	3,80	0,34	2,069522	0,162992	NA	NA

RP11-923I11.6	0,87	-3,94	3,652257	-1,07952	NA	NA
RP11-930O11.3	1,10	-1,74	1,945139	-0,89423	NA	NA
RP11-936I5.1	13,60	-1,75	1,830817	-0,95591	NA	NA
RP11-93O14.3	3,42	-0,19	2,129628	-0,09118	NA	NA
RP11-946L20.1	0,73	-4,35	3,652692	-1,19005	NA	NA
RP11-94C24.6	1,11	-2,51	2,361671	-1,06252	NA	NA
RP11-958F21.1	4,32	-23,92	3,638372	-6,57477	NA	NA
RP11-958N24.1	0,35	-3,17	3,66593	-0,86598	NA	NA
RP11-958N24.2	1,85	-5,68	3,642273	-1,56006	NA	NA
RP11-95O2.1	2,04	-4,22	2,95018	-1,43205	NA	NA
RP11-960B9.2	1,66	-2,62	3,167152	-0,82863	NA	NA
RP11-960L18.1	15,05	-1,41	1,276742	-1,10683	NA	NA
RP11-962G15.1	1,48	-5,02	3,644462	-1,3773	NA	NA
RP11-96A1.4	3,24	-5,45	3,639811	-1,49856	NA	NA
RP11-96C21.2	4,35	-2,86	1,643414	-1,74188	NA	NA
RP11-96C23.9	3,90	-1,86	2,473777	-0,75277	NA	NA
RP11-96L14.7	5,64	-3,16	3,312342	-0,95371	NA	NA
RP11-96M12.1	6,12	-1,42	0,816398	-1,73369	NA	NA
RP11-972K6.1	4,42	-23,96	3,638288	-6,58444	NA	NA
RP11-977G19.12	2,01	-1,54	1,41223	-1,09209	NA	NA
RP11-97C16.1	16,41	-2,68	2,322669	-1,15554	NA	NA
RP11-97N19.2	3,23	-23,53	3,639381	-6,4656	NA	NA
RP11-97O12.7	1,03	-4,65	3,648088	-1,27346	NA	NA
RP11-983G14.4	0,70	-4,27	3,653521	-1,17001	NA	NA
RP11-98F14.10	2,58	-3,79	1,821694	-2,07793	NA	NA
RP11-98F14.4	11,06	-25,30	3,63659	-6,957	NA	NA
RP11-996F15.5	8,98	-0,76	2,309291	-0,32901	NA	NA
RP11-9G1.3	13,21	-4,52	1,263031	-3,57973	NA	NA
RP13-1039J1.2	4,57	-3,70	2,112538	-1,75197	NA	NA
RP13-122B23.8	1,88	-5,36	3,642406	-1,4713	NA	NA
RP13-122B23.9	0,74	-4,37	3,652262	-1,19563	NA	NA
RP13-131K19.6	25,44	0,73	1,51346	0,479269	NA	NA
RP13-192B19.2	19,38	-7,28	2,478708	-2,93839	NA	NA
RP13-204A15.5	9,18	-0,69	1,672382	-0,41142	NA	NA
RP13-228J13.1	7,10	-1,47	2,613774	-0,56363	NA	NA
RP13-339P19.1	1,81	-2,52	2,021739	-1,24518	NA	NA
RP13-362E11.1	2,83	-6,30	3,639887	-1,73041	NA	NA
RP13-470G3.1	6,54	-9,35	2,936861	-3,18291	NA	NA
RP13-516M14.4	40,44	-0,54	0,75988	-0,7117	NA	NA
RP13-546I2.1	10,10	-25,16	3,636697	-6,91953	NA	NA
RP13-653N12.1	2,37	-6,04	3,640671	-1,65787	NA	NA
RP13-653N12.2	10,33	-25,20	3,227781	-7,80872	NA	NA
RP13-685P2.8	3,36	-5,19	2,872934	-1,80488	NA	NA
RP13-81N3.2	11,76	-25,39	3,63653	-6,98145	NA	NA
RP13-977J11.2	34,77	-3,13	2,22933	-1,402	NA	NA
RP3-323B6.2	6,39	-24,51	3,637394	-6,73709	NA	NA
RP3-324O17.4	2,58	-5,16	2,212119	-2,33426	NA	NA
RP3-324O17.7	1,70	-4,00	3,642939	-1,09888	NA	NA
RP3-326I13.1	1,04	-4,67	3,64792	-1,2791	NA	NA
RP3-329E20.2	7,73	-24,71	3,637078	-6,79364	NA	NA

RP3-333B15.2	0,78	-4,43	3,65143	-1,21365	NA	NA
RP3-337H4.6	7,14	-6,58	1,67288	-3,93238	NA	NA
RP3-368A4.6	61,14	-0,43	1,03214	-0,41226	NA	NA
RP3-368B9.1	10,31	-7,37	2,361933	-3,11941	NA	NA
RP3-388M5.8	1,85	-5,69	3,642249	-1,56173	NA	NA
RP3-400B16.1	1,96	-1,83	2,43934	-0,74839	NA	NA
RP3-416J7.4	6,42	-7,48	2,885294	-2,59184	NA	NA
RP3-425P12.5	2,76	-5,43	2,795087	-1,94343	NA	NA
RP3-430N8.11	0,81	-3,28	2,871206	-1,14158	NA	NA
RP3-435K13.1	4,93	-24,06	3,637983	-6,61236	NA	NA
RP3-437C15.1	4,81	-7,31	3,052763	-2,39388	NA	NA
RP3-455H14.1	1,48	-4,77	3,239662	-1,47263	NA	NA
RP3-465N24.6	0,87	-3,91	3,30471	-1,18297	NA	NA
RP3-467L1.4	10,02	-6,97	2,436947	-2,86023	NA	NA
RP3-467N11.1	9,53	-6,02	2,606827	-2,30774	NA	NA
RP3-468K3.1	16,32	-25,87	3,63622	-7,11328	NA	NA
RP3-468O1.2	0,53	-3,88	3,659192	-1,06068	NA	NA
RP3-468O1.5	2,95	-0,34	2,438692	-0,13822	NA	NA
RP3-468O1.6	10,59	-8,19	2,674694	-3,06361	NA	NA
RP3-477J10.1	3,64	-0,30	3,625627	-0,08371	NA	NA
RP3-495K2.2	3,13	-1,19	2,081724	-0,57056	NA	NA
RP3-508I15.20	1,22	-2,21	2,166859	-1,02102	NA	NA
RP3-509L4.3	17,60	-0,58	2,389126	-0,24309	NA	NA
RP3-510H16.3	10,86	-2,27	2,087183	-1,08918	NA	NA
RP3-512B11.3	0,73	-4,36	3,652696	-1,19249	NA	NA
RP3-520B18.1	5,22	-9,08	3,479576	-2,60931	NA	NA
RP3-521E19.3	1,25	-5,11	3,645483	-1,40265	NA	NA
RP3-523C21.1	8,65	-5,85	1,521151	-3,84273	NA	NA
RP3-525N10.2	2,95	-6,36	3,639666	-1,74623	NA	NA
RP4-529N6.1	1,49	-5,37	3,643907	-1,47498	NA	NA
RP4-534P7.2	14,24	-6,46	2,581395	-2,50314	NA	NA
RP4-535B20.1	2,41	-1,61	2,024206	-0,79714	NA	NA
RP4-539M6.19	7,04	-6,44	3,158125	-2,03981	NA	NA
RP4-541C22.5	2,40	-5,90	3,102081	-1,90214	NA	NA
RP4-548D19.5	4,48	-2,28	2,741483	-0,83166	NA	NA
RP4-555L14.5	6,56	-0,90	1,378533	-0,64977	NA	NA
RP4-562J12.2	28,79	-4,65	1,126704	-4,12416	NA	NA
RP4-564F22.7	1,45	-4,96	3,222492	-1,54028	NA	NA
RP4-576H24.4	3,77	-3,10	2,903982	-1,06726	NA	NA
RP4-601K24.1	14,99	-0,83	1,291889	-0,64241	NA	NA
RP4-610L12.2	9,25	-4,48	3,214591	-1,39324	NA	NA
RP4-614C10.3	2,79	-6,11	2,636071	-2,31937	NA	NA
RP4-614O4.13	8,64	-2,13	1,80545	-1,18062	NA	NA
RP4-621B10.2	0,55	-3,93	3,658406	-1,07422	NA	NA
RP4-621F18.2	4,66	-7,21	3,065893	-2,35155	NA	NA
RP4-622L5.7	2,23	-1,43	3,329325	-0,43084	NA	NA
RP4-625H18.2	1,69	-4,07	2,257173	-1,80409	NA	NA
RP4-629B2.1	4,32	-5,54	1,679766	-3,29874	NA	NA
RP4-635A23.4	4,33	-1,55	2,560918	-0,60336	NA	NA
RP4-650F12.2	2,97	-6,38	3,580028	-1,78122	NA	NA

RP4-651E10.4	5,17	-4,16	3,144624	-1,32347	NA	NA
RP4-666F24.3	18,60	-2,45	1,558831	-1,57367	NA	NA
RP4-687K1.2	8,30	-1,46	2,46427	-0,59382	NA	NA
RP4-724E13.2	8,40	-7,93	3,637469	-2,18131	NA	NA
RP4-733B9.1	0,90	-4,64	3,649507	-1,271	NA	NA
RP4-737E23.5	12,82	0,79	1,547977	0,50788	NA	NA
RP4-742C19.12	0,88	-4,36	3,215844	-1,35708	NA	NA
RP4-742J24.2	17,29	-3,25	1,490835	-2,18121	NA	NA
RP4-745K6.1	6,09	-24,43	3,637511	-6,71673	NA	NA
RP4-758J18.13	33,68	-1,28	0,633803	-2,02349	NA	NA
RP4-760C5.3	1,13	-4,98	3,646577	-1,36509	NA	NA
RP4-765A10.2	3,78	-1,71	2,740099	-0,62545	NA	NA
RP4-769N13.6	33,13	-3,06	1,264047	-2,42162	NA	NA
RP4-773A18.4	1,42	-5,33	3,645125	-1,46087	NA	NA
RP4-788L20.5	6,65	-9,65	2,855156	-3,37966	NA	NA
RP4-791K14.2	2,57	-4,00	2,125346	-1,88187	NA	NA
RP4-794H19.1	7,99	-6,49	3,152237	-2,05997	NA	NA
RP4-799P18.5	5,44	-8,79	3,468502	-2,53427	NA	NA
RP4-800G7.2	64,07	-2,36	1,028054	-2,29501	NA	NA
RP4-800M22.1	2,20	-5,59	3,166114	-1,76632	NA	NA
RP4-806M20.2	4,82	-3,24	2,968692	-1,09291	NA	NA
RP4-811M8.1	0,82	-4,51	3,650836	-1,23482	NA	NA
RP5-1007G16.1	4,72	-24,07	3,638221	-6,61539	NA	NA
RP5-1009E24.9	2,14	-5,89	3,64136	-1,61834	NA	NA
RP5-1043F6.1	17,49	-2,74	2,537437	-1,08008	NA	NA
RP5-1050K3.2	3,11	-6,43	3,63953	-1,76758	NA	NA
RP5-1059H15.1	5,87	-24,38	3,637597	-6,70136	NA	NA
RP5-1065O2.4	4,35	-1,81	1,22334	-1,47731	NA	NA
RP5-1068H6.3	14,24	-7,21	2,229505	-3,23328	NA	NA
RP5-1086D14.6	29,14	-0,85	1,038218	-0,81885	NA	NA
RP5-1086K13.3	18,33	0,48	1,34616	0,355426	NA	NA
RP5-1092K5.2	3,99	-1,96	2,481768	-0,79069	NA	NA
RP5-1112D6.5	12,26	-0,72	1,032838	-0,69831	NA	NA
RP5-1115A15.1	12,79	-1,63	2,021102	-0,80841	NA	NA
RP5-1116H23.3	1,49	-2,63	1,989353	-1,32209	NA	NA
RP5-1116H23.6	13,54	-0,97	2,396473	-0,40346	NA	NA
RP5-1119A7.11	7,11	-24,55	3,637215	-6,75087	NA	NA
RP5-1119O21.2	8,35	-24,85	3,636957	-6,83126	NA	NA
RP5-1120P11.3	6,17	-5,65	3,328859	-1,69846	NA	NA
RP5-1132H15.1	7,80	-3,14	1,788677	-1,75632	NA	NA
RP5-1136G13.2	19,05	-3,66	1,573226	-2,32801	NA	NA
RP5-1142A6.2	7,41	-24,74	3,315358	-7,46328	NA	NA
RP5-1142A6.3	30,12	-1,42	1,213608	-1,16655	NA	NA
RP5-1142J19.2	1,05	-4,68	3,647665	-1,28391	NA	NA
RP5-1159O4.1	8,43	-1,19	1,211966	-0,98213	NA	NA
RP5-1169K15.1	16,78	-3,79	1,172717	-3,23562	NA	NA
RP5-1189D6.2	11,41	1,70	1,841943	0,923404	NA	NA
RP5-827C21.2	1,03	-4,84	3,647601	-1,32642	NA	NA
RP5-850O15.4	4,05	-5,11	3,322313	-1,53685	NA	NA
RP5-864K19.7	1,33	-5,21	3,644905	-1,42835	NA	NA

RP5-881L22.4	1,56	-1,23	1,933497	-0,63674	NA	NA
RP5-887A10.1	1,33	-4,49	2,789099	-1,61051	NA	NA
RP5-890E16.5	9,28	-3,49	3,303537	-1,05592	NA	NA
RP5-894A10.2	24,42	-1,39	1,572138	-0,8838	NA	NA
RP5-902P8.10	2,31	-4,23	1,358279	-3,111	NA	NA
RP5-912I13.2	3,58	-4,06	3,551363	-1,14338	NA	NA
RP5-916L7.2	17,80	-11,05	2,438122	-4,53158	NA	NA
RP5-943J3.2	1,70	-2,71	1,839206	-1,47512	NA	NA
RP5-956O18.2	3,15	-1,00	3,624395	-0,27543	NA	NA
RP5-964C11.1	8,85	-6,16	2,121404	-2,90531	NA	NA
RP5-965G21.4	17,31	-1,26	0,939351	-1,34389	NA	NA
RP5-983L19.1	2,58	-0,97	1,838511	-0,52707	NA	NA
RP5-988G17.1	6,49	-24,52	3,637396	-6,74195	NA	NA
RP5-994D16.3	0,96	-4,35	3,275893	-1,32732	NA	NA
RP6-99M1.3	7,33	-1,07	2,258774	-0,47157	NA	NA
RPH3A	29,48	-1,43	0,950795	-1,50448	NA	NA
RPL10P3	1,75	-2,26	1,234058	-1,82894	NA	NA
RPL13AP6	1,51	-3,93	2,01115	-1,95529	NA	NA
RPL13P12	36,08	-0,92	0,810644	-1,1352	NA	NA
RPL14P1	6,31	-5,94	1,723305	-3,44718	NA	NA
RPL21P44	8,60	-6,50	1,833946	-3,54387	NA	NA
RPL23AP77	0,51	-3,83	3,659694	-1,04723	NA	NA
RPL26P30	0,75	-3,66	3,322478	-1,10172	NA	NA
RPL31P58	1,60	-5,47	3,64323	-1,50207	NA	NA
RPL35AP25	2,11	-5,70	3,641448	-1,56539	NA	NA
RPL36AP40	1,76	-4,83	3,643632	-1,32537	NA	NA
RPL39P31	1,21	-5,07	3,645894	-1,38997	NA	NA
RPL6P8	4,91	-7,36	3,553066	-2,07076	NA	NA
RPL7AP60	5,40	0,63	2,101292	0,298083	NA	NA
RPL7AP65	33,09	-6,70	2,267481	-2,95369	NA	NA
RPL7P23p	6,63	-3,69	1,285268	-2,86814	NA	NA
RPL7P5	1,03	-4,84	3,647699	-1,32779	NA	NA
RPL9P29	4,15	-1,75	2,766003	-0,63351	NA	NA
RPL9P3	2,86	-1,92	0,894195	-2,14421	NA	NA
RPP38	156,29	-1,00	0,883336	-1,12886	NA	NA
RPS11P6	12,52	-0,45	1,499388	-0,30326	NA	NA
RPS12P27	7,81	-5,73	2,599922	-2,20336	NA	NA
RPS18P1	0,81	-4,49	3,651229	-1,22931	NA	NA
RPS20P21	1,21	-4,68	3,646516	-1,28396	NA	NA
RPS26P34	1,37	-4,47	2,458816	-1,81613	NA	NA
RPS29P24	2,76	-6,26	3,64002	-1,72015	NA	NA
RPS2P35	1,04	-4,66	3,64797	-1,27701	NA	NA
RPS2P44	9,28	1,10	2,495168	0,441337	NA	NA
RPS3P1	5,05	-7,80	3,022197	-2,5824	NA	NA
RPS4Y1	118,56	-8,92	1,30212	-6,85097	NA	NA
RSU1P2	3,28	-6,11	3,100289	-1,97002	NA	NA
RUNDC3A	4,42	-1,88	1,050314	-1,79462	NA	NA
RUNX1T1	20,98	-5,10	1,260919	-4,04558	NA	NA
RUVBL1	130,56	-0,40	0,786719	-0,50264	NA	NA
S100A3	0,60	-4,05	3,655766	-1,10731	NA	NA

S100A7	3,28	-6,35	3,023043	-2,10173	NA	NA
S100P	0,74	-4,36	3,652835	-1,19387	NA	NA
S1PR5	10,37	-4,14	1,820652	-2,27648	NA	NA
SATB2-AS1	1,84	-5,56	3,643627	-1,52672	NA	NA
SBK2	1,32	-5,01	3,645321	-1,37319	NA	NA
SCAND2	171,28	-2,42	0,95217	-2,54143	NA	NA
SCARNA18B	3,82	-2,99	3,280015	-0,91067	NA	NA
SCARNA21B	0,91	-4,07	3,650707	-1,11618	NA	NA
SCARNA4	2,99	-8,49	3,62793	-2,34122	NA	NA
SCb-64M4.1	5,84	-1,82	1,292577	-1,40618	NA	NA
SCG2	2,34	-6,01	3,640583	-1,65039	NA	NA
SCGB1D2	2,59	-6,17	3,640315	-1,69469	NA	NA
SCGB2B2	11,68	-3,60	1,595281	-2,25847	NA	NA
SCGN	3,06	-5,84	2,717202	-2,14888	NA	NA
SCN11A	4,73	-2,81	1,591212	-1,76837	NA	NA
SCNN1B	4,51	-6,63	3,567578	-1,85831	NA	NA
SCX	3,86	-0,70	1,994108	-0,35107	NA	NA
SDC2	31,01	-1,04	2,013552	-0,51858	NA	NA
SEC22C	212,81	-0,81	0,685694	-1,18661	NA	NA
SEL1L2	12,26	-9,55	3,26216	-2,92653	NA	NA
SELP	4,35	-2,70	3,007424	-0,8969	NA	NA
SEMA3A	5,95	-9,16	2,929967	-3,12469	NA	NA
SEMA3D	12,80	-3,08	1,268559	-2,43145	NA	NA
SEMA3E	34,94	-5,24	1,463549	-3,58022	NA	NA
SEMA3G	2,86	-6,40	3,643261	-1,75798	NA	NA
SEMA4F	16,98	0,50	1,506683	0,334411	NA	NA
SEMA6C	9,10	-4,58	3,190214	-1,43478	NA	NA
SEPP1	5,84	-1,62	1,998802	-0,80943	NA	NA
SEPT5-GP1BB	0,77	-4,42	3,651867	-1,20999	NA	NA
SEPT7P1	2,10	-5,69	3,641621	-1,56154	NA	NA
SERINC2	23,26	-9,08	2,024236	-4,48519	NA	NA
SERINC4	3,48	-0,77	3,4015	-0,22496	NA	NA
SERPINB4	10,14	-25,08	3,636743	-6,89565	NA	NA
SERPIND1	1,37	-5,04	3,645078	-1,38284	NA	NA
SERPINH1	22,38	-2,45	0,990337	-2,47847	NA	NA
SERPINI2	5,30	-2,32	1,64403	-1,41226	NA	NA
SGCA	9,81	0,00	1,944985	4,59E-04	NA	NA
SGCD	23,66	-9,95	3,636409	-2,73576	NA	NA
SGCE	40,97	-0,14	0,616592	-0,22692	NA	NA
SGPP2	21,31	-1,51	0,810443	-1,86331	NA	NA
SH2D7	2,16	-5,91	3,641323	-1,62282	NA	NA
SHBG	9,43	-25,05	3,636838	-6,88911	NA	NA
SHPK	10,86	-1,53	1,211204	-1,2668	NA	NA
SHROOM2	1,65	-1,88	2,859978	-0,65578	NA	NA
SHROOM3	56,68	-4,18	1,23258	-3,39168	NA	NA
SI	9,51	-7,55	2,97313	-2,53943	NA	NA
SIAH3	3,89	-1,08	1,145977	-0,94048	NA	NA
SIGLEC22P	6,03	-1,02	2,592158	-0,39208	NA	NA
SIGLEC27P	4,74	-24,07	3,638105	-6,61556	NA	NA
SIX1	7,01	-6,57	2,43602	-2,69605	NA	NA

SKOR1	6,68	-4,66	2,526193	-1,84374	NA	NA
SLAMF1	9,00	-4,83	1,647505	-2,92911	NA	NA
SLC10A2	5,48	-0,44	1,967187	-0,22222	NA	NA
SLC10A7	118,94	-2,63	1,206119	-2,17801	NA	NA
SLC12A1	4,60	-1,17	1,509324	-0,77213	NA	NA
SLC12A3	6,87	-1,31	1,208176	-1,08374	NA	NA
SLC15A5	2,61	-5,85	2,702266	-2,16558	NA	NA
SLC16A10	71,89	-3,15	0,931838	-3,37641	NA	NA
SLC17A1	5,13	-24,21	3,43597	-7,04591	NA	NA
SLC17A4	8,35	-5,65	2,019065	-2,7981	NA	NA
SLC22A12	1,99	-5,60	3,641868	-1,53794	NA	NA
SLC22A17	1,40	-5,09	3,644395	-1,397	NA	NA
SLC23A3	15,83	1,74	1,058832	1,639082	NA	NA
SLC25A47	2,30	-6,00	3,641013	-1,64856	NA	NA
SLC25A5P1	3,35	-1,20	3,054798	-0,39161	NA	NA
SLC26A4	22,35	-4,26	1,028313	-4,14063	NA	NA
SLC26A7	6,11	-7,23	2,958573	-2,44432	NA	NA
SLC2A12	1,46	-4,98	3,644565	-1,36549	NA	NA
SLC2A2	8,84	-24,90	3,636786	-6,84551	NA	NA
SLC2A5	25,24	-2,22	0,867169	-2,56344	NA	NA
SLC2A7	0,73	-4,34	3,652788	-1,1871	NA	NA
SLC35F4	11,80	-0,26	1,923945	-0,13373	NA	NA
SLC36A2	115,00	-6,18	0,929138	-6,64917	NA	NA
SLC39A8	47,09	-1,98	1,094016	-1,80683	NA	NA
SLC43A1	63,47	0,63	1,57375	0,40047	NA	NA
SLC4A10	7,51	-1,97	2,774239	-0,70953	NA	NA
SLC4A9	18,51	-11,16	3,636198	-3,06904	NA	NA
SLC5A9	4,55	-3,04	2,034237	-1,49238	NA	NA
SLC6A18	2,02	-0,92	3,633135	-0,25234	NA	NA
SLC6A2	3,66	-4,56	1,890686	-2,41254	NA	NA
SLC6A20	10,29	-2,17	0,990609	-2,19485	NA	NA
SLC6A3	10,12	-25,08	3,63678	-6,89701	NA	NA
SLC6A8	10,61	0,51	2,999426	0,169105	NA	NA
SLC7A1	172,04	4,75	1,21042	3,924661	NA	NA
SLC7A5P2	6,43	-6,45	3,194683	-2,02005	NA	NA
SLC7A8	16,35	-4,26	2,441458	-1,74543	NA	NA
SLC9A3P3	1,40	-5,28	3,644461	-1,44888	NA	NA
SLC9A5	5,53	-3,44	2,279372	-1,51051	NA	NA
SLC9B2	42,41	-0,31	1,491955	-0,20784	NA	NA
SLCO1B7	6,45	-5,97	2,537699	-2,35389	NA	NA
SLCO2B1	28,06	-4,38	1,296847	-3,38125	NA	NA
SLCO6A1	11,39	0,14	3,567278	0,038058	NA	NA
SLX4	30,06	-1,88	0,985436	-1,90487	NA	NA
SMAD1	96,79	-0,46	1,279154	-0,36044	NA	NA
SMCO3	0,86	-4,58	3,650137	-1,2547	NA	NA
SMIM1	2,51	-0,24	3,369481	-0,07105	NA	NA
SMPDL3A	6,81	-5,11	1,500347	-3,40608	NA	NA
SNED1	20,83	-3,57	1,728366	-2,06315	NA	NA
SNORA19	7,45	-1,34	1,618958	-0,82727	NA	NA
SNORA22B	1,25	-5,12	3,645538	-1,40404	NA	NA

SNORA2C	3,22	-3,01	3,251347	-0,92584	NA	NA
SNORA30	2,04	-5,83	3,641637	-1,60002	NA	NA
SNORA70D	5,88	-9,24	3,448286	-2,67837	NA	NA
SNORA70E	3,96	-6,78	3,638623	-1,86306	NA	NA
SNORA71C	4,15	-6,85	3,638476	-1,88255	NA	NA
SNORA80E	2,83	-0,04	3,039634	-0,01249	NA	NA
SNORA84	5,27	-1,86	2,006123	-0,92669	NA	NA
SNORD100	4,82	-1,16	1,872613	-0,62099	NA	NA
SNORD115-32	1,26	-5,13	3,645485	-1,40598	NA	NA
SNORD14E	7,46	0,40	1,773083	0,223143	NA	NA
SNORD19	5,13	-3,63	3,619259	-1,00419	NA	NA
SNORD56B	6,53	-1,06	2,240112	-0,47232	NA	NA
SNORD65B	0,77	-4,43	3,651726	-1,2124	NA	NA
SNORD72	4,19	-5,24	2,288114	-2,29117	NA	NA
SNTN	21,20	1,13	1,140663	0,987944	NA	NA
SNX25	4,37	-3,68	1,782286	-2,06652	NA	NA
SOCS6	126,21	-1,08	1,103528	-0,98134	NA	NA
SORCS1	22,21	-7,39	1,899916	-3,89209	NA	NA
SORCS3	4,53	-6,78	2,963521	-2,2868	NA	NA
SOWAHB	1,31	-5,18	3,645097	-1,42194	NA	NA
SOWAHD	21,20	-5,32	2,199859	-2,41992	NA	NA
SOX15	4,15	-1,09	2,78363	-0,39332	NA	NA
SOX9	7,29	-6,92	2,185724	-3,16478	NA	NA
SPACA7	9,56	-2,94	0,958667	-3,06867	NA	NA
SPAG11A	2,86	-5,64	2,091416	-2,699	NA	NA
SPAG17	12,56	-0,99	1,76792	-0,562	NA	NA
SPARC	25,39	-8,95	1,871588	-4,78216	NA	NA
SPATA16	0,95	-4,72	3,648667	-1,29431	NA	NA
SPATA22	1,54	-5,09	3,212627	-1,58571	NA	NA
SPATA3	15,74	-8,38	2,532984	-3,30841	NA	NA
SPATA31D1	0,58	-3,51	3,659002	-0,958	NA	NA
SPATA31D2P	6,21	-24,46	3,63748	-6,7248	NA	NA
SPATA31E1	2,07	-5,67	3,641674	-1,55761	NA	NA
SPATA46	6,50	-24,53	3,637384	-6,74499	NA	NA
SPATS1	6,53	-24,51	3,637225	-6,73735	NA	NA
SPDYE4	1,55	-5,41	3,643495	-1,48504	NA	NA
SPHAR	2,59	-2,96	3,627344	-0,81561	NA	NA
SPIN2B	15,79	-1,82	1,44147	-1,26182	NA	NA
SPINK5	15,16	-7,12	2,665539	-2,6702	NA	NA
SPIRE1	20,84	-3,63	1,690595	-2,14767	NA	NA
SPOCK3	1,80	-2,11	3,633338	-0,58166	NA	NA
SPON1	3,67	-4,46	3,063016	-1,4562	NA	NA
SPTBN4	0,91	-4,61	3,647945	-1,26378	NA	NA
SPTBN5	10,93	-4,45	1,923478	-2,31098	NA	NA
SRGAP2D	1,68	-3,78	3,642374	-1,03736	NA	NA
SRGAP3-AS3	5,01	-6,63	3,115351	-2,12946	NA	NA
SSPN	45,97	-6,44	1,956928	-3,28869	NA	NA
SSPO	58,43	-2,28	0,978514	-2,32866	NA	NA
SSX3	2,87	-1,42	1,726284	-0,82456	NA	NA
ST6GALNAC2	5,99	0,69	2,456227	0,279472	NA	NA

ST7OT2	25,43	-2,26	1,374227	-1,64189	NA	NA
ST8SIA1	89,06	-2,00	0,925329	-2,1604	NA	NA
STK32A	14,89	-4,48	1,848	-2,42574	NA	NA
STK32B	8,85	-7,75	2,918387	-2,65448	NA	NA
STK36	79,39	-2,41	1,348642	-1,78374	NA	NA
STMN2	2,40	-5,68	2,715537	-2,09087	NA	NA
STRA13	206,91	1,12	0,857038	1,309489	NA	NA
STRADB	37,10	-0,87	0,925271	-0,93952	NA	NA
STXBP6	5,72	-2,64	1,559454	-1,6923	NA	NA
SUMO4	10,10	-1,24	1,372141	-0,90346	NA	NA
SUN3	1,09	-2,35	2,127193	-1,10366	NA	NA
SUV39H2	39,92	-1,75	1,001986	-1,74771	NA	NA
SVEP1	4,89	0,64	1,046527	0,608927	NA	NA
SYCE1	6,03	-2,39	2,558041	-0,936	NA	NA
SYCE3	3,16	-7,35	3,632504	-2,0234	NA	NA
SYCP2	22,65	-1,82	1,481144	-1,2296	NA	NA
SYNGR3	1,25	-4,77	3,2485	-1,46701	NA	NA
SYT17	21,98	0,51	1,124738	0,454101	NA	NA
TAAR7P	1,43	-5,12	3,644549	-1,40606	NA	NA
TAF5	17,38	-0,32	1,369536	-0,23609	NA	NA
TARM1	1,65	-3,96	2,020984	-1,96102	NA	NA
TAS2R12	16,16	-6,23	2,045932	-3,04423	NA	NA
TAS2R14	13,98	1,52	1,912812	0,796349	NA	NA
TBC1D27	3,72	-1,77	1,10133	-1,60832	NA	NA
TBC1D31	94,75	-2,05	1,107624	-1,84857	NA	NA
TBX4	7,53	-1,07	1,322248	-0,80612	NA	NA
TBX5	0,45	-3,15	3,334508	-0,94615	NA	NA
TCEAL7	4,32	-23,93	3,638373	-6,57668	NA	NA
TCF19	25,62	-5,20	1,67877	-3,09887	NA	NA
TCF7L1	7,66	-2,20	1,101002	-1,99808	NA	NA
TCL1A	14,71	-2,70	0,93767	-2,88178	NA	NA
TCL1B	1,44	-2,01	2,780353	-0,72224	NA	NA
TCP11X2	4,37	-23,94	3,638338	-6,58087	NA	NA
TCTE3	22,02	-1,94	1,954849	-0,99266	NA	NA
TDRD1	19,70	-4,33	1,141797	-3,79555	NA	NA
TDRD15	1,31	-5,19	3,645127	-1,42324	NA	NA
TDRKH	21,17	-2,12	2,017477	-1,05095	NA	NA
TEAD1	5,21	-5,64	2,814348	-2,00261	NA	NA
TECTB	10,27	-10,19	2,851115	-3,57475	NA	NA
TEF	7,51	-2,91	2,829301	-1,02966	NA	NA
TENM2	0,92	-3,97	2,861714	-1,38812	NA	NA
TEX101	27,88	-9,06	2,08589	-4,34581	NA	NA
TEX11	5,14	-6,16	2,430162	-2,5332	NA	NA
TEX22	1,55	-5,17	3,159235	-1,63508	NA	NA
TEX38	1,99	-1,98	3,631381	-0,54562	NA	NA
TEX43	5,72	-24,35	3,637642	-6,69377	NA	NA
TEX9	87,16	-0,88	0,847785	-1,03802	NA	NA
TFAP2A	0,90	-2,67	3,392775	-0,78622	NA	NA
TFAP2B	5,98	-6,81	3,532772	-1,92729	NA	NA
TG	9,59	-3,81	1,87447	-2,03422	NA	NA

TGFA	40,11	0,71	2,289201	0,308139	NA	NA
TGM1	5,78	-0,80	2,038423	-0,39173	NA	NA
TGM4	2,79	-0,62	3,269915	-0,18938	NA	NA
THBS1	782,98	0,29	1,17986	0,242886	NA	NA
THBS2	23,98	-7,14	2,196785	-3,24884	NA	NA
THEM6	24,53	-1,79	1,770634	-1,01284	NA	NA
THEMIS	4,28	-4,31	1,587198	-2,7162	NA	NA
THNSL1	3,72	-1,51	0,968735	-1,55373	NA	NA
THNSL2	16,36	-0,12	1,155129	-0,1042	NA	NA
THSD7A	25,10	-5,02	2,120049	-2,36761	NA	NA
THY1	8,83	-8,91	3,367383	-2,64628	NA	NA
TICRR	3,96	-1,27	2,171485	-0,58637	NA	NA
TIGD3	5,75	-4,44	3,143585	-1,4112	NA	NA
TIGD4	4,08	-6,82	3,470561	-1,96649	NA	NA
TIGD6	47,80	-3,85	1,352418	-2,84594	NA	NA
TIGIT	8,78	-2,38	1,403259	-1,693	NA	NA
TIMP4	4,83	-24,11	3,638062	-6,6263	NA	NA
TINAG	10,46	-25,09	3,260635	-7,69532	NA	NA
TIRAP	10,31	-1,16	1,201308	-0,96198	NA	NA
TKTL2	4,37	-4,02	2,572616	-1,56079	NA	NA
TLL1	5,23	-8,91	3,490278	-2,5535	NA	NA
TM4SF5	5,30	-8,32	3,505275	-2,37373	NA	NA
TMC3	24,12	-1,70	1,402444	-1,2155	NA	NA
TMC5	3,52	-1,09	1,000458	-1,08457	NA	NA
TMCO5A	3,07	-0,58	3,091907	-0,18766	NA	NA
TMEM117	3,28	-1,40	2,272863	-0,61453	NA	NA
TMEM129	29,77	0,29	1,351015	0,217264	NA	NA
TMEM178B	1,02	-2,83	1,893862	-1,49409	NA	NA
TMEM182	45,60	-0,42	0,715995	-0,58052	NA	NA
TMEM184B	196,14	0,05	0,958105	0,048495	NA	NA
TMEM196	1,10	-4,74	3,647387	-1,29945	NA	NA
TMEM201	48,43	0,29	1,168257	0,250894	NA	NA
TMEM207	2,29	-5,99	3,640966	-1,64493	NA	NA
TMEM229A	3,32	-23,50	3,63925	-6,45845	NA	NA
TMEM231	136,73	-4,48	0,965701	-4,64405	NA	NA
TMEM246	0,85	-4,54	3,649047	-1,24416	NA	NA
TMEM254-AS1	4,83	-3,41	0,9829	-3,47327	NA	NA
TMEM255B	97,40	-3,32	1,552462	-2,13721	NA	NA
TMEM27	1,23	-4,92	3,645926	-1,34926	NA	NA
TMEM51-AS1	18,36	-3,87	1,099802	-3,52148	NA	NA
TMEM59L	0,79	-4,46	3,651332	-1,22132	NA	NA
TMEM63B	18,26	-1,79	1,639818	-1,09298	NA	NA
TMEM63C	19,31	-5,06	2,424035	-2,08609	NA	NA
TMEM72	2,09	-5,07	3,369296	-1,50445	NA	NA
TMEM81	30,09	-7,06	1,936339	-3,6473	NA	NA
TMEM92	3,70	-1,54	1,660553	-0,93031	NA	NA
TMIGD3	7,45	-4,08	2,412487	-1,69213	NA	NA
TMPPE	8,52	-2,25	1,479853	-1,51999	NA	NA
TMPRSS11D	6,79	-6,65	3,155614	-2,10609	NA	NA
TMPRSS13	3,16	-1,23	1,397699	-0,88065	NA	NA

TMPRSS2	22,31	1,72	1,53931	1,11622	NA	NA
TMPRSS9	1,97	-2,61	2,815403	-0,92528	NA	NA
TNC	178,82	-3,89	1,135902	-3,42294	NA	NA
TNFRSF10C	14,16	-0,57	1,954728	-0,29234	NA	NA
TNFRSF25	64,36	-2,68	1,224858	-2,19189	NA	NA
TNFSF15	31,51	-0,28	1,035587	-0,26576	NA	NA
TNIK	37,64	-2,69	1,684173	-1,59885	NA	NA
TNIP3	19,58	-3,07	0,882779	-3,4822	NA	NA
TNNT3	38,07	-0,26	1,786213	-0,14577	NA	NA
TNRC6C	124,50	-4,65	1,181529	-3,93424	NA	NA
TOPAZ1	7,93	-7,06	2,672357	-2,64262	NA	NA
TOX	24,21	-3,64	1,513711	-2,40435	NA	NA
TOX3	6,07	-5,98	2,879127	-2,07736	NA	NA
TPRG1	11,05	-2,91	1,500551	-1,93907	NA	NA
TPST1	11,33	-3,56	2,718662	-1,31035	NA	NA
TPTE2P1	9,34	-4,44	1,909061	-2,32759	NA	NA
TRAJ25	4,26	-23,91	3,638408	-6,57215	NA	NA
TRAJ26	3,04	-6,40	3,639604	-1,7581	NA	NA
TRAJ38	4,57	-24,01	3,63821	-6,59867	NA	NA
TRAT1	17,83	-7,07	1,973725	-3,58362	NA	NA
TRAV30	2,50	-6,12	3,640419	-1,67994	NA	NA
TRAV36DV7	1,46	-5,34	3,643974	-1,46621	NA	NA
TRAV8-3	4,52	-23,99	3,638216	-6,59376	NA	NA
TRBJ1-1	2,96	-6,36	3,590745	-1,77114	NA	NA
TRBV10-2	1,53	-5,25	3,643799	-1,43949	NA	NA
TRBV10-3	1,92	-5,73	3,641983	-1,57458	NA	NA
TRBV12-4	4,40	-6,77	2,96426	-2,28426	NA	NA
TRBV18	16,97	-10,98	3,636189	-3,01991	NA	NA
TRBV29-1	2,14	-5,89	3,641286	-1,61845	NA	NA
TRBV3-1	2,78	-6,10	3,640057	-1,67557	NA	NA
TRBV5-4	2,02	-5,64	3,641797	-1,54915	NA	NA
TRBV6-5	2,06	-5,84	3,641525	-1,60347	NA	NA
TRBV7-9	3,58	-8,53	3,581826	-2,38064	NA	NA
TREM2	1,48	-2,51	3,640244	-0,68936	NA	NA
TREML1	21,73	-9,46	1,925119	-4,91596	NA	NA
TREML4	9,72	-0,53	1,788885	-0,2956	NA	NA
TREX2	8,18	-2,81	2,496767	-1,12452	NA	NA
TRGC1	20,25	-6,03	2,451892	-2,45848	NA	NA
TRGV1	3,07	-1,70	2,232811	-0,76133	NA	NA
TRGV4	4,06	-2,03	2,5332	-0,80122	NA	NA
TRGV5	9,64	-6,31	2,800185	-2,25494	NA	NA
TRGV7	1,52	-3,32	2,683466	-1,23821	NA	NA
TRIM16	70,15	0,73	1,128021	0,647784	NA	NA
TRIM49D2	4,40	-23,95	3,638326	-6,58349	NA	NA
TRIM6	15,19	-1,37	0,954821	-1,43595	NA	NA
TRIM65	107,95	-3,45	0,678661	-5,07759	NA	NA
TRIM71	17,13	-3,20	1,00544	-3,18649	NA	NA
TRIP6	58,25	-1,74	1,250194	-1,39308	NA	NA
TRPC7	1,00	-4,77	3,647637	-1,30857	NA	NA
TRPM8	21,05	-2,09	1,176343	-1,77433	NA	NA

TRPV6	7,15	-6,08	2,532834	-2,39893	NA	NA
TRUB1	139,84	-2,21	1,234204	-1,79199	NA	NA
TSACC	3,05	-1,48	2,301625	-0,64305	NA	NA
TSHZ3	2,10	-5,78	3,640476	-1,58741	NA	NA
TSPEAR	4,05	-8,99	3,546747	-2,53376	NA	NA
TSPEAR-AS2	8,30	-3,16	1,106291	-2,85293	NA	NA
TSSK4	10,47	-1,50	1,346042	-1,11145	NA	NA
TTC26	31,33	-2,60	0,846092	-3,0777	NA	NA
TTC28	334,91	-5,80	1,121371	-5,17551	NA	NA
TTC39A	23,62	0,24	0,756889	0,311872	NA	NA
TTC6	17,24	-1,35	1,300736	-1,03474	NA	NA
TTLL7	23,45	-1,86	0,991739	-1,87095	NA	NA
TTPAL	185,25	-1,51	0,707867	-2,13762	NA	NA
TTY4C	2,56	-6,15	3,640377	-1,69058	NA	NA
TTY7	2,11	-5,87	3,641433	-1,61272	NA	NA
TTY7B	2,11	-5,87	3,641433	-1,61272	NA	NA
TTY8	1,55	-2,80	1,536733	-1,82346	NA	NA
TTY8B	1,55	-2,80	1,536733	-1,82346	NA	NA
TUBA4B	1,35	-3,18	2,361933	-1,34816	NA	NA
TUBB1	20,50	-5,27	2,070615	-2,54735	NA	NA
TUFT1	43,08	-1,84	1,136558	-1,6204	NA	NA
TUNAR	11,17	-4,69	1,911797	-2,45082	NA	NA
TUSC1	8,58	-2,96	1,753713	-1,68768	NA	NA
TUSC3	4,91	-2,64	1,80683	-1,4635	NA	NA
TXLNG2P	15,50	-4,85	2,044284	-2,37185	NA	NA
TXNDC8	8,04	-3,25	3,419814	-0,95133	NA	NA
TXNRD3	10,32	-8,10	3,01617	-2,68496	NA	NA
U51244.2	30,25	0,38	1,97743	0,193286	NA	NA
U82670.9	0,56	-3,97	3,657741	-1,08559	NA	NA
UBAP1L	32,66	-2,91	1,267782	-2,29372	NA	NA
UBE2Q2P2	15,80	-2,09	1,086411	-1,92262	NA	NA
UBTFL1	3,12	-5,94	3,127786	-1,89996	NA	NA
UBTFL2	17,49	-25,43	3,636169	-6,99297	NA	NA
UBXN10	11,01	-5,29	3,429677	-1,5432	NA	NA
UCN	3,31	-2,27	2,995753	-0,7573	NA	NA
UGT1A10	1,17	-5,03	3,646188	-1,37926	NA	NA
UGT1A6	1,32	-5,17	3,644278	-1,41881	NA	NA
UGT2B10	2,35	-6,03	3,640832	-1,65732	NA	NA
UNC13C	225,77	-5,10	0,885178	-5,75635	NA	NA
UNC5B	5,89	-2,54	3,064982	-0,82955	NA	NA
UNC79	9,70	-1,31	1,12566	-1,16568	NA	NA
UNC93B3	1,39	-5,27	3,644558	-1,44498	NA	NA
URB2	22,70	-0,86	1,561501	-0,55036	NA	NA
UROC1	0,80	-4,46	3,651093	-1,22164	NA	NA
USH1G	1,65	-1,88	2,878969	-0,65366	NA	NA
USP26	31,52	-7,76	1,545277	-5,02105	NA	NA
USP51	2,29	-0,89	1,892043	-0,47256	NA	NA
UST	56,59	1,28	1,035604	1,232116	NA	NA
UTY	17,04	-0,81	1,754384	-0,45995	NA	NA
VANGL1	58,98	-0,34	1,332784	-0,25194	NA	NA

VENTXP1	0,58	-4,01	3,657046	-1,09759	NA	NA
VIT	1,48	-4,83	2,743412	-1,75957	NA	NA
VMO1	30,45	-1,91	1,915388	-0,99472	NA	NA
VN1R79P	10,59	-25,24	3,636646	-6,94065	NA	NA
VN2R3P	2,03	-5,65	3,641806	-1,55025	NA	NA
VSIG10L	12,02	-4,33	2,645495	-1,63859	NA	NA
VSNL1	10,23	-3,36	1,152672	-2,91141	NA	NA
VSTM2A	9,70	-4,73	1,709253	-2,76864	NA	NA
VWA3B	7,42	-1,67	1,214227	-1,3783	NA	NA
VWA5A	10,53	0,69	1,654434	0,418043	NA	NA
VWA7	10,96	-5,71	2,27929	-2,50352	NA	NA
VWF	4,04	-2,96	1,994958	-1,48152	NA	NA
WASF5P	3,21	-23,52	3,639376	-6,46228	NA	NA
WDR3	366,49	-1,09	0,930161	-1,17716	NA	NA
WDR35	18,49	-0,79	1,573937	-0,50302	NA	NA
WDR4	84,18	-0,89	1,310248	-0,67583	NA	NA
WDR92	51,27	0,68	1,0602	0,641145	NA	NA
WDR97	45,42	-1,96	0,826043	-2,37367	NA	NA
WEE1	114,43	-0,07	0,907827	-0,07654	NA	NA
WFDC12	7,50	-0,85	2,131417	-0,39781	NA	NA
WIPF3	25,33	-1,32	0,935105	-1,41076	NA	NA
WNT3	4,92	-2,09	0,843363	-2,48016	NA	NA
WSCD2	2,99	-2,48	2,012837	-1,23449	NA	NA
WT1AS	25,75	-4,13	0,869375	-4,74762	NA	NA
WWC1	36,34	-6,35	1,405216	-4,51944	NA	NA
XAGE5	2,95	-4,93	1,901106	-2,59356	NA	NA
XCL2	2,76	-4,87	2,884331	-1,68819	NA	NA
XK	5,05	-9,03	2,985396	-3,02584	NA	NA
XKR3	15,50	-25,79	3,636261	-7,09233	NA	NA
XKR4	23,46	-0,70	0,617892	-1,13449	NA	NA
XKR6	39,02	-3,76	1,596874	-2,35178	NA	NA
XPNPEP3	182,95	-1,13	0,906331	-1,25061	NA	NA
XXbac-B476C20.17	2,62	-3,88	1,688486	-2,29868	NA	NA
XXbac-BPG252P9.9	0,50	-3,81	3,660091	-1,03959	NA	NA
XXbac-BPGBPG24O18.1	2,71	-6,24	3,640117	-1,71359	NA	NA
XXbac-BPGBPG55C20.3	3,94	-0,97	2,525066	-0,38558	NA	NA
XXyac-YM21GA2.6	5,81	-24,36	3,637616	-6,69772	NA	NA
XXyac-YMR12DG2.1	9,04	-3,51	2,300625	-1,52365	NA	NA
Z98941.1	4,12	-8,61	3,54552	-2,42925	NA	NA
ZBED8	17,10	-7,38	2,50395	-2,94666	NA	NA
ZBTB12	2,12	-4,44	3,391749	-1,31011	NA	NA
ZBTB42	5,62	-1,32	0,950049	-1,38841	NA	NA
ZBTB47	1,16	-4,79	3,223914	-1,48498	NA	NA
ZBTB7C	3,49	-0,22	1,602074	-0,13759	NA	NA
ZC2HC1C	50,53	-0,59	1,498766	-0,3945	NA	NA
ZC4H2	33,40	-3,23	1,656263	-1,94844	NA	NA
ZDHHHC9	12,39	-1,01	1,939916	-0,52142	NA	NA
ZEB2P1	3,45	-4,43	1,813972	-2,44053	NA	NA
ZFP69B	1,84	-2,62	2,810769	-0,93228	NA	NA
ZFY	3,90	-5,00	2,264565	-2,20654	NA	NA

ZG16B	6,77	-6,78	1,987968	-3,40954	NA	NA
ZIK1	18,35	0,34	1,357686	0,252739	NA	NA
ZKSCAN2	28,87	0,11	1,890728	0,060454	NA	NA
ZKSCAN4	17,29	-2,73	1,624423	-1,68333	NA	NA
ZMAT4	7,60	-0,21	1,711528	-0,12297	NA	NA
ZMYND10	5,20	0,33	1,740482	0,189335	NA	NA
ZNF177	3,68	1,13	2,021987	0,560222	NA	NA
ZNF214	5,34	-7,29	3,639164	-2,00432	NA	NA
ZNF222	41,80	-3,78	2,819252	-1,33909	NA	NA
ZNF227	35,44	-0,48	1,494176	-0,32281	NA	NA
ZNF229	3,95	-1,68	2,082874	-0,80499	NA	NA
ZNF23	93,64	-2,82	1,110868	-2,53738	NA	NA
ZNF248	48,77	-0,69	1,250337	-0,54898	NA	NA
ZNF250	196,07	-1,64	1,131909	-1,45241	NA	NA
ZNF256	9,71	-3,27	2,33473	-1,40011	NA	NA
ZNF260	49,15	-0,53	0,867347	-0,6104	NA	NA
ZNF287	14,51	-2,34	2,18367	-1,07009	NA	NA
ZNF304	26,26	2,32	1,543859	1,504267	NA	NA
ZNF311	1,16	-5,01	3,646352	-1,3748	NA	NA
ZNF385D	34,83	-1,85	0,826387	-2,23684	NA	NA
ZNF415	10,64	-0,09	1,62158	-0,05728	NA	NA
ZNF416	5,95	-0,24	2,920239	-0,08347	NA	NA
ZNF418	6,67	2,94	1,976046	1,487235	NA	NA
ZNF419	101,33	-2,64	0,888775	-2,96794	NA	NA
ZNF443	7,92	-7,76	2,438014	-3,18216	NA	NA
ZNF449	15,03	-0,19	1,799427	-0,10814	NA	NA
ZNF470	79,84	-1,70	0,705633	-2,41017	NA	NA
ZNF479	0,91	-3,98	2,826766	-1,40841	NA	NA
ZNF484	52,56	-1,98	1,384495	-1,42949	NA	NA
ZNF496	123,06	-0,13	0,802386	-0,1646	NA	NA
ZNF510	40,26	0,40	1,621675	0,245003	NA	NA
ZNF521	1,90	-4,27	2,29136	-1,86445	NA	NA
ZNF549	41,69	-0,10	1,053863	-0,09764	NA	NA
ZNF562	595,40	-0,75	0,837499	-0,90035	NA	NA
ZNF571	132,09	-3,72	0,854587	-4,35324	NA	NA
ZNF574	44,69	-0,75	1,019948	-0,7392	NA	NA
ZNF582	14,98	0,23	2,326925	0,099045	NA	NA
ZNF594	21,35	-2,71	1,206255	-2,24966	NA	NA
ZNF599	17,06	-1,40	0,87585	-1,59995	NA	NA
ZNF607	33,80	-4,40	2,304442	-1,91131	NA	NA
ZNF608	17,42	-6,00	2,274588	-2,63851	NA	NA
ZNF652P	16,28	-9,04	2,528417	-3,57499	NA	NA
ZNF660	33,25	0,80	1,067622	0,745392	NA	NA
ZNF662	38,11	-3,41	0,723537	-4,70871	NA	NA
ZNF665	77,73	-2,41	1,003527	-2,39804	NA	NA
ZNF671	56,79	-4,41	1,438059	-3,06718	NA	NA
ZNF683	19,63	-6,40	1,841337	-3,47356	NA	NA
ZNF691	60,40	-3,02	1,835148	-1,64491	NA	NA
ZNF700	243,62	-0,11	0,824657	-0,12923	NA	NA
ZNF705E	3,28	-6,18	2,263779	-2,7297	NA	NA

ZNF711	4,70	-6,57	2,098719	-3,12868	NA	NA
ZNF768	2,10	-1,69	1,977477	-0,85283	NA	NA
ZNF775	5,12	-1,12	2,252153	-0,49718	NA	NA
ZNF792	1,16	-1,94	2,777022	-0,69973	NA	NA
ZNF804A	47,27	-0,64	1,266238	-0,50534	NA	NA
ZNF816-ZNF321P	1,89	-1,64	3,632906	-0,45226	NA	NA
ZNF823	15,82	2,60	1,895254	1,371831	NA	NA
ZNF849P	3,79	-6,72	3,638782	-1,84596	NA	NA
ZNF92P3	2,67	-6,21	3,608115	-1,72079	NA	NA
ZNF98	1,19	-1,39	1,592144	-0,87526	NA	NA
ZSCAN23	0,51	-2,50	3,676656	-0,68037	NA	NA
ZSCAN25	91,20	-1,51	0,855462	-1,76318	NA	NA
ZSCAN29	182,22	-1,85	0,849905	-2,17122	NA	NA
ZSCAN31	16,94	-2,28	1,376007	-1,65898	NA	NA